

Supplementary file for the article:

Holovachov O, Haenel Q, Bourlat SJ, Jondelius U. Taxonomy assignment approach determines the efficiency of identification of OTUs in marine nematodes. *Royal Society Open Science*.

Supplementary Data 1. Nematode OTU sequences used in this study.

```
>HE1_SSU848264
ATGCATGTCTAAGCAAGAGCCTAGAAAATGGTGAAGCCGCGAACAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGAATCGTCTCTCATATACT
TGGATACCTTTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACCAAACCTCTGAGCTGAGGCAAGGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATGGGC
TTCGGCCCTGTTTTGGTGAATCTGAATAACTCAGTTGATCGCACAGTCTCGCACTGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAAC
TGTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCT
ACCACA
>HE1_SSU850987
ATGCGTGTCTAAGCACAAACTGATTTAAGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTCTTGGATCTTACTTCTACTTGG
ATAACTGTAGTAATTCTAGAGCTAATACATGCGTCAAGCTTCAACCTCATGGAAGAAACACATTTATTAGATCAAAACCAATCGGGCTT
TGCTTGTTTTGTTGATGAATCTGAATAACTCTGCCAATTGCATGGTCTTTGCACCGGTGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAAC
TGTTGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCCAGAAACGGCT
ACCACA
>HE1_SSU856624
ATGCATGTCTCAGCACACGCCAATGTATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCACCGTTTATTAGATCATCCTTCTTACTTG
GATAACTGTGGAAAAGCTAGAGCTAATACATGCTACAAGCTCTGACCTTACGGAAAAGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGACT
TTGTCCGTTGTTTGGTGAATCTGAATAACTAAGCAGATCGCACGGTCTTAGAACCGGCGACATATCGTTCAAATGTCTGCCTTATCAAC
TTTCGATGGTAGTTTATGCGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGAAGAATCAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCT
ACCACA
>HE1_SSU856738
ATGCATGTCTAAGTACAAGCCTCTTTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATATACTGGATAGTATACAGTTACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCATTTCAAGTTCGACGCAAGAAGGAACGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGGCT
TGCCCGTTGTTTGGTGAATCTGAATAACTCCGCAGATCGCATGGTCTAGCACCGGCGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTT
TCGATGGTAGTTTATGCTGACTACCATGGTTGTTACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTAC
CACA
>HE1_SSU858060
ATGCATGTCTAAGCATAAACCGAATATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTTAGAGTCCTACTTG
GATACCTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAATCAAGCCCAACCTTACGGGCGGGGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATGGCT
TCGGCCATAGATTGGTGAATCTGAATAACTACGCTGATCGCACGGCTTGTCGCCGCGACGTATCCTTCCAAGTGTGCCCTATCAACT
CTCGACTGTGGCATAGACGCCACAGTGGTTTTGACGGGTAACGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTA
CCACA
>HE1_SSU867071
ATGCATGTCTAAGTACAGGCCTCACTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACATGATTTATTTCGATCATAAAATCCTACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAACTAAACTCCAACCTTGCAGGAGGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGC
TTCGGCCGTTACTTGGTGAATCTGAATAACTCAGTTGATCGCACGGTCTTTGTACTGGCGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAA
CTTTTCGATGGTAGTTTATACGACTACCATGGTTGTTACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGC
TACCACA
>HE2_SSU637072
ATGCATGTCCAAGTACAAGCCTCATTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATGCACTGGACGTTGCCAGTTACTTG
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCATCAAAGCTTCGACCTTGCAGGAGGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGAC
TTCGGTCCGTCATTTGGTGAATCTGAATAACTTTGCTGATCGCACGGTCTCGTACCGGCGACGTATCTTTCAAATGTCTGCCTTATCA
ACTTTTCGATGGTAGTTTATGCGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGG
CTACCACT
>HE2_SSU637135
ATGCATGTCCAAGTACAAGCCTCATTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATGCTCTGGATAGTGTGAGTTACTTG
GATAACTGCGGTAATTCTGGAGCTAATACACGCAATCAAGCCCAACCTGACGGACGGGGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATGGCT
TCGGCCATAAATTTGGTGAATCTGAATAACTACGCTGATCGCATGGTCTCGTACCGGCGACGTATCCTTCAAAGTGTCTGCCTTATCAACT
TTTCGATGGTAGTCTATAAGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTA
CCACT
>HE2_SSU644966
ATGCATGTCTAAGCAAAAGCCCAATATGGTGAAGCCGCGAACAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTTATCTTATACTTG
GATACCTGTACTAATTGTAGAGCTAATACATGCAAAAAAGCCACACTCTCTGGGTGTGGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGCTT
CGGCCGTTGTTTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCACAGTCTAGCACTGGCGATGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTT
TCGATGGTAGTTTACATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTAC
CACA
>HE2_SSU654005
ATGCATTGTCTAAGCAGAAGCCGATTAATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCTATTGTTTATTGGACTATCATCCTACTT
TGGATAACTGTGGCAATTCTAGAGCTAATACACGCAGCAAAACGGGGACCTTACGGAACTGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGG
GTTTTACCCGTCGTTTGGTGAATCTAGGTAACCTGCTAATCGCATGGTCTAAGAACCAGGCGATATATCTTTCAAATGTCTGCCTTATC
AACTTTTCGATGGTAGTTTATGCGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACG
GCTACCACA
```

>HE2_SSU655107
ATGCATGTCTAAGCACAACCTTTATGAGTGAAGCCGCGAAAAGCTCATTACAACAGCCGTCGTTTCTTGGATCTCCGAATTTACTTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAATCGAGCCCTGAACGTAAGTGAATGGGCGCATTATTAGTAACAAAACCGATCGGTGTATGCACCGTACGTTTGGTGAATCTGAATAACTGAGCAGATCGCTTGGTCTTTGCACCGCGACGTATCTTTCAAATGTCTGCCCTATCAACTTTTCGATGGTACGTGATATGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGGGAATCAGGGTTCGATTCGGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCTACCACA

>HE2_SSU659506
ATGCATGTCTAAGCATAAGCCGAATATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTGAATATCCTACTTGGATACCTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAAAAAGCCCTGACTTTACGGAAAGGGCGCATTATTATAACAAGACCAATTGGCTTCGGCCATCCATTGGTGAATCTGAATAACTACGACGATCGCACGGTCTCGTACC GGCGACATATCCTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTGTGCATGGTAGTTTACATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HE3_SSU110275
ATGCATGTCTAAGTACATACTGATAAATAGTGAAGCTGTGAATGGCTCATTACAACAGCCGATAGTTTATTGGATCTTCTCTCATACTTGGATACCTGTGGTAACCTAAGAGCTAATACGCGCAATTAAGTCCAGACCTTAGGGGACGGACGCGGTTATTAGACCAAAAACCAATCGGGCTGTGTCGGGTATTTTGGTGAATCTGAATAACTCTGCAGATCGCACGGTCTCGCACCGGCGACATGTCATTCAAATGTCTGCCTTATCAACTTTTCGATGGTAGTTTATGCGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HE3_SSU117415
ATGCATGTCTAAGCATAAGCCGATTAATGGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTTCTCTCATACTTGGATACCTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAAAAACCCCTGACTTCGGAAGGGGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATTGGCTTCGGCCATTCATTGGTGAATCTGGATAACTTTGGGCTGATCGCACGGTCTAGCACCGGCGACGTATCTTCAAATGTCTGCCTATCAAATGTCGAAGGAGGTGATATGCCCTCCCTTGTTTTTAACGGGTAACGGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCTACCACA

>HE3_SSU118424
ATGCATGTGTAAGCATGAATCACTTAATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTATAACAGCCATAGTTTATTAGATTTTTTTTTTACTTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCGACAAAGCTTCGACCTTACGGAAGGAGCGCATTTATTAGATCAAAAACCAATCAGCTCCGGCTGTATCCTTGACGAATCTGAATAACTTTCCGCTGATCGCATGGCTTCACGCCGGCGACGTATCTTTCTAAGGTGTGCCCTATCAACTGTGCATGTGGCATAGACGCCACAGTGGTTTTGACGGGTAACGGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCTACCACA

>HE3_SSU124287
ATGCATGTCTCAGTACATACTGATTAATAGTGAACCCGCAATGGCTCATTACAACAGCTATAGTTTATTAGATCTTACTCTACATGGATACCTGTGGTAACCTAAGAGCTAATACATGCAACAAAGCCCTATTGACAGGGCGCATTTATTAGGACAAAACCAATCGGGCTTGCCCCGTATTGGTGGATCTGAATAACTTTGCTAATCGCACAGTCTCGTACTGGCGATGTATCTTTCAAATATCTGCCTTATCAACTGTGCATGGTAGCTTACACGACTACCATGGTTGTACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HE3_SSU124928
ATGCATGTCCAAGTACAAGCCTCATTAAGGTGAAACCCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATGCACTGGACGTTGCCAGTTACTTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCTGCAAGCTCTGACAAGTCTTGGACTTGAAGGAGTGCATTTATTAGTACAAAACCAATCGGGCTTCGCTGCAAATTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCACAGTCTTGAAGTGGGACGTATCTTCAAAGTGTCTGCCGTATCAACTGTTGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HE4_SSU913283
ATGCATGTCTAAGCACAACCCGAATATGGTAAAGCCGCGCATTGCTCATTACAACAGCCATTGTTTACTGGATCTTGAAGGTTACTTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAAAAACCTTAGCCGCTGGCAAGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCAGGCTTCGGTCTGCTGTTTGGTGAATCTGAATAACTGAGCTGATCGTACC GGCTTCGACCGGCGACGTATCTTTCAAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTTCGATGGTAGCTTATGTGGCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTACCACA

>HE5_SSU181724
ATGCATGTCCAAGTACAAGCCTCATTAAGGTGAAACCCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATGCACTGGACGTTGCCAGTTACTTGGATAACTGCGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAATTCAGCCCTGACCTCACGGGAGGGGAGCATTTATTAGAACAAAACCAATTTGGCTTCGGCCATCTGTTGGTGAATCTGAATAACTACGACGATCGCATGGTCTCGTACC GGCGACGTATCCTTCAAAGGTCTGCCTTATCAACTTTCGATGGTAGTATTTGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HE5_SSU188855
ATGCATGTCTAAGCACAAGCTATTAATTTGTAAGCCGCGAATGGCTCATTATAACAGCCATTGTTTACAGGATATATTTACTACATGGATAACTGTGGTAATTCTACAGCTAATACACGCAATCAAAAACCCGACTTCGTGAAGGGGTGCGTTTGTACTTCAAATCAATCGGACTTCGGTCCGCACTCAAGTGAATTTGAACAATTCAGCTGATCGAACGGTCTAAGAACCAGACATATCCTTCAAACGCTGCCTTATCAACTTTTCGACGTGTCTATGCGACAAAACGTGGTCTGACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HE6_SSU355777
ATGCATGTCTAAGCATAAGCCAAAAAATGGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTAGATCTACCAATCCTACTTGGATAACTTTAGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAATCAAGCTCAACCTCTGGGCGGAGCGCATTATTAGAACAAAACCAATCGGGTCCGCCCCGTCATTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCCGATCGCATGGTCTCGTACC GGCGACGTATCTTTCAAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTTCGATGGTAGTTTACACGCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HE6_SSU358048
ATGCATGTGTAAGTACAGACTGTACAACGGTGAAGCTGCGAATGGCTCATTAAATCAGTTATGGTTCCTTAGATATTAATAAATCTACATGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAATCAAGCCCCAACCTGACGGGCGGGGCGCATTATTAGAACAAAACCAATTTGGCTTCGGCCATTCATTGGTGAATCTGAATAACTACGCTGATCGCACGGTCTCGCACCGGCGACGTATCCTTCAAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTTCGATGGTAGTTTACATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HE6_SSU360897
ATGCATGTCTAAGCATGAACCGAATATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCGTTGTTTCTTGGAGCTTGATTTACTTGGAT
AACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAACCAAGCTCTGACCTTTGGAAGGAGCGCGTTTATTAGACCAAGACCAATCAGACTTTG
TCTGGAATCTGGTGACTCTGAATAACTTTGCTGATCACACAGTCTCTACTGGTGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCAACTGT
CGACTGTGGCATAGACGCCACAGTGGTTTTGACGGGTAACGGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCTACC
TCA

>HE6_SSU361449
ATGCATGTGTAAGCACAAGCCTTATATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTAGATCTTATCCTATTACATG
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACAGCAATCAAGCTCAGACCTTACCGAATGAGCGCATTATTAGAACAAAACCAATCGGAC
TTCGGTCCGCTCTTTGGTGAATCTGAATACCTTAGCAGATCGCACGGTCTTTGAACCGGCGACATATCTTTCAAATGTCTGCCTTATCA
ACTTTTCGTTGGTAGTTTATGCGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGG
CTACCACA

>HE6_SSU365256
ATGCATGTCCAAGTACAAGCTCGTCCCAGCGAAAAGTGGGATGGCTCATTAAATCAGTTATGGTTCATTGGATCGAGTACCCCCGAC
ATGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAACCAAGGTCTGACCTTTGGAAGGAGCGCGTTTATTAGACCAAGACCAATCAG
ACTTTGTCTGGAACTCTGGTGACTGACTAACTTTGCTGATCACACAGTCTCTCGACTGGTGACATACTTTTCAAGTGTCTGCCCTATCAA
CTTTTCGATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTGGTAACAGGTAACAGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGT
TACCACA

>HE6_SSU368318
ATGCATGTGTAAGTACAGACTGTACAACGGTGAAGTGGGATGGCTCATTAGATCAGTTATGGTTCCTTAGATCGTACAATCCTACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAACCGAGCTCCGACCTCAGGGAAGGAGCGCATTTATTAGACCAAGACCAATCAGG
CTCTGCCTGTCTGTGGTACTCTGAATAACTTTGCTGATCACATGGTCTTAGTACCGGTGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCA
ACTTTTCGATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTGGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGG
CTACCACA

>HE6_SSU370544
ATGCATGTCTAAGCATAAACCAGAACTAAAGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCGTTGTTTCTTGGATCTCCGCAATACCTGG
ATAACTGAGGTAATTCTTGGAGCTAATACACGCAATCGAGCTCCGACCTTCGGGACGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGTGCT
TGCATGTGGTTTGGTGAATCTGAATAACTGAGCAGATCGCTTCGGTCTCGTACCGGCGATGTATCCTTCAAGTGTCTGCCTTATCAAC
TTTCGATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTGGTAACGGGTAACGGGGAATCAGGGTTCGATTCTCGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCT
GCCACA

>HE6_SSU378839
ATGCACGTTTTAAATATAGGCCGCTTTAAGGTGAAATCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATGTTTCTTGGATCTTGCTTTCTACTT
GGATAACTGTGGTAATTTAGGAGCTAATACATGCAACAAAAACCGATGCAAGAGGAACACATGTATTAGAGTTAAACCAGTCCGGTAA
TCTGAATAACTCAGCAGAGCAGATGGGCTAGTCTGGTGCATATCTTTCAACTGTTTGTCTTACCCACTTTCTAAGGTATTTGTGTG
CCTACCATGGTGGTAACGGGTAACGGGAGACTAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACT

>HE6_SSU383414
ATGCATGTCTAAGCAGAAGCCGACAAACGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCGTCGTTTCTTGGATCTCTAATTTTACTTG
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACTAAAGCTCCGACCTTACGGGACGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGCGT
TTCGGCCCGTTCTGGTGGTACTCTGAATAACTAAGCCGATCGCACGGTCTCGTACCGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCAA
ATGTGCAAGGGAGGTGATATGCCCTCCCTTGTTTTTAACGGGTAACGGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGC
TACCACA

>HE6_SSU383888
ATGCATGTCTAAGAATAAACCAGAAAATGGTAAGTCTGTGTACGGCTCATTATATCAGCTCAAATTTATTGGATCATATCATCCTACTTG
GATACCTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAATTCAGCCCTGACCTCACGGGAGGGGAGCATTTATTAGAACAAAACCAATGGCC
TCGGCCATCTGTGGTGAATCTGAATAACTACGAGATCGCATGGTCTCGTACCGGCGACGTATCCTTCAAGGTCTGCCTTATCAACTT
TCGATGGTAGTTTATTTGCCCTACCATGGTGGTAACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTAC
CACA

>HE7_SSU232624
ATGCATGTCTAAGCACAAGCCGATATATGGCAAACCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCACTGTTCACTTGATCTGTACCATATCTAC
TTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACCCATGCTCCGTCCGTGAGGAACAAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCG
ACTTCGGTCTGTTTGTGACTCTGAATAACTTTGCTGATCGCACAGTCAATGTACTGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATC
AACTTTTCGACAGTAGTTTCTGTGCCTACCGTAGTTGCAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACG
GCTACCACA

>HE7_SSU256492
ATGCATGTCTAAGCATAAACCAGAATATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTTACTATCCTACTTA
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACTCAAGCCCCAACCTGACGGTAGGGGCGCATTTATTAGAACAAGACCAATGGCC
TCGGCCATCTATTGGTGAATCTGAATAACTACGCTGATCGCACACTCTCGCAGTGGCGACGTATCCTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACT
TTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTGGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTA
CCACA

>HE8_SSU829972
ATGCATGTGTAAGCACAAGCCAAATGAATGGTAAAGCTGCGAATGGCTCATTACAACAGCCACTGTTCAATTTGATCTTAATCCATTACTT
GGATACCTGTTCTAATTTAAGAGCTAATACATGCAACTAAGTCCCAACCGCAAGGGCGGGATGCATTTATTAGACCAAAAACCAATCGGG
CTTGGCCGAGGTTTGGTACTCTGAATAAATTTGCTGACCGCACGGTCTCGCACCGGCGCGCATCTTTCAAATGTCTGCCTTATCAAC
TTTCGATGGTAGTTTATGCGCCTACCATGGTGGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTA
ACCACA

>HE8_SSU843570
ATGCATGTCCAAGTACAAGCCTCATTAAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATGCACTGGACGTTGCCAGTTACTTG
GATACCTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAATCAAGCCCTGACCTTACGGGAAGGGCGCATTTATTAGAACAAGACCAATGGCT
TCGGCCATTTATTGTTGAATCTGAATAACTACGAGATCGCACGGTCTCGCACCGGCGACATATCCTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACT
GTGATGGTAGTTTACATGACTACCATGGTGGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTA
CCACA

>HE9_SSU305678
ATGCATGTCTAAGCAAACCTTTATGAGTGAAGCCGCGAAAAGCTCATTACAACAGCCGTCGTTTCTTGGATATCCGAATTTACTTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAATCGAGCCCTGAACGTAAGTGAATGGGCGCATTTATTAGTAACAAAACCGATCGGTGTATGCACCGTACGTTTGGTGAATCTGAATAATTGAGCAGATCGCTTGGTCTTGTACCGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGTTTTATCAACTTTAGATGTAGTTTATATGACTAACATGGTTGTCACGGATAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGTACCCT

>HF1_SSU759758
ATGCAAGTGTGACGTCAGCCATATTATGGTTAAGCCGCGAAAAGCTCATTACAACAGCCATTGTTCACTTGTATCTTACTATCCTACTTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACGTCGAACAATGCTCAGGTAGTCTTTCGGGGCGACGCGCAGTTATTAGAACAAAACCAATCGGGCTTTCGGTCCGTCGGTTCGGTGGATCTGAATAACTACAGCTGATCGCACAGTCTTCGTAAGTGTCTGTTTTCAAGTGTCTGTTTTATCAGTGTGATGTTAGTCTACGTGGTACCATGGCTGTAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGTACCACA

>HF1_SSU763392
ATGCATGTCTAAGTACAAGCCGAGTTAAGGTGAAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATATACTGGATAGTGTGAGCTACTTGGATACCTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCGAAACCAAGCTTACTTCCGGAGGGGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGGCTTCCCGTCAATTTGGTGAATCTGAATAACTCAGTTGATCGCACAGTCTCGACTGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTCGATGGTAGTTTACATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTACCACA

>HF1_SSU764346
ATGCATGTCTAAGCAAAGCCCTCAAATGGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTTCTCTCATACTTGGATACCTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCGAAACCAACTCTGAGCTCTGGCGAGGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATGGACCCTCGTCTTGGTGAATCTGAATAACTCAGTTGATCGCACAGTCTAGACTGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTACCACA

>HF1_SSU774294
ATGCATGTCTAAGCACACGCCTTAAATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCGGTATAACAGCTACGGTTTATTAGATATTAGTTGTTTTACTTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCACTTTAGCTCGGACCTCACGGAAAAGAGCGCATTTATTAGATCAAACCAATCGGGCTCGGTCCGTTGGTGAATCTGAATAACTCAGTTGATCGCACAGTCTTGTACTGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTTCGATGGTAGTTTATACGCCTACCATGGTTATAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTACCACA

>HF1_SSU779114
ATGCATGTCTATGCATAAGCCTAAATAAGGTGAAGTTCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATTGTTTACTGGATCTTAATATCCTACTTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCGAACCAAGCTCTGACCGCAAGGGATGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGGTTCGTCCTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCATGGTCTCGCACCGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTGATGGTAGTTTATGCGACTACCATGGTTGTAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HF1_SSU780927
ATGCATGTGTAAGTACAAACCTGTACATGGTGAAGTACGAATGGCTCATTAAATCAGTTGTGGTTCCTTAGATCGTTTTACAGTTTGGATAACTGTAGTAATTCTAGAGCTAATACACGCGAACCAAGCTCTGACCTCTCGGGGAAAGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGGCTTCGGTCTGTCAATTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCACGGTCTTGTACCGGTGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAAATGTTGATGGTAGTTTATGCGACTACCATGGTTGTAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HF2_SSU192072
ATGCATGTGTAAGAATAAACCGAATATGGTAAATCCGCGAATGGCTCATTATTCAGCCACAAATCATTGGATCTAATCAGTTACTTGGATAACTGTTCAAAAGGAAGAGCTAAGACATGCCCGAAGGCCAAGCGCAAGCTTGGTTCGACTTCTTAGAAAAGACCAATTGGCCTCGGCCATCCATTGGTGAATCTTCCGAAAGAGCAGATCGCACGGTCTAGTACCGGCGACATATCCTTCAATGTGTCTGCCTTATCAACTGTGATGGTAGTTTATTGGACTACCATGGTTGTAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGATACGGCTACCACA

>HF2_SSU204352
ATGCATGTCTAAGTACAGGCCTCACTAAGGTGAAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATATACTGGATAGTATCAGTTACTTGGATAACTGCGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCGAACCCATGCTCCGTCCGTGAGGAACGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGACTTCGGTTCGTTTGTGACTCTGAATAACTTTGCTGATCGCACAGTATTGTACTGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTTCGACGGTAGTTTCTGTGCTACCCTGGTTGCAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HF2_SSU205129
ATGCATGTCTAAGTACAGGCCTCACTAAGGTGAAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATATACTGGATAGTATCAGTTACTTGGATAACTGCGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCGACTCAAGCCCAACCTGACGGTAGGGGCGCATTTATTAGAACAAGACCAATTGGCCTCGGCCATCTATTGGTGAATCTGAATAACTACGCTGATCGCACACTCTCGCAGTGGCGACGTATCCTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA

>HF2_SSU208147
ATGCATGTCTATGCACGAGCCGAAAATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCCTTGGTTTTATTGGATCTATTATATCCACTTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCGAACTAAATCCTGCGGAAAGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGGCTTCGGCCGTTACTTGGTGAATCTGAATAACTCAGTTGATCGCACGGTCTTTGTACTGGCGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTTCGATGGTAGTTTATGACGACTACCATGGTTGTAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTACCACA

>HF2_SSU210357
ATGCATGTCTAAGCAAACCTATTTAATTGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTATAACAGCCATTGTTTACTGGATATATTTTTACTACATGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCGAACCAACTTGAAGGGGTGCGTTTGGTACTTCAAACCAATCAGGCTTCGGTCTGAATTCAGTATTTGAACAATTTAGCTGATCGAACGGTCTATGAACCGACGACATATCCTTCAAACGCTGCCTTATCAAATTTTCGATGGTAGCTTACGCTACCATGGTTGTAACGGGTAAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTACCACA

>HF3_SSU989895
ATGCĀAGTGTCAAGCTCAAGCCTATGTATGGTTAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCACTGTTTACTTGTCTTGATAATCCTACT
TGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAACTATGCTCCGACCTTACGGGACGAGCGCAACTATTAGAACCAAACCAATCGG
GTTTTCGGCCCGTTTCGGTGGTGAATCTGAATAACTGTTTGTCTGATCGCACGGTCTTTGCACCGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTT
ATCAACTTTTCGATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAA
ACGGCTACCACA

>HF3_SSU990962
ATGCATGTCTATGCATAAACCGAATATGGTAAAGCCGCGCATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATAGGATCTTACTATCCTACTTT
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCCTCAAGCCCCAACCTGACGGTAGGGGCGCATTATTAGAACAAGACCAATTGGCT
TCGGCCATCTATTGGTGAATCTGAATAACTACGCTGATCGCACACTCTCGAAGTGGCGACGTATCCTTCAAGGTGTGCCCTATCAACT
GTCGACTGTGGCATAGACGCCACAGTGGTTTGTACGGGTAACGGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCAGAGAAACGGCTA
CCACA

>HF4_SSU606153
ATGCATGTCTAAGCATAAGCCGAATATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTTAGAGTCTACTTTG
GATACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCATTCAAGCCCCAACCTGACGGGCGGGGCGCATTATTAGAACAACCAATTTGGCT
TCGGCCATCTATTGGTGAATCTGAATAACTACGCTGATCGCACACTCTCGAAGTGGCGACGTATCCTTCAAGGTGTGCCCTATCAACT
TTCGATGGTAGTTTACATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTA
CCACA

>HF4_SSU614317
ATGCATGTCTAAGTACATACCTTACACGGTGAAGTGCGAATGGCTCATTAAATCAGTTATGGTTCCTTAGATCGATACACTCCTACT
TGGATAACTGTGGCAATTCTAGAGCTAATACACGCCTAAAGTCCGACCTTACGGGACGAGCGCATTATTAGAACAACCAATCGG
GTTTTCGGCCCGTTTCGTTGGTGAATCTGAATAACTAAGCCGATCGCACGGTCTCGTACCGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATC
AACTTTCGATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACG
GCTACCACA

>HF4_SSU619471
ATGCACGTTCTAATATGAGCATTAAAAATGTGAAATCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATTGTTTCTTGGATCTTATATTCCTACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAATGAAGTTCCAACGCAAGAGGAATGCATTTATTAGAGCTAAACCAATCAGGGGC
AACCATGTTTGTGGTGAATCTGAATAACTTAGCAGAGCACATGGGCTAGTCTTGGTGCATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAAC
TTCGATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCT
ACCACA

>HF4_SSU620879
ATGCATGTGTAAGTACAGACTGTACAACGGTGAAGTGCGAATGGCTCATTAGATCAGTTATGGTTCCTTAGATCGTACAATCCTACTT
GGATAACTGTGGCAATTCTAGAGCTAATACACGCCTCAATCCCTGACTTCGGAAAGGGAGCATTATTAGAACAAGACCAATTGGCTT
CGGCCATCTATTGGTGAATCTGAATAACTACGCAGATCGCACAGGCTCGTCTGGCGACATATCCTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTG
TCGATGGTAGTTTATTGGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTAC
CACA

>HF4_SSU622464
ATGCATGTCTATGCACAAGCCGAAAATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCACTGTTTACTTGTCTTATTATCCTACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCCAAGATGCTCCGACCTTACGGGACGAGCGCATTATTAGACCAAGACCAATCGGG
CTTCGGCTCGTAGTCTGGTGAATCTGAATAACTCTGCCGATCGCACGGTCTTTGTACCGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATC
AACTTTCGATGGTAGTTTCTGTGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACG
GCTACCACA

>HF4_SSU624085
ATGCATGTCTAAGTACAAGCCTCATTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATATACTGGATAGTATCAGTTACTTG
GATAACTGCGGTAATTCTGGAGCTAATACATGCGTTCAAGCCCCAACCTTGGCTGCGGGGCGCTTTTATTAGACCAAGACCAATCAGGC
ATTGCCTGGAATCTGGTGAATCTGAATAACTTGTCTGATCACATGGTCTTAGCACCAGGTGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCAA
CTTTCGATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTGGTAACGGGTAACGGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGC
TACCACA

>HF4_SSU625424
ATGCATGTCTATGCAGAAGCCGAACTATCGCAAAGCTGCAATGGCTCATTACAACAACCTTTTGTCTTCTTGGATCTCTCTGATCTACTT
GGATACCTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACCAAATCTCTGACCTTTGGGGATGAGTGCATTTATTAGAACAACCAATCAATCGGG
CTCTGCTCGTATGATGGTGAATCTGAATAACTACGCTGATCGCATGGTCTCATACTGGCGACGTATCTTCAAGTATCTGCCTTATCAA
CTGTTGATGGTAGTTTATTTGCCTACCATGGTTGTAATGGGTAATGGGAGAATAAGGGTTCGACTCCAGAGAGGGAGCCCGGGAAACGGC
TACCACA

>HF4_SSU628562
ATGCATGTCTAAGCATAGCCGTACTATGGTGAAGCCGCGAAGCTCATTACAATAGCCGTTGTTTCTTGGATCTCCAAACACTACAT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCGTACATGCGTCAACTGGTGAAGCCGGGAGACGTGCATTTATTGGATCAGAACCA
TCCGGCCTTCGGGCCGTACTCTGGTGAATCTAAATAACTGAGCGGAGCACACGCTCTTGCAGCGGTGCCAGTTCGTTCAAGTGTCTACC
CTATCAACTTGCATGGTAAATTACAAGCTTACCATGGTGGTAACGGGTAACGGGAGAATAAGGGTTCGATACCGGAGAGGGAGCCTGAG
AAATTGCTACCACA

>HF4_SSU631524
ATGCATGTCTAAGTACACTTCTTGTATGGAGAACTGCGAATGGCTCATTACAACAGCCACTGTTCACTTGTCTGATTATCCTACTT
TGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACCCATGCTCCGACCTGAGGGGACGAGCGCATTATTAGAACAACCAATCGG
GCCTCGGCCGTGTTTCGTTTGTGACTCTGAATAACTCTGCTGATCGTACGGTCCCCTACCGACGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTAT
CAACTTTCGATGGTAAGTTCGTGCTTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAAC
GGCTACCACA

>HF4_SSU632264
ATGCATGTCTATGCACAAGCCGATTTCGGCGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCTGTGGTTTCTTGGATCTTTCAATCCTACTTGG
ATAACTGTGGCAATTCTAGAGCTAATACACGCCTGAAACCGCGTCTTGGGCTGCGGTGCATTTATTAGAACAAGCAACCGGGCC
TTGGCCTGACTGCTTGGCGAATCTGAATAACTTGGCTGATCGCACGGTCTCGCACCGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAA
CTGTCGATGGTAGTTTACGTGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGC

TACCACA
>HF4_SSU635045
ATGCATGTGTAAGAATAAACCGAATATGGTAAATCCGCGAATGGCTCATTATTCAGCCTCAATTTATTGGATCTAATCAGTTACTTGGATAACTGTTCAAATGAAGAGCTAAGACATGCCTCGAAAAATCCAGCGCAAGCCGGATTGCACCTTCTTAGAAAAAGACCAATTGGCTTCGGCCATCCATTGGTGAATCTTCTGAAATTCGCAGATCGCACGGTCTAGTACCGGGCGACATACCCTTCAAATGTCTTCTTATCAACTGTCTGATGGTAGTTTATTGGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGATACGGCTACCACA
>HF5_SSU991188
ATGCATGTCTAAGCACAACCTATTTTATTTGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTCACTGGATATATTCCTTTTACATGGATAACTGAGGTAATTTCTCAGCTAATACACGCTTCAAACCCCGACTTTTTGGAGGGGTGCGTTTGTACTTCAAATCAATCGGGTTTCGGCCCGTTTATAAGTGATATGAACAATTTAGCTGATCGCACGGTCTGAGCACCGGCGACATATCCTTCAAATGTCTGCCTTATCAACTTTTCGATGGTAGATTATGCGCCTACCATGGTTGTTACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTTGATTCGGAGAGGGCGCTGAGAGACGGCGCCACA
>HF5_SSU995414
ATGCATGTCTAAGTACAAGCCGAGTTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATATACTGGATAGTGTGAGTTACTTGGATAACTGTGGTAATTTCTAGAGCTAATACAAGCATTCAAGCTCAGACCTTACGGAAATGAGCGCATTATTAGAACAAAACCAATCGGACTTCGGTCCGCTTTGGTGAATCTGAATACTTAGCAGTACGACGGTCTTTGAACCGGCGACATATCTTTCAAATGTCTGCCTTATCAACTTTTCGTTGGTAGTTTATGCGCCTACCATGGTTGTTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA
>HF6_SSU329881
ATGCATGTCTAAGCATGAACCGAATATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCGTTGTTTCTTGGATCTTGATTTACTTGGATAACTGTGGTAATTTCTAGAGCTAATACATGCAACCAAGCTCTGACCTTGAAGGAGCGCGTTTATTAGACCAAGACCAATCAGACTTTGTCTGGAATCTGGTACTCTGAATAACTTTGCTGATCACACAGTCTCGACTGGTGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCAACTTTCGATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTGGTAAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTACCACA
>HF6_SSU338435
ATGCATGTCTACGTACAGAGATTTTCTCGAAACCGCGAACGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTACAAATCCTACTTGGATACCTGTGGTAATTTCTAGAGCTAATACACGCAACAGATCCCTGACCTTGCGGAAAGGGGAGCATTATTAGAACAAAACCAATTTGGCTTCGGCCATTAGTTGGTGAATCTGAATAACTACGCGAGCATAACGAGCTCGTCTCGATGCCATATCCTTCAAGTGTCTGCCCTATCAACTGTCGATGGTAGGTGATATGCCTACCATGGTTGCAACGGGTAACGGGGAATCAGGGTTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACG
>HF6_SSU338739
ATGCATGTCTAAGCACAAGCTGATTTAAAGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGTCATAGTTTACTTGTATTTGTTTTACTTGGATAACTGTGGTAATTTCTAGAGCTAATACATGCTGCAAGCTCCAACAAGTTCTTTGGACTTGAAGGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAAATCGGGTCTTTGACCTGTCCATTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCACAGTCTGAAGTGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCCTTATCAACTGTTGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA
>HF7_SSU385021
ATGCATGTCTAAGAATAGGGATTTATCCCAAATCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCCTTAGTTTATTGGATCTACAAATCCTACATGGATACCTGTGGTAATTTCTAGAGCTAATACACGCAAGAAAGCCCGACCTTACGGGAGGGGTGCATTTATTAGAACAAAGACCAATTTGGCTTCGGCCATCCATTGGTGAATCTGAATAACCTAGCAGAGCATAACGAGCTCGTCTCGATGCCATATCCTTCAAGTGTCTGCCCTATCAACTGTTGACGGTAGGTTACATGCCTACCCTGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA
>HF7_SSU390110
ATGCATGTCTAAGCACAAGCTTAAACAAAGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATTGTTTACTTGTATCTTGAAATCCTACTTGGATAACTGTGGTAATTTCTAGAGCTAATACACGCAACAAGCTCTGACCCCTCGGGAAAGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGACTTCGGTCTGTCAATTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCACGGTCTTTGACCGGTGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTGTTGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA
>HF7_SSU398053
ATGCATGTCTAAGTACAAGCCGAGTTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATATACTGGATAGTGTGAGTTACTTGGATAACTGCGGTAATTTCTAGAGCTAATACATGCAACAATGCTCAGGTAGCCCTTCGGGGTACGAGCGCAATTATTAGAACAAAACCAAATCGGGCTTCGGTCCGTTTCGGTTTTGGTGGATCTGAATAACTATAGCTGATCGCACAGTCTTTGCACCTGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGTCCATCAGCTGTGATGGTATTTCTATACGATTACCATGGCTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA
>HF7_SSU407024
ATGCATGTCTAAGCAAAATGGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTTGACTTCTACTTGGAAATACCTGTGGTAATTTCTAGAGCTAATACATGCAATAAGCTCCAACCTTCGGGCGAGCGCATTATTAGAACAAAACCAATCGGCTTCGGCCGTAGTTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCATGGTCTCGCACTGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTCGATGTAGTTTACACGCCATACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA
>HF7_SSU407761
ATGCATGTCTAAGCACAAGCTTAAATAAAGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATTGTTCACTTGTATCTTGAAATCCTACTTGGATAACTGTGGTAATTTCTAGAGCTAATACACGCAAAAAGCTCTGACCTTACAGGAAGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGCTTCGGCCGTGCAATTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCCGATTGACGGTCTTTGAACCGGCAACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTGTTGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA
>HF7_SSU409331
ATGCATGTCTAAGTACAAGCCCATTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATATAATGGATAGTGTCCGTTACTTTGGATAACTGTGGTAATTTCTAGAGCTAATACACGCAACAAGCTTAAACCGTAAGGAAAGAGCGCATTATTAGAACAAAAGCATCCGGCAATTTAGCCGTTACTTGGTGAATCTGAATAACTCTGCTAATCGCACAGTCAAGTACTGGAGATGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTTCGATGGTAGTTTATATGCCTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTACCACA

>HF8_SSU795426
ATGCATGTCTAAGCAGAAGCCGAAAATGGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCCTTAGTTTCTTGGATCTTCAGTTCCTACTTG
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCTAACAAAGTCCGGCCTCTGGCTGGGCTGCATTTATTAGACCAAACCAATCGGACT
CTGGTCCGTGTATGGTGAATCTGAATAACTTTGCTGATCGCACGGTCTCGTACCGGCGACGCGTCTTTCAAGTGTCTGGCTTATCAAC
TTTCGATGGTAGTTTATACGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCCGAGAAATGGCT
ACCACA
>HF9_SSU14048
ATGCATGTCCAAGTACAAGCCTCATTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATGCACTGGACGTTGCCAGTTACTTG
GATAACTGCGTAATTCTGGAGCTAATACACGCATACAAGTCCGACGTAAGAAGGAATGCATTTATTAGAATAAACCAATCGGGCTT
GCCCGTTGTTTGGTGAATCTGAATAACTCCGCAGATCGCATGGTCTAGCACCGGCGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAAATGT
CGAAGGGACGTGATATGCCTCCCTTGTGTTGTAACGGGTAACGGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCTACC
ACA
>HF9_SSU14296
ATGCACGTGCAAGCACAAGCCAAATTATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCTATTGTTTATTGGATTTGATGTTCACTTGG
ATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGAAACCTAGCTTTTCCGCAAGGTTAGACGCGCAATTATTAGACTAAAACCAACAGCTT
TAGCTGATACCTGGTGAATCTGAATAAACCTGCTTATTGCGTAATCAAAGCACTGGCGAAGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACT
GTTGAAGGTAGTTTACATGCCTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTTTACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTA
CCACA
>HF9_SSU17250
ATGCATGTCTAAGTACAGGCCTCACTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATATACTGGATAGTATCAGTTACTTG
GATAACTGCGGTAATTCTGGAGCTAATACATGCAACAAAGCCCTATTGCAGGGCGCATTTATTAGACAAAACCAATCGGGCTTGCCCG
CTTATTGGTGGATCTGAATAACTTTGCTAATCGCACAGTCCCTGACTGGCGATGTATCTTTCAAATATCTGCCTTATCAACTGTGAT
GGTAGCTTACACGACTACCATGGTTGTTACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA
>HF9_SSU17844
ATGCACGTCTAAGCACAAGCCAAATTGAAGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATTGTTTATTGGATCTGTTTAACTTGA
TAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACATAAGCTCTAACCGTAAGGAAAGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCCGGCATT
TAGCCGTTACTTGGTGAATCTGAATAACTCTGCTAATCGCACAGTCTGACTGGCGATGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACT
TTCGATGGTAGTTTATATGCCTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTA
CCACA
>HF9_SSU18227
ATGCATGTCTAAGTACAAGCCTCATTAAGGTGAAACCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATGTACTGGACAGTCTCAGTTACTTG
GATACCTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACAAAAGCCCTGACTTTACGGAAAGGGCGCATTTATTAGAACAAGACCAATTGGCT
TCGGCCATCCATTGGTGAATCTGAATAACTACCGAGATCGCACGGTCTCGTACCGGCGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACT
TTCGATGGTAGTTTACATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTA
CCACA
>HF9_SSU19963
ATGCATGTCTAAGCACAAGCCTAATACGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCCTTGTCTATTTGATGTTGAAAATCTACTTG
GATAACTGTGAAAAGCCAGAGCTAATACATGCTTACAACTCCGACCTTGGCGAAGGGGTGCATTTATTAGTGCAAAAACCAATCGGGC
GCTTCGCGTCCCGTGTATGGTGAATCTGAATAACTAAGCCGATCGTACGGTCCGACCGGCGACGAATCATTGAGGTTCTGCCAT
ATCAACTTTGACGGTAGTTTACGTGACTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGAGCCTGAGAAA
CGGCTACTACA
>HF9_SSU20251
ATGCACGTTTTAAATACAAGCCTTAAATGGTGAATCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATTGTTTCTTGGATCTTACTTTCTACTTG
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACAAAAGCTCTATCCGAATGGAAGAGCGCATTTATTAGAATAAACCAATCGGGCTT
GCCCGTTGTTTGGTGAATCTGAATAACTCCGCAGATCGCATGGTCTAGCACCGGCGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTT
CGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACC
ACA
>HF9_SSU22538
ATGCATGTGTAAGTACAGACTGTACAACGGTGAAGCTGCGAATGGCTCATTAGATCAGTTATGGTTCCTTAGATCGTACAATCCTACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCACCTTTAGCTCGGACCTCACGGAAAGAGCGCATTTATTAGATCAAACCAATCGGG
CCTCGGTCCGTGTTTGGTGAATCTGAATAACTCAGTTGATCGCACAGTCTTGTACTGGCGACGTATCTTTCAAATGTCTGCCTTATCA
ACTTTTCGATGGTAGTTTATACGCTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATG
CTACCACA
>TF1_SSU676746
ATGCATGTCTAAGCACAAGCCAAAATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCGTAGTTTCTTGGATCTTTCTAATCTACTTG
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACAAAAGCTCTATCCGAATGGAAGAGCGCATTTATTAGAATAAACCGACCGGGTG
TTCGCACCTGTCGTTTGGCGAATCTGAATAACTGAGCTGATCGCACGGTCTTAGTACCGGCGACACATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATC
AACTGTGATGGTAGTTTATGTGCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATG
GCTACCACA
>TF1_SSU677162
ATGCATGTCTAAGTACAGCTCTCGTATAGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTAAATCAGTTACTATTCTTCTAGATCTTACTTTTGTACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACAAAAGCTCTGACCTTACGGGAAGAGTGCATTTATTAGAATAAACCAATCGGG
CTCTGCCTGCTGTTTGGTGAATCTGAATAACTGAGCTGATCGCACTGGTCTAGTACCGGCGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCA
ACTTTTCGATGGTAGTTTATGTGGCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGG
CTACCACA
>TF1_SSU681557
ATGCATGTCTCAGCAGCATGCCTATGAACGGCTAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCTATGTTTATTGGGTCTAATCAGTTACTTGG
ATAACTGTGAAAATCCAGAGCTAATACGTGCACTAACTCCGACCGTAAGGAAGGAGGCATTTTATTAGAATAAACCAATCGGACTTG
TCCGTGGTTTGTGACTCTGAATAACGGCAGCGATCGTACGGTCTTTGAACCGACGACATATCTTTCAAATGTCTGCCTTATCAACTTT
CGATGGTAGTTTATGCGCCTACACGGTGTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTACC
ACA

>TF1_SSU688192
ATGCATGTCTAAGTCAAGCTGAAATAAAGTGAACCCGGAAGGGCTCATTACAACAGCCGTTGTTTCTGGAGACTCAAATACTTGG
ATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAGCCAAGCTCTGACCGTAAGGGGAAAGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGACT
TGTCCGTAGTTTGGTGAATCTGAATAACCTAGCTGATCGCACAGTCTTTGAACTGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACT
TTCGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTATAACGGGTAATGGAGAATCAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTA
CCACA

>TF1_SSU692690
ATGCATGTCTAAGCATAAACCGAATATGGTAAAGCCGGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCAGTATTTTCCACTTG
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCGATGAAACTCTGACCTTGGTGGAAAGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGC
TTTTGTGCTTACTTGGTGAATCTGAATAACTCGGTTGATCGCACAGTCTTTGTACTGGCGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAA
CTTTCGATGGTAGTTTATACGACTACCATGGTTTACGGGTTAACGGAGGATTAGGGTTTGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGATATGGC
TACCACA

>TF1_SSU694267
ATGCATGTCTAAGCTCAAGCCGAAAATGGTGAAGCCGGAATGGCTCATTACAACAGCCCTTGTGTTATTTGATCTTGAAAATTACTTGG
ATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCGAAAAAATCGGAACTTCTGTTCCGAGTGCATTTATTAGTACAAGACCAACCGGCGC
AAGCCGTAATTTGTCGAATCTGAATAACTGAGCCGATCGCATGGCTCGTGCCGCGACATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACT
TTGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTGTACACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAAGCAGCCTGAGAAAACGGCTAC
TACA

>TF1_SSU694751
ATGCATGTGTAAGTATAAGCTTTTAGAACGGTGAACCCGGAATGGCTCATTAGATCAGTTAATATTTATTAGATCGTAGAAAGTTACT
TGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAATCAAGCCCTGACCTGACGGGATGGGCGCATTTATTAGAATAAGACCAATTGG
CTTCGGCCATTTATTGGTACTCTGAATAACTACGCAGATCGCATGGTCTCGTACCGGCGACATATCCTTCAAGTGTCTGCCTTATCAA
CTTTCGATGGTAGTTTACACGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAAACGGC
TACCACA

>TF1_SSU698227
ATGCATGTCTAAGCACAACCCGATTTATGGTAAAGCCGGAATGGCTCATTACAACAGCCATTGTTTACTGGATCTTGATAAGTTACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAACAAAGCTCTGACTTTATGGAAGAGCGCATTTATTAGATCAAAAACCAATCAGGC
TTTGCCTGCTGTTTGGTGAATCTGAATAACTGAGCTGATCGCATTTGGTCTAGTACCGGCGACATATCCTTCAAGTGTCTGCCTTATCAA
CTGTCGATGGTAGCTTATGTGGTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAAACGGC
TACCACA

>TF1_SSU700188
ATGCATGTCTCAGTACAAGCTGCATTAAGTGAACCCGGAATGGCTCATTACAACAGCCGTTGTTCCCTAGAGACTATCAATACTTGG
ATAACTGTGGCAATTCTAGAGCTAATACACGCAAGAAAACCCGAACTTGCCTGAGGGGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGGGC
AACCCTGAAGTTGGTGAATCTGAATAACCCAGCTGATCGCACGGTCTTTGCACTGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACT
TTCGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAAACGGCTA
CCACA

>TF1_SSU703579
ATGCATGTCTCAGTATGAGCTGAAAAAAGTGAACCCGGAATAGCTCATTACAACAGCCATTGTTCACTGGATCTTTGTATCCTACGTG
GATAACTGTGGCAATTCTAGAGCTAATACATGCAAAAAGCTCCGACCCTCGTTGGGAGGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCG
GGCTTCGGCCTGCTTTTGGTACTCTGAATAACTCAGTTGATCGCACGGTCTCGTACCGGCGACTCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATC
AACTGTTGATGGTAGTTTACGTGACTACCATGGTTGCAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAAAC
GCTACCACA

>TF1_SSU710679
ATGCATGTCTAAGCATAGGCCGATTAATGGTGAAGCCGGAATAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTTCTCTCATACTTG
GATACCTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAAGAAAACCCGACTTCGGAAGGGGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGACTT
GTCCGTAGTTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCACAGTCTCGCACTGGCGACGATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTT
TCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAAACGGCTA
CACA

>TF1_SSU734804
ATGCATGTCTGAGCACAAGCTCAAGAAAAGTGAAGCCGGAATAGCTCATTACAACAGCCACTTTTCACTTGATCTTGATATCCTACTT
GGATAACTGTGGCAATTCTAGAGCTAATACATGCATTGAAGCTCTGACCAGCTTGTGGGAAGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAAT
TGGACTTCGGTTCGTAATTGGTACTCTGAATAACTCAGATGATCGCACGGTCTTGTACCGGTGACAGATCATTCAAGTGTCTGCCTTA
TCAACTGTTGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTGCAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGCTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAA
CGGCTACCACA

>TF3_SSU956521
ATGCGTGTCTAGGTACAAGCCTAAAAACGGTAAAGCCGGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTGGATCTTGACTATCTTACT
TGGATAACTGTAGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAACAAAGCCAGACCTTACGGAACGGGCGCATTTATTAGACCAAAAACCAATCGG
GCTTCGGCCCTCTTTGGTACTCTGAATAACTACGCTGAGTGCACGGTCTCGAACCGGCACCGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATC
AACTGTGATGGTAGTTTACGTGACTACCATGGTTGTAATGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAAATG
GCTACCACA

>TF3_SSU960449
ATGCATGTGTAAGTACAAGCTTTTAGAACGGTGAACCCGGAATGGCTCATTAGATCAGTTAATATTTATTAGATCGTAGAAAGTTACT
TGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAAAAAGAACTTGAACCGTAGGTTCCGGGTGCATTTATTAGTACAAGACCATCAGG
GCTCGTCCCTTCCAATGGTGAATCTGAATAACTGAGCCGATCGCATGGTCTCGCACCGGCGACGATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCA
ACTTTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAAGCAGCCTGAGAAAACGG
CTACTACA

>TF3_SSU966338
ATGCATGTCTAAGCACAACGAAATTAACGTGAAGCCGGAAGCTCATTACAACAGCCGCTCGTTTCTTGGATCTCCGAACTTACTTGG
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAATCGAGTCTGAGCGTAAGCGATGGGCGCATTTATTAGTACAAGACCAATCGGT
GCTTGCACCGTGGTTTGGTGAATCTGAATAACTGAGCAGATCGCTTCGGTCTTTGTACCGGCGACGATCTTTCAAGTGTCTGTTTTAT
CAACTTTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTGTACGGATAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAAAC

GGCTACCACA
>TF4_SSU144249
GTGCATGTCTAAGCATGAGCCATCAAAATGGTGAAGCCGCGAACAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTCATTGGACTTCTCTCAATACTTG
GATATCTGTAATAATTTTAGAGCTAATACACGCAAGCAAACCTCCAATCTCACGAGCGGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGGC
TTGCCCGTGCCTTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCACAGTCTAGCACTGGCGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAAC
TGTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTTGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCT
ACCACA
>TF4_SSU150234
ATGCATGTCTAAGCATGAGCCCTATAATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCGTTGTTTCTTGGATCTTGATTCACCTGGA
TAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAACTCAGCTCCAACCTGAGAAGAAGGAGCGCATTTATTTGACCAAACTGACTAGGTTT
CGACCTAAAACCTGGTGAATCTGAATAACTCTGCTGATCACACAGTCTTGCCTGGTGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCAACT
TTCGATGGTAGTTTATATGCCCTACCGTGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTA
CCACA
>TF5_SSU410031
ATGCATGTCTAAGCAGAAGCCGCAATACGGTGAACCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCCTTAGTTTCTTGGATCTTCAACAGTTACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCATGAAAATCTCGGCTTTGCGGTTGGGATGCATTTATTAGTACAAAACCAATCGAG
CGCGAGCTCGTTGTTGGTGAATCTGAATAACTTTGCTGATCGCACGCTCTTCGTAGTGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGGCTTATCA
ACTTTGATGGTAGTTTATACGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGG
CTACCACA
>TF5_SSU419519
ATGCATGTCTAAGCACAAGCCGAAAATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCCTTGTGTTATTTGATCTTGAATCCTACTTG
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCATCTAACTCGAGACGCCCTCAGGAGTGCATTTATTAGTACAAAACCAATCGGGC
TTGCCCGTCTTTGGTGAATCTGAATAACTGAGCCGATCGCACGCTCATTGTACCGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCAAC
TTTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTGACTCCGGAGAAGCAGCCTGAGAAACGGCT
ACCACA
>TF5_SSU430294
ATGCATGTCTAAGCATAAACTAACTAAAGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCGTTGTTTCTTGGATCTCCGTATTACTTGG
ATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAATCGAGCTCCGACCTTACGGGACGAGCGCATTTATTAGTACAAAACCAATCAGTGC
TTGCACTGTAGTCTGGTGAATCTGAATAACTGAGCAGATCGCTTCGGTCTTGGTACCGGCGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCA
ACTTTGATGGTAGTTTATATGCTCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGG
CTACCACA
>TF5_SSU437076
ATGCATGTGTAAGTACAAGCTTTTAGAACTGTGAAACCCGCGAATGGCTCATTAGATCAGTTAATATTTATTAGATCGTAGAAAGTTACT
TGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCCTTGAAGCTCTGACCTTCGGGGACGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATGGG
GTTTGCCTTCGGTGGTGAATCTGAATAACTTCCGATCGCACGGTCTCGCACCGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCAA
CTGTCGATGGTAGTTTATGTGCTCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTGACTCCGGAGAGGGAGCCCGAGAACGGC
TACCACA
>TF5_SSU444034
ATGCATGTCTAAGCACAAGCCGCTTGATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCTATTGTTTATTAGATCTTACCATCCTACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCATCAAAAACGGGACCTAAGGGAACCGTTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGG
CTTCGGCCGTCATTTGGTGAATCTGAATAACTCTGCCGATCGCACGGTCCACGAACCGGCGACGCATCTTTCAAATGTCTGCCCTATC
AACTTTGATGGTAGTTTATGCGCTCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACG
GCTACCACA
>TF5_SSU446087
ATGCATGTCTAAGCAGAAGCCGAACAATGGCAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCTGTTGTTTATTTGATCTTGAATCCTACAT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCTTACAACTCATTTCTTGGATCTGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGG
CTTGCCTGCTCATTGGTGAATCTGAATAACTATGCCGATCGCACGGTCTTCGCACCGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCAA
CTTTGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGC
TACTACA
>TF5_SSU453472
ATGCATGTCTCAGCACAAGCCAATATATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCACTGTTTATTAGATCATCCTTCTTACTTG
GATAACTGTGAAAAGCTAGAGCTAATACATGCTACAAGCTCTGACCTTACGGAAGGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGACT
TTGTCCGTCATTTGGTGAATCTGAATAACTATGCAGATCGCACGGTCTTAGAACCGGCGACATATCTTTCAAATGTCTGCCCTATCAAC
TTTCGACGGTATGTGATATGCTTACCGTGGTTGCAACGGGTAGCGGGGAATCAGGGTTGACTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCT
ACCACA
>TF5_SSU457543
ATGCATGTGTAAGCATAAGCCGATTAATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTATATTTTTTCTTTTACTT
GGATAACTGAGGTAATTCTTGGAGCTAATACACGCATCAAAGCTTCGACCTTACGGAAGGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGA
CTTCGGTCCGTTACTTGGTGAATCTGAATAACTCTGTGGATCGCATGGTCTTAGCACCGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATC
AACTTTGCTTGGTGAATTTATGTGATTACCAAGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATG
GCTACCACA
>TF5_SSU459305
ATGCATGTCTTAGTACAGACTATCTCACAGTGAAGCTGCGAATGGCTCATTAAATCAGCTAAGGTTTCTTGGATCTCCGTCTTACTTGG
GATACCTGTGGTAATTCTACAGCTAATACACGCATCAAAAACCAACCTTACGGTGGGGTGCCTTTGTTACTTCAAACCAATCGGACTT
CGGTCTGAAATCAAGTATATGAACAATTTAGCTGATCGCACGGTCTGAGAACCGGCGACATATCTTTCAAATGTCTGCCCTATCAAC
TTTCGATGGTAGATTACGCGCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCT
ACCACA
>TF5_SSU466315
ATGCATGTCTAAGCATAAACTAATCTAAAGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCGTTGTTTCTTGGATCTCCGTCTTACTTGG
ATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAACTCAGCTGAGATCTGACTTTACAGGAAGATCGCATTTATTAGATCAAAAACCAATCGGCTT
CGGCCGTTGCTGGTGAATCTGAATAACTACGAGATCGCTTAGGTTTTATACCGGCGACGTGTCTTCAAGTGTCTGCCCTATCAACTT

TCGATGGTAGTTTCTACGCCTACCATGGTTGCGACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTAC
 CACA
 >TF6_SSU33463
 ATGCATGTGTAAGCATGAACCATTTAATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTAGATTTCTTTTTACTTGG
 ATAAGTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAGCAAAGCTTCGACCTTACGGGAAGGAGCGCATTATTAGAACAAAGCAATCGTACT
 TCGGTACGTATTTGGTGAATCTGAATAACTTAGTCGATCTCATGGTCTTAGCACCGGAGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAA
 CTTTTCGATGGTAGTTTATGCGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTTGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGC
 TACCACA
 >TF6_SSU33935
 ATGCATGTCTAAGCAGAAGCCGAACAATGGCAAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATTGTTTACTTGATCTTGAAATCCTACTT
 GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAATAAGCTCCGACCTCAGGGGAGGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCAGAC
 CTCGGTCTGTCTCTGGTGAATCAGAATAACTCAGCTGATTGCACAGTCTTGTACTGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAA
 CTGTTGATGGTAGTTTATGCGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGC
 TACCACA
 >TF6_SSU36442
 ATGCATGTCTAAGCACAAGCCGAATATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCTTTGTTTATTGATCTTGAAATCCTACTTG
 GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAACAAAACCTTGAACGTAAGTCTTGGTGCATTTATTAGTACAAAACCTTCCGGAC
 TTCGGTTCGTAACCTGGTGAATCTGAATAAATTAGCCGATCGCATGGCCTTCGCGCTGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCA
 ACTTTTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAAGCAGCCTGAGAAACGG
 CTAATA
 >TF6_SSU37421
 ATGCATGTGTAAGTACAAGCTTTTAGAACGGTGAACCCGCGAATGGCTCATTAGATCAGTTAATATTTATTAGATCGTAGAAAGTTACT
 TGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAACCAAGCTCCAACCTTTCCGGAAGGAGCGCATTATTATACCAAGACCAATCGG
 GCTTTGCCCGCTATCTGGTACTCTGAATAACTTTGCTGATCAGTGGTTCATAGTACCGGTGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATC
 AACTTTTCGATGGTAGTTTATGTCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATG
 GCTACCACA
 >TF6_SSU41803
 ATGCATGTCTAAGTACAAGCCTCATTAAGGTGAACCCGCGAATGGCTCATTAAATCACACCTAATATACTGGATAGTATACAGTTACTT
 GGATAACTGCGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAGCTGAGATCTGACTTTACAGGAAGATCGCATTTATTAGATCAAACCAATCGGC
 TTCGGCCGTTGCTGGTGAATCTGAATAACTACGCAGATCGCTTAGGTTTTATACCGGCGACGTGTCTTCAAGTGTCTGCCTTATCAAC
 TTTTCGATGGTAGTTTCTACGCCTACCATGGTTGCGACGGGTAACGGAGAATAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCT
 ACAACA
 >TF6_SSU47996
 ATGCATGTCTAAGCACAACCTGATTAATTGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATTGTTTACTGGATATCTCATTACTACAT
 GGATAACTGTGGTAATTCTACAGCTAATACACGCATCAAACCCCACTTTGAAAGGGGTGCGTTTGTACTTCAAATCAATCGGACTT
 CGGTCTGGTTTTCAACTGAGATTGAACAATTTAGCTGATCGCACGGTCTAAGAACCAGGCGACATATCTTCAAACGTCTGCCTTATCAAC
 TTTTCGATGGTAGATTATGCGCCTACCATGGTTGTTACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTTGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCT
 ACCACA
 >TF6_SSU48167
 ATGCATGTCTAAGCAGAAGCCGACCAATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCGTCGTTTCTTGGATCTCTTGTTTTTACTTG
 GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCCTAAAGCTCTGACCTTACGGGACGAGCGCATTATTAGAACAAAACCAATCGGGT
 TTCGGCCCGTCCGTTGGTACTCTGAATAACTACGCCGATCGCACGGTCTCGTACCAGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAA
 CTTTTCGATGGTAGTTTATGTCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGC
 TACCACA
 >TF6_SSU53456
 ATGCATGTCTAAGTATGAACCTATCTATTGTGAAACCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATAGTTTACTGGATATATTCCTTTACATGG
 ATAAGTGTGGTAATTCTACAGCTAATACACGCATCAAAGCCCCGACTTTATGAAGGGGCGCGTTAGTTACTTCAAACCGATCGGTCTTC
 GGACTGTATCCAAGTGAAGTGAACCTATTTAGCTGAGCGCACGGTCTAAGCACCGGCGCCATATCTTCAAATGTCTGCCTTATCAACT
 TTCGATGGTAGATTATGCGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTTGATTCCGGAGAGGGGGCCTGAGAAATGGCCA
 CCACA
 >TF6_SSU54250
 ATGCACGTTTTCAATACAAGCCTTACTAAGGTGAATCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCATTGTTTCTTGGATCTTATCTTTTTACTTG
 GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACGTCACCAATCCCGACGCAAGAAGGGATGCATTTATTAGAACTAAACCGACCGGGCTCA
 GCCCGCTGTTTGGTGAATCTGAATAACTCTGCAGATCGCATGGTCTCGCACCGGCGACATATCTTCAAAGTGTCTGCCTTATCAACTTT
 CGATGGTAGTTTATGTCGACTACCATGGTTGTCACGGGTAACGGAGAATAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACC
 ACA
 >TF6_SSU58877
 ATGCATGTCTAAGCACAAGCCGAAAATGGTAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCTTTGTTTATTGATCTTGAAATCCTACTTG
 GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACAAGCGATTAAACTCCAACCTTTTGGGAAGGAGTGCATTTATTAGTACAAAACCAATCGGGG
 TAAAACCCGTTGGTTTGGTAAATCTGAATAACTCTGTGATCGCACGGTCTTGTACCGGCGACATATCTTTCAAAGTGTCTGCCCTATCA
 ACTGTGCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGCTCCTCCGGAGAAGCAGCCTGAGAAACGG
 CTAATA
 >TF6_SSU74955
 ATGCATGTCTAAGCATGAGCCATCAAATGGTGAAGCCGCGAACAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTACTTGACTTCTCTCAATACTTG
 GATATCTGTAATAATTTTAGAGCTAATATACGCAAGCAAACCTCAATCTCACGAGCGGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGGC
 TTGCCTGTGCGTTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCACAGTCTAGCACTGGCGACGTATCTTTCAAATGTCTGCCCTATCAAC
 TTTTCGACGGTATGTGATATGCTTACCGTGGTTGCAACGGGTAGCGGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCT
 ACCACA
 >TF6_SSU82210
 ATGCATGTCTATGCATAAGCCAAATTTATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCTTTTATTCTTGGGTGTCAATTTACTTGG
 TAACCTTTGTCAACCCAGAGCTAATACATGCACAAAAGCCTTGACTTATGGAAAGGCGCAGTTATTTGATCAAACCAATCAGGCTTGCC

TGAATTTGATGACTCTGAGTAACTTGCAGATCGCACAGTCCCTAGTACTGGCGACAACTCTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTCGA
 TGGTAGTTTCAGTGCCTACCATGGTTACAATGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACA
 >TF6_SSU84268
 ATGCATGTCTCAGTGCAAGTCCATTTCAGGACGAAACCGCGAACGGCTCATTACAACAGCTATAATCTACGGGGAGTTCCATACATGGA
 TAACTCTGTCAACCCAGAGCTAATACATGCACAAAAGCCTCACCTCATGGCTGGGCGCATCTATTATAACAAAACCAACCGGGCTCTGC
 CCGAGTCTTGGTACTCTGAATAGAGAGTTAATGACGCAGTCTTAGTACTGGTCATGTTCCCCACGAGTGTCTGCCTTATCAACTTTCG
 ATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTTGCAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCCCGAGAAACGGCTACCAC
 A
 >TF6_SSU98667
 ATGCATGTTCCAGCAGAACTGAATATAGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATTGTTTCATTGGAGTTGAAGACAATTTGGA
 TAACCCTGTTAAATCAGAGCTAATACACGCAAAAAGCTTGTCTTTGCGGTTTAAAGTGCATTTATTAGAACAAAATCATCCGGCCTTT
 GGCCGTATTTGGTGAATCTGAATAACTTTGCTGATCGCACGGTCTAGTACTGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTTTC
 GACGGTAGTTTATGTGCCTACCGTGGTTATAACGGGTAACGGAGAATTAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATGGCTACCA
 CA
 >TS1_SSU270885
 ATGCATGTCTAAGCACAAGCTGAAAATGGTGAAGCTGCGAATGGCTCATTACAACAGCCTTTGTTTATTTGATCTTGAATCCTACTTG
 GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCTATCAAACCTGAAGGCTCTGCCTTCAGTGCATTTATTAGTACAAAACCAATCAGGTT
 TTACCTGCCAATTTGGTGAATCAGAATAACTGTGCAGATCACATAGCCTATGAGCTGGTGACATATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAAC
 TTTTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAAGCAGCCTGAGAAATGGCT
 ACTACA
 >TS1_SSU284163
 ATGCATGTCTAAGCACAAGCCGAATATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCTTTGTTTATTTGATCTTGAATCCTACTTG
 GATAACTGTGGAAATTCAGAGCTAATACACGCAAAAAGAACTCGGAACGTAGGTTCCGGGTGCATTTATTAGTACAAAGCCATCAGGGC
 TCGTCCCTTCCAATGGTGAATCTGAATAACTGAGCCGATCGCATGGTCTCGCACCGGCGACGTATCTTTCAAATGTCTGCCTTATCAAC
 TTTTCGACGGTATGTGATATGCTTACCGTGGTTGCAACGGGTAGCGGGGAATAAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCT
 ACCACA
 >TS2_SSU821962
 ATGCAAGTCTAAGCACAAGCCGTACAATGGTAAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTAGATAGTTCTTTACTACAT
 GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCTACAAAACGGGACCTTTAGTTAGGAAGCCGCGCTTTTATTAGAACAAAACCAATC
 GCTCTTTCCGGGAGCGTCAATTTGGTGAGTCTAAAATAACATAGCAGATCGCACGGTCTGGGCACCGGCGACGAATCTTTCAAATGTCTGCC
 TTATCAACTTTCGATGGTAGTTTACATGCCTACCATGGTGATAACGGGTAACAGAGAATAAGGGTTCGACTCTGGAGAGGCAGCCTGAG
 AGACGGCTACCACA
 >TS2_SSU823349
 ATGCATGTCTAAGTACAGACTATATCACAGTGAAGCTGCGAATGGCTCATTAAATCAGCTAAGGTTCCCTTAGATCGTACAATCCTACAT
 GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCTACAAAACGGGACCTTTAGTTAGGAAGCCGCGCTTTTATTAGAACAAAACCAATC
 GCTCTTTCCGGGAGCGTCAATTTGGTGAGTCTAAAATAACATAGCAGATCGCACGGTCTTGGCACCGGCGACGAATCTTTCAAATGTCTGCC
 TTATCAACTTTCGATGGTAGTTTACATGCCTACCATGGTGATAACGGGTAACAGAGAATAAGGGTTCGACTCTGGAGAGGCAGCCTGAG
 AGACGGCTACCACA
 >TS3_SSU475561
 ATGCATGTCTAAGCACAAGCTGAAATAAAGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATTGTTTACTTGTCTTGAATCCTACTTT
 GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAATTAAGCTCTGATCCTTTTGGTGACGAGTGCATTTATTAGAACAAAACCAATCG
 GACTTCCGGTCTGTTGTTGGTGAATCTGAATAACTCAGCTGATCGCACGGTCTTGTACCGGTTGACGATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATC
 AACTTTCCGAGCGTATGTGATATGCTTACCGTGGTTGCAACGGGTAGCGGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACG
 GCTACCACA
 >TS3_SSU489684
 ATGCATGTCTAAGCACAAGCCGAATATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCTTGGTTTATTTGATCTTGAATCCTACATG
 GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCATACAAGCTTCAGCCTTACGGCTGTGAGCGCATTTATTAGTACAAAACCAATCCGG
 CCTTGCCCGTTGTTTGGTGAATCTGAATAACTGAGCCGATCGCATGGTCTCTGTACCGGCGACGTATCATTCAAGTGTCTGCCCTATCA
 ACTTTCGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTACAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGG
 CTTACTACA
 >TS3_SSU503133
 ATGCAAGTCTAAGCACAAGCCGTTAAATGGTAAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATAGTTTATTAGATAGTTCTTTACTACAT
 GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCTTAAAAGAAGCCTCGCAAGAGGTTGTTCTGCACTTATTAGAACAAAACCAATC
 GCGCTGCGGCAACGTAGTGCCTTATTTGGTGAATCTGAATAACTTGGCGGATCGCACGGTCTAGTACCGGCGACGCATCTTTCAAATGT
 CTGCCTTATCAACTGTGATGGTAGTTTACATGCCTACCATGGTGATAACGGGTAACAGAGAATAAGGGTTCGACTCTGGAGAGGGAGC
 CTGAGAGACGGCTACCACA
 >TS3_SSU508400
 ATGCAGGTCTGAGCAGAGCTCAAGAAAATAATGGATGGATAATTGGATAACTGTGGCAATTCAGAGCTAATACATGCATTGAAGCTC
 CGACCAGCTTGTGGGAAGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATCGGACTTCCGGTTCGTTATTGGTACTCTGAATAACTCAGTCCGAT
 CGCACGGTCTTGTACCGGCGACAGATCATTCAAGTGTCTGCCTTATCAACTGTTGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTGCAACGG
 GTAACGGAGAATAAGGGTTCGCTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAATAGCTACCACA
 >TS4_SSU543236
 ATGCATGTCTCAGCACATACCAATATATGGCAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCGATTTTATTAGATAATCCTATTTACTTG
 GATAACTGTGGAAAACTAGAGCTAATACATGCTATAAGCTTCGACCTTACGGAAGAAGTTTATTATTAGAACAAAACCAATCCGACT
 TTGTCCGTTACTTTGTTGACTCTGATTAACCTCATGATCGCACGGTCTAGTAACCGGCGACATATCTTTCAAATGTCTGCTTTATCAAC
 TTTTCGATGGTAGTTTATGCGCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGAAGAATCAGGGTTCGATTTCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCT
 ACCACA
 >TS4_SSU544032
 ATGCATTTCTAAGCACAAGCCGAATATGGTGAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCTTTGTTTATTTGATCTTGAATCCTACTTG
 GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCAAAAAGAACTCGGAACGTAGGTTCCGGGTGCATTTATTAGTACAAAGCCATCAGGGT
 TCGTCCCTTCCAATGGTGAATCTGAATAACTGAGCCGATCGCATGGTCTCGCACCGGCGACGTATCTTTCAAGTGTCTGCCCTATCAAC

TTTCGATGGTAGTTTATATGACTACCATGGTTATAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAAGCAGCCTGAGAAACGGCT
ACTACA
>TS5_SSU874117
ATGCATGTATCAGCACAAGCCGTAATATGGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTATAACAGTCGTAGTTTATTAGAAAGTCTGTACTGGATA
ACTGTGGTAATTCCAGAGCTAATACATGTTCCAAAGCCCAACTAACGAAGGGTGCATTTATTAGAACAAGGCCGATCAGACTTTGTCT
GTCTCAGGTTGACTCTGAATAACTTTGCTAATCGCACAGTCTTTCGACTGGCGATGATATCTTTCAATGTCTGCCCTATCAACTTTCGA
CGGTATGTGATATGCTTACCGTGGTTGCAACGGGTAGCGGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCTACCACA
>TS5_SSU875407
ATGCATGTCTAAGTACAGACTATATCACAGTGAAGTGCGAATGGCTCATTAAATCAGCTAAGGTTCCCTTAGATCGTACAATCCACTT
GGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCCTTGAAGCTCTGACCTTCGGGGACGAGCGCATTTATTAGAACAAAACCAATGGGG
TTCGCCCTCGGTTGGTGAAGTACTCCGATCGCACGGTCTCGCACCAGGCGACGCATCTTTCAAGTGTCTGCCTTATCAAC
TGTCGATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCGAGAAACGGCT
ACCACA
>TS5_SSU881546
ATGCATGTCTAAGCAGAAACTATTTTAAAGTGAAGCCGCGAAAAGCTCATTACAACAGCCGTCGTTTCTTGGGTCTCCGAATTTACTTG
GATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCAATCGAGCTCTGAACGTAAGTATGGGCGCATTTATTAGTAACAAAACCAATCGGT
TGCTTGAACCGTGGTTTGGTGAATCTGAATAACTTAGCAGATCGCTTCCGTTCTTTGTACCGGCGACATATCTTTCAAATGTCTGCCT
ATCAACTTTCGATGGTACGTTATGCGCCTACCATGGTCTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAA
ATGGCTACCACA
>TS5_SSU900338
ATGCATGTCTATGCACAAGCCGATAAAATGGCAAAGCCGCGAATGGCTCATTACAACAGCCACTGTTCACTTGATCTGTATCATATCCTA
CTTGGATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACACGCACCCATTCTCCGACCAGGAGGACGAGAGCATTTATTAGAACAAAACCAATC
GGCTTCGGTTCGTTTGGTGAATCTGAATAACTTTGCTGATCGTACGGTCTTTGTACCGACGACGCATCTTTCAAATGTCTGCCTTAT
CAACTTTCGATGGTAAAGTTCCTTGCTTACCATGGTCTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAAC
GGCTACCACA
>TS5_SSU901243
ATGCATGTCTATGCACACGCCGATTAATGGTAAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCCTCTGTTTATTAGATCTTTTTATCCTACTT
GGATAACTGTGGCAATTCTAGAGCTAATACACGCACCAAACTCCGACCTTCCGGAAGGAGTGCATTTATTAGACCAAAAACCAATGCAG
GCTTTCGGTTCGTTTGGTGAATCTGAATAACTTTGCTGATCGTACGGTCTTTGTACCGACGACGCATCTTTCAAATGTCTGCCTTAT
TCAACTTTCGACGGTAGTTTATATGACAACCGTGGTTGTAACGGGTAACGGGAATCAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAA
CGGCTACCACA
>TS6_SSU559765
ATGCATGTCTTAGTACAGACTATCTCACAGTGAAGTGCGAATGGCTCATTAAATCAGCTAAGGTTCCCTTAGATCGTACAATCCACTT
GGATAACTGTAGTAATTCTAGAGCTAATACATGCTTAAAAGAACGACCTCGCAAGAGGTTGTTCTGCACTTATTAGAACAACCAATC
CGCTTCGGCAACGTAAGTTCGTTTATTTGGTGAATCTGAATAACTTTGGCGGATCGCACGGTCTAGTACCGGCGACGCATCTTCAAATGT
CTGCCTTATCAACTGTCTGATGGTGTAGTTTACATGCCTACCATGGTGATAACGGGTAACAGAGAATAAGGGTTTACTCTGGAGAGGGAGC
CTGAGAGACGGCTACCACA
>TS6_SSU570763
ATGCATGTCTAAGTACAGACTATATCACAGTGAAGTGCGAATGGCTCATTAAATCAGCTAAGGTTCCCTTAGATCGTACAATCCACTT
GGATAACTGTAGTAATTCTAGAGCTAATACACGCATCAAGCTCTGACCTCATGGAAATGAGCGCATTTATTAGAACAACCAATCAGG
CTATGCCTGTTTTTGGTGGATCTGAATAACTCAGCTGACCGTATGCTCTCGTAGCGACGGCGATTCCCTCAAAGTATCTGCCTTATCAAC
TGTTGATGGTAGTTTATGTGACTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATAAGGGTTCGACTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCT
ACCACA
>TS6_SSU587229
ATGCATGTCTAAGCATAAATGAATTCATAGTGAAGCCGCGAATAGCTCATTACAACAGCCATCGTTTAAATGGATATATTTTTACATGGA
TAACTGTGGTAATTCTACAGCTAATACACGCATCAAAACCCAACTTACGGTGGGTGCGTTTGTACTTCAAACCAATCGGACTTCGG
TCTGAAATCAAGTATTTGAACAATTTAGCTGATCGCACGGTCTGAGAACCGGCGACATATCCTTCAAATGTCTGCCTATCAACTTTC
GATGGTAGATTACGGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGAGAATCAGGGTTTATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCA
CA
>HE6_SSU372021
ATGCATGTCTAAGCACAACCTTTATGAGTGAAGCCGCGAAAAGCTCATTACAACAGCCGTCGTTTCTTGGATCTCCATTCTCTACTTGG
ATAACTGTGGTAATTCTAGAGCTAATACATGCGATCAAGCTCCGAACTCACGTGACGAGTGCATTTATTAGAACAAGACCATCCGGCTT
CGGCCGTTCTTTGGTGAAGTACTCTGAATAACTACGCGAATCACATGGTCTCGCACCAGGATGATGATCTTTCAAAGTGTCTGCCTTATCAACT
TCCGATGGTAGTTTATGTGCCTACCATGGTTGTAACGGGTAACGGGAATAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCATGAGAAACGGCTA
CCACA