

ATR1	MDDSVNIPKINRLVLQNLIAGLSDGLILLENDGTIAWANKAALQMRHREAMPPELGEDAAA	60
LuxR	-----	0
CviR	-----	0
ATR3	-----	0
ATR1	YRRNFTLRYRNNHLLDEGQYPLERLLAGETFEDVTVEISPSGDEAECWVHTVRGLVLEDA	120
LuxR	-----	0
CviR	-----	0
ATR3	-----	0
ATR1	GAKPDVVLVIIRDETPRFEAEARFESAFNANPAPGLICRLEDKRFIRVNQGFLEMTGFSR	180
LuxR	-----	0
CviR	-----	0
ATR3	-----	0
ATR1	EEIIGISVEELGLFSEC DTG EDALKKLEDGRLIRQREALIPIPGGDRLV-----	229
LuxR	-----MNIKNNINANEKIIDKIKTCNN---	21
CviR	-----MVTSKPINA--R--PLPAGLTASQ	20
ATR3	-----MPKTE--R--QARLCRDLSA	16
	:	
ATR1	-----IVAGETIAVAEEPCLMFTFADLDGRRKAQNALRQSEERFFKSFRLSPVPAAISR	283
LuxR	NKDINQCLSEIAKI---IHCEYYLFA-----I-----IYPHSIIK	53
CviR	QWTLLEWIHMAGHIETEGELKAFLDNLSQAPS DRIILVLGRL-----NNQNQIQR	71
ATR3	AIDRPQWL AALQV-----MQAFSYSY-----VTLKLP SI-----RNA---YA	52
	:	
ATR1	LDDFVLMEVN---DAFLVLCGRNEAEVVGKTASELRLEWEDAGARRDLEKRLKD	333
LuxR	PDVSIIDNYPEKWR-KYYDDAGLLEYDPVVD---YSKSHSPINWNVFEKKT-----	101
CviR	MEKVLNVSYPDWL-NQYSQENFAQHDPIM---RIHLGQGPVWEERFSRA-----	118
ATR3	LPIVVESSLP-VWVVMAMTRD GELADCPVIK---RGASSMMPQYWSLDDKDI-----	100
	: . *	
ATR1	NIPIRDENMRMNL SGGGLAE CIVSAERAEINDQLCVIWA IQDVTERRRTENELIEAIESV	393
LuxR	-IKKESPNVIKEAQESGLITGFSFPIHTASNGFGMLSFAHSDK--DIYTDSLFLHAS---	155
CviR	-KGSEEKRFIAEASSNGMGSGITFSAASDRNNVGSILSIGGKE--PGRNAALV-----	168
ATR3	-NSGSLLEVSTLLRGMGITSGLLV PVNGMDG-NRHLMNFAGDC--DVLSQGS L-----	149
	. . * : : . : . . .	
ATR1	MTDTSWFSRTV---VERLAGLRQNSRGTTSSASLKD LTEREEQILSLICDGCSDKEMSDR	450
LuxR	-TNVPLMLPSLVDNYQKIN-----TTRKKS DSILTKREKECLAWASEGKSTWDISKI	206
CviR	-AMLNCLTPHLHQAAVRIAN-----LPPASPSNMPLSQREYDIFHWMSRGKTNWEIATI	221
ATR3	-NELCMIALHALEYDRLC-----RAGSKLPSPLTKRELDVVRWTAQGKTSVEIAEL	200
	: : : * : * * : . . * : : :	
ATR1	LNLSKHTIRNH IASLYGKIGVNRRTAAVIWARERGFTHREK*--	492
LuxR	LGCSERTVTFHLTNTQMKLNTTNRCQSISKAILTGAINCPYLKN*	250
CviR	LNISERTVKFHVANVIRKLNANNRTHAIVLGMHLAMTPREL VNG*	265
ATR3	LSISEHTVNTYMNNAIRKLDVCVNRAQLVAKTIRLGLIS*-----	238
	* . * : * : : : . * : . * : :	