

Additional file 2. 485 genes in the targeted-next generation sequencing panel

<i>ABAT</i>	<i>BDNF</i>	<i>CPA6</i>	<i>GABRA4</i>	<i>HSD17B10</i>	<i>MIB1</i>	<i>PEX5</i>	<i>SCN1B</i>	<i>ST3GAL3</i>
<i>ABCB1</i>	<i>BLVRB</i>	<i>CPS1</i>	<i>GABRA5</i>	<i>HTR1A</i>	<i>MMADHC</i>	<i>PEX6</i>	<i>SCN2A</i>	<i>ST3GAL5</i>
<i>ABCC2</i>	<i>BRAT1</i>	<i>CPT2</i>	<i>GABRA6</i>	<i>IDH2</i>	<i>MOCS1</i>	<i>PFKL</i>	<i>SCN2B</i>	<i>STK11</i>
<i>ABCC8</i>	<i>BRD2</i>	<i>CRH</i>	<i>GABRB2</i>	<i>IDS</i>	<i>MOCS2</i>	<i>PFKM</i>	<i>SCN3A</i>	<i>STRADA</i>
<i>ABCG2</i>	<i>BTD</i>	<i>CS</i>	<i>GABRB3</i>	<i>IER3IP1</i>	<i>MOG</i>	<i>PHF6</i>	<i>SCN3B</i>	<i>STXBP1</i>
<i>ACADM</i>	<i>C10ORF2</i>	<i>CSTB</i>	<i>GABRD</i>	<i>IL6ST</i>	<i>MR1</i>	<i>PHGDH</i>	<i>SCN4A</i>	<i>SUOX</i>
<i>ACMSD</i>	<i>C3</i>	<i>CTDP1</i>	<i>GABRG2</i>	<i>IMPA2</i>	<i>MSN</i>	<i>PHOX2A</i>	<i>SCN5A</i>	<i>SV2A</i>
<i>ACO2</i>	<i>CA1</i>	<i>CTSD</i>	<i>GABRR2</i>	<i>INA</i>	<i>MTHFR</i>	<i>PIGA</i>	<i>SCN7A</i>	<i>SYN1</i>
<i>ACOX1</i>	<i>CACNA1A</i>	<i>CUL4B</i>	<i>GAD1</i>	<i>IQSEC2</i>	<i>MTMR9</i>	<i>PIGL</i>	<i>SCN8A</i>	<i>SYNGAP1</i>
<i>ACP1</i>	<i>CACNA1E</i>	<i>CXCR1</i>	<i>GAMT</i>	<i>JRK</i>	<i>MTOR</i>	<i>PIGN</i>	<i>SCN9A</i>	<i>SYP</i>
<i>ACSF3</i>	<i>CACNA1G</i>	<i>CYP11A1</i>	<i>GATM</i>	<i>JUN</i>	<i>MTR</i>	<i>PIGO</i>	<i>SDHA</i>	<i>SYT11</i>
<i>ACTA2</i>	<i>CACNA1H</i>	<i>CYP3A4</i>	<i>GBA</i>	<i>KARS</i>	<i>MYO5C</i>	<i>PIGV</i>	<i>SEMA3A</i>	<i>SZT2</i>
<i>ACTB</i>	<i>CACNA2D2</i>	<i>CYP4F11</i>	<i>GC</i>	<i>KCNA1</i>	<i>NAGA</i>	<i>PIR</i>	<i>SEPSECS</i>	<i>TAP1</i>
<i>ACY1</i>	<i>CACNB4</i>	<i>D2HGDH</i>	<i>GCDH</i>	<i>KCND2</i>	<i>NDE1</i>	<i>PKHD1</i>	<i>SERPINI1</i>	<i>TBC1D24</i>
<i>ADAR</i>	<i>CACNG2</i>	<i>DBP</i>	<i>GCH1</i>	<i>KCNE2</i>	<i>NDP</i>	<i>PLCB1</i>	<i>SEZ6</i>	<i>TBCE</i>
<i>ADCK3</i>	<i>CALHM1</i>	<i>DCX</i>	<i>GCM2</i>	<i>KCNH5</i>	<i>NDUFV1</i>	<i>PLEC</i>	<i>SGCE</i>	<i>TBX1</i>
<i>ADK</i>	<i>CASK</i>	<i>DDC</i>	<i>GCSH</i>	<i>KCNH6</i>	<i>NEDD4L</i>	<i>PNKD</i>	<i>SHANK3</i>	<i>TCF4</i>
<i>ADORA1</i>	<i>CASP9</i>	<i>DEPDC5</i>	<i>GIPC3</i>	<i>KCNJ1</i>	<i>NGLY1</i>	<i>PNKP</i>	<i>SHBG</i>	<i>THUMPDI</i>
<i>ADRA1B</i>	<i>CASR</i>	<i>DGCR2</i>	<i>GJA1</i>	<i>KCNJ10</i>	<i>NHLRC1</i>	<i>PNPO</i>	<i>SLC12A1</i>	<i>TICAM1</i>
<i>ADSL</i>	<i>CBS</i>	<i>DGKD</i>	<i>GJD2</i>	<i>KCNJ11</i>	<i>NIPA2</i>	<i>POLG</i>	<i>SLC12A6</i>	<i>TK2</i>
<i>AFG3L2</i>	<i>CCDC88C</i>	<i>DHFR</i>	<i>GLB1</i>	<i>KCNJ6</i>	<i>NOS1</i>	<i>POLG2</i>	<i>SLC16A1</i>	<i>TLR3</i>
<i>AGTR2</i>	<i>CCL3</i>	<i>DIAPH3</i>	<i>GLDC</i>	<i>KCNK3</i>	<i>NPTX2</i>	<i>PPP1R3C</i>	<i>SLC17A5</i>	<i>TMEM67</i>
<i>ALDH4A1</i>	<i>CCL4</i>	<i>DLX2</i>	<i>GLRA1</i>	<i>KCNK9</i>	<i>NPY</i>	<i>PPT1</i>	<i>SLC17A7</i>	<i>TNF</i>
<i>ALDH5A1</i>	<i>CCM2</i>	<i>DLX5</i>	<i>GLRB</i>	<i>KCNMA1</i>	<i>NRXN1</i>	<i>PRF1</i>	<i>SLC19A3</i>	<i>TNS1</i>
<i>ALDH7A1</i>	<i>CDK5</i>	<i>DNM1</i>	<i>GLUD1</i>	<i>KCNQ2</i>	<i>NSDHL</i>	<i>PRICKLE1</i>	<i>SLC1A1</i>	<i>TPP1</i>
<i>ALG13</i>	<i>CDKL5</i>	<i>DPM1</i>	<i>GM2A</i>	<i>KCNQ3</i>	<i>NSF</i>	<i>PRICKLE2</i>	<i>SLC1A2</i>	<i>TPRXL</i>
<i>AMACR</i>	<i>CHD2</i>	<i>DPYS</i>	<i>GOSR2</i>	<i>KCNQ4</i>	<i>NTRK1</i>	<i>PRNP</i>	<i>SLC1A3</i>	<i>TREX1</i>
<i>AMT</i>	<i>CHGA</i>	<i>DYRK1A</i>	<i>GPHN</i>	<i>KCNT1</i>	<i>NTRK2</i>	<i>PRODH</i>	<i>SLC20A2</i>	<i>TRMT44</i>
<i>ANK3</i>	<i>CHRFAM7A</i>	<i>EEF1A2</i>	<i>GPR56</i>	<i>KCNV2</i>	<i>OPA1</i>	<i>PRRT2</i>	<i>SLC25A12</i>	<i>TRMU</i>
<i>ANKRD11</i>	<i>CHRNA2</i>	<i>EFHC1</i>	<i>GPR98</i>	<i>KCTD7</i>	<i>OPHN1</i>	<i>PSAP</i>	<i>SLC25A13</i>	<i>TRPM6</i>
<i>AP4E1</i>	<i>CHRNA4</i>	<i>EFHC2</i>	<i>GPX1</i>	<i>KDM5C</i>	<i>OPRM1</i>	<i>PSAT1</i>	<i>SLC25A22</i>	<i>TSC1</i>
<i>AQP4</i>	<i>CHRNA5</i>	<i>EGF</i>	<i>GRIA3</i>	<i>KLK1</i>	<i>OTX2</i>	<i>PSEN1</i>	<i>SLC2A1</i>	<i>TSC2</i>
<i>ARC</i>	<i>CHRNA7</i>	<i>EGR1</i>	<i>GRIK1</i>	<i>KRIT1</i>	<i>PAFAH1B1</i>	<i>PSEN2</i>	<i>SLC35A3</i>	<i>TSEN2</i>
<i>ARG1</i>	<i>CHRN2</i>	<i>EGR3</i>	<i>GRIK2</i>	<i>LICAM</i>	<i>PAH</i>	<i>PTEN</i>	<i>SLC35C1</i>	<i>TSEN34</i>
<i>ARHGEF15</i>	<i>CLCN2</i>	<i>EHMT1</i>	<i>GRIN1</i>	<i>LAMA2</i>	<i>PALLD</i>	<i>PTH</i>	<i>SLC46A1</i>	<i>TSEN54</i>
<i>ARHGEF9</i>	<i>CLCN4</i>	<i>EIF2AK3</i>	<i>GRIN2A</i>	<i>LAMB1</i>	<i>PANX1</i>	<i>PTS</i>	<i>SLC4A3</i>	<i>TSPO</i>
<i>ARSA</i>	<i>CLCNKB</i>	<i>ELOVL4</i>	<i>GRIN2B</i>	<i>LBR</i>	<i>PARK2</i>	<i>QDPR</i>	<i>SLC6A1</i>	<i>TUBA1A</i>
<i>ARX</i>	<i>CLEC18A</i>	<i>ELP4</i>	<i>GRM1</i>	<i>LGII</i>	<i>PC</i>	<i>RAB39B</i>	<i>SLC6A11</i>	<i>TUBA8</i>
<i>ASAH1</i>	<i>CLIC2</i>	<i>EMX2</i>	<i>GRN</i>	<i>LGI2</i>	<i>PCDH19</i>	<i>RANBP2</i>	<i>SLC6A13</i>	<i>TUBB2B</i>
<i>ASCL1</i>	<i>CLN3</i>	<i>EN2</i>	<i>HAX1</i>	<i>LGI4</i>	<i>PDCD10</i>	<i>RBFOX1</i>	<i>SLC6A19</i>	<i>TUBGCP6</i>
<i>ASIC1</i>	<i>CLN5</i>	<i>EPM2A</i>	<i>HCCS</i>	<i>LIAS</i>	<i>PDHA1</i>	<i>RBFOX3</i>	<i>SLC6A8</i>	<i>U2AF1</i>
<i>ASPA</i>	<i>CLN6</i>	<i>EPM2AIP1</i>	<i>HCFC1</i>	<i>LIFR</i>	<i>PDHX</i>	<i>RBPJ</i>	<i>SLC9A2</i>	<i>UBC</i>
<i>ASPM</i>	<i>CLN8</i>	<i>EXT1</i>	<i>HCN1</i>	<i>LMBRD1</i>	<i>PDXK</i>	<i>RCN2</i>	<i>SLC9A3</i>	<i>UBE2A</i>
<i>ASS1</i>	<i>CNP</i>	<i>FADD</i>	<i>HCN2</i>	<i>MANBA</i>	<i>PDYN</i>	<i>RDX</i>	<i>SLC9A6</i>	<i>UBE3A</i>
<i>ATIC</i>	<i>CNR1</i>	<i>FARS2</i>	<i>HCN4</i>	<i>MAOB</i>	<i>PEX1</i>	<i>RELN</i>	<i>SLC9A9</i>	<i>UBR5</i>
<i>ATN1</i>	<i>CNTF</i>	<i>FKTN</i>	<i>HDAC4</i>	<i>MAP2</i>	<i>PEX10</i>	<i>RHAG</i>	<i>SMARCA2</i>	<i>VAMP2</i>
<i>ATP1A2</i>	<i>CNTN2</i>	<i>FLNA</i>	<i>HEPACAM</i>	<i>MAPK3</i>	<i>PEX12</i>	<i>RHOA</i>	<i>SMARCA4</i>	<i>VLDLR</i>
<i>ATP1A3</i>	<i>CNTNAP2</i>	<i>FOLR1</i>	<i>HEXA</i>	<i>MBD5</i>	<i>PEX13</i>	<i>RMND1</i>	<i>SNIP1</i>	<i>VPS13A</i>
<i>ATP2A2</i>	<i>COG6</i>	<i>FOS</i>	<i>HEXB</i>	<i>MBTPS2</i>	<i>PEX14</i>	<i>RNASEH2A</i>	<i>SOBP</i>	<i>WARS</i>
<i>ATP6AP2</i>	<i>COG8</i>	<i>FOXG1</i>	<i>HLCS</i>	<i>ME2</i>	<i>PEX16</i>	<i>RNF213</i>	<i>SPAST</i>	<i>WDR45</i>
<i>ATP6V0A2</i>	<i>COL4A1</i>	<i>FUCA1</i>	<i>HMGCL</i>	<i>MECP2</i>	<i>PEX19</i>	<i>ROGDI</i>	<i>SPR</i>	<i>ZEB2</i>
<i>ATP7A</i>	<i>COL6A2</i>	<i>GABBR1</i>	<i>HNRNPU</i>	<i>MED17</i>	<i>PEX2</i>	<i>RPS6KA3</i>	<i>SPTAN1</i>	<i>GABRB1</i>
<i>AUH</i>	<i>COQ2</i>	<i>GABBR2</i>	<i>HOXA1</i>	<i>MEF2C</i>	<i>PEX26</i>	<i>SCARB2</i>	<i>SRGAP2</i>	<i>SLC12A5</i>

BCKDK *COQ9* *GABRA1* *HPD* *MFSD8* *PEX3* *SCN1A* *SRPX2*
