

Revealing the gut bacteriome of *Dendroctonus* bark beetles (Curculionidae: Scolytinae): diversity, core members and co-evolutionary patterns.

Juan Alfredo Hernández-García¹, Carlos Iván Briones-Roblero¹, Flor N. Rivera-Orduña^{*2}, and Gerardo Zúñiga^{*1}.

¹Laboratorio de Variación Biológica y Evolución. Departamento de Zoología, Escuela Nacional de Ciencias Biológicas, Instituto Politécnico Nacional. Prolongación de Carpio y Plan de Ayala s/n. Delegación Miguel Hidalgo. CP11340. México D. F.

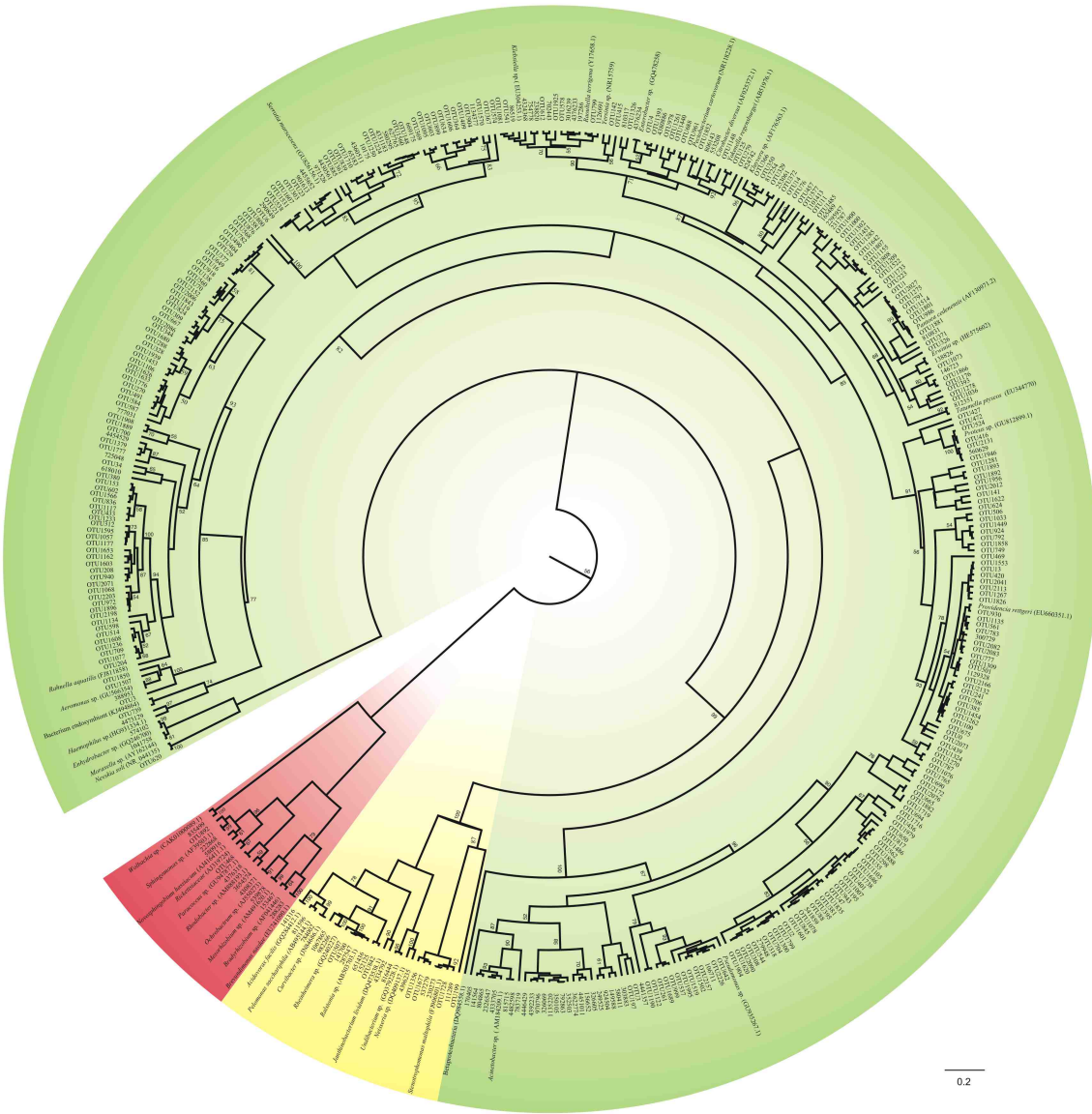
²Laboratorio de Ecología Microbiana. Departamento de Microbiología, Escuela Nacional de Ciencias Biológicas, Instituto Politécnico Nacional. Prolongación de Carpio y Plan de Ayala s/n. Delegación Miguel Hidalgo. CP11340. México D. F.

Short title: Gut bacterial communities of *Dendroctonus*

*Corresponding authors:

Flor Nohemí Rivera-Orduña: email: flor_1413@hotmail.com

Gerardo Zúñiga: email: capotezu@hotmail.com



● Alphaproteobacteria ● Betaproteobacteria ● Gammaproteobacteria

Supplementary material Figure 1. Maximum likelihood phylogeny of the 16S rRNA sequences of the gut bacterial communities of *Dendroctonus* species analysed. Numbers at the nodes are bootstrap values >0.5. Phylogeny sections are colour-code according to bacterial classes; it shows all OTU found belonging to the Proteobacteria Phylum.