



E

5' - CACAAGAACACAGGCTGGAAGCCAATGCTCTTGCAGGCTTCCGTCTCACAGAGGCTGCCTCAAAGC
 TAGGGCTACCTCGAAACCACACGCTATGGTCAAATTGTTCCAGCCTTTTCTGAAAGGAAGACGATTC
 AACTGCCGATGAGCTGTGATGTGAAGCAAGGGACAGCCCACGAGAAGCAGAGACTTCTCCAGCT
 TAGATGGAGAACCAGTAGTAACATTTATTCCCCCAATCCCCTTTGGAGACAGTAATTGAGGATCGGCC
 GCTCTAGAACTAGTGGATCCGGAACCCTTAATAAATTCGTATAATGTATGCTATACGAAGTTATTAG
 GTCCCTCGACCTGCAGCCCAAGCTAGCTTATCGATACCGTCGAGGGATAAGGAGCTCACGGAACCC
 CCACAACAGGACTTGTAACCTACACACCAGAGGTGTTTCTCTTGGATGGGCACATCCCTGAGCTTC
 TCTGGGCCTCAGCTTCCCATCTGGGCAATGGGCACATTTGACTCCAGGACTTTTAATTTTTCTCAATC
 AGGCAGAGTTTGGCATGACCACAAGGG - 3'

Figure S1