

	Sample no. 1	Sample no. 2	Sample no. 3	Sample no. 4	Sample no. 5	Sample no. 6	Summary		
							Mean	Total	Standard devia
Total number of sequence reads	55897	136460	135209	41435	43384	105193	86263	44820	
Sequence counts after Q30 quality filtering	45993	112385	111368	31938	35292	84552	70255	37280	
Median length of quality filtered sequences (without primer binding site and technical adapters)	72	72	72	63	72	72			
Sequence counts after OTU clustering and removal of singletons and those that failed to align with PyNASt	43812	104402	103257	28961	32601	80982	65669	34832	
Sequence counts after removal of unassigned OTUs and cyanobacterial chloroplasts (algal contaminations)	27514	56719	69941	20856	24654	49862	41591	20080	
Unique OTU observations	1298	1498	1561	954	892	1471		3405	
Number of taxa to which OTUs were assigned	346	352	352	262	266	326		543	

	Sample no. 1	Sample no. 2	Sample no. 3	Sample no. 4	Sample no. 5	Sample no. 6	Summary								
assigned taxa (k: kingdom; p: phylum; c: class; o: order; f: family; g: genus)	Relative abund Counts	Relative abund Counts	Relative abund Counts	Relative abund Counts	Relative abund Counts	Relative abund Counts	Mean relativ	Total count:	Standard devia						
k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Flavobacteriaceae;g__	9,9040	2725	10,9628	6218	10,5632	7388	9,1484	1908	9,0127	2222	26,2023	13065	12,6323	33526	6,69
k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Flavobacteriaceae;Other	8,3012	2284	7,5248	4268	11,0693	7742	3,6105	753	4,3685	1077	10,4549	5213	7,5549	21337	3,07
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhodobacterales;f__Rhodobacteraceae;g__	6,9565	1914	8,4857	4813	6,8100	4763	6,7031	1398	5,7962	1429	6,3255	3154	6,8462	17471	0,91
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Vibrionales;f__Pseudoalteromonadaceae;g__Pseudoalteromonas	6,0115	1654	6,6539	3774	3,7818	2645	1,0213	213	0,9491	234	6,6343	3308	4,1753	11828	2,69
k__Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Oscillatoriothrixaceae;o__Chroococcales;f__Xenococcaceae;g__	4,7976	1320	1,3029	739	6,6313	4638	4,4927	937	5,3744	1325	1,7187	857	4,0529	9816	2,10
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;Other;Other;Other	2,7150	747	2,6411	1498	4,7311	3309	6,2572	1305	5,8611	1445	1,3798	688	3,9309	8992	1,97
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Oceanospirillales;f__Endozoaicomonaceae;g__	2,9730	818	3,0554	1733	0,9808	686	1,9227	401	4,7944	1182	2,0617	1028	2,6313	5848	1,31
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhizobiales;Other;Other	2,7441	755	1,8248	1035	2,5850	1808	3,6536	762	2,8271	697	1,5062	751	2,5235	5808	0,77
k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Cytophagia;o__Cytophagales;f__Flammeovirgaceae;g__	2,0789	572	2,3608	1339	1,7472	1222	2,3159	483	2,7582	680	2,0878	1041	2,2248	5337	0,34
k__Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Synecococcophycidae;o__Pseudanabaenales;f__Pseudanabaenaceae;g__Halomicronema	0,9232	254	0,5342	303	1,3397	937	3,8119	795	5,0093	1235	0,4673	233	2,0143	3757	1,92
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhodospirillales;f__g__	2,1843	601	5,2734	2991	1,9731	1380	1,3953	291	0,9694	239	0,1604	80	1,9927	5582	1,76
k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Flavobacteriaceae;g__Maribacter	1,6210	446	2,4313	1379	1,5442	1080	1,0980	229	0,4421	109	3,0785	1535	1,7025	4778	0,94
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;Other;Other;Other	2,1044	579	2,7504	1560	1,3869	970	1,2562	262	1,2736	314	1,2294	613	1,6668	4298	0,63
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Alteromonadales;f__Colwelliaceae;g__	2,3152	637	3,3005	1872	1,1624	813	0,5610	117	0,5232	129	1,1752	586	1,5063	4154	1,09
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Thiotrichales;f__Piscirickettsiaceae;g__	1,2176	335	0,5818	330	1,7458	1221	2,2488	469	2,2025	543	0,5756	287	1,4287	3185	0,76
k__Bacteria;p__Tenericutes;c__Mollicutes;o__Mycoplasmatales;f__Mycoplasmataceae;g__Mycoplasma	1,2357	340	2,2303	1265	2,2162	1550	0,9781	204	0,7747	191	0,4252	212	1,3100	3762	0,76
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhodobacterales;f__Rhodobacteraceae;g__Loktanella	1,6937	466	2,6975	1530	1,3397	937	0,6185	129	0,4218	104	0,6097	304	1,2302	3470	0,87
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__f__g__	1,3157	362	0,6188	351	1,2839	898	1,4816	309	2,2025	543	0,4593	229	1,2270	2692	0,63
k__Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Oscillatoriothrixaceae;o__Chroococcales;Other;Other	1,8681	514	0,0599	34	3,2299	2259	1,1460	239	0,9329	230	0,0923	46	1,2215	3322	1,20
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhodobacterales;f__Rhodobacteraceae;Other	1,3484	371	1,9940	1131	0,9036	632	1,3042	272	0,6814	668	0,8243	411	1,1760	2985	0,48
k__Bacteria;p__Cyanobacteria;Other;Other;Other	0,8250	227	0,8163	463	0,9908	693	1,2514	261	1,6630	410	0,3610	180	0,9846	2234	0,44
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Vibrionales;f__Vibrionaceae;g__Vibrio	1,3520	372	1,9006	1078	0,9494	664	0,5130	107	0,2677	66	0,7501	374	0,9555	2661	0,59
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Alteromonadales;f__OM60;g__	0,7487	206	0,4513	256	1,2654	885	1,3761	287	1,3750	339	0,4533	226	0,9450	2199	0,45
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Thiohalorhabdiales;f__g__	1,4247	392	1,1248	638	0,9294	650	0,1822	38	0,0852	21	1,7749	885	0,9202	2624	0,67
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Epsilonproteobacteria;o__Campylobacteriales;f__Campylobacteraceae;g__Arcobacter	1,3339	367	2,4154	1370	0,6134	429	0,2637	55	0,1988	49	0,2066	103	0,8386	2373	0,89
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhodobacterales;f__Hyphomonadaceae;g__	0,4761	131	0,5466	310	0,6077	425	1,0549	220	1,1763	290	1,0469	522	0,8181	1898	0,31
k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Flavobacteriaceae;g__Kordia	0,3853	106	0,6717	381	0,1630	114	2,1529	449	0,3772	93	0,7882	393	0,7564	1536	0,72
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rickettsiales;f__Rickettsiaceae;g__	0,8032	221	0,1499	85	1,7572	1229	0,7192	150	0,5679	140	0,2246	112	0,7037	1937	0,58
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Sphingomonadales;f__Erythrobacteraceae;g__	0,3998	110	0,4672	265	0,3960	277	1,4816	309	1,3020	321	0,1203	60	0,6945	1342	0,56
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Betaproteobacteria;Other;Other;Other	0,5088	140	0,4954	281	0,2974	208	1,1028	230	1,4237	351	0,1905	95	0,6698	1305	0,49
k__Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Nostocophycidae;o__Stigonematales;f__Rivulariaceae;g__Rivularia	0,5161	142	0,2468	140	0,4647	325	0,9638	201	1,4886	367	0,3028	151	0,6638	1326	0,48
k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Flavobacteriaceae;g__Polaribacter	0,9377	258	0,4496	255	0,7335	513	0,3692	77	0,3204	79	0,8303	414	0,6068	1596	0,26
k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Saprosiriales;o__Saprosiriales;f__Saprosiraceae;g__	0,5088	140	0,4619	262	0,3675	257	0,3260	68	0,3326	82	1,6265	811	0,6039	1230	0,51
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhodospirillales;f__Rhodospirillaceae;g__Inquilinus	0,2508	69	0,1992	113	0,5776	404	1,0932	228	1,2817	316	0,2126	106	0,6025	1266	0,48
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Oceanospirillales;f__Halomonadaceae;g__Halomonas	0,4034	111	0,6030	342	0,5061	354	0,7528	157	0,8680	214	0,3309	165	0,5774	1343	0,21
k__Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Oscillatoriothrixaceae;o__Oscillatoriales;f__Phormidiaceae;Other	0,0800	22	0,0300	17	0,1301	91	1,8508	386	1,2250	302	0,0481	24	0,5607	842	0,78
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Enterobacteriales;f__Enterobacteriaceae;g__Erwinia	0,2908	80	0,1798	102	0,2902	203	1,2802	267	1,1276	278	0,1344	67	0,5505	997	0,51
k__Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Oscillatoriothrixaceae;o__Chroococcales;f__Xenococcaceae;Other	0,2799	77	0,1798	102	0,4003	280	1,8508	386	0,4097	101	0,1564	78	0,5462	1024	0,65
k__Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Synecococcophycidae;o__Pseudanabaenales;f__Pseudanabaenaceae;g__	0,5415	149	0,2574	146	0,6920	484	0,9350	195	0,4259	105	0,2226	111	0,5124	1190	0,27
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Alteromonadales;Other;Other	0,6942	191	0,3068	174	0,4289	300	0,7959	166	0,4867	120	0,3028	151	0,5026	1102	0,20
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Betaproteobacteria;o__Burkholderiales;f__Comamonadaceae;g__	0,3453	95	0,2645	150	0,1930	135	0,8343	174	1,1601	286	0,2006	100	0,4996	940	0,40
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Alteromonadales;f__Alteromonadaceae;g__Alteromonas	0,7778	214	0,2521	143	0,6863	480	0,2445	51	0,0973	24	0,7079	338	0,4560	1250	0,29
k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Saprosiriales;o__Saprosiriales;f__Chitinophagaceae;g__	0,3853	106	0,2098	119	0,2445	171	0,6329	132	0,9938	245	0,1604	80	0,4378	853	0,32
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhizobiales;f__Phyllobacteriaceae;g__	0,4470	123	0,5536	314	0,4475	313	0,5274	110	0,1825	45	0,4172	208	0,4292	1113	0,13
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Sphingomonadales;f__g__	0,2253	62	0,4020	228	0,4489	314	0,5610	117	0,6125	151	0,2788	139	0,4214	1011	0,15
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__f__g__	0,4289	118	0,2345	133	0,6162	431	0,4555	95	0,5760	142	0,1584	79	0,4116	998	0,18
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Thiotrichales;f__Thiotrichaceae;g__Cocleimonas	0,3089	85	0,1710	97	0,5805	406	0,2445	51	0,1501	37	0,9486	473	0,4006	1149	0,31
k__Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Nostocophycidae;Other;Other;Other	0,0182	5	0,0370	21	0,1244	87	1,1172	233	1,0465	258	0,0281	14	0,3952	618	0,53
k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Flavobacteriaceae;g__Flavobacterium	0,1599	44	0,2274	129	0,2230	156	0,6685	56	0,1704	42	1,1893	593	0,3731	1020	0,40
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Deltaproteobacteria;o__Desulfobacterales;f__Desulfobulbaceae;g__	0,4289	118	1,1989	680	0,0944	66	0,2062	43	0,0852	21	0,0481	24	0,3436	952	0,44
k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__g__	0,4071	112	0,2733	155	0,4489	314	0,4079	10	0,1339	33	0,2739	346	0,3342	970	0,23
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Epsilonproteobacteria;o__Campylobacteriales;f__g__	0,2799	77	0,2169	123	0,0643	45	0,1966	41	1,0546	260	0,1604	80	0,3288	626	0,36
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Chromatiales;f__g__	0,2435	67	0,2415	137	0,2445	171	0,5993	125	0,3245	80	0,2387	119	0,3153	699	0,14
k__Bacteria;p__Actinobacteria;c__Acidimicrobia;o__Acidimicrobiales;Other;Other	0,4470	123	0,1552	88	0,3760	263	0,4076	85	0,2069	51	0,2006	100	0,2989	710	0,13
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Deltaproteobacteria;o__Myxococcales;f__Nannocystaceae;g__Plesiocystis	0,0800	22	0,1922	109	0,2759	193	0,3356	70	0,						

k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Alteromonadales;f__Alteromonadaeae;Other	0,3598	99	0,4090	232	0,3532	247	0,1007	21	0,1582	39	0,3369	168	0,2863	806	0,13
k_Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Oscillatoriophycideae;o__Oscillatoriales;f__Phormidiaceae;g__	0,1490	41	0,0282	16	0,2717	190	0,2349	49	0,9329	230	0,0662	33	0,2805	559	0,33
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Oceanospirillales;f__Oceanospirillaceae;g__Marinomonas	0,4616	127	0,4443	252	0,1258	88	0,0863	18	0,0608	15	0,4974	248	0,2794	748	0,21
k_Bacteria;p__Planctomycetes;c__Phycisphaerae;o__Phycisphaerales;f__g__	0,2326	64	0,2821	160	0,2073	145	0,3452	72	0,5435	134	0,0341	17	0,2741	592	0,17
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhodobacterales;f__Rhodobacteraceae;g__Rhodovulum	0,2653	73	0,1622	92	0,3017	211	0,4171	87	0,2150	53	0,2306	115	0,2653	631	0,09
k_Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Oscillatoriophycideae;Other;Other;Other	0,2581	71	0,1657	94	0,1802	126	0,3836	80	0,4421	109	0,1263	63	0,2593	543	0,13
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__BD7-3;f__g__	0,3017	83	0,4108	233	0,2216	155	0,2110	44	0,2839	70	0,1123	56	0,2569	641	0,10
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Kordiimonadales;f__Kordiimonadaeae;g__	0,1999	55	0,0494	28	0,1387	97	0,3165	66	0,5841	144	0,2407	120	0,2549	510	0,19
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Flavobacteriaceae;g__Tenacibaculum	0,0800	22	0,1146	65	0,2474	173	0,0479	10	0,0162	4	1,8088	503	0,2525	777	0,38
k_Bacteria;p__Actinobacteria;c__Acidimicrobia;o__Acidimicrobiales;f__g__	0,2544	70	0,1093	62	0,3031	212	0,4459	93	0,3326	82	0,0501	25	0,2492	544	0,15
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Oceanospirillales;f__Oceanospirillaceae;Other	0,3744	103	0,2010	114	0,5691	398	0,0959	20	0,1014	25	0,1464	73	0,2480	733	0,19
k_Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Synechococcophycideae;o__Pseudanabaenales;f__Pseudanabaenaceae;g__Leptolyngbya	0,1854	51	0,0423	24	0,2002	140	0,4939	103	0,4746	117	0,0882	44	0,2474	479	0,19
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Betaproteobacteria;o__Burkholderiales;f__Burkholderiaceae;g__Burkholderia	0,4325	119	0,2045	116	0,0815	57	0,3308	69	0,3934	97	0,0241	12	0,2445	470	0,17
k_Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Gloeobacterophycideae;o__Gloeobacterales;f__Gloeobacteraceae;g__Gloeobacter	0,0545	15	0,0282	16	0,0958	67	0,7240	151	0,4827	119	0,0802	40	0,2442	408	0,29
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Thiotrichales;f__Thiotrichaceae;g__	0,2835	78	0,2363	134	0,2474	173	0,1295	27	0,0649	16	0,4914	245	0,2421	673	0,15
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Legionellales;f__Francisellaceae;g__	0,3017	83	0,1657	94	0,0743	52	0,4267	89	0,2069	51	0,0842	42	0,2099	411	0,14
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Oceanospirillales;Other;Other	0,0545	15	0,0511	29	0,0529	37	1,0357	216	0,0203	5	0,0361	18	0,2084	320	0,41
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Alteromonadales;f__Shewanellaceae;g__Shewanella	0,1890	52	0,2345	133	0,1816	127	0,1247	26	0,1704	42	0,3289	164	0,2048	544	0,07
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Thiotrichales;f__Thiotrichaceae;g__Leucothrix	0,0763	21	0,0846	48	0,1830	128	0,0384	8	0,0000	0	0,8483	421	0,2044	626	0,32
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhodobacterales;f__Rhodobacteraceae;g__Thalassobacter	0,4071	112	0,1499	85	0,3517	246	0,0719	15	0,0000	0	0,2286	114	0,2015	572	0,16
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Pseudomonadales;f__Moraxellaceae;Other	0,1054	29	0,1481	84	0,1072	75	0,0096	2	0,7585	187	0,0742	37	0,2005	414	0,28
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhodospirillales;f__Rhodospirillaceae;g__	0,0763	21	0,1816	103	0,2145	150	0,2877	60	0,4016	99	0,0201	10	0,1969	443	0,14
k_Bacteria;p__Actinobacteria;c__Actinobacteria;o__Actinomycetales;f__Propionibacteriaceae;g__Propionibacterium	0,1308	36	0,0547	31	0,0743	52	0,4507	94	0,3894	96	0,0281	14	0,1880	323	0,18
k_Bacteria;p__Actinobacteria;c__Acidimicrobia;o__Acidimicrobiales;f__C111;g__	0,2108	58	0,5554	315	0,1387	97	0,0048	1	0,0243	6	0,1885	94	0,1871	571	0,20
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Deltaproteobacteria;o__Myxococcales;f__g__	0,2435	67	0,3491	198	0,1029	72	0,1822	38	0,0649	16	0,1143	57	0,1762	448	0,11
k_Bacteria;p__Planctomycetes;c__Planctomycetia;o__Pirellulales;f__Pirellulaceae;g__	0,1417	39	0,2045	116	0,2445	171	0,2062	43	0,1257	31	0,1304	65	0,1755	465	0,05
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Pseudomonadales;f__Moraxellaceae;g__Acinetobacter	0,1745	48	0,0917	52	0,0686	48	0,2014	42	0,4421	109	0,0722	36	0,1751	335	0,14
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Thiotrichales;f__Piscirickettsiaceae;g__Methylophaga	0,2762	76	0,1904	108	0,2502	175	0,0000	0	0,0365	9	0,2788	139	0,1720	507	0,12
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Oceanospirillales;f__Oceanospirillaceae;g__	0,1090	30	0,2433	138	0,0772	54	0,0000	0	0,1217	30	0,4232	211	0,1624	463	0,15
k_Bacteria;p__Firmicutes;c__Bacilli;o__Bacillales;f__Staphylococcales;g__Staphylococcus	0,1563	43	0,0247	14	0,0372	26	0,1151	24	0,5922	146	0,0100	5	0,1559	258	0,22
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Enterobacteriales;f__Enterobacteriaceae;Other	0,2726	75	0,2433	138	0,1187	83	0,1774	37	0,0284	7	0,0943	47	0,1558	387	0,09
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Betaproteobacteria;o__Burkholderiales;f__Oxalobacteraceae;g__Ralstonia	0,2181	60	0,1516	86	0,0615	43	0,3021	63	0,1663	41	0,0221	11	0,1536	304	0,10
k_Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Oscillatoriophycideae;o__Chroococcales;f__Cyanobacteriaceae;g__	0,0836	23	0,0353	20	0,1273	89	0,0000	0	0,4421	109	0,2106	105	0,1498	346	0,16
k_Bacteria;p__Verrucomicrobia;c__Verrucomicrobiae;o__Verrucomicrobiales;f__Verrucomicrobiaceae;g__Persicirhabdus	0,1745	48	0,1604	91	0,3374	236	0,0479	10	0,0122	3	0,1484	74	0,1468	462	0,11
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Alteromonadales;f__Colwelliaceae;g__Thalassomonas	0,0945	26	0,1781	101	0,0515	36	0,2062	43	0,2555	63	0,0802	40	0,1443	309	0,08
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Enterobacteriales;f__Enterobacteriaceae;g__	0,0909	25	0,1463	83	0,0701	49	0,2589	54	0,1217	30	0,1725	86	0,1434	327	0,07
k_Bacteria;p__Planctomycetes;c__Phycisphaerae;o__Phycisphaerales;f__Phycisphaeraeae;g__	0,0472	13	0,0934	53	0,1730	121	0,1343	28	0,3610	89	0,0341	17	0,1405	321	0,12
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Bacteroidia;o__Bacteroidales;f__g__	0,1381	38	0,0511	29	0,2273	159	0,2685	56	0,0041	1	0,1524	76	0,1403	359	0,10
k_Bacteria;p__Verrucomicrobia;c__Verrucomicrobiae;o__Verrucomicrobiales;f__Verrucomicrobiaceae;g__Rubritalea	0,2799	77	0,0529	30	0,1430	100	0,2110	44	0,1014	25	0,0401	20	0,1380	296	0,09
k_Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Oscillatoriophycideae;o__Chroococcales;f__Cyanobacteriaceae;g__	0,3162	87	0,0000	0	0,3975	278	0,0000	0	0,0690	17	0,0100	5	0,1321	287	0,18
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Flavobacteriaceae;g__Winogradskyella	0,1526	42	0,2345	133	0,0958	67	0,0959	20	0,0649	16	0,1464	73	0,1317	351	0,06
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Sphingomonadales;f__Erythrobacteraceae;g__Erythrobacter	0,0545	15	0,0846	48	0,0629	44	0,2685	56	0,2434	60	0,0722	36	0,1310	259	0,10
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Kiloniellales;f__g__	0,0691	19	0,0617	35	0,1230	86	0,1630	34	0,3002	74	0,0341	17	0,1252	265	0,10
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Legionellales;f__Coxiellaceae;g__	0,0945	26	0,0846	48	0,1473	103	0,1582	33	0,2190	54	0,0401	20	0,1240	284	0,06
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Cryomorphaceae;g__Brumimicrobium	0,0254	7	0,0441	25	0,0500	35	0,0336	7	0,0568	14	0,5214	260	0,1219	348	0,20
k_Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Synechococcophycideae;o__Pseudanabaenales;f__Pseudanabaenaceae;Other	0,1563	43	0,0758	43	0,0472	33	0,2493	52	0,1785	44	0,0241	12	0,1219	227	0,09
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Alphaproteobacteria;o__Rhizobiales;f__Hyphomicrobiaceae;g__	0,1490	41	0,0934	53	0,2402	168	0,1103	23	0,0690	17	0,0602	30	0,1203	332	0,07
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Flavobacteriaceae;g__Mesonia	0,1745	48	0,1393	79	0,1244	87	0,0240	5	0,0284	7	0,2086	104	0,1165	330	0,08
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__[Saprosiprae];o__[Saprosiprales];f__Chitinophagaceae;g__Sedimimicrobium	0,0654	18	0,0740	42	0,0972	68	0,1678	35	0,2312	57	0,0602	30	0,1160	250	0,07
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Cryomorphaceae;g__Fluviicola	0,0036	1	0,0194	11	0,0057	4	0,0000	0	0,0000	0	0,6498	324	0,1131	340	0,26
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__HTCC2188;f__HTCC2089;g__	0,1417	39	0,1763	100	0,0715	50	0,0240	5	0,1298	32	0,1344	67	0,1129	293	0,06
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Cytophagia;o__Cytophagales;f__Flammeovirgaceae;g__Fulvivirga	0,1236	34	0,1975	112	0,1130	79	0,0288	6	0,1988	49	0,0160	8	0,1129	288	0,08
k_Bacteria;p__Planctomycetes;c__OM190;o__CL500-15;f__g__	0,1018	28	0,1640	93	0,1273	89	0,0527	11	0,1420	35	0,0862	43	0,1123	299	0,04
k_Bacteria;p__Acidobacteria;c__Solibacteres;o__Solibacterales;f__PAUC26;g__	0,0836	23	0,1217	69	0,1673	117	0,1438	30	0,1217	30	0,0140	7	0,1087	276	0,05
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Deltaproteobacteria;o__NB1-j;f__JT38;g__	0,1127	31	0,0705	40	0,0743	52	0,1678	35	0,1176	29	0,1003	50	0,1072	237	0,04
k_Bacteria;p__Chlamydiae;c__Chlamydiae;o__Chlamydiales;f__Simkaniaeae;g__Simkania	0,0727	20	0,1305	74	0,1072	75	0,0336	7	0,2920	72	0,0060	3	0,1070	251	0,10
k_Bacteria;p__Planctomycetes;c__Planctomycetia;o__Planctomycetales;f__Planctomycetaceae;g__Planctomycetes	0,0545	15	0,1305	74	0,0772	54	0,1678	35	0,1825	45	0,0140	7	0,1044	230	0,07
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__[Marinicellales];f__[Marinicellaceae];g__Marinicella	0,0472	13	0,1040	59	0,1330	93	0,0527	11	0,0973	24	0,1865	93	0,1035	293	0,05
k_Bacteria;p__Acidobacteria;c__Sva0725;o__Sva0725;f__g__	0,1526	42	0,0317	18	0,1644	115	0,1486	31	0,0324	8	0,0782	39	0,1014	253	0,06
k_Bacteria;p__Firmicutes;c__Clostridia;o__Clostridiales;Other;Other	0,1272	35	0,1675	95	0,1187	83	0,0000	0	0,0284	7	0,1584	79	0,1000	299	0,07
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__HTCC2188;f__HTCC2089;Other	0,1381	38	0,0635	36	0,0901	63	0,1343	28	0,0243	6	0,1243	62	0,0958	233	0,05
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Gammaproteobacteria;o__Alteromonadales;f__Alteromonadaeae;g__Spongibacter	0,0800	22	0,0159	9	0,1287	90	0,1822	38	0,1663	41	0,0000	0	0,0955	200	0,08
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Alteromonadales;f__OM60;Other	0,0109	3	0,1164	66	0,0758	53	0,0144	3	0,0081	2	0,3329	166	0,0931	293	0,13
k_Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__HOC36;f__g__	0,0618	17	0,1234	70	0,0157	11	0,1247	26	0,2231	55	0,0080	4	0,0928	183	0,08
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Cytophagia;o__Cytophagales;f__Flammeovirgaceae;g__Roseivirga	0,0582	16	0,0582	33	0,0958	67	0,1199	25	0,1582	29	0,0602	30	0,0917	210	0,04
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Cryomorphaceae;Other	0,0872	24	0,1375	78	0,0200	14	0,0479	10	0,1014	25	0,1424	71	0,0894	222	0,05
k_Bacteria;p__Verrucomicrobia;c__Verrucomicrobiae;o__Verrucomicrobiales;f__Verrucomicrobiaceae;g__	0,1090	30	0,1040	59	0,0929	65	0,0527	11	0,0608	15	0,1143	57	0,0890	237	0,03
k_Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Cryomorphaceae;g__	0,0291	8	0,0529	30	0,0472	33	0,0000	0	0,0284	7	0,3750	187	0,0888	265	0,14
k_B															

k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_[Saprosirae];o_[Saprosirales];f_Saprosiraceae;g_Lewinella	0,0254	7	0,0247	14	0,0500	35	0,0048	1	0,0162	4	0,3510	175	0,0787	236	0,13
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Oceanospirillales;f_Oceanospirillaceae;g_Oleibacter	0,0800	22	0,0864	49	0,0100	7	0,0096	2	0,2190	54	0,0662	33	0,0785	167	0,08
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Sphingomonadales;f_Sphingomonadaceae;Other	0,1054	29	0,0194	11	0,1144	80	0,1055	22	0,0406	10	0,0742	37	0,0766	189	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_[Marinicellales];f_[Marinicellaceae];g__	0,0145	4	0,0035	2	0,0415	29	0,2541	53	0,1136	28	0,0281	14	0,0759	130	0,10
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Verrucomicrobiae;o_Verrucomicrobiales;f_Verrucomicrobiaceae;g_Verrucomicrobium	0,0545	15	0,0970	55	0,0629	44	0,1007	21	0,0284	7	0,1003	50	0,0740	192	0,03
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Lactobacillales;f_Streptococcaceae;g_Streptococcus	0,0691	19	0,0123	7	0,0686	48	0,1007	21	0,1541	38	0,0341	17	0,0732	150	0,05
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Vibrionales;f_Vibrionaceae;Other	0,0909	25	0,1005	57	0,0400	28	0,0288	6	0,0284	7	0,1083	54	0,0661	177	0,04
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Acidimicrobia;o_Acidimicrobiales;f_JdFBG_Bact_g__	0,0618	17	0,1375	78	0,1358	95	0,0000	0	0,0162	4	0,0441	22	0,0659	216	0,06
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Alteromonadaceae;g_HTCC2207	0,0800	22	0,2415	137	0,0000	0	0,0384	8	0,0243	6	0,0060	3	0,0650	176	0,09
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_[Saprosirae];o_[Saprosirales];f_g__	0,0363	10	0,0247	14	0,0686	48	0,0000	0	0,0203	5	0,2326	116	0,0638	193	0,09
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_[Methylacidiphilae];o_Methylacidiphilales;f_LD19;g__	0,0182	5	0,0000	0	0,0715	50	0,1103	23	0,0811	20	0,1003	50	0,0636	148	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Burkholderiales;f_Comamonadaceae;Other	0,1163	32	0,0370	21	0,0143	10	0,0479	10	0,1339	33	0,0180	9	0,0612	115	0,05
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_[Tissierellaceae];g_Anaerococcus	0,0763	21	0,0176	10	0,0214	15	0,1390	29	0,0730	18	0,0341	17	0,0603	110	0,05
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Opitutae;o_[Pelagicoccales];f_[Pelagicocaceae];g_Pelagicoccus	0,0727	20	0,0088	5	0,0257	18	0,0767	16	0,1541	38	0,0201	10	0,0597	107	0,05
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Flammeovirgaceae;Other	0,0654	18	0,0035	2	0,0829	58	0,0527	11	0,0406	10	0,1083	54	0,0589	153	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacterales;f_Rhodobacteraceae;g-Octadecabacter	0,0981	27	0,1745	99	0,0229	16	0,0144	3	0,0000	0	0,0401	20	0,0583	165	0,07
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Opitutae;o_Puniciceoccales;f_Puniciceocaceae;g_Coraliomargarita	0,1199	33	0,0882	50	0,0543	38	0,0575	12	0,0000	0	0,0301	15	0,0583	148	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Thiotrichales;f_Piscirickettsiaceae;g_Thiomicrospira	0,0000	0	0,0194	11	0,0057	4	0,0240	5	0,0000	0	0,2908	145	0,0566	165	0,12
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Corynebacteriaceae;g_Corynebacterium	0,0763	21	0,0159	9	0,0243	17	0,1774	37	0,0406	10	0,0000	0	0,0557	94	0,07
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Sphingomonadales;f_Sphingomonadaceae;g__	0,0800	22	0,0176	10	0,1172	82	0,0000	0	0,0649	16	0,0441	22	0,0540	152	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pseudomonadales;f_Pseudomonadaceae;g_Pseudomonas	0,0327	9	0,0599	34	0,0758	53	0,0384	8	0,0203	5	0,0802	40	0,0512	149	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;Other;Other;Other	0,0291	8	0,0071	4	0,0014	1	0,1582	33	0,0973	24	0,0100	5	0,0505	75	0,06
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pseudomonadales;f_Moraxellaceae;g_Psychrobacter	0,1308	36	0,0617	35	0,0214	15	0,0000	0	0,0446	11	0,0441	22	0,0505	119	0,04
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Opitutae;o_f_g__	0,0618	17	0,1446	82	0,0315	22	0,0144	3	0,0365	9	0,0080	4	0,0495	137	0,05
k_Bacteria;p_Spirochaetes;c_[Leptosirae];o_[Leptosirales];f_Leptosiraceae;g_Leptonema	0,0291	8	0,0388	22	0,1230	86	0,1007	21	0,0000	0	0,0020	1	0,0489	138	0,05
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Epsilonproteobacteria;o_Campylobacterales;f_Helicobacteraceae;g__	0,0073	2	0,0476	27	0,0071	5	0,0096	2	0,1785	44	0,0401	20	0,0484	100	0,07
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Oceanospirillales;f_Alcanivoraceae;g_Alcanivorax	0,1054	29	0,0529	30	0,0901	63	0,0048	1	0,0365	9	0,0000	0	0,0483	132	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Colwelliaceae;Other	0,0472	13	0,0617	35	0,0329	23	0,0384	8	0,0446	11	0,0642	32	0,0482	122	0,01
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_o_f_g__	0,0218	6	0,0899	51	0,0429	30	0,0671	14	0,0365	9	0,0301	15	0,0481	125	0,03
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Opitutae;o_[Cerasicoccales];f_[Cerasicocaceae];g__	0,0218	6	0,0458	26	0,1244	87	0,0863	18	0,0081	2	0,0000	0	0,0477	139	0,05
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteria;o_Flavobacteriales;Other;Other	0,0691	19	0,0335	19	0,0729	51	0,0336	7	0,0649	16	0,0080	4	0,0470	116	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_g__	0,0400	11	0,0159	9	0,0858	60	0,0767	16	0,0446	11	0,0120	6	0,0458	113	0,03
k_Bacteria;p_Chlamydiae;c_Chlamydia;o_Chlamydiales;f_Simkaniaceae;Other	0,0545	15	0,1604	91	0,0186	13	0,0144	3	0,0000	0	0,0261	13	0,0457	135	0,06
k_Bacteria;p_Tenericutes;c_Mollicutes;o_Mycoplasmatales;f_Mycoplasmataceae;g_Candidatus Hepatoplasma	0,0472	13	0,0882	50	0,0272	19	0,0527	11	0,0284	7	0,0281	14	0,0453	114	0,02
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;o_SBR1031;f_A4b;g__	0,1018	28	0,1128	64	0,0200	14	0,0000	0	0,0324	8	0,0000	1	0,0448	115	0,05
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_HTCC2188;g_HTCC	0,0582	16	0,0511	29	0,0758	53	0,0048	1	0,0649	16	0,0140	7	0,0448	122	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Burkholderiales;Other;Other	0,0763	21	0,0264	15	0,0129	9	0,0575	12	0,0649	16	0,0201	10	0,0430	83	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Thiotrichales;f_Thiotrichaceae;g_Thiothrix	0,0545	15	0,0458	26	0,0243	17	0,0000	0	0,0000	0	0,1304	65	0,0425	123	0,05
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacterales;Other;Other	0,0472	13	0,0088	5	0,0558	39	0,0671	14	0,0690	17	0,0040	2	0,0420	90	0,03
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Bacillales;f_Planococaceae;Other	0,0363	10	0,0370	21	0,0272	19	0,1103	23	0,0243	6	0,0060	3	0,0402	82	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Caulobacterales;f_Caulobacteraceae;g__	0,0218	6	0,0071	4	0,0157	11	0,0575	12	0,1136	28	0,0201	10	0,0393	71	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Sva0853;f_g__	0,0182	5	0,0247	14	0,0071	5	0,0479	10	0,1014	25	0,0361	18	0,0392	77	0,03
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Verrucomicrobiae;o_Verrucomicrobiales;f_Verrucomicrobiaceae;g_MSBL3	0,1054	29	0,0423	24	0,0486	34	0,0000	0	0,0000	0	0,0381	19	0,0391	106	0,04
k_Bacteria;p_Chlorobi;c_OPB56;o_f_g__	0,0691	19	0,0987	56	0,0515	36	0,0000	0	0,0000	0	0,0120	6	0,0385	117	0,04
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteria;o_Flavobacteriales;f_Cryomorphaceae;g_Owenweeksia	0,0400	11	0,0353	20	0,0872	61	0,0000	0	0,0406	10	0,0261	13	0,0382	115	0,03
k_Bacteria;p_Acidobacteria;c_[Chloracidobacteria];o_RB41;f_Ellin6075;g__	0,0327	9	0,0247	14	0,0815	57	0,0000	0	0,0284	7	0,0582	29	0,0376	116	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Oceanospirillales;f_Halomonadaceae;g_Candidatus Portiera	0,0472	13	0,0476	27	0,0658	46	0,0000	0	0,0284	7	0,0361	18	0,0375	111	0,02
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Verrucomicrobiae;o_Verrucomicrobiales;f_Verrucomicrobiaceae;g_Haloferula	0,0727	20	0,0300	17	0,0486	34	0,0527	11	0,0162	4	0,0000	0	0,0367	86	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Alteromonadaceae;g__	0,0654	18	0,0071	4	0,0372	26	0,0000	0	0,0000	0	0,1063	53	0,0360	101	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Chromatiales;f_Chromatiaceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,2158	45	0,0000	0	0,0000	0	0,0360	45	0,09
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Alteromonadaceae;g_Marinobacter	0,0327	9	0,0476	27	0,0143	10	0,1103	23	0,0000	0	0,0100	5	0,0358	74	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Phyllobacteriaceae;Other	0,0291	8	0,0353	20	0,0114	8	0,0432	9	0,0608	15	0,0301	15	0,0350	75	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Spirobacillales;f_g__	0,0872	24	0,0141	8	0,0143	10	0,0192	4	0,0690	17	0,0060	3	0,0350	66	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rickettsiales;f_g__	0,0618	17	0,0282	16	0,0272	19	0,0432	9	0,0243	6	0,0221	11	0,0345	78	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Myxococcales;f_0319-6G20;g__	0,0036	1	0,0353	20	0,0129	9	0,0000	0	0,1541	38	0,0000	0	0,0343	68	0,06
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;o_OPB11;f_g__	0,0291	8	0,0071	4	0,0315	22	0,0288	6	0,0952	27	0,0000	0	0,0343	67	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Legionellales;f_g__	0,1127	31	0,0176	10	0,0014	1	0,0000	0	0,0527	13	0,0040	2	0,0314	57	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_TA18;o_CV90;f_g__	0,0000	0	0,0159	9	0,0000	0	0,1534	32	0,0000	0	0,0180	9	0,0312	50	0,06
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_PB19;f_g__	0,0182	5	0,0053	3	0,0300	21	0,0863	18	0,0446	11	0,0020	1	0,0311	59	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pseudomonadales;f_Pseudomonadaceae;Other	0,0618	17	0,0141	8	0,0114	8	0,0671	14	0,0284	7	0,0020	1	0,0308	55	0,03
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;o_DRC31;f_g__	0,0218	6	0,0846	48	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0782	39	0,0308	93	0,04
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_BME43;o_f_g__	0,0254	7	0,0176	10	0,0000	0	0,0048	1	0,0000	0	0,1364	68	0,0307	86	0,05
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteria;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Arenibacter	0,0109	3	0,0635	36	0,0329	23	0,0479	10	0,0000	0	0,0241	12	0,0299	84	0,02
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteria;o_Flavobacteriales;f_[Weeksellaceae];Other	0,0073	2	0,0035	2	0,0000	0	0,0144	3	0,1460	36	0,0040	2	0,0292	45	0,06
k_Bacteria;p_Gemmatimonadetes;c_Gemm-2;o_f_g__	0,0545	15	0,0476	27	0,0458	32	0,0144	3	0,0122	3	0,0000	0	0,0291	80	0,02
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_[Spartobacteria];o_[Chthoniobacteriales];f_[Chthoniobacteraceae];g_DA101	0,0363	10	0,0423	24	0,0243	17	0,0000	0	0,0690	17	0,0020	1	0,0290	69	0,03
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_OM190;o_agg27;f_g__	0,0327	9	0,0441	25	0,0272	19	0,0000	0	0,0000	0	0,0682	34	0,0287	87	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Myxococcales;f_Haliangiaceae;g__	0,0509	14	0,0141	8	0,0500	35	0,0000	0	0,0000	0	0,0521	26	0,0279	83	0,03
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Acidimicrobia;o_Acidimicrobiales;f_SC3-41;g__	0,0000	0	0,0441	25	0,0200	14	0,0575	12	0,0000	0	0,0441	22	0,0276	73	0,02

k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_[Tissierellaceae];g_Finegoldia	0,0254	7	0,0088	5	0,0186	13	0,0623	13	0,0406	10	0,0060	3	0,0270	51	0,02
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Verruco-5;o_R76-B128;f_g	0,0182	5	0,1375	78	0,0057	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0269	87	0,05
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodospirillales;f_Rhodospirillaceae;g_Rhodovibrio	0,0036	1	0,0071	4	0,0157	11	0,1007	21	0,0324	8	0,0000	0	0,0266	45	0,04
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Bdellovibrionales;f_Bdellovibrionaceae;g_Bdellovibrio	0,0327	9	0,0159	9	0,0458	32	0,0288	6	0,0162	4	0,0201	10	0,0266	70	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Cryomorphaceae;g_Cryomorpha	0,0254	7	0,0071	4	0,0214	15	0,0479	10	0,0446	11	0,0120	6	0,0264	53	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_HTCC2188;g	0,0327	9	0,0106	6	0,0958	67	0,0144	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0256	85	0,04
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Bacillales;f_Exiguobacteraceae;g_Exiguobacterium	0,0000	0	0,0106	6	0,0172	12	0,0671	14	0,0568	14	0,0000	0	0,0253	46	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Legionellales;f_Coxiellaceae;Other	0,0000	0	0,0529	30	0,0658	46	0,0000	0	0,0284	7	0,0040	2	0,0252	85	0,03
k_Bacteria;p_Lentisphaerae;c_[Lentisphaeria];o_Lentisphaerales;f_Lentisphaeraceae;g	0,0036	1	0,0035	2	0,0157	11	0,0000	0	0,1257	31	0,0000	0	0,0248	45	0,05
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Gillisia	0,0582	16	0,0018	1	0,0214	15	0,0144	3	0,0365	9	0,0160	8	0,0247	52	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pseudomonadales;f_Pseudomonadaceae;g	0,0327	9	0,0141	8	0,0472	33	0,0144	3	0,0284	7	0,0080	4	0,0241	64	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Sva0853;f_JTB36;g	0,0763	21	0,0018	1	0,0429	30	0,0144	3	0,0000	0	0,0080	4	0,0239	59	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Bdellovibrionales;f_Bacteriovoracaceae;g	0,0400	11	0,0000	0	0,0586	41	0,0336	7	0,0000	0	0,0100	5	0,0237	64	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Thiotrichales;Other;Other	0,0109	3	0,0423	24	0,0086	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0802	40	0,0237	73	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_[Chromatiaceae];g_Rheinheimera	0,0472	13	0,0106	6	0,0257	18	0,0000	0	0,0000	0	0,0562	28	0,0233	65	0,02
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;o_Caldilineales;f_Caldilineaceae;g	0,0000	0	0,0335	19	0,0014	1	0,0671	14	0,0000	0	0,0361	18	0,0230	52	0,03
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Veillonellaceae;g_Veillonella	0,0436	12	0,0212	12	0,0343	24	0,0288	6	0,0000	0	0,0100	5	0,0230	59	0,02
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_[Tissierellaceae];g_Peptoniphilus	0,0509	14	0,0088	5	0,0129	9	0,0479	10	0,0000	0	0,0140	7	0,0224	45	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Bradyrhizobiaceae;g_Bosea	0,0000	0	0,0053	3	0,0257	18	0,0671	14	0,0203	5	0,0160	8	0,0224	48	0,02
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Ruminococcaceae;g	0,0436	12	0,0035	2	0,0243	17	0,0384	8	0,0000	0	0,0221	11	0,0220	50	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Xanthomonadales;f_Xanthomonadaceae;g_Stenotrophomonas	0,0036	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,1257	31	0,0000	0	0,0216	32	0,05
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pasteurellales;f_Pasteurellaceae;g_Chelonobacter	0,0872	24	0,0000	0	0,0315	22	0,0000	0	0,0000	0	0,0100	5	0,0215	51	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacterales;f_Rhodobacteraceae;g_Paracoccus	0,0254	7	0,0106	6	0,0200	14	0,0240	5	0,0487	12	0,0000	0	0,0214	44	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_OM60;g_Congregibacter	0,0000	0	0,0123	7	0,0186	13	0,0863	18	0,0081	2	0,0020	1	0,0212	41	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Legionellales;f_Francisellaceae;g_Fangia	0,0545	15	0,0564	32	0,0000	0	0,0096	2	0,0000	0	0,0060	3	0,0211	52	0,03
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Opitutae;o_Opitutales;f_Opitutaceae;g_Opitutus	0,0109	3	0,0423	24	0,0057	4	0,0000	0	0,0568	14	0,0080	4	0,0206	49	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Alteromonadaceae;g_Candidatus Endobugula	0,0145	4	0,0000	0	0,0400	28	0,0432	9	0,0203	5	0,0000	0	0,0197	46	0,02
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_[Saprosiriales];o_[Saprosiriales];f_Saprosiraceae;g_Saprosira	0,0472	13	0,0229	13	0,0129	9	0,0000	0	0,0041	1	0,0301	15	0,0195	51	0,02
k_Bacteria;Other;Other;Other;Other;Other	0,0145	4	0,0317	18	0,0157	11	0,0144	3	0,0365	9	0,0040	2	0,0195	47	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Xanthomonadales;f_Xanthomonadaceae;g	0,1018	28	0,0141	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0193	36	0,04
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Cytophagaceae;g_Microscilla	0,0509	14	0,0018	1	0,0243	17	0,0384	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0192	40	0,02
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Verruco-5;o_S51-B-03-39;f_g	0,0036	1	0,0494	28	0,0186	13	0,0000	0	0,0162	4	0,0261	13	0,0190	59	0,02
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Bacillales;f_Paenibacillaceae;g_Paenibacillus	0,1127	31	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0188	31	0,05
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Sphingomonadales;f_Erythrobacteraceae;g_Lutibacterium	0,0291	8	0,0000	0	0,0086	6	0,0527	11	0,0000	0	0,0221	11	0,0187	36	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Enterobacteriales;f_Enterobacteriaceae;g_Providencia	0,0036	1	0,0194	11	0,0100	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0782	39	0,0185	58	0,03
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_[Rhodothermii];o_[Rhodothermales];f_[Balneolaceae];g_Balneola	0,0254	7	0,0088	5	0,0200	14	0,0000	0	0,0568	14	0,0000	0	0,0185	40	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodospirillales;f_Rhodospirillaceae;g_Novispirillum	0,0000	0	0,0000	0	0,0200	14	0,0623	13	0,0284	7	0,0000	0	0,0185	34	0,02
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Nostocophycidae;o_Stigonematales;f_Rivulariaceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0286	20	0,0096	2	0,0406	10	0,0301	15	0,0181	47	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Bradyrhizobiaceae;g	0,0000	0	0,0035	2	0,0014	1	0,0240	5	0,0771	19	0,0000	0	0,0177	27	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacterales;f_Rhodobacteraceae;g_Roseobacter	0,0000	0	0,0000	0	0,0443	31	0,0479	10	0,0000	0	0,0120	6	0,0174	47	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacterales;f_Hyphomonadaceae;g_Hyphomonas	0,0254	7	0,0229	13	0,0229	16	0,0000	0	0,0122	3	0,0201	10	0,0172	49	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_[Weeksellaceae];g_Cloacibacterium	0,0145	4	0,0740	42	0,0014	1	0,0000	0	0,0122	3	0,0000	0	0,0170	50	0,03
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia;o_Bacteroidales;f_Prevotellaceae;g_Prevotella	0,0000	0	0,0212	12	0,0057	4	0,0096	2	0,0487	12	0,0160	8	0,0169	38	0,02
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Oscillatoriophyceae;o_Chroococcales;f_Spirulinaceae;g_Spirulina	0,0291	8	0,0000	0	0,0200	14	0,0479	10	0,0000	0	0,0040	2	0,0168	34	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Oceanospirillales;f_Halomonadaceae;g_Cobetia	0,0472	13	0,0123	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0406	10	0,0000	0	0,0167	30	0,02
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Lachnospiraceae;Other	0,0145	4	0,0159	9	0,0315	22	0,0000	0	0,0000	0	0,0381	19	0,0167	54	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Cohaesibacteraceae;g	0,0291	8	0,0652	37	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0164	47	0,03
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_[Rhodothermii];o_[Rhodothermales];f_Rhodothermaceae;g	0,0000	0	0,0494	28	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0481	24	0,0162	52	0,03
k_Bacteria;p_NKB19;c_TSBW08;o_f_g	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0527	11	0,0446	11	0,0000	0	0,0162	22	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Desulfuromonadales;f_Desulfuromonadaceae;g	0,0182	5	0,0370	21	0,0014	1	0,0096	2	0,0203	5	0,0060	3	0,0154	37	0,01
k_Bacteria;p_Acidobacteria;c_OS-K;o_f_g	0,0182	5	0,0123	7	0,0143	10	0,0000	0	0,0203	5	0,0261	13	0,0152	40	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Alteromonadaceae;g_Marinimicrobium	0,0582	16	0,0141	8	0,0186	13	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0151	37	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Enterobacteriales;f_Enterobacteriaceae;g_Photorhabdus	0,0000	0	0,0000	0	0,0143	10	0,0336	7	0,0406	10	0,0000	0	0,0147	27	0,02
k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteriia;o_Fusobacteriales;f_Fusobacteriaceae;g_Fusobacterium	0,0000	0	0,0000	0	0,0114	8	0,0767	16	0,0000	0	0,0000	0	0,0147	24	0,03
k_Bacteria;p_Spirochaetes;c_Spirochaetes;o_Spirochaetales;f_Spirochaetaeaceae;g	0,0254	7	0,0000	0	0,0143	10	0,0240	5	0,0243	6	0,0000	0	0,0147	28	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Methylophilales;f_Methylophilaceae;g_Methylotenera	0,0182	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0662	33	0,0141	38	0,03
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodospirillales;f_Rhodospirillaceae;g_Nisaea	0,0000	0	0,0723	41	0,0114	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0140	49	0,03
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Verrucomicrobiae;o_Verrucomicrobiales;f_Verrucomicrobiaceae;g_Luteolibacter	0,0036	1	0,0000	0	0,0086	6	0,0144	3	0,0568	14	0,0000	0	0,0139	24	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Zetaproteobacteria;o_Mariprofundales;f_Mariprofundaceae;g_Mariprofundus	0,0182	5	0,0000	0	0,0529	37	0,0096	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0134	44	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Desulfobacterales;f_Desulfobulbaceae;g_Desulfocapsa	0,0000	0	0,0000	0	0,0458	32	0,0288	6	0,0000	0	0,0060	3	0,0134	41	0,02
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_[Rhodothermii];o_[Rhodothermales];f_Rhodothermaceae;g_Rubricoccus	0,0109	3	0,0000	0	0,0400	28	0,0096	2	0,0000	0	0,0180	9	0,0131	42	0,01
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_[Spartobacteria];o_[Chthoniobacterales];f_O1D2236;g	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0096	2	0,0690	17	0,0000	0	0,0131	19	0,03
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Acidimicrobia;o_Acidimicrobiales;f_Microthrixaceae;g	0,0145	4	0,0264	15	0,0000	0	0,0000	0	0,0365	9	0,0000	0	0,0129	28	0,02
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia;o_Bacteroidales;f_Bacteroidaceae;g_Bacteroides	0,0145	4	0,0000	0	0,0086	6	0,0096	2	0,0000	0	0,0441	22	0,0128	34	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Myxococcales;Other;Other	0,0327	9	0,0123	7	0,0071	5	0,0000	0	0,0243	6	0,0000	0	0,0128	27	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Sphingomonadales;f_Sphingomonadaceae;g_Sphingomonas	0,0000	0	0,0018	1	0,0057	4	0,0000	0	0,0203	5	0,0481	24	0,0126	34	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Xanthomonadales;f_Sinobacteraceae;g	0,0073	2	0,0035	2	0,0129	9	0,0096	2	0,0000	0	0,0421	21	0,0126	36	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacterales;f_Rhodobacteraceae;g_Phaeobacter	0,0036	1	0,0212	12	0,0172	12	0,0192	4	0,0041	1	0,0100	5	0,0125	35	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Thiotrichales;f_Thiotrichaceae;Other	0,0000	0	0,0282	16	0,0086	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0381	19	0,0125	41	0,02

k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Synechococcophycideae;o_Synechococcales;f_Synechococaceae;g_Synechococcus	0,0036	1	0,0035	2	0,0014	1	0,0096	2	0,0324	8	0,0241	12	0,0124	26	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Legionellales;f_Francisellaceae;g_Francisella	0,0218	6	0,0106	6	0,0029	2	0,0000	0	0,0365	9	0,0020	1	0,0123	24	0,01
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;Other;Other;Other;Other	0,0109	3	0,0335	19	0,0229	16	0,0048	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0120	39	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Desulfobacterales;f_Desulfobacteraceae;g__	0,0000	0	0,0617	35	0,0100	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0120	42	0,02
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Amoebophilaceae;g_SC3-56	0,0145	4	0,0212	12	0,0143	10	0,0000	0	0,0000	0	0,0201	10	0,0117	36	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Rhodocyclales;f_Rhodocyclaceae;g_Propionivibrio	0,0000	0	0,0000	0	0,0043	3	0,0432	9	0,0000	0	0,0221	11	0,0116	23	0,02
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Lactobacillales;Other;Other	0,0036	1	0,0088	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0568	14	0,0000	0	0,0115	20	0,02
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;Other;Other;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0458	32	0,0192	4	0,0000	0	0,0040	2	0,0115	38	0,02
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Flammeovirgaceae;g_Flexithrix	0,0218	6	0,0141	8	0,0229	16	0,0096	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0114	32	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Vibrionales;Other;Other	0,0036	1	0,0053	3	0,0129	9	0,0000	0	0,0324	8	0,0140	7	0,0114	28	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Flammeovirgaceae;g_JTB248	0,0254	7	0,0000	0	0,0272	19	0,0000	0	0,0000	0	0,0140	7	0,0111	33	0,01
k_Bacteria;p_NKB19;c_o_f_g__	0,0036	1	0,0194	11	0,0000	0	0,0432	9	0,0000	0	0,0000	0	0,0110	21	0,02
k_Bacteria;p_WS3;c_PRR-12;o_GN03;f_KSB4;g__	0,0145	4	0,0123	7	0,0100	7	0,0288	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0109	24	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_TA18;o_PHOS-HD29;f_g__	0,0327	9	0,0176	10	0,0043	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0100	5	0,0108	27	0,01
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_Plantomycetia;Other;Other;Other	0,0182	5	0,0458	26	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0107	31	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Desulfovibrionales;f_Desulfovibrionaceae;g_Desulfovibrio	0,0000	0	0,0071	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0568	14	0,0000	0	0,0106	18	0,02
k_Bacteria;p_Spirochaetes;c_Spirochaetes;o_Spirochaetales;f_Spirochaetaceae;g_Spirochaeta	0,0000	0	0,0635	36	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0106	36	0,03
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia;o_Bacteroidales;f_Porphyromonadaceae;g_Porphyromonas	0,0000	0	0,0123	7	0,0172	12	0,0336	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0105	26	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Methylotrophiales;f_Methylotrophilaceae;Other	0,0073	2	0,0071	4	0,0200	14	0,0000	0	0,0284	7	0,0000	0	0,0105	27	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Sphingobacteriia;o_Sphingobacterales;f_NS11-12;g__	0,0291	8	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0301	15	0,0104	25	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacterales;f_Flavobacteriaceae;g_Salegentibacter	0,0036	1	0,0000	0	0,0172	12	0,0000	0	0,0406	10	0,0000	0	0,0102	23	0,02
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Tissierellaceae;g_Gallicola	0,0327	9	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0284	7	0,0000	0	0,0102	16	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Bartonellaceae;g__	0,0036	1	0,0141	8	0,0000	0	0,0048	1	0,0365	9	0,0020	1	0,0102	20	0,01
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Opitutae;Other;Other;Other	0,0218	6	0,0176	10	0,0214	15	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0101	31	0,01
k_Bacteria;p_Acidobacteria;c_Chloracidobacteria;o_RB41;f_g__	0,0000	0	0,0176	10	0,0000	0	0,0432	9	0,0000	0	0,0000	0	0,0101	19	0,02
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Opitutae;o_Punicococcales;f_Punicococaceae;g_Punicococcus	0,0036	1	0,0018	1	0,0000	0	0,0432	9	0,0122	3	0,0000	0	0,0101	14	0,02
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Amoebophilaceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0575	12	0,0000	0	0,0020	1	0,0099	13	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Methylococcales;f_g__	0,0182	5	0,0088	5	0,0043	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0281	14	0,0099	27	0,01
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Oscillatoriophyceae;o_Chroococcales;f_g__	0,0073	2	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0122	3	0,0361	18	0,0098	25	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Thiotrichales;f_Piscirickettsiaceae;g_Piscirickettsia	0,0036	1	0,0123	7	0,0014	1	0,0384	8	0,0000	0	0,0020	1	0,0096	18	0,01
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_o_f_g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0186	13	0,0336	7	0,0000	0	0,0040	2	0,0094	22	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Actinomycetaceae;g_Actinomycetes	0,0109	3	0,0194	11	0,0129	9	0,0000	0	0,0041	1	0,0080	4	0,0092	28	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Kiloniellales;f_Kiloniellaceae;g_Thalassospira	0,0000	0	0,0511	29	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0092	31	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacterales;f_Rhodobacteraceae;g_Anaerospira	0,0182	5	0,0141	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0221	11	0,0091	24	0,01
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Spartobacteria;o_Chtthoniobacteriales;f_Chtthoniobacteraceae;g_Ellin506	0,0000	0	0,0141	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0401	20	0,0090	28	0,02
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Propionibacteriaceae;g__	0,0000	0	0,0441	25	0,0000	0	0,0096	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0089	27	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Xanthomonadales;f_Xanthomonadaceae;Other	0,0291	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0243	6	0,0000	0	0,0089	14	0,01
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_SAR202;o_f_g__	0,0000	0	0,0353	20	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0180	9	0,0089	29	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Sphingomonadales;Other;Other	0,0036	1	0,0141	8	0,0129	9	0,0000	0	0,0041	1	0,0180	9	0,0088	28	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;Other;Other;Other;Other	0,0291	8	0,0000	0	0,0043	3	0,0048	1	0,0000	0	0,0140	7	0,0087	19	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Rhodocyclales;f_Rhodocyclaceae;g__	0,0254	7	0,0000	0	0,0186	13	0,0000	0	0,0081	2	0,0000	0	0,0087	22	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Desulfobacterales;f_Desulfobacteraceae;Other	0,0363	10	0,0053	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0100	5	0,0086	18	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Saprosiriales;o_Saprosiriales;Other;Other	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0461	23	0,0083	25	0,02
k_Bacteria;p_BRC1;c_PRR-11;o_f_g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0086	6	0,0000	0	0,0324	8	0,0080	4	0,0082	18	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;Other;Other	0,0000	0	0,0176	10	0,0100	7	0,0192	4	0,0000	0	0,0020	1	0,0081	22	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Saprosiriales;o_Saprosiriales;f_Saprosiraceae;Other	0,0073	2	0,0088	5	0,0057	4	0,0000	0	0,0041	1	0,0221	11	0,0080	23	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0336	7	0,0081	2	0,0060	3	0,0079	12	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Amoebophilaceae;g_SGUS912	0,0254	7	0,0159	9	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	3	0,0079	19	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacterales;f_Rhodobacteraceae;g_Amaricoccus	0,0000	0	0,0000	0	0,0329	23	0,0144	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0079	26	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Bifidobacteriales;f_Bifidobacteriaceae;g_Bifidobacterium	0,0145	4	0,0123	7	0,0143	10	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	3	0,0079	24	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Myxococcales;f_OM27;g__	0,0145	4	0,0282	16	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0078	22	0,01
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Verruco-5;o_MSL3;f_g__	0,0254	7	0,0194	11	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0077	19	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Acidimicrobia;o_Acidimicrobiales;f_ntu14;g__	0,0000	0	0,0159	9	0,0114	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0180	9	0,0076	26	0,01
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_Phycisphaerae;o_S-70;f_g__	0,0073	2	0,0000	0	0,0114	8	0,0144	3	0,0122	3	0,0000	0	0,0075	16	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Oceanospirillales;f_g__	0,0109	3	0,0123	7	0,0057	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0160	8	0,0075	22	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Thiotrichales;f_Piscirickettsiaceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0014	1	0,0432	9	0,0000	0	0,0000	0	0,0074	10	0,02
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_Pla3;o_f_g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0157	11	0,0288	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0074	17	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Legionellales;f_Legionellaceae;g_Legionella	0,0145	4	0,0088	5	0,0071	5	0,0096	2	0,0041	1	0,0000	0	0,0074	17	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Lachnospiraceae;g_Dorea	0,0182	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0241	12	0,0070	17	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pasteurellales;f_Pasteurellaceae;g_Haemophilus	0,0000	0	0,0282	16	0,0100	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0070	25	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Chromatiales;Other;Other	0,0218	6	0,0000	0	0,0200	14	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0070	20	0,01
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Bacillales;f_Staphylococaceae;g_Salinicoccus	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0336	7	0,0081	2	0,0000	0	0,0069	9	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Legionellales;Other;Other	0,0073	2	0,0194	11	0,0143	10	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0068	23	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Vibrionales;f_Pseudoalteromonadaceae;Other	0,0000	0	0,0264	15	0,0043	3	0,0000	0	0,0041	1	0,0060	3	0,0068	22	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pasteurellales;f_Pasteurellaceae;g_Actinobacillus	0,0000	0	0,0388	22	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0020	1	0,0068	23	0,02
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacterales;f_Flavobacteriaceae;g_Gramella	0,0145	4	0,0000	0	0,0057	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0201	10	0,0067	18	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Vibrionales;f_Vibrionaceae;g_Photobacterium	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0336	7	0,0000	0	0,0020	1	0,0065	10	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Caulobacteriales;f_Caulobacteraceae;Other	0,0145	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0243	6	0,0000	0	0,0065	10	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia;o_Bacteroidales;Other;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0386	27	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0064	27	0,02

k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Bifidobacteriales;f_Bifidobacteriaceae;g_Bombiscardovia	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0384	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0064	8	0,02
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Hyphomicrobiae;g_Hyphomicrobium	0,0109	3	0,0141	8	0,0029	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0100	5	0,0063	18	0,01
k_Bacteria;p_TM6;c_SIA-4;o_f_g	0,0036	1	0,0000	0	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0321	16	0,0062	18	0,01
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Lachnospiraceae;g_Oribacterium	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0365	9	0,0000	0	0,0061	9	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Alteromonadaceae;g_BD2-13	0,0254	7	0,0000	0	0,0086	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0020	1	0,0060	14	0,01
k_Bacteria;p_SBR1093;c_VHS-B5-50;o_f_g	0,0000	0	0,0000	0	0,0071	5	0,0288	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	11	0,01
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Verrucomicrobiae;o_Verrucomicrobiales;f_Verrucomicrobiae;Other	0,0109	3	0,0247	14	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0059	17	0,01
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_Plantomycetia;o_B97;f_g	0,0254	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0096	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0058	9	0,01
k_Bacteria;p_OP3;c_koll1;o_GIF10;f_kpj58rc;g	0,0254	7	0,0018	1	0,0057	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0020	1	0,0058	13	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Vibrionales;f_Vibrionaceae;g	0,0182	5	0,0123	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0058	14	0,01
k_Bacteria;p_Spirochaetes;c_[Brachyspirae];o_[Brachyspirales];f_Brachyspiraceae;g	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0324	8	0,0020	1	0,0057	9	0,01
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_4C0d-2;o_MLE1-12;f_g	0,0036	1	0,0000	0	0,0100	7	0,0000	0	0,0203	5	0,0000	0	0,0057	13	0,01
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;Other;Other;Other	0,0000	0	0,0053	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0284	7	0,0000	0	0,0056	10	0,01
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_[Acidaminobacteraceae];g_WH1-8	0,0036	1	0,0300	17	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0056	18	0,01
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Veillonellaceae;g	0,0327	9	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0055	9	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Epsilonproteobacteria;o_Campylobacteriales;f_Campylobacteraceae;g_Campylobacter	0,0327	9	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0055	9	0,01
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_BD7-11;o_f_g	0,0182	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0144	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0054	8	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_NS9;g	0,0291	8	0,0000	0	0,0029	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0053	10	0,01
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;o_Anaerolineales;f_Anaerolineaceae;g	0,0000	0	0,0000	0	0,0057	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0261	13	0,0053	17	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Cryomorphaceae;g_Crocinitomix	0,0000	0	0,0176	10	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0140	7	0,0053	17	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Psychrosperpens	0,0109	3	0,0106	6	0,0057	4	0,0000	0	0,0041	1	0,0000	0	0,0052	14	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Microbacteriaceae;g_Microbacterium	0,0109	3	0,0123	7	0,0071	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0051	15	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Psychromonadaceae;g_Psychromonas	0,0145	4	0,0000	0	0,0157	11	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0050	15	0,01
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Erysipelotrichi;o_Erysipelotrichales;f_Erysipelotrichaceae;g_[Eubacterium]	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0301	15	0,0050	15	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Cytophagaceae;g	0,0109	3	0,0000	0	0,0086	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0100	5	0,0049	14	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Caulobacteriales;f_Caulobacteraceae;g_Brevundimonas	0,0291	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0048	8	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Bdellovibrionales;f_Bacteriovoracaceae;g_Bacteriovorax	0,0291	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0048	8	0,01
k_Bacteria;p_Nitrospirae;c_Nitrospira;o_Nitrospirales;f_Nitrospiraceae;g_Nitrospira	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0288	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0048	6	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Chromatiales;f_Ectothiorhodospiraceae;g	0,0073	2	0,0000	0	0,0214	15	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0048	17	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Neisseriales;f_Neisseriaceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0284	7	0,0000	0	0,0047	7	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Sva0853;Other;Other	0,0036	1	0,0053	3	0,0000	0	0,0192	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0047	8	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Bdellovibrionales;f_Bacteriovoracaceae;Other	0,0036	1	0,0141	8	0,0029	2	0,0048	1	0,0000	0	0,0020	1	0,0046	13	0,00
k_Bacteria;p_OD1;c_ZB2;o_f_g	0,0000	0	0,0012	12	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	3	0,0045	15	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Aquimarina	0,0000	0	0,0000	0	0,0014	1	0,0144	3	0,0000	0	0,0100	5	0,0043	9	0,01
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_Phycisphaerae;o_Phycisphaerales;f_Phycisphaeraceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0096	2	0,0162	4	0,0000	0	0,0043	6	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_[Chromatiaceae];g	0,0000	0	0,0141	8	0,0114	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0043	16	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Cellulomonadaceae;Other	0,0254	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0042	7	0,01
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;o_SB-34;f_g	0,0254	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0042	7	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Bradyrhizobiaceae;Other	0,0254	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0042	7	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Thermoleophilii;o_Gaellales;f_g	0,0000	0	0,0000	0	0,0172	12	0,0000	0	0,0000	0	0,0080	4	0,0042	16	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_[Weissellaceae];g	0,0218	6	0,0018	1	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0042	8	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Acidimicrobia;o_Acidimicrobiales;f_koll13;g	0,0036	1	0,0212	12	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0041	13	0,01
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_4C0d-2;o_YS2;f_g	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0048	1	0,0162	4	0,0000	0	0,0041	7	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Burkholderiales;f_Oxalobacteraceae;g_Janthinobacterium	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0243	6	0,0000	0	0,0041	6	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Epsilonproteobacteria;o_Campylobacteriales;f_Helicobacteraceae;g_Sulfurimonas	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0243	6	0,0000	0	0,0041	6	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacteriales;f_Rhodobacteraceae;g_Roseisalinus	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0203	5	0,0040	2	0,0040	7	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Brevibacteriaceae;g_Brevibacterium	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0241	12	0,0040	12	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Oceanospirillales;f_Oceanospirillaceae;g_Oceanospirillum	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0241	12	0,0040	12	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_SM1A07;o_f_g	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0240	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	5	0,01
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Lactobacillales;f_Leuconostocaceae;g_Weissella	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0240	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	5	0,01
k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteriia;o_Fusobacteriales;f_Leptotrichiaceae;g	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0240	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	5	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Ulvibacter	0,0000	0	0,0159	9	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0080	4	0,0040	13	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Idiomarinaceae;Other	0,0218	6	0,0000	0	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0039	7	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Methylophilales;f_Methylophilaceae;g	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0192	4	0,0000	0	0,0040	2	0,0039	6	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_g	0,0000	0	0,0018	1	0,0000	0	0,0192	4	0,0000	0	0,0020	1	0,0038	6	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;Other;Other;Other	0,0109	3	0,0088	5	0,0029	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0038	10	0,00
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_C6;o_d113;f_g	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0221	11	0,0037	11	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia;o_Bacteroidales;f_SB-1;g	0,0218	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0036	6	0,01
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Synechococcophycidae;o_Pseudanabaenales;Other;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0071	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0140	7	0,0035	12	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Oceanospirillales;f_Oleiphilaceae;g	0,0036	1	0,0018	1	0,0029	2	0,0048	1	0,0000	0	0,0080	4	0,0035	9	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Gemellales;f_Gemellaceae;Other	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0162	4	0,0000	0	0,0033	6	0,01
k_Bacteria;p_WPS-2;c_o_f_g	0,0000	0	0,0194	11	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0032	11	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Robiginitalea	0,0073	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0120	6	0,0032	8	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Coriobacteriia;o_Coriobacteriales;f_Coriobacteriaceae;g_Atopobium	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0192	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0032	4	0,01
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Veillonellaceae;g_Selenomonas	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0192	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0032	4	0,01
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_Phycisphaerae;o_SHUX583;f_g	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0192	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0032	4	0,01
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Lactobacillales;f_Enterococcaceae;g_Enterococcus	0,0182	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0030	5	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Cytophagaceae;g_Leadbetterella	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0180	9	0,0030	9	0,01
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_Phycisphaerae;Other;Other;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0172	12	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0029	12	0,01

k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Nocardiaceae;g_Rhodococcus	0,0109	3	0,0000	0	0,0057	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0028	7	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Microbacteriaceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0162	4	0,0000	0	0,0027	4	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Cytophagaceae;g_Dyadobacter	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0162	4	0,0000	0	0,0027	4	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Nitriliruptoria;o_Euzebyales;f_Euzebyaceae;g_Euzebya	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0160	8	0,0027	8	0,01
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_[Tissierellaceae];g_1-68	0,0000	0	0,0018	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0140	7	0,0026	8	0,01
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;o_S0208;f_;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0157	11	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0026	11	0,01
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_vadinHA49;o_PeHg47;f_;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0157	11	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0026	11	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Desulfobacterales;f_Desulfobacteraceae;g_Desulfosarcina	0,0000	0	0,0000	0	0,0157	11	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0026	11	0,01
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_[Spartobacteria];o_[Chthoniobacterales];f_[Chthoniobacteraceae];g_	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0122	3	0,0000	0	0,0026	5	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia;o_Bacteroidales;f_[Odoribacteraceae];g_Odoribacter	0,0000	0	0,0000	0	0,0114	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0026	10	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Intrasporangiaceae;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0071	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0080	4	0,0025	9	0,00
k_Bacteria;p_Lentisphaerae;c_[Lentisphaeria];Other;Other;Other	0,0036	1	0,0000	0	0,0114	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0025	9	0,00
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;o_MSB-1E9;f_;g_	0,0145	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0024	4	0,01
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Cellulophaga	0,0036	1	0,0018	1	0,0029	2	0,0000	0	0,0041	1	0,0020	1	0,0024	6	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Capnocytophaga	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0140	7	0,0023	7	0,01
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_Phycisphaerae;o_Phycisphaerales;Other;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0043	3	0,0096	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0023	5	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_GMD14H09;f_;g_	0,0000	0	0,0018	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0041	1	0,0080	4	0,0023	6	0,00
k_Bacteria;p_OP8;c_OP8_2;o_f_;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0129	9	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0021	9	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_NB1-j;f_;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0129	9	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0021	9	0,01
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Myxococcales;f_Haliangiaceae;g_Haliangium	0,0000	0	0,0088	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0021	7	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_211ds20;g_	0,0000	0	0,0123	7	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0021	7	0,01
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Acidimicrobia;o_Acidimicrobiales;f_EB1017;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0122	3	0,0000	0	0,0020	3	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacterales;f_Rhodobacteraceae;g_Rubellimicrobium	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0122	3	0,0000	0	0,0020	3	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Alteromonadaceae;g_Microbulbifer	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0080	4	0,0019	6	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Enterobacteriales;f_Enterobacteriaceae;g_Cronobacter	0,0000	0	0,0018	1	0,0057	4	0,0000	0	0,0041	1	0,0000	0	0,0019	6	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Lactobacillales;f_Aerococcaceae;g_Aerococcus	0,0000	0	0,0000	0	0,0114	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0019	8	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Cardiobacteriales;f_Cardiobacteriaceae;g_Cardiobacterium	0,0000	0	0,0000	0	0,0114	8	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0019	8	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Methyllobacteriaceae;g_Methyllobacterium	0,0000	0	0,0000	0	0,0071	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0019	7	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Intrasporangiaceae;g_Serinococcus	0,0109	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	3	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Micrococcaceae;g_	0,0109	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	3	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Nocardioidaceae;g_	0,0109	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	3	0,00
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;o_GCA004;f_;g_	0,0109	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	3	0,00
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Thermomicrobia;o_JG30-KF-CM45;f_;g_	0,0109	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	3	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Rhizobiaceae;g_Agrobacterium	0,0109	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	3	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rickettsiales;f_mitochondria;Other	0,0109	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	3	0,00
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_[Pedosphaerae];o_[Pedosphaerales];f_;g_	0,0109	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	3	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_[Weeksellaceae];g_Wautersiella	0,0036	1	0,0071	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	5	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Microbacteriaceae;g_Leucobacter	0,0000	0	0,0106	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	6	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Desulfobacterales;f_Desulfobacteraceae;g_Desulfococcus	0,0000	0	0,0106	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	6	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Chromatiales;f_Ectothiorhodospiraceae;g_Halorhodospira	0,0000	0	0,0106	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0018	6	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_f_;g_	0,0000	0	0,0071	4	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0020	1	0,0017	6	0,00
k_Bacteria;p_Spirochaetes;c_Spirochaetes;o_Spirochaetales;f_Spirochaetaceae;g_Treponema	0,0000	0	0,0000	0	0,0043	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	3	0,0017	6	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Aeromonadales;f_Aeromonadaceae;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0081	2	0,0020	1	0,0017	3	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Micrococcaceae;g_Kocuria	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0100	5	0,0017	5	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pasteurellales;f_Pasteurellaceae;g_Aggregatibacter	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0100	5	0,0017	5	0,00
k_Bacteria;p_Acidobacteria;c_Acidobacteria-6;o_iii1-15;f_mb2424;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0096	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0016	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacterales;f_Rhodobacteraceae;g_Dinoroseobacter	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0096	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0016	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pseudomonadales;f_Moraxellaceae;g_Enhydrobacter	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0096	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0016	2	0,00
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_[Spartobacteria];o_[Chthoniobacterales];Other;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0096	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0016	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Chromatiales;f_Ectothiorhodospiraceae;Other	0,0000	0	0,0053	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0016	5	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Lachnospiraceae;g_	0,0073	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0020	1	0,0015	3	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_[Saprospirae];o_[Saprospirales];f_Chitinophagaceae;Other	0,0036	1	0,0000	0	0,0014	1	0,0000	0	0,0041	1	0,0000	0	0,0015	3	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Micrococcaceae;g_Micrococcus	0,0000	0	0,0088	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0015	5	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Micrococcaceae;g_Renibacterium	0,0000	0	0,0088	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0015	5	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Desulfobacterales;f_Desulfobacteraceae;g_Desulfobacter	0,0000	0	0,0088	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0015	5	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pasteurellales;f_Pasteurellaceae;Other	0,0000	0	0,0088	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0015	5	0,00
k_Bacteria;p_TM7;c_TM7-1;o_f_;g_	0,0000	0	0,0088	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0015	5	0,00
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_Phycisphaerae;o_MSB19;f_;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0086	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0014	6	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Methylcystaceae;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0086	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0014	6	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Gallionellales;f_Gallionellaceae;g_Gallionella	0,0000	0	0,0000	0	0,0086	6	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0014	6	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Microbacteriaceae;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0081	2	0,0000	0	0,0014	2	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Bacillales;f_Paenibacillaceae;g_Brevibacillus	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0081	2	0,0000	0	0,0014	2	0,00
k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteriia;o_Fusobacteriales;f_Leptotrichiaceae;g_Leptotrichia	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0081	2	0,0000	0	0,0014	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodospirillales;f_Rhodospirillaceae;g_Azospirillum	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0081	2	0,0000	0	0,0014	2	0,00
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_SBZP_4958;o_f_;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0080	4	0,0013	4	0,00
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Opitutae;o_Punicelcoccaceae;f_Punicelcoccaceae;g_	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0080	4	0,0013	4	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Veillonellaceae;g_Dialister	0,0000	0	0,0000	0	0,0057	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0020	1	0,0013	5	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_[Weeksellaceae];g_Chryseobacterium	0,0036	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0041	1	0,0000	0	0,0013	2	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Cytophagia;o_Cytophagales;f_Flammeovirgaceae;g_Reichenbachiella	0,0073	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	2	0,00

k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Bacillales;f_Staphylococcaceae;g_Macroccoccus	0,0073	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	2	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_[Mogibacteriaceae];g__	0,0073	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	2	0,00
k_Bacteria;p_GN02;c_3BR-5F;o_f_g__	0,0073	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Bradyrhizobiaceae;g_Bradyrhizobium	0,0073	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Hyphomicrobiaceae;g_Devosia	0,0073	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Idiomarinaceae;g__	0,0073	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	2	0,00
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_[Pedosphaerae];o_f_g__	0,0073	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	2	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_[Saprosipirae];o_[Saprosipirales];f_Chitinophagaceae;g_Niabella	0,0000	0	0,0000	0	0,0071	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	5	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Neisseriales;f_Neisseriaceae;g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0071	5	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	5	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Frankiaceae;g__	0,0000	0	0,0071	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	4	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia;o_Bacteroidales;f_Porphyrimonadaceae;g__	0,0000	0	0,0071	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	4	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteria;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Nonlabens	0,0000	0	0,0071	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0012	4	0,00
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Oscillatoriohycidae;o_Oscillatoriales;f_Phormidiaceae;g_Microcoleus	0,0000	0	0,0000	0	0,0029	2	0,0000	0	0,0041	1	0,0000	0	0,0012	3	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia;o_Bacteroidales;f_Marinilabiaceae;g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	3	0,0010	3	0,00
k_Bacteria;p_Fibrobacteres;c_Fibrobacteria;o_Fibrobacteriales;f_g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	3	0,0010	3	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_[Tissierellaceae];g_WAL_1855D	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	3	0,0010	3	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_[Chromatiaceae];Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	3	0,0010	3	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Enterobacteriales;f_Enterobacteriaceae;g_Gluconacetobacter	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	3	0,0010	3	0,00
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_Opitutae;o_HA64;f_g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0060	3	0,0010	3	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Sphingomonadales;f_Sphingomonadaceae;g_Sphingobium	0,0000	0	0,0018	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0041	1	0,0000	0	0,0010	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Cardiobacteriales;f_g__	0,0000	0	0,0018	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0010	3	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Lactobacillales;f_Lactobacillaceae;g_Lactobacillus	0,0000	0	0,0000	0	0,0057	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0010	4	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rickettsiales;f_Rickettsiaceae;g_Rickettsia	0,0000	0	0,0000	0	0,0057	4	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0010	4	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Idiomarinaceae;g_Idiomarina	0,0036	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0020	1	0,0009	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhizobiales;f_Hyphomicrobiaceae;Other	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0020	1	0,0009	3	0,00
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Oscillatoriohycidae;o_Oscillatoriales;Other	0,0036	1	0,0018	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0009	2	0,00
k_Bacteria;p_Acidobacteria;c_RB25;o_f_g__	0,0000	0	0,0053	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0009	3	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Promicromonosporaceae;g_Xylanimicrobium	0,0000	0	0,0053	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0009	3	0,00
k_Bacteria;p_Chlamydiae;c_Chlamydia;o_Chlamydiales;f_Rhabdochlamydiaceae;g_Candidatus Rhabdochlamydia	0,0000	0	0,0053	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0009	3	0,00
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Anaerolineae;o_SBR1031;f_SHA-31;g__	0,0000	0	0,0053	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0009	3	0,00
k_Bacteria;p_PAUC34;c_o_f_g__	0,0000	0	0,0053	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0009	3	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Burkholderiales;f_Oxalobacteraceae;Other	0,0000	0	0,0053	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0009	3	0,00
k_Bacteria;p_Chlamydiae;c_Chlamydia;o_Chlamydiales;f_g__	0,0000	0	0,0035	2	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0008	3	0,00
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_028H05-P-BN-P5;o_f_g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0048	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0008	1	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Sphingomonadales;f_Erythrobacteraceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0048	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0008	1	0,00
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_[Spartobacteria];o_[Chthoniobacteriales];f_[Chthoniobacteraceae];Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0048	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0008	1	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Sporichthyaceae;g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0043	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0007	3	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_Symbiobacteriaceae;g_Symbiobacterium	0,0000	0	0,0000	0	0,0043	3	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0007	3	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Micrococccaceae;g_Rothia	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0041	1	0,0000	0	0,0007	1	0,00
k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_[Saprosipirae];o_[Saprosipirales];f_Chitinophagaceae;g_Flavosolbacter	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0041	1	0,0000	0	0,0007	1	0,00
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Nostocophycidae;o_Nostocales;f_g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0041	1	0,0000	0	0,0007	1	0,00
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Synechococcophycidae;o_Synechococcales;f_Acaryochloridaceae;g_Acaryochloris	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0041	1	0,0000	0	0,0007	1	0,00
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Nostocophycidae;o_Nostocales;f_Nostocaceae;g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0007	2	0,00
k_Bacteria;p_Cyanobacteria;c_Synechococcophycidae;o_Synechococcales;Other;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0007	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacteriales;f_Hyphomonadaceae;g_Oceaniculis	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0007	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Nitrosomonadales;f_Nitrosomonadaceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0040	2	0,0007	2	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Dietziaceae;g_Dietzia	0,0036	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0006	1	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_NB1-j;Other;Other	0,0036	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0006	1	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Sva0853;f_SAR324;g__	0,0036	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0006	1	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Chromatiales;f_Halotheobacillaceae;g_Halotheobacillus	0,0036	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0006	1	0,00
k_Bacteria;p_Verrucomicrobia;c_[Spartobacteria];o_[Chthoniobacteriales];f_[Chthoniobacteraceae];g_Candidatus Xiphinematobacter	0,0036	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0006	1	0,00
k_Bacteria;p_AC1;c_B04R032;o_f_g__	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0006	2	0,00
k_Bacteria;p_Chloroflexi;c_Ellin6529;o_f_g__	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0006	2	0,00
k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Clostridia;o_Clostridiales;f_[Acidaminobacteraceae];g_Fusibacter	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0006	2	0,00
k_Bacteria;p_GN02;c_BD1-5;o_f_g__	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0006	2	0,00
k_Bacteria;p_TM7;c_TM7-3;o_f_g__	0,0000	0	0,0035	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0006	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rickettsiales;f_Pelagibacteraceae;g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0020	1	0,0006	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Enterobacteriales;f_Enterobacteriaceae;g_Serratia	0,0000	0	0,0018	1	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0005	2	0,00
k_Bacteria;p_SAR406;c_AB16;o_Arcti96B-7;f_A714017;g_ZA3312c	0,0000	0	0,0018	1	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0005	2	0,00
k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Actinomycetales;f_Streptomycetaceae;g_Streptomyces	0,0000	0	0,0000	0	0,0029	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0005	2	0,00
k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteria;o_Fusobacteriales;f_g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0029	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0005	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Burkholderiales;f_Oxalobacteraceae;g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0029	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0005	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Syntrophobacteriales;f_Syntrophobacteraceae;g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0029	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0005	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Pseudomonadales;f_Moraxellaceae;g__	0,0000	0	0,0000	0	0,0029	2	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0005	2	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodospirillales;f_Rhodospirillaceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0020	1	0,0003	1	0,00
k_Bacteria;p_Plantomycetes;c_vadinHA49;o_f_g__	0,0000	0	0,0018	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0003	1	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Alphaproteobacteria;o_Rhodobacteriales;f_Rhodobacteraceae;g_Antarcticicola	0,0000	0	0,0018	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0003	1	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Deltaproteobacteria;o_Syntrophobacteriales;f_g__	0,0000	0	0,0018	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0003	1	0,00
k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Alteromonadales;f_Ferrimonas	0,0000	0	0,0018	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0003	1	0,00



k__Bacteria;p__Bacteroidetes;c__Flavobacteriia;o__Flavobacteriales;f__Flavobacteriaceae;g__Sediminicola	0,0000	0	0,0000	0	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0002	1	0,00
k__Bacteria;p__Cyanobacteria;c__Oscillatoriothycideae;o__Chroococcales;f__Cyanobacteriaceae;g__Cyanothecae	0,0000	0	0,0000	0	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0002	1	0,00
k__Bacteria;p__Firmicutes;c__Bacilli;o__Bacillales;f__Planococcaceae;g__Planomicrobium	0,0000	0	0,0000	0	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0002	1	0,00
k__Bacteria;p__Proteobacteria;c__Gammaproteobacteria;o__Oceanospirillales;f__Halomonadaceae;Other	0,0000	0	0,0000	0	0,0014	1	0,0000	0	0,0000	0	0,0000	0	0,0002	1	0,00