

S1 Table. Comparative gene lengths in Bombycoids.

Genes	<i>A. assamensis</i> (in bp)	<i>S. ricini</i> (in bp)	<i>A. pernyi</i> (in bp)	<i>A. yamamai</i> (in bp)	<i>B. mandarina</i> (in bp)	<i>B. mori</i> (in bp)	<i>M. sexta</i> (in bp)
<i>tRNA^{Met}</i>	68	68	67	67	68	68	69
<i>tRNA^{Ile}</i>	65	65	64	64	66	66	65
<i>tRNA^{Gln}</i>	69	69	69	69	69	69	69
<i>nad2</i>	1014	1014	1014	1014	1023	1023	1015
<i>tRNA^{Trp}</i>	68	68	68	68	70	70	67
<i>tRNA^{Cys}</i>	64	62	61	63	67	67	64
<i>tRNA^{Tyr}</i>	67	65	66	67	66	66	66
<i>cox1</i>	1531	1540	1531	1540	1531	1531	1531
<i>tRNA^{Leu2}</i>	68	68	66	67	67	67	67
<i>cox2</i>	682	685	682	682	682	682	682
<i>tRNA^{Lys}</i>	71	71	71	71	71	71	71
<i>tRNA^{Asp}</i>	67	68	73	69	67	67	72
<i>atp8</i>	165	165	168	186	162	162	165
<i>atp6</i>	678	678	677	677	678	678	678
<i>cox3</i>	789	789	789	789	789	789	792
<i>tRNA^{Gly}</i>	66	66	66	67	69	66	66
<i>nad3</i>	357	357	354	357	351	351	354
<i>tRNA^{Ala}</i>	65	66	66	66	68	68	70
<i>tRNA^{Arg}</i>	65	64	65	65	64	64	68
<i>tRNA^{Asn}</i>	65	65	65	65	67	65	66
<i>tRNA^{Ser1}</i>	66	68	66	66	67	67	66
<i>tRNA^{Glu}</i>	68	66	66	66	63	65	70
<i>tRNA^{Phe}</i>	66	68	71	69	67	67	68
<i>nad5</i>	1741	1749	1741	1744	1719	1719	1723
<i>tRNA^{His}</i>	65	66	69	66	69	67	69
<i>nad4</i>	1341	1341	1341	1341	1344	1341	1335
<i>nad4l</i>	291	291	291	292	291	291	288
<i>tRNA^{Thr}</i>	65	65	65	65	66	65	67
<i>tRNA^{Pro}</i>	65	65	65	65	69	66	65
<i>nad6</i>	537	531	537	535	531	531	531
<i>cytb</i>	1149	1152	1149	1155	1158	1152	1155
<i>tRNA^{Ser2}</i>	66	66	68	69	66	66	66
<i>nad1</i>	933	939	939	933	945	945	936
<i>tRNA^{Leu1}</i>	68	68	68	71	71	70	68
<i>rrnL</i>	1344	1358	1369	1380	1350	1378	1391
<i>tRNA^{Val}</i>	68	66	67	68	71	69	65
<i>rrnS</i>	779	779	775	776	784	783	775
Control region	328	361	552	334	484	494	326
Whole mito-genome	15,272	15,384	15,575	15,338	15,682	15,656	15,516

Total PCGs	11,208	11,231	11,213	11,245	11,204	11,195	11,185
Total tRNAs	1,465	1,463	1,472	1,473	1,488	1,476	1,484
Total rRNAs	2,123	2,137	2,144	2,156	2,134	2,161	2,166