

**S1 Table. Genetic diversity of R1 region found in 163 3D7-liked *msp2* sequences.**

Code	Dipeptide	Allele	R1 sequence	R1 type
1	GA	1	<u>1162111621165</u>	162
2	GS	2	116211162111621165	162
3	GG	3	1162116211621111162115	162
4	GD	4	16211162111621111162111621165	162
5	SA	5	116211621162111111621116621165	162
6	VA	6	162111621116211111621111621165	162
7	RD	7	116211621621116211116211162115	162
8	SG	8	1162116211621111621116211162115	162
9	GT	9	11621162116211116211116211162115	162
0	PT	10	116211621162111116211116211162115	162
		11	<u>1851185118521</u>	185
		12	1851185118518521	185
		13	1851185118518518518518518518521	185
		14	1851185118518518518518518518518521	185
		15	1851118518518518518518518518518521	185
		16	18511118511851185118518511858518521	185
		17	1851185118518518518518518518518521	185
		18	185118511858511851185118511851185118521	185
		19	185118513518511851185118511851185118521	185
		20	18511851185185111851185118511851185118521	185
		21	18511851185118511851185118511851185118521	185
		22	18511851185118511851118511851185118511852	185
		23	<u>185118511851185118511185118511851185118511</u>	185
		24	<u>011185241858518585185851</u>	18585
		25	011118524185851858518585185851	18585
		26	01111852418585185851858518585185851	18585
		27	001111852418585185851858518585185851	18585
		28	011111852418585185851858518585185851	18585
		29	18511185851858518585185851851118521	18585
		30	<u>91852118524165</u>	1852
		31	9185211852118524165	1852
		32	<u>18521652165</u>	2165
		33	165216521652165	2165
		34	185216521652165	2165
		35	185216521652165216521652165	2165
		36	18521652165216521652165216521652165	2165
		37	18521652165216521652165216521652165	2165
		38	<u>1118527165271652716527165</u>	27165
		39	11185271652716527165271652716527165	27165
		40	1118527165271652716527165271652716527165	27165
		41	1118527165271652716527165271652716527165	27165
		42	<u>138538538524</u>	385
		43	138538538538538538524	385
		44	138538538538538538521	385
		45	138538538538538538524	385
		46	138538538538538538538538524	385
		47	1385385385385385385385385	385
		48	138538538538538538538538538524	385
		49	138538538538538538538538538538538538524	385
		50	138513851385138513851385138513851851185118521	385
		51	<u>18535353535353535353535353535353535353524</u>	35
		52	135353535353535353535353535353535353524	35
		53	18535353535353535353535353535353535353524	35
		54	<u>1385385385385</u> 35353524	385-35