

Fig S3. Multiple sequence alignment of the non-synonymous single nucleotide polymorphism (SNP) loci of *Csa3M006660* from 8 Southern Chinese fertile lines (F1-F8), 10 Northern Chinese fertile lines(F9-F18), 8 Beit apha fertile lines (F19-F26), 2 Japanese fertile lines(F27-F28), WT and *ms-3*. (Black= Conversed region)

F1. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F2. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F3. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F4. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F5. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F6. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F7. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F8. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F9. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F10. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F11. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F12. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F13. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F14. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F15. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F16. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F17. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F18. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F19. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F20. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F21. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F22. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F23. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F24. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F25. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F26. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F27. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
F28. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
WT. seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGT	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
<i>ms-3</i> . seq	GTGAATCCTAAAACACGAATTTTAGAGG	ACACGATTCATGAACTTAGAAATGGCATTCA
