

Supplementary Table S1. The CDS of 14-3-3 genes and their deduced proteins in 8 representative species

Lineage	Organism	Nomenclature	Locus name	Chr.	Subgroup	CDS Length	Protein Length
Monocots	<i>Brachypodium distachyon</i>	<i>BdGF14a</i>	<i>Bradi3g38640</i>	Chr 03	non-ε	789	262
		<i>BdGF14b</i>	<i>Bradi5g12510</i>	Chr 05	non-ε	789	262
		<i>BdGF14c</i>	<i>Bradi3g36480</i>	Chr 03	non-ε	771	256
		<i>BdGF14d</i>	<i>Bradi4g16640</i>	Chr 04	non-ε	789	266
		<i>BdGF14e</i>	<i>Bradi3g46960</i>	Chr 03	non-ε	801	262
		<i>BdGF14f</i>	<i>Bradi1g11290</i>	Chr 01	non-ε	792	263
		<i>BdGF14g</i>	<i>Bradi4g13970</i>	Chr 04	ε	897	298
	<i>Oryza sativa</i>	<i>OsGF14a</i>	<i>Os08g37490</i>	Chr 08	non-ε	795	246
		<i>OsGF14b</i>	<i>Os04g38870</i>	Chr 04	non-ε	789	262
		<i>OsGF14c</i>	<i>Os08g33370</i>	Chr 08	non-ε	771	256
		<i>OsGF14d</i>	<i>Os11g34450</i>	Chr 11	non-ε	798	265
		<i>OsGF14e</i>	<i>Os02g36974</i>	Chr 02	non-ε	789	262
		<i>OsGF14f</i>	<i>Os03g50290</i>	Chr 03	non-ε	783	260
		<i>OsGF14g</i>	<i>Os01g11110</i>	Chr 01	ε	612	203
		<i>OsGF14h</i>	<i>Os11g39540</i>	Chr 11	ε	693	230
	<i>Triticum aestivum</i>	<i>TaGF14a</i>	<i>Traes_2AL_197BC062C</i>	Chr 2AL	non-ε	792	263
		<i>TaGF14b</i>	<i>Traes_3AS_8A727B48F</i>	Chr 3AS	non-ε	789	262
		<i>TaGF14c</i>	<i>Traes_4AS_2FF2E3CAF</i>	Chr 4AS	non-ε	801	266
		<i>TaGF14d</i>	<i>Traes_4AL_6B5C89E7C</i>	Chr 4AL	non-ε	786	261
		<i>TaGF14e</i>	<i>Traes_2BL_1B2A85367</i>	Chr 2BL	non-ε	792	263
		<i>TaGF14f</i>	<i>Traes_4DL_9C6C9CB1A</i>	Chr 4DL	-	-	-
		<i>TaGF14g</i>	<i>Traes_4BS_342A62CE6</i>	Chr 4BS	non-ε	801	266
		<i>TaGF14h</i>	<i>Traes_4BS_F7F9DE1D4</i>	Chr 4BS	non-ε	786	261
		<i>TaGF14i</i>	<i>Traes_4BS_D9C942644</i>	Chr 4BS	ε	750	249
		<i>TaGF14j</i>	<i>Traes_4DS_8D47B4C37</i>	Chr 4DS	non-ε	786	261

		<i>TaGF14k</i>	<i>Traes_2DL_1D9 12517E</i>	Chr 2DL	non-ε	552	183
		<i>TaGF14l</i>	<i>Traes_3B_3BF0 24700350CFD_c 1</i>	Chr 3BS	non-ε	789	262
		<i>TaGF14m</i>	<i>Traes_3DS_634 71506E</i>	Chr 3DS	non-ε	792	263
		<i>TaGF14n</i>	<i>Traes_4DL_BC CE5731E</i>	Chr 4DL	non-ε	801	266
		<i>TaGF14o</i>	<i>Traes_7AL_AA8 1EE544</i>	Chr 7AL	non-ε	693	230
		<i>TaGF14p</i>	<i>Traes_7BS_C7A 3E1534</i>	Chr 7BS	non-ε	576	191
		<i>TaGF14q</i>	<i>Traes_7DL_739 28596C</i>	Chr 7DL	non-ε	549	182
		<i>TaGF14r</i>	<i>Traes_2DL_216 39EB55</i>	Chr 2DL	non-ε	327	108
		<i>TaGF14s</i>	<i>Traes_3DS_CD C0F6925</i>	Chr 3DS	non-ε	324	107
		<i>TaGF14t</i>	<i>Traes_7DL_182 87B4F2</i>	Chr 7DL	non-ε	285	94
	<i>Zea mays</i>	<i>ZmGF14a</i>	<i>GRMZM2G1024 99</i>	Chr 02	non-ε	837	278
		<i>ZmGF14b</i>	<i>GRMZM2G0786 41</i>	Chr 10	non-ε	786	261
		<i>ZmGF14c</i>	<i>GRMZM2G0911 55</i>	Chr 04	non-ε	771	256
		<i>ZmGF14d</i>	<i>AC217050.4_FG 006</i>	Chr 01	non-ε	771	256
		<i>ZmGF14e</i>	<i>GRMZM2G1538 23</i>	Chr 01	non-ε	774	257
		<i>ZmGF14f</i>	<i>GRMZM2G1077 56</i>	Chr 06	non-ε	1029	342
		<i>ZmGF14g</i>	<i>GRMZM2G1064 24</i>	Chr 04	non-ε	807	268
		<i>ZmGF14h</i>	<i>GRMZM2G0062 07</i>	Chr 06	non-ε	765	254
		<i>ZmGF14i</i>	<i>GRMZM2G4087 68</i>	Chr 02	non-ε	801	266
		<i>ZmGF14j</i>	<i>GRMZM5G8660</i>	Chr 04	non-ε	759	252

			82					
		<i>ZmGF14k</i>	<i>GRMZM2G140545</i>	Chr 04	non-ε	780	259	
		<i>ZmGF14l</i>	<i>GRMZM2G145213</i>	Chr 04	ε	747	248	
	<i>Hordeum vulgare</i>	<i>HvGF14a</i>	<i>Hv14-3-3a</i>	Chr 04	non-ε	786	261	
		<i>HvGF14b</i>	<i>Hv14-3-3b</i>	Chr 03	non-ε	789	262	
		<i>HvGF14c</i>	<i>Hv14-3-3c</i>	Chr 02	non-ε	792	263	
		<i>HvGF14d</i>	<i>Hv14-3-3d</i>	Chr 07	non-ε	780	259	
		<i>HvGF14e</i>	<i>Hv14-3-3e</i>	Chr 04	non-ε	801	266	
	<i>Sorghum bicolor</i>	<i>SbGF14a</i>	<i>Sb07g029110</i>	Chr 07	non-ε	780	259	
		<i>SbGF14b</i>	<i>Sb07g020990</i>	Chr 07	non-ε	771	256	
		<i>SbGF14c</i>	<i>Sb06g019100</i>	Chr 06	non-ε	786	261	
		<i>SbGF14d</i>	<i>Sb05g024160</i>	Chr 05	ε	744	247	
		<i>SbGF14e</i>	<i>Sb07g025680</i>	Chr 07	non-ε	762	253	
		<i>SbGF14f</i>	<i>Sb05g021020</i>	Chr 05	non-ε	798	265	
	Dicots	<i>Arabidopsis thaliana</i>	<i>GRF1</i>	<i>AT4G09000</i>	Chr 04	non-ε	957	318
			<i>GRF2</i>	<i>AT1G78300</i>	Chr 01	non-ε	780	259
			<i>GRF3</i>	<i>AT5G38480</i>	Chr 05	non-ε	768	255
			<i>GRF4</i>	<i>AT1G35160</i>	Chr 01	non-ε	888	295
<i>GRF5</i>			<i>AT5G16050</i>	Chr 05	non-ε	807	268	
<i>GRF6</i>			<i>AT5G10450</i>	Chr 05	non-ε	798	273	
<i>GRF7</i>			<i>AT3G02520</i>	Chr 03	non-ε	822	265	
<i>GRF8</i>			<i>AT5G65430</i>	Chr 05	non-ε	783	260	
<i>GRF9</i>			<i>AT2G42590</i>	Chr 02	ε	831	276	
<i>GRF10</i>			<i>AT1G22300</i>	Chr 01	ε	765	254	
<i>GRF11</i>			<i>AT1G34760</i>	Chr 01	ε	768	255	
<i>GRF12</i>			<i>AT1G26480</i>	Chr 01	ε	807	268	
<i>GRF13</i>			<i>AT1G78220</i>	Chr 01	ε	738	245	
<i>Glycine max</i>		<i>GmGF14a</i>	<i>Glyma08g47900</i>	Chr 08	non-ε	783	260	
		<i>GmGF14b</i>	<i>Glyma04g09820</i>	Chr 04	non-ε	753	250	
		<i>GmGF14c</i>	<i>Glyma05g29080</i>	Chr 05	ε	780	259	
		<i>GmGF14d</i>	<i>Glyma13g36690</i>	Chr 13	ε	786	261	
		<i>GmGF14e</i>	<i>Glyma01g07070</i>	Chr 01	ε	780	259	
	<i>GmGF14f</i>	<i>Glyma02g12930</i>	Chr 02	ε	780	259		
	<i>GmGF14g</i>	<i>Glyma02g37120</i>	Chr 02	non-ε	789	262		
<i>GmGF14h</i>	<i>Glyma06g10650</i>	Chr 06	non-ε	840	279			

		<i>GmGF14i</i>	<i>Glyma04g10820</i>	Chr 04	non-ε	867	288
		<i>GmGF14j</i>	<i>Glyma06g09890</i>	Chr 06	non-ε	753	250
		<i>GmGF14k</i>	<i>Glyma14g35410</i>	Chr 14	non-ε	945	314
		<i>GmGF14l</i>	<i>Glyma08g12220</i>	Chr 08	ε	780	259
		<i>GmGF14m</i>	<i>Glyma18g53610</i>	Chr 18	non-ε	774	257
		<i>GmGF14n</i>	<i>Glyma12g35820</i>	Chr 12	ε	798	265
		<i>GmGF14o</i>	<i>Glyma12g33800</i>	Chr 12	ε	786	261
		<i>GmGF14p</i>	<i>Glyma13g34580</i>	Chr 13	ε	792	263
		<i>GmGF14q</i>	<i>Glyma07g35240</i>	Chr 07	ε	780	259
		<i>GmGF14r</i>	<i>Glyma20g03120</i>	Chr 20	ε	783	260