

HsPFKFB2 : MSGASSSEQNNNSYETKTPNLRMSEKKCSWASYMINSPTL : 40
PtP2FK/F2BP1 : MSSINSIPASSSVSDLSSQRFPPFNIDNPMFHLRPEGENAAPLEVTTGTTASDKV--- : 57
PtP2FK/F2BP2 : MSSIHSPSPSVNGRDHFQYHAEESPPPEPPSGLPETSPITVRKDYAAGSSSELATETPTVQR : 60

HsPFKFB2 : -----IVMIGLPARGKTYVSKKLTFRYLNWIGV-PTKVFNLGVYRREAVKS : 84
PtP2FK/F2BP1 : -----IVMVGLPATGKTHIAKRICRFLSFFHDIPSQIFNVGDYRQLCGA : 102
PtP2FK/F2BP2 : LEARRKLTKNSTRLVIALVGLPARGKSFVARKLLHYLNWSGV-QCKIFNVGRYRREAVYKH : 119

HsPFKFB2 : YKSY-----DFFRHDNBEAMKIRKOCALVALEDVKAYLTFENGQIAVFDATN : 131
PtP2FK/F2BP1 : QMPA-----DFYDPSNBAGQLARHCACLAALADLLEYKQDGVVVAAFDATN : 149
PtP2FK/F2BP2 : VAAA SADARAQTGACDADFFDAQNERAAELREKVADLALRDMLRCSNHER-IATFDATN : 178

HsPFKFB2 : TTRERRDMLLNFAEQNSFK-----VFFVESVCDDPDVIAANILEVKVSSPDYPERNREN : 185
PtP2FK/F2BP1 : STKARRSHILOVLKASGLGCK----RMFVESVCDEHALLLEENIRKVKLSTPDYRDMPEQ : 205
PtP2FK/F2BP2 : STDKRRKWLLOECTSPDKRPGKPTGVVFFVESICDDQELLEENIRYKISNSPDFDGMTQQE : 238

HsPFKFB2 : VMEDFLKRIECKVITYRPLDPDNYDKDLSFIKVINVGQRFVLRVQDYIQSKIYVYLMNI : 245
PtP2FK/F2BP1 : AMRDEKTRREINVMRVYEPVD----ETDGPHIK-IINSKQFIVTNIIRGYLPLKVHVVMNI : 260
PtP2FK/F2BP2 : ALSDLRKRVRTKYEEQYETIT----DDLSYMKVFNLSKLMVNIETVGRMAKELVPALMSW : 294

HsPFKFB2 : HVQPRTIYLCRXGESEFNLLGKIGGDSGLSVRCQFAQALRKFLEEQEITDLKVVTSQLK : 305
PtP2FK/F2BP1 : HTLPRTEFYLRHQSEYNLLGKIGGDSGLTPAGLEYARRLAQFAQTHIGSQTVTNETTGE : 320
PtP2FK/F2BP2 : HIGTRPVFLCRPGQTIISGILTDGEDYVARNKANHENEGPRDPFPMKIITSTMPRAADTVN : 354

HsPFKFB2 : RTIQTAESLGVPEYQ-----WKILNEIDAGV : 331
PtP2FK/F2BP1 : SATVPRPARLWSTLRRTLETAQFINHEALQHTWDNGDSEAELQFRPMARRNLDELYACT : 380
PtP2FK/F2BP2 : WIDYEFAIQQMS-----NLNPLDKGD : 375

HsPFKFB2 : CEEMTYAEIEKRYPEEFALRDQEKYL--YRYPGGESYQDLVORLEPVMELERQGNV-LV : 388
PtP2FK/F2BP1 : CDGMTYKEIEQVYPEEFARRQDDKLS--YRYPGGESYMDVTLRLLEPIAQEMERTREPVLI : 438
PtP2FK/F2BP2 : FACMELDEIRKKNESWYERLERNRYQTRYVFPGGESYADLVKRLTSVVVIDVEQVQVPTLTV : 435

HsPFKFB2 : ISHOAVMRCLLAYFLDKGADELPYLRCPLHTIFKLTTPVAYGCKVETIKLNVEAVNTHRDK : 448
PtP2FK/F2BP1 : VGHQILRILLYAYFMGLDRNEAPYVSIPLNNVIELTPHAYGCHEKRFCLMRKEEMLNDGQ : 498
PtP2FK/F2BP2 : VSHVSILQCLMSYERNTPVELCTGIEVPMHTVVVFETPVRRGGWSETHHPLFGADECKGM : 495

HsPFKFB2 : PTNFPKNQTPVRRMRNSFTPLSSSNTIRRPRIYSVGSRPLKPLSPLRAQDMQEGAD : 505
PtP2FK/F2BP1 : DEPVTSMPVKINGGTSHREPGASTVRRPAYYAANDPVMNAPSC : 540
PtP2FK/F2BP2 : I-PVASESEFSSQVTFSSGSDSPIWTDLVSSKSSSSLKRELSGSKQGSHTS----- : 544