

EPW

060	CC
061	C CC
066	G g CC
068	G G g CC
070	G G G G CC
071	G G G G G CC
072	G C G G g G CC
073	G G g G g G G CC
076	g C G g g - C g CC
077	G G G G G G g G CC
079	g G G G G - G G G CC
082	G g G G G G G C G G CC
085	G G G G G G G G G CC

ASA 060 061 066 068 070 071 072 073 076 077 079 082 085

ALMA

060	CC
061	C CC
066	G g CC
068	G G G CC
070	G G G G CC
071	G G G G G CC
072	g C G G G - CC
073	G g g G G G G CC
076	g C g g g - C g CC
077	g G G G G G g G CC
079	g g G G g - G G G CC
082	G G G G G G G g G CC
085	G G G G G G G G G CC

ALMA 060 061 066 068 070 071 072 073 076 077 079 082 085

ISC

003	Cc
005	G CC
006	C g Cc
009	g G g Cc
010	g G G G CC
012	g g - G G Cc
013	g - g g G g CC
014	G G G G G G G CC
015	G G G G G G g - CC
016	G g G g g G G C CC
019	C g g g - C g G G CC
020	g g g g G g G G G - C-
021	g G g g C g G G G g C-

ASA 003 005 006 009 010 012 013 014 015 016 019 020 021

ALMA

003	Cc
005	G CC
006	C g Cc
009	g G g Cc
010	g G G G CC
012	G g g G G Cc
013	g - g G G g CC
014	G G G G G G G CC
015	g G g G G G g - CC
016	G g G g g G G C CC
019	C g g g - G g G G CC
020	- g - - g g G G G G - C-
021	g G g g C g G G G g - C-

ALMA 003 005 006 009 010 012 013 014 015 016 019 020 021

LWD

044	CC
045	G CC
049	G G CC
053	G G G CC
054	G G G G CC
065	G G G G G CC
066	G G G C G G CC
067	G G g G G G G CC
069	G G G G G G G CC
070	G G G G G G G CC

ASA 044 045 049 053 054 065 066 067 069 070

ALMA

044	CC
045	G CC
049	G G CC
053	G G G CC
054	G G G G CC
065	G G G G G CC
066	G G G C G - CC
067	G G g G G - G CC
069	G G G G G g G G CC
070	G G G G g G g G CC

ALMA 044 045 049 053 054 065 066 067 069 070

PTW

031	CC
032	C CC
035a	G G CC
036b	g G G CC
037b	G G G G CC
039	C G C G g CC
041d	g G g g g C CC
048	G G G g g g G CC
049c	g C C G g g G Cc
053	g - C G G G C CC

ASA 031 032 035a 036b 037b 039 041d 048 049c 053

ALMA

031	CC
032	C CC
035a	G G CC
036b	g G G CC
037b	G G G G CC
039	C G C G g CC
041d	G G G G G G CC
048	C G G G g G G CC
049c	g C C G G g G G CC
053	G g C G G g G C CC

ALMA 031 032 035a 036b 037b 039 041d 048 049c 053

PND

002	CC
003	G CC
006	G g CC
007	G G G Cc
009	G G G G CC
010	G G g G G G CC
011	g G g G G G G CC
015	G G G G G G G CC
016	G G g g G G g G CC
026	G G G g g g G G CC

ASA 002 003 006 007 009 010 011 015 016 026

ALMA

002	CC
003	G CC
006	g g CC
007	g G G Cc
009	g G G G CC
010	G G g G G G CC
011	g G g G G G G CC
015	G G g G G g g CC
016	g G g g C G G g G CC
026	G G G G g g G G CC

ALMA 002 003 006 007 009 010 011 015 016 026

BWY

02L2	CC
02L3	g CC
02L4	G G CC
003	g G G CC
007	g g g G CC
010	G G G g g CC
011	G G G G g g CC
039	G g G C G G G CC

ASA 02L2 02L3 02L4 003 007 010 011 039

ALMA

02L2	CC
02L3	g CC
02L4	G G CC
003	g G G CC
007	g g g G CC
010	G G G g C CC
011	G G G G g g CC
039	G g G C G G G CC

ALMA 02L2 02L3 02L4 003 007 010 011 039

Supplementary Figure 1. Reaction patterns of *Hymenoscyphus fraxineus* isolate pairings on ash sapwood agar (ASA) and ash leaf agar (ALMA) from six UK populations. C= Compatible, c= known compatible with unstructured, diffuse gaps, G= strong structured gap reaction, g= weaker structured gap reaction, - unreadable or failed reaction with no score.