

Table S5: Primers

Primer	Sequence
695	GCTTGTAATTCTATCATAATTG
696	AGGGAATCATTTGAAGGTTGG
1657	TTAAGCTTAGTCGACAGTAAGGAGGAACTACTATGAGTAAACCGCCGGAAAAGAGAAGAACTTTTCACTGG
2567	GTACATCCGCAACTGTCCATA
2818	TCTCCAATCAGGCTTGA
4933	GTCGACTCTAGAGGATCCCCGAAGCAACAGGCTGAATCGA
4934	TTCATATCCCTTGAACATGCGTTCTCGCATGTTGAATTAATGCTT
4935	AAGCATTAATTCAACATGCGAGAACGCATGTTCAAGGGAATATGAA
4936	GTGAATTCGAGCTCGGTACCCATCCTGAACGACGAGGTCTT
5279	GTCGACTCTAGAGGATCCCATAATATGGCCCTCATCTGAC
5280	TTACGCCCGAGTTTGACCCTTATTATCAGGATACAGACTTCAC
5281	GTGAAGTCTGTATCCTGATAATAAGGGTCAAACCTCGGGCGTA
5282	GTGAATTCGAGCTCGGTACCCGGTAGAGCTGGCGAACGAG
5283	GTCGACTCTAGAGGATCCCCCTGCCAAGCGGCTACAG
5284	CAATGAATCCACTGCACTGCACTTCAATAATTCTCCGTGTGTT
5285	AACACACGGAGAATTATTGAAGTGCAGTGCAGTGGATTCAATTG
5286	GTGAATTCGAGCTCGGTACCCGAAGCGGGACATGTCGCC
5287	GTCGACTCTAGAGGATCCCCTATATCGGACACACCGCCC
5288	ATAGCCGGATATGTCATACTGATGCGGCAGCTGACATCCG
5289	CGGATGTCAGCTGCCGCATCAGTATGACATATCCGGCTAT
5290	GTGAATTCGAGCTCGGTACCCAATGAGAGATCCCGCCATCA
5291	GTCGACTCTAGAGGATCCCCGAAGCGCTTCGGCTACATG
5292	TATGTGCTGTGGTAATAAACCAACCGCCGACAATGTGCTGT
5293	ACAGCACATTGTCGGCGGTTGGTTTATTACCACAGCACATA
5294	GTGAATTCGAGCTCGGTACCCGTCGTCACCGGCAGATTCT
5295	GTCGACTCTAGAGGATCCCCGAAAGTAGCCATTGCATCGG
5296	CGGCCGTGTACGCGCCAATTGGTCTGAAACTCAGACAG
5297	CTGTCTGAGTTTCAGGACCAATTGGCGCGTACACGGCCG
5298	GTGAATTCGAGCTCGGTACCCATTTCTTCGCGCGGTCAC
5877	AGGAGGAAGCTTGATACTCGCCGGATATTCAC
5878	TCCTCGCTAGCTGCATATTGGGCAGTAGTATTA
5879	AGGAGGCTAGCTCGGTGAATTAAGAAGTATATG
5880	TCCTCGCATGCGATGTAAGGATTCTTAACATCAA
5881	AGGAGGGATCCTCCAGGTCATCAAGCATGCT
5882	AGGAGGGATCCTCCAGGTCATCAAGCATGCT
5883	TCCTCGCTAGCATCTCCGTAAGTGTTCCTTTCA
5884	AGGAGAAGCTTTGAATGTCAATGTCCGCTCG
5885	TCCTCGCTAGCTTCCTCCAGCGTGTGTGA
5886	AGGAGGCTAGCGCGTATTGGAAAAATCTCCGA
5887	TCCTCGAATTCAAGTTCGGAATTTATTTCACTATCT
5888	AGGAGAAGCTTTGAGAAAAATCAAACAAATACAAA
5889	TCCTCGCTAGCTGTGTCTATACTCAGTTTTATTAT
5909	TCCTCGCTAGCGGGATCGATACAAATATTCAAG
5945	AGGAGGCATGCGTGTTAATGTGTCAAACATGTC
5946	AGGAGGGATCCGAAAATCGCATGCTTCAGTTGT
6102	ATTAAGCTTAGTCGACAGTAAGGAGGAACTACTATGACTAAAAAAGAGTAGTTGTTACAGGACTTG
6103	CGAATTAGCTTGCATGTTATGATTGATATTTTTAAAGATTAATGTTGCGTTGTG
6104	ATTAAGCTTAGTCGACAGTAAGGAGGAACTACTATGCAAAGTTTACAACATAAAACTGCACTAATC
6105	CGAATTAGCTTGCATGTTAAGGATTTGTTGACCATAATCCCGCTG
6106	AATTAAGCTTAGTCGACAGTAAGGAGGAACTACTATGTTAAATATCAAAGAAATCCACGAGCTG
6107	CGAATTAGCTTGCATGTTACTCCGCTTTTACAAGAAATAGAGGTTGTC
7514	CCGAATTAGCTTGCATGTTAATTTGTAGAGCTCATCCATGCCATGTG