

M. musculus 121 YHEDVGYGVSEGLRSKALSLEKARKEAVTDGLKRALRSFGNALGNCILDKDYLRSLNKLPRQLPLEVDLTKTKRKDFEPSVEQARYNSCR 210
R. norvegicus 121 YHEDVGYGVSEGLRSKALSLEKARKEAVTDGLKRALRSFGNALGNCILDKDYLRSLNRLPRQLPLEVDLTKKREDFEPSVEQARYNSCR 210
C. griseus 121 YHEDVGYGVSEGLRSKALSLEKARKEAVTDGLKRALRSFGNALGNCILDKDYLRSLNKLPRQLPLEVDLTKAKREDFEPSVEQARYNSCL 210
H. sapiens 120 YHEDVGYGVSEGLRSKALSLEKARKEAVTDGLKRALRSFGNALGNCILDKDYLRSLNKLPRQLPLEVDLTKAKRQDLEPSVEEARYNSCR 209
P. troglodytes 120 YHEDVGYGVSEGLRSKALSLEKARKEAVTDGLKRALRSFGNALGNCILDKDYLRSLNKLPCQLPLEVDLTKAKRQDLEPSVEEARYNSCR 209
R. monkey 120 YHEDVGYGVSEGLRSKALSLEKARKEAVTDGLKRALRSFGNALGNCVLDKDYLRSLNKLPRQLPLEVDLTKAKRQDLEPSVEEARYNSCR 209
G. gallus 121 YHEDVGYGVSEGLRSKALSLEKARKEAVTDGLKRALKCFGNALGNCILDKDYLRSLNKLPRQMPPELDLVKTKRQDYEPETIEKARYDGCCL 210
X. laevis 117 YHEDVGYGVSEGLRSKALSLEKARKEAVTDGLKRALKCFGNALGNCILDKDYLRSLNKLPRQMPPELDLVKTKRQDYEPETIEKARYDGCCL 206

M. musculus 211 QNEALGLPKPQE-----VTSPCRSSPPHDSNIKLGAKDISSS-CSLAATLES DATHQRKLRKLRQKQLQQQFR--EQMETRRQSHA 289
R. norvegicus 211 QDKASGLPKPQE-----AASPCRPSPHDSNIKLGAKDSSSSCSLATTSESDATHQRKLRKLRQKQLQQQFRGTDGGETLSQTNT 292
C. griseus 211 QNEAPGPPKQPE-----AASPCRPSPHDSNIKLGAKDCSSS-CSLAAPMESDAIHQRKLRKLRQKQLQQQFR--QQMEAHLQGH 289
H. sapiens 210 PNMALGHPQLQQ-----VTSFSPRPSH-----AVIPADQDCSSR-SLSSSAVESEATHQRKLR--QKQLQQQFR--ERMEK--QQVR 278
P. troglodytes 210 PNMALGHPQLQE-----ATSPSRPSH-----AVIQADKDCSSR-SLTSSSAVESEATHQRKLR--QKQLQQQFR--ERMEK--QHV 278
R. monkey 210 PNMALGHPQLQE-----VTSFSPRPSR-----VVIQGDKDCSSR-GLTSSSTVESEATYQRKLR--QKQLQQQFR--ERMEK--QHV 278
G. gallus 211 ERQNPGRWQCE-----TAPTCKPTHTEASGVTEQKQPSSSGNTDSPAVECDATYQRKLR--QKQLQQQFW--EQMEKRRQVKE 286
X. laevis 207 QAQKQAEPRQPEPVVQLPLRSSDPSLSEHNHEGSTRISPEDNCTSTGSAMSYPDMDATYQRKLR--QKQLQQQFR--EQMERKQQTRE 291

M. musculus 290 PA---EEVAAKH-AVLPAPP-KHSTPVTAASELLQEKVVF-----DNLEENLEMWDLTPDLED-----IIKPLCRAEPAQTSATRTF 362
R. norvegicus 293 SQ---RHPPPPHSAALPAPP-KHSTPVPAASACLREKAVLP-----DNLEENLEMWDLTPDLED-----IIKPLCRTEPPQTSVTRTL 366
C. griseus 290 PA---VKVKAEREAVLPDLPPKHSTPVTAASELLREKAIFP-----DNPEDNLEMWDLTPDLED-----IIKPLSRPEPPQTSATRVQ 364
H. sapiens 279 VS---TPSAEKSEAAPAPPVTHSTPVT-VSEPLEKDFLAGVTQELIKTLEDNSEKWAVTPDAGDG---VVKPSSRADPAQTSIDLAL 360
P. troglodytes 279 VS---TPSAEKSEAAPAPPVTHSTPVT-VSEPLEKDFLAGVTQELIKTLEDNSEKWAVTPDAGDG---VVRPSSTADPAQASIDLAL 359
R. monkey 279 VS---RPSAEKSEARAAPPVTHSTPVTAVSEPLEKDFLAGVTQELIKTLEDNSEKWAVTPDAGDG---VAKPSSRADPAQAADTLAL 361
G. gallus 287 ---VTPSSKQATAN---PPVKHSTPAAVQ-Q-ELAIIEEFF-----ADDLELWDISLETDLNKLKMKHKAAGSPAAQPPETPHR 358
X. laevis 292 PETLPDTSREGTAYPARVPLGHSTPAAAAQPQVAPEEEFL-----ADDPELWDIPLDAVEMDPPSNGRIQVPSAVSTPVAPHG 371

M. musculus 363 NN---QDSVPHIHCHQKQP---EKPGPGHLQTCNTNQHVLSGREDSEPHRSKQ--DLKRRKLDPS 419
R. norvegicus 367 NNQAVIQDSVPHIHCHQKQV---EKPGPGHLQTCSTNQHVLSGRENSESHRSKQ--DLKRRKLDPS 427
C. griseus 365 VI---QDGLVHLGLCHQMP---EKHEAGHLQAHSTHQLVGL---NSDSHRSKQ--DLKRRKLDPS 418
H. sapiens 361 NNQMVTONRTPHSVCHQKQP---AKSGSWDLQTYSDQRTTG---NWESHRSKQ--DMKKRKYDPS 418
P. troglodytes 360 NNQMVTONRTPHSVCHQKQP---AKSGSWDLQTYSDQRTTG---NWESHRSKQ--DMKKRKYDPS 417
R. monkey 362 NHQMVTONRTPHSVCHQKQP---AKSGSWDLQTYSDQRTTG---NWESHRSKQ--DMKKRKYDPS 419
G. gallus 359 RHQMTTRNRTQRMHYHKPPVRFQALQPSAALTNSHGANQRTPAEHSFYRRSQ--SWKRRLEPT 422
X. laevis 372 QHQLMTRSKTPQRQNHQR-----QPLRPTSWNQPNGNPAPRLDRSPYQHQGLLMKRRLEPS 429

S2 Fig