

Table S2. Data of amino acid content in MR domain of CaARFs.

Gene	Gln (Q)	Ser (S)	Pro (P)	Gly (G)	Leu (L)	Enrichment	HMM
<i>CaARF1</i>	0.03	0.18	0.12	0.11	0.05	SPGL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF2</i>	0.06	0.12	0.07	0.13	0.06	SPGL	DBD-MR
<i>CaARF3</i>	0.18	0.12	0.08	0.04	0.1	QSL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF4</i>	0.03	0.12	0.07	0.05	0.09	SPGL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF5</i>	0.07	0.12	0.05	0.07	0.1	SPGL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF6</i>	0.29	0.11	0.09	0.03	0.12	QSL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF7</i>	0.18	0.12	0.05	0.1	0.14	QSL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF8</i>	0.03	0.18	0.03	0.05	0.08	SPGL	DBD-MR
<i>CaARF9</i>	0.03	0.16	0.05	0.03	0.05	SPGL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF10</i>	0.06	0.15	0.1	0.06	0.11	SPGL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF11</i>	0.1	0.1	0.1	0.02	0.1	SPGL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF12</i>	0.17	0.1	0.08	0.08	0.14	QSL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF13</i>	0.19	0.12	0.09	0.03	0.1	QSL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF14</i>	0.04	0.17	0.08	0.07	0.07	SPGL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF15</i>	0.22	0.11	0.08	0.04	0.09	QSL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF16</i>	0.07	0.14	0.06	0.1	0.07	SPGL	DBD-MR
<i>CaARF17</i>	0.06	0.13	0.04	0.09	0.07	SPGL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF18</i>	0.06	0.11	0.06	0.07	0.11	SPGL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF19</i>	0.05	0.15	0.05	0.03	0.07	SPGL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF20</i>	0.27	0.12	0.08	0.03	0.12	QSL	DBD-MR-CTD
<i>CaARF21</i>	0.1	0.15	0.08	0.02	0.09	SPGL	DBD-MR
<i>CaARF22</i>	0.03	0.1	0.08	0.05	0.07	SPGL	DBD-MR-CTD
CaARF23	0	0.5	0	0	0	SPGL	DBD-MR
CaARF24	0.03	0.15	0.03	0.14	0.11	SPGL	DBD-MR