

Dataset S1: BPV1 E2 CompPASS Analysis

TSC	SYMBOL	FOUND IN	TSCs	WD- SCORE	NWD- SCORE	Z- SCORE	WF	RATIO
176	BPV1_E2	2	127,224	363.28	5.98	8.49	1.04	3/79
28	BRD4	2	25,30	275.9	4.54	8.77	1.32	2/79
9	NHLRC2	2	9,8	237	3.9	8.8	1	1/79
9	SMC6	2	8,10	237	3.9	8.8	1	1/79
3	BRD2	2	3,2	136.83	2.25	8.71	1	1/79
3	ATAD5	2	2,3	136.83	2.25	8.71	1	1/79
3	ZNF696	2	1,4	136.83	2.25	8.71	1	1/79
60	USP5	2	43,77	131.6	2.17	5.25	1.29	6/79
2	GOPC	2	3,1	111.72	1.84	8.57	1	1/79
2	SMC5	2	3,1	111.72	1.84	8.57	1	1/79
12	SUPT5H	2	16,8	84.29	1.39	8.68	1.54	5/79
1	BAT1	2	1,1	79	1.3	9	1	1/79
1	EXOSC3	2	1,1	79	1.3	9	1	1/79
1	PDIA4	2	1,1	79	1.3	9	1	1/79
1	HIST1H2AA	2	1,1	79	1.3	9	1	1/79
1	PLUNC	2	1,1	79	1.3	9	1	1/79
1	CKM	2	1,1	79	1.3	9	1	1/79
1	NHP2	2	1,1	79	1.3	9	1	1/79
6	TRMT61B	2	5,6	64.5	1.06	7.93	1	3/79
8	USP47	2	8,8	55.86	0.92	7.98	1	4/79
2	RRBP1	2	2,1	55.86	0.92	7.84	1	2/79
2	ILK-2;CCT4	2	2,2	55.86	0.92	3.84	1	2/79
2	NDUFS1	2	1,2	55.86	0.92	3.84	1	2/79
1	JMJD6	2	1,1	39.5	0.65	6.06	1	2/79
1	TPR	2	1,1	39.5	0.65	6.06	1	2/79
1	KRT27	2	1,1	39.5	0.65	6.06	1	2/79
1	PSMB3	2	1,1	39.5	0.65	6.06	1	2/79
1	ABCF2	2	1,1	39.5	0.65	6.06	1	2/79
1	CKAP5	2	1,1	39.5	0.65	6.06	1	2/79
3	UCHL3	2	2,3	37.63	0.62	0.39	1.1	4/79
2	DLAT	2	1,3	37.24	0.61	7.22	1	3/79
5	RNH1	2	3,6	35.33	0.58	6.72	1	5/79
1	MYH9	2	1,1	31.44	0.52	0.05	1.99	5/79
2	COPS3	2	2,1	31.28	0.51	-0.03	1.12	4/79
5	GSTP1	2	5,4	29.45	0.48	7.98	1	6/79
2	EEF1D	2	2,1	27.93	0.46	5.49	1	4/79
1	KPNA2	2	1,1	26.33	0.43	3.52	1	3/79
1	SMU1	2	1,1	26.33	0.43	3.52	1	3/79
1	CSTA	2	1,1	26.33	0.43	3.52	1	3/79
1	RALY	2	1,1	26.33	0.43	3.52	1	3/79

Dataset S3: BPV1 E8/E2C CompPASS Analysis

TSC	SYMBOL	FOUND IN	TSCs	WD- SCORE	NWD- SCORE	Z- SCORE	WF	RATIO
65	BPV1_E2	2	58,71	212.28	3.56	7.14	1	3/79
51	FLNB	2	45,56	174.89	2.93	7.93	1.24	4/79
4	CADPS2	2	2,6	158	2.65	8.78	1	1/79
2	TRIM58	2	1,3	111.72	1.87	8.57	1	1/79
16	USP5	2	11,21	82.71	1.39	1.62	1.57	6/79
1	CADPS	2	1,1	79	1.32	9	1	1/79
1	CKM	2	1,1	79	1.32	9	1	1/79
42	FLNA	2	40,44	70.53	1.18	3.76	1.79	13/79
8	FLNC	2	7,9	66.59	1.12	0.03	2.98	10/79
2	SQSTM1	2	2,1	55.86	0.94	7.84	1	2/79
2	TPR	2	1,2	55.86	0.94	7.84	1	2/79
2	ILK-2;CCT4	2	1,2	55.86	0.94	3.84	1	2/79
3	KPNA2	2	2,3	45.6	0.76	6.95	1	3/79
1	ATXN2	2	1,1	39.5	0.66	6.06	1	2/79
1	DLST;DLSTP	2	1,1	39.5	0.66	3.84	1	2/79
1	EMD	2	1,1	39.5	0.66	6.06	1	2/79
1	HK3	2	1,1	39.5	0.66	6.06	1	2/79
1	AHCYL1	2	1,1	37.92	0.64	0.43	1.44	3/79
2	GYS1	2	1,2	37.24	0.62	5.88	1	3/79
2	IARS	2	3,1	27.93	0.47	6.69	1	4/79
1	DLAT	2	1,1	26.33	0.44	5.05	1	3/79
3	GSTP1	2	5,1	22.81	0.38	7.07	1	6/79
2	IKBKAP	2	2,2	22.34	0.37	3.94	1	5/79
1	COPS2	2	1,1	22.32	0.37	-0.1	1.13	4/79
2	RNH1	2	1,2	22.34	0.37	3.6	1	5/79
3	EFTUD2	2	2,4	20.46	0.34	0.3	2.54	17/79
1	PYGL	2	1,1	19.75	0.33	4.32	1	4/79
1	ALDOA	2	1,1	19.75	0.33	4.32	1	4/79
3	PSMD12	2	1,4	19.34	0.32	-0.12	1.98	14/79
3	PSMC5	2	2,4	16	0.27	-0.02	2.22	19/79
3	PSMC2	2	1,4	16.17	0.27	0.07	1.89	16/79
1	DICER1	2	1,1	15.8	0.26	3.76	1	5/79
5	EIF4A1	2	4,6	14.71	0.25	0.58	2.58	31/79
2	PSMD2	2	2,2	14.88	0.25	-0.1	2.13	16/79
3	PSMC3	2	2,4	14.57	0.24	0	2.13	20/79
2	PPM1G	2	1,2	12.42	0.21	1.82	1	9/79
2	SF3B2	2	1,2	12.42	0.21	5.05	1	9/79
2	DBN1	1	2	12.57	0.21	8.57	1	1/79
2	CBX3	1	2	12.57	0.21	8.57	1	1/79
7	KRT16	2	8,5	11.9	0.2	0.53	1.99	35/79

5	XRCC6	2	5,5	11.05	0.19	3.76	1	16/79
1	C8orf33	2	1,1	11.29	0.19	2.02	1	7/79
1	TP53	2	1,1	11.29	0.19	1.89	1	7/79
5	DSP	2	6,4	10.83	0.18	0.29	1.9	31/79
4	SPTBN1	2	2,5	10.54	0.18	5.31	1	15/79
1	DIS3	2	1,1	9.88	0.17	3	1	8/79
4	SRRM2	2	3,4	9.3	0.16	3.03	1	17/79
3	RCN2	2	2,3	9.77	0.16	2.75	1	14/79
2	KRT6B	2	2,1	9.18	0.15	0.41	1.56	19/79
1	PFKM	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MAP1B	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	TSPYL1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	GBAS	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	HSPE1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
2	NDUFS1	1	2	8.89	0.15	3.84	1	2/79
1	CTCF	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	TBL1XR1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	RAD18	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	EDC4	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	SPOP	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	PFDN5	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	DSG2	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	NUFIP2	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	IGHA1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	SMN2;SMN1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	LDLR	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	BAT1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	THBS1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
3	CCT7	2	4,2	8.45	0.14	0.15	1.73	28/79
2	GARS	2	1,3	8.6	0.14	3.42	1	13/79
10	KRT14	2	11,9	7.94	0.13	1.42	1.46	46/79
6	AHCY	2	5,7	7.98	0.13	1.14	1.94	47/79
1	DARS	2	1,1	7.9	0.13	2.26	1	10/79
1	TRIM21	2	1,1	7.9	0.13	1.45	1	10/79
49	KRT1	2	49,49	7	0.12	0.67	1	79/79
35	KRT9	2	28,42	6.9	0.12	1.37	1.08	73/79
5	PRKDC	2	3,6	7.07	0.12	1.03	1	25/79
1	PSMC6	2	1,1	7.44	0.12	-0.11	2.26	24/79
1	NOP58	2	1,1	7.18	0.12	2.13	1	11/79
1	C7orf36	2	1,1	7.18	0.12	1.31	1	11/79
1	POP1	2	1,1	7.18	0.12	1.83	1	11/79
3	COPS4	1	3	7.32	0.12	-0.07	1.81	8/79
2	GIGYF2	1	2	7.26	0.12	3.45	1	3/79

2	MTAP	1	2	7.26	0.12	7.22	1	3/79
2	CSTA	1	2	7.26	0.12	5.88	1	3/79
2	RPS18	1	2	7.26	0.12	1.34	1	3/79
2	RALY	1	2	7.26	0.12	5.88	1	3/79
1	TP53BP1	1	1	7.22	0.12	0.19	1.32	2/79
29	CAD	2	27,31	6.62	0.11	1.56	1	64/79
4	TCP1	2	5,2	6.31	0.11	0.23	1.36	34/79
2	EEF1D	1	2	6.28	0.11	5.49	1	4/79
1	GPN3	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	WDR82	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	SAFB2	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	PRPF6	1	1	6.47	0.11	0.13	1.59	3/79
1	NAMPT	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	LOC652614	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	TPM3	1	1	6.28	0.11	3.84	1	2/79
1	MGEA5	1	1	6.28	0.11	2.71	1	2/79
1	CORO1C	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	TBC1D4	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	OGDH	1	1	6.47	0.11	1.14	1.06	2/79
1	ACP1	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	USP1	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	ARIH1	1	1	6.28	0.11	3.84	1	2/79
1	PSMB3	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	DCTN2	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	AQR	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	FLII	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	TRAPPC2L	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
5	AGL	2	5,4	6.17	0.1	0.79	1.5	43/79
1	CAPRIN1	2	1,1	5.87	0.1	-0.11	3.12	42/79
1	IMPDH2	2	1,1	6.08	0.1	1.01	1	13/79
2	YWHAZ	2	1,2	6.17	0.1	0.62	1.16	21/79
1	PRPH	2	1,1	6.08	0.1	1.5	1	13/79
6	JUP	1	6	5.86	0.1	2.53	1.16	16/79
26	HSPA8	2	28,24	5.1	0.09	-1.08	1	79/79
11	VIM	2	12,10	5.47	0.09	2.47	1	48/79
5	SPTAN1	2	6,3	5.34	0.09	5.59	1	33/79
3	HADHA	1	3	5.38	0.09	2.76	1.1	9/79
2	CCT6A	2	2,1	5.17	0.09	-0.06	1.48	32/79
2	PSMD1	1	2	5.2	0.09	-0.1	2.22	13/79
2	CCT3	2	1,2	5.58	0.09	0.09	1.5	30/79
1	PDIA3	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	PSMB5	1	1	5.13	0.09	3.52	1	3/79
2	FXR1	2	1,2	5.08	0.09	1.49	1	22/79

1	MACF1	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
2	XRCC5	2	1,2	5.08	0.09	1.45	1	22/79
3	PSMD4	1	3	5.32	0.09	0.45	1.55	13/79
2	EIF3L	1	2	5.39	0.09	-0.07	2.21	12/79
1	GANAB	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	SMU1	1	1	5.13	0.09	3.52	1	3/79
1	PKP1	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	TRMT61B	1	1	5.13	0.09	2.85	1	3/79
1	CSTF1	1	1	5.13	0.09	2.54	1	3/79
1	MYH9	1	1	5.61	0.09	0.05	1.99	5/79
1	PYCRL	1	1	5.13	0.09	3.52	1	3/79
1	PJA2	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
6	CLTC	2	7,4	4.61	0.08	0.3	1.57	66/79
2	CCT2	2	2,1	5	0.08	-0.14	1.88	42/79
1	HUWE1	2	1,1	4.74	0.08	-0.08	1.14	19/79
2	PCBP2	2	1,2	4.65	0.08	2.3	1	24/79
1	COPS3	1	1	4.72	0.08	-0.1	1.13	4/79
1	GMPS	1	1	4.79	0.08	0.25	1.74	6/79
1	EPRS	2	1,1	4.94	0.08	1.28	1	16/79
2	SNRNP200	1	2	4.68	0.08	-0.02	3.74	27/79
2	KRT17	1	2	4.66	0.08	0.66	1.51	11/79
1	UCHL3	1	1	4.81	0.08	0.03	1.17	4/79
1	PRPF31	1	1	4.53	0.08	0.03	1.04	4/79
19	KRT10	2	20,18	4.36	0.07	-0.35	1	79/79
18	TUBB2C	2	15,20	4.24	0.07	-0.29	1	79/79
9	FASN	2	7,10	4.17	0.07	1.35	1	57/79
6	KRT5	2	6,6	4.01	0.07	0.2	1.12	54/79
5	TTN	2	5,4	4.02	0.07	2.24	1	44/79
4	PKM2	2	2,5	4.06	0.07	0.24	1.41	55/79
3	IRS4	2	2,3	4.07	0.07	0.2	1.04	35/79
2	CCT8	2	1,2	4.42	0.07	-0.17	1.54	39/79
1	YLPM1	1	1	4.44	0.07	3.24	1	4/79
1	USP15	2	1,1	4.13	0.07	-0.11	1.57	30/79
2	MYBBP1A	2	1,2	3.99	0.07	0.25	1	28/79
1	MCM4	1	1	3.91	0.07	0.41	1.74	9/79
2	RPA1	1	2	4.45	0.07	5.25	1	8/79
2	LMNB1	1	2	3.97	0.07	4	1	10/79
2	DSG1	1	2	3.97	0.07	0.75	1.2	12/79
1	PLRG1	1	1	3.97	0.07	3.76	1	5/79
1	CALML5	1	1	4.44	0.07	3.24	1	4/79
1	NOC3L	1	1	4.44	0.07	2.63	1	4/79
1	CLNS1A	1	1	4.44	0.07	4.32	1	4/79
1	COPS8	1	1	4.37	0.07	0.17	1.21	5/79

1	CBR3	1	1	4.44	0.07	4.32	1	4/79
1	RRS1	1	1	4.44	0.07	4.32	1	4/79
1	FAM120A	1	1	4.44	0.07	3.24	1	4/79
1	SF3A1	1	1	3.97	0.07	3.76	1	5/79
1	TIMM23	1	1	4.44	0.07	4.32	1	4/79
1	ANKRD52	1	1	3.97	0.07	2.53	1	5/79
14	KRT2	2	15,13	3.78	0.06	-0.17	1	78/79
11	HSPA5	2	12,9	3.32	0.06	-0.97	1	79/79
13	TFG	2	12,13	3.61	0.06	-1.24	1	79/79
13	NCL	2	15,10	3.71	0.06	-0.78	1	77/79
9	HNRNPM	2	7,10	3.42	0.06	0.74	1	69/79
5	TUFM	2	3,6	3.53	0.06	1.73	1	50/79
2	PPP2CA	2	1,2	3.72	0.06	1.05	1	30/79
1	CKB	1	1	3.36	0.06	1.56	1	7/79
1	PRPF8	1	1	3.4	0.06	-0.08	4.09	28/79
2	PHGDH	2	1,3	3.38	0.06	0.98	1	33/79
1	HAT1	1	1	3.59	0.06	0.01	2.61	16/79
1	EIF4A3	2	1,1	3.59	0.06	0.95	1	22/79
4	DDX6	1	4	3.41	0.06	1.39	1.36	37/79
2	YWHAE	1	2	3.67	0.06	-0.08	2.73	32/79
2	RARS	1	2	3.63	0.06	3.46	1	12/79
1	HDAC2	1	1	3.63	0.06	2.76	1	6/79
1	EIF3E	1	1	3.75	0.06	-0.12	1.96	11/79
1	CBX1	1	1	3.63	0.06	1.98	1	6/79
1	EIF3CL;EIF3C	1	1	3.51	0.06	-0.13	2.34	15/79
1	CALM1	1	1	3.84	0.06	0.83	1.12	6/79
1	PSMD11	1	1	3.5	0.06	-0.17	1.55	10/79
1	KEAP1	1	1	3.68	0.06	-0.08	1.37	8/79
1	POLRMT	1	1	3.36	0.06	2.65	1	7/79
1	PSMD6	1	1	3.68	0.06	-0.17	1.2	7/79
1	MCM6	1	1	3.36	0.06	0.91	1	7/79
1	NPEPPS	1	1	3.36	0.06	3.14	1	7/79
8	DHX9	2	6,10	2.86	0.05	-0.94	1	78/79
8	HSPA1A	2	7,8	2.83	0.05	-1.52	1	79/79
9	HSPA9	2	6,11	3	0.05	-0.89	1	79/79
5	HSPH1	2	5,4	3.26	0.05	0.53	1	54/79
10	HNRNPA2B1	2	8,11	3.16	0.05	-0.51	1	79/79
8	TUBA4A	2	6,9	2.91	0.05	-0.34	1	77/79
5	HSPA4	2	4,6	2.95	0.05	-0.16	1	60/79
3	CCT5	1	3	2.87	0.05	0.1	1.66	48/79
3	DNAJA1	2	2,4	2.86	0.05	0.25	1	48/79
4	PDIA6	2	2,5	2.92	0.05	2.35	1	54/79
3	RUVBL2	2	2,3	3.26	0.05	0.43	1	42/79

2	GNL3	1	2	3.14	0.05	3.07	1	16/79
2	CTPS	2	1,2	2.97	0.05	0.2	1.14	43/79
1	PSMC4	1	1	3.14	0.05	-0.11	2.12	17/79
3	RPL19	2	1,4	3.05	0.05	1.36	1	45/79
1	RCC2	2	1,1	3.04	0.05	0.42	1	26/79
1	PSMC1	1	1	3.13	0.05	-0.11	2.11	17/79
1	EIF6	1	1	3.14	0.05	3	1	8/79
1	COPA	1	1	3.14	0.05	1.65	1	8/79
2	RUVBL1	2	1,2	3.28	0.05	0.38	1	34/79
4	TUBB2A	1	4	3.01	0.05	1.49	1	35/79
5	PTBP1	1	5	3.11	0.05	1.91	1	41/79
3	YWHAQ	1	3	3.12	0.05	0.8	1.27	31/79
2	CDC5L	1	2	3.19	0.05	1.01	1.22	19/79
2	UPF1	1	2	2.88	0.05	2.52	1	19/79
1	ZC3HAV1	1	1	3.14	0.05	1.83	1	8/79
1	PURA	1	1	3.14	0.05	3	1	8/79
1	YTHDF2	1	1	2.96	0.05	2.35	1	9/79
1	C1orf77	1	1	3.14	0.05	3	1	8/79
1	PSMD3	1	1	3.1	0.05	-0.18	1.94	16/79
1	HRNR	1	1	3.14	0.05	1.77	1	8/79
1	G3BP1	1	1	2.91	0.05	-0.05	3.12	29/79
1	SMC4	1	1	2.96	0.05	1.85	1	9/79
1	PLEC1	1	1	3.14	0.05	2.18	1	8/79
1	EXOSC9	1	1	3.14	0.05	1.91	1	8/79
1	LRPPRC	1	1	3.14	0.05	2.47	1	8/79
1	HSD17B4	1	1	2.96	0.05	1.71	1	9/79
6	NPM1	2	7,4	2.57	0.04	0.24	1	75/79
7	HNRNPK	2	7,7	2.65	0.04	-0.81	1	79/79
5	HNRNPU	2	5,5	2.26	0.04	-0.7	1	78/79
7	TUBB	2	7,7	2.65	0.04	-0.37	1	79/79
5	RPLP2	2	5,4	2.24	0.04	-0.39	1	79/79
6	RPLP0	2	5,6	2.47	0.04	-0.16	1	78/79
4	IGF2BP1	2	4,4	2.28	0.04	-0.08	1	69/79
7	PABPC1	2	4,9	2.67	0.04	-0.98	1	78/79
5	EEF2	2	4,5	2.48	0.04	0.25	1	71/79
4	RPS14	2	3,5	2.26	0.04	1.5	1	70/79
5	HNRNPC	2	5,4	2.6	0.04	0.79	1.02	69/79
4	PRDX1	2	3,5	2.1	0.04	-0.16	1	75/79
4	YBX1	2	2,6	2.26	0.04	1.95	1	70/79
4	ACTB	2	2,5	2.44	0.04	1.22	1	65/79
4	ILF3	2	3,5	2.2	0.04	-0.2	1	72/79
2	POLR2A	1	2	2.29	0.04	0.89	1	30/79
3	MATR3	2	2,4	2.58	0.04	0.51	1	53/79

4	DDX21	2	2,5	2.22	0.04	-0.45	1	71/79
3	THOC4	2	2,3	2.49	0.04	0.86	1	55/79
2	PCNA	2	1,3	2.55	0.04	0.75	1	44/79
1	ENO2	1	1	2.3	0.04	2.08	1	15/79
1	SRPK1	1	1	2.16	0.04	0.8	1	17/79
1	ALDH18A1	1	1	2.47	0.04	0.19	1.86	24/79
1	STRAP	2	1,1	2.55	0.04	0.65	1	31/79
1	HSD17B10	1	1	2.1	0.04	0.42	1.39	25/79
1	TARDBP	1	1	2.47	0.04	1.33	1	13/79
1	DDB1	1	1	2.29	0.04	-0.18	3.12	47/79
2	TRIM28	2	1,3	2.38	0.04	0.48	1	47/79
1	RPS15	2	1,1	2.39	0.04	0.12	1	33/79
3	HSP90AB1	2	2,4	2.16	0.04	0.08	1.02	65/79
1	ACTR1A	1	1	2.57	0.04	2.36	1	12/79
1	EXOSC2	1	1	2.1	0.04	1.44	1	18/79
3	SF3B3	2	1,4	2.53	0.04	0.77	1	54/79
1	WDR68	1	1	2.3	0.04	1.66	1	15/79
1	YWHAG	1	1	2.37	0.04	0.47	1	14/79
2	HIST1H2AB	2	1,2	2.55	0.04	0.84	1	44/79
1	POLDIP2	1	1	2.1	0.04	0.92	1	18/79
1	PTCD3	1	1	2.14	0.04	0.65	1.1	19/79
3	AIFM1	2	1,5	2.63	0.04	0.19	1	52/79
1	STUB1	1	1	2.3	0.04	0.26	1	15/79
1	NOP2	2	1,1	2.26	0.04	-0.06	1	35/79
2	MCM3	1	2	2.62	0.04	0.38	1.31	30/79
2	HNRNPUL2	1	2	2.33	0.04	2.26	1	29/79
2	FTSJ3	1	2	2.13	0.04	0.92	1	35/79
1	BOLA2;BOLA2B	1	1	2.68	0.04	2.13	1	11/79
1	KRT6C	1	1	2.47	0.04	1.4	1	13/79
1	TUBB3	1	1	2.47	0.04	1.76	1	13/79
1	NOP56	1	1	2.3	0.04	1.66	1	15/79
1	TUBB2B	1	1	2.3	0.04	1.66	1	15/79
1	SF3B4	1	1	2.3	0.04	1.86	1	15/79
1	ZNF326	1	1	2.16	0.04	1.55	1	17/79
1	SERPINB12	1	1	2.22	0.04	1.31	1	16/79
1	MAT2A	1	1	2.37	0.04	1.45	1	14/79
1	RRP1B	1	1	2.22	0.04	1.16	1	16/79
1	MAPK1	1	1	2.47	0.04	0.94	1	13/79
1	KRT3	1	1	2.47	0.04	1.37	1	13/79
1	SF3B1	1	1	2.16	0.04	1.04	1	17/79
1	MCM5	1	1	2.44	0.04	0.09	1.58	21/79
1	USP9X	1	1	2.35	0.04	0.05	1.54	22/79
1	PPP2R2A	1	1	2.3	0.04	0.7	1	15/79

1	MRPS5	1	1	2.3	0.04	1.12	1	15/79
1	CFL1	1	1	2.47	0.04	1.5	1	13/79
3	HNRNPF	2	4,2	1.73	0.03	-1.44	1	79/79
4	HNRNPH1	2	5,3	2	0.03	-0.98	1	79/79
3	DDX5	2	4,1	1.73	0.03	-1.28	1	79/79
3	LGALS3BP	2	3,3	1.96	0.03	-0.54	1.09	76/79
4	DDX3X	2	3,5	2	0.03	-1.66	1	79/79
3	CSDA	2	3,2	1.78	0.03	-0.61	1	77/79
2	RPL8	2	3,1	1.6	0.03	0.09	1	70/79
3	RPL7A	2	3,2	1.85	0.03	-0.29	1	74/79
3	FUS	2	2,3	1.73	0.03	-1.44	1	79/79
3	HNRNPH3	2	2,3	1.75	0.03	-1.2	1	78/79
3	HNRNPA1	2	2,3	1.73	0.03	-0.55	1	79/79
2	RPS6	2	2,2	1.84	0.03	0.03	1	61/79
3	DNAJC10	2	2,3	1.8	0.03	-0.55	1	76/79
2	RPS8	2	2,2	1.56	0.03	-0.5	1	72/79
2	HNRNPL	2	2,1	1.7	0.03	-0.28	1	66/79
3	KRT75	2	2,3	1.97	0.03	0.16	1	69/79
2	RPS7	2	2,1	1.92	0.03	-0.07	1	58/79
2	ELAVL1	2	2,1	1.67	0.03	-0.09	1	67/79
2	HNRNPR	2	2,1	1.57	0.03	-0.5	1	71/79
2	SLC25A5	2	2,1	1.77	0.03	-0.22	1	63/79
2	HIST1H1C	2	2,2	1.51	0.03	-0.55	1	74/79
4	HSPA1L	2	4,4	2	0.03	-1.32	1	79/79
1	GRSF1	1	1	1.6	0.03	0.54	1	31/79
2	RPS2	2	1,2	1.53	0.03	-0.86	1	73/79
2	HSPD1	2	1,3	1.99	0.03	-0.4	1	56/79
2	DHX15	2	1,2	1.51	0.03	-0.78	1	74/79
3	HNRNPUL1	2	1,5	1.73	0.03	-1.6	1	79/79
2	RPL5	2	1,3	1.51	0.03	-0.92	1	74/79
2	HIST2H2BE	2	1,2	1.67	0.03	-0.06	1	67/79
1	TUBB4	1	1	1.81	0.03	0.46	1	24/79
1	PDHB	1	1	1.89	0.03	1.02	1	22/79
1	RPS27	1	1	1.6	0.03	0.44	1	31/79
1	MCCC2	1	1	1.99	0.03	0.88	1	20/79
1	RBM39	1	1	1.71	0.03	0.64	1	27/79
2	RPL7;RPL7P32	2	1,2	1.56	0.03	-0.58	1	72/79
1	SERBP1	2	1,1	1.88	0.03	0.13	1	42/79
1	MRPS22	1	1	1.52	0.03	0.06	1	34/79
2	RPL30	2	1,3	2.04	0.03	0.26	1	55/79
1	DYNC1H1	1	1	2.04	0.03	0.2	1	19/79
2	HNRNPCL1	2	1,2	1.7	0.03	0.21	1	66/79
1	EEF1B2	2	1,1	1.61	0.03	0.36	1	49/79

1	DNAJA2	1	1	1.62	0.03	-0.02	1	30/79
2	RPS10	2	1,3	1.67	0.03	-0.15	1	67/79
1	RPL27A	2	1,1	1.61	0.03	-0.05	1	49/79
3	TUBA1C	1	3	1.74	0.03	-0.63	1	78/79
3	RPL4	1	3	1.74	0.03	-0.44	1	78/79
2	HSP90AA1	1	2	1.66	0.03	-0.27	1.19	68/79
2	MTHFD1	1	2	2.06	0.03	0.26	1.05	39/79
2	RPL24	1	2	1.52	0.03	-0.07	1	68/79
2	HSP90B1	1	2	1.85	0.03	1.13	1	46/79
2	RPL9	1	2	1.57	0.03	-0.39	1	64/79
2	SFRS7	1	2	1.57	0.03	0.2	1	64/79
2	EEF1G	1	2	2.07	0.03	1.61	1	37/79
2	RPL23	1	2	1.52	0.03	-0.19	1	68/79
2	GAPDH	1	2	1.56	0.03	0.37	1	65/79
1	SSBP1	1	1	1.54	0.03	0.19	1.11	37/79
1	CARM1	1	1	1.6	0.03	0.17	1.07	33/79
1	KHDRBS1	1	1	1.57	0.03	0.55	1	32/79
1	RPL37A	1	1	1.52	0.03	0.45	1	34/79
1	ADAR	1	1	2.04	0.03	1.2	1	19/79
1	LYAR	1	1	1.62	0.03	0.35	1	30/79
1	HIST1H4J	1	1	1.57	0.03	0.48	1	32/79
1	ATP1A2	1	1	2.04	0.03	0.68	1	19/79
1	AHSA1	1	1	1.68	0.03	0.71	1	28/79
1	UGCGL1	1	1	1.72	0.03	-0.01	1.12	30/79
1	NSUN2	1	1	1.99	0.03	1.06	1	20/79
1	SEC16A	1	1	1.55	0.03	-0.15	1.31	43/79
1	PPIA	1	1	1.65	0.03	1.09	1	29/79
1	FLG2	1	1	1.71	0.03	0.36	1	27/79
1	OLA1	1	1	1.94	0.03	1.14	1	21/79
1	RBM28	1	1	1.85	0.03	0.65	1	23/79
1	SEC24A	1	1	1.62	0.03	0.84	1	30/79
1	ATP5B	1	1	1.74	0.03	0.28	1	26/79
1	PRMT5	1	1	1.99	0.03	0.62	1	20/79
1	GNB2L1	1	1	1.62	0.03	0.2	1	30/79
1	PUF60	1	1	1.65	0.03	0.45	1	29/79
2	HNRNPA3	2	2,1	1.47	0.02	-0.97	1	76/79
2	ILF2	2	1,3	1.48	0.02	-0.66	1	75/79
2	HNRNPD	2	1,2	1.43	0.02	-0.93	1	78/79
2	HNRNPAB	2	2,2	1.43	0.02	-0.94	1	78/79
1	C1QBP	1	1	1.02	0.02	-0.89	1	75/79
1	ACTBL2	2	1,1	1.22	0.02	-0.29	1	65/79
1	RPL22	2	1,1	1.23	0.02	-0.28	1	64/79
2	RPL3	2	1,3	1.48	0.02	-0.57	1	75/79

1	RPS17	2	1,1	1.49	0.02	-0.35	1	53/79
1	UBC	2	1,1	1.47	0.02	-0.51	1.37	74/79
2	RPS4X	2	1,2	1.48	0.02	-0.79	1	75/79
1	HSPA7	2	1,1	1.03	0.02	-1.92	1	77/79
1	RPL12	2	1,1	1.16	0.02	-0.76	1	68/79
1	RBBP4	1	1	1.33	0.02	0.32	1	45/79
1	SFRS2	2	1,1	1.32	0.02	-0.16	1	60/79
1	PRDX3	1	1	1.39	0.02	0.39	1	41/79
2	RPL6	2	1,3	1.47	0.02	-1.04	1	76/79
1	RPL31	2	1,1	1.11	0.02	-0.7	1	71/79
1	RPL10A	1	1	1.14	0.02	-0.48	1	61/79
1	EEF1A1	1	1	1.05	0.02	-0.75	1	71/79
1	RPS13	2	1,1	1.23	0.02	-0.74	1	64/79
1	RPLP1	1	1	1.01	0.02	-0.97	1	77/79
1	RPS23	2	1,1	1.32	0.02	-0.15	1	60/79
1	RPL36AP37	1	1	1.05	0.02	-0.91	1	71/79
1	TIA1	2	1,1	1.16	0.02	-0.87	1	68/79
2	RPL15	2	1,2	1.48	0.02	-0.59	1	75/79
1	RPL13A	2	1,1	1.23	0.02	-0.27	1	64/79
1	RPL18	1	1	1.03	0.02	-0.97	1	74/79
1	RPS24	2	1,1	1.04	0.02	-1.14	1	76/79
1	ATP5A1	2	1,1	1.46	0.02	-0.44	1	54/79
1	LOC646057	2	1,1	1.08	0.02	-1.07	1	73/79
1	TUBB1	1	1	1.06	0.02	-0.81	1	70/79
1	C22orf28	1	1	1.02	0.02	-1.2	1	75/79
1	RPL27	2	1,1	1.1	0.02	-0.82	1	72/79
2	RPS3	2	1,3	1.41	0.02	-1.26	1	79/79
1	SNRPD3	2	1,1	1.1	0.02	-0.53	1	72/79
2	HNRPDL	2	1,2	1.48	0.02	-0.78	1	75/79
1	RPL11	1	1	1	0.02	-0.82	1	78/79
1	RPL23A	2	1,1	1.2	0.02	-0.6	1	66/79
1	RPS3A	1	1	1.12	0.02	-0.65	1	63/79
1	HNRNPA0	2	1,1	1.25	0.02	-0.39	1	63/79
2	EWSR1	1	2	1.44	0.02	-1.27	1	77/79
2	TAF15	1	2	1.41	0.02	-1.27	1	79/79
2	EEF1A2	1	2	1.44	0.02	-0.67	1	76/79
2	TIAL1	1	2	1.44	0.02	-1.25	1	76/79
1	TRA2B	1	1	1.37	0.02	0.56	1	42/79
1	SYNCRIP	1	1	1.09	0.02	-0.92	1	67/79
1	SDHA	1	1	1.11	0.02	-0.43	1	64/79
1	LOC652595	1	1	1.2	0.02	-0.31	1	55/79
1	RPL21P19	1	1	1.02	0.02	-0.93	1	75/79
1	RPL14	1	1	1.27	0.02	0.15	1	49/79

1	RBMXL2	1	1	1.23	0.02	0.11	1	52/79
1	FAM98A	1	1	1.17	0.02	-0.42	1	58/79
1	CCBL2	1	1	1.39	0.02	0.53	1	41/79
1	SLC25A6	1	1	1.48	0.02	-0.12	1	36/79
1	BAG4	1	1	1.05	0.02	-1.03	1	72/79
1	RPS19	1	1	1.18	0.02	-0.58	1	57/79
1	NONO	1	1	1.23	0.02	0.22	1	52/79
1	DAZAP1	1	1	1	0.02	-1.37	1	79/79
1	NAP1L1	1	1	1.1	0.02	-0.49	1	65/79
1	STRBP	1	1	1.27	0.02	-0.08	1	49/79
1	RBM14;RBM4	1	1	1.1	0.02	-0.72	1	65/79
1	RPS15A	1	1	1.08	0.02	-0.51	1	68/79
1	LUC7L2	1	1	1.41	0.02	0.14	1	40/79
1	KRT13	1	1	1.32	0.02	-0.27	1.14	52/79
1	DDX17	1	1	1	0.02	-1.39	1	78/79
1	TXN	1	1	1.13	0.02	-0.46	1	62/79
1	SNRPD1	1	1	1.02	0.02	-1.59	1	76/79
1	PABPN1	1	1	1.27	0.02	0.35	1	49/79
1	HSP90AA2	1	1	1.17	0.02	-0.29	1	58/79
1	RPS16	1	1	1	0.02	-0.86	1	78/79
1	RPS25	1	1	1.1	0.02	-0.67	1	65/79
1	RPL7AP27	1	1	1.12	0.02	-0.37	1	63/79

Dataset S2: BPV1 E2TR CompPASS Analysis

TSC	SYMBOL	FOUND IN	TSCs	WD- SCORE	NWD- SCORE	Z- SCORE	WF	RATIO
80	BPV1_E2	2	83,76	235.5	4	7.6	1	3/79
42	USP5	2	39,45	113.52	1.93	4.04	1.33	6/79
2	PRSS3	2	2,2	111.72	1.9	8.57	1	1/79
2	SPOP	2	2,2	111.72	1.9	8.57	1	1/79
2	CASK	2	1,2	111.72	1.9	8.57	1	1/79
5	ILK-2;CCT4	2	6,4	88.32	1.5	6.79	1	2/79
1	RAD18	2	1,1	79	1.34	9	1	1/79
1	TFCP2	2	1,1	79	1.34	9	1	1/79
1	ATG4B	2	1,1	79	1.34	9	1	1/79
6	TRMT61B	2	4,8	64.5	1.1	7.93	1	3/79
2	IMPDH1	2	2,1	55.86	0.95	7.84	1	2/79
2	RABGGTB	2	2,1	55.86	0.95	6.09	1	2/79
2	SQSTM1	2	1,2	55.86	0.95	7.84	1	2/79
2	COPS5	2	2,1	53.35	0.91	0.04	1.91	4/79
1	SIRT1	2	1,1	51.75	0.88	0.24	1.31	2/79
3	DLAT	2	3,2	45.6	0.77	7.95	1	3/79
2	FLNB	2	1,2	45.25	0.77	0.61	1.62	4/79
4	UCHL3	2	3,4	42.66	0.72	0.57	1.08	4/79
1	OGDH	2	1,1	41.87	0.71	1.14	1.06	2/79
1	SAPS1	2	1,1	39.5	0.67	3.84	1	2/79
1	WDR26	2	1,1	39.5	0.67	6.06	1	2/79
1	PSMB3	2	1,1	39.5	0.67	6.06	1	2/79
1	TBC1D4	2	1,1	39.5	0.67	6.06	1	2/79
2	GYS1	2	3,1	37.24	0.63	5.88	1	3/79
2	GLDC	2	2,1	37.24	0.63	7.22	1	3/79
2	PDE12	2	1,3	37.24	0.63	7.22	1	3/79
2	MTAP	2	1,2	37.24	0.63	7.22	1	3/79
1	HCFC1	2	1,1	34.29	0.58	-0.08	2.17	5/79
7	FLNA	2	6,7	33.62	0.57	0.55	2.09	13/79
2	FLNC	2	1,3	33.74	0.57	-0.08	3.02	10/79
3	COPS4	2	4,2	30.97	0.53	-0.07	1.81	8/79
2	COPS3	2	1,2	31.28	0.53	-0.03	1.12	4/79
1	MYH9	2	1,1	31.44	0.53	0.05	1.99	5/79
5	USP7	2	6,4	27.45	0.47	0.33	2.64	17/79
2	EEF1D	2	1,2	27.93	0.47	5.49	1	4/79
2	ACACA	2	1,2	27.93	0.47	6.69	1	4/79
2	DOCK7	2	1,3	27.93	0.47	5.49	1	4/79
4	GSTP1	2	3,4	26.34	0.45	7.63	1	6/79
1	ACBD3	2	1,1	26.33	0.45	5.05	1	3/79
1	GTF2I	2	1,1	26.33	0.45	1.96	1	3/79

1	KPNA2	2	1,1	26.33	0.45	3.52	1	3/79
3	PSMD1	2	5,1	23.27	0.4	-0.07	2.21	13/79
2	PSMD14	2	2,1	23.63	0.4	0	1.48	7/79
2	ANKRD52	2	2,1	22.34	0.38	4.63	1	5/79
2	IKBKAP	2	2,1	22.34	0.38	3.94	1	5/79
2	MCM4	2	1,2	20.49	0.35	0.98	1.65	9/79
1	IARS	2	1,1	19.75	0.34	4.32	1	4/79
1	SARS2	2	1,1	19.75	0.34	4.32	1	4/79
3	SNRNP200	2	3,3	18.88	0.32	0.04	3.72	27/79
2	PSME3	2	2,2	18.63	0.32	4.07	1	6/79
1	COPS8	2	1,1	19.12	0.32	0.17	1.21	5/79
2	PSMD11	2	1,2	17.21	0.29	-0.14	1.54	10/79
4	PSMC3	2	4,3	16.75	0.28	0.07	2.12	20/79
3	PSMC1	2	3,3	16.75	0.28	0.07	2.08	17/79
2	PSMD13	2	1,3	16.65	0.28	-0.1	1.49	10/79
3	PSMC5	2	4,2	16	0.27	-0.02	2.22	19/79
1	IGF2BP2	2	1,1	15.8	0.27	3.76	1	5/79
6	IMPDH2	2	6,5	14.89	0.25	5.8	1	13/79
2	SAPS3	2	2,1	13.97	0.24	1.04	1	8/79
2	GTF3C1	2	1,2	13.97	0.24	5.25	1	8/79
4	EIF4A1	2	4,3	13.31	0.23	0.42	2.61	31/79
2	PSMD3	2	2,2	13.55	0.23	-0.15	1.94	16/79
2	PSMC2	2	2,2	13.27	0.23	-0.03	1.9	16/79
2	PSMD4	2	1,2	13.5	0.23	0.23	1.57	13/79
1	PSMD6	2	1,1	13.55	0.23	-0.17	1.2	7/79
1	POLR2C	2	1,1	13.17	0.22	3.41	1	6/79
2	EDC4	1	2	12.57	0.21	8.57	1	1/79
2	PSMB4	1	2	12.57	0.21	8.57	1	1/79
2	PPM1G	2	1,2	12.42	0.21	1.82	1	9/79
4	ALDH18A1	2	5,2	11.58	0.2	1.52	1.76	24/79
1	ANXA7	2	1,1	11.29	0.19	3.14	1	7/79
2	DSG1	2	1,2	11.17	0.19	0.75	1.2	12/79
1	CPNE7	2	1,1	11.29	0.19	3.14	1	7/79
3	GARS	2	2,3	10.53	0.18	4.78	1	13/79
4	XRCC6	2	3,4	9.88	0.17	3.06	1	16/79
1	PSMC4	2	1,1	9.86	0.17	-0.11	2.12	17/79
1	PFAS	2	1,1	9.88	0.17	2.47	1	8/79
4	DSP	2	4,4	9.69	0.16	0.17	1.9	31/79
3	USP9X	2	3,2	9.26	0.16	0.74	1.49	22/79
4	CCT7	2	3,4	9.7	0.16	0.31	1.72	28/79
2	YWHAE	2	2,1	9.54	0.16	-0.08	2.73	32/79
2	ACTR1A	2	1,2	9.31	0.16	4.49	1	12/79
11	AGL	2	10,11	9.03	0.15	2.2	1.48	43/79

5	CCT3	2	4,6	8.59	0.15	0.76	1.46	30/79
2	DLD	2	2,1	8.6	0.15	2.44	1	13/79
1	RCC1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	PPP6C	2	1,1	8.78	0.15	1.39	1	9/79
1	GTF3C3	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	DHPS	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	FLJ25613	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	KIF1B	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	SARS	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	ERBB2IP	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	COPB1	2	1,1	8.78	0.15	2.78	1	9/79
1	CCDC137	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	SOX18	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MAT2B	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
2	KCTD12	2	1,3	8.6	0.15	2.54	1	13/79
1	TCF25	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	TERF2IP	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	EYA3	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	CDC42EP1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	ELP3	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	WDR62	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	BIRC6	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	CDK5	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	GTF3C2	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
2	DLST;DLSTP	1	2	8.89	0.15	6.09	1	2/79
1	FTSJ1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	ATE1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	AIMP2	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MMACHC	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	SPAG9	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	GLO1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	CA8	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	SETDB1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	ANKRD44	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	IGHA1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	VPS33A	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MLF2	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	PUS7	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	ZNF276	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	THBS1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	ALDH7A1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	RANGRF	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	UBXN7	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79

1	NARS	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	THUMPD3	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	NCKAP1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
7	TCP1	2	8,6	8.23	0.14	0.72	1.34	34/79
6	CCT2	2	5,6	8.52	0.14	0.3	1.85	42/79
3	HUWE1	2	4,1	8	0.14	0.46	1.11	19/79
5	XRCC5	2	4,5	8.03	0.14	3.93	1	22/79
3	KRT16	2	3,3	7.95	0.14	0.05	2.03	35/79
2	SPTBN1	2	2,1	7.45	0.13	2.97	1	15/79
1	PSMC6	2	1,1	7.44	0.13	-0.11	2.26	24/79
1	PAICS	2	1,1	7.9	0.13	1.16	1	10/79
3	SNRNP40	1	3	7.94	0.13	1.98	1.33	5/79
32	CAD	2	33,31	6.96	0.12	1.8	1	64/79
3	PRMT5	2	4,2	6.84	0.12	2.65	1	20/79
3	WDR6	1	3	6.88	0.12	7.28	1	5/79
5	AHCY	2	3,6	7.33	0.12	0.9	1.95	47/79
3	HSD17B10	2	1,4	7.28	0.12	1.89	1.33	25/79
1	DCP1A	1	1	6.83	0.12	0.69	1.18	2/79
1	COPS6	1	1	7.25	0.12	0.16	1.33	2/79
2	CDC5L	2	1,2	7.18	0.12	1.01	1.22	19/79
1	HECTD1	1	1	7	0.12	0.47	1.24	2/79
6	KRT14	2	6,6	6.24	0.11	0.68	1.48	46/79
3	CCT6A	2	3,3	6.33	0.11	0.11	1.48	32/79
4	CCT8	2	3,5	6.21	0.11	0.08	1.53	39/79
1	DDX20	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	MDN1	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	C1orf50	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	GPHN	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	PPAT	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	GNL3L	1	1	6.28	0.11	3.84	1	2/79
1	AAMP	2	1,1	6.58	0.11	2.05	1	12/79
1	PPIL4	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	PPP4C	1	1	6.28	0.11	3.84	1	2/79
1	TPR	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	ARIH2	1	1	6.28	0.11	3.84	1	2/79
1	NCAPD2	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	KRT6B	2	1,1	6.61	0.11	0.07	1.59	19/79
1	GSPT1	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	FLII	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	PSMB1	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	NUDCD1	1	1	6.47	0.11	1.14	1.06	2/79
1	MRPS14	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	RARS	2	1,1	6.58	0.11	1.69	1	12/79

1	GPN3	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	CAPZA1	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	CKMT1B	1	1	6.28	0.11	3.84	1	2/79
1	MGEA5	1	1	6.28	0.11	2.71	1	2/79
1	NDUFS1	1	1	6.28	0.11	2.04	1	2/79
1	CLTA	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	RRM1	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	AP2B1	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	TAF9	1	1	6.28	0.11	3.84	1	2/79
1	MYCBP	1	1	6.28	0.11	1.61	1	2/79
1	COPG2	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	JMJD6	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	C20orf4	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	TPI1;RCTPI1	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	TRAF2	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
1	TK1	1	1	6.28	0.11	6.06	1	2/79
34	KRT1	2	35,33	5.83	0.1	0.04	1	79/79
12	VIM	2	13,11	5.72	0.1	2.73	1	48/79
3	YWHAQ	2	3,2	5.61	0.1	0.8	1.27	31/79
1	CFL1	2	1,1	6.08	0.1	1.5	1	13/79
1	TARDBP	2	1,1	6.08	0.1	1.33	1	13/79
1	DCD	2	1,1	6.08	0.1	1.42	1	13/79
2	RNH1	1	2	5.62	0.1	3.6	1	5/79
2	DICER1	1	2	5.62	0.1	6.19	1	5/79
1	AHCYL1	1	1	6.16	0.1	0.43	1.44	3/79
26	HSPA8	2	29,23	5.1	0.09	-1.08	1	79/79
30	KRT10	2	29,30	5.48	0.09	0.13	1	79/79
14	FASN	2	15,12	5.2	0.09	2.48	1	57/79
3	PRKDC	2	3,3	5.47	0.09	0.45	1	25/79
2	FXR1	2	2,1	5.08	0.09	1.49	1	22/79
2	ACLY	2	2,1	5.59	0.09	1.62	1	20/79
2	EIF3A	1	2	5.54	0.09	-0.12	2.14	11/79
2	KIAA1967	2	2,2	5.08	0.09	1.62	1	22/79
2	OLA1	2	1,3	5.32	0.09	2.68	1	21/79
1	LSM2	1	1	5.13	0.09	0.89	1	3/79
1	ANAPC1	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	ELP2	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	MRPL37	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	NME1;NME2	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
2	ANKRD28	1	2	5.13	0.09	2.59	1	6/79
1	GPRASP2	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	DHX40	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	NUP133	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79

1	IKBKG	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	RPIA	1	1	5.13	0.09	3.52	1	3/79
1	PRPF4B	1	1	5.39	0.09	0.6	1.47	4/79
1	PDXK	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	BAT2D1	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
1	RPS18	1	1	5.13	0.09	0.6	1	3/79
1	SAPS2	1	1	5.13	0.09	5.05	1	3/79
23	KRT2	2	17,28	4.84	0.08	0.35	1	78/79
3	CCT5	2	4,1	4.74	0.08	0.1	1.66	48/79
4	RUVBL1	2	3,4	4.64	0.08	1.34	1	34/79
2	MCM3	2	2,1	4.87	0.08	0.38	1.31	30/79
2	PSMD12	1	2	4.74	0.08	-0.15	1.99	14/79
2	EFTUD2	1	2	4.89	0.08	0.14	2.57	17/79
2	RPA1	1	2	4.45	0.08	5.25	1	8/79
2	PSMD2	1	2	4.59	0.08	-0.1	2.13	16/79
2	PCBP2	2	2,1	4.65	0.08	2.3	1	24/79
2	LRPPRC	1	2	4.45	0.08	4.68	1	8/79
1	YWHAZ	2	1,1	4.47	0.08	0.14	1.19	21/79
2	UBA1	1	2	4.45	0.08	5.25	1	8/79
1	ZFR	1	1	4.44	0.08	2.42	1	4/79
1	COPS2	1	1	4.72	0.08	-0.1	1.13	4/79
1	SND1	1	1	4.44	0.08	4.32	1	4/79
2	KRT17	1	2	4.66	0.08	0.66	1.51	11/79
2	MCM6	1	2	4.75	0.08	1.98	1	7/79
1	UBE2L3	1	1	4.44	0.08	4.32	1	4/79
1	AASDHPPT	1	1	4.44	0.08	1.86	1	4/79
1	UCHL5	1	1	4.72	0.08	0.55	1.13	4/79
1	CALML5	1	1	4.44	0.08	3.24	1	4/79
1	SLC25A11	1	1	4.44	0.08	4.32	1	4/79
16	TUBB2C	2	16,15	4	0.07	-0.43	1	79/79
14	KRT9	2	12,15	4.36	0.07	0.05	1.08	73/79
4	PKM2	2	5,3	4.06	0.07	0.24	1.41	55/79
3	SEC16A	2	3,2	4.08	0.07	0.55	1.28	43/79
3	MAT2A	1	3	4.11	0.07	4.51	1	14/79
1	PSMD7	1	1	3.98	0.07	-0.1	1.6	8/79
1	CALM1	1	1	3.84	0.07	0.83	1.12	6/79
1	EIF3D	1	1	4.05	0.07	-0.06	2.08	10/79
1	PPA1	1	1	3.97	0.07	3.76	1	5/79
1	CUL5	1	1	3.97	0.07	2.28	1	5/79
1	POLDIP2	2	1,1	4.39	0.07	0.92	1	18/79
1	CSNK2A1	1	1	3.91	0.07	0.06	1.94	10/79
1	CYFIP1	1	1	3.97	0.07	3.76	1	5/79
4	EEF1G	2	1,6	4.28	0.07	3.69	1	37/79

2	MRPS26	1	2	4.19	0.07	3.08	1	9/79
1	NUP160	1	1	3.97	0.07	3.76	1	5/79
1	PSMA6	1	1	3.97	0.07	2.28	1	5/79
1	EIF3F	1	1	4.04	0.07	0.06	2.48	12/79
13	TFG	2	16,10	3.61	0.06	-1.24	1	79/79
10	TUBA4A	2	8,12	3.26	0.06	-0.13	1	77/79
4	RUVBL2	2	6,2	3.76	0.06	0.77	1	42/79
3	PTBP1	2	4,2	3.34	0.06	0.92	1	41/79
6	MATR3	2	4,7	3.65	0.06	1.8	1	53/79
3	CLTC	2	2,3	3.28	0.06	-0.13	1.58	66/79
2	STRAP	2	2,1	3.61	0.06	1.92	1	31/79
2	MAPK1	1	2	3.49	0.06	2.16	1	13/79
2	PPP2CA	2	2,1	3.72	0.06	1.05	1	30/79
2	MRPS27	2	2,2	3.28	0.06	1.72	1	34/79
2	PPP2R1A	1	2	3.25	0.06	1.04	1	15/79
2	PRPH	1	2	3.49	0.06	3.22	1	13/79
2	HIST1H4J	2	2,2	3.49	0.06	1.6	1	32/79
1	EIF5A	1	1	3.36	0.06	2.65	1	7/79
2	SPTAN1	2	1,2	3.38	0.06	2.36	1	33/79
1	AP1B1	1	1	3.63	0.06	3.41	1	6/79
1	CPSF7	1	1	3.36	0.06	3.14	1	7/79
1	PPP2R1B	1	1	3.36	0.06	2.65	1	7/79
1	SF3A3	1	1	3.63	0.06	3.41	1	6/79
1	EIF3L	1	1	3.82	0.06	-0.12	2.22	12/79
1	EXOSC6	1	1	3.36	0.06	3.14	1	7/79
1	PIP	1	1	3.63	0.06	2.2	1	6/79
2	SLC25A3	2	1,2	3.61	0.06	0.69	1	31/79
1	SET	1	1	3.36	0.06	1.72	1	7/79
1	CASP14	1	1	3.49	0.06	0.84	1.23	8/79
2	RCN2	1	2	3.36	0.06	1.79	1	14/79
2	CSDE1	1	2	3.63	0.06	4.04	1	12/79
2	WDR68	1	2	3.25	0.06	3.47	1	15/79
2	KRT77	1	2	3.79	0.06	1.24	1	11/79
1	ANXA2	1	1	3.36	0.06	2.12	1	7/79
1	NUP62	1	1	3.36	0.06	3.14	1	7/79
1	SENP3	1	1	3.63	0.06	3.41	1	6/79
1	BUB3	1	1	3.63	0.06	1.14	1	6/79
1	YWHAB	1	1	3.62	0.06	0.42	1.16	7/79
1	TP53	1	1	3.36	0.06	1.89	1	7/79
1	HAT1	1	1	3.59	0.06	0.01	2.61	16/79
1	SSRP1	1	1	3.63	0.06	2.76	1	6/79
1	MKI67IP	1	1	3.36	0.06	3.14	1	7/79
1	MRPS10	1	1	3.63	0.06	3.41	1	6/79

1	DNAJB6	1	1	3.63	0.06	3.41	1	6/79
1	USP13	1	1	3.39	0.06	0.43	1.02	7/79
10	HSPA5	2	10,10	3.16	0.05	-1.04	1	79/79
8	HNRNPM	2	9,6	3.22	0.05	0.55	1	69/79
9	HSPA9	2	9,9	3	0.05	-0.89	1	79/79
8	HSPA1A	2	7,8	2.83	0.05	-1.52	1	79/79
8	HSPA1L	2	8,8	2.83	0.05	-0.91	1	79/79
7	EEF2	2	8,5	2.94	0.05	0.79	1	71/79
7	NCL	2	7,6	2.73	0.05	-1.2	1	77/79
3	TTN	2	5,1	3.12	0.05	1.03	1	44/79
2	SEC23B	1	2	3.1	0.05	1.28	1.22	20/79
2	WDR77	1	2	3.05	0.05	2.87	1	17/79
2	CTPS	2	2,2	2.97	0.05	0.2	1.14	43/79
2	UPF1	1	2	2.88	0.05	2.52	1	19/79
3	PRMT1	2	2,4	2.86	0.05	1.24	1	48/79
2	NT5DC2	1	2	2.88	0.05	2.65	1	19/79
4	PDIA6	2	2,5	2.92	0.05	2.35	1	54/79
1	POLR2E	1	1	2.96	0.05	2.35	1	9/79
1	NME1	1	1	2.96	0.05	2.05	1	9/79
1	EIF2S3	1	1	2.81	0.05	1.98	1	10/79
3	DNAJA1	2	1,4	2.86	0.05	0.25	1	48/79
1	MSH2	1	1	2.87	0.05	0.77	1.15	11/79
1	GTPBP1	1	1	3.14	0.05	3	1	8/79
1	WDR18	1	1	3.14	0.05	2.47	1	8/79
1	ERAL1	1	1	2.68	0.05	2.13	1	11/79
1	NUP214	1	1	2.81	0.05	1.71	1	10/79
2	TUBB2A	2	1,2	3.2	0.05	0.44	1	35/79
1	LARP4	1	1	2.81	0.05	2.64	1	10/79
3	PRPF19	1	3	2.86	0.05	2.12	1	29/79
3	ATP5B	1	3	3.02	0.05	1.72	1	26/79
3	MCM7	1	3	2.91	0.05	1.37	1	28/79
2	AKAP8L	1	2	3.14	0.05	3.24	1	16/79
2	EPRS	1	2	3.14	0.05	2.87	1	16/79
2	HSP90AB2P	1	2	2.68	0.05	1.64	1	22/79
1	XPO1	1	1	3.14	0.05	2.47	1	8/79
1	PLEC1	1	1	3.14	0.05	2.18	1	8/79
1	RPN1	1	1	2.96	0.05	1.08	1	9/79
1	P4HB	1	1	3.14	0.05	3	1	8/79
1	PFDN2	1	1	3.14	0.05	2.47	1	8/79
1	SF3B2	1	1	2.96	0.05	2.78	1	9/79
1	MRPS35	1	1	3.14	0.05	1.65	1	8/79
6	HNRNPU	2	8,3	2.47	0.04	-0.58	1	78/79
5	DHX15	2	6,3	2.39	0.04	0.05	1	74/79

6	RPLP0	2	6,6	2.47	0.04	-0.16	1	78/79
4	IGF2BP1	2	4,4	2.28	0.04	-0.08	1	69/79
3	SF3B3	2	4,1	2.53	0.04	0.77	1	54/79
3	HSPD1	2	4,1	2.44	0.04	-0.16	1	56/79
3	HSPH1	2	4,2	2.53	0.04	0	1	54/79
5	PRDX1	2	4,5	2.35	0.04	0.22	1	75/79
5	HNRNPK	2	3,7	2.24	0.04	-1.22	1	79/79
3	ACTB	2	3,3	2.11	0.04	0.66	1	65/79
2	TUFM	2	3,1	2.23	0.04	0.22	1	50/79
5	RPL7;RPL7P32	2	5,4	2.46	0.04	0.42	1	72/79
6	HNRNPA2B1	2	4,7	2.45	0.04	-0.85	1	79/79
3	HSPA4	2	2,4	2.29	0.04	-0.46	1	60/79
2	SLC25A6	1	2	2.09	0.04	0.4	1	36/79
2	PUF60	1	2	2.33	0.04	1.49	1	29/79
4	DDX21	2	2,5	2.22	0.04	-0.45	1	71/79
2	HIST1H2AB	2	1,2	2.55	0.04	0.84	1	44/79
2	PCNA	2	1,3	2.55	0.04	0.75	1	44/79
3	RPL9	2	1,4	2.13	0.04	0.04	1	64/79
1	FAM120B	1	1	2.3	0.04	1.66	1	15/79
2	U2AF2	2	1,2	2.28	0.04	0.62	1	49/79
1	KRT78	1	1	2.22	0.04	0.75	1	16/79
1	SMARCB1	1	1	2.47	0.04	1.5	1	13/79
1	MRPS18B	1	1	2.57	0.04	1.59	1	12/79
2	KRT5	2	1,2	2.35	0.04	-0.37	1.14	54/79
3	HSP90AB1	2	2,3	2.16	0.04	0.08	1.02	65/79
1	PRDX6	1	1	2.3	0.04	1.66	1	15/79
1	MRPS5	1	1	2.3	0.04	1.12	1	15/79
1	RRP1B	1	1	2.22	0.04	1.16	1	16/79
1	SRRM2	1	1	2.16	0.04	0.55	1	17/79
1	DDB1	1	1	2.29	0.04	-0.18	3.12	47/79
1	CPSF2	1	1	2.3	0.04	1.41	1	15/79
1	PPP2R2A	1	1	2.3	0.04	0.7	1	15/79
1	TIMM50	1	1	2.16	0.04	0.68	1	17/79
1	USP11	1	1	2.47	0.04	-0.19	1.47	19/79
1	ZNF326	1	1	2.16	0.04	1.55	1	17/79
1	SKP1	1	1	2.08	0.04	0.27	1.15	21/79
1	CAPRIN1	1	1	2.42	0.04	-0.11	3.12	42/79
1	C1orf57	1	1	2.37	0.04	0.69	1	14/79
1	ENO2	1	1	2.3	0.04	2.08	1	15/79
1	EBNA1BP2	1	1	2.1	0.04	0.74	1	18/79
1	GNL3	1	1	2.22	0.04	1.41	1	16/79
1	NXF1	1	1	2.16	0.04	1.71	1	17/79
1	PTCD3	1	1	2.14	0.04	0.65	1.1	19/79

1	PDCD11	1	1	2.57	0.04	1.82	1	12/79
3	PABPC1	2	5,1	1.75	0.03	-1.38	1	78/79
3	ILF3	2	4,2	1.91	0.03	-0.4	1	72/79
3	RPL4	2	4,2	1.75	0.03	-0.44	1	78/79
4	HNRNPF	2	4,3	2	0.03	-1.15	1	79/79
4	DHX9	2	4,3	2.02	0.03	-1.17	1	78/79
4	TUBB	2	5,3	2	0.03	-0.82	1	79/79
4	HNRNPA1	2	5,2	2	0.03	-0.27	1	79/79
4	RPLP2	2	4,3	2	0.03	-0.75	1	79/79
4	HNRNPUL1	2	3,5	2	0.03	-1.51	1	79/79
3	RPL7A	2	3,2	1.85	0.03	-0.29	1	74/79
3	TUBA1C	2	4,1	1.75	0.03	-0.63	1	78/79
3	RPL3	2	3,3	1.82	0.03	-0.29	1	75/79
3	EEF1A2	2	3,3	1.8	0.03	-0.46	1	76/79
3	HNRNPH1	2	3,2	1.73	0.03	-1.1	1	79/79
3	NPM1	2	3,2	1.82	0.03	-0.43	1	75/79
3	RPL15	2	3,2	1.82	0.03	-0.03	1	75/79
3	RPS8	2	3,3	1.91	0.03	-0.03	1	72/79
3	DNAJC10	2	3,3	1.8	0.03	-0.55	1	76/79
2	C1QBP	2	2,2	1.48	0.03	-0.68	1	75/79
3	HNRNPC	2	3,2	2.03	0.03	0.14	1.03	69/79
3	RPL12	2	2,3	2.01	0.03	0.35	1	68/79
3	HNRNPH3	2	2,3	1.75	0.03	-1.2	1	78/79
2	RPL10A	2	2,2	1.84	0.03	-0.04	1	61/79
3	KRT75	2	2,4	1.97	0.03	0.16	1	69/79
3	LGALS3BP	2	2,3	1.96	0.03	-0.54	1.09	76/79
2	SLC25A5	2	2,1	1.77	0.03	-0.22	1	63/79
2	ILF2	2	2,2	1.48	0.03	-0.66	1	75/79
3	RPS10	2	2,4	2.04	0.03	0.34	1	67/79
2	QPCT	1	2	1.85	0.03	0.29	1	46/79
3	HNRNPR	2	2,3	1.92	0.03	-0.27	1	71/79
2	KHSRP	1	2	1.51	0.03	-0.19	1	69/79
2	UBC	2	2,1	2.06	0.03	-0.33	1.36	74/79
2	ELAVL1	1	2	1.54	0.03	-0.09	1	67/79
2	RPS26P54	1	2	1.78	0.03	1.33	1	50/79
1	EEF1B2	2	1,1	1.61	0.03	0.36	1	49/79
1	PCMT1	2	1,1	2.03	0.03	0.48	1	39/79
1	RPS5	1	1	1.65	0.03	0.55	1	29/79
3	DDX3X	2	1,5	1.73	0.03	-1.78	1	79/79
1	ENO1	1	1	2.04	0.03	0.75	1	19/79
2	RPS2	2	1,3	1.53	0.03	-0.86	1	73/79
2	RPS15A	2	1,3	1.64	0.03	0.15	1	68/79
1	RPL37A	1	1	1.52	0.03	0.45	1	34/79

2	RPL23	2	1,2	1.64	0.03	-0.19	1	68/79
1	IGF2BP3	2	1,1	1.98	0.03	-0.04	1	40/79
1	TRA2B	2	1,1	1.88	0.03	0.56	1	42/79
2	RPS7	2	1,2	1.92	0.03	-0.07	1	58/79
1	ATAD3A	1	1	1.74	0.03	0.63	1	26/79
2	ATP5A1	2	1,2	2.06	0.03	-0.16	1	54/79
1	RBM3	2	1,1	1.76	0.03	0.07	1	45/79
1	RBMXL2	2	1,1	1.52	0.03	0.11	1	52/79
1	MCCC2	1	1	1.99	0.03	0.88	1	20/79
1	ATP1A1	1	1	1.78	0.03	0.13	1	25/79
1	NSUN2	1	1	1.99	0.03	1.06	1	20/79
1	AIFM1	2	1,1	1.52	0.03	-0.45	1	52/79
1	NKRF	2	1,1	1.58	0.03	-0.12	1	50/79
1	EIF2AK2	1	1	2.04	0.03	1.31	1	19/79
1	SEC24C	1	1	1.85	0.03	0.69	1	23/79
2	RPS3A	2	1,2	1.77	0.03	-0.29	1	63/79
2	RPS6	2	1,3	1.84	0.03	0.03	1	61/79
1	PHGDH	1	1	1.55	0.03	0.15	1	33/79
3	SYNCRIP	1	3	1.88	0.03	-0.17	1	67/79
2	PCBP1	1	2	1.99	0.03	2	1	40/79
2	KRT13	1	2	1.85	0.03	0.08	1.13	52/79
2	RPS14	1	2	1.5	0.03	-0.05	1	70/79
2	TUBB1	1	2	1.5	0.03	-0.57	1	70/79
2	SNRPE	1	2	1.48	0.03	-0.52	1	72/79
1	BAG2	1	1	1.6	0.03	0.22	1	31/79
1	PWP1	1	1	1.52	0.03	0.28	1	34/79
1	KHDRBS1	1	1	1.57	0.03	0.55	1	32/79
1	MSH6	1	1	2.04	0.03	0.54	1	19/79
1	FLG2	1	1	1.71	0.03	0.36	1	27/79
1	PDHB	1	1	1.89	0.03	1.02	1	22/79
1	SSBP1	1	1	1.54	0.03	0.19	1.11	37/79
1	PAIP2	1	1	1.81	0.03	1.05	1	24/79
1	DDX6	1	1	1.74	0.03	0.03	1.41	37/79
1	SF3B14	1	1	1.62	0.03	0.77	1	30/79
1	SDHB	1	1	1.52	0.03	0.36	1	34/79
1	HNRNPUL2	1	1	1.65	0.03	0.85	1	29/79
1	RBM28	1	1	1.85	0.03	0.65	1	23/79
1	IRS4	1	1	1.55	0.03	-0.27	1.06	35/79
1	TUBA4B	1	1	1.62	0.03	0.8	1	30/79
1	POLR2A	1	1	1.62	0.03	0.17	1	30/79
2	CSDA	2	2,1	1.46	0.02	-0.95	1	77/79
2	HNRNPAB	2	3,1	1.43	0.02	-0.94	1	78/79
2	RPS24	2	2,1	1.47	0.02	-0.64	1	76/79

2	HNRNPA3	2	2,1	1.47	0.02	-0.97	1	76/79
2	RPL6	2	2,2	1.47	0.02	-1.04	1	76/79
2	HSPA7	2	2,1	1.46	0.02	-1.27	1	77/79
1	TAF15	1	1	1	0.02	-1.69	1	79/79
2	DDX5	2	1,2	1.41	0.02	-1.46	1	79/79
1	EEF1A1	2	1,1	1.11	0.02	-0.75	1	71/79
1	SEC23A	2	1,1	1.13	0.02	-0.77	1	70/79
1	YBX1	1	1	1.06	0.02	-0.53	1	70/79
1	SERBP1	1	1	1.37	0.02	0.13	1	42/79
1	HNRNPL	2	1,1	1.2	0.02	-0.69	1	66/79
1	RPL13	2	1,1	1.23	0.02	-0.58	1	64/79
1	ACTBL2	2	1,1	1.22	0.02	-0.29	1	65/79
1	PRDX2	1	1	1.27	0.02	-0.07	1	49/79
1	ACTL6A	1	1	1.44	0.02	0.09	1	38/79
1	C22orf28	1	1	1.02	0.02	-1.2	1	75/79
1	RPL11	2	1,1	1.01	0.02	-0.82	1	78/79
1	RPS3	2	1,1	1	0.02	-1.43	1	79/79
1	RPL31	1	1	1.05	0.02	-0.7	1	71/79
1	TRIM28	1	1	1.3	0.02	-0.11	1	47/79
1	NAP1L1	1	1	1.1	0.02	-0.49	1	65/79
1	HIST2H2BE	2	1,1	1.18	0.02	-0.63	1	67/79
1	FUS	2	1,1	1	0.02	-1.64	1	79/79
1	CLTCL1	1	1	1.32	0.02	-0.22	1.02	46/79
2	HNRNPD	2	1,2	1.43	0.02	-0.93	1	78/79
1	DDX1	1	1	1.01	0.02	-1.09	1	77/79
1	RPL29P30	2	1,1	1.11	0.02	-0.06	1	71/79
1	DAP3	1	1	1.41	0.02	0.13	1	40/79
1	RPL30	2	1,1	1.44	0.02	-0.34	1	55/79
1	HNRNPCL1	2	1,1	1.2	0.02	-0.47	1	66/79
1	THOC4	2	1,1	1.44	0.02	-0.33	1	55/79
1	RSL1D1	1	1	1.3	0.02	-0.19	1	47/79
1	DHX36	1	1	1.31	0.02	-0.01	1	46/79
1	RPS4X	2	1,1	1.05	0.02	-1.08	1	75/79
1	LOC646057	2	1,1	1.08	0.02	-1.07	1	73/79
1	SNRPA	2	1,1	1.3	0.02	-0.52	1	61/79
1	RPL18A	1	1	1.31	0.02	-0.02	1	46/79
1	RPLP1	2	1,1	1.03	0.02	-0.97	1	77/79
1	SNRPD2	1	1	1.1	0.02	-0.66	1	65/79
1	RPL22	1	1	1.11	0.02	-0.28	1	64/79
1	LUC7L2	1	1	1.41	0.02	0.14	1	40/79
1	BAG4	2	1,1	1.1	0.02	-1.03	1	72/79
1	RPL23A	2	1,1	1.2	0.02	-0.6	1	66/79
1	KRT24	1	1	1.23	0.02	0	1	52/79

2	DDX17	2	1,3	1.43	0.02	-1.1	1	78/79
1	SNRPG	2	1,1	1.16	0.02	-0.74	1	68/79
1	MOV10	2	1,1	1.44	0.02	-0.37	1	55/79
1	SFRS7	1	1	1.11	0.02	-0.58	1	64/79
1	PRDX4	1	1	1.46	0.02	0.13	1	37/79
1	RPS23	2	1,1	1.32	0.02	-0.15	1	60/79
2	SNRPD1	1	2	1.44	0.02	-1.29	1	76/79
1	RPSAP15	1	1	1.18	0.02	-0.5	1	57/79
1	RPS17	1	1	1.22	0.02	-0.35	1	53/79
1	RPL21P19	1	1	1.02	0.02	-0.93	1	75/79
1	RPSAP55	1	1	1.1	0.02	-0.46	1	66/79
1	HNRNPA0	1	1	1.12	0.02	-0.39	1	63/79
1	HNRPDL	1	1	1.02	0.02	-1.24	1	75/79
1	RPL24	1	1	1.08	0.02	-0.73	1	68/79
1	GAPDH	1	1	1.1	0.02	-0.43	1	65/79
1	LOC652595	1	1	1.2	0.02	-0.31	1	55/79
1	XRN2	1	1	1.1	0.02	-0.71	1	65/79
1	C14orf166	1	1	1.07	0.02	-0.75	1	69/79
1	MTHFD1	1	1	1.47	0.02	-0.14	1.07	39/79
1	RPS13	1	1	1.11	0.02	-0.74	1	64/79
1	HSP90AA2	1	1	1.17	0.02	-0.29	1	58/79
1	SNRPB	1	1	1.03	0.02	-1	1	74/79
1	RPL36AP37	1	1	1.05	0.02	-0.91	1	71/79
1	RPS25	1	1	1.1	0.02	-0.67	1	65/79
1	STRBP	1	1	1.27	0.02	-0.08	1	49/79
1	RPS16	1	1	1	0.02	-0.86	1	78/79
1	TXN	1	1	1.13	0.02	-0.46	1	62/79
1	HSPA4L	1	1	1.42	0.02	-0.12	1	39/79

4	RFC2	2	4,3	22.58	0.37	4.59	1	7/79
5	KRT17	2	4,5	22.48	0.37	1.91	1.4	11/79
3	SEC24B	2	3,2	22.75	0.37	0.65	2.16	13/79
1	SLC25A11	2	1,1	19.75	0.32	4.32	1	4/79
1	IARS	2	1,1	19.75	0.32	4.32	1	4/79
1	HIST1H2BL	2	1,1	19.75	0.32	3.24	1	4/79
2	FLNA	2	2,1	18.74	0.31	0.03	2.18	13/79
2	BUB3	2	1,2	18.63	0.31	2.39	1	6/79
2	ANKRD28	2	1,2	18.63	0.31	2.59	1	6/79
2	SERPINB4	2	2,1	18.3	0.3	1.2	1.31	8/79
1	COPS4	2	1,1	17.98	0.3	-0.13	1.82	8/79
2	EFTUD2	2	2,1	16.9	0.28	0.14	2.57	17/79
6	EIF4A1	2	7,4	16.05	0.26	0.73	2.57	31/79
2	TGM3	2	2,2	15.97	0.26	2.64	1	7/79
2	SNRNP200	2	1,3	15.5	0.26	-0.02	3.74	27/79
1	SMC3	2	1,1	15.69	0.26	0.02	2.58	13/79
1	PSMA6	2	1,1	15.8	0.26	2.28	1	5/79
1	KRT4	2	1,1	15.01	0.25	0.5	1.14	6/79
3	NSMCE2	1	3	15.39	0.25	8.71	1	1/79
7	SPTBN1	2	6,7	13.94	0.23	7.11	1	15/79
2	SAPS3	2	2,2	13.97	0.23	1.04	1	8/79
9	KRT16	2	11,7	13.36	0.22	0.77	1.97	35/79
2	PSMC5	2	2,1	13.12	0.22	-0.08	2.23	19/79
1	KEAP1	2	1,1	13.54	0.22	-0.08	1.37	8/79
1	PIP	2	1,1	13.17	0.22	2.2	1	6/79
2	RPAP3	1	2	12.57	0.21	8.57	1	1/79
1	USP7	2	1,1	12.65	0.21	-0.07	2.72	17/79
2	NSMCE1	1	2	12.57	0.21	8.57	1	1/79
2	TCF25	1	2	12.57	0.21	8.57	1	1/79
1	TP53	2	1,1	11.29	0.19	1.89	1	7/79
11	AHCY	2	10,11	10.64	0.18	2.33	1.91	47/79
5	DSP	2	5,4	10.83	0.18	0.29	1.9	31/79
3	KRT6B	2	3,3	11.02	0.18	0.75	1.53	19/79
2	RFC5	2	2,1	11.17	0.18	3.64	1	10/79
2	DSG1	2	1,3	11.17	0.18	0.75	1.2	12/79
3	JUP	2	3,2	10.35	0.17	1.17	1.21	16/79
3	PRPH	2	2,3	10.53	0.17	4.6	1	13/79
3	DCD	2	1,5	10.53	0.17	4.45	1	13/79
4	SEC31A	2	5,3	9.88	0.16	4.83	1	16/79
4	XRCC6	2	4,4	9.88	0.16	3.06	1	16/79
2	CUL3	2	2,1	9.76	0.16	-0.01	2.27	26/79
2	ATAD3B	2	2,1	9.81	0.16	0.62	1.23	14/79
1	PFDN2	2	1,1	9.88	0.16	2.47	1	8/79

11	AGL	2	11,11	9.03	0.15	2.2	1.48	43/79
2	CNOT1	1	2	8.89	0.15	3.84	1	2/79
2	RFC3	1	2	8.89	0.15	7.84	1	2/79
2	CAPZB	1	2	8.89	0.15	7.84	1	2/79
1	NP	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	HBS1L	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	ZNF596	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	C21orf45	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MCF2L	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	AKAP9	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	IRF4	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	COL1A1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	GPR50	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	IGHA1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	PRSS3	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	NDRG1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	S100A14	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	WDR92	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	GTPBP6	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	KIAA1128	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	ZBTB33	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	BIRC6	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	LONP1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	DEK	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MTMR3	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	NUFIP2	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MRPL22	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	PIP5K1A	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MPHOSPH6	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	LOC100134794	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	TXNDC12	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	FUBP3	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	BRD3	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
2	SERPINB3	1	2	8.89	0.15	6.09	1	2/79
1	EXOSC8	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MAP1B	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MED1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	NFATC1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	RDH11	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	RIOK2	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	NUMA1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	C1orf35	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	C1orf107	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79

1	KIF13B	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	THOC6	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	CDK5RAP2	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	GAPVD1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	SERPINA4	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	MID1IP1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
2	ACP1	1	2	8.89	0.15	7.84	1	2/79
1	MTA1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	ALDH7A1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	NUDT19	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	PAPSS1	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	TRIM65	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	TAF2	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
1	SERPINB6	1	1	8.89	0.15	9	1	1/79
2	S100A9	2	2,2	8.6	0.14	1.82	1	13/79
3	CDC5L	2	2,3	8.57	0.14	1.65	1.19	19/79
2	KRT3	2	2,1	8.6	0.14	2.95	1	13/79
2	COPS5	1	2	8.69	0.14	0.04	1.91	4/79
5	KLHL12	2	6,4	8.03	0.13	3.23	1	22/79
5	EIF4A3	2	3,6	8.03	0.13	5.45	1	22/79
3	SEC23B	2	1,4	8.14	0.13	2.06	1.19	20/79
4	CCT2	2	5,2	7.03	0.12	0.08	1.87	42/79
2	SNW1	1	2	7.26	0.12	7.22	1	3/79
1	SIRT1	1	1	7.19	0.12	0.24	1.31	2/79
2	TRA2A	2	1,2	6.99	0.12	3.69	1	16/79
1	ANKFY1	1	1	7.22	0.12	0.2	1.32	2/79
1	SART1	1	1	7.08	0.12	0.35	1.27	2/79
2	GYS1	1	2	7.26	0.12	5.88	1	3/79
2	PDIA3	1	2	7.26	0.12	7.22	1	3/79
42	KRT1	2	39,45	6.48	0.11	0.38	1	79/79
7	KRT14	2	7,7	6.69	0.11	0.87	1.47	46/79
2	HUWE1	2	1,2	6.65	0.11	0.19	1.13	19/79
27	KRT9	2	27,26	6.06	0.1	0.87	1.08	73/79
2	HSD17B10	2	2,1	6.03	0.1	1.17	1.35	25/79
2	RFC4	1	2	6.28	0.1	4.78	1	4/79
3	XRCC5	2	2,3	6.22	0.1	2.35	1	22/79
2	COPS8	1	2	6.03	0.1	0.5	1.15	5/79
1	CLTA	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	KIAA1529	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	GNL3L	1	1	6.28	0.1	3.84	1	2/79
2	ENO1	2	1,3	5.88	0.1	1.94	1	19/79
1	WDR82	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	AHCYL1	1	1	6.16	0.1	0.43	1.44	3/79

1	PLK1	1	1	6.28	0.1	2.71	1	2/79
1	ANKHD1	1	1	6.14	0.1	0.46	1.43	3/79
1	USP11	2	1,1	6.12	0.1	-0.19	1.47	19/79
1	POLD2	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	PAPD5	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	NCCRP1	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	DCTN2	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	TRAPPC2L	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	AQR	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	GPHN	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	MAP2K3	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	PSMB1	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	MYL9	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	HIF1AN	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	EMD	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	PPIL4	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	KCNQ5	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	IGLC1	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	FAM122B	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	NAMPT	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	LARS	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	PSIP1	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	SAFB2	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	S100A8	1	1	6.28	0.1	2.71	1	2/79
1	DSTN	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	SAFB	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
1	MYL12B	1	1	6.28	0.1	3.84	1	2/79
1	EEF1E1	1	1	6.28	0.1	6.06	1	2/79
27	KRT10	2	28,25	5.2	0.09	0	1	79/79
27	HSPA8	2	21,32	5.2	0.09	-1.04	1	79/79
31	TFG	2	26,36	5.57	0.09	-0.38	1	79/79
7	SRRM2	1	7	5.71	0.09	4.87	1	17/79
5	SPTAN1	2	5,5	5.34	0.09	5.59	1	33/79
2	ANKRD52	1	2	5.62	0.09	4.63	1	5/79
3	KRT71	2	2,4	5.27	0.09	3.1	1	26/79
2	MCCC2	2	2,1	5.59	0.09	2.14	1	20/79
2	CCT3	2	1,2	5.58	0.09	0.09	1.5	30/79
1	MAT2A	2	1,1	5.64	0.09	1.45	1	14/79
1	EXOSC10	2	1,1	5.27	0.09	0.79	1	15/79
1	PRPF4B	1	1	5.39	0.09	0.6	1.47	4/79
21	TUBB2C	2	16,26	4.58	0.08	-0.09	1	79/79
10	KRT5	2	9,10	5.12	0.08	0.76	1.11	54/79
6	CLTC	2	5,7	4.61	0.08	0.3	1.57	66/79

3	DARS	1	3	4.87	0.08	5.8	1	10/79
2	PSMD13	1	2	4.85	0.08	-0.1	1.49	10/79
2	LYZ	1	2	5.13	0.08	4.5	1	6/79
1	MTAP	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	MRPS21	1	1	5.13	0.08	3.52	1	3/79
1	SERPINB12	2	1,1	4.94	0.08	1.31	1	16/79
1	CDKN2A	2	1,1	4.65	0.08	0.81	1	17/79
1	PKP1	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	BLMH	1	1	5.13	0.08	1.78	1	3/79
1	SNRPA1	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	ACBD3	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	BAT2D1	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	MACF1	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	PMPCB	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	SUGT1	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	GMPS	1	1	4.79	0.08	0.25	1.74	6/79
1	ARG1	1	1	5.13	0.08	1.96	1	3/79
1	GIGYF2	1	1	5.13	0.08	1.78	1	3/79
1	ACOT7	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	CSNK2A2	1	1	4.96	0.08	0.12	1.56	5/79
1	ASL	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	DRG1	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	GNL2	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	GPRASP2	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
2	PSMA7	1	2	5.13	0.08	5.79	1	6/79
1	NUP133	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	CTTN	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	PSMB5	1	1	5.13	0.08	3.52	1	3/79
1	UCHL5	1	1	4.72	0.08	0.55	1.13	4/79
1	AZGP1	1	1	5.13	0.08	2.54	1	3/79
1	PDE12	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	PDXK	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	SHMT2	1	1	4.72	0.08	-0.06	2.82	10/79
1	GMPPB	1	1	5.13	0.08	5.05	1	3/79
1	PYCRL	1	1	5.13	0.08	3.52	1	3/79
17	KRT2	2	18,15	4.16	0.07	0	1	78/79
11	CAD	2	13,8	4.08	0.07	0.08	1	64/79
16	HSPA1A	2	11,21	4	0.07	-0.95	1	79/79
7	VIM	2	7,6	4.37	0.07	1.38	1	48/79
5	PKM2	2	5,5	4.54	0.07	0.43	1.41	55/79
3	PHGDH	2	3,3	4.14	0.07	1.79	1	33/79
2	TCP1	2	2,2	4.53	0.07	-0.09	1.38	34/79
2	RPA1	1	2	4.45	0.07	5.25	1	8/79

2	ZC3HAV1	1	2	4.45	0.07	3.63	1	8/79
2	LGALS7	1	2	4.19	0.07	2.01	1	9/79
2	FLG2	2	2,1	4.14	0.07	1.19	1	27/79
3	RUVBL1	2	2,3	4.02	0.07	0.86	1	34/79
1	ALDOA	1	1	4.44	0.07	4.32	1	4/79
1	EXOSC2	2	1,1	4.39	0.07	1.44	1	18/79
1	RNF219	1	1	3.97	0.07	3.76	1	5/79
1	CBR3	1	1	4.44	0.07	4.32	1	4/79
1	CHD4	1	1	4.44	0.07	4.32	1	4/79
1	IPO5	1	1	4.44	0.07	2.42	1	4/79
1	DNAJC7	2	1,1	4.39	0.07	0.38	1	18/79
1	CMBL	1	1	4.44	0.07	2.63	1	4/79
1	USP15	2	1,1	4.13	0.07	-0.11	1.57	30/79
1	POLR1C	1	1	3.97	0.07	1.1	1	5/79
1	DOCK7	1	1	4.44	0.07	3.24	1	4/79
2	MCM7	2	1,2	3.99	0.07	0.75	1	28/79
1	KIF5B	1	1	4.53	0.07	0.92	1.3	5/79
2	RNPS1	1	2	3.97	0.07	4.89	1	10/79
1	BXDC1	1	1	4.44	0.07	4.32	1	4/79
1	PYGL	1	1	4.44	0.07	4.32	1	4/79
1	EIF3F	1	1	4.04	0.07	0.06	2.48	12/79
1	SF3A1	1	1	3.97	0.07	3.76	1	5/79
1	HSPC152	1	1	3.97	0.07	3.76	1	5/79
1	PSMD14	1	1	4.1	0.07	-0.09	1.49	7/79
1	CRKL	1	1	4.44	0.07	3.24	1	4/79
1	TGM1	1	1	4.44	0.07	2.42	1	4/79
12	HNRNPM	2	14,9	3.95	0.06	1.3	1	69/79
13	NCL	2	12,13	3.71	0.06	-0.78	1	77/79
6	HSPD1	2	6,6	3.45	0.06	0.54	1	56/79
3	MTHFD1	2	4,1	3.66	0.06	0.66	1.04	39/79
3	EEF1G	2	3,2	3.71	0.06	2.71	1	37/79
2	HIST1H4J	2	3,1	3.49	0.06	1.6	1	32/79
2	YWHAE	1	2	3.67	0.06	-0.08	2.73	32/79
2	CAPRIN1	1	2	3.41	0.06	0	3.1	42/79
3	ZNF326	1	3	3.73	0.06	4.79	1	17/79
2	QARS	1	2	3.63	0.06	3.33	1	12/79
4	RUVBL2	2	2,5	3.76	0.06	0.77	1	42/79
1	HDAC2	1	1	3.63	0.06	2.76	1	6/79
1	C8orf33	1	1	3.36	0.06	2.02	1	7/79
1	PELO	1	1	3.36	0.06	2.65	1	7/79
1	ALB	1	1	3.36	0.06	1.72	1	7/79
1	ANXA2	1	1	3.36	0.06	2.12	1	7/79
1	MCM4	1	1	3.91	0.06	0.41	1.74	9/79

1	CSNK2A1	1	1	3.91	0.06	0.06	1.94	10/79
1	CKB	1	1	3.36	0.06	1.56	1	7/79
1	PGAM5	1	1	3.74	0.06	0.13	1.95	11/79
1	EIF3L	1	1	3.82	0.06	-0.12	2.22	12/79
1	WDR61	1	1	3.63	0.06	2.76	1	6/79
1	WDR48	1	1	3.64	0.06	-0.13	1.85	11/79
1	EIF5A	1	1	3.36	0.06	2.65	1	7/79
1	USP13	1	1	3.39	0.06	0.43	1.02	7/79
1	POLR2H	1	1	3.63	0.06	3.41	1	6/79
1	CBX1	1	1	3.63	0.06	1.98	1	6/79
1	PRPF8	1	1	3.4	0.06	-0.08	4.09	28/79
1	EIF3E	1	1	3.75	0.06	-0.12	1.96	11/79
1	NUP155	1	1	3.63	0.06	3.41	1	6/79
1	EIF3CL;EIF3C	1	1	3.51	0.06	-0.13	2.34	15/79
1	DNAJB6	1	1	3.63	0.06	3.41	1	6/79
1	RAE1	1	1	3.42	0.06	0.64	1.33	9/79
8	DHX9	2	11,4	2.86	0.05	-0.94	1	78/79
8	HNRNPUL1	2	9,7	2.83	0.05	-1.15	1	79/79
7	DDX21	2	8,5	2.94	0.05	0.04	1	71/79
8	PABPC1	2	10,6	2.86	0.05	-0.88	1	78/79
10	HSPA5	2	7,13	3.16	0.05	-1.04	1	79/79
9	HSPA1L	2	9,8	3	0.05	-0.81	1	79/79
7	PRDX1	2	6,7	2.78	0.05	0.97	1	75/79
8	RPL7A	2	7,9	3.03	0.05	1.34	1	74/79
7	EEF2	2	5,8	2.94	0.05	0.79	1	71/79
5	PDIA6	2	5,4	3.26	0.05	3.12	1	54/79
6	IGF2BP1	2	4,7	2.79	0.05	0.54	1	69/79
3	KRT13	2	4,1	2.95	0.05	0.44	1.12	52/79
3	TUFM	2	4,1	2.74	0.05	0.74	1	50/79
4	HSP90AA1	2	3,4	2.74	0.05	0.2	1.18	68/79
4	HSPH1	2	3,4	2.92	0.05	0.27	1	54/79
3	PPP2CA	1	3	2.81	0.05	1.82	1	30/79
3	FXR1	1	3	3.28	0.05	2.45	1	22/79
1	PPM1G	1	1	2.96	0.05	0.78	1	9/79
1	YWHAQ	2	1,1	3.34	0.05	0	1.31	31/79
1	HRNR	1	1	3.14	0.05	1.77	1	8/79
1	PAICS	1	1	2.81	0.05	1.16	1	10/79
1	YTHDF2	1	1	2.96	0.05	2.35	1	9/79
1	C1orf77	1	1	3.14	0.05	3	1	8/79
1	PSMD2	1	1	3.25	0.05	-0.15	2.14	16/79
1	PSMC4	1	1	3.14	0.05	-0.11	2.12	17/79
1	KPNA4	1	1	2.81	0.05	1.55	1	10/79
2	PCBP1	2	1,2	2.8	0.05	2	1	40/79

1	EIF2S3	1	1	2.81	0.05	1.98	1	10/79
1	MRPS26	1	1	2.96	0.05	1.5	1	9/79
1	SF3B2	1	1	2.96	0.05	2.78	1	9/79
1	PLEC1	1	1	3.14	0.05	2.18	1	8/79
1	PSMC3	1	1	2.91	0.05	-0.15	2.15	20/79
1	ATP2A2	1	1	3.14	0.05	2.47	1	8/79
1	P4HB	1	1	3.14	0.05	3	1	8/79
1	ATP5B	2	1,1	3.04	0.05	0.28	1	26/79
1	PRKDC	2	1,1	3.16	0.05	-0.14	1	25/79
2	PRDX4	2	1,2	3.03	0.05	0.97	1	37/79
1	LRPPRC	1	1	3.14	0.05	2.47	1	8/79
2	AKAP8L	1	2	3.14	0.05	3.24	1	16/79
2	CCT7	1	2	3.14	0.05	0	1.75	28/79
2	PPP2R2A	1	2	3.25	0.05	1.72	1	15/79
2	LSM12	1	2	3.14	0.05	4.05	1	16/79
1	PPP6C	1	1	2.96	0.05	1.39	1	9/79
1	MTHFD1L	1	1	3.14	0.05	2.47	1	8/79
1	UBA1	1	1	3.14	0.05	3	1	8/79
1	PSMD4	1	1	3.12	0.05	0	1.6	13/79
1	CTSD	1	1	2.96	0.05	1.91	1	9/79
1	SDF2L1	1	1	3.14	0.05	2.47	1	8/79
1	PARP1	1	1	2.81	0.05	1.45	1	10/79
1	GRB2	1	1	2.74	0.05	0.27	1.52	16/79
1	FIP1L1	1	1	3.14	0.05	3	1	8/79
1	HSD17B4	1	1	2.96	0.05	1.71	1	9/79
1	CPNE3	1	1	2.96	0.05	2.05	1	9/79
1	EXOSC9	1	1	3.14	0.05	1.91	1	8/79
1	PFAS	1	1	3.14	0.05	2.47	1	8/79
6	RPLP0	2	7,5	2.47	0.04	-0.16	1	78/79
7	HSPA9	2	5,9	2.65	0.04	-1.09	1	79/79
5	HNRNPC	2	6,3	2.6	0.04	0.79	1.02	69/79
7	HNRNPU	2	5,8	2.67	0.04	-0.45	1	78/79
5	ILF2	2	4,5	2.35	0.04	0.12	1	75/79
3	HSPA4	2	4,2	2.29	0.04	-0.46	1	60/79
6	HNRNPA2B1	2	7,5	2.45	0.04	-0.85	1	79/79
5	HNRNPH1	2	4,5	2.24	0.04	-0.86	1	79/79
5	RPL4	2	4,5	2.26	0.04	0.29	1	78/79
5	DHX15	2	4,5	2.39	0.04	0.05	1	74/79
5	TUBB	2	5,5	2.24	0.04	-0.67	1	79/79
5	RPL3	2	4,5	2.35	0.04	0.27	1	75/79
4	RPS8	2	4,4	2.2	0.04	0.44	1	72/79
4	RPL9	2	3,4	2.46	0.04	0.47	1	64/79
3	MATR3	2	3,2	2.58	0.04	0.51	1	53/79

5	TUBA4A	2	3,6	2.3	0.04	-0.65	1	77/79
3	PTBP1	1	3	2.41	0.04	0.92	1	41/79
3	PRMT1	1	3	2.22	0.04	1.24	1	48/79
3	FASN	2	3,2	2.41	0.04	-0.09	1	57/79
6	HNRNPAB	2	7,4	2.47	0.04	0.72	1	78/79
2	RBMXL2	2	3,1	2.15	0.04	1.35	1	52/79
	UBC;RPS27A;U							
3	BB	2	3,3	2.52	0.04	-0.14	1.36	74/79
3	RPL30	2	3,3	2.49	0.04	0.86	1	55/79
2	DDX6	1	2	2.43	0.04	0.49	1.38	37/79
2	NONO	2	2,2	2.15	0.04	1.37	1	52/79
2	TRIM28	2	2,2	2.38	0.04	0.48	1	47/79
2	RCC2	1	2	2.47	0.04	1.3	1	26/79
3	RPS6	2	2,3	2.25	0.04	0.57	1	61/79
3	HSP90AB1	2	2,4	2.16	0.04	0.08	1.02	65/79
2	RPL19	2	1,2	2.49	0.04	0.62	1	45/79
4	RPL24	2	1,7	2.32	0.04	1.25	1	68/79
1	PPP2R1A	1	1	2.32	0.04	0.37	1.02	15/79
1	YWHAG	1	1	2.37	0.04	0.47	1	14/79
1	ALDH18A1	1	1	2.47	0.04	0.19	1.86	24/79
1	WDR68	1	1	2.3	0.04	1.66	1	15/79
1	RPS27	2	1,1	2.55	0.04	0.44	1	31/79
2	EEF1B2	2	1,2	2.28	0.04	1.77	1	49/79
1	NUP107	1	1	2.57	0.04	1.82	1	12/79
1	LDHB	1	1	2.57	0.04	1.74	1	12/79
1	IMPDH2	1	1	2.47	0.04	1.01	1	13/79
1	AAMP	1	1	2.57	0.04	2.05	1	12/79
1	LYAR	2	1,1	2.63	0.04	0.35	1	30/79
1	RBM34	1	1	2.57	0.04	1.82	1	12/79
1	MCM5	1	1	2.44	0.04	0.09	1.58	21/79
1	ENO2	1	1	2.3	0.04	2.08	1	15/79
1	SF3B4	1	1	2.3	0.04	1.86	1	15/79
1	HDLBP	1	1	2.43	0.04	0.48	1.05	14/79
1	RARS	1	1	2.57	0.04	1.69	1	12/79
1	EXOSC5	1	1	2.68	0.04	2.13	1	11/79
1	GNL3	1	1	2.22	0.04	1.41	1	16/79
1	SF1	1	1	2.57	0.04	2.05	1	12/79
1	KRT6C	1	1	2.47	0.04	1.4	1	13/79
1	DLD	1	1	2.47	0.04	1.09	1	13/79
1	SF3B14	2	1,1	2.63	0.04	0.77	1	30/79
1	SLC16A1	1	1	2.47	0.04	1.76	1	13/79
1	ANXA2P2	1	1	2.47	0.04	0.91	1	13/79
2	DNAJA1	2	1,3	2.33	0.04	-0.07	1	48/79

1	HNRNPUL2	2	1,1	2.72	0.04	0.85	1	29/79
1	STAU1	2	1,1	2.55	0.04	0.32	1	31/79
1	FARSA	1	1	2.68	0.04	0.93	1	11/79
1	TUBA4B	2	1,1	2.63	0.04	0.8	1	30/79
2	MCM3	1	2	2.62	0.04	0.38	1.31	30/79
2	PRPF19	1	2	2.33	0.04	1.25	1	29/79
2	PDHB	1	2	2.68	0.04	2.47	1	22/79
2	SLC25A3	1	2	2.26	0.04	0.69	1	31/79
1	PRPS1L1	1	1	2.68	0.04	2.46	1	11/79
1	KCTD12	1	1	2.47	0.04	1.15	1	13/79
1	DDB1	1	1	2.29	0.04	-0.18	3.12	47/79
1	C1orf25	1	1	2.22	0.04	1.6	1	16/79
1	KRT6A	1	1	2.68	0.04	1.01	1	11/79
1	HDAC1	1	1	2.57	0.04	1.54	1	12/79
1	GTPBP4	1	1	2.68	0.04	1.2	1	11/79
1	H2AFV	1	1	2.3	0.04	1.66	1	15/79
1	SF3B1	1	1	2.16	0.04	1.04	1	17/79
1	NXF1	1	1	2.16	0.04	1.71	1	17/79
1	USP9X	1	1	2.35	0.04	0.05	1.54	22/79
1	DNAH12	1	1	2.47	0.04	1.63	1	13/79
1	CFL1	1	1	2.47	0.04	1.5	1	13/79
1	SLC25A4	1	1	2.68	0.04	2.13	1	11/79
3	ILF3	2	5,1	1.91	0.03	-0.4	1	72/79
3	HNRNPK	2	5,1	1.73	0.03	-1.62	1	79/79
4	HNRNPF	2	5,2	2	0.03	-1.15	1	79/79
3	HNRNPH3	2	4,2	1.75	0.03	-1.2	1	78/79
4	RPS3	2	4,4	2	0.03	-0.93	1	79/79
4	RPL6	2	4,4	2.08	0.03	-0.65	1	76/79
3	HNRNPA1	2	4,2	1.73	0.03	-0.55	1	79/79
4	RPL5	1	4	2.07	0.03	-0.57	1	74/79
3	NPM1	2	3,3	1.82	0.03	-0.43	1	75/79
3	RPLP2	2	3,3	1.73	0.03	-1.12	1	79/79
3	ACTB	2	3,3	2.11	0.03	0.66	1	65/79
3	KRT75	2	3,3	1.97	0.03	0.16	1	69/79
3	RPS4X	2	3,3	1.82	0.03	-0.49	1	75/79
3	RPS14	1	3	1.84	0.03	0.73	1	70/79
3	LGALS3BP	2	3,3	1.96	0.03	-0.54	1.09	76/79
4	DNAJC10	2	3,4	2.08	0.03	-0.31	1	76/79
2	RPS2	2	3,1	1.53	0.03	-0.86	1	73/79
3	EEF1A2	2	3,2	1.8	0.03	-0.46	1	76/79
2	RPL7;RPL7P32	2	3,1	1.56	0.03	-0.58	1	72/79
3	TIAL1	1	3	1.77	0.03	-0.93	1	76/79
3	C1QBP	2	3,2	1.82	0.03	-0.47	1	75/79

3	RPL21P19	2	3,2	1.82	0.03	-0.08	1	75/79
3	EEF1A1	2	3,3	1.92	0.03	0.4	1	71/79
3	RPL12	1	3	1.87	0.03	0.35	1	68/79
3	HSPA7	1	3	1.76	0.03	-0.59	1	77/79
2	TUBB1	2	3,1	1.6	0.03	-0.57	1	70/79
2	NAP1L1	1	2	1.56	0.03	0.16	1	65/79
3	CSDA	2	2,3	1.78	0.03	-0.61	1	77/79
2	HNRNPR	2	2,2	1.57	0.03	-0.5	1	71/79
3	DDX3X	2	2,3	1.73	0.03	-1.78	1	79/79
2	RPL22	2	2,1	1.74	0.03	0.73	1	64/79
2	SF3B3	2	2,2	2.06	0.03	0.2	1	54/79
2	LOC652595	1	2	1.7	0.03	0.42	1	55/79
2	GRWD1	2	2,1	1.73	0.03	0.46	1	65/79
2	RPS10	2	2,1	1.67	0.03	-0.15	1	67/79
2	SYNCRIP	1	2	1.54	0.03	-0.54	1	67/79
2	SNRPE	2	2,1	1.56	0.03	-0.52	1	72/79
2	RPS7	2	2,1	1.92	0.03	-0.07	1	58/79
2	SEC23A	2	2,2	1.6	0.03	-0.17	1	70/79
2	RPL27	2	2,2	1.56	0.03	-0.15	1	72/79
3	HIST1H1C	2	2,4	1.85	0.03	-0.14	1	74/79
2	PRDX2	1	2	1.79	0.03	0.81	1	49/79
2	RPS25	1	2	1.56	0.03	-0.09	1	65/79
2	SLC25A5	2	2,2	1.77	0.03	-0.22	1	63/79
2	RPL27A	1	2	1.79	0.03	0.92	1	49/79
4	DDX5	2	2,5	2	0.03	-1.09	1	79/79
2	RPL31	2	2,1	1.57	0.03	0.18	1	71/79
2	RBM14;RBM4	1	2	1.56	0.03	-0.39	1	65/79
2	PABPC4	1	2	1.54	0.03	-0.47	1	67/79
2	RPS9	2	2,2	2.06	0.03	0.03	1	54/79
2	THOC4	2	2,1	2.04	0.03	0.27	1	55/79
1	PCBP2	1	1	1.81	0.03	0.91	1	24/79
1	RBM4	1	1	1.85	0.03	0.98	1	23/79
1	YWHAZ	1	1	2.12	0.03	0.14	1.19	21/79
2	RPL10P16	2	1,2	1.8	0.03	0.53	1	62/79
1	SERBP1	2	1,1	1.88	0.03	0.13	1	42/79
2	RPS23	2	1,2	1.87	0.03	0.91	1	60/79
2	RPL10A	2	1,2	1.84	0.03	-0.04	1	61/79
3	HNRNPCL1	2	1,4	2.08	0.03	0.88	1	66/79
1	SEC24A	1	1	1.62	0.03	0.84	1	30/79
2	BAG4	2	1,2	1.56	0.03	-0.7	1	72/79
1	CCBL2	2	1,1	1.93	0.03	0.53	1	41/79
2	GAPDH	2	1,2	1.73	0.03	0.37	1	65/79
2	KHSRP	2	1,3	1.61	0.03	-0.19	1	69/79

2	HIST2H2BE	2	1,2	1.67	0.03	-0.06	1	67/79
1	NUDT21	2	1,1	2.03	0.03	0.16	1	39/79
1	C7orf50	1	1	1.94	0.03	1.03	1	21/79
1	RPS5	1	1	1.65	0.03	0.55	1	29/79
1	OLA1	1	1	1.94	0.03	1.14	1	21/79
1	CCT8	1	1	1.77	0.03	-0.29	1.55	39/79
2	SDHA	2	1,2	1.74	0.03	0.41	1	64/79
1	DYNC1H1	1	1	2.04	0.03	0.2	1	19/79
1	TUBB6	1	1	1.81	0.03	0.25	1	24/79
1	KRT24	2	1,1	1.52	0.03	0	1	52/79
1	SEC24C	1	1	1.85	0.03	0.69	1	23/79
1	PPP1CC	1	1	1.65	0.03	0.78	1	29/79
1	MRPS22	1	1	1.52	0.03	0.06	1	34/79
1	PUF60	1	1	1.65	0.03	0.45	1	29/79
1	RPS26P11	1	1	1.99	0.03	1.27	1	20/79
1	KIAA1967	1	1	1.89	0.03	0.6	1	22/79
1	RPL14	2	1,1	1.61	0.03	0.15	1	49/79
1	SART3	1	1	1.96	0.03	-0.23	2.76	57/79
1	CPSF6	2	1,1	1.68	0.03	-0.03	1	47/79
1	PWP1	1	1	1.52	0.03	0.28	1	34/79
1	CCT5	1	1	1.66	0.03	-0.26	1.68	48/79
1	RPL28	1	1	1.62	0.03	0.74	1	30/79
2	ATP5A1	2	1,2	2.06	0.03	-0.16	1	54/79
1	SFRS4	1	1	1.6	0.03	0.64	1	31/79
2	RPS17	2	1,2	2.11	0.03	0.26	1	53/79
2	PCNA	1	2	1.9	0.03	0.75	1	44/79
2	AIFM1	1	2	1.74	0.03	-0.13	1	52/79
2	HIST1H2AB	1	2	1.9	0.03	0.84	1	44/79
2	RPL23A	1	2	1.55	0.03	0.1	1	66/79
2	RPL35A	1	2	2.07	0.03	2.13	1	37/79
1	MYBBP1A	1	1	1.68	0.03	-0.13	1	28/79
1	SSBP1	1	1	1.54	0.03	0.19	1.11	37/79
1	KARS	1	1	2.04	0.03	1.05	1	19/79
1	ADAR	1	1	2.04	0.03	1.2	1	19/79
1	ATP1A1	1	1	1.78	0.03	0.13	1	25/79
1	S100A7	1	1	1.99	0.03	1	1	20/79
1	NSUN2	1	1	1.99	0.03	1.06	1	20/79
1	AKAP8	1	1	1.81	0.03	0.9	1	24/79
1	POLDIP2	1	1	2.1	0.03	0.92	1	18/79
1	STRAP	1	1	1.6	0.03	0.65	1	31/79
1	RPL26L1	1	1	1.55	0.03	0.34	1	33/79
1	DNAJA2	1	1	1.62	0.03	-0.02	1	30/79
2	DDX1	2	3,1	1.46	0.02	-0.85	1	77/79

2	FUS	2	3,1	1.41	0.02	-1.54	1	79/79
2	RPL8	1	2	1.5	0.02	0.09	1	70/79
2	YBX1	1	2	1.5	0.02	0.32	1	70/79
2	RPS24	2	2,1	1.47	0.02	-0.64	1	76/79
2	DDX17	2	2,1	1.43	0.02	-1.1	1	78/79
2	DAZAP1	1	2	1.41	0.02	-0.93	1	79/79
1	EWSR1	1	1	1.01	0.02	-1.52	1	77/79
2	TUBA1C	2	1,3	1.43	0.02	-0.9	1	78/79
2	TAF15	2	1,2	1.41	0.02	-1.27	1	79/79
1	HNRNPA3	2	1,1	1.04	0.02	-1.25	1	76/79
1	HNRNPA0	1	1	1.12	0.02	-0.39	1	63/79
1	RPL11	2	1,1	1.01	0.02	-0.82	1	78/79
2	RPL15	2	1,2	1.48	0.02	-0.59	1	75/79
1	CIRBP	1	1	1.22	0.02	-0.21	1	53/79
1	ACTBL2	2	1,1	1.22	0.02	-0.29	1	65/79
1	RPL29P30	1	1	1.05	0.02	-0.06	1	71/79
1	SNRPA	2	1,1	1.3	0.02	-0.52	1	61/79
1	RPS20	1	1	1.02	0.02	-1.29	1	75/79
1	LOC100131813	1	1	1.44	0.02	0.96	1	38/79
1	ELAVL1	2	1,1	1.18	0.02	-0.49	1	67/79
1	RBBP4	1	1	1.33	0.02	0.32	1	45/79
1	CLTCL1	1	1	1.32	0.02	-0.22	1.02	46/79
1	SFRS2	1	1	1.15	0.02	-0.16	1	60/79
1	FTSJ3	1	1	1.5	0.02	0.17	1	35/79
1	RPL13A	2	1,1	1.23	0.02	-0.27	1	64/79
1	IGF2BP3	1	1	1.41	0.02	-0.04	1	40/79
1	RPL23	2	1,1	1.16	0.02	-0.74	1	68/79
1	HSP90AA2	1	1	1.17	0.02	-0.29	1	58/79
1	RSL1D1	1	1	1.3	0.02	-0.19	1	47/79
1	FAM98A	1	1	1.17	0.02	-0.42	1	58/79
1	LOC646057	1	1	1.04	0.02	-1.07	1	73/79
1	DAP3	1	1	1.41	0.02	0.13	1	40/79
1	RPL35	1	1	1.24	0.02	0.25	1	51/79
1	SLC25A6	1	1	1.48	0.02	-0.12	1	36/79
1	XRN2	2	1,1	1.22	0.02	-0.71	1	65/79
1	SMARCA4	2	1,1	1.36	0.02	-0.54	1	58/79
1	SNRPC	1	1	1.05	0.02	-0.75	1	72/79
1	H1FX	1	1	1.42	0.02	0.37	1	39/79
1	RPL36AP37	2	1,1	1.11	0.02	-0.91	1	71/79
1	C14orf166	2	1,1	1.14	0.02	-0.75	1	69/79
1	PLOD1	2	1,1	1.08	0.02	-0.95	1	73/79
1	RPS16	2	1,1	1.01	0.02	-0.86	1	78/79
1	TUBB2A	1	1	1.5	0.02	-0.09	1	35/79

1	HNRNPL	1	1	1.1	0.02	-0.69	1	66/79
1	TXN	2	1,1	1.27	0.02	-0.46	1	62/79
1	LARP1	1	1	1.1	0.02	-0.63	1	66/79
1	PCBD1	1	1	1.48	0.02	0.29	1	36/79
1	RPL10L	1	1	1.19	0.02	0.08	1	56/79
1	SFRS7	2	1,1	1.23	0.02	-0.58	1	64/79
2	RPL18	2	1,3	1.51	0.02	-0.42	1	74/79
1	RPS3A	1	1	1.12	0.02	-0.65	1	63/79
1	TTN	1	1	1.34	0.02	-0.24	1	44/79
1	NOP2	1	1	1.5	0.02	-0.06	1	35/79
1	RPL18A	1	1	1.31	0.02	-0.02	1	46/79
1	RPL13	2	1,1	1.23	0.02	-0.58	1	64/79
1	RPS13	1	1	1.11	0.02	-0.74	1	64/79
1	RPL36	1	1	1.15	0.02	-0.29	1	60/79
2	HNRPDL	1	2	1.45	0.02	-0.78	1	75/79
2	HNRNPD	1	2	1.42	0.02	-0.93	1	78/79
1	PRDX3	1	1	1.39	0.02	0.39	1	41/79
1	RPS15A	1	1	1.08	0.02	-0.51	1	68/79
1	RPL7AP27	1	1	1.12	0.02	-0.37	1	63/79
1	RPL38	1	1	1.21	0.02	-0.19	1	54/79
1	QPCT	1	1	1.31	0.02	-0.27	1	46/79
1	KPNB1	1	1	1.39	0.02	-0.11	1	41/79
1	SNRPD3	1	1	1.05	0.02	-0.53	1	72/79
1	SNRPD1	1	1	1.02	0.02	-1.59	1	76/79
1	HSP90B1	1	1	1.31	0.02	0.15	1	46/79
1	HSPA4L	1	1	1.42	0.02	-0.12	1	39/79
1	RPS19	1	1	1.18	0.02	-0.58	1	57/79
1	DHX30	1	1	1.17	0.02	-0.6	1	58/79