

## Supplementary table 1

GR <sup>Ncr1-iCre</sup> vs WT <sup>Ncr1-iCre</sup> spleen NK cells	log2 Fold Change	P-value
GeneSymbol		
Nr3c1	-1,433531108	1,51038E-23
Tsc22d3	-1,085385169	2,72678E-13
Pdcd1	-1,074943918	2,23849E-08

GR <sup>Ncr1-iCre</sup> vs WT <sup>Ncr1-iCre</sup> liver NK cells	log2 Fold Change	P-value
GeneSymbol		
Nr3c1	-1,121209556	4,0542E-18
Tsc22d3	-1,060277042	2,49147E-25
Rhpn1	1,155356202	4,47434E-21

GR <sup>Ncr1-iCre</sup> vs WT <sup>Ncr1-iCre</sup> liver ILC1s	log2 Fold Change	P-value
GeneSymbol		
Fam129b	-1,977043159	2,04623E-06
Kcnn4	-1,837239359	7,19661E-06
Cdkn3	-1,763882303	2,12219E-07
Itgam	-1,741094428	8,01755E-06
Adamts14	-1,679270793	0,000111585
Gzmk	-1,653282416	0,000190511
Nhs12	-1,615848136	2,50582E-05
mt-Co3	-1,59935198	0,000235044
Parpbp	-1,596274988	0,000259624
Klf2	-1,563861954	0,000208621
mt-Atp6	-1,520830342	0,000461334
Gtsf1	-1,468129404	0,000955369
Prr11	-1,467986918	0,000384995
Serp1b8	-1,449069232	0,001048676
Ccnb2	-1,44274613	0,000420451
Cep72	-1,424174181	0,000608144
Ube2c	-1,396840046	0,001196171
Srsf12	-1,387045692	0,001726964
Aldh2	-1,371406912	0,000496704
Gm10171	-1,356365874	0,001706172
Emilin2	-1,338831095	0,002194396
mt-Atp8	-1,336636808	0,001960195
Rab3il1	-1,330787587	0,001902059
Trim16	-1,307887545	0,002656772
Fbxl2	-1,307131406	0,003100646
Cma1	-1,300356889	#N/A
Ccl9	-1,300116826	0,001300224
Gpx3	-1,293674868	0,003400714

GR <sup>Ncr1-iCre</sup> vs WT <sup>Ncr1-iCre</sup> liver ILC1s	log2 Fold Change	P-value
Kif22	-1,291353142	0,000936831
Cmk1r1	-1,286924932	0,002348703
Aspm	-1,285619766	0,003429606
Lockd	-1,262541134	0,000315505
F830016B08Rik	-1,260574756	0,003685322
2210011C24Rik	-1,253672583	0,004747334
Hist1h2ad	-1,2401941	0,005131748
Vim	-1,238511181	2,02648E-05
Mafb	-1,220224893	0,005912701
Scimp	-1,210274033	0,000580799
Plk1	-1,210213181	0,006022971
Sell	-1,209471045	0,002638185
Sphk1	-1,207548411	0,006600893
mt-Co2	-1,207214974	0,006315805
Emilin1	-1,205161897	0,0060829
Sort1	-1,18968478	0,007327976
Gm43305	-1,186838894	0,003030804
Ptgs2	-1,186376459	0,007215593
Nectin4	-1,182123956	0,007833577
Hmmr	-1,180070662	0,007435037
Birc5	-1,170978863	0,001587966
Snx30	-1,170362699	0,005838968
Kbtbd11	-1,160479634	0,003326613
Tmem171	-1,159972252	0,006361001
Mxd3	-1,159416267	0,00482674
Hist1h2ak	-1,158193829	0,007136563
Fgf13	-1,158025021	0,005613221
B4gal16	-1,155210092	0,006259632
Rasgrp2	-1,154724974	0,006280075
mt-Nd3	-1,141004509	0,009195537
Usp2	-1,140729635	0,005007358
Large1	-1,137438402	0,01049078
Rap1gap2	-1,126786722	0,009346793
Gm7582	-1,126352044	0,011216695
Cdca8	-1,124907151	0,001346837
Ap1nr	-1,121054433	0,01050537
S1pr5	-1,116140073	0,011851815
Id3	-1,115476121	0,003390615
Zeb2	-1,106580128	0,003023315
Padi4	-1,10223583	0,013120596
Rec8	-1,097279812	0,012701462
Gdf15	-1,095789146	0,012311307
Klf3	-1,087570629	0,003857801
Arhgap32	-1,08687081	0,008566296
Kif23	-1,085461695	0,014614426
Cdca3	-1,080989402	0,007507187
Tpx2	-1,080307559	0,008863325
Nrgn	-1,077111445	0,002907539
Tcf7l2	-1,074439814	0,015596562
Cntrob	-1,071922337	0,010115547
Hist1h2ap	-1,071675422	0,015476351

GR <sup>Ncr1-iCre</sup> vs WT <sup>Ncr1-iCre</sup> liver ILC1s	log2 Fold Change	P-value
Tnfrsf12	-1,070511046	0,014050916
Gm26517	-1,067996043	0,013278362
Camk1d	-1,066610974	0,004463772
E2f2	-1,066255452	0,013982299
Slc37a2	-1,062190697	0,006829362
Igkv14-111	-1,060793602	#N/A
Cdc20	-1,058655178	0,014842072
Adam15	-1,054350562	0,017561393
Pfkfb4	-1,049765578	0,014170745
Sowahc	-1,045834757	0,017255294
Il11ra1	-1,044007364	0,014413635
Dock7	-1,036294252	0,019106102
Vcan	-1,035816483	0,019544348
Hist1h2ag	-1,03514861	0,012274379
Fgd6	-1,034063766	0,017896379
Cx3cl1	-1,02888231	0,020190096
2210408F21Rik	-1,028277707	0,019638969
Tars12	-1,027615707	0,02018097
Fam64a	-1,025888131	0,020565123
Slc25a37	-1,025033794	0,009131031
Bicd1	-1,019453222	0,021335307
Itgb5	-1,019231867	0,021292056
Nusap1	-1,016885322	0,018386127
Hist1h1d	-1,016792587	0,002129499
C1qa	-1,016245368	0,022254141
Nlrc4	-1,014670746	0,021507516
Lrp4	-1,012008341	0,018278566
Amigo3	-1,011623106	0,006860877
Kif4	-1,011073086	0,022829121
Gm14173	-1,010079635	0,022063978
Naaa	-1,008317854	0,020845385
Klrb1a	-1,00672618	0,001290108
Erdr1	-1,004831703	0,02379144
Synj2	-1,000324903	0,02431832
Ints6l	-1,000312296	0,015363219
Ccl22	2,312991016	1,39563E-07
Gm24447	1,687290328	0,000129387
Igkv10-94	1,571254712	0,00022052
Gm15583	1,413826511	0,000535346
Jmy	1,259174758	0,001014409
Tdo2	1,246474252	0,003058257
Rps18-ps3	1,20311002	0,000153677
Arrdc3	1,136860936	0,000338652
Fgl1	1,136405882	0,01056578
Gm14323	1,0897578	0,009616589
Rbp4	1,085627808	0,010920163
Crp	1,06827564	0,010111668
Fgg	1,051666992	0,017822361
Gm5641	1,048470747	0,016960656
6720464F23Rik	1,038672261	0,0194171
Kng1	1,037651416	0,019532619

### Supplementary Table 1: Transcripts differentially expressed between GR<sup>Ncr1-iCre</sup> and WT<sup>Ncr1-iCre</sup>

spleen and liver NK cells and liver ILC1s upon MCMV infection. Spleen NK cells (red),

liver NK cells (green) and liver ILC1s (blue) were sorted from GR<sup>Ncr1-iCre</sup> and WT<sup>Ncr1-iCre</sup> mice 44h

PI. A pairwise comparison of gene expression between GR-deficient and GR-sufficient cells was

performed for each subset using DESeq2, which uses the Wald test for significance testing.  $n=3$

samples GR<sup>Ncr1-iCre</sup> versus 3 WT<sup>Ncr1-iCre</sup> samples, for each subset.