

A2 MPFVNKQFNYKDPVNGVDIAYIKIPNAGQMOPVKAFKIHNKIWIWIPERDTFTNPEEGDLN 60
A1 MPFVNKQFNYKDPVNGVDIAYIKIPNAGQMOPVKAFKIHNKIWIWIPERDTFTNPEEGDLN 60
A6 MPFVNKQFNYKDPVNGVDIAYIKIPNAGQMOPVKAFKIHNKIWIWIPERDTFTNPEEGDLN 60

A2 PPPEAKQVPVSYDSTYLSTDNEKDNLYLKGVTKLFERIYSTDLGRMLLTSIVRGIPFWGG 120
A1 PPPEAKQVPVSYDSTYLSTDNEKDNLYLKGVTKLFERIYSTDLGRMLLTSIVRGIPFWGG 120
A6 PPPEAKQVPVSYDSTYLSTDNEKDNLYLKGVTKLFERIYSTDLGRMLLTSIVRGIPFWGG 120

A2 STIDTELKVIDTNCINVIQPDGSYRSEELNLVIGPSADIIQFECKSFQGHVNLNLRNGY 180
A1 STIDTELKVIDTNCINVIQPDGSYRSEELNLVIGPSADIIQFECKSFQGHVNLNLRNGY 180
A6 STIDTELKVIDTNCINVIQPDGSYRSEELNLVIGPSADIIQFECKSFQGHVNLNLRNGY 180
*****:*****

A2 GSTQYIRFSPDFTFGFEESLEVDTNPLLGAGKFATDPAVTLAHELIIHAEHRLYGIAINPN 240
A1 GSTQYIRFSPDFTFGFEESLEVDTNPLLGAGKFATDPAVTLAHELIIHAGHRLYGIAINPN 240
A6 GSTQYIRFSPDFTFGFEESLEVDTNPLLGAGKFATDPAVTLAHELIIHAGHRLYGIAINPN 240
***** *****

A2 RVFKVNTNAYYEMSGLEVSFEELRTFGGHDAKFIDSLQENEFRLYYNKFKDVA STLNKA 300
A1 RVFKVNTNAYYEMSGLEVSFEELRTFGGHDAKFIDSLQENEFRLYYNKFKDIA STLNKA 300
A6 RVFKVNTNAYYEMSGLEVSFEELRTFGGHDAKFIDSLQENEFRLYYNKFKDIA STLNKA 300
*****:*****

A2 KSIIGTTASLQYMKNVFKEKYLLEDSTSGKFSVDKLFKDKLYKMLTEIYTEDNFVNFVKV 360
A1 KSIIGTTASLQYMKNVFKEKYLLEDSTSGKFSVDKLFKDKLYKMLTEIYTEDNFVNFVKV 360
A6 KSIIGTTASLQYMKNVFKEKYLLEDSTSGKFSVDKLFKDKLYKMLTEIYTEDNFVNFVKV 360
:**:****

A2 INRKYTLNFDKAVFRINIVPENYTIKDGFNLRNTNLAANFNGQNTNINRNFTRLKNFT 420
A1 LNRKYTLNFDKAVFKINIVPKVNYTIYDGFNLRNTNLAANFNGQNTNINNMNFTKLKNFT 420
A6 LNRKYTLNFDKAVFKINIVPKVNYTIYDGFNLRNTNLAANFNGQNTNINNMNFAKLKNFT 420
:*****:*****. **** *****.:**::*****. **:*****

A2 GLFEFYKLLCVRGIIIPFKTKSLDEGYNKALNDLCIKVNNWDLFFSPSEDNFTNDLNKVEE 480
A1 GLFEFYKLLCVRGIIITSKTKSLDKGYNKALNDLCIKVNNWDLFFSPSEDNFTNDLNKVEE 480
A6 GLFEFYKLLCVRGIIITSKTKSLDKGYNKALNDLCIKVNNWDLFFSPSEDNFTNDLNKVEE 480
***** *****:*****:***

A2 ITADTNIEAAEENISLDLIQQYYLTFDFDNEPENIS IENLSSDIIGQLELMPNIE RFPNG 540
A1 ITS D TNIEAAEENISLDLIQQYYLTFDFDNEPENIS IENLSSDIIGQLELMPNIE RFPNG 540
A6 ITS D TNIEAAEENISLDLIQQYYLTFDFDNEPENIS IENLSSDIIGQLELMPNIE RFPNG 540
.:***:*****:***** *****

A2 KKYELDKYTMFHYLRAQEFEHGDSRIILTNSAEAEALLKPNVAYTFFSSKYVKKINKAVEA 600
A1 KKYELDKYTMFHYLRAQEFEHGKSRIALTNSVNEALLNPSRVY TFFSSDYVKKV NKATEA 600
A6 KKYELDKYTMFHYLSAQEFEHGKSRIIDL TNSVNEALLNPSHVY TFFSSDYVKKV NKATEA 600
***** *****.*** *****.:*****:*. *****.*****:***.***

A2 FMFLNWAEEELVYDFTDETNEVTTMDKIADITIIIVPYIGPALNIGNMLSKGEFVEAII FTG 660
A1 AMFLGWVEQLVYDFTDETSEVSTTDKIADITIIIPYIGPALNIGNMLYKDDFVGALIFSG 660
A6 AMFLGWVEQLVYDFTDETSEVSTTDKIADITIIIPYIGPALNIGNMLYKDDFVGALIFSG 660
.*.*:**.**:*****:*****:*****.**:*** **

A2 VVAMLEFIPEYALPVFGTFAIVSYIANKVLT VQTINNALS KRNEKWDEVYKYIVTNWLAK 720
A1 AVILLEFIPEIAIPVLGT FALVSYIANKVLT VQTIDNALS KRNEKWDEVYKYIVTNWLAK 720

