- Chemically modified h*CFTR* mRNAs recuperate lung function in a mouse model of cystic fibrosis
 Authors: AKM Ashiqul Haque¹, Alexander Dewerth¹, Justin S. Antony^{1,7}, Joachim Riethmüller^{2†},
 Georg R. Schweizer¹, Petra Weinmann¹, Ngadhnjim Latifi¹, Hanzey Yasar³, Nicoletta
 Pedemonte⁴, Elvira Sondo⁴, Brian Weidensee¹, Anjali Ralhan⁵, Julie Laval⁵, Patrick Schlegel¹,
 Christian Seitz¹, Brigitta Loretz³, Claus-Michael Lehr^{3,6}, Rupert Handgretinger^{1,7}, Michael S. D.
 Kormann^{1*}
- 7 **Supplement figures:**







Figure-S1: Bioanalyzer data after *in vitro* transcription (IVT) of hCFTR (c)mRNA shows the

13 size of (c)mRNA^{hCFTR} (Around 4Kb).

14

15 Figure-S2 24 h 14.5 25.4 32.5 50.9 72 h 74.4 41.8 38.4 41.2 17 12 12 12 12

17 18

| 24h | Treatment | Sample # | % pos cells | MFI | Total expression |
|-----|---|--|--|--|---|
| | p DNA ^{hCFTR} | 1 | 14,5 | 15,0 | 217,5 |
| | | 2 | 15,6 | 15,5 | 241,8 |
| | | 3 | 17,2 | 16,6 | 285,5 |
| | | 1 | 25,4 | 22,8 | 579,1 |
| | mRNA ^{hCFTR} | 2 | 21,0 | 17,3 | 363,3 |
| | | 3 | 24,6 | 19,9 | 489,5 |
| | cmRNA s2U _{0.25} /m5C _{0.25} | 1 | 32,1 | 32,4 | 1040,0 |
| | | 2 | 33,0 | 33,0 | 1089,0 |
| | | 3 | 35,7 | 35,3 | 1260,2 |
| | hCFTR cmRNA _{N1Ψ1.0} /m5C _{1.0} | 1 | 50,9 | 57,2 | 2911,5 |
| | | 2 | 48,0 | 55,1 | 2644,8 |
| | | 3 | 50.0 | 56 1 | 2805.0 |
| | | <u> </u> | 00,0 | 00,1 | 2000,0 |
| 72h | Treatment | Sample # | % pos cells | MFI | Total expression |
| 72h | Treatment | Sample # 1 | % pos cells 80,6 | MFI 14,2 | Total expression 1140,5 |
| 72h | Treatment pDNA ^{hCFTR} | Sample # 1 2 | % pos cells 80,6 72,9 | MFI 14,2 13,8 | Total expression 1140,5 1007,5 |
| 72h | Treatment pDNA ^{hCFTR} | Sample # 1 2 3 | % pos cells 80,6 72,9 75,3 | MFI 14,2 13,8 13,4 | Total expression 1140,5 1007,5 1007,5 |
| 72h | Treatment pDNA ^{hCFTR} | Sample # 1 2 3 1 | % pos cells 80,6 72,9 75,3 52,7 | MFI 14,2 13,8 13,4 9,3 | Total expression 1140,5 1007,5 1007,5 488,0 |
| 72h | Treatment pDNA ^{hCFTR} mRNA ^{hCFTR} | Sample # 1 2 3 1 2 | % pos cells 80,6 72,9 75,3 52,7 55,8 | MFI 14,2 13,8 13,4 9,3 10,0 | Total expression 1140,5 1007,5 488,0 555,2 |
| 72h | Treatment pDNA ^{hCFTR} mRNA ^{hCFTR} | Sample # 1 2 3 1 2 3 3 | % pos cells 80,6 72,9 75,3 52,7 55,8 54,2 | MFI 14,2 13,8 13,4 9,3 10,0 9,4 | Total expression 1140,5 1007,5 1007,5 488,0 555,2 507,3 |
| 72h | Treatment pDNA ^{hCFTR} mRNA ^{hCFTR} | Sample # 1 2 3 1 2 3 1 2 3 1 | % pos cells 80,6 72,9 75,3 52,7 55,8 54,2 45,8 | MFI 14,2 13,8 13,4 9,3 10,0 9,4 7,8 | Total expression 1140,5 1007,5 1007,5 488,0 555,2 507,3 355,9 |
| 72h | Treatment pDNA ^{hCFTR} mRNA ^{hCFTR} | Sample # 1 2 3 1 2 3 1 2 3 1 2 | % pos cells 80,6 72,9 75,3 52,7 55,8 54,2 45,8 42,6 | MFI 14,2 13,8 13,4 9,3 10,0 9,4 7,8 8,0 | Total expression 1140,5 1007,5 1007,5 488,0 555,2 507,3 355,9 372,3 |
| 72h | Treatment pDNA ^{hCFTR} mRNA ^{hCFTR} cmRNA ^{hCFTR} s2U _{0.25} /m5C _{0.25} | Sample # 1 2 3 1 2 3 1 2 3 3 | % pos cells 80,6 72,9 75,3 52,7 55,8 54,2 45,8 42,6 47,1 | MFI 14,2 13,8 13,4 9,3 10,0 9,4 7,8 8,0 8,8 | Total expression 1140,5 1007,5 1007,5 488,0 555,2 507,3 355,9 372,3 416,4 |
| 72h | Treatment pDNA ^{hCFTR} mRNA ^{hCFTR} cmRNA ^{hCFTR} s2U _{0.25} /m5C _{0.25} | Sample # 1 2 3 1 2 3 1 2 3 1 2 3 1 1 | % pos cells 80,6 72,9 75,3 52,7 55,8 54,2 45,8 42,6 47,1 48,6 | MFI 14,2 13,8 13,4 9,3 10,0 9,4 7,8 8,0 8,8 7,9 | Total expression 1140,5 1007,5 1007,5 555,2 507,3 355,9 372,3 416,4 385,4 |
| 72h | Treatment pDNA ^{hCFTR} mRNA ^{hCFTR} cmRNA ^{hCFTR} cmRNA ^{hCFTR} s2U _{0.25} /m5C _{0.25} | Sample # 1 2 3 1 2 3 1 2 3 1 2 3 1 2 3 1 2 | % pos cells 80,6 72,9 75,3 52,7 55,8 54,2 45,8 42,6 47,1 48,6 45,3 | MFI 14,2 13,8 13,4 9,3 10,0 9,4 7,8 8,0 8,8 7,9 8,8 | Total expression 1140,5 1007,5 1007,5 488,0 555,2 507,3 355,9 372,3 416,4 385,4 434,3 |

19

20 Figure-S2: Expression analyses of hCFTR protein by flow cytometry; n=3

21 Figure S3





- 24 Figure-S3: Expression analyses of hCFTR protein between CFBE410-, transfected
- 25 CFBE41o- and 16HBE14o- by flow cytometry.

26

23

27 **Figure S4:**



28 29

)

30 Figure. S4: Western blot analyses of hCFTR protein in CFBE41o- and 16HBE14o- cells;

31 **n=3.** All the membranes have been exposed for 30 mins. The Membranes were cut at 80 kDa so

32 GAPDH and hCFTR can be stained and detected simultaneously without using membrane stripping 33 technique. Before developing the membrane for imaging both parts of the membrane were

- 34 reassembled.
- 35

36 Table T1







Figure S5: CS-PLGA nanoparticles under electron Microscope stained with 0.5%
 phosphotungstic acid solution.