

Supplementary File 7. Robustness of nucleotide diversity patterns to copy number variant detection methods.

Method	Species	Percent nucleotide diversity							Genome
		Chromosome							
		1	2	3	4	5	6	7	
0.15log cov	<i>A. pubescens</i>	0.027	0.097	0.092	0.151	0.098	0.092	0.096	0.084
	<i>A. barnebyi</i>	0.053	0.055	0.046	0.086	0.050	0.046	0.047	0.051
	<i>A. aurea</i>	0.009	0.005	0.005	0.001	0.012	0.017	0.001	0.007
	<i>A. vulgaris</i>	0.103	0.120	0.071	0.156	0.087	0.103	0.113	0.101
	<i>A. sibirica</i>	0.018	0.005	0.084	0.033	0.025	0.005	0.017	0.027
	<i>A. formosa</i>	0.123	0.112	0.116	0.165	0.111	0.122	0.112	0.118
	<i>A. japonica</i>	0.144	0.152	0.143	0.247	0.149	0.151	0.144	0.151
	<i>A. oxysepala</i>	0.042	0.005	0.002	0.116	0.002	0.001	0.001	0.015
	<i>A. longissima</i>	0.029	0.007	0.008	0.037	0.010	0.003	0.013	0.014
<i>A. chrysantha</i>	0.097	0.106	0.088	0.161	0.097	0.087	0.095	0.098	
CNV detection	<i>A. pubescens</i>	0.094	0.332	0.316	0.446	0.289	0.293	0.290	0.264
	<i>A. barnebyi</i>	0.196	0.195	0.182	0.351	0.201	0.197	0.192	0.198
	<i>A. aurea</i>	0.030	0.025	0.023	0.017	0.025	0.055	0.013	0.027
	<i>A. vulgaris</i>	0.225	0.295	0.132	0.343	0.190	0.241	0.245	0.223
	<i>A. sibirica</i>	0.055	0.020	0.169	0.034	0.091	0.028	0.061	0.072
	<i>A. formosa</i>	0.305	0.316	0.317	0.436	0.301	0.307	0.316	0.314
	<i>A. japonica</i>	0.307	0.305	0.275	0.551	0.309	0.345	0.296	0.312
	<i>A. oxysepala</i>	0.099	0.033	0.027	0.251	0.020	0.015	0.018	0.046
	<i>A. longissima</i>	0.079	0.032	0.026	0.107	0.033	0.022	0.040	0.043
<i>A. chrysantha</i>	0.306	0.318	0.282	0.421	0.305	0.301	0.305	0.306	
Tandem duplicates	<i>A. pubescens</i>	0.082	0.340	0.324	0.473	0.322	0.288	0.305	0.282
	<i>A. barnebyi</i>	0.191	0.197	0.191	0.364	0.200	0.176	0.190	0.200
	<i>A. aurea</i>	0.029	0.027	0.024	0.035	0.043	0.046	0.016	0.031
	<i>A. vulgaris</i>	0.214	0.293	0.164	0.403	0.198	0.217	0.238	0.228
	<i>A. sibirica</i>	0.054	0.033	0.184	0.103	0.073	0.030	0.063	0.077
	<i>A. formosa</i>	0.321	0.325	0.320	0.483	0.318	0.309	0.321	0.328
	<i>A. japonica</i>	0.296	0.314	0.287	0.571	0.299	0.317	0.296	0.314
	<i>A. oxysepala</i>	0.102	0.037	0.027	0.319	0.023	0.018	0.022	0.055
	<i>A. longissima</i>	0.079	0.030	0.037	0.137	0.039	0.018	0.041	0.047
<i>A. chrysantha</i>	0.304	0.329	0.291	0.496	0.302	0.298	0.312	0.315	
Allele ratio in reads	<i>A. pubescens</i>	0.045	0.201	0.254	0.471	0.321	0.289	0.305	0.241
	<i>A. barnebyi</i>	0.139	0.135	0.155	0.370	0.198	0.179	0.190	0.176
	<i>A. aurea</i>	0.012	0.007	0.012	0.039	0.044	0.047	0.018	0.023
	<i>A. vulgaris</i>	0.162	0.224	0.127	0.408	0.204	0.219	0.241	0.204
	<i>A. sibirica</i>	0.031	0.010	0.153	0.108	0.074	0.030	0.066	0.065
	<i>A. formosa</i>	0.243	0.230	0.273	0.476	0.318	0.308	0.320	0.290
	<i>A. japonica</i>	0.225	0.234	0.247	0.579	0.298	0.320	0.297	0.283
	<i>A. oxysepala</i>	0.066	0.009	0.012	0.329	0.025	0.019	0.024	0.043
	<i>A. longissima</i>	0.057	0.016	0.027	0.139	0.040	0.019	0.041	0.040
<i>A. chrysantha</i>	0.226	0.232	0.249	0.495	0.303	0.296	0.310	0.279	