

Repeat1 (328bp ~8 copies)

TGTCAAGTTTGAAGGGACCGATTTAGCTTCGATTCCAATGGGTGTAGAGGTTTGGAGTTGGC
GTTGCCTGTTGATTTTCTGTGTCAAGGGGGTCTGAAACTATGCGCGAAAAGGGTGCAAAAA
AAATTCGTAAGGGGGGGGCATTGCAAACTTTTCTTTTTTAAAAATTTACAGCTTAATTCAG
GTCTAGTCGAAGAGTGAAGTGGTTTTATCTCCCCTTAATTTGACTGTGCGATTAATAATTTT
CGTTACTTTTGTGTCAAATACATCATAGCTTTTTTTCAGGGGAGTTCGGAGGTGAAAAGTT
GGATTTTTGAAGGGTTT

Repeat2 (229bp ~13 copies)

TGTCAAGTTTGAAGGGACCGATTTGGCTTCGATTCCAATGGGTGTAGAGGTTTGGAGTTGGC
GTTGCCTGTTGATTTTCTGTGTCAAGGGGGTTTTAAACTATGCTGTGCGAGGGTGTTCACCG
TAGCTTTTTTTCAGGGGAGTTCGGAGGTGAAAAGTTCGGTTTTTTTCGATGAGCTGGTACGAAA
TGCTATTATGTTAATCATAAGTAGAGTTATAATTAGAGGTCTC

Repeat3 (406bp 3 copies)

AAAAAAGATATCATCGCTAAAAGAGAATAATTGGAAATGACTGTGTTGTCGTAAAGGATTG
GGATTAAGTGTAGTCCGAGCAGTGTGGTTGTGCGAGGAAGAGATGAGGGGGGCTTAATAAT
AATATGAGGAGGCCCTACAATGAAAGTGGTTAAGAAGGTCCATTGTAAAGGATTAGGATTA
ACTGTAGTCCGAGCAGTGTGGTTGTGCGAGGAAGAGATGAGGGGGGCTTAATAATAATATG
AGGAGGCCCTACAATGAAAGTGGTTAAGAAGGTCCATTGTAAAGGATTAGGATTAAGTGT
GTCCGAGCAGTGTGGTTGTGCGAGGAAGAGATGAGGGGATCTTTGGTTAATAATACAGGAA
GTCATCTGTAATGGGGGGAAAGGGGGGCCTGACC

Additional File 1: Consensus sequences for three distinct repeat units in the *P. Westermani* mitochondrial genome