

Table S3: Predicted localization of proteins with (pep_morf) or without (morf) translation initiation from predicted alternative start site

Sequence	Predotar (https://urgi.versailles.inra.fr/predotar/)					Prediction	Len	TargetP (http://www.cbs.dtu.dk/services/TargetP/)				Loc	RC	http://ipsort.hgc.jp/ iPSORT
	Mito	Plastid	ER	Else	cTP			mTP	SP	Other				
AT1G01670.1_9_morf	0,01	0,00	0,00	0,99	none	365	0,191	0,071	0,148	0,842	_	2	-	
AT1G01670.1_9_pep_morf	0,01	0,00	0,04	0,95	none	409	0,068	0,277	0,072	0,803	_	3	-	
AT1G03260.1_12_morf	0,03	0,01	0,52	0,46	ER	274	0,001	0,018	0,968	0,151	S	1	Signal peptide	
AT1G03260.1_12_pep_morf	0,43	0,00	0,00	0,57	possibly mitochondrial	320	0,051	0,312	0,003	0,692	_	4		
AT1G16780.1_13_morf	0,01	0,01	0,00	0,99	none	802	0,03	0,126	0,007	0,963	_	1		
AT1G16780.1_13_pep_morf	0,01	0,00	0,05	0,94	none	832	0,178	0,319	0,012	0,34	_	5	Mit/chlor	
AT1G55760.1_20_morf	0,02	0,01	0,02	0,95	none	329	0,075	0,559	0,011	0,339	M	4	Mito	
AT1G55760.1_20_pep_morf	0,01	0	0	0,99	none	356	0,084	0,097	0,034	0,786	-	2	-	
AT1G51810.1_11_morf	0,01	0,07	0,00	0,93	none	744	0,128	0,092	0,227	0,841	_	2	Mit/chlor	
AT1G51810.1_11_pep_morf	0,01	0,00	0,00	0,99	none	845	0,079	0,078	0,116	0,945	_	1		
AT1G78920.1_18_morf	0,01	0,01	0,00	0,98	none	802	0,03	0,172	0,014	0,909	_	2		
AT1G78920.1_18_pep_morf	0,01	0,01	0,00	0,99	none	832	0,32	0,125	0,014	0,547	_	4	Mit/chlor	
AT2G18040.1_10_morf	0,23	0,03	0,00	0,75	possibly mitochondrial	119	0,139	0,418	0,055	0,439	_	5		
AT2G18040.1_10_pep_morf	0,01	0,00	0,00	0,99	none	154	0,334	0,056	0,015	0,882	_	3		
AT2G25110.1_6_morf	0,01	0,00	0,99	0,01	ER	218	0,05	0,049	0,784	0,199	S	3	Mit/chlor	
AT2G25110.1_6_pep_morf	0,06	0,84	0,00	0,15	plastid	278	0,671	0,483	0,002	0,029	C	5	Mito	
AT2G26760.1_11_morf	0,01	0,00	0,00	0,99	none	387	0,167	0,09	0,064	0,829	_	2	Mit	
AT2G26760.1_11_pep_morf	0,01	0,00	0,01	0,98	none	431	0,125	0,442	0,021	0,342	M	5	Mito	
AT2G26890.1_12_morf	0,01	0,00	0,00	0,99	none	2554	0,186	0,186	0,037	0,768	_	3		
AT2G26890.1_12_pep_morf	0,01	0,01	0,01	0,97	none	2604	0,118	0,651	0,027	0,334	M	4	Mit/Chlor	
AT3G02750.3_13_morf	0,01	0,31	0,00	0,68	possibly plastid	527	0,924	0,156	0,013	0,096	C	2	Mito	
AT3G02750.3_13_pep_morf	0,01	0,01	0,03	0,96	none	551	0,28	0,048	0,042	0,361	_	5	Signal	
AT3G04080.1_15_morf	0,07	0,00	0,05	0,88	none	471	0,061	0,653	0,032	0,455	M	5	Mito	
AT3G04080.1_15_pep_morf	0,01	0,01	0,00	0,98	none	534	0,687	0,109	0,06	0,178	C	3	Mit/Chlor	
AT3G10985.1_16_morf	0,01	0,02	0,10	0,88	none	110	0,094	0,132	0,162	0,251	_	5	Mito	
AT3G10985.1_16_pep_morf	0,01	0,01	0,00	0,98	none	158	0,07	0,14	0,011	0,717	_	3		
AT3G16630.2_15_morf	0,01	0,00	0,01	0,99	none	794	0,058	0,22	0,06	0,658	_	3		
AT3G16630.2_15_pep_morf	0,10	0,00	0,01	0,89	none	804	0,041	0,761	0,013	0,231	M	3	Mito	
AT3G23010.2_13_morf	0,03	0,00	0,01	0,96	none	519	0,03	0,169	0,142	0,703	_	3		
AT3G23010.2_13_pep_morf	0,03	0,00	0,03	0,94	none	528	0,079	0,063	0,031	0,908	_	1	Mito	
AT3G62660.1_20_morf	0,12	0,00	0,98	0,02	ER	361	0,021	0,038	0,863	0,011	S	1	Signal	
AT3G62660.1_20_pep_morf	0,07	0,00	0,02	0,91	none	388	0,008	0,066	0,533	0,514	S	5		
AT4G00840.1_4_morf	0,05	0,01	0,98	0,02	ER	291	0	0,265	0,943	0,031	S	2	Signal	
AT4G00840.1_4_pep_morf	0,61	0,00	0,07	0,36	mitochondrial	318	0,008	0,779	0,013	0,398	M	4	Mit/Chlor	
AT4G02680.1_21_morf	0,01	0,00	0,01	0,99	none	888	0,343	0,091	0,069	0,629	_	4		
AT4G02680.1_21_pep_morf	0,01	0,19	0,10	0,73	none	900	0,197	0,119	0,027	0,633	_	3		
AT4G21326.1_32_morf	0,01	0,03	0,00	0,96	none	694	0,129	0,115	0,069	0,695	_	3		
AT4G21326.1_32_pep_morf	0,01	0,00	0,00	0,99	none	717	0,096	0,253	0,025	0,859	_	2		
AT5G13330.1_17_morf	0,01	0,01	0,00	0,99	none	212	0,093	0,088	0,043	0,91	_	1		
AT5G13330.1_17_pep_morf	0,01	0,00	0,00	0,99	none	243	0,036	0,24	0,101	0,899	_	2		
AT5G14500.1_5_morf	0,01	0,00	0,00	0,99	none	306	0,087	0,118	0,038	0,837	_	2		
AT5G14500.1_5_pep_morf	0,20	0,00	0,03	0,78	none	330	0,111	0,382	0,033	0,444	_	5		
AT5G18260.1_9_morf	0,01	0,01	0,00	0,98	none	320	0,687	0,116	0,003	0,251	C	3		
AT5G18260.1_9_pep_morf	0,08	0,11	0,02	0,80	none	377	0,38	0,384	0,009	0,237	M	5	Mit/Chlor	
AT5G18280.1_6_morf	0,03	0,00	0,03	0,94	none	472	0,112	0,725	0,012	0,455	M	4	Mito	
AT5G18280.1_6_pep_morf	0,01	0,03	0,00	0,97	none	523	0,402	0,138	0,038	0,595	_	5	Mit/Chlor	
AT5G36250.1_16_morf	0,01	0,29	0,00	0,70	possibly plastid	448	0,889	0,315	0,004	0,039	C	3	Mito	
AT5G36250.1_16_pep_morf	0,02	0,01	0,01	0,96	none	486	0,227	0,067	0,006	0,667	_	3		