

Chr	Position of the first SNP	Haplotype	Frequency		P-value	OR	95% CI		Location
			cases	controls			lower	upper	
12	84570410	GGAA	0.56	0.41	3.73×10^{-5}	1.80	1.35	2.41	Downstream SCL6A15
12	84570986	GAAG	0.56	0.41	4.32×10^{-5}	1.79	1.34	2.40	Downstream SCL6A15
17	64786516	X,G,A,A	0.01	0.05	4.49×10^{-5}	0.11	0.02	0.56	PRKCA
17	64789936	GAAC	0.01	0.05	4.52×10^{-5}	0.11	0.02	0.56	PRKCA
12	125651199	TATT	0.37	0.51	4.55×10^{-5}	0.54	0.40	0.73	Downstream AACS**
12	125650120	TTAT	0.37	0.51	4.55×10^{-5}	0.54	0.40	0.73	Downstream AACS
12	125656263	CACT	0.41	0.56	4.93×10^{-5}	0.55	0.41	0.74	Downstream AACS
12	125651631	TTCA	0.37	0.52	5.40×10^{-5}	0.55	0.41	0.74	Downstream AACS
12	125652337	TACC	0.37	0.52	5.40×10^{-5}	0.55	0.41	0.74	Downstream AACS
12	125651442	ATTC	0.37	0.52	5.40×10^{-5}	0.55	0.41	0.73	Downstream AACS
12	125653091	ACCT	0.37	0.52	5.40×10^{-5}	0.55	0.41	0.74	Downstream AACS
17	64790434	AACA	0.01	0.05	5.61×10^{-5}	0.11	0.02	0.55	PRKCA
12	125648159	TGGC	0.37	0.52	6.16×10^{-5}	0.55	0.41	0.74	Downstream AACS
12	125647392	ACTC	0.37	0.52	6.16×10^{-5}	0.55	0.41	0.74	Downstream AACS
12	125646451	CACT	0.37	0.52	6.28×10^{-5}	0.55	0.41	0.74	Downstream AACS
6	48282957	CATG	0.13	0.25	6.29×10^{-5}	0.46	0.31	0.69	Downstream MUT
6	48280842	CCAT	0.13	0.24	7.05×10^{-5}	0.46	0.31	0.69	Downstream MUT
6	48287802	ATGT	0.13	0.25	7.10×10^{-5}	0.46	0.31	0.69	Downstream MUT
12	103149066	CGCC	0.32	0.45	7.80×10^{-5}	0.58	0.44	0.76	Upstream IGF1*
12	103148974	CCGC	0.32	0.45	7.80×10^{-5}	0.58	0.44	0.76	Upstream IGF1*
6	48288218	TGTC	0.13	0.25	8.48×10^{-5}	0.46	0.31	0.70	Downstream MUT
6	48329893	CCGA	0.14	0.25	9.39×10^{-5}	0.46	0.31	0.70	Downstream MUT
16	8770320	GAAC	0.13	0.24	9.39×10^{-5}	0.47	0.31	0.70	ABAT