

Table SI. Correlation between CX3CL1 expression and other genes in lung adenocarcinoma.

Gene symbol	Pearson correlation coefficient (r)							No. of datasets with $r>0.4$
	TCGA	GSE14814	GSE30219	GSE37745	GSE42127	GSE50081	GSE68465	
CX3CL1	1	1	1	1	1	1	1	7
CCL22	0.455	0.405	0.447	0.375	0.417	0.403	0.434	6
IL27RA	0.522	0.413	0.516	0.56	0.34	0.401	0.372	5
SLC34A2	0.483	0.409	0.428	0.576	0.428	0.321	0.337	5
AQP1	0.495	0.356	0.433	0.457	0.429	0.438	0.231	5
CAMK1	0.452	0.401	0.408	0.468	0.302	0.427	0.221	5
ICAM1	0.547	0.516	0.59	0.525	0.128	0.384	0.432	5
TIPARP	0.403	0.39	0.562	0.521	0.548	0.291	0.512	5
CD1C	0.544	0.515	0.295	0.438	0.539	0.439	0.295	5
CFLAR	0.421	0.462	0.54	0.489	0.486	0.253	0.259	5
CST6	0.517	0.466	0.497	0.626	0.021	0.466	0.278	5
IFT57	0.459	0.42	0.429	0.448	0.416	0.122	0.219	5
RRAD	0.544	0.299	0.523	0.456	0.587	0.477	0.163	5
SAMD4A	0.491	0.413	0.563	0.54	0.284	0.418	0.289	5
DPP4	0.553	0.441	0.572	0.505	0.388	0.309	0.383	4
SPRED2	0.434	0.337	0.401	0.446	0.472	0.375	0.371	4
CD1A	0.524	0.34	0.421	0.445	0.494	0.374	0.245	4
CDC42EP1	0.551	0.289	0.505	0.512	0.394	0.504	0.365	4
FHOD1	0.431	0.319	0.53	0.528	0.322	0.458	0.248	4
HLA-DPB1	0.472	0.341	0.416	0.502	0.456	0.365	0.173	4
HLA-DQB2	0.553	0.334	0.405	0.444	0.514	0.32	0.204	4
ITGA2	0.465	0.355	0.528	0.525	0.497	0.311	0.285	4
MGLL	0.493	0.346	0.428	0.43	0.532	0.304	0.269	4
PLEKHM1	0.447	0.34	0.566	0.441	0.359	0.409	0.224	4
PLS3	0.487	0.353	0.586	0.669	0.282	0.321	0.483	4
ANXA1	0.438	0.138	0.625	0.685	0.504	0.144	0.357	4
CDH3	0.417	0.402	0.437	0.544	0.286	0.281	0.326	4
COL4A3	0.351	0.411	0.465	0.414	0.531	0.118	0.241	4
DUSP6	0.536	0.268	0.496	0.524	0.5	0.354	0.282	4
ESYT1	0.326	0.508	0.486	0.5	-	0.421	0.25	4
GALNT10	0.516	0.276	0.5	0.604	-0.029	0.489	0.326	4
GLS	0.406	0.404	0.344	0.49	0.448	0.133	0.16	4
HPGDS	0.553	0.403	0.507	0.529	-	0.394	0.288	4
ITGB2	0.482	0.404	0.354	0.487	0.412	0.27	0.243	4
MSN	0.466	0.232	0.513	0.48	0.353	0.407	0.281	4
SPRY2	0.457	0.223	0.433	0.571	0.433	0.242	0.359	4
STAC	0.489	0.358	0.527	0.416	0.203	0.486	0.248	4
SYNPO	0.454	0.317	0.505	0.498	-0.052	0.416	0.194	4
TK2	0.541	0.301	0.472	0.476	0.291	0.421	0.197	4
TMEM173	0.579	-	0.369	0.54	0.548	0.497	-	4
TNC	0.478	0.231	0.463	0.624	0.45	0.394	0.274	4
TNIK	0.492	0.456	0.414	0.428	0.304	0.287	0.298	4
ZNF462	0.49	-	0.569	0.362	0.543	0.423	-	4
ARHGAP31	0.444	-	0.534	0.478	-	0.484	-	4
FCGBP	0.547	0.262	0.47	0.517	0.082	0.425	0.144	4
FLNA	0.496	0.102	0.534	0.598	0.171	0.544	0.275	4
MEGF6	0.44	0.225	0.432	0.422	-	0.428	0.166	4
TMEM43	0.492	0.286	0.565	0.549	0.491	0.289	0.239	4
CDC42EP3	0.487	0.374	0.619	0.561	0.325	0.359	0.322	3
CD207	0.539	0.343	0.331	0.427	0.495	0.374	0.258	3
CD83	0.478	0.391	0.34	0.422	0.462	0.329	0.293	3
FGFBP1	0.378	0.485	0.426	0.48	0.247	0.329	0.37	3
HLA-DMA	0.435	0.397	0.359	0.466	0.457	0.343	0.185	3
HLF	0.495	0.348	0.37	0.486	0.408	0.306	0.257	3

Table SI. Continued.

Gene symbol	Pearson correlation coefficient (r)							No. of datasets with $r > 0.4$
	TCGA	GSE14814	GSE30219	GSE37745	GSE42127	GSE50081	GSE68465	
IDS	0.541	0.339	0.572	0.522	0.368	0.348	0.286	3
KCNK5	0.526	0.314	0.437	0.421	0.395	0.33	0.29	3
LDOC1	0.365	0.436	0.509	0.488	0.309	0.274	0.325	3
MMP28	0.407	0.369	0.493	0.571	0.357	0.305	0.239	3
MVP	0.405	0.38	0.388	0.633	0.406	0.366	0.197	3
RAB38	0.425	0.324	0.361	0.653	0.246	0.336	0.477	3
AHNAK	0.323	0.068	0.426	0.436	0.462	0.371	0.243	3
AMIGO2	0.456	0.314	0.47	0.398	-0.123	0.285	0.436	3
ATP13A4	0.502	-	0.554	0.445	0.343	0.309	-	3
BEAN1	-	0.423	0.566	0.6	-	0.307	0.375	3
C1orf116	0.457	0.392	0.422	0.459	0.397	0.213	0.22	3
CD97	0.359	0.305	0.457	0.495	0.429	0.281	0.12	3
CPNE2	0.505	-	0.481	0.527	0.324	0.354	-	3
CYR61	0.388	0.035	0.437	0.546	0.428	0.223	0.31	3
DCUN1D3	0.326	-	0.432	0.638	0.333	0.444	-	3
FOXQ1	0.406	-	0.394	0.509	0.473	0.392	-	3
IFI44L	0.407	0.33	0.361	0.47	0.468	0.214	0.118	3
MAPKAPK3	0.437	0.355	0.362	0.499	0.452	0.276	0.138	3
MET	-	0.428	0.555	0.652	0.308	0.283	0.334	3
MYO1G	0.522	-	0.415	0.426	0.369	0.324	-	3
NAPSA	0.434	-	0.451	0.468	0.4	0.318	-	3
PLAT	0.414	0.022	0.439	0.465	0.351	0.378	0.066	3
PTPN13	0.463	0.313	0.459	0.446	0.387	0.088	0.211	3
RGS3	0.498	0.293	0.459	0.509	0.081	0.385	0.375	3
SDC4	0.416	0.253	0.556	0.522	0.381	0.361	0.285	3
SH3RF2	0.431	-	0.364	0.468	0.479	0.347	-	3
SLC15A3	0.412	0.363	0.337	0.45	0.453	0.28	0.17	3
SLC1A7	0.514	0.346	0.458	0.24	0.442	0.356	0.221	3
STK17A	0.496	0.362	0.449	0.564	0.112	0.219	0.302	3
VAV1	0.404	0.396	0.469	0.473	0.282	0.392	0.268	3
AIM1	0.514	0.366	0.546	0.614	0.078	0.296	0.262	3
ANK3	0.438	0.459	0.384	0.509	0.052	0.175	0.278	3
APLP2	0.436	0.243	0.424	0.594	0.267	0.289	0.317	3
ARHGEF3	0.324	0.143	0.454	0.412	0.442	0.044	0.128	3
ARL6IP5	0.418	0.152	0.55	0.434	0.29	0.219	0.323	3
CH25H	0.465	0.055	0.191	0.505	0.428	0.369	0.168	3
EDNRA	0.434	0.111	0.512	0.483	0.272	0.33	0.116	3
FAS	0.487	0.271	0.508	0.582	0.317	0.193	0.201	3
GNAI2	0.515	0.185	0.522	0.451	0.374	0.288	0.237	3
GPR116	0.454	0.241	0.39	0.519	0.476	0.214	0.241	3
GRAMD3	0.488	0.245	0.415	0.45	0.359	0.121	0.3	3
HLA-DQB1	-	0.42	0.441	0.505	-	0.346	0.221	3
ITGA3	0.471	0.265	0.385	0.56	0.171	0.494	0.296	3
ITGAM	0.43	0.425	0.402	0.384	0.259	0.263	0.181	3
LY86	0.402	0.329	0.295	0.432	0.403	0.276	0.206	3
MAMLD1	0.368	0.111	0.589	0.468	-	0.46	0.196	3
MYD88	0.435	0.284	0.552	0.411	0.27	0.346	0.262	3
NAPSB	0.53	-	0.434	0.516	0.236	0.331	-	3
PAG1	0.5	-	0.509	0.451	0.375	0.126	-	3
PARP3	0.476	0.298	0.471	0.477	0.167	0.373	0.297	3
PHLDA3	0.429	0.267	0.466	0.488	0.233	0.331	0.207	3
RAC2	0.42	0.405	0.211	0.435	0.328	0.236	0.16	3
ROS1	0.485	0.226	0.392	0.46	0.55	0.179	0.106	3
S100A6	0.262	0.14	0.455	0.515	0.523	0.347	0.219	3

Table SI. Continued.

Gene symbol	Pearson correlation coefficient (r)							No. of datasets with $r > 0.4$
	TCGA	GSE14814	GSE30219	GSE37745	GSE42127	GSE50081	GSE68465	
SHROOM4	0.54	-	0.406	0.377	0.605	0.248	-	3
SLC27A1	0.431	-	0.399	0.521	0.475	0.257	-	3
SNX21	0.418	-	0.393	0.455	0.208	0.405	-	3
SNX25	0.437	-	0.404	0.466	0.365	0.096	-	3
SPRED1	0.532	-	0.488	0.592	0.395	0.21	-	3
TCEAL3	0.408	-	0.465	0.319	0.44	0.228	-	3
ZBTB46	0.399	-	0.466	0.402	-	0.428	-	3
ZFP36L1	0.54	-0.096	0.572	0.377	0.297	0.448	0.222	3
AHR	0.414	0.233	0.554	0.492	0.247	0.064	0.109	3
CTSO	0.509	0.178	0.417	0.47	0.235	0.188	0.223	3
EMB	0.512	-	0.528	0.536	-0.054	0.072	-	3
FAT4	0.448	0.058	0.453	0.442	0.143	0.217	0.145	3
FYN	0.407	0.406	0.453	0.208	0.267	0.276	0.212	3
HOXD1	0.476	0.517	0.177	0.253	0.503	0.205	0.069	3
HPGD	0.481	0.196	0.206	0.401	0.422	0.213	0.266	3
HRCT1	0.259	-	0.405	0.445	-	0.458	-	3
KCNN4	0.45	0.248	0.403	0.534	0.219	0.176	0.171	3
LOC284578	0.556	-	0.519	0.441	-	0.173	-	3
MFSD4	0.56	-	0.457	0.516	0.089	0.237	-	3
PAPLN	0.457	-	0.293	0.406	0.284	0.436	-	3
PDLIM4	0.528	0.284	0.281	0.562	0.098	0.485	0.265	3
SGMS2	0.431	-	0.415	0.502	-	-0.029	-	3
SMURF2	0.474	0.068	0.571	0.517	0.017	0.223	0.212	3
VIM	0.431	0.066	0.299	0.453	0.405	0.075	0.193	3

Table SII. Correlation between CX3CL1 expression and other genes in lung squamous cell carcinoma.

Gene symbol	Pearson correlation coefficient (r)						No. of datasets with $r > 0.4$
	TCGA	GSE50081	GSE42127	GSE37745	GSE30219	GSE14814	
CX3CL1	1	1	1	1	1	1	6
CPNE2	0.404	0.633	0.385	0.523	0.613	-	4
PLLP	0.389	0.575	-	0.53	0.55	0.481	4
HEY1	0.354	0.518	0.139	0.433	0.333	0.576	3
SUN2	0.313	0.479	-	0.452	0.48	0.368	3
NDRG4	0.291	0.3	0.175	0.425	0.475	0.423	3
COMT	0.105	0.569	0.25	0.45	0.352	0.337	2
NOL12	-	0.518	-	0.372	0.35	0.499	2
PDLIM1	0.259	0.468	0.328	0.412	0.21	0.399	2
BAG3	0.255	0.5	0.387	0.299	0.081	0.408	2
CDC42EP1	0.248	0.401	0.241	0.375	0.274	0.472	2
CHST7	0.283	0.332	0.197	0.19	0.448	0.422	2
FBXW4	0.212	0.578	0.344	0.16	0.25	0.476	2
ITPKB	0.224	0.457	0.441	0.222	0.263	0.393	2
KIAA1683	0.115	0.453	0.417	0.302	0.186	-	2
LDLR	0.216	0.14	0.589	0.318	0.134	0.445	2
MYH9	0.168	0.155	0.4	0.447	0.134	0.458	2
NRSN2	0.128	0.471	-	0.319	0.524	0.02	2
PLXNB2	0.26	0.504	0.267	0.429	0.201	0.305	2
RAB7B	-	0.34	0.442	0.49	0.151	-	2
SERTAD1	0.086	0.327	0.524	0.434	-0.237	-	2
SLC25A1	0.062	0.451	0.129	0.349	0.078	0.462	2
SOX7	0.153	0.349	0.46	0.417	0.072	-	2
UBTD1	0.213	0.336	0.416	0.462	0.117	-0.042	2
VIPR1	0.203	0.402	0.402	0.377	0.259	0.099	2
FLYWCH1	0.235	0.408	-0.329	0.527	0.25	-	2
ACTN3	-0.076	0.158	0.411	0.431	0.018	-0.128	2
AGAP2-AS1	-	0.533	-	0.411	0.148	-	2
CCND1	0.153	0.405	0.51	0.086	0.164	0.097	2
CD9	0.228	0.433	0.051	0.283	0.436	0.243	2
CTDSPL	0.164	0.173	0.539	0.158	0.438	-0.138	2
CYB5R3	0.127	0.54	0.102	0.136	0.097	0.516	2
LOC283485	-	0.404	-	0.407	0.231	-	2
LRRRC29	0.09	0.411	-0.04	0.402	0.028	-	2
PCDHGA1	-	0.205	-	0.414	0.401	0.251	2
PHLDA3	0.279	0.555	0.198	0.525	0.179	0.064	2
PHLDB1	0.063	0.151	0.484	0.403	0.205	-0.061	2
PIM3	0.167	0.439	-0.112	0.425	0.206	-	2
PTPRZ1	0.281	0.26	0.017	0.456	0.426	0.226	2
RP11-134G8.8	-	0.49	-	0.438	0.165	-	2
SEMA4B	0.293	0.536	0.071	0.508	-0.103	-	2
SNX17	0.055	0.463	-0.014	0.184	0.18	0.469	2
TNFRSF1A	0.188	0.421	0.267	0.53	0.033	0.269	2
TRIM56	0.193	0.155	0.437	0.406	0.128	-	2
WTIP	0.069	0.423	0.44	0.155	-0.021	-	2
ZNRF1	0.15	0.51	0.213	0.44	0.298	-	2