

**Supplementary Table S1:** Shown are normalized, log2 transformed fold-changes of protein abundances comparing indicated cell types with an internal standard added to all samples (Super-SILAC mix). Cells were left untreated or treated with 4-PBA. The column "Peptides" indicates the number of identified peptides per protein. Identifications were filtered on a FDR smaller 1% using a decoy database.

Ctrl1		Ctrl2		KRT14_1		KRT14_2		KRT5_1		KRT5_2		Peptides	Protein	
untreated	Ctrl1 treated	untreated	Ctrl2 treated	untreated	treated	untreated	treated	untreated	treated	untreated	treated		names	Gene names
-0.02	0.19	-0.11	0.21	-0.45	-0.28	-0.60	-0.40	-0.12	0.14	-0.23	0.18	43	Alanine--tRNA	AARS
0.03	0.07	-0.01	0.12	0.07	-0.05	0.11	0.03	-0.08	-0.10	0.10	0.04	20	ATP-binding c	ABCE1
0.09	-0.01	-0.04	-0.21	-0.19	0.00	0.27	0.16	0.17	0.00	0.06	-0.06	16	ATP-binding c	ABCF1
0.08	-0.03	-0.03	-0.53	0.10	-0.08	-0.07	-0.57	-0.14	-0.28	0.12	-0.01	18	ATP-binding c	ABCF2
0.01	0.25	0.09	-0.09	0.03	-0.12	-0.07	-0.14	-0.11	-0.45	0.19	0.16	38	Acetyl-CoA ca	ACACA
-0.47	-0.17	0.08	0.56	0.22	0.22	-0.17	0.17	-0.20	-0.16	0.12	0.36	7	Medium-chair	ACADM
0.18	0.49	-0.30	0.25	-0.15	-0.08	-0.91	-0.78	0.09	0.02	-0.29	0.29	12	Very long-cha	ACADVL
0.40	0.73	0.01	0.16	0.02	0.07	0.17	0.20	0.00	0.04	0.13	0.21	16	Acetyl-CoA ac	ACAT1
0.00	-0.23	0.05	-0.08	-0.04	0.07	-0.11	-0.06	-0.01	0.00	-0.04	-0.01	15	Acetyl-CoA ac	ACAT2
-0.07	-0.19	0.05	0.76	0.04	0.00	-0.41	-0.15	0.14	-0.17	-0.07	0.01	5	Golgi resident	ACBD3
0.16	0.05	0.16	0.00	0.13	-0.13	-0.13	-0.33	0.09	-0.24	0.21	-0.03	61	ATP-citrate sy	ACLY
-0.16	-0.02	-0.06	0.03	-0.25	0.30	0.10	0.01	-0.23	0.02	0.16	0.51	11	Cytoplasmic a	ACO1
-0.02	0.26	0.15	0.26	0.06	-0.14	0.13	0.29	0.06	0.12	0.08	0.16	20	Aconitate hyd	ACO2
0.26	0.58	0.30	0.64	-0.20	0.12	0.07	0.31	0.17	0.51	-0.58	-0.18	12	Cytosolic acyl	ACOT7
0.39	0.35	0.02	-0.07	0.01	0.13	0.19	0.45	0.23	0.51	0.01	0.17	8	Acyl-coenzym	ACOT9
-0.05	0.08	-0.04	0.18	-0.16	0.02	0.07	0.17	0.21	0.13	-0.04	0.14	6	Low molecula	ACP1
-0.14	-0.01	-0.24	-0.01	-0.05	0.37	0.15	0.46	-0.27	0.11	-0.02	0.36	20	Long-chain-fa	ACSL3
0.16	-0.31	0.64	0.17	0.39	0.48	0.35	0.21	-0.47	-0.37	0.65	-0.03	13	Long-chain-fa	ACSL4
-0.18	-0.01	0.14	0.30	-0.51	-0.13	0.25	0.59	-0.04	-0.16	-0.48	-0.22	8	Acetyl-coenzy	ACSS2
-0.06	-0.33	0.04	-0.08	-0.06	0.07	-0.39	-0.27	0.03	0.18	-0.27	-0.21	22	Actin, alpha s	ACTA1;ACTC1;ACTG2;ACTA2
-0.07	-0.28	0.07	-0.15	0.02	0.08	-0.55	0.50	-0.13	0.23	-0.58	-0.56	9	Beta-actin-lik	ACTBL2
-0.07	-0.23	0.10	0.00	-0.05	0.03	-0.36	-0.22	0.05	0.24	-0.16	-0.12	36	Actin, cytopla	ACTG1
-0.10	-1.12	-0.26	-0.81	-0.29	-0.35	-0.40	-0.28	0.26	-0.08	-0.32	-0.28	64	Alpha-actinin-	ACTN1
0.06	-0.80	-0.51	-0.87	-0.59	-0.60	-0.49	0.16	0.59	0.01	-0.44	-0.17	65	Alpha-actinin-	ACTN4
-0.10	0.02	0.21	0.08	0.09	0.29	-0.11	0.11	0.03	0.33	-0.04	0.07	10	Alpha-centrac	ACTR1A;ACTR1B
-0.05	-0.12	-0.01	-0.08	-0.13	-0.08	-0.40	-0.30	-0.05	0.07	0.02	0.10	15	Actin-related	ACTR2
-0.12	-0.13	-0.16	-0.03	-0.02	0.03	-0.46	-0.26	-0.07	0.02	-0.03	0.05	19	Actin-related	ACTR3
0.21	-0.16	0.35	-0.64	0.43	-0.18	-0.94	-0.83	-0.24	-0.54	-0.28	-0.62	16	Double-stranc	ADAR
-0.09	-0.19	-0.02	-0.10	0.25	0.13	-0.10	0.02	-0.47	-0.43	-0.07	-0.16	12	Alcohol dehyc	ADH5
-0.03	0.09	-0.37	-0.30	0.30	0.24	0.51	0.19	0.06	-0.35	0.64	0.49	3	1,2-dihydroxy	ADI1
0.00	0.06	0.15	0.14	0.07	-0.07	0.34	0.57	0.12	0.24	-0.10	-0.04	12	Adenosine kin	ADK
0.25	0.08	0.16	0.05	0.02	0.07	0.30	0.19	-0.06	-0.08	-0.16	-0.11	4	Proteasomal	ADRM1
0.13	0.22	-0.09	-0.04	0.08	-0.01	-0.17	-0.14	-0.17	-0.45	0.01	-0.19	4	Adenylosuccir	ADSS
0.17	-0.28	1.00	0.05	-0.02	-0.01	-0.57	-0.49	-0.42	-0.46	-0.48	-0.52	22	Agrin;Agrin N-	AGRN
0.56	0.59	-0.04	-0.08	-0.02	-0.09	0.34	0.15	-0.06	-0.22	0.05	-0.09	24	Adenosylhom	AHCY
-0.39	-0.34	-0.35	-0.21	-0.06	-0.12	0.47	0.44	-0.14	-0.55	0.44	0.33	303	Neuroblast di	AHNAK
0.47	0.76	-0.42	0.18	-1.02	-1.09	0.87	1.14	0.13	-0.01	0.52	0.83	113	Protein AHNA	AHNAK2
0.23	0.25	0.08	-0.10	0.07	0.00	0.28	0.46	0.11	-0.05	0.18	0.21	25	Absent in mel	AIM1
0.04	0.19	0.10	0.06	-0.16	-0.09	0.11	0.13	-0.07	0.16	0.03	0.31	11	Aminoacyl tR	AIMP1
0.03	0.60	-0.25	0.44	0.09	0.15	0.62	0.93	0.27	0.20	0.05	0.29	10	Adenylate kin	AK1
0.11	0.30	0.24	0.23	-0.26	-0.44	-0.13	-0.09	-0.16	-0.14	0.02	-0.12	11	Adenylate kin	AK2
-0.15	0.21	-0.07	0.07	-0.14	-0.14	0.24	0.28	-0.45	-0.31	-0.32	-0.06	7	GTP:AMP pho	AK4
-0.33	-0.19	0.18	0.17	-0.10	-0.01	-0.25	0.07	-0.04	0.71	-0.47	-0.17	10	Alcohol dehyc	AKR1A1
0.00	0.43	-0.65	0.20	-0.29	0.16	-0.10	0.30	0.26	0.36	-0.15	0.42	8	Aldose reduct	AKR1B1

0.48	-0.73	0.28	0.04	-1.00	-0.23	-1.73	-2.27	0.77	1.10	-2.24	-2.35	27 Aldehyde deh ALDH1A3
0.40	0.12	0.06	0.01	0.38	0.38	0.38	0.38	-0.46	-0.35	-0.14	-0.43	15 Alpha-aminoa ALDH7A1
-0.06	0.14	-0.07	-0.11	0.34	0.27	-0.05	0.12	-0.22	0.08	0.51	0.49	14 4-trimethylarr ALDH9A1
0.11	0.13	0.02	0.09	-0.06	-0.20	0.02	-0.02	0.11	0.02	0.16	0.11	35 Fructose-bispl ALDOA
0.15	0.20	0.02	0.04	0.00	-0.23	0.31	0.37	0.29	-0.09	0.32	0.22	16 Fructose-bispl ALDOC
0.19	-0.08	0.14	0.03	0.16	0.07	-0.05	-0.09	-0.05	-0.28	-0.13	-0.12	9 Ankyrin repea ANKFY1
0.02	0.12	-0.04	0.03	0.04	0.12	0.09	0.13	-0.37	-0.23	-0.40	-0.12	8 Acidic leucine ANP32A
0.23	-1.51	-0.22	-0.71	1.83	2.13	-0.76	-0.70	-0.75	-0.12	-1.96	-1.55	20 Aminopeptida ANPEP
-0.28	0.26	0.22	0.72	-0.10	0.07	-0.53	-0.62	0.40	0.41	-0.21	0.03	29 Annexin A1 ANXA1
0.52	-0.10	0.13	0.33	-0.04	0.17	0.26	0.14	1.48	0.69	-0.12	0.40	29 Annexin A2;A1 ANXA2;ANXA2P2
-0.15	-0.20	0.09	0.44	-0.12	0.03	-0.63	-0.66	-0.35	-0.19	-0.04	0.15	22 Annexin A3;A1 ANXA3
0.27	-0.05	-0.03	-0.21	0.17	0.10	0.17	0.13	-0.36	-0.45	0.10	-0.01	26 Annexin A5;A1 ANXA5
0.26	0.38	0.35	0.09	0.17	0.34	-0.29	-0.32	0.18	0.36	0.48	0.17	14 Annexin A7 ANXA7
-0.32	-0.40	-0.22	-0.22	-0.13	-0.24	0.36	0.66	-0.22	-0.25	0.11	0.46	21 Annexin A8-li ANXA8L2
-0.05	0.17	0.02	0.07	0.56	0.17	-0.47	-0.42	0.15	0.07	-0.13	0.10	28 AP-1 complex AP1B1
0.06	0.09	0.22	0.14	0.14	0.19	-0.17	-0.03	-0.12	-0.23	0.02	-0.01	21 AP-2 complex AP2A1
0.03	0.05	0.10	-0.24	0.29	0.29	0.22	0.25	-0.25	-0.15	0.07	0.13	19 AP-2 complex AP2A2
0.03	-0.07	0.14	-0.11	0.07	0.13	-0.16	-0.09	-0.14	-0.15	-0.09	-0.06	35 AP-2 complex AP2B1
-0.01	-0.07	-0.09	-1.65	0.08	0.17	-0.24	-0.16	0.03	-2.15	-0.08	-0.17	24 AP-3 complex AP3B1
-0.66	-0.03	-0.06	-0.19	0.03	0.22	-0.39	-0.39	-0.02	-0.05	-0.31	-0.22	16 AP-3 complex AP3D1
-0.14	-0.38	-0.17	-0.19	0.20	0.39	-0.21	-0.09	-0.15	-0.10	-0.22	-0.05	6 AP-3 complex AP3S1
0.02	0.17	-0.01	-0.04	0.03	0.04	-0.13	0.20	-0.26	-0.04	0.14	0.31	12 Acylamino-aci APEH
-0.12	-0.24	-0.18	-0.43	-0.15	-0.06	0.06	-0.11	-0.43	-0.21	-0.05	-0.17	15 DNA-(apurinic APEX1
0.02	-0.10	0.16	-0.06	0.28	0.14	-0.17	-0.28	-0.15	-0.15	-0.15	-0.18	8 Apoptosis inhi API5
0.16	0.33	-0.25	-0.25	-0.04	-0.12	1.53	1.65	-0.36	-0.34	-0.25	-0.21	9 Adipocyte pla: APMAP
-0.08	0.15	0.04	0.16	-0.19	0.10	0.17	0.17	-0.07	-0.05	0.13	0.20	1 DNA dC->dU-ε APOBEC3G
-0.03	0.86	-0.29	0.37	-0.19	-0.27	0.28	0.38	0.05	-0.01	0.00	0.33	10 Adenine phos APRT
0.10	-0.13	-0.19	0.07	0.09	0.14	-0.35	-0.12	0.02	0.09	-0.34	-0.05	17 Coatomer sub ARCN1
0.12	-0.42	-0.06	0.14	-0.01	0.09	-0.36	-0.42	-0.19	-0.23	-0.16	-0.25	9 ADP-ribosylati ARF4
0.13	0.30	0.17	0.99	0.08	0.04	-0.11	-0.03	0.23	0.13	-0.05	0.05	6 Arfaptin-1 ARFIP1
0.15	-0.02	-0.35	0.07	0.01	0.06	-0.51	-0.37	-0.14	-0.17	-0.08	0.03	10 Rho GTPase-a ARHGAP1
-0.08	-0.22	0.21	0.07	0.13	0.15	-0.17	-0.16	0.02	0.09	0.07	0.13	11 Rho GDP-dissr ARHGDIA
-0.07	-0.39	-0.39	-0.45	-1.47	-0.97	-1.44	-1.61	0.35	0.67	-0.88	-0.83	7 Rho GDP-dissr ARHGDIB
-0.07	-0.35	0.05	-0.20	0.04	0.10	-0.62	-0.62	-0.10	0.01	0.05	0.08	17 Actin-related  ARPC1B
-0.09	-0.12	-0.08	-0.09	-0.13	-0.01	-0.38	-0.30	-0.08	-0.07	0.00	0.11	18 Actin-related  ARPC2
-0.08	-0.24	-0.11	-0.01	-0.09	0.02	-0.33	-0.20	0.01	0.14	-0.03	0.04	6 Actin-related  ARPC3
0.10	-0.03	0.00	0.02	-0.06	-0.03	-0.20	-0.15	-0.04	0.07	-0.02	0.06	9 Actin-related  ARPC4;ARPC4-TLL3
-0.31	-0.66	-0.68	-0.13	-0.01	0.06	-0.43	-0.25	-0.29	-0.02	0.26	0.34	7 Actin-related  ARPC5
0.06	0.20	0.03	-0.20	0.16	0.22	-0.15	-0.24	-0.01	-0.04	0.04	0.16	25 Activating sigr ASCC3
0.06	-0.06	0.09	0.07	0.14	0.05	-0.21	-0.46	-0.10	-0.11	0.17	0.00	29 Bifunctional p ATIC
-0.03	0.05	-0.12	-0.03	0.15	0.13	0.74	0.67	0.49	0.54	0.04	0.18	7 Atlastin-3 ATL3
-0.14	0.06	-0.23	0.00	-0.08	-0.25	0.87	0.92	0.00	-0.06	0.15	0.21	42 Sodium/potas ATP1A1
-0.25	0.02	-0.28	-0.13	-0.31	-0.27	0.69	0.81	-0.01	-0.12	0.17	0.35	5 Sodium/potas ATP1B3
-0.05	-0.03	-0.11	-0.08	-0.21	-0.14	-0.22	0.02	0.08	0.13	-0.15	-0.04	38 Sarcoplasmic/ ATP2A2
0.36	0.04	-0.27	-0.23	0.06	-0.10	0.85	0.55	0.06	-0.31	-0.51	-0.47	14 Plasma memb ATP2B1;ATP2B3
0.12	0.40	-0.31	0.27	-0.14	-0.19	0.75	0.89	0.14	0.10	0.22	0.40	16 Plasma memb ATP2B4
0.04	0.34	-0.13	0.20	-0.01	-0.08	0.25	0.32	0.03	0.11	0.11	0.29	33 ATP synthase ATP5A1
-0.02	0.25	-0.01	0.18	-0.05	-0.09	0.18	0.31	0.02	0.09	0.10	0.20	22 ATP synthase ATP5B
0.22	0.69	-0.13	0.20	0.09	0.05	0.17	0.32	0.00	0.07	0.18	0.31	13 ATP synthase ATP5C1
0.03	0.24	0.01	0.19	-0.02	-0.04	0.18	0.30	0.13	0.20	0.25	0.21	13 ATP synthase ATP5F1

0.09	0.54	0.11	0.21	-0.02	-0.08	0.27	0.44	-0.14	0.14	0.11	0.28	10 ATP synthase ATP5H
-0.06	0.24	0.09	0.27	0.00	0.05	0.22	0.36	-0.02	0.11	0.14	0.19	11 ATP synthase ATP5O
0.06	0.43	-0.36	0.12	-0.19	0.13	-0.08	-0.10	0.08	-0.05	-0.55	-0.52	12 V-type proton ATP6V1A
0.14	-0.02	0.04	-0.40	-0.16	0.11	-0.26	-0.37	-0.18	-0.46	-0.41	-0.70	6 Ataxin-2-like $\gamma$ ATXN2L
0.14	0.43	0.82	0.50	-0.18	-0.16	-0.26	-0.14	0.22	0.07	0.27	0.44	11 BAG family m $\alpha$ BAG3
-0.01	0.15	0.29	0.16	-0.21	-0.02	0.82	0.40	-0.11	-0.15	-0.14	-0.06	14 Large proline- BAG6
-0.18	-0.31	0.24	0.09	-0.24	-0.13	-0.08	0.10	-0.23	0.01	-0.45	-0.45	14 Brain acid solt BASP1
0.01	0.00	-0.25	-0.15	-0.02	0.14	0.10	0.03	-0.16	0.08	-0.33	-0.22	6 Apoptosis reg BAX
0.07	0.04	-0.08	-0.01	0.00	0.00	0.13	0.28	-0.02	0.23	0.14	0.11	19 B-cell recepto BCAP31
0.34	-0.06	-0.11	-0.94	0.32	0.26	-0.77	-0.43	0.16	-0.33	-0.05	-0.65	5 Bcl-2-associat BCLAF1
0.43	0.38	0.18	-0.10	0.22	0.37	0.21	0.44	0.14	0.16	0.07	-0.06	13 Biliverdin red $\alpha$ BLVRA
-0.71	-0.21	0.17	0.55	-0.37	-0.25	-0.08	0.47	0.62	0.24	0.00	0.54	6 Flavin reducta BLVRB
0.04	-0.12	0.34	0.04	0.21	-0.12	0.30	0.52	-0.31	-0.37	0.11	0.09	5 Basigin BSG
0.20	-0.17	0.40	-0.31	-0.01	-0.15	0.21	-0.06	0.00	-0.28	0.20	0.00	5 BTF3
-0.05	-0.18	0.40	-0.16	0.06	-0.12	0.19	-0.09	-0.03	-0.24	0.01	-0.05	10 Transcription BTF3
-0.08	-0.26	0.32	-0.13	0.09	-0.05	0.00	-0.05	-0.15	-0.41	-0.14	-0.30	9 Mitotic check $\beta$ BUB3
0.09	0.41	0.29	0.27	-0.07	-0.03	-0.07	-0.17	-0.02	0.01	0.05	0.12	15 Basic leucine $\gamma$ BZW1
0.04	0.17	-0.10	0.01	0.08	0.16	-0.37	-0.23	0.37	0.22	-0.01	0.12	10 tRNA-splicing C22orf28
-0.49	1.65	-1.44	0.51	-0.95	-0.50	1.47	1.97	1.06	1.21	-0.28	1.18	11 Carbonic anhyCA2
0.14	0.04	-0.03	-0.10	0.22	0.31	-0.03	-0.11	-0.36	-0.16	0.10	0.14	14 Calcyclin-bind CACYBP
-0.05	0.13	-0.16	-0.13	-0.04	-0.23	0.10	-0.12	-0.15	-0.36	0.16	0.01	72 CAD protein; $\beta$ CAD
-0.06	-0.56	0.15	-0.12	0.32	0.20	-0.44	-0.43	-0.07	-0.08	-0.15	-0.33	35 Caldesmon CALD1
-0.37	-0.60	-0.19	-0.31	-0.38	-0.38	-0.51	-0.40	-0.05	0.20	-0.39	-0.22	22 Calreticulin CALR
0.18	-0.34	0.63	-0.38	0.19	0.18	-0.08	-0.12	-0.04	0.11	0.07	-0.04	11 Calumenin CALU
0.03	0.23	-0.16	-0.20	0.08	0.05	0.11	0.17	0.01	0.01	0.07	0.10	53 Cullin-associat CAND1
-0.11	-0.13	-0.30	-0.33	-0.32	-0.34	0.12	0.19	-0.12	0.10	-0.34	-0.12	31 Calnexin CANX
-0.10	-0.16	-0.16	0.20	-0.13	0.06	-0.64	-0.42	0.13	0.35	-0.12	0.12	37 Adenylyl cyclaCAP1
-0.02	0.32	0.10	0.73	0.17	0.00	0.08	0.33	-0.04	-0.02	-0.19	-0.04	10 Macrophage- $\alpha$ CAPG
0.11	0.24	-0.31	-0.06	-0.03	0.08	-0.02	0.29	0.07	0.17	-0.11	0.18	19 Calpain-1 cataCAPN1
0.03	-0.25	0.38	0.11	-0.06	0.04	-0.38	-0.54	0.03	0.19	-0.45	-0.53	18 Calpain-2 cataCAPN2
0.05	-0.17	0.16	0.03	0.01	0.09	-0.29	-0.18	-0.01	0.16	-0.26	-0.20	9 Calpain small CAPNS1
0.09	-0.13	0.37	-0.74	0.33	0.17	-0.05	-0.19	-0.05	-0.83	0.27	-0.17	14 Caprin-1 CAPRIN1
-0.06	-0.04	-0.01	0.01	0.00	0.03	-0.17	-0.07	-0.33	-0.14	-0.10	-0.05	18 F-actin-cappinCAPZA1
0.07	0.15	0.10	0.08	-0.03	0.06	0.00	0.09	-0.17	-0.08	-0.04	0.02	22 CAPZB
0.01	-0.14	0.03	0.05	-0.38	0.00	-0.81	-0.41	-0.15	0.33	-0.34	0.04	15 Cysteine--trn CARS
0.05	0.46	0.44	0.56	-0.01	-0.15	-0.06	0.26	0.14	0.25	-0.01	0.03	10 Calpastatin CAST
-0.12	-1.27	0.12	-0.78	0.04	-0.23	0.15	-0.22	-0.08	0.73	-0.62	-1.05	6 Caveolin-1; $\alpha$ CAV1
0.47	0.68	-0.62	-0.40	-0.13	-0.14	0.53	0.76	0.23	0.09	0.44	0.36	17 Carbonyl redu CBR1
0.03	-0.50	-0.04	-0.29	0.17	-0.30	0.16	-0.05	0.07	0.01	-0.13	-0.18	5 Chromobox p $\alpha$ CBX3
0.31	0.12	-0.53	-0.42	0.09	0.07	0.11	0.18	-0.10	-0.14	0.49	0.48	11 Coiled-coil do $\alpha$ CCDC47
0.10	0.17	0.03	0.09	0.04	0.02	0.13	0.06	-0.05	-0.09	0.07	0.13	36 T-complex prc CCT2
0.01	0.11	0.04	0.14	0.01	-0.01	0.17	-0.05	-0.08	-0.04	-0.02	0.02	36 T-complex prc CCT3
0.10	0.14	0.00	0.17	-0.01	-0.05	0.06	0.00	-0.04	-0.07	0.00	0.02	28 T-complex prc CCT4
0.09	0.24	-0.10	0.07	0.03	0.06	0.15	0.11	-0.06	-0.10	0.01	0.05	38 T-complex prc CCT5
0.00	0.07	0.03	0.15	-0.03	0.03	0.12	0.02	-0.04	0.00	0.03	0.09	31 T-complex prc CCT6A
0.02	0.20	-0.11	0.19	0.08	0.03	0.14	0.03	-0.07	0.00	0.12	0.13	32 T-complex prc CCT7
0.11	0.14	-0.18	0.08	-0.05	0.01	0.16	0.01	-0.08	-0.14	0.04	0.01	35 T-complex prc CCT8
0.58	0.47	0.41	0.26	-0.33	-0.21	0.08	0.28	-0.22	-0.34	0.09	-0.08	8 CD44 antigen CD44
-0.23	-0.62	0.39	0.32	0.04	0.22	-0.31	-0.05	0.18	1.58	-0.20	0.44	5 CD59 glycoprc CD59
0.02	0.19	1.01	0.88	-0.40	-0.35	0.94	1.30	0.04	0.01	0.54	0.73	4 CD9 antigen CD9

-0.19	-0.04	0.33	0.09	-0.04	0.01	-0.58	-0.51	-0.14	-0.07	-0.02	-0.03	18 Hsp90 co-chaperone CDC37
-0.09	-0.19	0.54	0.12	-0.02	-0.08	0.04	0.06	0.05	-0.04	-0.13	-0.14	7 Cell division cycle CDC42
-0.16	-0.13	-0.10	-0.17	-0.21	0.13	-0.01	-0.07	-0.16	0.01	-0.02	0.04	4 CUGBP Elav-like CELF1
-0.03	-0.19	0.05	0.11	-0.09	0.00	-0.03	0.04	-0.05	0.07	-0.20	-0.07	23 Cofilin-1 CFL1
-0.47	-0.41	-0.04	-0.19	0.20	0.26	-0.17	-0.04	0.17	0.53	0.01	-0.09	11 Coiled-coil helix CHCHD3
0.25	0.50	0.11	-0.27	0.27	0.31	0.33	0.11	-0.09	-0.29	0.09	-0.05	39 Chromodomain CHD4
0.23	-0.17	-0.32	-1.16	-0.17	-0.10	-0.50	-0.64	-0.08	-0.40	-0.14	-0.64	7 Calcium homeostasis CHERP
-0.11	-0.20	0.26	0.12	0.14	-0.13	-0.12	-0.23	-0.25	-0.10	-0.24	-0.04	9 Cysteine and histidine CHORDC1
0.17	-0.17	0.09	-0.36	0.20	0.06	-0.15	-0.11	0.05	0.02	0.09	-0.09	30 Cytoskeleton-associated CKAP4
0.06	0.12	0.27	0.15	-0.09	-0.04	0.12	0.12	0.07	-0.21	0.12	0.07	22 Cytoskeleton-associated CKAP5
-0.35	0.36	-0.36	0.32	-0.69	-0.75	-0.30	0.09	-0.14	0.04	0.66	0.86	13 Creatine kinase CKMT1A;CKMT1B
0.11	-0.07	0.25	0.10	0.09	0.16	-0.38	-0.24	-0.20	-0.06	-0.37	-0.28	15 Chloride intracellular CLIC1
-0.25	-0.24	-0.08	0.04	0.02	0.10	0.02	0.09	0.05	0.31	-0.07	0.23	9 Chloride intracellular CLIC4
0.11	-0.04	0.24	-0.11	0.18	0.09	-0.25	-0.22	0.21	1.01	0.11	-0.14	5 Clathrin interactor CLINT1
0.10	0.09	-0.12	-0.11	0.02	0.09	-0.10	0.00	0.07	0.09	-0.15	-0.11	85 Clathrin heavy chain CLTC
-0.04	0.13	-0.02	-0.11	-0.01	-0.33	0.36	0.10	-0.09	-0.47	0.50	0.35	29 Clustered mitogen-activated CLUH
-0.11	-0.07	-0.23	0.21	0.08	0.17	-0.01	0.11	0.19	0.14	0.09	0.34	9 UMP-CMP kinase CMPK1
-0.32	-0.29	-0.09	-0.24	0.11	0.09	0.17	0.11	-0.46	-0.47	-0.22	-0.03	13 Cytosolic non-specific CNDP2
0.07	-0.36	0.11	-0.22	0.06	-0.01	-0.77	-0.78	-0.12	0.14	-0.32	-0.30	11 Calponin-2 CNN2
0.38	-0.13	0.65	-0.08	0.07	0.39	-0.75	-0.71	-0.03	0.18	-0.52	-0.46	7 Calponin-3 CNN3
-0.07	0.16	0.00	-0.20	0.17	0.16	0.04	-0.08	-0.02	-0.30	-0.05	0.03	24 CCR4-NOT transcription CNOT1
0.00	-2.10	1.52	-0.99	-0.29	-2.12	-0.26	-1.56	0.74	-0.31	-0.23	-1.94	46 Collagen alpha1(C) COL12A1
-1.55	-1.27	0.20	-0.46	-0.93	-0.13	-0.18	0.55	-1.83	-0.82	-0.84	0.21	11 Collagen alpha1(C) COL17A1
-0.01	-0.28	0.26	-0.52	-0.18	-0.95	0.10	-0.28	0.61	0.23	0.04	-0.72	35 Collagen alpha1(C) COL7A1
-0.92	-0.56	-0.46	-0.31	0.16	0.73	-0.25	0.15	0.01	-0.05	-0.60	0.12	9 Procollagen gamma1(C) COLGALT1
0.07	-0.04	-0.14	-0.06	-0.01	0.10	-0.46	-0.29	-0.04	0.05	-0.18	0.00	63 Coatamer subunit COPA
0.04	-0.05	-0.12	0.03	-0.03	0.25	-0.26	-0.17	-0.07	0.00	-0.10	0.03	32 Coatamer subunit COPB1
0.15	-0.04	0.01	-0.02	0.00	0.18	-0.44	-0.30	-0.03	-0.01	-0.15	-0.01	29 Coatamer subunit COPB2
-0.01	-0.22	0.02	-0.12	-0.08	0.14	-0.61	-0.43	-0.15	-0.01	-0.25	-0.12	32 Coatamer subunit COPG1
0.03	0.09	-0.11	-0.19	0.14	-0.22	0.12	-0.02	-0.16	-0.11	0.25	0.13	12 COP9 signalosome COPS2
0.08	0.06	0.00	0.11	-0.18	-0.07	0.06	0.01	-0.09	0.00	0.16	0.22	13 COP9 signalosome COPS4
-0.11	0.06	0.21	0.11	0.41	0.03	0.33	0.18	-0.20	-0.02	-0.22	0.07	5 COP9 signalosome COPS8
-0.01	-0.15	-0.15	0.03	-0.09	0.00	0.00	0.09	0.17	-0.20	-0.11	0.04	11 Coronin-1B;Coronin CORO1B
-0.05	-0.07	0.21	0.35	0.11	0.15	0.27	0.36	0.07	0.31	-0.46	-0.23	17 Coronin-1C;Coronin CORO1C
0.35	0.23	-0.27	-0.03	0.50	0.59	0.54	0.88	-0.23	0.09	0.16	0.26	2 Cysteine-rich domain CRIP2
-0.03	0.28	-0.31	0.07	-0.03	-0.07	0.41	0.46	0.08	0.19	0.16	0.21	12 Citrate synthase CS
0.32	0.27	0.37	-0.43	-0.07	-0.23	-0.18	-0.34	0.10	-0.42	0.20	-0.02	25 Cold shock domain CSDE1
0.51	0.56	-0.28	-0.46	0.09	0.08	0.45	0.42	-0.33	-0.49	-0.23	-0.29	49 Exportin-2 CSE1L
0.16	-0.07	0.01	-0.04	0.03	0.05	0.44	0.59	-0.18	0.31	-0.12	-0.29	6 Casein kinase CSNK2A1;CSNK2A3
0.30	0.28	0.03	-0.30	0.09	0.10	0.34	0.26	-0.18	-0.17	-0.35	-0.42	5 Casein kinase CSNK2B
-0.36	-0.20	0.14	0.29	-0.35	0.16	-0.17	0.09	0.15	0.48	-0.28	0.17	10 Cysteine and histidine CSRP1
-0.46	-0.19	-0.32	0.10	-0.24	0.34	-0.20	0.36	-0.01	0.55	0.26	0.98	9 Cysteine and histidine CSRP2
-0.17	0.06	0.54	0.42	-0.02	-0.13	0.28	0.28	0.05	0.03	0.12	0.11	33 Catenin alpha CTNNA1
0.12	-0.18	1.09	0.53	0.21	-0.17	-0.16	-0.13	-0.03	-0.20	0.09	-0.10	22 Catenin beta-1 CTNNB1
0.12	0.41	0.21	0.10	0.04	-0.08	-0.07	-0.05	0.22	-0.02	0.15	0.05	23 Catenin delta-1 CTNND1
0.22	0.25	-0.35	-0.20	-0.13	-0.11	-0.23	-0.48	-0.16	-0.32	0.09	-0.16	17 CTP synthase CTPS1
0.26	-0.22	-0.22	-0.48	0.46	0.23	-0.35	-0.49	0.40	0.22	0.14	-0.11	8 Cathepsin B;C CTSB
-0.23	0.29	-0.23	0.57	0.63	0.82	-0.03	0.00	0.89	0.96	0.02	0.16	10 Dipeptidyl peptidase CTSC
0.04	0.68	-0.46	0.26	0.49	0.27	0.77	0.95	-0.05	-0.07	-0.14	0.07	15 Cathepsin D;C CTSD
-0.09	-0.02	0.12	-0.07	0.07	0.04	-0.29	-0.29	0.02	-0.23	0.13	0.04	25 Src substrate CTTN

-0.19	0.00	0.00	0.25	-0.31	-0.07	-0.41	0.05	-0.12	0.22	-0.36	-0.01	5 Cytochrome b CYB5B
-0.84	0.49	-0.65	0.69	-1.27	-1.07	0.41	0.95	0.14	0.21	0.32	1.08	13 NADH-cytochr CYB5R1
0.31	0.28	0.21	0.09	0.07	0.00	0.60	0.75	-0.05	0.05	2.13	2.10	4 Cytochrome c CYC1
-0.09	-0.40	-0.01	0.22	0.08	0.06	0.31	0.53	-0.20	0.12	0.19	0.50	9 Cytochrome c CYCS
-0.02	0.34	-0.08	0.40	-0.08	0.06	0.21	0.44	0.09	0.25	-0.09	0.23	35 Cytoplasmic F CYFIP1
0.03	0.12	0.09	0.13	-0.09	-0.13	0.17	0.20	0.04	0.10	0.06	0.16	22 Aspartate--trI DARS
-0.07	-0.03	0.28	-0.20	0.10	0.18	0.12	0.06	0.01	0.01	-0.05	0.21	13 Drebrin-like p DBNL
0.31	0.38	-0.27	-0.11	0.14	0.31	-0.26	-0.30	0.12	0.11	-0.06	-0.03	5 Deoxycytidyla DCTD
-0.13	0.05	-0.16	0.13	0.11	0.14	0.09	0.22	0.01	0.12	-0.01	0.30	42 Dynactin subu DCTN1;DKFZp686E0752
0.08	0.14	-0.01	0.17	0.12	0.27	0.06	-0.01	0.17	0.26	-0.01	0.19	12 Dynactin subu DCTN2
-0.09	0.25	-0.29	0.00	0.08	0.13	0.13	0.06	0.15	0.54	-0.14	0.22	7 Dynactin subu DCTN3
0.14	0.16	0.12	0.01	-0.12	-0.17	0.18	-0.08	-0.06	-0.18	0.16	-0.08	6 dCTP pyropho DCTPP1
0.67	1.05	-0.67	-0.02	0.06	0.05	1.79	1.74	0.12	-0.10	-0.46	-0.44	6 L-xylulose red DCXR
0.25	0.28	0.19	-0.04	0.06	0.02	0.50	0.44	-0.02	-0.18	0.01	-0.11	33 DNA damage- DDB1
0.27	0.12	-0.08	-0.08	0.13	0.19	0.26	0.41	-0.21	-0.02	-0.24	-0.03	12 Dolichyl-diphc DDOST
0.05	0.02	-0.08	-0.04	0.00	0.00	-0.22	-0.18	0.10	0.00	0.10	0.19	21 ATP-dependeı DDX1
-0.11	-0.54	-0.09	-0.27	0.23	0.26	-0.45	-0.45	0.27	0.08	-0.09	-0.24	15 Probable ATP- DDX17
0.08	-0.25	0.05	-0.84	0.45	0.30	-0.27	-0.44	0.29	-0.11	0.04	-0.71	19 Nucleolar RN/ DDX21
0.32	0.02	-0.09	-0.33	0.09	0.10	0.09	0.01	0.03	-0.42	-0.27	-0.43	12 Spliceosome F DDX39B
0.21	-0.25	-0.51	-1.05	0.27	0.17	-0.47	-0.66	0.38	-0.04	-0.07	-0.15	26 ATP-dependeı DDX3X;DDX3Y
0.23	0.19	-0.08	-0.53	0.22	-0.02	0.34	0.12	0.07	-0.33	0.16	-0.19	24 Probable ATP- DDX46
0.09	-0.73	0.09	-0.55	0.42	0.05	-0.35	-0.43	-0.15	-0.13	-0.24	-0.42	15 Probable ATP- DDX5
0.15	0.07	0.42	-0.02	-0.20	-0.01	0.17	0.10	0.07	-0.19	0.12	-0.08	11 Probable ATP- DDX6
-0.27	-0.08	0.01	-0.19	0.10	-0.10	0.96	0.52	-0.22	-0.07	0.14	0.00	11 Protein DEK DEK
0.43	0.31	-0.02	-0.05	-0.19	-0.23	0.24	0.06	-0.14	-0.22	0.04	0.11	7 7-dehydrocho DHCR7
0.18	0.06	-0.07	-0.22	0.14	0.18	0.25	0.19	-0.04	-0.29	0.16	0.00	24 Putative pre-n DHX15
-0.02	-0.45	-0.38	-0.78	0.11	0.13	-0.54	-0.63	0.31	-0.15	-0.04	-0.52	48 ATP-dependeı DHX9
-0.04	-0.01	-0.25	-0.02	-0.09	-0.06	0.44	0.47	-0.06	0.08	-0.10	0.04	39 Protein diaph: DIAPH1
-0.19	-0.21	0.12	-0.02	0.05	-0.12	0.30	0.14	0.01	0.07	0.06	-0.15	15 Exosome com DIS3
-0.19	0.00	0.28	0.32	0.08	0.21	0.22	0.45	0.00	0.17	-0.18	0.26	13 Dihydrolipoyl DLD
-0.09	0.07	0.41	0.40	-0.04	-0.01	0.21	0.41	-0.24	-0.13	-0.53	-0.27	5 Dihydrolipoyll DLST
0.21	-0.09	0.33	0.05	0.24	-0.01	-0.22	-0.42	-0.25	-0.16	-0.01	-0.16	11 DnaJ homolog DNAJA1
0.24	0.22	-0.02	-0.02	-0.02	-0.04	-0.40	-0.20	-0.19	-0.26	-0.13	0.03	8 DnaJ homolog DNAJA2
0.05	0.35	0.03	0.56	-0.20	-0.04	0.18	0.20	0.15	0.18	-0.32	-0.11	13 DnaJ homolog DNAJB1
0.19	-0.09	0.08	-0.19	-0.01	0.00	-0.13	-0.01	0.10	-0.07	-0.05	-0.22	17 DnaJ homolog DNAJC13
0.14	0.01	0.09	0.17	0.14	0.20	-0.29	-0.20	-0.13	-0.05	0.10	-0.20	28 Dynamin-1-lik DNMT1L
0.14	0.19	0.80	-0.05	0.13	-0.05	0.11	-0.16	-0.21	-0.40	0.26	-0.11	18 DNA (cytosine DNMT1
0.53	0.68	0.29	0.66	0.01	-0.33	0.52	0.66	-0.62	-1.07	0.01	0.01	8 2-deoxynucleı DNPH1
-0.09	-0.28	0.05	-0.01	-0.31	0.00	0.23	0.09	-0.18	0.02	0.57	1.15	6 Deducator of c DOCK5
0.08	-0.05	-0.06	0.09	-0.12	-0.11	0.09	0.15	-0.05	-0.02	-0.08	0.07	13 Dipeptidyl peı DPP3
0.06	-0.43	-0.47	-0.69	-0.19	-0.04	1.05	1.04	-0.45	0.01	0.08	0.22	16 Dihydropyrim DPYSL2
-0.72	-0.60	0.42	0.22	0.05	0.29	-2.38	-1.85	-1.30	-0.86	-1.17	-0.97	8 Dihydropyrim DPYSL3
0.21	-0.04	-0.03	-0.10	0.05	-0.20	-0.31	-0.55	-0.26	-0.15	0.12	0.20	12 Development: DRG1
0.77	1.00	0.29	-0.53	-0.38	-0.22	-0.77	-0.40	-0.53	-1.67	0.38	-0.69	129 Desmoplakin DSP
0.08	0.04	0.72	-0.21	0.00	0.03	0.36	0.21	0.23	-0.23	0.62	0.31	67 Dystonin DST
0.12	0.19	-0.32	-0.17	-0.25	-0.25	1.02	1.14	-0.15	-0.17	-0.22	-0.11	16 Destrin DSTN
0.05	0.04	-0.23	-0.10	-0.02	0.03	0.58	0.41	0.00	-0.06	-0.01	-0.09	13 Thymidylate k DTYMK
0.10	0.05	0.08	0.28	-0.02	0.25	-0.20	-0.03	0.54	0.74	-0.36	0.42	5 Dual specificit DUSP3
0.02	-0.11	0.02	-0.22	0.10	0.30	0.29	0.14	-0.45	-0.38	0.13	0.05	6 Deoxyuridine DUT
-0.01	-0.03	-0.14	0.13	0.03	0.09	0.08	0.25	0.01	0.10	-0.21	-0.03	297 Cytoplasmic d DYNC1H1

0.00	0.01	0.02	-0.05	0.11	0.28	0.09	0.15	0.09	0.14	-0.15	-0.25	12 Cytoplasmic d DYNC1I2
-0.07	0.06	-0.04	-0.01	-0.30	-0.21	0.55	0.66	0.11	0.45	-0.36	0.23	3 3-beta-hydrox EBP
0.00	0.54	0.11	0.57	-0.50	-0.35	0.39	0.60	-0.26	-0.16	-0.06	0.37	15 Delta(3,5)-Del ECH1
0.02	0.08	-0.01	0.11	-0.01	0.00	0.27	0.25	-0.09	-0.12	0.19	0.27	10 Enoyl-CoA hyc ECHS1
0.02	0.36	-0.25	-0.60	0.07	0.19	0.30	0.51	-0.09	-0.41	-0.30	-0.23	31 Proteasome-a ECM29;KIAA0368
0.05	0.50	-0.12	0.33	-0.01	0.15	0.28	0.42	0.33	0.24	0.19	0.56	52 Early endoson EEA1
-0.10	-0.08	-0.15	-0.05	-0.09	-0.19	-0.09	-0.08	-0.05	-0.08	-0.03	0.01	27 Elongation fac EEF1A1;EEF1A1P5
-0.08	-0.09	0.04	0.13	-0.10	-0.03	-0.05	-0.07	-0.06	0.03	-0.03	0.00	11 Elongation fac EEF1D
0.05	0.19	-0.06	0.05	-0.19	-0.21	0.01	-0.18	0.03	-0.13	0.06	0.04	24 Elongation fac EEF1G
-0.08	-0.02	-0.10	0.00	-0.04	-0.12	-0.21	-0.28	0.09	-0.09	0.12	0.19	68 Elongation fac EEF2
-0.22	-1.23	0.28	-0.87	-0.93	-1.64	-0.71	-0.52	-0.70	-0.60	-0.59	-0.53	5 EGF-contains EFEMP1
0.14	-0.26	0.27	-0.31	0.04	0.22	-0.73	-0.78	-0.02	0.27	-0.19	-0.31	8 EF-hand dom EFHD2
0.06	-0.38	0.10	-0.53	0.24	-0.05	0.17	-0.15	0.19	-0.26	-0.14	-0.38	23 116 kDa U5 sr EFTUD2
0.40	0.23	0.20	-0.01	-0.07	-0.18	0.72	0.54	-0.10	-0.21	0.08	-0.11	42 Epidermal gro EGFR
0.02	-0.24	0.32	-0.20	0.07	0.32	-0.17	-0.04	-0.29	0.18	-0.13	-0.24	17 EH domain-co EHD1
0.00	-0.02	-0.03	-0.19	-0.37	-0.48	0.08	0.12	-0.32	-0.29	-0.05	-0.10	7 Eukaryotic tra EIF2A
-0.25	-0.17	-0.04	-0.06	-0.53	0.09	-0.61	-0.58	-0.23	0.04	-0.14	0.05	9 Translation ini EIF2B1
0.24	0.51	-0.10	0.03	-0.01	0.01	0.33	0.33	-0.08	0.01	-0.09	-0.03	17 Eukaryotic tra EIF2S1
0.14	0.39	-0.25	-0.30	-0.03	-0.06	0.15	0.26	-0.11	-0.02	-0.18	-0.17	13 Eukaryotic tra EIF2S2
0.15	0.19	-0.25	-0.21	-0.08	-0.17	0.22	0.25	-0.09	-0.10	-0.12	-0.09	18 Eukaryotic tra EIF2S3;EIF2S3L
0.06	0.00	-0.10	-0.05	-0.02	-0.07	-0.08	-0.19	0.01	-0.17	0.14	0.01	53 Eukaryotic tra EIF3A
0.05	0.00	-0.20	-0.13	0.00	-0.02	0.02	-0.07	-0.09	-0.19	0.14	0.01	28 Eukaryotic tra EIF3B
0.09	0.11	0.16	0.02	-0.07	-0.12	-0.13	-0.28	0.00	-0.12	0.14	0.00	29 Eukaryotic tra EIF3C;EIF3CL
-0.06	-0.27	0.09	0.15	0.00	-0.13	-0.19	-0.30	-0.18	-0.24	-0.09	-0.71	5 Eukaryotic tra EIF3D
0.13	0.03	-0.01	-0.10	0.09	-0.07	-0.26	-0.33	0.07	-0.14	0.08	-0.06	20 Eukaryotic tra EIF3E
0.06	0.01	0.04	0.02	-0.03	-0.05	-0.13	-0.34	-0.02	-0.18	0.03	-0.03	11 Eukaryotic tra EIF3F
-0.05	-0.18	-0.15	-0.06	-0.05	-0.12	-0.09	-0.15	-0.18	-0.27	-0.06	-0.13	11 Eukaryotic tra EIF3G
-0.13	-0.08	0.18	0.05	0.27	0.11	-0.34	-0.38	0.10	-0.02	0.09	-0.01	10 Eukaryotic tra EIF3H
0.06	0.03	0.14	-0.02	0.06	-0.02	0.08	-0.12	-0.04	-0.04	0.14	-0.01	13 Eukaryotic tra EIF3I
0.05	0.13	0.18	0.02	0.11	0.00	-0.28	-0.15	-0.01	-0.12	0.04	-0.04	7 Eukaryotic tra EIF3K
0.10	0.03	0.19	-0.07	0.15	0.04	-0.21	-0.47	0.13	-0.10	0.16	0.09	14 Eukaryotic tra EIF3L
-0.04	-0.12	0.15	-0.02	-0.01	-0.12	-0.06	-0.13	-0.04	-0.14	-0.02	-0.08	34 Eukaryotic ini EIF4A1
0.36	0.19	-0.26	-0.44	-0.02	-0.14	0.28	0.08	0.34	-0.15	0.04	-0.25	17 Eukaryotic ini EIF4A3
-0.12	-0.03	-0.17	-0.45	0.07	-0.06	0.06	-0.28	0.06	-0.17	0.23	-0.10	12 Eukaryotic tra EIF4B
0.16	0.30	-0.05	0.04	0.05	0.00	-0.04	-0.10	0.08	0.02	0.04	0.01	5 Eukaryotic tra EIF4E
0.07	0.13	-0.05	-0.13	0.17	0.15	-0.49	-0.48	-0.06	-0.16	0.09	0.00	51 Eukaryotic tra EIF4G1
-0.04	0.15	-0.36	-0.65	-0.25	-0.23	-0.20	-0.34	0.00	-0.24	-0.04	-0.28	21 Eukaryotic tra EIF4G2
0.09	0.03	0.07	0.12	-0.13	0.02	-0.04	-0.12	-0.16	-0.10	0.08	-0.02	12 Eukaryotic tra EIF4H
-0.11	0.01	-0.36	-0.30	-0.02	0.03	0.07	0.10	0.16	-0.03	-0.46	-0.28	8 Eukaryotic tra EIF5
-0.23	-0.29	0.02	0.01	-0.06	-0.08	-0.10	-0.08	-0.06	-0.10	0.00	0.03	17 Eukaryotic tra EIF5A;EIF5A1;EIF5A2
-0.09	0.13	-0.13	-0.01	-0.04	-0.12	-0.19	-0.17	-0.06	-0.26	0.05	0.13	43 Eukaryotic tra EIF5B
0.34	0.34	0.10	0.06	-0.31	-0.17	0.59	0.72	-0.35	-0.15	-0.32	-0.06	6 Eukaryotic tra EIF6
-0.15	-0.08	0.24	-0.28	0.04	0.16	-0.43	-0.36	0.53	0.47	0.03	-0.02	9 ELAV-like prot ELAVL1
0.10	0.44	0.07	0.49	-0.27	0.16	-0.43	-0.39	0.26	0.18	-0.42	-0.13	2 Elongation of ELOVL1
0.09	-0.08	-0.34	-0.14	-0.17	-0.19	0.11	0.30	-0.18	-0.14	-0.05	0.11	10 ER membrane EMC1
0.01	0.07	0.26	0.09	0.07	0.00	-0.36	0.00	-0.39	-0.56	-0.16	-0.13	7 Echinoderm r EML4
0.02	-0.01	0.12	0.13	-0.19	-0.19	0.58	0.77	0.22	0.00	0.18	0.06	11 Protein enabl ENAH
-0.13	-0.08	0.00	0.02	-0.02	-0.05	0.17	0.19	-0.04	0.01	0.06	0.08	36 Alpha-enolase ENO1
0.10	-0.02	-0.03	-0.42	0.28	0.66	-0.97	-0.25	-1.08	-1.30	-0.48	-0.62	7 Band 4.1-like  EPB41L2
-0.11	0.18	-0.15	0.09	-0.33	-0.21	0.01	0.14	-0.06	0.11	0.06	0.35	71 Bifunctional g EPRS

1.16	0.37	0.24	-0.23	0.17	0.13	-1.47	-1.26	-1.07	-0.81	-0.32	-0.43	12 Endoplasmic r ERAP1
-0.10	0.11	0.05	0.40	0.04	0.17	0.24	0.53	-0.19	0.11	0.09	0.29	28 ELKS/Rab6-int ERC1
0.33	0.13	0.16	0.10	-0.03	0.14	0.21	0.25	-0.08	-0.18	0.10	-0.18	4 Erlin-1 ERLIN1
0.03	-0.26	-0.10	0.11	-0.08	-0.10	-0.06	-0.06	0.27	0.31	-0.47	-0.35	12 ERO1-like pro ERO1L
0.19	-0.14	-0.18	-0.23	-0.06	0.09	0.05	-0.08	-0.07	0.03	-0.04	-0.09	10 Endoplasmic r ERP29
-0.05	0.05	0.11	0.02	-0.24	-0.03	-0.08	0.19	-0.12	0.21	-0.26	0.07	9 Endoplasmic r ERP44
0.18	0.34	0.26	0.14	0.04	0.11	0.36	0.27	-0.14	0.05	0.07	0.14	12 S-formylglutat ESD
0.12	-0.19	-0.29	-0.52	0.12	0.02	0.31	0.36	0.09	-0.01	0.18	0.06	34 Extended syn ESYT1
-0.09	0.04	-0.37	-0.07	0.00	-0.10	0.04	-0.02	-0.05	-0.04	0.02	0.16	10 Eukaryotic pe ETF1
0.38	0.64	0.02	0.41	-0.18	-0.27	-0.01	0.12	0.10	0.11	0.01	-0.01	16 Electron trans ETFB
-0.38	0.01	-0.18	0.35	-0.40	-0.04	-0.76	-0.40	-0.09	0.58	-0.32	0.28	10 Protein ETHE1 ETHE1
-0.10	-0.28	0.00	-0.02	0.18	0.27	-0.66	-0.38	-0.04	-0.10	0.10	-0.10	4 RNA-binding EWSR1
-0.12	0.17	-0.02	0.48	-0.18	-0.11	0.04	0.27	0.33	0.30	-0.06	0.21	45 Ezrin EZR
0.21	-0.71	1.35	-0.22	-0.04	-0.40	-1.03	-1.77	-0.46	-0.94	-0.68	-1.24	3 Tissue factor F3
-1.42	0.95	-1.09	0.98	-0.69	-1.00	1.36	1.96	1.20	0.93	0.23	1.10	22 Fatty acid-bin FABP5
-0.10	-0.73	1.14	-0.06	0.07	0.37	0.32	-0.05	-0.25	-0.69	-0.19	-0.38	3 Fatty acid des FADS2
0.12	-0.18	0.19	-0.26	0.30	-0.04	0.00	-0.35	0.05	-0.12	0.04	-0.27	15 Constitutive c FAM120A
-0.32	0.15	-0.24	0.11	-0.44	-0.13	-1.07	-0.50	-0.21	0.32	0.20	1.20	13 Protein Niban FAM129A
0.14	0.41	0.17	0.40	-0.21	-0.19	0.49	0.40	0.08	-0.07	0.06	0.35	20 Niban-like pro FAM129B
-0.85	1.23	-1.58	-0.36	-0.96	-1.28	1.81	2.54	-0.14	-0.01	0.73	1.84	9 Redox-regulat FAM213A
-0.09	0.23	-0.14	0.24	-0.37	-0.26	-0.09	-0.21	0.28	-0.30	0.17	0.24	7 Phenylalanine FARSA
0.02	0.29	-0.13	0.22	-0.32	-0.28	0.07	-0.08	0.05	0.26	0.02	0.16	11 Phenylalanine FARSB
0.15	0.25	0.18	0.03	-0.14	-0.34	-0.15	-0.30	-0.07	-0.38	0.19	0.13	146 Fatty acid syn FASN
-0.43	-0.87	0.42	-0.71	-0.34	-0.90	-0.60	-0.63	0.07	-0.16	0.43	-0.09	54 Protocadherir FAT1
0.17	-0.59	1.52	0.32	0.30	-0.38	0.53	0.31	-0.29	-0.90	0.27	-0.35	24 Protocadherir FAT2
-0.49	-0.51	0.01	-0.12	-0.04	0.22	-0.47	-0.31	-0.11	0.20	-0.49	-0.17	11 Filamin-bindir FBLIM1
-0.29	-1.53	0.42	-1.19	0.57	-0.27	-1.38	-1.76	0.17	-0.40	-0.17	-1.11	26 Fibrillin-2 FBN2
0.72	0.25	0.83	0.05	0.11	0.48	0.13	-0.22	-0.34	-0.53	0.21	0.17	12 Squalene synt FDFT1
0.10	0.07	0.04	0.06	0.02	0.06	-0.48	-0.53	0.00	-0.03	-0.03	0.07	9 Farnesyl pyro FDPS
0.04	0.10	0.18	-0.16	0.05	0.06	0.12	0.17	-0.18	-0.18	0.08	0.04	9 Flap endonucl FEN1
-0.19	-0.10	-0.03	0.04	-0.04	-0.04	0.12	0.27	-0.09	0.05	0.15	0.25	17 Fumarate hyd FH
0.61	-0.14	0.29	0.14	0.00	0.18	-1.83	-1.78	-0.53	-0.21	0.14	-0.11	13 Four and a ha FHL1
0.27	0.16	0.07	-0.30	0.04	0.15	0.28	0.41	-0.24	0.07	-0.26	-0.28	11 Peptidyl-proly FKBP3
0.16	0.24	0.09	0.19	-0.17	-0.13	0.23	0.18	-0.12	-0.12	0.18	0.09	23 Peptidyl-proly FKBP4
-0.24	0.03	0.06	-0.12	0.01	-0.01	1.08	1.22	-0.42	-0.49	0.22	0.28	17 Peptidyl-proly FKBP5
-0.27	-0.31	0.01	-0.09	-0.20	-0.03	-0.63	-0.52	-0.08	0.18	0.06	0.16	19 Protein flightl FLII
-0.23	-0.24	-0.04	-0.10	-0.17	-0.16	-0.17	-0.13	-0.18	0.04	-0.10	0.00	167 Filamin-A FLNA
-0.28	-0.33	-0.10	-0.23	-0.24	-0.17	-0.38	-0.15	-0.50	-0.18	-0.63	-0.49	166 Filamin-A FLNA
-0.20	-0.33	0.02	0.23	-0.03	0.06	-0.65	-0.83	-0.02	0.28	-0.41	-0.23	193 Filamin-B FLNB
-0.04	-0.23	-0.28	0.50	0.51	0.70	0.94	1.20	0.34	1.13	0.82	1.22	40 Filamin-C FLNC
1.16	-0.74	0.93	-0.67	0.39	-0.46	-1.02	-2.03	-0.02	-0.27	-2.89	-3.83	26 Fibronectin;A FN1
0.00	-0.04	-0.01	0.04	0.13	0.17	-0.56	-0.58	0.16	0.17	0.05	0.03	35 Fascin FSCN1
-0.16	0.23	0.49	0.31	0.05	0.18	-0.21	-0.10	0.03	1.12	0.23	0.46	8 Ferritin heavy FTH1
0.07	0.65	0.90	0.64	-0.01	-0.14	-1.45	-0.85	0.15	1.96	-0.25	0.64	5 Ferritin light c FTL
-0.03	-0.06	-0.22	-0.14	0.07	0.00	0.01	0.05	-0.20	-0.07	-0.20	-0.17	19 Far upstream FUBP1
-0.06	-0.21	0.26	-0.22	0.07	0.03	0.10	-0.07	0.08	-0.09	0.05	-0.12	13 Ras GTPase-α G3BP1
0.11	0.11	-0.70	-0.27	-0.38	-0.17	0.62	0.75	0.02	0.33	-0.36	0.31	17 Glucose-6-phc G6PD
0.06	0.03	0.00	-0.08	-0.06	0.01	0.23	0.41	-0.25	-0.16	-0.09	-0.04	46 Neutral alpha GANAB
0.05	-0.12	0.27	0.07	0.04	-0.01	0.13	0.13	-0.16	-0.12	0.14	0.08	31 Glyceraldehyc GAPDH
0.34	0.22	0.07	-0.01	0.29	0.37	0.15	0.33	-0.04	-0.47	0.05	0.31	9 GTPase-activa GAPVD1

-0.10	0.05	-0.21	0.16	-0.29	-0.05	-0.79	-0.55	-0.05	0.31	-0.18	0.30	33 Glycine--tRNA GARS
0.16	0.21	0.05	0.01	-0.04	-0.11	-0.03	-0.09	-0.25	-0.41	0.10	0.09	35 Trifunctional γ GART
0.02	0.02	0.07	-0.10	0.04	0.28	-0.56	0.12	-0.22	-0.22	-0.11	0.04	20 Golgi-specific GBF1
0.04	0.11	-0.07	-0.51	0.12	-0.07	0.01	-0.13	-0.08	-0.50	0.15	-0.02	104 Translational δ GCN1L1
-0.02	-0.05	0.00	0.06	0.11	0.00	-0.04	0.02	0.00	-0.04	0.00	0.00	29 Rab GDP dissoc GDI2
-0.07	-0.21	-0.09	-0.41	-0.16	-0.27	0.37	0.19	-0.01	-0.63	0.10	-0.15	21 Gem-associat GEMIN5
0.02	-0.17	0.00	0.02	-0.62	-0.36	-0.85	-0.70	0.29	0.53	-0.18	0.19	21 Glutamine--fr GFPT1
-0.11	0.68	-0.21	0.87	-0.22	-0.05	0.36	0.69	0.47	0.37	0.11	0.60	8 Gamma-gluta GGCT
0.04	0.05	0.38	0.11	0.09	-0.04	-0.40	-0.52	0.16	-0.22	0.11	0.18	13 PERQ amino α GIGYF2
-0.03	-0.67	0.77	0.11	-1.06	-1.04	-0.03	0.05	0.07	0.01	0.26	0.11	11 Golgi apparat GLG1
0.13	0.50	-0.01	0.35	0.05	0.16	-0.04	0.08	0.03	0.22	0.24	0.41	11 Lactoylglutath GLO1
-0.09	0.16	-0.54	-0.17	-0.06	-0.05	0.32	0.46	-0.01	0.01	0.03	0.11	14 Glutaredoxin- GLRX3
-0.01	0.38	0.32	0.67	-0.13	-0.25	0.23	0.44	-0.01	0.11	0.08	0.27	17 Glutamate de GLUD1;GLUD2
0.25	-1.01	2.04	-0.45	0.07	-1.38	0.46	-0.34	-1.05	-2.28	0.98	-0.61	11 Glutamine syr GLUL
0.06	0.56	-0.87	0.31	-0.64	-0.33	1.07	1.33	0.93	1.06	0.07	0.66	6 Ganglioside G GM2A
-0.12	-0.37	0.15	-0.08	-0.34	-0.22	-0.52	-0.55	-0.13	0.04	-0.39	0.00	6 Mannose-1-ph GMPPA
-0.32	-0.37	0.13	0.13	-0.32	-0.19	-0.52	-0.32	-0.07	0.03	-0.19	0.19	9 Mannose-1-ph GMPPB
0.24	0.25	0.20	0.11	0.08	0.06	0.08	0.10	-0.07	-0.27	-0.15	-0.25	21 GMP synthase GMPS
0.02	-0.37	0.25	0.07	0.18	0.25	0.14	0.24	-0.07	0.03	-0.04	0.05	15 Guanine nucle GNAI2
-0.08	-0.56	-1.18	-1.35	0.20	0.13	-0.07	-0.13	0.20	0.76	-0.24	-0.31	11 Guanine nucle GNAI3
0.05	0.26	0.17	-0.06	-0.84	-0.78	0.65	0.63	-0.47	-0.52	-0.22	-0.20	6 Guanine nucle GNAS
0.05	-0.23	0.33	0.10	0.02	0.23	0.13	0.14	-0.07	0.16	0.01	0.03	11 Guanine nucle GNB1
0.04	-0.06	0.08	-0.07	0.00	-0.06	0.01	-0.14	-0.38	-0.29	0.13	-0.01	21 Guanine nucle GNB2L1
0.09	0.11	-0.13	0.28	0.04	0.00	0.03	-0.08	0.08	0.03	0.14	0.13	6 Glucosamine γ GNPAT1
0.06	0.11	0.44	0.17	-0.38	-0.32	0.38	0.29	0.06	0.07	-0.74	-0.59	14 Golgin subfar GOLGA2
0.08	0.04	-0.18	0.00	0.04	-0.04	0.10	-0.01	0.05	-0.01	-0.37	-0.10	14 Golgin subfar GOLGA3
0.11	0.17	0.14	0.34	0.11	0.20	-0.01	0.03	0.16	-0.11	0.10	0.36	25 Golgin subfar GOLGA4
0.28	0.18	0.20	0.40	-0.20	-0.09	-0.25	-0.26	0.11	0.16	-0.17	0.12	87 Golgin subfar GOLGB1
0.16	-0.22	0.31	-0.22	0.13	0.21	-1.00	-0.61	-0.07	1.09	0.29	-0.13	8 Golgi integral GOLIM4
-0.04	0.14	0.03	0.12	-0.34	0.01	0.08	0.39	-0.07	-0.01	-0.10	0.24	13 Aspartate ami GOT1
-0.01	0.12	0.11	0.30	-0.21	-0.20	0.02	0.10	0.09	0.28	0.06	0.27	24 Aspartate ami GOT2
-0.02	0.26	-0.35	0.08	-0.08	-0.17	0.15	0.15	0.14	0.04	0.30	0.38	22 Glucose-6-phc GPI
0.03	-0.16	0.09	0.15	0.05	0.04	-0.06	-0.11	-0.16	-0.06	0.05	0.05	11 Glutathione p GPX1
0.10	0.06	-0.17	-0.06	0.06	0.00	0.13	0.16	0.06	0.11	-0.21	-0.16	8 Glutathione p GPX4
-0.01	0.15	0.28	0.33	0.18	0.25	0.40	-0.05	0.02	-0.03	0.00	0.16	8 Growth factor GRB2
0.11	0.19	0.04	0.06	-0.16	-0.27	0.15	-0.12	-0.08	-0.07	-0.06	-0.22	12 GrpE protein γ GRPEL1
-0.26	-0.30	-0.88	-0.87	-0.79	-0.82	-0.67	-0.35	-0.80	-1.07	-1.54	-1.75	21 Gelsolin GSN
0.15	0.27	-0.16	-0.06	0.27	-0.02	-0.08	-0.19	-0.02	-0.10	0.26	0.25	13 Eukaryotic peγ GSPT1;GSPT2
0.83	0.74	-0.22	-0.09	-0.17	-0.06	0.63	0.52	-0.54	-0.32	-0.30	-0.16	9 Glutathione sγ GSS
-0.02	-0.09	0.18	0.28	-0.02	0.10	0.20	0.25	-0.34	0.05	-0.18	0.20	7 Glutathione S- GSTK1
0.63	0.49	-0.39	-0.14	-0.24	-0.07	0.07	0.27	-0.38	-0.29	0.14	0.36	8 Glutathione S- GSTM3
0.26	0.23	-0.57	-0.30	0.10	0.21	-0.12	-0.06	0.43	0.52	0.08	0.20	15 Glutathione S- GSTO1
-0.45	0.02	-0.13	0.45	-0.02	0.02	0.04	0.43	0.06	0.22	0.19	0.32	17 Glutathione S- GSTP1
0.14	0.04	0.49	-0.24	0.36	-0.03	0.50	0.33	-0.11	-0.68	0.24	-0.26	27 General transγ GTF2I
0.05	0.38	0.05	0.32	-0.03	-0.13	0.43	0.71	-0.12	-0.10	0.17	0.20	31 Trifunctional ε HADHA
0.00	0.39	-0.48	0.13	-0.05	-0.05	0.36	0.66	-0.11	-0.08	0.07	0.19	16 Trifunctional ε HADHB
-0.12	-0.09	0.06	0.03	-0.16	-0.10	0.19	0.29	-0.20	0.36	0.09	0.09	14 Histidine--tRN HARS
0.27	0.27	0.35	0.07	-0.09	0.04	0.10	0.08	-0.19	-0.14	0.03	0.10	5 Histone acetyl HAT1
-0.20	-0.18	-0.43	-0.41	0.27	0.09	0.13	-0.11	-0.22	-0.35	0.14	-0.19	17 Host cell factc HCFC1
-0.09	-0.02	-0.47	-0.30	0.00	-0.12	0.01	-0.08	-0.36	-0.35	-0.23	-0.27	16 Hepatoma-de HDGF



-0.02	-0.30	0.11	-0.27	-0.03	-0.16	-0.32	-0.46	0.06	-0.17	0.02	-0.06	58	Vigilin	HDLBP
0.20	0.56	-0.28	-0.34	0.06	-0.39	-0.33	-0.38	0.21	-0.07	-0.51	-1.50	7	HEAT repeat-c	HEATR1
-0.25	0.36	-0.46	0.56	-0.06	-0.01	0.16	0.14	0.30	0.39	-0.17	-0.07	7	Heme-binding	HEBP2
-0.10	0.35	0.53	0.00	0.09	0.48	-0.22	0.08	0.24	-0.04	-0.06	-0.01	8	E3 ubiquitin-p	HECTD1
-0.04	-0.10	-0.05	0.22	0.05	0.03	0.31	0.32	-0.16	-0.17	0.13	1.07	12	Probable E3 u	HERC4
0.08	0.35	-0.23	0.32	0.28	0.19	0.02	0.20	0.23	0.49	0.02	0.14	7	Beta-hexosam	HEXB
0.03	0.50	-0.45	0.31	0.06	0.66	0.26	0.63	0.48	0.58	0.15	0.76	17	Huntingtin-int	HIP1R
0.14	-0.56	-0.18	-1.70	-0.23	0.17	-0.61	-0.49	-0.49	-0.82	-0.12	-1.05	15	Histone H1.2;	HIST1H1C;HIST1H1E
-0.60	-0.88	0.11	-0.03	-0.58	0.04	0.17	0.88	-0.55	0.22	0.13	0.18	7	Histone H2A t	HIST1H2AJ;HIST1H2AH;H2AF
-0.04	-0.52	0.25	0.07	-0.52	0.05	0.22	0.62	-0.52	0.60	0.21	-0.37	7	Histone H2B t	HIST1H2BL;HIST1H2BM;HIST
-0.50	-0.06	-0.57	-0.22	0.19	0.06	0.51	0.64	0.88	1.45	-0.16	0.29	26	Hexokinase-1	HK1
-0.15	0.23	-0.09	-0.07	-0.01	-0.26	0.45	0.24	0.27	0.05	0.55	0.31	19	Hexokinase-2	HK2
0.38	-0.11	1.41	0.43	0.71	0.58	-1.65	-1.59	-1.78	-1.16	-0.93	-0.92	12	HLA class I his	HLA-A
-0.15	-0.11	-0.07	-0.10	0.14	0.11	0.31	0.32	-0.28	-0.16	-0.08	-0.17	18	High mobility	HMGB1
-0.12	-0.56	0.45	-0.33	-0.19	-0.31	-1.05	-1.19	-0.14	-0.54	-0.25	-0.19	14	Hydroxymeth	HMGCS1
-0.23	-0.21	0.11	0.19	0.21	0.19	-0.23	-0.19	0.18	0.05	-0.08	-0.30	4	Hematologica	HN1
-0.14	-0.43	-0.06	-0.05	0.02	0.14	0.11	0.11	0.01	0.03	-0.01	-0.10	8	Hematologica	HN1L
-0.15	-0.45	-0.33	-0.53	0.01	-0.02	-0.19	-0.25	0.19	0.44	-0.14	-0.29	17	Heterogeneo	HNRNPA1;HNRNPA1L2
-0.07	-0.58	-0.40	-0.74	0.14	0.13	-0.17	-0.16	0.18	0.12	-0.10	-0.52	15	Heterogeneo	HNRNPA2B1
-0.06	-0.36	-0.10	-0.80	0.10	0.03	0.20	0.00	0.25	0.11	-0.08	-0.48	7	Heterogeneo	HNRNPAB
0.02	-0.12	-0.25	-0.41	0.19	0.06	-0.09	-0.23	-0.08	-0.13	-0.18	-0.32	12	Heterogeneo	HNRNPD
-0.01	-0.26	-0.32	-0.37	-0.01	-0.09	-0.23	-0.22	0.18	0.13	0.00	0.03	9	Heterogeneo	HNRNPF
-0.19	-0.76	-0.19	-0.49	0.20	0.09	-0.33	-0.43	0.33	0.47	-0.29	-0.10	10	Heterogeneo	HNRNPH1
-0.06	-0.17	-0.15	-0.14	0.15	0.08	0.25	0.17	0.02	-0.09	-0.16	-0.10	26	Heterogeneo	HNRNPK
-0.13	-0.73	-0.01	-0.83	0.37	0.12	-0.34	-0.33	0.20	-0.19	-0.13	-0.80	9	Heterogeneo	HNRNPL
0.02	0.02	-0.22	-0.30	0.15	0.15	0.02	-0.03	-0.12	-0.28	0.08	-0.09	37	Heterogeneo	HNRNPM
-0.33	-0.50	-0.22	-0.39	0.17	0.03	-0.31	-0.39	0.12	0.13	-0.06	-0.26	30	Heterogeneo	HNRNPU
-0.01	0.02	-0.06	-0.48	-0.21	-0.17	-0.45	-0.17	-0.34	-0.44	-0.22	-0.40	12	Heterogeneo	HNRNPUL1
0.47	0.29	0.18	0.06	0.15	0.12	-0.23	-0.32	-0.32	-0.29	-0.02	-0.03	10	Hypoxanthine	HPRT1
-0.26	0.17	-0.06	0.02	-0.29	-0.27	0.34	0.44	-0.15	0.00	-0.04	0.11	13	3-hydroxyacyl	HSD17B10
-0.09	0.18	-0.11	0.05	-0.08	0.03	0.64	0.82	-0.08	0.09	0.08	0.29	25	Peroxisomal n	HSD17B4
0.16	0.08	0.16	0.15	0.15	0.23	0.07	0.08	-0.02	0.02	-0.07	-0.08	63	Heat shock pr	HSP90AA1
0.07	-0.06	0.08	0.02	0.09	0.09	0.08	0.03	-0.07	-0.10	-0.04	-0.06	64	Heat shock pr	HSP90AB1
-0.10	-0.52	0.05	-0.37	-0.25	-0.26	-0.57	-0.46	0.32	0.51	-0.52	-0.56	70	Endoplasmin	HSP90B1
-0.75	-0.57	-0.17	0.23	0.40	0.41	0.33	0.95	1.02	0.71	0.44	0.46	33	Heat shock-re	HSPA2
-0.06	0.08	-0.09	0.12	0.07	0.05	0.36	0.35	0.02	-0.01	0.08	0.07	60	Heat shock 70	HSPA4
-0.41	0.26	0.17	0.86	-0.21	0.04	0.00	0.31	-0.07	-0.20	0.58	1.07	30	Heat shock 70	HSPA4L
-0.34	-0.70	-0.21	-0.45	-0.43	-0.49	-0.76	-0.57	0.21	0.44	-0.62	-0.58	54	78 kDa glucos	HSPA5
-0.14	-0.25	-0.09	-0.05	-0.07	-0.15	-0.13	0.01	0.03	0.13	-0.19	-0.15	10	Heat shock 70	HSPA6
-0.03	-0.05	0.05	-0.01	0.05	-0.05	0.01	-0.05	0.07	0.01	0.00	-0.02	46	Heat shock co	HSPA8
0.10	0.30	-0.08	-0.07	-0.07	-0.21	0.47	0.46	-0.03	0.05	0.08	-0.02	36	Stress-70 prot	HSPA9
-0.49	0.61	-0.78	0.84	-0.82	-1.12	1.48	1.77	0.26	-0.02	-0.28	0.41	23	Heat shock pr	HSPB1
0.06	0.16	0.07	0.19	-0.05	-0.18	0.22	0.07	-0.03	-0.02	0.10	0.10	44	60 kDa heat sl	HSPD1
-0.16	0.16	-0.29	0.20	-0.12	-0.09	0.19	0.39	0.20	0.23	0.13	0.41	41	Heat shock pr	HSPH1
-0.17	0.03	0.21	0.04	0.10	0.04	0.36	0.31	0.01	-0.29	0.17	0.16	60	E3 ubiquitin-p	HUWE1
-0.27	-0.45	-0.38	-0.66	-0.67	-0.72	-0.27	-0.24	0.05	0.17	-0.23	-0.19	51	Hypoxia up-re	HYOU1
-0.07	-0.07	-0.15	-0.06	-0.27	-0.31	-0.12	-0.19	-0.09	0.01	0.10	0.13	46	Isoleucine--tR	IARS
0.01	0.43	0.02	0.25	0.28	-0.02	0.29	0.39	0.12	0.04	-0.18	-0.02	20	Isoleucine--tR	IARS2
-0.21	-0.51	0.03	-0.05	0.19	0.27	-0.52	-0.44	-0.16	0.17	-0.13	-0.07	16	Isocitrate deh	IDH1
-0.09	1.18	-0.31	0.69	0.17	0.07	1.26	1.72	0.91	0.81	-0.26	0.36	11	Isocitrate deh	IDH2

0.13	0.08	0.37	0.20	-0.15	-0.15	0.11	-0.22	0.04	-0.08	-0.55	-0.31	11 Isopentenyl-d IDI1
0.04	-0.22	0.21	0.00	0.18	0.27	-1.20	-0.86	-0.43	-0.33	0.06	0.01	23 Gamma-interf IFI16
-0.17	-0.59	-0.04	0.12	-0.04	0.00	0.02	0.24	0.00	0.08	-0.39	-0.32	9 Insulin-like gr IGF2BP3
-0.77	-0.54	0.19	0.18	-0.10	0.13	-0.29	-0.10	0.24	0.36	-0.30	-0.18	45 Cation-indepe IGF2R
-0.15	-0.09	-0.26	-0.24	-0.14	0.00	0.21	0.38	-0.09	-0.20	0.01	-0.15	18 Elongator con IKBKAP
-0.05	-0.10	-0.03	-0.38	-0.02	0.13	0.15	0.08	-0.08	-0.11	0.02	-0.32	7 Interleukin en ILF2
0.08	-0.02	-0.18	-0.29	0.12	0.14	0.23	0.24	-0.03	-0.36	0.06	-0.15	22 Interleukin en ILF3
-0.27	-0.23	-0.14	-0.38	0.20	0.23	-0.17	-0.09	0.22	0.53	0.09	0.13	22 Mitochondrial IMMT
0.27	-0.02	0.02	-0.31	0.22	-0.11	0.27	0.01	0.25	-0.18	0.18	-0.33	18 Inosine-5-mor IMPDH2
-0.05	0.17	-0.21	-0.99	-0.31	-0.51	0.37	0.17	-0.16	-0.49	0.05	-0.23	21 Importin-4 IPO4
-0.07	-0.08	-0.02	-1.15	0.11	0.08	0.04	-0.04	-0.20	-0.63	-0.06	-0.24	42 Importin-5 IPO5
-0.03	0.09	-0.21	-0.09	-0.10	-0.12	0.06	-0.05	0.04	0.07	0.10	0.11	30 Importin-7 IPO7
-0.08	0.13	-0.18	-0.12	0.07	0.14	0.02	0.18	-0.19	-0.23	0.15	0.21	25 Importin-9 IPO9
0.04	0.10	-0.07	0.07	-0.11	-0.17	0.30	0.32	0.16	0.02	-0.07	0.03	103 Ras GTPase-ar IQGAP1
0.55	-0.77	0.38	-0.37	1.10	0.72	-4.37	-4.59	-1.27	-2.00	0.35	0.11	6 Ubiquitin-like ISG15
0.51	0.33	0.68	0.72	-0.49	-0.19	-0.94	-0.62	-0.07	0.55	-0.09	-0.05	23 Integrin alpha ITGA2
-0.32	-0.32	1.13	0.50	-0.32	-0.03	-0.14	0.33	-0.62	-0.46	0.19	0.10	17 Integrin alpha ITGA3
-0.38	-0.24	1.11	0.38	-0.13	-0.55	1.14	1.18	-0.79	-0.44	0.65	0.66	21 Integrin alpha ITGA6
0.43	0.05	-0.04	-0.30	0.21	0.17	-0.35	-0.15	0.19	0.19	0.37	0.14	12 Integrin alpha ITGAV
-0.01	-0.22	0.93	0.31	-0.16	-0.03	-0.10	0.02	-0.31	-0.14	0.10	-0.08	25 Integrin beta- ITGB1
-0.51	-0.21	1.25	0.71	-0.20	0.10	0.54	0.78	-0.67	-0.51	0.49	0.72	61 Integrin beta- ITGB4
0.41	-0.34	0.59	0.27	0.07	-0.11	-0.79	-0.83	-0.19	-0.07	0.26	-0.19	10 Integrin beta- ITGB6
0.18	0.32	-0.06	-0.10	0.30	0.12	-0.51	-0.17	-0.06	0.01	-0.39	0.18	19 Inositol 1,4,5- ITPR3
-0.39	0.43	0.72	0.94	-0.16	-0.43	0.77	1.06	0.71	0.23	0.25	0.92	25 Junction plac JUP
0.03	0.19	-0.12	0.03	0.01	-0.07	0.13	0.06	-0.14	-0.30	0.11	-0.01	25 Lysine--trNA I KARS
-0.01	-0.04	0.06	-0.20	0.26	0.14	0.07	0.06	-0.18	-0.36	0.03	-0.10	26 Far upstream KHSRP
-0.01	0.01	0.19	0.36	0.02	0.20	-0.36	-0.46	0.07	0.31	-0.35	-0.16	16 WASH comple KIAA0196
0.13	-0.24	0.28	0.29	0.15	0.03	-0.25	-0.18	-0.14	-0.20	0.12	0.20	12 WASH comple KIAA1033
0.05	0.22	0.01	-0.26	0.03	-0.10	0.33	0.16	-0.15	-0.27	-0.32	-0.37	18 DBIRD comple KIAA1967
-0.07	-0.06	1.06	0.69	0.18	0.17	0.24	0.02	0.09	-0.62	-0.15	-0.03	10 Kinesin-like pr KIF11
-0.09	0.15	-0.12	0.27	0.03	0.02	0.14	0.19	0.20	0.21	0.09	0.30	61 Kinesin-1 hea KIF5B
0.31	0.07	-0.03	-0.03	0.48	0.36	-0.15	-0.47	0.14	-0.03	0.06	0.10	4 Kinesin light c KLC2
-0.25	-0.19	0.96	0.25	0.13	-0.15	0.16	-0.27	-0.07	-0.44	0.36	-0.12	11 Importin subu KPNA2
0.03	0.09	0.19	-0.04	0.09	0.21	0.07	-0.15	0.38	0.17	0.12	0.11	7 Importin subu KPNA4
-0.01	0.04	0.00	0.07	0.00	0.02	0.06	0.05	0.00	0.03	0.00	0.05	30 Importin subu KPNB1
-0.46	-0.64	-0.98	-1.00	0.38	0.34	0.00	0.20	0.49	-0.35	0.36	-0.37	45 Keratin, type I KRT14
-0.66	1.96	-1.88	0.60	-0.59	-1.13	1.24	1.82	2.35	0.87	0.73	1.28	34 Keratin, type I KRT16
-0.44	-0.19	-1.04	-0.40	0.09	0.29	-0.53	0.04	0.53	-0.10	0.55	0.11	43 Keratin, type I KRT17;JUP
-0.33	-0.55	-0.79	-0.88	0.35	0.26	0.00	0.35	0.60	-0.03	0.09	-0.35	59 Keratin, type I KRT5
-0.18	0.03	-1.42	-0.78	0.25	0.27	-0.20	0.19	0.52	-0.55	0.31	-0.15	53 Keratin, type I KRT6A
-2.09	-4.22	-1.19	-2.83	0.64	0.90	-1.35	-1.55	-0.39	-1.44	-0.30	-2.41	27 Keratin, type I KRT7
0.35	0.22	0.12	0.03	-0.17	-0.15	0.67	0.51	0.26	0.16	0.09	0.04	42 Kinectin KTN1
-0.32	0.21	0.28	0.41	-0.35	-0.18	-0.03	0.11	0.26	0.19	-0.16	0.14	20 Ladinin-1 LAD1
-0.51	-1.21	0.98	-0.13	-0.03	-0.15	-1.09	-1.06	-0.03	0.26	-0.63	-0.71	37 Laminin subur LAMA3
0.40	0.29	0.67	0.28	-0.16	-0.20	0.55	0.83	-0.41	-0.23	-0.41	-0.21	32 Laminin subur LAMA5
-0.20	-0.55	1.26	0.51	0.25	0.37	-0.07	0.03	-0.19	-0.32	-0.26	-0.61	34 Laminin subur LAMB1
-0.20	-0.59	0.40	-0.62	-0.15	-0.26	-1.10	-1.12	0.34	0.96	-0.72	-0.55	47 Laminin subur LAMB3
0.01	-0.24	0.84	-0.02	0.03	-0.14	0.14	0.11	-0.34	-0.42	-0.88	-0.70	16 Laminin subur LAMC1
-0.43	-0.80	0.98	0.07	-0.02	0.28	-1.34	-1.10	0.16	1.01	-0.96	-0.57	47 Laminin subur LAMC2
-0.33	0.12	-0.14	0.31	-0.10	-0.11	-0.12	0.01	0.01	0.41	-0.16	0.25	7 Lysosome-ass LAMP1

0.09	0.14	-0.51	0.08	-0.20	0.13	0.64	0.85	0.13	0.58	-0.03	0.19	5 Lysosome-ass LAMP2
0.33	-0.43	0.22	-0.08	0.28	0.15	-1.03	-1.01	-0.24	-0.19	-0.29	-0.43	18 Cytosol aminc LAP3
0.18	0.12	0.00	-0.40	0.10	-0.12	0.15	0.24	-0.09	-0.32	-0.21	-0.28	9 La-related pro LARP1
0.03	0.21	-0.15	0.04	-0.16	-0.14	0.22	0.12	-0.05	-0.04	-0.05	0.02	45 Leucine--tRNA LARS
-0.21	-0.55	0.22	0.03	-0.02	0.11	-0.09	0.00	-0.32	-0.20	-0.36	-0.27	14 LIM and SH3 c LASP1
0.00	0.27	-0.17	0.13	-0.04	-0.27	0.51	0.60	0.25	0.11	0.44	0.40	29 L-lactate dehy LDHA
0.21	0.16	0.13	0.11	0.08	0.00	-0.27	-0.39	-0.25	-0.26	0.24	0.13	23 L-lactate dehy LDHB
0.39	-0.03	0.95	0.22	-0.21	-0.74	-0.52	-0.36	0.15	-0.17	0.39	0.06	12 Low-density li LDLR
-0.11	0.39	0.17	0.19	0.20	0.00	-0.04	0.03	-0.13	-0.13	0.05	0.09	12 LETM1 and EF LETM1
0.06	-0.54	0.14	-0.11	0.36	0.11	-0.16	-0.21	0.35	0.40	-0.53	-0.20	11 Galectin-1 LGALS1
-0.13	0.02	-0.13	0.11	-0.06	-0.19	0.73	0.96	0.34	0.08	0.06	0.27	9 Galectin-3 LGALS3
-0.04	-0.50	0.01	-0.58	-0.09	0.19	-1.20	-0.92	0.05	0.24	-0.10	-0.41	29 LIM domain a LIMA1
0.31	0.41	0.18	0.08	-0.31	-0.01	0.20	0.20	-0.14	0.53	-0.11	-0.13	9 Protein ERGIC LMAN1
1.02	0.10	0.09	-1.24	-0.10	0.11	-0.16	-0.18	-0.02	-1.66	0.10	-1.16	47 Prelamin-A/C; LMNA
0.47	0.40	0.32	0.03	-0.07	0.04	0.15	0.06	0.32	0.15	-0.01	-0.35	12 Leucyl-cystiny LNPEP
-0.39	-0.23	-0.11	-0.20	-0.17	-0.38	-0.22	0.06	-0.01	-0.08	0.17	0.35	16 Lon protease LONP1
-0.01	0.17	0.01	-0.40	-0.06	-0.21	0.07	0.03	-0.19	-0.58	0.26	0.10	67 Leucine-rich P LRPPRC
-0.04	0.11	-0.05	0.15	-0.09	-0.26	0.33	0.38	0.03	-0.13	-0.03	-0.10	11 Leucine-rich r LRRC47
0.18	-0.12	-0.26	-0.38	0.06	0.06	-0.31	-0.28	0.03	0.29	-0.17	-0.06	8 Leucine-rich r LRRC59
-0.40	-0.35	0.04	0.14	-0.40	-0.20	-0.21	-0.09	0.20	0.31	0.11	0.13	18 Leucine-rich r LRRFIP1
-0.72	-0.62	-0.06	-0.08	-0.66	-0.41	0.04	0.29	0.14	0.30	0.15	0.58	16 Lanosterol syr LSS
0.11	0.37	-0.02	0.25	0.18	0.11	0.23	0.23	0.37	0.25	0.02	0.09	19 Leukotriene A LTA4H
-0.03	0.13	-0.08	0.36	-0.22	-0.13	-0.28	-0.13	-0.06	0.21	-0.05	0.12	6 Acyl-protein t LYPLA1
-0.16	0.33	-0.30	0.21	0.04	0.14	-0.18	0.00	-0.11	-0.11	-0.43	-0.09	7 Acyl-protein t LYPLA2
-0.20	0.17	0.01	0.44	-0.19	-0.13	0.26	0.52	0.12	0.06	0.22	0.54	252 MACF1
0.22	0.01	0.85	0.46	-0.23	-0.16	-0.10	0.27	0.24	0.38	-0.05	0.11	11 Alpha-manno: MAN2A1
0.26	0.05	-0.12	0.35	-0.06	-0.05	-0.74	-0.76	0.08	0.16	-0.15	0.02	11 Dual specificit MAP2K1
-0.16	-0.03	-0.07	-0.01	0.01	-0.09	0.02	0.08	0.02	-0.17	0.04	0.24	52 Microtubule-ε MAP4
0.05	0.06	-0.31	0.20	0.08	0.16	-0.06	-0.01	-0.02	0.00	0.09	0.26	12 Mitogen-activ MAPK1
0.02	0.31	0.26	-0.04	0.04	0.08	-0.24	-0.27	-0.37	-0.28	-0.18	0.07	10 Mitogen-activ MAPK14
0.42	0.53	-0.22	-0.10	0.09	0.10	0.69	0.80	0.00	-0.28	-0.53	-0.31	11 Microtubule-ε MAPRE1
-0.41	-0.30	-0.05	-0.54	0.20	0.08	0.19	0.15	0.07	-0.01	-0.40	-0.58	13 Myristoylated MARCKS
-0.16	0.12	-0.22	-0.11	-0.14	0.01	-0.11	0.11	-0.03	-0.03	0.16	0.23	19 Methionine--t MARS
-0.16	-0.22	0.05	-0.23	0.11	0.02	0.00	-0.06	-0.24	-0.44	-0.05	-0.11	15 S-adenosylme MAT2A
-0.18	-0.40	-0.10	-0.09	0.02	0.17	0.13	0.20	-0.53	-0.54	-0.16	-0.09	9 Methionine at MAT2B
0.13	-0.24	-0.38	-1.50	0.25	0.34	-0.18	-0.28	0.25	-0.53	0.16	-0.63	13 Matrin-3 MATR3
0.01	0.25	-0.30	-0.24	0.11	0.38	0.54	0.70	-0.19	-0.16	0.17	0.25	21 DNA replicatic MCM2
0.05	0.07	-0.19	-0.28	0.16	0.24	0.42	0.62	-0.13	-0.13	0.09	0.32	28 DNA replicatic MCM3
0.10	0.14	-0.28	-0.20	0.41	0.34	0.70	0.92	-0.15	-0.14	0.17	0.27	22 DNA replicatic MCM4
0.03	0.20	-0.17	-0.23	0.13	0.14	0.47	0.73	-0.14	-0.09	0.18	0.28	16 DNA replicatic MCM5
-0.04	0.03	-0.23	-0.31	0.11	0.30	0.60	0.82	-0.28	-0.26	0.09	0.24	30 DNA replicatic MCM6
0.04	0.07	0.15	-0.14	0.22	0.36	0.51	0.61	-0.23	-0.18	0.05	0.29	22 DNA replicatic MCM7
0.01	0.07	-0.04	0.09	-0.11	-0.03	0.09	0.25	0.04	0.06	-0.26	-0.08	10 Malignant T-c MCTS1
0.19	0.11	-0.05	0.17	0.04	0.03	-0.06	0.02	-0.04	-0.15	0.03	0.11	15 Malate dehyd MDH1
0.01	0.28	0.13	0.36	-0.03	-0.14	0.24	0.24	-0.09	-0.09	0.14	0.19	19 Malate dehyd MDH2
0.24	-0.07	0.20	-0.17	0.37	0.18	0.50	0.24	-0.30	-0.70	0.31	-0.17	30 Midasin MDN1
0.07	0.14	0.52	0.24	0.14	0.42	-0.21	0.01	0.21	-0.08	-0.07	0.22	6 Methionine at METAP1
-0.21	-0.07	0.45	0.60	-0.49	-0.26	-0.26	0.13	-0.02	0.22	-0.42	0.25	13 Bifunctional p MGEA5
0.30	0.42	0.50	0.22	-0.15	-0.04	-0.37	-0.26	-0.12	-0.34	-0.09	-0.22	5 MOB kinase a MOB1A;MOB1B
0.23	0.18	0.21	0.17	0.13	-0.05	-0.27	-0.19	0.18	-0.08	0.07	0.08	11 Mannosyl-olig MOGS

-0.63	-0.04	0.09	-0.03	-0.01	-0.17	-0.02	0.07	-0.38	-0.05	0.05	0.00	4 39S ribosomal MRPL37
0.14	-0.21	0.14	0.27	0.06	-0.14	-0.07	-0.13	0.05	-0.02	0.08	0.29	10 28S ribosomal MRPS7
0.29	0.26	-0.12	-0.26	-0.04	-0.16	0.31	0.52	-0.32	-0.44	0.09	0.02	22 DNA mismatch MSH2
-0.01	0.01	0.02	0.24	-0.06	-0.07	-0.12	0.06	0.04	0.09	-0.11	-0.08	63 Moesin MSN
0.50	-0.32	0.74	-0.13	0.11	0.24	-0.22	-0.49	-0.18	-0.09	0.12	-0.23	4 Metallothione MT2A;MT1G
0.02	0.07	-0.26	-0.29	-0.06	-0.06	0.59	0.61	-0.06	-0.25	0.06	0.14	50 C-1-tetrahydr MTHFD1
0.02	0.07	0.17	0.18	0.09	-0.02	0.88	0.85	-0.22	-0.12	-0.38	0.27	9 Serine/threon MTOR
-0.26	-0.22	0.01	-0.17	0.28	0.49	-0.48	-0.28	-0.88	-0.54	-0.41	-0.35	16 Methionine sy MTR
0.46	0.70	0.17	0.08	0.09	0.14	-0.22	-0.18	-0.22	-0.29	-0.24	0.04	9 Diphosphome MVD
-0.03	-0.41	0.62	0.62	-0.49	-0.20	-1.15	-0.90	-0.14	0.22	-0.14	0.14	34 Major vault pr MVP
0.86	-1.22	-0.11	-1.03	1.58	1.04	-4.75	-4.85	-1.88	-2.08	-0.61	-1.56	38 Interferon-ind MX1
-0.20	-0.15	-0.20	-1.78	-0.06	-0.24	-0.16	-0.29	-0.11	-0.88	0.37	-0.23	39 Myb-binding f MYBBP1A
-0.47	-0.11	-0.08	-0.05	0.39	0.34	-0.08	-0.13	0.00	-0.11	-0.26	-0.32	121 Myosin-10 MYH10
0.14	-0.20	0.11	0.43	-0.16	-0.19	-0.87	-1.09	-0.01	0.16	-0.01	-0.11	16 Myosin-14 MYH14
0.01	-0.19	0.11	0.03	0.02	-0.02	-0.85	-0.91	0.01	0.10	-0.17	-0.07	228 Myosin-9 MYH9
0.07	-0.38	0.30	0.02	-0.03	0.02	-0.86	-1.06	0.11	0.18	-0.26	-0.26	10 Myosin regula MYL12A;MYL12B;MYL9
-0.10	-0.28	0.24	0.02	0.00	0.06	-0.63	-0.66	0.08	0.21	-0.14	-0.06	10 Myosin light p MYL6
0.09	0.23	0.27	-0.07	-0.01	0.06	-1.21	-1.07	0.54	0.24	-0.01	-0.27	26 Unconvention MYO18A
0.24	-0.48	0.02	-0.64	0.15	0.28	-1.02	-1.18	0.24	-0.02	-0.35	-0.53	41 Unconvention MYO1B
-0.26	-0.46	-0.18	-0.41	-0.03	0.28	-0.74	-0.54	-0.10	-0.07	-0.10	0.05	35 Unconvention MYO1C
-0.10	0.14	-0.05	0.23	0.06	0.17	-0.19	-0.06	-0.21	-0.11	0.02	0.36	28 Unconvention MYO1E
0.23	0.50	0.07	0.09	0.09	0.16	-0.55	-0.64	0.25	0.17	0.65	0.55	10 Unconvention MYO5A
0.18	0.28	0.24	0.64	0.11	0.27	-0.10	0.07	0.34	0.34	-0.13	0.26	29 Unconvention MYO6
0.20	-0.02	0.17	0.06	-1.99	-1.88	0.24	0.31	0.27	0.34	0.30	0.40	72 Myoferlin MYOF
0.16	0.44	-0.28	0.00	0.17	0.11	0.11	0.10	0.00	-0.21	0.18	0.04	36 N-alpha-acety NAA15
0.19	0.23	0.43	0.10	0.00	0.00	-0.05	-0.14	-0.20	-0.16	0.02	-0.06	12 N-alpha-acety NAA50
-0.13	-0.13	0.18	-0.25	0.07	-0.09	-0.06	-0.18	-0.03	-0.47	0.04	-0.03	6 Nascent polyp NACA
0.14	0.18	-0.22	0.00	-0.24	-0.21	0.08	0.16	-0.01	0.07	-0.10	-0.20	7 Sialic acid syni NANS
0.32	0.16	-0.33	-0.34	0.15	-0.09	0.13	-0.13	-0.11	-0.24	0.21	0.04	9 Nucleosome a NAP1L1
-0.03	-0.02	0.07	0.05	0.22	0.17	0.23	0.01	-0.05	-0.05	-0.12	-0.09	11 Nucleosome a NAP1L4
-0.12	0.05	0.11	-0.07	-0.31	-0.20	-0.08	-0.31	0.06	0.20	-0.03	-0.01	15 Asparagine--tI NARS
0.11	0.22	-0.30	-0.21	0.30	0.46	0.84	0.86	-0.48	-0.58	-0.46	-0.46	20 Nuclear autoa NASP
0.11	0.36	0.21	-0.11	-0.21	-0.41	0.14	0.39	-0.18	-0.40	-0.30	-0.03	8 Delta(24)-ster Nbla03646;DHCR24
0.06	-0.01	0.18	-0.40	0.24	0.21	-0.05	-0.23	-0.16	-0.46	-0.15	-0.20	23 Condensin cor NCAPD2
-0.02	-0.28	0.23	-0.06	0.24	0.20	-0.14	-0.23	-0.27	-0.09	0.13	-0.04	13 Condensin cor NCAPG
-0.05	0.27	-0.19	-0.10	0.06	0.17	0.22	0.40	0.06	0.01	-0.12	0.00	11 Nuclear cap-b NCBP1
-0.09	0.08	0.09	0.22	-0.11	0.10	0.16	0.34	0.10	0.02	0.02	0.42	27 Nck-associate NCKAP1
0.03	-0.16	0.04	-0.33	0.02	-0.19	-0.12	-0.23	-0.14	-0.43	0.13	-0.21	39 Nucleolin NCL
-0.01	0.19	0.15	0.03	-0.38	0.03	0.20	0.32	-0.26	-0.37	-0.24	0.30	8 Nicastrin NCSTN
-0.05	0.58	-1.02	-0.21	0.06	-0.52	0.92	1.04	-0.01	0.13	0.72	0.77	9 Protein NDRG NDRG1
-0.15	-0.47	0.03	0.32	-0.05	-0.16	-0.11	0.17	-0.28	-0.13	-0.08	0.19	6 NADH dehydr NDUFA8
-0.08	-0.08	0.04	0.26	-0.03	-0.03	0.06	0.18	-0.40	-0.23	0.25	0.29	5 NADH dehydr NDUFB10
-0.28	-0.37	0.32	0.22	-0.08	-0.18	-0.07	-0.04	-0.37	-0.16	0.07	0.19	19 NADH-ubiquir NDUFS1
-0.03	0.28	0.21	0.08	-0.37	-0.16	0.03	0.23	-0.25	-0.12	-0.11	0.01	6 NADH dehydr NDUFS2
0.09	-0.12	0.27	0.03	0.00	0.18	0.29	0.46	-0.20	-0.04	-0.16	-0.06	5 NEDD8 NEDD8;NEDD8-MDP1
0.31	0.17	0.33	-0.01	0.19	0.21	-0.07	-0.24	-0.07	-0.28	-0.28	-0.46	12 Nuclear expor NEMF
0.36	0.41	0.12	0.32	-0.01	0.00	-0.54	-0.44	0.14	0.10	-0.24	-0.07	10 Omega-amida NIT2
0.16	0.05	-0.06	0.02	0.06	0.01	0.02	-0.03	-0.10	-0.07	0.07	0.06	18 Nucleoside dij NME1-NME2;NME2;NME1
-0.16	0.02	-0.03	0.12	-0.28	-0.16	0.75	1.13	-0.12	0.09	0.01	0.10	12 NAD(P) transh NNT
-0.02	-0.15	0.31	0.07	0.06	0.02	-0.15	-0.23	0.09	0.06	0.06	-0.03	17 Nodal modula NOMO1

0.65	0.03	-0.25	-1.11	0.07	0.39	-0.48	-0.50	0.04	-0.56	0.12	-0.88	17 Non-POU dom	NONO
0.09	-0.03	0.25	-0.41	0.08	0.05	-0.43	-0.36	-0.36	-0.36	0.23	-0.33	8 Putative ribos	NOP2
-0.41	-0.15	-0.13	0.28	-0.14	0.24	0.99	1.19	0.19	0.12	0.33	0.69	6 Niemann-Pick	NPC1
-0.28	-0.25	-0.08	0.13	-0.20	-0.02	0.10	0.47	0.13	0.46	-0.06	-0.01	7 Epididymal se	NPC2
-0.14	0.18	-0.16	0.45	0.09	0.01	0.17	0.49	0.25	0.29	-0.15	0.14	31 Puromycin-se	NPEPPS
0.00	-0.08	0.10	0.12	0.24	0.15	-0.03	-0.04	0.06	0.01	-0.24	-0.20	5 Nuclear prote	NPLOC4
-0.13	-0.24	-0.10	-0.31	-0.06	0.00	-0.01	-0.22	0.10	0.19	0.10	-0.11	15 Nucleophosm	NPM1
-0.44	-0.26	1.67	1.25	-0.23	-0.16	-0.31	-0.67	-0.15	-0.24	0.35	0.15	4 Nucleoplasmii	NPM3
-0.57	-0.53	0.15	0.70	-1.60	-1.37	-1.30	-0.71	-0.52	-0.26	0.52	0.97	10 NAD(P)H dehy	NQO1
-0.04	0.07	0.00	0.13	-0.02	0.09	0.19	0.15	-0.08	-0.23	-0.08	-0.08	18 Nardilysin	NRD1
-0.07	0.07	0.06	0.18	-0.36	-0.40	-0.57	-0.16	0.06	0.17	-0.11	-0.04	9 Sterol-4-alpha	NSDHL
-0.11	0.29	-0.18	-0.09	-0.07	-0.09	0.97	1.02	-0.28	-0.27	-0.15	-0.04	14 NSFL1 cofacto	NSFL1C
-0.12	-0.03	0.00	-0.11	-0.10	-0.10	0.15	0.04	0.00	0.00	0.05	0.08	23 tRNA (cytosin	NSUN2
0.20	0.09	-0.06	0.12	0.05	-0.04	0.12	-0.03	-0.16	-0.22	-0.02	-0.12	22 Nuclear migra	NUDC
0.14	-0.03	0.06	-0.62	0.01	0.19	-0.24	-0.06	0.10	-0.37	-0.91	-1.10	9 Cleavage and	NUDT21
0.04	0.12	-0.04	0.10	-0.10	-0.06	0.11	0.15	-0.20	-0.29	0.03	0.19	9 ADP-sugar pyr	NUDT5
-0.50	-0.25	0.05	0.30	0.17	0.31	0.09	0.12	0.31	0.46	-0.30	0.29	37 Nuclear mitot	NUMA1
0.14	-0.01	0.09	-0.06	0.26	-0.10	0.17	0.09	-0.16	-0.24	0.11	0.11	10 Nuclear pore	NUP107
0.09	0.18	0.05	-0.23	-0.43	-0.17	0.18	0.08	-0.16	-0.39	-0.29	0.02	15 Nuclear pore	NUP133
0.22	-0.06	-0.57	-0.64	0.14	0.18	0.33	-0.01	0.16	-0.55	0.01	-0.31	8 Nuclear pore	NUP153
-0.11	-0.18	0.09	0.08	0.01	-0.14	0.25	0.33	0.03	-0.09	0.04	-0.12	19 Nuclear pore	NUP155
0.01	-0.25	0.20	0.11	0.04	-0.10	0.78	0.05	-0.23	-0.21	0.27	-0.06	10 Nuclear pore	NUP160
0.13	0.16	0.20	-0.03	-0.18	-0.14	0.64	0.39	-0.06	-0.44	0.07	-0.30	8 Nucleoporin	NUP188
0.10	0.16	0.22	-0.10	0.21	0.01	0.36	0.26	-0.02	-0.40	0.17	0.03	28 Nuclear pore	NUP205
-0.04	0.02	0.21	-0.14	0.03	-0.32	0.15	0.04	-0.13	-0.24	0.15	-0.01	25 Nuclear pore	NUP93
-0.06	0.01	0.58	0.51	-0.36	-0.02	0.03	-0.22	-0.08	-0.22	-0.16	-0.17	7 Nucleoredoxir	NXN
0.44	-0.52	-0.16	-0.21	1.15	0.83	-2.12	-1.98	-1.30	-1.42	0.21	-0.07	32 2-5-oligoaden	OAS3
0.57	0.40	0.55	0.25	-0.11	-0.22	0.05	-0.02	-0.21	-0.03	0.01	-0.04	18 Ornithine ami	OAT
0.27	0.47	-0.01	0.19	-0.04	0.11	-0.02	-0.04	0.04	0.05	0.18	0.22	16 Obg-like ATPa	OLA1
0.01	0.32	0.13	0.32	-0.19	0.16	0.14	0.28	0.10	-0.17	0.02	-0.01	7 Dynamin-like	OPA1
-0.13	-0.08	-0.10	-0.05	0.08	0.37	0.11	0.30	-0.02	0.19	-0.09	0.28	6 Osteoclast-sti	OSTF1
0.11	0.08	0.14	0.10	-0.04	-0.08	-0.06	-0.03	-0.15	-0.18	-0.04	-0.05	10 Ubiquitin thio	OTUB1
-0.32	-0.17	0.12	0.56	-0.16	-0.01	0.46	0.39	-0.09	0.05	-0.20	0.16	7 Serine/threon	OXSRL1
0.01	-0.23	-0.02	-0.24	-0.12	-0.17	-0.39	-0.33	0.15	0.23	-0.21	-0.18	31 Protein disulfi	P4HB
0.05	0.24	0.08	0.04	-0.17	-0.17	0.12	0.05	-0.08	-0.13	0.04	-0.03	25 Proliferation- $\epsilon$	PA2G4
-0.02	-0.14	-0.15	-0.27	0.22	0.10	-0.06	-0.08	0.02	-0.18	0.04	-0.10	33 Polyadenylate	PABPC1
-0.04	0.18	0.06	-0.01	0.23	0.02	0.28	0.09	-0.02	-0.10	-0.19	-0.27	22 Polyadenylate	PABPC4
-0.12	-0.15	-0.02	0.14	0.08	0.11	0.07	0.19	0.14	0.24	0.04	0.18	15 Platelet-activ $\epsilon$	PAFAH1B1
-0.16	-0.13	-0.72	0.01	0.07	0.15	-0.17	0.09	-0.21	-0.04	0.00	-0.15	8 Platelet-activ $\epsilon$	PAFAH1B2
0.26	0.15	-0.31	-0.28	0.16	0.17	0.26	0.20	-0.10	-0.23	-0.37	-0.23	10 Platelet-activ $\epsilon$	PAFAH1B3
0.12	0.19	0.16	0.11	-0.09	-0.07	0.09	-0.08	-0.19	-0.19	0.02	-0.05	22 Multifunction	PAICS
0.06	-0.03	-0.05	-0.04	0.04	0.21	-0.18	-0.06	-0.15	0.09	-0.16	0.01	9 Serine/threon	PAK2
-0.32	-0.44	0.34	0.04	0.48	0.53	-0.76	-0.89	0.01	0.11	0.10	-0.05	20 Palladin	PALLD
0.11	-0.10	-0.06	-0.13	0.31	0.52	-0.16	-0.06	0.12	-0.04	0.47	0.17	10 Bifunctional 3	PAPSS1
0.12	0.02	-0.04	-0.03	-0.02	-0.01	0.37	0.24	-0.09	-0.17	-0.01	-0.08	20 Protein DJ-1	PARK7
0.22	0.05	-0.18	-1.13	0.20	0.19	0.01	-0.04	-0.26	-0.62	0.38	0.19	30 Poly [ADP-rib $\epsilon$	PARP1
0.59	-0.70	1.14	0.00	1.10	0.67	1.15	-1.96	-0.62	-0.55	-0.62	-0.88	12 Poly [ADP-rib $\epsilon$	PARP14
-0.03	0.06	0.02	0.17	0.22	-0.11	-0.33	-0.29	-0.29	-0.57	0.05	-0.01	8 Protein PBDC:	PBDC1
0.16	0.11	-0.21	-0.25	0.10	0.25	-0.21	0.03	0.31	0.47	-0.22	-0.36	18 Pyruvate carb	PC
-0.06	-0.09	0.16	0.15	0.01	-0.14	-0.02	-0.10	0.02	-0.21	0.02	-0.06	12 Poly(rC)-bindi	PCBP1

-0.10	-0.26	0.25	0.03	0.07	0.05	-0.10	-0.30	-0.16	-0.16	-0.05	-0.27	11 Poly(rC)-bindi	PCBP2
0.10	0.13	-0.20	-0.06	0.03	0.15	0.25	0.32	-0.05	0.08	-0.10	0.05	11 Protein-L-isoa	PCMT1
0.04	0.33	-0.19	-0.30	0.08	0.09	0.73	0.81	-0.37	-0.22	-0.26	-0.19	15 Proliferating c	PCNA
0.17	0.04	-0.07	-0.03	0.08	0.03	-0.23	0.14	-0.11	-0.07	-0.06	-0.08	7 PEST proteoly	PCNP
0.16	0.12	0.08	0.02	-0.04	0.23	-0.29	-0.19	0.26	0.44	-0.09	0.09	7 Programmed i	PDCD10
-0.05	0.24	-0.01	0.42	-0.10	-0.18	0.12	0.26	0.16	0.11	0.19	0.46	42 Programmed i	PDCD6IP
-0.24	0.02	-0.23	-0.05	0.10	-0.04	0.02	0.23	-0.22	-0.16	0.13	0.19	6 Pyruvate dehy	PDHA1
-0.13	-0.41	0.14	-0.23	-0.27	-0.28	-0.58	-0.49	-0.06	0.14	-0.32	-0.29	36 Protein disulfi	PDIA3
0.10	-0.40	0.15	-0.28	-0.12	-0.24	-0.83	-0.68	-0.17	-0.10	-0.42	-0.53	39 Protein disulfi	PDIA4
0.14	-0.21	0.01	-0.29	-0.30	-0.37	-0.65	-0.50	0.05	0.20	-0.40	-0.28	17 Protein disulfi	PDIA6
-0.12	-0.70	-0.50	-0.66	-0.19	-0.22	-0.15	0.14	0.16	-0.04	-0.32	0.00	17 PDZ and LIM c	PDLIM1
-0.55	-0.27	-0.05	0.09	-0.19	0.00	-0.22	0.05	-0.34	-0.28	-0.15	0.32	18 PDZ and LIM c	PDLIM5
-0.71	-1.09	-0.10	-0.76	-0.04	0.26	-0.45	-0.97	0.23	0.35	-0.67	-0.40	10 PDZ and LIM c	PDLIM7
0.12	0.26	0.17	-0.54	0.16	0.13	0.29	0.30	-0.08	-0.37	-0.04	-0.18	24 Sister chroma	PDS5A
-0.02	-0.10	-0.24	-0.55	0.15	0.24	0.12	0.46	0.05	-0.02	0.18	0.10	9 Sister chroma	PDS5B
0.06	0.17	-0.08	0.23	-0.08	-0.02	-0.25	-0.21	0.09	0.06	-0.46	-0.31	8 Pyridoxal kina	PDXK
-0.02	-0.02	0.04	0.02	-0.06	-0.19	0.31	0.14	-0.01	-0.17	0.17	0.12	12 Phosphatidyle	PEBP1
0.08	-0.05	0.01	-0.28	0.04	-0.02	0.00	-0.23	-0.22	-0.54	-0.16	-0.39	10 Proline-, gluta	PELP1
-0.14	-0.19	-0.08	0.06	-0.11	-0.18	0.28	0.02	-0.16	-0.27	0.07	-0.03	19 Phosphoribos	PFAS
-0.04	0.20	-0.07	0.21	0.09	0.04	-0.09	0.08	-0.04	-0.04	0.33	0.05	14 6-phosphofru	PFKL
0.39	0.54	0.00	0.17	0.08	-0.01	0.24	0.38	-0.08	-0.42	0.29	0.34	16 6-phosphofru	PFKM
0.12	0.11	-0.10	0.16	-0.18	-0.06	0.09	0.16	0.24	0.35	0.09	0.26	31 6-phosphofru	PFKP
-0.18	-0.38	0.17	0.02	0.06	0.12	-0.33	-0.21	-0.03	0.01	-0.08	-0.05	17 Profilin-1	PFN1
0.04	0.08	0.11	0.15	0.13	-0.01	0.07	0.09	0.07	0.02	-0.01	0.04	19 Phosphoglyce	PGAM1
0.33	0.40	-0.21	-0.21	0.15	0.12	0.26	0.25	-0.23	-0.24	0.24	0.31	19 6-phosphoglu	PGD
-0.01	0.12	-0.16	0.06	-0.11	-0.15	0.22	0.32	-0.04	-0.04	0.05	0.18	32 Phosphoglyce	PGK1
-0.38	-0.40	-0.08	0.16	0.23	0.15	-0.47	-0.41	0.17	0.01	-0.33	-0.21	8 6-phosphoglu	PGLS
0.26	-0.11	0.07	-0.23	0.05	0.14	0.04	-0.14	-0.27	-0.28	-0.12	0.01	20 Phosphogluco	PGM1
-0.17	-0.35	-0.26	-0.08	-0.12	0.02	0.10	0.09	-0.31	-0.15	-0.01	-0.08	12 Membrane-as	PGRMC1
0.12	0.15	0.17	0.31	-0.20	-0.12	0.11	0.15	-0.18	0.09	-0.22	-0.15	5 Membrane-as	PGRMC2
-0.01	0.04	-0.11	0.13	-0.04	-0.05	0.08	0.12	-0.12	-0.14	-0.08	-0.06	17 Prohibitin	PHB
0.00	0.15	0.04	0.17	-0.07	-0.12	0.06	0.17	-0.21	-0.06	0.08	0.11	18 Prohibitin-2	PHB2
-0.10	-0.02	-0.13	0.16	-0.96	-0.78	-0.08	0.23	-0.02	0.37	-0.20	0.24	22 D-3-phosphog	PHGDH
0.00	0.17	0.11	0.00	0.17	0.22	-0.09	-0.33	0.00	0.18	-0.18	-0.24	4 Phosphatidyl	PICALM
-0.06	0.10	-0.07	0.13	0.07	0.07	-0.53	-0.56	-0.04	0.08	0.05	0.02	10 Phosphatidyl	PITPNB
-0.03	0.23	-0.17	0.23	-0.33	-0.24	0.52	0.40	-0.65	-0.62	0.08	0.27	18 Presequence	PITRM1
0.22	0.20	-0.13	-0.09	-0.01	-0.09	-0.28	-0.20	-0.15	-0.17	0.08	0.03	51 Pyruvate kina	PKM
-0.28	0.14	-0.03	0.02	0.18	0.00	0.52	0.66	0.59	0.50	0.00	-0.09	16 Plakophilin-3	PKP3
-0.23	-0.10	-0.16	-0.02	-0.07	0.07	-0.02	0.09	-0.26	-0.11	-0.13	0.04	29 1-phosphatid	PLCB3
1.63	-0.03	0.11	-1.36	-0.08	0.29	-1.37	-1.43	-1.49	-2.27	0.49	-1.86	258 Plectin	PLEC
0.00	-0.02	0.06	0.18	0.30	0.56	-0.37	-0.21	-0.12	-0.05	-0.11	0.10	14 Perilipin-3	PLIN3
-0.27	-0.33	-0.29	0.05	-0.10	-0.06	-0.38	-0.25	-0.12	0.03	0.26	0.40	28 Plastin-3	PLS3
-0.45	0.11	-0.19	0.30	-0.14	0.49	-0.28	0.31	-0.01	0.50	0.01	0.25	8 Phosphomeva	PMVK
-0.22	0.09	-0.09	0.24	-0.14	-0.16	-0.03	0.06	-0.35	-0.31	-0.06	0.05	16 Purine nucleo	PNP
0.17	0.17	0.00	-0.13	0.19	0.13	0.06	0.00	-0.24	-0.09	-0.35	-0.09	14 DNA polymer	POLD1
-0.04	-0.20	0.42	0.01	-0.05	0.05	-0.13	-0.08	-0.15	-0.17	0.08	0.01	18 DNA-directed	POLR2B
0.10	-0.31	0.02	-0.52	0.19	0.28	0.05	-0.20	0.03	-0.47	0.32	-0.32	10 Ribonucleas	POP1
0.15	0.45	-0.10	0.06	0.08	0.10	0.12	0.17	-0.17	-0.54	-0.02	0.06	16 Inorganic pyrc	PPA1
0.40	0.16	0.14	0.00	0.10	0.15	0.27	-0.04	-0.08	-0.16	0.00	-0.20	9 Amidophosph	PPAT
-0.72	7.63	1.11	4.22	0.78	5.75	-0.07	5.96	1.04	6.45	-4.13	-2.43	1 Liprin-alpha-4	PPFIA4

-0.10	-0.04	-0.05	0.07	0.06	0.07	0.18	0.25	0.00	0.00	0.09	0.13	14 Peptidyl-proly PPIA
0.04	-0.31	-0.08	-0.26	-0.20	-0.18	-0.69	-0.61	0.02	0.27	-0.32	-0.20	21 Peptidyl-proly PPIB
0.22	0.17	-0.34	-0.18	0.00	0.08	0.30	0.30	-0.17	-0.42	-0.22	-0.23	6 Peptidyl-proly PPIH
0.10	0.01	0.32	0.08	0.08	0.19	0.06	0.00	0.11	0.22	-0.05	-0.02	16 Serine/threon PPP1CA
-0.04	0.08	0.31	0.26	-0.20	0.01	-0.14	0.08	-0.01	-0.09	0.00	0.21	15 Serine/threon PPP1CB
0.41	0.04	0.19	-0.23	0.51	0.48	-0.43	-0.38	-0.10	-0.13	-0.14	-0.43	9 Protein phosp PPP1R12A
-0.15	-0.02	-0.08	0.04	0.01	0.02	0.19	0.15	0.10	0.07	-0.03	0.00	25 Serine/threon PPP2R1A
-0.27	0.13	-0.38	-0.08	0.19	0.07	0.06	0.14	0.11	0.08	-0.13	0.23	8 Serine/threon PPP2R2A
-0.02	-0.24	0.27	0.06	0.07	0.02	-0.72	-0.65	0.11	0.11	-0.19	-0.24	6 Serine/threon PPP3CA;PPP3CB
-0.11	0.12	0.45	-0.06	0.00	0.00	0.06	-0.32	0.04	-0.39	0.23	0.00	10 Serine/threon PPP6R3
-0.16	-0.06	-0.06	0.17	-0.20	-0.17	0.24	0.34	-0.02	0.06	0.08	0.20	26 Peroxiredoxin PRDX1
0.13	0.12	-0.16	0.08	0.12	-0.09	0.63	0.50	0.25	0.03	0.21	0.14	14 Peroxiredoxin PRDX2
0.08	-0.18	0.15	0.25	0.13	0.15	-0.17	-0.23	-0.36	-0.17	-0.03	-0.23	8 Thioredoxin-d PRDX3
-0.12	-0.03	-0.02	-0.04	-0.03	0.08	0.07	0.17	-0.27	0.01	-0.24	-0.20	10 Peroxiredoxin PRDX4
0.06	0.09	0.09	0.24	-0.05	-0.09	0.21	0.23	-0.12	-0.25	0.00	0.07	18 Peroxiredoxin PRDX6
0.40	0.29	-0.04	-0.01	0.06	-0.02	-0.04	0.17	0.22	0.00	-0.08	0.06	21 Prolyl endope PREP
0.05	0.01	-0.12	-0.09	-0.20	-0.09	0.15	0.39	-0.24	0.01	-0.20	0.00	18 Glucosidase 2 PRKCSH
0.07	0.14	-0.21	-0.12	0.04	-0.05	0.32	0.37	-0.13	-0.22	0.04	0.06	207 DNA-depende PRKDC
-0.10	-0.21	0.00	-0.15	0.08	0.06	0.10	-0.12	-0.16	-0.14	0.01	0.00	16 Protein arginii PRMT1
0.38	0.39	-0.25	0.14	-0.33	-0.37	0.45	0.36	-0.31	-0.30	0.01	0.04	13 Protein arginii PRMT5
0.12	0.09	-0.48	-0.75	-0.01	-0.08	0.54	0.31	-0.25	-0.40	0.00	-0.25	6 Pre-mRNA-prc PRPF19
0.24	-0.01	0.03	-0.50	0.14	-0.02	0.26	0.04	0.30	-0.52	0.15	-0.30	35 Pre-mRNA-prc PRPF8
0.20	0.36	0.01	0.17	0.10	0.27	0.18	0.37	-0.38	-0.22	-0.11	-0.13	9 Ribose-phospl PRPS1
0.05	0.13	0.21	-0.28	0.01	-0.12	0.07	-0.17	0.10	-0.57	-0.06	-0.24	13 Protein PRC2 PRRC2C
-0.35	-0.28	-0.22	-0.09	-0.96	-0.31	-1.31	-0.65	0.13	0.73	-0.16	0.34	18 Phosphoserin PSAT1
0.04	0.15	-0.04	0.01	0.11	0.13	0.07	0.08	-0.11	0.12	-0.20	-0.09	22 Proteasome si PSMA1
0.11	0.11	0.15	0.18	0.13	0.12	0.21	0.22	0.01	0.08	-0.07	-0.07	12 Proteasome si PSMA2
0.28	0.22	-0.10	0.16	0.12	0.22	0.06	0.09	0.04	0.11	-0.09	-0.06	11 Proteasome si PSMA3
0.25	0.28	-0.01	0.06	0.07	0.17	0.10	0.10	-0.25	-0.14	0.03	-0.02	11 Proteasome si PSMA4
0.03	0.05	-0.06	0.09	0.10	0.08	0.10	0.12	-0.10	0.00	-0.13	-0.12	7 Proteasome si PSMA5
0.02	0.18	-0.02	0.11	0.12	0.18	0.30	0.28	-0.02	0.10	-0.11	-0.08	11 Proteasome si PSMA6
0.01	0.15	-0.17	-0.01	0.11	0.07	0.29	0.26	-0.05	0.08	-0.06	-0.14	15 Proteasome si PSMA7
0.07	0.12	-0.01	0.18	0.12	0.12	0.27	0.27	0.04	0.12	-0.15	-0.06	13 Proteasome si PSMB1
0.07	0.21	0.01	0.07	0.05	0.12	0.12	0.29	-0.15	-0.14	-0.29	-0.13	12 Proteasome si PSMB2
0.12	0.13	0.00	0.12	0.03	0.23	0.16	0.24	-0.03	0.07	-0.12	-0.11	7 Proteasome si PSMB3
0.13	0.08	0.20	0.22	0.04	0.03	0.14	0.16	0.05	0.14	-0.26	-0.14	8 Proteasome si PSMB4
-0.04	0.19	-0.13	0.11	0.00	0.10	0.53	0.53	0.09	0.17	-0.10	0.02	12 Proteasome si PSMB5
-0.13	0.10	-0.08	0.18	-0.07	-0.04	0.41	0.45	0.14	0.24	0.01	0.12	5 Proteasome si PSMB6
0.10	0.28	-0.13	0.10	0.02	0.10	0.19	0.24	-0.08	0.12	-0.10	0.07	8 Proteasome si PSMB7
-0.02	0.03	-0.19	0.06	0.11	0.37	-0.23	0.00	0.03	0.05	-0.20	0.00	12 26S protease PSMC1
0.08	0.06	-0.41	0.06	0.03	0.18	0.00	0.01	-0.03	-0.09	-0.15	-0.05	24 26S protease PSMC2
-0.06	0.00	0.19	0.16	-0.06	0.03	0.21	0.24	0.00	0.04	-0.04	-0.03	16 26S protease PSMC3
0.02	0.16	-0.42	-0.01	0.12	0.11	-0.11	0.00	-0.03	0.06	-0.09	0.08	18 26S protease PSMC4
-0.06	0.09	-0.05	0.09	-0.04	0.20	-0.01	-0.11	0.04	0.01	0.03	0.06	16 26S protease PSMC5
0.06	0.15	0.13	0.14	-0.01	0.05	0.11	0.26	-0.01	-0.03	-0.05	0.00	18 26S protease PSMC6
-0.10	0.07	-0.06	0.08	0.10	0.16	0.09	0.04	0.01	0.08	0.00	0.11	39 26S proteasor PSMD1
0.02	0.09	-0.14	-0.02	0.11	0.20	-0.09	-0.01	-0.06	0.00	0.01	0.14	19 26S proteasor PSMD11
0.03	0.09	0.01	0.06	-0.01	0.13	0.09	0.06	0.03	0.00	0.07	0.15	17 26S proteasor PSMD12
0.00	0.11	-0.09	-0.02	0.06	0.27	-0.05	-0.12	-0.04	0.06	0.08	0.14	20 26S proteasor PSMD13
0.01	0.20	-0.04	0.15	-0.10	0.12	-0.19	-0.13	-0.13	-0.03	-0.07	0.02	7 26S proteasor PSMD14

0.01	-0.03	0.14	0.05	0.01	0.10	-0.22	-0.23	-0.13	-0.06	-0.10	-0.10	40 26S proteasor PSMD2
-0.05	0.01	-0.09	0.05	0.11	0.11	-0.11	-0.06	0.03	-0.02	0.14	0.15	24 26S proteasor PSMD3
0.04	0.10	0.11	0.25	0.06	0.15	0.06	0.16	0.05	0.14	0.01	0.02	11 26S proteasor PSMD4
-0.20	-0.29	-0.07	-0.05	0.17	0.13	0.46	0.44	-0.01	-0.18	-0.20	0.07	9 26S proteasor PSMD5
-0.11	-0.03	-0.24	0.15	0.11	0.22	0.00	0.01	0.07	0.00	0.01	0.09	21 26S proteasor PSMD6
0.05	0.21	-0.16	0.06	0.16	0.23	-0.07	0.00	-0.11	-0.05	0.18	0.25	10 26S proteasor PSMD7
-0.02	0.19	0.29	0.20	-0.02	0.03	-0.01	0.02	-0.08	-0.02	0.04	0.12	9 26S proteasor PSMD8
0.23	-0.08	0.08	-0.02	0.51	0.38	-0.26	-0.19	-0.23	-0.23	-0.23	-0.38	13 Proteasome a PSME1
0.27	-0.15	0.18	0.01	0.47	0.32	-0.42	-0.51	-0.22	-0.19	-0.13	-0.50	13 Proteasome a PSME2
-0.10	-0.22	-0.41	0.08	-0.66	-0.12	-1.66	-1.48	0.03	0.56	-0.73	-0.05	5 Phosphoserin PSPH
0.04	-0.04	-0.11	-0.18	0.13	0.12	0.08	0.07	0.02	-0.10	0.00	0.04	16 Polypyrimidin PTBP1
-0.29	-0.14	0.21	-0.17	0.02	-0.04	0.12	0.06	-0.23	-0.75	0.05	-0.14	7 Prothymosin PTMA
0.03	-0.17	-0.20	-0.13	0.27	0.04	0.45	-0.20	-0.20	-0.58	0.24	-0.10	3 Parathymosin PTMS
-0.05	0.26	0.07	0.37	-1.60	-1.89	1.07	1.13	0.14	0.18	0.47	0.58	2 Very-long-cha PTPLB
0.37	0.36	0.00	0.02	-0.12	-0.09	0.91	0.96	-0.38	-0.11	-0.45	-0.31	11 Tyrosine-protr PTPN1
-0.02	-0.40	0.16	-0.41	0.07	0.04	0.31	0.13	-0.20	-0.12	-0.01	-0.11	14 Polymerase I PTRF
-0.08	-0.67	0.48	-0.04	0.09	0.13	-0.33	-0.33	-0.08	-0.23	-0.03	-0.28	8 Paxillin PXN
0.57	0.76	-0.34	0.05	-0.12	-0.11	-1.07	0.40	-0.07	0.08	0.35	0.60	7 Apoptosis-ass PYCARD
0.30	0.35	-0.51	-0.20	-0.06	-0.21	0.56	0.62	0.26	0.32	0.32	0.34	54 Glycogen pho PYGB
-0.19	-0.23	0.26	0.43	0.27	0.37	-0.35	-0.22	0.13	0.16	-0.72	-0.68	54 Glycogen pho PYGL
-0.16	-0.12	-0.14	0.11	-0.04	0.07	-0.05	0.11	0.02	0.02	-0.05	0.11	33 Glutamine--tr QARS
-0.41	-0.63	0.25	-0.12	0.28	0.22	0.02	-0.01	0.13	0.14	-0.20	-0.29	7 Dihydropterid QDPR
-0.08	0.43	0.08	0.54	0.13	0.04	-0.01	0.19	0.29	0.29	0.01	0.20	10 Ras-related pr RAB10
0.02	0.07	0.27	0.42	-0.04	-0.03	-0.32	-0.12	0.14	0.17	0.02	0.13	11 Ras-related pr RAB11B
0.46	0.19	0.52	0.17	0.47	0.58	0.11	0.06	-0.01	-0.07	-0.10	-0.11	5 Ras-related pr RAB13
0.10	0.20	0.04	0.29	0.11	0.09	0.41	0.39	0.02	0.13	-0.09	-0.02	15 Ras-related pr RAB14
-0.13	0.08	0.03	0.23	0.00	0.06	-0.07	0.03	0.25	0.34	-0.08	0.20	12 Ras-related pr RAB18
0.03	0.01	0.00	0.25	-0.07	0.00	-0.01	0.10	0.03	0.27	-0.03	0.11	17 Ras-related pr RAB1A
0.02	0.01	-0.47	0.09	-0.03	0.03	0.30	0.38	0.11	0.15	0.09	0.18	13 Ras-related pr RAB1B
0.13	0.10	0.20	0.28	0.04	0.02	0.31	0.39	-0.96	-0.65	0.02	0.18	7 Ras-related pr RAB21
0.30	0.31	0.18	0.22	-0.06	-0.11	0.13	0.13	-0.06	0.06	-0.11	0.06	11 Ras-related pr RAB2A
-0.19	-0.60	0.11	-0.17	-0.13	0.09	0.16	0.05	-0.38	0.10	-0.26	0.13	9 Ras-related pr RAB32
0.17	0.11	0.11	0.13	0.12	-0.01	-0.44	-0.44	-0.14	-0.17	-0.01	-0.05	19 Rab3 GTPase- RAB3GAP1
0.01	-0.04	0.01	0.04	0.11	0.13	-0.42	-0.34	-0.13	-0.12	-0.02	0.01	14 Rab3 GTPase- RAB3GAP2
-0.02	-0.21	0.70	0.22	1.00	0.25	-0.07	-0.07	0.37	0.37	0.25	0.00	5 Ras-related pr RAB5A
0.15	0.21	0.41	0.41	0.03	0.11	0.08	-0.02	0.14	0.36	0.20	-0.34	7 Ras-related pr RAB5B
0.07	-0.04	0.12	0.31	0.03	0.00	-0.23	-0.29	-0.02	-0.12	-0.04	-0.17	8 Ras-related pr RAB5C
0.09	0.13	-0.01	0.22	-0.08	-0.01	0.03	0.19	0.05	0.30	-0.07	0.11	15 Ras-related pr RAB6A
-0.05	0.03	0.09	0.25	-0.04	-0.01	-0.20	-0.15	0.03	0.30	0.15	0.26	14 Ras-related pr RAB7A
-0.30	-0.04	0.05	0.46	-0.22	-0.11	-0.17	0.03	-0.06	0.14	0.04	0.30	8 Ras-related pr RAB8A
0.16	0.02	0.14	0.21	0.23	0.31	0.43	0.42	-0.01	0.11	0.05	0.11	17 Rab GTPase-a RABGAP1
-0.04	-0.11	0.40	0.25	-0.07	-0.04	-0.10	-0.03	0.11	0.09	-0.09	0.00	9 Ras-related C RAC1;RAC3
-0.18	0.26	0.15	0.20	-0.09	-0.07	0.47	0.59	-0.01	-0.29	-0.20	0.08	13 UV excision re RAD23B
0.10	0.11	0.08	-0.06	-0.04	-0.01	0.40	0.41	-0.19	-0.17	-0.09	-0.05	38 DNA repair pr RAD50
-0.21	-0.19	0.40	0.26	0.07	0.14	0.01	0.19	-0.07	0.11	-0.29	0.03	6 Ras-related pr RALA
-0.12	-0.08	0.06	-0.06	0.11	0.08	0.04	-0.05	-0.08	-0.05	-0.02	-0.07	17 GTP-binding n RAN
0.11	0.05	-0.16	0.03	0.04	0.02	0.12	-0.10	-0.30	-0.36	-0.07	-0.17	8 Ran-specific G RANBP1
0.35	0.11	0.12	-0.27	0.18	-0.03	0.10	-0.24	-0.06	-0.52	0.23	-0.28	51 E3 SUMO-pro RANBP2
-0.01	-0.03	0.16	-0.08	0.11	0.10	-0.13	-0.11	-0.01	-0.03	-0.03	-0.05	17 Ran GTPase-a RANGAP1
-0.19	-0.21	0.10	0.21	-0.05	0.13	0.01	0.19	-0.13	0.13	-0.14	-0.05	12 Ras-related pr RAP1B



0.08	-0.13	0.12	-0.09	0.11	0.26	-0.40	-0.28	0.07	-0.12	0.05	-0.01	14 Rap1 GTPase- RAP1GDS1
0.07	0.26	-0.23	-0.21	-0.05	-0.10	0.31	0.31	-0.11	0.01	-0.15	-0.13	18 Arginine--trN. RARS
-0.36	-0.13	0.22	-0.11	0.07	-0.06	0.45	0.48	-0.21	-0.27	-0.02	-0.12	11 Histone-binding RBBP4
0.11	0.18	-0.23	-0.33	0.22	0.31	0.11	-0.06	-0.01	0.04	-0.01	-0.12	13 Histone-binding RBBP7
0.30	0.07	-0.04	-1.42	-0.09	0.06	-0.50	-0.49	0.23	-1.02	0.34	-0.91	12 RNA-binding protein RBM25
0.05	0.17	0.14	-0.03	0.07	0.19	0.04	-0.04	-0.11	-0.37	0.62	0.08	4 RNA-binding protein RBM26
0.18	0.25	0.01	0.22	0.11	0.06	0.19	-0.13	-0.15	-0.10	0.40	0.19	8 Regulator of c RCC1
0.05	0.11	-0.23	-0.21	0.11	0.01	0.23	0.30	-0.08	-0.28	-0.08	-0.03	16 Protein RCC2 RCC2
0.00	0.10	0.03	0.20	-0.05	0.06	0.11	0.20	0.18	0.16	-0.07	0.11	9 Retinol dehyd RDH11
-0.05	0.34	0.03	0.18	0.19	0.27	-0.09	0.25	0.14	0.14	-0.04	0.09	33 Radixin RDX
0.23	-0.14	-0.63	-0.14	-0.10	0.08	-0.13	0.02	-0.02	0.06	0.10	0.28	16 ATP-dependent RECQL
0.18	-0.10	0.11	0.19	-0.02	0.21	-0.41	-0.60	-0.10	-0.11	-0.16	-0.21	8 Oligoribonucle REXO2
0.37	0.30	-0.30	-0.33	0.07	0.17	0.13	0.09	-0.16	-0.06	-0.01	-0.19	7 Replication factor RFC2
0.19	0.22	0.01	-0.28	0.15	0.29	-0.05	-0.10	-0.02	-0.12	-0.02	-0.04	6 Replication factor RFC3
-0.14	-0.19	0.28	0.10	0.04	0.02	0.06	0.00	0.07	0.12	0.19	0.06	9 Transforming RHOA;RHOC
0.00	-0.19	0.28	0.17	0.12	0.18	-0.12	-0.09	-0.03	0.11	-0.10	-0.03	12 Rho-related G RHOC
-0.08	-0.15	0.21	-0.26	0.29	0.05	0.38	0.15	0.09	-0.20	0.44	0.08	8 E3 ubiquitin-p RNF40
-0.08	0.23	0.09	0.63	-0.09	-0.08	-0.15	-0.04	0.08	0.09	0.22	0.49	20 Ribonuclease RNH1
-0.20	-0.65	-0.21	-0.07	0.26	0.21	0.26	0.41	-0.25	-0.16	0.22	0.55	13 Aminopeptidase RNPEP
0.01	-0.02	-0.18	-0.01	-0.05	0.13	0.37	0.62	-0.01	0.26	-0.04	0.05	24 Rho-associate ROCK1
0.10	0.04	0.07	-0.15	0.02	-0.01	-0.04	-0.12	0.00	-0.10	0.16	0.05	19 60S ribosomal RPL10
0.01	-0.12	-0.50	-0.22	0.03	-0.05	-0.15	-0.27	0.07	-0.08	0.12	-0.02	12 60S ribosomal RPL10A
-0.06	-0.19	-0.07	-0.13	-0.03	-0.11	-0.05	-0.15	-0.01	-0.07	0.11	-0.01	12 60S ribosomal RPL11
-0.03	-0.19	-0.01	-0.15	-0.03	-0.10	-0.20	-0.26	0.03	-0.05	0.07	-0.04	8 60S ribosomal RPL12
-0.04	-0.10	-0.20	-0.18	-0.07	-0.12	-0.15	-0.19	-0.08	-0.10	0.06	0.02	20 60S ribosomal RPL13
-0.01	-0.03	-0.26	-0.23	0.01	-0.05	-0.14	-0.23	-0.04	-0.12	0.13	-0.06	15 60S ribosomal RPL13A;RPL13a
0.09	-0.09	-0.21	-0.16	0.00	-0.05	-0.10	-0.16	0.11	0.07	0.04	0.03	10 60S ribosomal RPL14
0.02	-0.10	-0.05	-0.06	-0.03	-0.06	-0.13	-0.19	0.08	-0.06	0.13	0.04	12 60S ribosomal RPL15
0.02	-0.05	-0.29	-0.29	0.02	-0.04	-0.11	-0.06	-0.03	-0.19	0.03	0.01	9 60S ribosomal RPL17
0.03	-0.15	0.00	-0.05	0.00	-0.02	-0.11	-0.11	-0.02	-0.05	0.06	0.02	13 60S ribosomal RPL18
0.08	0.00	0.05	-0.09	-0.03	0.01	-0.05	-0.17	-0.03	-0.11	0.08	0.01	11 60S ribosomal RPL18A
0.11	-0.01	0.04	-0.01	0.02	-0.03	-0.01	-0.15	0.06	-0.03	0.16	0.04	15 Ribosomal protein RPL19
0.05	-0.03	-0.29	-0.23	0.06	-0.01	0.00	-0.12	0.04	-0.07	0.11	0.03	9 60S ribosomal RPL21
0.23	0.32	-0.23	-0.01	-0.04	-0.07	-0.02	-0.04	-0.07	-0.02	0.02	0.04	9 60S ribosomal RPL22
0.06	-0.13	-0.24	-0.20	-0.12	-0.11	-0.07	-0.17	-0.01	-0.12	0.08	0.01	12 60S ribosomal RPL23A
0.10	-0.04	-0.07	-0.05	0.08	-0.03	0.07	-0.08	-0.07	-0.07	0.09	0.03	11 60S ribosomal RPL24
0.07	-0.02	0.04	-0.13	0.01	-0.07	-0.08	-0.15	0.02	-0.08	0.09	0.00	14 60S ribosomal RPL26;KRBA2;RPL26L1
-0.01	-0.10	-0.13	-0.10	0.03	-0.04	-0.12	-0.16	-0.03	-0.11	0.10	-0.03	11 60S ribosomal RPL27
0.03	-0.07	-0.21	-0.16	-0.11	-0.08	-0.10	-0.17	-0.03	-0.11	0.06	0.01	8 60S ribosomal RPL27A
-0.04	-0.16	-0.10	-0.18	0.00	-0.08	-0.12	-0.18	-0.03	-0.06	0.06	-0.04	12 60S ribosomal RPL28
-0.11	-0.22	0.03	-0.14	-0.04	-0.08	-0.13	-0.25	-0.17	-0.21	-0.22	-0.27	4 60S ribosomal RPL29
0.03	0.07	-0.36	-0.33	-0.09	-0.09	-0.16	-0.19	-0.03	-0.15	0.08	0.00	22 60S ribosomal RPL3
0.00	-0.01	-0.07	-0.07	-0.04	-0.06	-0.18	-0.18	0.03	-0.17	0.10	-0.01	13 60S ribosomal RPL32
0.07	0.01	0.03	-0.05	0.00	-0.05	-0.01	-0.13	0.01	-0.09	0.08	0.00	8 60S ribosomal RPL34
0.20	0.00	0.06	-0.09	0.07	0.03	-0.02	-0.06	0.00	-0.03	0.11	0.02	8 60S ribosomal RPL35
0.06	-0.11	-0.12	-0.12	-0.09	-0.08	-0.10	-0.17	-0.08	-0.22	0.12	-0.03	8 60S ribosomal RPL36A
-0.03	-0.11	-0.10	-0.15	-0.02	-0.06	-0.18	-0.25	0.04	-0.09	0.11	0.03	29 60S ribosomal RPL4
0.00	-0.02	-0.25	-0.15	0.02	-0.05	-0.09	-0.19	-0.04	-0.12	0.12	-0.01	19 60S ribosomal RPL5
0.01	-0.11	-0.13	-0.18	-0.08	-0.12	-0.21	-0.24	0.01	-0.10	0.03	-0.03	23 60S ribosomal RPL6
0.01	-0.10	-0.01	-0.12	0.00	-0.12	-0.15	-0.25	-0.05	-0.11	0.10	0.04	23 60S ribosomal RPL7

0.00	-0.03	-0.14	-0.21	-0.07	-0.10	-0.10	-0.29	-0.08	-0.09	0.03	0.00	22 60S ribosomal RPL7A
-0.01	-0.12	0.03	-0.16	0.01	-0.04	-0.14	-0.22	0.03	-0.04	0.07	-0.03	12 60S ribosomal RPL8
0.00	0.03	-0.14	-0.24	-0.08	-0.06	-0.06	-0.12	-0.03	-0.15	0.06	0.02	9 60S ribosomal RPL9
0.00	-0.10	0.13	-0.06	-0.01	-0.07	-0.23	-0.34	-0.05	-0.03	0.18	-0.01	10 60S acidic ribc RPLP0;RPLPOP6
0.15	0.11	-0.05	-0.08	-0.03	-0.04	0.01	0.16	-0.20	-0.10	-0.11	-0.09	22 Dolichyl-diphc RPN1
0.13	0.09	0.19	0.01	-0.05	0.02	0.06	0.20	-0.21	-0.11	-0.18	-0.11	13 Dolichyl-diphc RPN2
-0.12	-0.14	-0.03	-0.13	-0.03	-0.10	0.10	-0.07	-0.09	-0.19	0.01	-0.06	12 40S ribosomal RPS10;RPS10P5
0.05	-0.04	-0.05	-0.05	0.03	-0.06	-0.04	-0.10	-0.04	-0.02	0.03	0.01	15 40S ribosomal RPS11
-0.02	0.19	-0.04	-0.06	0.06	-0.01	0.05	-0.02	-0.02	-0.11	0.05	0.03	9 40S ribosomal RPS12
0.01	-0.10	0.08	-0.05	-0.03	-0.04	-0.06	-0.09	-0.02	-0.16	0.10	0.01	10 40S ribosomal RPS13
-0.11	-0.10	-0.39	-0.29	-0.07	-0.13	-0.28	-0.25	-0.14	-0.09	-0.21	-0.09	7 40S ribosomal RPS15
0.03	0.03	-0.21	-0.08	0.05	-0.04	-0.05	-0.06	-0.04	-0.02	0.05	0.03	12 40S ribosomal RPS15A
0.07	0.10	-0.02	-0.08	0.01	-0.10	-0.02	-0.15	-0.11	-0.19	0.03	0.00	11 40S ribosomal RPS17;RPS17L
0.07	0.07	0.01	-0.01	0.00	-0.08	-0.05	-0.11	-0.06	-0.10	0.04	-0.04	16 40S ribosomal RPS18
0.00	-0.08	0.04	-0.07	0.04	-0.10	-0.12	-0.21	-0.11	-0.09	-0.01	0.00	16 40S ribosomal RPS2
-0.01	-0.16	-0.20	-0.23	0.00	0.00	-0.10	-0.08	-0.09	-0.33	0.05	0.00	7 40S ribosomal RPS21
0.08	-0.05	-0.18	-0.08	0.00	-0.08	0.04	-0.11	-0.01	-0.04	0.04	-0.06	6 40S ribosomal RPS23
0.05	-0.04	-0.21	-0.11	-0.02	-0.10	-0.05	-0.23	-0.04	-0.11	0.12	-0.02	5 40S ribosomal RPS24
0.04	-0.15	-0.21	-0.05	-0.02	-0.08	0.01	-0.07	-0.05	-0.13	0.10	-0.03	9 40S ribosomal RPS25
0.07	-0.04	0.40	0.16	0.03	0.05	0.02	0.07	-0.12	-0.14	-0.03	-0.06	11 Ubiquitin-40S RPS27A;UBB;UBC;UBA52
-0.05	-0.15	-0.07	-0.06	-0.03	-0.06	-0.15	-0.25	-0.13	-0.23	0.00	-0.10	26 40S ribosomal RPS3
0.03	-0.03	-0.07	-0.16	-0.03	-0.05	-0.12	-0.21	-0.04	-0.05	0.05	-0.04	25 40S ribosomal RPS3A
0.01	-0.09	-0.10	-0.24	-0.04	-0.06	-0.13	-0.22	-0.02	0.01	0.05	0.01	21 40S ribosomal RPS4X
0.00	-0.13	0.07	-0.11	-0.02	-0.05	-0.03	-0.08	-0.07	-0.08	0.05	0.01	17 40S ribosomal RPS5
0.13	-0.05	-0.05	-0.24	-0.05	-0.11	-0.09	-0.17	-0.01	-0.03	0.12	-0.09	17 40S ribosomal RPS6
0.11	-0.05	-0.07	-0.21	0.06	0.19	0.01	0.30	-0.39	-0.45	-0.02	0.23	14 Ribosomal prc RPS6KA1
0.05	-0.03	0.04	-0.13	-0.02	-0.12	-0.03	-0.07	-0.03	-0.09	0.02	-0.05	18 40S ribosomal RPS7
0.08	-0.02	-0.12	-0.18	0.01	-0.11	-0.13	-0.20	-0.01	-0.11	0.03	-0.10	15 40S ribosomal RPS8
0.02	-0.06	0.03	-0.05	-0.01	-0.09	-0.01	-0.09	-0.07	0.02	0.06	-0.02	20 40S ribosomal RPS9
-0.06	-0.07	-0.10	-0.16	0.02	-0.10	-0.11	-0.18	-0.06	-0.18	0.03	-0.05	14 40S ribosomal RPSA
-1.04	-1.46	0.15	0.20	0.26	0.46	0.01	-0.02	0.23	0.45	-0.22	0.11	6 Ras-related pr RRAS
-0.18	-0.38	0.30	0.17	-0.02	0.26	-0.29	0.01	-0.07	0.12	0.25	0.27	7 Ras-related pr RRAS2
0.47	0.09	0.01	-0.10	0.30	0.26	0.37	0.25	-0.11	0.14	-0.48	-0.51	49 Ribosome-bin RRBP1
0.16	0.52	0.71	-0.05	0.10	-0.26	1.29	1.02	0.13	-0.75	0.15	-0.33	15 Ribonucleosid RRM1
-0.07	-0.38	0.00	-0.35	-0.21	-0.25	0.18	-0.03	0.10	-0.31	0.38	0.40	13 RRP12-like prc RRP12
-0.12	0.08	-0.76	-0.14	-0.18	-0.13	-0.30	0.25	0.37	0.59	-0.22	0.17	5 Reticulon-4 RTN4
0.28	0.39	-0.30	0.10	0.06	0.08	-0.07	-0.12	-0.05	-0.05	-0.09	-0.05	11 RuvB-like 1 RUVBL1
0.26	0.39	0.23	0.10	0.16	0.16	-0.07	-0.23	0.05	-0.10	-0.21	-0.26	19 RuvB-like 2 RUVBL2
0.26	0.13	-0.05	-0.08	0.10	-0.06	0.07	0.09	-0.09	-0.07	0.11	-0.07	15 SUMO-activat SAE1
-0.01	0.08	0.09	0.23	-0.04	0.10	0.05	0.17	-0.14	0.02	-0.33	0.03	12 GTP-binding p SAR1A
0.20	-0.10	-0.23	-0.60	0.24	0.26	-0.24	-0.29	0.08	-0.02	-0.14	-0.12	7 SAP domain-c SARNP
-0.21	-0.14	-0.38	-0.31	-0.17	0.08	-0.81	-0.46	0.10	0.46	-0.05	0.27	12 Serine--tRNA ISARS
0.12	0.13	0.10	-0.15	0.06	0.15	0.15	0.16	-0.03	-0.19	0.26	-0.13	11 Squamous cel SART3
0.04	0.15	0.02	0.08	-0.01	0.13	-0.21	-0.11	0.01	-0.33	0.05	0.04	14 Ribosome ma SBDS
0.00	-0.07	0.06	0.23	0.06	0.13	-0.33	-0.08	0.04	0.00	-0.40	-0.29	6 Sec1 family dc SCFD1
0.05	0.28	-0.37	-0.15	0.37	0.42	0.45	0.71	0.05	0.22	-0.01	0.02	13 Succinate deh SDHA
0.04	0.08	0.15	0.25	0.05	0.29	-0.23	-0.17	0.06	0.15	-0.13	-0.01	8 Vesicle-traffic SEC22B
0.04	-0.25	0.11	0.08	0.07	0.14	-0.40	-0.18	-0.16	0.00	-0.52	-0.26	18 Protein transp SEC23A
0.08	0.05	-0.08	0.05	-0.32	-0.01	-0.21	-0.31	0.06	0.08	-0.18	-0.04	13 Protein transp SEC23B
-0.05	-0.15	0.25	0.09	-0.10	-0.09	0.19	0.13	0.12	-0.65	0.21	-0.02	7 Protein transp SEC24B

-0.28	-0.29	-0.04	-0.10	0.01	-0.01	-0.29	-0.18	-0.11	0.11	-0.08	0.01	14 Protein transp	SEC24C
-0.07	-0.37	-0.07	-0.16	0.03	0.02	-0.21	-0.27	-0.10	-0.28	-0.09	-0.06	24 Protein transp	SEC31A
0.12	-0.04	0.10	0.00	0.17	0.17	-0.01	0.00	0.02	0.05	-0.15	-0.37	11 Septin-11	Sept11
0.13	-0.08	0.08	0.12	0.10	0.13	0.02	0.10	-0.15	0.03	0.06	-0.04	17 Septin-2	Sept2
-0.02	0.00	0.11	0.02	0.10	0.19	0.03	0.10	-0.07	0.10	-0.06	-0.03	18 Septin-7	Sept7
0.03	-0.22	-0.09	-0.11	0.05	0.16	0.10	-0.01	-0.23	-0.16	-0.04	0.10	23 Septin-9	Sept9
-0.01	0.08	0.01	-0.17	-0.07	-0.06	0.00	-0.03	0.01	-0.18	0.11	0.05	16 Plasminogen z	SERBP1
-1.75	0.41	-0.53	1.52	-0.14	0.89	-0.99	-0.34	1.04	2.16	-0.10	1.86	13 Plasminogen z	SERPINB2;SERPINB10
-0.32	0.57	-0.19	0.72	-0.12	-0.37	0.44	0.71	0.38	0.46	0.27	0.62	34 Serpin B5	SERPINB5
0.15	-0.55	-0.14	-0.56	0.17	-0.02	-0.29	-0.19	-0.48	-0.32	-0.13	-0.27	19 Serpin H1	SERPINH1
-0.41	-0.31	-0.22	0.23	-0.06	-0.20	0.45	0.41	-0.45	-0.84	-0.17	-0.13	10 Protein SET	SET
0.03	0.00	-0.29	-0.72	0.28	0.20	0.13	0.05	-0.20	-0.28	-0.04	-0.42	5 Splicing factor	SF1
0.07	-0.05	0.02	-0.27	0.14	0.09	-0.30	-0.24	-0.01	-0.35	0.25	-0.17	16 Splicing factor	SF3A1
-0.04	-0.25	0.19	-0.51	0.22	0.08	-0.13	-0.22	-0.07	-0.59	0.07	-0.45	33 Splicing factor	SF3B1
0.09	0.02	0.00	-0.67	0.24	0.18	-0.16	-0.29	-0.19	-0.58	0.12	-0.46	17 Splicing factor	SF3B2
0.04	-0.13	0.25	-0.31	0.08	-0.13	0.34	0.02	-0.16	-0.57	0.13	-0.43	25 Splicing factor	SF3B3
-0.34	0.02	0.07	0.27	-0.01	-0.13	-0.04	0.17	0.33	0.31	0.17	0.46	27 14-3-3 proteir	SFN
0.73	-0.11	-0.53	-1.30	0.08	0.34	-0.61	-0.43	0.08	-0.40	0.15	-0.82	19 Splicing factor	SFPQ
-0.08	0.23	-0.03	0.32	0.04	0.22	0.20	0.42	-0.19	0.02	-0.28	-0.16	12 Sideroflexin-1	SFXN1
0.09	0.18	-0.35	-0.02	-0.31	-0.21	-0.19	-0.27	-0.14	0.23	-0.22	0.07	18 Serine hydrox	SHMT2
0.34	0.31	-0.02	-0.29	0.10	0.06	0.49	0.18	0.11	-0.24	0.04	-0.40	13 Superkiller vir	SKIV2L2
-0.14	-0.13	0.53	-0.01	-0.09	-0.22	-0.02	0.14	-0.11	-0.10	-0.27	-0.21	3 Monocarboxy	SLC16A1
0.15	0.24	0.28	-0.16	-0.61	-0.50	0.46	0.34	-0.35	-0.46	0.27	0.19	6 Neutral aminc	SLC1A5
-0.23	0.02	-0.05	0.14	0.26	0.24	0.22	0.34	0.19	0.14	-0.50	-0.23	14 Phosphate cai	SLC25A3
0.13	0.58	-0.02	0.30	-0.01	0.00	0.56	0.51	0.01	0.07	0.22	0.37	23 ADP/ATP tran	SLC25A5
-0.30	0.57	0.07	0.79	-0.47	-1.87	0.79	0.94	0.51	0.22	0.68	0.56	4 Solute carrier	SLC2A1
-0.22	-0.37	0.11	0.01	-0.41	-0.19	0.39	0.52	-0.91	-0.35	-0.02	0.23	19 4F2 cell-surfar	SLC3A2
-0.31	-0.72	0.02	-0.22	-0.30	-0.30	0.25	0.33	-0.89	-0.63	-0.09	-0.07	8 Large neutral	SLC7A5
0.10	0.20	-0.01	0.16	0.11	0.12	0.05	0.23	0.10	-0.12	0.21	0.15	28 STE20-like ser	SLK
0.14	0.10	0.24	-0.14	0.11	0.05	0.58	0.08	-0.03	-0.09	-0.32	-0.39	14 SWI/SNF com	SMARCC2
-0.09	-0.07	-0.16	-0.29	0.24	0.19	0.59	0.61	-0.20	-0.15	0.21	-0.03	34 Structural mai	SMC1A
0.04	-0.02	0.14	0.06	0.15	0.24	-0.19	-0.16	-0.17	-0.28	-0.05	0.03	42 Structural mai	SMC2
-0.19	-0.08	-0.15	-0.13	0.17	0.11	0.70	0.65	0.01	-0.14	0.15	-0.02	30 Structural mai	SMC3
0.14	-0.14	0.12	0.05	0.22	0.15	0.01	-0.12	-0.08	-0.22	-0.08	-0.11	36 Structural mai	SMC4
0.01	0.24	0.10	-0.07	0.11	0.18	0.22	0.27	-0.08	-0.04	-0.21	-0.16	13 Serine/threon	SMG1
-0.05	-0.20	0.03	-0.23	-0.12	-0.02	-0.07	-0.05	-0.11	-0.03	-0.07	-0.01	55 Staphylococce	SND1
0.08	-0.04	0.10	-0.41	0.14	0.03	0.26	0.12	0.26	-0.27	0.05	-0.38	38 U5 small nucl	SNRNP200
0.12	-0.01	-0.02	-0.08	-0.08	-0.09	0.11	0.12	0.02	-0.04	-0.08	0.01	7 Sorting nexin-	SNX12
0.17	0.32	-0.01	0.11	0.01	0.01	0.03	0.21	-0.06	-0.07	-0.04	-0.08	7 Sorting nexin-	SNX3
0.06	0.01	-0.28	-0.08	-0.05	-0.01	-0.77	-0.47	-0.20	-0.05	-0.20	-0.17	5 Superoxide di:	SOD1
-0.84	0.12	-0.07	0.66	0.70	0.88	0.96	1.17	-0.43	1.29	-0.22	0.49	7 Superoxide di:	SOD2
0.20	0.54	0.02	0.19	0.00	-0.06	-0.21	-0.42	-0.33	-0.47	0.33	0.29	12 Sorbitol dehyr	SORD
0.13	0.33	-0.11	0.22	-0.17	-0.03	-0.40	-0.14	-0.08	0.14	-0.04	-0.30	17 C-Jun-amino-t	SPAG9
-0.07	-0.09	-0.11	0.07	-0.22	-0.04	-0.08	0.06	-0.02	0.17	-0.02	0.12	14 Signal peptida	SPCS2
-1.40	2.84	-1.22	3.32	-1.52	-0.91	0.28	1.33	2.43	1.99	0.56	3.02	5 Cornifin-A	SPRR1A
-1.81	1.99	-0.77	3.22	0.50	-0.10	0.92	1.65	2.78	2.41	0.28	2.67	5 Cornifin-B	SPRR1B
0.45	0.23	-0.20	-0.67	-0.18	0.04	-0.85	-0.52	0.24	0.08	0.01	-0.49	110 Spectrin alph	SPTAN1
0.43	0.15	-0.11	-0.62	-0.21	0.03	-0.98	-0.60	0.21	0.12	0.03	-0.52	103 Spectrin beta	SPTBN1
0.57	0.61	-0.17	0.50	0.17	0.44	-0.89	-0.58	-0.06	0.30	0.00	0.34	23 Sulfide:quinor	SQRDL
0.23	0.08	-0.07	0.14	-0.07	0.12	-0.42	-0.41	-0.25	-0.20	-0.18	-0.14	7 Sorcin	SRI

0.01	0.11	-0.01	0.14	0.04	-0.03	-0.14	-0.12	-0.07	-0.05	0.15	0.03	11 Signal recogni SRP68
0.09	0.13	-0.14	0.08	-0.01	-0.04	0.11	0.04	0.01	-0.11	0.01	-0.10	20 Signal recogni SRP72
0.11	-0.38	-0.20	-0.22	-0.29	-0.16	-0.51	-0.56	-0.16	0.03	-0.16	-0.20	10 Signal recogni SRPRB
0.05	-0.21	-0.18	-0.37	0.45	0.32	-0.09	-0.10	-0.05	-0.02	-0.04	-0.05	16 Serrate RNA e SRRT
-0.12	-0.47	0.14	-0.90	0.04	-0.02	-0.43	-0.51	0.10	-0.47	-0.20	-0.34	7 Serine/arginin SRSF6
0.17	0.11	-0.23	-0.04	0.12	0.10	-0.04	-0.07	-0.06	-0.04	0.04	-0.05	17 Lupus La protè SSB
-0.07	-0.03	-0.06	-0.01	0.04	0.12	-0.44	-0.43	-0.17	-0.19	0.03	0.09	9 Hsc70-interac ST13;ST13P5;ST13P4
0.70	-0.55	0.55	0.17	0.67	0.27	-2.30	-2.33	-0.69	-0.80	-0.55	-0.83	38 Signal transdu STAT1
0.04	0.07	0.26	0.01	0.36	0.38	0.44	0.42	0.23	-0.13	0.11	0.40	9 Signal transdu STAT3
0.16	0.23	-0.09	0.06	-0.06	0.07	0.26	0.32	-0.01	-0.10	0.15	0.09	26 Stress-induceè STIP1
0.10	-0.10	0.06	-0.04	0.28	0.35	0.45	0.40	-0.33	-0.34	-0.24	-0.26	15 Stathmin STMN1
-0.38	-0.47	-0.05	-0.08	-0.24	-0.35	0.54	0.49	0.54	1.04	-0.09	-0.20	9 Erythrocyte bi STOM
0.27	0.25	-0.01	-0.23	-0.05	-0.08	0.38	0.17	-0.06	-0.08	-0.05	-0.28	9 Stomatin-like STOML2
0.11	0.09	0.10	-0.20	-0.07	0.01	-0.02	-0.02	0.03	-0.02	-0.09	0.01	18 Serine-threon STRAP
0.41	0.35	0.23	0.06	-0.14	0.12	-0.57	-0.49	-0.17	-0.11	-0.18	-0.19	7 Dolichyl-diphc STT3A
-0.03	0.54	-0.14	0.23	0.13	-0.01	0.25	0.25	-0.47	-0.21	0.47	0.53	12 Succinyl-CoA I SUCLA2
0.04	-0.03	0.05	0.03	0.31	0.32	-0.18	-0.07	-0.16	-0.13	-0.01	0.02	10 Suppressor of SUGT1
0.25	0.21	0.46	0.28	0.20	0.25	-0.35	-0.28	-0.12	-0.21	0.20	0.04	5 Small ubiquiti SUMO1
-0.31	0.42	0.43	0.42	0.68	-0.25	0.91	0.18	0.14	0.10	0.17	0.14	12 FACT complex SUPT16H
-0.43	0.04	-0.02	0.01	0.08	0.40	0.39	0.56	-0.43	-0.34	0.49	0.45	10 Switch-associè SWAP70
-0.08	-0.17	-0.15	-0.26	-0.05	-0.15	0.10	0.14	-0.12	-0.24	0.39	0.15	13 Heterogeneol SYNCRIP
-1.22	0.25	1.33	2.31	-0.64	0.17	0.17	0.56	0.23	0.50	-0.41	1.14	6 Tumor-associè TACSTD2
-1.11	-1.52	-0.25	-0.52	0.48	-1.38	0.88	0.13	-0.85	-1.06	-0.49	-1.21	12 Transgelin TAGLN
-0.11	-0.14	-0.03	0.12	0.15	0.11	0.27	0.30	0.10	0.27	0.01	0.16	22 Transgelin-2 TAGLN2
-0.01	0.34	-0.31	0.18	-0.02	-0.03	0.27	0.46	0.25	0.04	0.28	0.47	19 Transaldolase TALDO1
0.11	0.02	0.10	-0.31	0.04	-0.05	0.09	0.03	-0.15	0.01	-0.14	-0.13	5 TAR DNA-bind TARDBP
-0.20	-0.15	-0.05	0.11	-0.19	-0.06	-0.13	0.01	-0.09	0.21	-0.13	0.07	34 Threonine--tR TARS
0.66	0.25	0.18	0.31	0.17	0.22	-0.14	-0.24	-0.06	0.05	0.04	0.08	8 Tubulin-foldin TBCB
-0.30	-0.20	-0.07	-0.23	0.12	0.26	-0.03	0.03	0.02	0.16	0.03	0.11	21 Tubulin-specif TBCD
0.03	0.08	-0.57	-0.30	0.12	-0.12	0.64	0.80	-0.10	-0.38	0.07	-0.20	21 Transcription TCERG1
-0.05	0.07	-0.03	-0.61	-0.11	-0.07	-0.16	-0.04	-0.20	-0.29	-0.12	-0.23	24 Treacle protei TCOF1
0.05	0.21	-0.20	0.14	0.00	0.06	0.20	0.10	-0.10	-0.07	0.10	0.12	31 T-complex prc TCP1
-0.07	-0.14	-0.12	-0.07	-0.11	0.12	-0.12	0.03	0.10	0.38	-0.56	-0.48	23 Testin TES
-3.82	-3.76	-2.35	-2.91	-3.55	-4.21	-3.87	-4.14	-2.70	-3.40	-3.82	-3.55	29 Serotransferri TF
-0.51	-0.06	-0.64	-0.24	-0.27	-0.30	0.80	0.78	-0.47	-1.06	0.17	0.52	20 Transferrin re TFRC
-1.43	-2.47	0.97	-1.00	-1.72	-3.24	-1.52	-2.18	0.26	0.19	-2.29	-2.80	65 Thrombospon THBS1
-0.14	-1.72	1.52	-0.72	-0.44	-1.55	-1.82	-2.04	1.02	-0.08	-0.86	-1.79	14 Thrombospon THBS2
-0.07	0.02	-0.02	0.85	-0.16	0.08	-0.26	-0.12	-0.04	-0.43	-0.01	-0.15	12 Thimet oligop THOP1
-0.08	0.08	-0.09	-0.85	0.28	0.42	-0.61	-0.45	0.20	0.15	0.06	-0.21	10 Thyroid hormi THRAP3
-0.01	-0.03	-0.08	-0.76	-0.08	-0.02	-0.12	-0.39	0.01	-0.16	-0.63	-0.22	12 Tight junction TJP1
-0.04	0.32	0.55	0.33	-0.10	0.50	-0.31	0.07	0.16	0.39	-0.47	0.00	15 Tight junction TJP2
-0.03	-0.11	-0.16	0.01	-0.17	-0.32	0.28	0.42	-0.16	-0.18	0.24	0.40	37 Transketolase TKT
-0.14	-0.44	0.04	-0.30	0.06	0.14	-0.34	-0.30	-0.08	-0.03	-0.18	-0.16	121 Talin-1 TLN1
0.16	0.17	0.18	0.14	-0.29	-0.23	0.03	0.06	0.02	0.27	-0.16	0.00	8 Transmembra TMED10
-0.03	0.01	-0.01	-0.13	-0.33	-0.53	-0.40	-0.24	0.05	0.21	-0.24	-0.15	6 Transmembra TMED7
0.03	0.07	-0.11	-0.01	-0.21	-0.26	-0.08	0.02	0.03	0.33	-0.22	-0.09	7 Transmembra TMED9
0.13	0.17	-0.16	0.24	-0.41	-0.26	-0.12	-0.03	-0.26	0.08	-0.14	0.25	5 Transmembra TMEM33
-0.26	-0.38	0.13	0.33	-0.14	0.18	-1.20	-1.18	0.59	0.99	-0.25	0.14	3 Transmembra TMEM40
0.08	0.00	-0.14	-0.07	0.09	0.02	0.27	0.20	-0.14	-0.04	0.13	0.07	11 Transmembra TMEM43
-0.11	-0.21	0.83	0.47	-0.04	0.08	-0.75	-0.77	-0.01	-0.09	0.24	0.08	9 Tropomodulin TMOD3

0.14	0.53	-0.11	0.15	0.05	0.02	0.35	0.54	0.33	0.18	0.40	0.38	24 182 kDa tanky TNKS1BP1
0.05	0.25	0.10	0.14	0.18	0.25	0.01	0.12	0.05	0.23	0.05	0.08	16 Transportin-1 TNPO1
-0.47	-0.76	1.21	0.67	-0.15	-0.43	-0.52	-0.71	0.03	-0.30	-0.39	-0.41	8 Tensin-4 TNS4
-0.81	-0.55	-0.67	-0.95	0.16	-0.17	-0.73	-0.66	0.53	0.58	-0.21	-0.02	4 Mitochondrial TOMM40
0.15	0.01	-0.08	0.82	0.16	0.24	-0.63	-0.48	0.46	0.15	0.01	0.23	6 Quinone oxid TP53I3
0.29	0.42	0.02	0.09	-0.18	-0.09	0.49	0.48	-0.32	-0.28	-0.30	-0.18	14 Tumor proteir TPD52L2
0.08	0.08	0.06	0.04	0.04	-0.06	0.24	0.29	0.02	0.02	0.15	0.13	21 Triosephosph TPI1
-0.50	-0.93	0.66	0.02	0.33	0.14	0.41	-0.02	-0.60	-0.48	0.37	0.09	35 Tropomyosin TPM2
-0.03	-0.16	-0.06	-0.06	0.07	0.16	-0.26	-0.20	-0.14	-0.07	-0.18	-0.03	33 Tropomyosin TPM3
0.00	-0.19	0.00	0.04	0.03	0.02	-0.48	-0.37	-0.05	0.09	-0.18	-0.14	39 Tropomyosin TPM4
-0.22	-0.48	-0.08	-0.11	-0.10	-0.12	-0.24	-0.22	-0.07	0.03	-0.02	-0.01	28 Tripeptidyl-pe TPP2
0.11	0.11	0.11	-0.16	0.22	0.24	0.15	0.11	-0.21	-0.34	0.03	-0.10	88 Nucleoproteir TPR
0.20	0.12	0.05	-0.06	0.13	-0.14	0.01	-0.18	0.06	-0.26	-0.11	-0.15	11 Translationall TPT1
0.20	0.73	0.15	0.33	0.11	-0.02	0.46	0.38	-0.16	-0.25	0.17	0.00	13 Heat shock pr TRAP1
0.46	-0.16	0.12	0.04	0.13	0.19	-1.23	-1.25	-0.07	0.00	-0.03	-0.24	17 E3 ubiquitin/l TRIM25
-0.12	-0.09	0.33	-0.06	0.11	0.06	0.07	0.04	-0.23	-0.20	-0.09	-0.13	26 Transcription TRIM28
-0.61	0.27	-0.53	-0.21	0.37	-0.01	0.59	0.87	0.55	-0.10	0.50	0.70	23 Tripartite mot TRIM29
0.33	0.23	0.16	0.04	0.03	0.06	-0.04	-0.19	-0.57	-0.18	-0.19	-0.30	9 Pachytene chr TRIP13
0.11	-0.03	-0.15	-0.11	0.14	0.13	-0.05	-0.05	-0.22	0.19	-0.11	-0.03	10 Translin TSN
-0.09	0.07	0.22	-0.58	-0.12	-0.06	-0.07	0.24	0.21	1.82	0.05	-0.05	13 Tetratricopep TTC37
0.07	0.31	0.09	0.34	0.02	-0.28	-0.46	-0.42	-0.07	0.00	-0.21	-0.17	14 Tubulin--tyros TTL12
-0.21	-0.19	-0.08	0.05	0.08	0.05	0.15	0.11	0.01	0.09	-0.17	-0.13	26 Tubulin alpha TUBA1A;TUBA3C;TUBA3E
-0.11	-0.12	-0.10	-0.01	0.08	0.07	0.34	0.30	0.01	0.12	-0.20	-0.21	26 Tubulin alpha TUBA1C
-0.16	0.19	-0.50	0.31	-0.31	-0.51	0.32	0.34	0.33	0.37	-0.03	0.14	26 Tubulin alpha TUBA4A
-0.25	-0.30	-0.09	-0.04	0.05	0.13	-0.08	-0.04	-0.21	0.00	-0.25	-0.11	26 Tubulin beta c TUBB
-0.16	-0.13	-0.12	0.08	0.05	0.07	0.14	0.09	0.02	0.14	-0.21	-0.08	28 Tubulin beta-ε TUBB4B
-0.41	-0.54	0.35	0.38	-0.10	-0.10	-0.46	-0.42	-0.08	0.10	-0.18	-0.10	21 Tubulin beta-ζ TUBB6
0.10	0.23	0.08	0.20	0.01	-0.03	0.16	0.14	-0.36	-0.40	0.21	0.12	21 Elongation fac TUFM
0.04	0.25	0.18	0.12	0.26	0.19	-0.03	-0.06	0.20	0.19	0.10	0.05	9 Twinfilin-1 TWF1
-0.01	-0.44	0.26	0.11	0.12	0.36	-0.35	-0.35	-0.12	0.01	-0.07	-0.13	8 Twinfilin-2 TWF2
-0.16	-0.47	-0.13	-0.68	0.09	0.08	0.05	-0.11	-0.15	-0.34	0.38	0.68	11 Alpha-taxilin TXLNA
0.28	0.24	-0.26	-0.22	-0.08	-0.14	0.25	0.25	-0.10	0.06	0.09	0.12	11 Thioredoxin d TXNDC5
0.03	-0.08	-0.30	-0.37	0.04	0.25	0.20	0.14	-0.18	0.00	0.06	0.03	12 Thioredoxin-li TXNL1
-0.19	-0.13	0.16	0.58	0.16	0.07	-2.60	-2.34	-0.20	0.10	-1.73	-0.92	12 Thymidine ph TYMP
-0.11	-0.11	-0.16	-0.91	0.33	0.14	-0.47	-0.59	-0.14	-0.60	0.05	-0.46	12 U2 snRNP-ass U2SURP
0.36	-0.07	-0.03	-0.07	-0.01	-0.05	-0.48	-0.87	-0.14	0.03	-0.31	-0.28	13 UDP-N-acetyl UAP1
0.06	0.02	-0.31	-0.19	0.40	0.32	0.14	0.12	0.08	-0.02	0.30	0.28	52 Ubiquitin-like UBA1
0.13	0.20	0.27	0.10	0.14	0.09	0.16	0.30	-0.14	-0.18	-0.11	-0.16	8 SUMO-activat UBA2
0.35	0.13	0.11	0.17	-0.07	0.08	-0.57	-0.61	-0.18	0.07	-0.31	-0.24	37 Ubiquitin-like UBA6
0.26	0.00	0.34	-0.39	0.41	0.17	-0.23	-0.63	-0.09	-0.70	0.23	-0.43	11 Ubiquitin-assc UBAP2L
0.11	-0.06	-0.06	0.05	0.10	0.07	-0.05	-0.02	-0.21	-0.24	-0.01	-0.13	7 SUMO-conjug UBE2I
0.07	0.13	0.03	0.05	0.02	0.21	0.04	0.13	-0.11	-0.21	-0.29	-0.03	9 Ubiquitin-conj UBE2K
-0.24	-0.27	-0.12	0.00	0.03	0.02	0.00	0.02	-0.28	-0.16	-0.01	-0.03	8 Ubiquitin-conj UBE2L3
0.23	0.23	-0.09	0.00	0.06	0.06	0.16	0.08	0.04	0.05	0.08	-0.01	9 NEDD8-conjug UBE2M
0.20	0.24	-0.02	-0.05	-0.03	0.05	0.15	0.36	-0.08	-0.20	0.09	0.09	93 E3 ubiquitin-p UBR4
1.73	-0.16	0.03	-1.51	-0.72	-0.98	-2.95	-3.08	0.38	0.43	0.08	-0.44	15 Ubiquitin carb UCHL1
-0.05	-0.06	0.02	0.14	-0.12	0.09	0.01	0.07	-0.23	-0.11	-0.04	0.20	13 Ubiquitin carb UCHL3
0.01	0.29	0.14	0.15	0.05	0.16	-0.02	-0.04	0.15	-0.20	0.00	-0.04	6 Ubiquitin carb UCHL5
-0.13	-0.89	0.06	-0.35	-0.48	-0.47	-0.58	-0.72	-0.55	-0.31	-0.58	-0.48	11 UDP-glucose ε UGDH
-0.08	-0.31	-0.10	-0.18	-0.17	-0.15	-0.37	-0.22	0.15	0.32	-0.27	-0.14	32 UDP-glucose:ξ UGGT1

-0.05	0.15	-0.03	0.00	-0.08	-0.02	0.08	0.32	-0.25	-0.23	-0.08	0.00	20 UTP--glucose- UGP2
0.04	0.21	0.02	-0.06	-0.01	0.04	0.27	0.25	0.00	-0.07	0.03	0.07	35 Regulator of n UPF1
-0.08	-0.02	0.17	0.34	0.07	-0.02	0.19	0.12	0.01	0.05	0.32	0.19	12 Cytochrome b UQCRC1
-0.13	-0.19	0.07	0.17	0.02	-0.02	0.14	0.11	0.05	0.05	0.37	0.30	15 Cytochrome b UQCRC2
0.06	-0.01	0.10	0.10	0.03	-0.02	0.06	0.17	-0.22	-0.17	0.31	0.27	8 Cytochrome b UQCRFS1;UQCRFS1P1
0.17	0.12	-0.02	0.08	0.01	-0.03	-0.20	-0.10	0.04	0.14	-0.19	-0.10	23 General vesicle USO1
0.04	0.10	0.01	0.01	0.05	0.17	-0.01	0.01	-0.03	0.12	-0.23	-0.01	8 Ubiquitin carboxyl USP14
0.02	0.17	-0.23	-0.13	0.03	0.09	0.15	0.19	-0.03	0.06	-0.07	0.27	20 Ubiquitin carboxyl USP7
0.10	0.28	-0.19	-0.76	0.15	0.43	-0.12	0.12	0.23	0.02	0.00	0.32	38 Probable ubiquitin USP9X
-0.01	-0.11	0.22	0.17	-0.02	0.07	-0.09	0.09	0.52	0.33	-0.13	-0.27	5 Vesicle-associated VAMP3
-0.28	-0.13	0.30	0.41	-0.15	-0.14	-0.27	0.02	-0.51	-0.04	-0.11	0.10	7 Vesicle-associated VAMP8
-0.16	0.06	-0.02	0.14	0.00	0.11	0.03	0.20	-0.13	0.03	-0.08	0.03	13 Vesicle-associated VAPA
0.28	0.41	-0.21	0.06	-0.25	-0.09	0.86	1.13	-0.35	-0.13	-0.73	-0.48	11 Vesicle-associated VAPB
-0.26	0.12	-0.33	0.10	-0.17	-0.06	-0.03	-0.04	0.06	0.09	-0.03	0.11	44 Valine--tRNA Val VARS
-0.04	-0.03	-0.01	0.06	-0.03	0.16	-0.25	-0.17	-0.27	-0.05	-0.10	-0.11	15 Vasodilator-stimulated VASP
-0.12	0.27	-0.12	0.34	-0.14	-0.15	-0.33	0.06	0.12	0.17	-0.37	-0.12	13 Synaptic vesicle VAT1
-0.08	0.07	0.30	0.00	-0.02	0.18	-0.01	-0.01	-0.06	-0.02	-0.12	0.00	11 Prefoldin subunit VBP1
0.01	-0.28	-0.16	-0.08	0.05	0.00	-0.17	-0.18	-0.15	-0.09	-0.03	-0.09	73 Vinculin VCL
-0.10	-0.02	-0.06	0.12	-0.14	-0.04	-0.03	0.07	-0.08	0.07	-0.08	-0.01	59 Transitional endosome VCP
-1.23	-1.20	-1.34	-1.27	0.15	-0.24	-0.69	-0.53	0.91	1.59	-0.25	-0.28	13 Voltage-dependent VDAC1
-1.87	-1.37	-1.35	-1.22	0.12	-0.24	-0.64	-0.40	1.03	1.70	-0.16	-0.04	13 Voltage-dependent VDAC2
1.69	-1.71	-0.46	-2.51	0.38	1.28	-2.14	-2.21	-0.25	-1.67	-0.36	-2.87	38 Vimentin VIM
0.18	-0.01	0.15	0.18	0.13	0.22	0.23	0.35	0.10	0.09	-0.03	0.21	18 Vacuolar protein VPS13C
-0.27	-0.07	-0.12	0.07	0.04	0.05	-0.06	0.15	0.08	0.10	-0.23	-0.12	7 Vacuolar protein VPS26A
0.05	0.06	0.24	0.27	0.12	0.14	0.00	0.17	0.00	0.12	0.00	0.06	5 Vacuolar protein VPS29
0.19	0.01	0.01	0.12	0.04	-0.03	0.14	0.30	-0.02	-0.06	-0.08	0.02	18 Vacuolar protein VPS35
-0.11	0.24	0.54	0.38	-0.30	-0.15	0.23	-0.08	0.09	-0.09	-0.06	0.01	5 Vacuolar protein VPS4B
0.03	-0.20	-0.05	0.10	-0.35	-0.38	-0.62	-0.58	-0.08	0.16	-0.62	-0.56	15 Tryptophan--tryptophan WARS
-0.03	-0.11	-0.16	0.01	-0.25	-0.03	-0.06	0.24	0.00	0.12	-0.07	0.29	18 WD repeat-coiled WDR1
-0.21	-0.27	0.15	0.05	-0.13	-0.16	-0.18	0.04	-0.11	-0.11	-0.31	0.04	12 WD repeat-coiled WDR44
0.15	0.92	0.06	0.24	-0.06	0.16	0.20	0.37	-0.12	-0.40	0.38	0.47	13 Serine/threonine WNK1
0.09	0.13	0.11	0.03	0.11	0.17	0.21	0.27	-0.01	-0.12	0.02	0.08	37 Exportin-1 XPO1
-0.15	-0.21	0.05	-0.48	0.02	-0.06	0.41	0.24	-0.09	-0.32	-0.02	-0.27	12 Exportin-5 XPO5
0.16	0.18	0.03	0.00	0.13	0.06	-0.08	-0.19	-0.08	-0.20	0.16	0.15	36 X-ray repair crosslink XRCC5
0.13	0.09	0.06	-0.06	0.08	0.00	-0.06	-0.16	0.00	-0.19	0.11	0.04	23 X-ray repair crosslink XRCC6
0.26	-0.08	0.13	-0.94	0.06	0.17	0.24	-0.09	-0.30	-0.34	-0.79	-0.52	12 5-3 exoribonuclease XRN2
0.06	0.04	-0.15	0.01	-0.20	0.02	-0.59	-0.53	-0.10	0.20	-0.01	0.20	22 Tyrosine--tryptophan YARS
-0.12	-0.22	0.09	-0.17	-0.02	0.00	0.00	-0.11	-0.02	-0.06	-0.07	-0.19	17 Nuclease-sensitized YBX1
-0.45	-0.22	0.54	-0.13	-0.19	-0.05	0.14	0.09	0.05	0.00	-0.16	-0.11	11 Y-box-binding YBX3
0.13	0.22	0.04	0.03	0.07	0.06	-0.10	-0.17	-0.37	-0.09	0.11	0.16	7 Synaptobrevin YKT6
0.46	0.35	-0.05	-0.14	-0.14	-0.15	0.56	0.72	-0.19	-0.09	-0.35	-0.26	21 14-3-3 protein YWHAB
0.00	-0.03	-0.08	-0.02	-0.01	-0.06	0.18	0.17	0.02	-0.02	0.01	0.02	27 14-3-3 protein YWHAE
-0.03	0.05	0.09	0.08	-0.01	-0.08	-0.03	0.05	0.17	0.15	-0.17	-0.06	21 14-3-3 protein YWHAG
0.01	-0.30	-0.16	-0.18	0.14	0.07	-0.79	-0.73	0.14	0.15	-0.15	-0.09	17 14-3-3 protein YWHAH
-0.10	0.07	-0.21	0.08	0.04	0.02	0.34	0.46	0.18	0.24	0.11	0.26	21 14-3-3 protein YWHAQ
-0.16	0.06	0.02	0.24	-0.04	-0.06	0.14	0.37	0.18	0.30	-0.04	0.20	29 14-3-3 protein YWHAZ
-0.52	-0.76	0.01	-0.07	0.04	0.05	-0.35	-0.51	-0.48	-0.60	-0.09	-0.12	15 Zyxin ZYX