

Supplementary Table 1. Most frequently UPD events identified in GI cancers

Tumor- Type	Chr.	Start (bp)	Stop (bp)	Size (bp)	Cytoband	UPD (%) ^a	Copy number loss (%)	Copy number gain (%)
COAD	3	237447	43760292	43522845	3p26.3-p21.33	10.2-11.3	8.7-11.7	4,9-5,7
COAD	5	70751505	180863042	110111537	5q13.2-q35.3	10.2-20.4	9,8-21,1	4,2-5,7
COAD	6	203319	42418983	42215664	6p25.3-p21.1	10.2-15.1	3-5,3	9,1-12,5
COAD	12	52211683	133736051	81524368	12q13.13-q24.33	10.2-12.8	2,6-4,9	11,3-16,6
COAD	14	85738249	107078808	21340559	14q31.3-q32.33	10.2-10.9	23-26,4	1,9-2,6
COAD	17	5816	81052592	81046776	17p13.3-q25.3	10.6-17.4	6,4-55,1	0-13,2
COAD	22	19318224	22221970	2903746	22q11.21-q11.22	10.2	21,9-23	0,8
COAD	22	31090793	51183727	20092934	22q12.2-q13.33	10.2-11.3	23,8-26	0-1,5
READ	1	12896779	19746245	6849466	1p36.21-p36.13	10.5	31,4	3,8
READ	1	50574638	53461698	2887060	1p33-p32.3	10.5	19-21,9	7,6
READ	1	59465348	79108069	19642721	1p32.1-p31.1	10.5	21,9-23,8	6,7-7,6
READ	2	11052063	86116137	75064074	2p25.1-p11.2	10.5	1,9-6,7	18,1-21,9
READ	4	82009837	191013434	109003597	4q21.21-q35.2	10.5-14.3	14,3-20	3,8-6,7
READ	5	21751154	24644911	2893757	5p14.3-p14.1	10.5	6,7	19
READ	5	49928964	180863042	130934078	5q11.1-q35.3	10.5-32.4	10,5-22,9	6,7-11,4
READ	6	909946	13287528	12377582	6p25.3-p24.1	10.5	9,5-11,4	14,3-19
READ	8	158350	23493200	23334850	8p23.3-p21.2	10.5-12.4	50,5-53,3	5,7-6,7
READ	8	26605667	32622073	6016406	8p21.2-p12	10.5	23,8-53,3	5,7-17,1
READ	9	32333186	35859977	3526791	9p21.1-p13.3	10.5	2,9	25,7
READ	9	71224041	141071879	69847838	9q21.11-q34.3	10.5-12.4	3,8-7,6	13,3-20
READ	12	186542	8025495	7838953	12p13.33-p13.31	10.5	6,7-8,6	17,1-18,1
READ	12	43748012	133736051	89988039	12q12-q24.33	10.5-12.4	3,8-12,4	12,4-19
READ	14	19110156	107283226	88173070	14q11.2-q32.33	11.4-15.2	22,9-28,6	3,8-7,6
READ	15	45384852	56535483	11150631	15q21.1-q21.3	10.5	32,4-33,3	2,9
READ	15	63900817	102467505	38566688	15q22.31-q26.3	10.5-15.2	21,9-33,3	3,8-5,7
READ	17	5816	21826499	21820683	17p13.3-p11.2	16.2-26.7	36,2-55,2	1,9-7,6
READ	17	38219063	81052592	42833529	17q21.1-q25.3	10.5-19	4,8-10,5	13,3-19
READ	22	18761172	51222087	32460915	22q11.21-q13.33	10.5-12.4	21-29,6	1-6,7
ESAD	1	63015	19727702	19664687	1p36.33-p36.13	11.1	5,6-16,7	5,6-11,1
ESAD	1	177898281	249223069	71324788	1q25.2-q44	11.1-16.7	0-5,6	11,1-27,8
ESAD	2	165349323	242122439	76773116	2q24.3-q37.3	11.1	0-5,6	11,1-16,7
ESAD	3	237447	47388306	47150859	3p26.3-p21.31	11.1-16.7	16,7-27,8	11,1-22,2
ESAD	3	81538854	89531284	7992430	3p12.2-p11.1	11.1	16,7-22,2	27,8-38,9
ESAD	3	105085713	110689983	5604270	3q13.11-q13.13	11.1	16,7	38,9
ESAD	3	139654207	197847649	58193442	3q23-q29	11.1-16.7	11,1-16,7	33,3-44,4
ESAD	4	11518	191013434	191001916	4p16.3-q35.2	11.1-16.7	16,7-38,9	0-16,7
ESAD	5	50981	180863042	180812061	5p15.33-q35.3	11.1-27.8	22,2-50	0-22,2
ESAD	6	203319	57513376	57310057	6p25.3-p11.2	11.1-22.2	5,6-44,4	11,1-50
ESAD	6	68844809	170949616	102104807	6q12-q27	11.1-27.8	11,1-27,8	11,1-44,4
ESAD	7	191251	40900357	40709106	7p22.3-p14.1	11.1	0	38,9-55,6
ESAD	7	62573753	108096785	45523032	7q11.21-q31.1	11.1	0-16,7	16,7-38,9
ESAD	7	119086026	158945450	39859424	7q31.31-q36.3	11.1	16,7-33,3	11,1
ESAD	8	93944	146281416	146187472	8p23.3-q24.3	11.1-16.7	0-33,3	11,1-72,2
ESAD	9	47489	141071879	141024390	9p24.3-q34.3	11.1-27.8	11,1-55,6	5,6-27,8
ESAD	10	92997	3294820	3201823	10p15.3-p15.2	11.1	5,6-11,1	22,2
ESAD	10	23727586	35930362	12202776	10p12.2-p11.21	11.1	5,6	22,2
ESAD	10	83248851	135498450	52249599	10q23.1-q26.3	11.1-16.7	5,6-16,7	16,7-38,9
ESAD	11	196761	134832265	134635504	11p15.5-q25	16.7-27.8	5,6-16,7	5,6-22,2
ESAD	13	19128905	115092797	95963892	13q11-q34	22.2-27.8	16,7-22,2	11,1-27,8
ESAD	14	19110156	107288051	88177895	14q11.2-q32.33	11.1-22.2	22,2-33,3	5,6-11,1
ESAD	15	29904774	102467505	72562731	15q13.1-q26.3	11.1	16,7-33,3	11,1-22,2
ESAD	16	64037	6429682	6365645	16p13.3	11.1-16.7	44,4-50	5,6-11,1
ESAD	17	5816	21826499	21820683	17p13.3-p11.2	11.1-55.6	16,7-44,4	5,6-33,3
ESAD	18	47390	78005397	77958007	18p11.32-q23	16.7-27.8	16,7-66,7	5,6-27,8
ESAD	19	94077	59095555	59001478	19p13.3-q13.43	11.1-33.3	5,6-38,9	5,6-33,3
ESAD	20	68351	62959437	62891086	20p13-q13.33	11.1-27.8	0-27,8	50-77,8

ESAD	21	10862622	48084863	37222241	21p11.2-q22.3	11.1-27.8	44,4-61,1	5,6-16,7
ESAD	22	16069225	51237934	35168709	22q11.1-q13.33	16.7	38,9	0-5,6
ESCC	1	319126	31230667	30911541	1p36.33-p35.2	10.3-15.4	12,8-28,2	7,7-12,8
ESCC	1	38422647	114225009	75802362	1p34.3-p13.2	10.3-15.4	15,4-28,2	7,7-12,8
ESCC	2	140988996	171717661	30728665	2q22.1-q31.1	10.3-12.9	5,1-15,4	15,4-33,3
ESCC	2	235401685	243064620	7662935	2q37.1-q37.3	10.3-12.9	23,1-30,8	12,8-15,4
ESCC	3	237447	85009583	84772136	3p26.3-p12.1	10.3-20.5	61,5-76,9	0-2,6
ESCC	4	118496039	191013434	72517395	4q26-q35.2	10.3-15.4	43,6-51,3	10,3-17,9
ESCC	5	49694473	56817849	7123376	5q11.1-q11.2	10.3	46,1-48,7	5,1-7,7
ESCC	5	155753767	160356415	4602648	5q33.3-q34	10.3	53,8-56,4	10,3
ESCC	5	176558861	180688119	4129258	5q35.2-q35.3	10.3	51,3-53,8	12,8
ESCC	6	391760	57513376	57121616	6p25.3-p11.2	10.3-18	20,5-41	7,7-15,4
ESCC	6	73331835	77343710	4011875	6q13-q14.1	10.3	30,8-33,3	12,8-15,4
ESCC	6	106060546	170949616	64889070	6q21-q27	10.3	25,6-28,2	10,3-15,4
ESCC	7	130596872	158945450	28348578	7q32.3-q36.3	10.3-12.8	17,9-20,5	15,4-17,9
ESCC	9	47489	141130810	141083321	9p24.3-q34.3	28.2-64.1	10,3-59	10,3-38,5
ESCC	13	19128905	115092797	95963892	13q11-q34	12.8-18	25,6-38,5	0-2,6
ESCC	14	23842018	87389093	63547075	14q11.2-q31.3	10.3	7,7-17,9	20,5-23,1
ESCC	15	28000033	91838513	63838480	15q12-q26.1	10.3	15,4-20,5	10,3-17,9
ESCC	16	71877821	76592960	4715139	16q22.2-q23.1	10.3	7,7	12,8-15,4
ESCC	17	5816	81052592	81046776	17p13.3-q25.3	25.6-53.8	2,6-30,8	7,7-25,6
ESCC	21	11020842	48084863	37064021	21p11.1-q22.3	10.3-20.5	33,3-46,2	7,7-15,4
ESCC	22	18270418	24176705	5906287	22q11.21-q11.23	10.3	10,3	7,7-10,3
STAD	1	1981909	120387773	118405864	1p36.33-p12	10.7-13.2	9,9-19,8	4,1-9,9
STAD	2	173600607	195053036	21452429	2q31.1-q32.3	10.7-11.6	9,1-9,9	18,2-20,7
STAD	2	210444403	238322820	27878417	2q34-q37.3	10.7-13.2	6,7-14	8,3-17,4
STAD	3	237447	93845630	93608183	3p26.3-q11.1	11.5-15.7	9,9-24,8	3,3-11,6
STAD	3	114057517	197847649	83790132	3q13.31-q29	10.7-13.2	5,8-11,6	14-28,9
STAD	4	33012326	36794657	3782331	4p15.1-p14	10.7	24-24,8	3,3-4,1
STAD	4	62285970	92520208	30234238	4q13.1-q22.1	10.7	24-31,4	2,5-7,4
STAD	4	118955500	179208439	60252939	4q26-q34.3	10.7-12.4	25,6-36,4	0-4,1
STAD	6	292101	43754224	43462123	6p25.3-p21.1	10.7-13.2	3,3-15,7	11,6-19
STAD	7	90338712	122526514	32187802	7q21.13-q31.32	10.7-12.4	3,3-12,4	30,6-43
STAD	9	47489	141071879	141024390	9p24.3-q34.3	10.7-21.5	10,7-35,5	5,8-20,7
STAD	11	122526430	134832265	12305835	11q24.1-q25	10.7-12.4	11,6-14	9,9-12,4
STAD	12	71833813	78606790	6772977	12q21.1-q21.2	10.7-11.6	11,6-15,7	7,4-13,2
STAD	12	89813501	95945227	6131726	12q21.33-q22	10.7	13,2-15,7	8,3-9,1
STAD	12	103203064	108644314	5441250	12q23.2-q23.3	10.7	9,9-10,7	11,6-13,2
STAD	12	112081892	118810551	6728659	12q24.12-q24.23	10.7	9,1-10,7	11,6-12,4
STAD	13	19128905	22276187	3147282	13q11-q12.11	10.7	7,4-9,1	28,1-30,6
STAD	13	34392234	75009290	40617056	13q13.2-q22.1	10.7-11.5	4,1-10,7	33,9-37,2
STAD	13	85406269	115092797	29686528	13q31.1-q34	10.7-13.2	5-12,4	33,1-38
STAD	14	20647387	107283226	86635839	14q11.2-q32.33	10.7-14	16,5-24,8	2,5-7,4
STAD	15	26173293	102467505	76294212	15q12-q26.3	10.7-16.6	9,1-21,5	1,7-18,2
STAD	17	5816	81052592	81046776	17p13.3-q25.3	14.9-25.6	3,3-39,7	0,8-19,8
STAD	18	47390	77748532	77701142	18p11.32-q23	10-15.7	10,7-40,5	3,3-22,3
STAD	19	94077	59095555	59001478	19p13.3-q13.43	11.6-19	6,6-33,9	4,1-17,4
STAD	21	24462127	28530172	4068045	21q21.2-q21.3	10.7	27,2-32,2	2,5-4,1
STAD	22	16069225	51237934	35168709	22q11.1-q13.33	12.4-14.9	20,7-28,9	3,3-7,4

^aRegions detected at least in 10% of samples