

Supplementary Table I. Quantification of transcript levels from CD19 CAR T cells collected from patients undergoing CRS.

Gene name	Grade 2 (T cells)	Grade 2 (T cells)	Grade 2 (T cells)	Grade 3 T cells	Grade 4 (T cells)	Grade 4 (T cells)	Grade 4 (T cells)	Grade 4 (ALL only)	Grade 4 (ALL only)	Grade 3 (ALL only)
<i>ABCB1</i>	25.37	89.95	5.74	1	1.06	15.96	3.93	92.69	52.37	1.39
<i>ABCF1</i>	108.78	109.07	110.29	70.87	73.28	111.15	87.75	153.84	176.58	117.18
<i>ABL1</i>	27.38	33.4	8.91	50.03	64.81	34.62	229.2	33.77	41.84	2.23
<i>ADA</i>	151.98	152.24	156.22	190.7	239.51	181.95	360.17	126.04	203.95	52.61
<i>AHR</i>	828.25	36.13	423.92	135.88	159.36	176.68	480.66	156.06	132.37	172.85
<i>AICDA</i>	1	1	1.58	20.13	7.18	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>AIRE</i>	1.26	29.85	1.58	6.77	8.62	1.61	2.62	12.65	2.11	2.23
<i>ALAS1</i>	38.44	21.92	27.92	17.19	19.79	33.66	11.79	25.99	3.95	28.11
<i>APP</i>	168.06	21.38	454.02	101	111.82	82.93	286.82	62.67	54.47	114.96
<i>ARG1</i>	1	1	67.52	1.1	1.42	1.14	2.62	3.75	2.11	72.65
<i>ARG2</i>	1	1	39.01	1	1.78	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>ARHGDI3</i>	1563.8	1679.92	1794.09	1028.15	1217.43	1335.68	1874.18	1451.24	1841.86	1248.38
<i>ATG10</i>	43.46	33.67	58.01	38.71	42.3	30.79	30.12	49.33	39.74	86.01
<i>ATG12</i>	7.29	6.9	1.58	13.56	11.5	10.22	22.26	1.11	2.11	2.23
<i>ATG16L1</i>	73.61	95.69	31.09	26.25	17.27	85.32	92.99	121.6	159.74	86.01
<i>ATG5</i>	80.64	77.38	46.93	53.88	60.85	77.19	61.56	97.14	98.69	68.19
<i>ATG7</i>	33.41	43.78	31.09	13.11	19.61	50.4	35.36	29.32	12.37	175.08
<i>ATM</i>	6.28	6.62	1.58	1	1.42	1	2.62	1.11	2.11	2.23
	31925.3	15571.6	52872.1			28436.0	19091.4			
<i>B2M</i>	7	6	9	7188.87	6402.97	4	7	16497.5	26602.12	37411.19
<i>B3GAT1</i>	1	1	1.58	1	1	14.53	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>BATF</i>	40.45	47.33	39.01	5.41	1.24	49.45	6.55	44.89	31.32	139.45
<i>BATF3</i>	7.29	3.35	67.52	1	1	12.62	3.93	1.11	2.11	19.21
<i>BAX</i>	333.86	232.28	229.09	217.43	224.38	366.58	425.65	188.3	248.16	299.78
<i>BCAP31</i>	179.11	93.23	260.77	84.69	121.36	132.68	218.72	87.13	147.11	250.79
<i>BCL10</i>	256.49	104.43	240.18	109.16	117.04	133.16	179.43	98.25	168.16	417.8

<i>BCL2</i>	11.3	69.73	7.33	67.48	83.18	33.66	40.6	97.14	100.79	43.7
<i>BCL2L11</i>	87.67	216.71	159.39	9.03	3.22	105.41	37.98	251.67	294.48	293.1
<i>BCL3</i>	257.49	60.44	886.45	6.99	7.36	103.98	37.98	325.04	307.11	1292.92
<i>BCL6</i>	104.76	1.43	416	27.83	19.43	68.58	74.65	276.13	155.53	2985.27
<i>BID</i>	6.28	2.8	1.58	1	1.24	1	2.62	7.09	2.11	5.85
<i>BLNK</i>	1	1	1.58	133.62	153.42	1	226.58	1.11	2.11	2.23
<i>BST1</i>	408.22	1	149.89	11.98	8.8	113.54	14.41	23.76	2.11	310.91
<i>BST2</i>	73.61	107.43	86.53	119.58	89.31	135.07	176.81	53.78	69.21	179.53
<i>BTK</i>	35.42	1	42.17	80.84	78.86	33.66	51.08	8.2	1.84	81.56
<i>BTLA</i>	7.29	8.81	23.17	1	1	58.54	11.79	12.65	1.84	16.98
<i>C14orf166</i>	501.67	607.37	530.05	540.23	514.88	473.73	928.58	548.5	572.37	448.97
<i>CIQA</i>	17.33	1	1.58	1	1	17.4	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CIQB</i>	6.28	1.43	1.58	1	1	76.23	3.93	1.11	2.11	10.3
<i>CIQBP</i>	187.15	267.25	275.02	672.97	495.24	258	737.36	247.22	254.48	137.22
<i>CIR</i>	2.26	9.08	1.58	3.14	3.4	1	3.93	1.11	2.11	2.23
<i>CIS</i>	1.26	2.8	1.58	1	1	1	17.03	1.11	2.11	5.85
<i>C2</i>	81.64	7.72	81.77	2.92	6.64	70.97	6.55	14.87	6.05	117.18
<i>C3</i>	1	1	1.58	1	1	3.53	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>C4A/B</i>	1	2.53	1.58	1	1.24	1	22.26	1	2.11	41.47
<i>C4BPA</i>	17.33	13.73	81.77	10.62	6.1	26.49	17.03	33.77	22.89	77.1
<i>C5</i>	3.27	1	5.74	2.01	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>C6</i>	25.37	8.54	48.51	7.45	6.1	16.92	40.6	33.77	33.42	52.61
<i>C7</i>	1	1	1.58	1	1	1.61	2.62	4.86	2.11	3.62
<i>C8A</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>C8B</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>C8G</i>	1	2.53	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>C9</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CAMP</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CARD9</i>	1.26	1	1.58	1	1	3.05	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CASP1</i>	411.24	131.47	422.34	193.65	130.01	526.82	95.61	162.73	231.32	426.71
<i>CASP10</i>	1	1	1.58	1	1	1.61	2.62	1.11	2.11	2.23

<i>CASP2</i>	71.6	222.45	103.95	141.55	146.94	176.21	216.1	133.83	172.37	161.72
<i>CASP3</i>	136.91	62.08	138.8	50.03	36.54	126.94	22.26	76.02	126.05	92.69
<i>CASP8</i>	396.16	590.43	1043.27	137.24	161.34	258.96	349.69	950.95	770.27	1061.34
<i>CCBP2</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCL11</i>	1.26	1	1.58	1	1	1	2.62	1	2.11	2.23
<i>CCL13</i>	1	1	1.58	1	1	2.09	9.17	1.53	2.11	3.62
<i>CCL15</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCL16</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCL18</i>	1	1	1.58	1	1	1	3.93	1.11	2.11	2.23
<i>CCL19</i>	2.26	1	21.58	1	1	1	11.79	1	2.11	19.21
<i>CCL2</i>	64.56	1	61.18	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCL20</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCL22</i>	1	1	1.58	1	1	1	1.31	1.11	2.11	2.23
<i>CCL23</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCL24</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCL26</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCL3</i>	4.27	121.36	43.76	1	1	18.83	2.62	409.54	50.26	2.23
<i>CCL4</i>	50.49	54.16	21.58	4.73	1	74.32	1.31	192.75	153.42	81.56
<i>CCL5</i>	888.54	3718.19	2093.47	138.83	27.71	1341.42	200.38	3179.99	3923.99	1404.26
<i>CCL7</i>	5.28	9.9	7.33	4.96	3.04	13.09	9.17	10.42	1.84	2.23
<i>CCL8</i>	8.29	13.18	13.66	5.86	5.56	15.01	2.62	4.86	3.95	23.66
<i>CCND3</i>	85.66	234.74	263.94	162.84	280.93	156.59	226.58	137.16	163.95	1003.44
<i>CCR1</i>	1206.07	100.88	393.83	4.5	2.5	88.19	32.74	86.02	75.53	221.84
<i>CCR10</i>	1	1	1.58	1	1	1	3.93	1.11	2.11	2.23
<i>CCR2</i>	401.19	59.62	83.36	1	1	159.94	2.62	10.42	33.42	12.53
<i>CCR5</i>	92.7	432.53	13.66	33.27	1	275.22	3.93	116.04	311.32	37.02
<i>CCR6</i>	9.29	1.16	5.74	1	3.04	4.48	11.79	1.11	2.11	5.85
<i>CCR7</i>	10.3	1	34.25	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCR8</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCRL1</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CCRL2</i>	48.48	5.53	129.3	5.63	6.64	19.31	2.62	24.88	14.47	25.89

<i>CD14</i>	743.84	1	187.9	1	1	124.55	1.31	23.76	1.84	168.4
<i>CD160</i>	1	1	1.58	1	1	9.27	2.62	1.11	2.11	5.85
<i>CD163</i>	100.74	1	51.68	1	1	72.89	2.62	3.75	2.11	2.23
<i>CD164</i>	349.94	198.4	349.47	290.37	289.03	352.23	323.5	321.71	363.95	399.98
<i>CD19</i>	12.31	1	2.57	1022.49	856.34	1	1557.23	1.11	2.11	25.89
<i>CD1A</i>	1	1	1.58	1	1	3.05	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CD1D</i>	251.46	1	94.45	1	1	69.54	2.62	11.53	2.11	19.21
<i>CD2</i>	57.53	369.15	48.51	15.83	1.06	224.52	2.62	174.96	326.06	63.74
<i>CD209</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CD22</i>	1	1	7.33	119.58	50.22	1	352.31	1.11	2.11	2.23
<i>CD24</i>	6.28	1	64.35	1077.31	1209.33	1	1366.02	72.68	25	4272.34
<i>CD244</i>	95.71	24.11	7.33	2.01	1.42	83.41	3.93	33.77	18.68	23.66
<i>CD247</i>	194.19	337.46	232.26	21.94	5.02	217.34	17.03	381.74	511.32	170.63
<i>CD27</i>	61.55	396.19	75.44	84.24	69.86	243.65	116.56	447.34	563.95	110.5
<i>CD274</i>	4.27	9.9	423.92	1	1	8.31	2.62	13.76	1.84	88.24
<i>CD276</i>	4.27	1	1.58	1	1	2.57	1.31	1.11	2.11	2.23
<i>CD28</i>	113.8	37.5	254.43	10.17	2.5	188.16	2.62	201.64	203.95	50.38
<i>CD34</i>	1	1	1.58	1	1	1	17.03	1.11	2.11	2.23
<i>CD36</i>	731.78	15.64	1044.85	6.09	6.1	587.09	370.64	38.22	35.53	460.11
<i>CD3D</i>	231.37	672.39	583.91	57.28	5.02	790.38	19.65	713.04	1191.33	442.29
<i>CD3E</i>	226.34	586.88	249.68	44.37	2.5	501.95	19.65	655.23	898.69	275.28
<i>CD3EAP</i>	1	2.53	1.58	1.33	5.56	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CD4</i>	296.68	6.9	53.26	1	1	125.98	2.62	22.65	31.32	25.89
<i>CD40</i>	24.37	1	56.43	19	10.42	74.32	74.65	2.64	2.11	86.01
<i>CD40LG</i>	10.3	1	24.75	1	1	26.49	3.93	15.98	1.84	8.07
<i>CD44</i>	1483.41	821.01	2072.88	93.07	87.14	670.8	315.64	1910.38	1978.71	4125.38
<i>CD45R0</i>	255.48	358.77	148.3	48.45	6.46	799.95	19.65	128.27	336.58	894.33
<i>CD45RA</i>	115.81	21.92	113.45	3.37	2.32	103.98	187.29	107.14	52.37	90.46
<i>CD45RB</i>	147.96	289.1	48.51	6.09	1	309.66	19.65	146.05	418.69	152.81
<i>CD46</i>	367.02	206.87	463.52	131.81	143.15	342.66	265.87	310.59	454.48	602.62
<i>CD48</i>	1189.99	519.13	685.28	115.04	55.09	885.57	255.39	531.83	643.95	506.87

<i>CD5</i>	169.07	79.29	419.17	15.6	1	164.73	14.41	230.55	246.06	90.46
<i>CD53</i>	1149.8	709.27	1231.77	521.88	506.95	1107.04	902.38	584.08	1027.12	1346.36
<i>CD55</i>	1	1	1.58	1	1.78	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CD58</i>	474.54	151.42	587.07	146.76	213.03	141.77	656.16	190.52	187.11	382.17
<i>CD59</i>	61.55	337.73	406.5	71.33	80.12	66.19	148	475.13	534.48	678.33
<i>CD6</i>	41.45	89.67	225.92	2.92	1	110.2	2.62	117.15	109.21	30.34
<i>CD7</i>	52.5	139.12	67.52	4.05	1.42	65.71	2.62	253.89	227.11	112.73
<i>CD70</i>	1	95.14	1.58	8.58	16.19	34.14	6.55	64.9	43.95	2.23
							10395.0			
<i>CD74</i>	7003.06	1740.57	7909.97	3374.02	2871.27	4392.7	7	2266.14	2159.76	13578.03
<i>CD79A</i>	3.27	1.98	1	613.39	902.26	1	905	1	2.11	2.23
<i>CD79B</i>	8.29	7.72	15.25	253.45	396.19	4.96	543.52	14.87	18.68	14.75
<i>CD80</i>	1	4.44	1.58	1	1.06	1.14	2.62	22.65	2.11	2.23
<i>CD81</i>	533.83	662.28	493.62	905.15	1245.53	660.28	1219.33	659.68	955.54	286.42
<i>CD82</i>	21.35	15.64	99.2	10.62	18.17	16.92	27.5	25.99	39.74	117.18
<i>CD83</i>	99.73	42.69	411.25	27.61	20.33	129.33	153.23	177.18	159.74	239.66
<i>CD86</i>	161.03	20.56	72.27	4.28	3.04	53.75	2.62	3.75	2.11	2.23
<i>CD8A</i>	145.95	678.67	146.72	31.23	4.48	274.26	22.26	988.75	1243.96	172.85
<i>CD8B</i>	21.35	339.37	46.93	17.19	1.78	96.8	2.62	405.09	498.69	28.11
<i>CD9</i>	148.97	82.85	130.88	484.73	953.23	31.27	58.94	88.24	126.05	97.14
<i>CD96</i>	119.83	352.21	183.15	155.59	150.36	235.04	48.46	312.82	530.27	155.04
<i>CD97</i>	512.73	295.93	897.54	395.03	606.36	349.36	1174.8	617.43	580.8	2829.39
<i>CD99</i>	1232.2	1790.83	1789.34	1471.91	2142.05	952.06	3532.26	1266.69	1448.17	874.29
<i>CDH5</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CDKN1A</i>	133.9	1	346.3	74.95	110.02	66.67	184.67	28.21	3.95	30.34
<i>CEACAM1</i>	1	1	26.33	1	1	6.4	2.62	9.31	1.84	404.44
<i>CEACAM6</i>	5.28	1.16	1.58	3.82	2.68	1	22.26	4.86	14.47	2.23
<i>CEACAM8</i>	1	1	5.74	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CEBPB</i>	2206.9	33.12	2584.52	6.99	12.94	463.68	103.47	1172.19	582.9	2564.41
<i>CFB</i>	1	1	27.92	2.69	1.96	11.18	2.62	18.2	8.16	57.06
<i>CFD</i>	197.2	1	124.54	1	1	30.79	2.62	1.53	2.11	150.59

<i>CFH</i>	5.28	1.16	50.09	1	1	10.22	161.09	8.2	2.11	183.99
<i>CFI</i>	1	1	1.58	1	1	1.14	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CFP</i>	183.13	1	100.78	1	1	82.93	2.62	15.98	2.11	141.68
<i>CHUK</i>	122.84	125.19	178.4	74.72	80.48	147.51	189.91	206.09	178.69	351
<i>CIITA</i>	4.27	10.45	1.58	31.01	36.72	19.31	32.74	1.11	2.11	653.84
<i>CISH</i>	28.39	1	111.87	6.54	13.3	18.36	6.55	8.2	2.11	110.5
<i>CLEC4A</i>	210.27	3.62	347.89	3.6	2.14	108.28	14.41	92.69	52.37	1183.81
<i>CLEC4E</i>	40.45	1	148.3	1	2.86	92.02	30.12	3.75	2.11	37.02
<i>CLEC5A</i>	9.29	1	1.58	1	1	17.4	2.62	1.11	2.11	8.07
<i>CLEC6A</i>	1	1	1.58	1	1	15.49	2.62	1.53	2.11	2.23
<i>CLEC7A</i>	300.7	1	243.34	1	1	132.2	35.36	266.12	107.11	415.57
<i>CLU</i>	5.28	1	1.58	1	1	1	1.31	1.11	2.11	2.23
<i>CMKLR1</i>	63.56	2.53	1.58	1	1	36.05	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CR1</i>	394.15	1	332.05	1.1	1.42	75.76	77.27	128.27	105	2457.52
<i>CR2</i>	1	1	1.58	1	1	1	37.98	1.11	2.11	2.23
<i>CRADD</i>	1	28.21	1.58	44.6	50.58	13.57	53.7	24.88	3.95	45.93
<i>CSF1</i>	1	5.81	29.5	1	1	7.83	2.62	20.43	2.11	157.27
<i>CSF1R</i>	5.28	1	1.58	1	1	4.96	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CSF2</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CSF2RB</i>	254.48	1	1385.42	19.23	17.27	168.07	132.28	425.1	168.16	7986.6
<i>CSF3R</i>	587.08	1	1904.97	1	1	240.3	203	1531.28	709.22	11275.55
<i>CTLA4-TM</i>	4.27	37.22	50.09	1	1	46.58	2.62	68.23	178.69	2.23
<i>CTLA4_all</i>	15.32	157.7	99.2	6.31	1.42	98.24	11.79	233.88	395.53	57.06
<i>CTNNB1</i>	1285.46	534.43	1315.72	602.52	650.49	493.34	902.38	1095.48	936.59	1604.67
<i>CTSC</i>	549.9	642.34	672.61	153.1	119.38	851.61	119.18	668.57	702.9	1439.89
<i>CTSG</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
	10500.9									
<i>CTSS</i>	4	271.35	3395.53	206.33	209.79	4617.99	624.73	564.07	652.38	1655.88
<i>CUL9</i>	11.3	30.94	1.58	21.04	22.31	27.44	56.32	34.88	27.11	32.57
<i>CX3CL1</i>	7.29	1	1.58	1	1	1.61	6.55	7.09	2.11	2.23
<i>CX3CR1</i>	68.58	177.92	1.58	33.72	2.86	1063.51	2.62	29.32	142.9	224.07

<i>CXCL1</i>	5.28	4.44	61.18	2.92	2.68	16.92	3.93	34.88	22.89	94.92
<i>CXCL10</i>	1	1	113.45	1.78	1	71.93	2.62	1.11	2.11	8.07
<i>CXCL11</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CXCL12</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	1.39
<i>CXCL13</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CXCL2</i>	11.3	1	31.09	1	1	7.83	2.62	2.64	2.11	2.23
<i>CXCL9</i>	1	1	4.16	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>CXCR1</i>	1	1.71	20	1	1	2.57	14.41	5.98	2.11	72.65
<i>CXCR2</i>	6.28	1.71	15.25	1	1	4.01	17.03	18.2	20.79	277.51
<i>CXCR3</i>	104.76	295.11	172.06	68.83	50.76	183.86	6.55	212.76	397.64	72.65
<i>CXCR4</i>	1412.07	925.91	2657.38	1186.27	1398.79	454.59	2324.71	3506.84	6797.7	511.32
<i>CXCR6</i>	14.32	91.86	1.58	13.34	1	65.23	2.62	43.77	75.53	8.07
<i>CYBB</i>	1221.15	1.16	837.35	149.93	199.71	705.72	69.41	82.69	48.16	1328.55
<i>DEFB1</i>	7.29	2.25	1.58	1	1	1.61	2.62	2.64	2.11	2.23
<i>DEFB103A</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>DEFB103B</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>DEFB4A</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>DPP4</i>	22.36	258.23	20	4.05	8.44	83.89	66.79	187.19	281.85	94.92
<i>DUSP4</i>	84.66	44.87	297.2	1.56	1	69.54	6.55	452.89	719.74	8.07
<i>EBI3</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>EDNRB</i>	7.29	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>EEF1G</i>	2308.39	1592.22	2185.34	4107.49	4087.82	1694.43	5027.93	1682.48	2022.92	1212.76
<i>EGR1</i>	6.28	1	1.58	176.21	490.38	4.01	2.62	1.11	2.11	86.01
<i>EGR2</i>	2.26	1	1.58	2.24	6.1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>ENTPDI</i>	21.35	10.45	1.58	1	1	6.4	2.62	54.89	20.79	135
<i>EOMES</i>	3.27	6.9	1.58	1	1	22.66	2.62	8.2	18.68	2.23
<i>ETS1</i>	353.96	766.09	454.02	79.71	21.59	693.76	35.36	1125.5	1305.01	328.73
<i>FADD</i>	4.27	4.17	1.58	1.33	1	4.96	2.62	3.75	2.11	5.85
<i>FAS</i>	2.26	23.84	1.58	1	1	19.31	2.62	7.09	3.95	5.85
<i>FCAR</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>FCERIA</i>	7.29	1	1.58	1	1	3.53	2.62	1.11	2.11	2.23

<i>FCER1G</i>	467.51	42.69	678.95	1	1	287.66	108.7	147.17	58.68	976.72
<i>FCGR1A/B</i>	9.29	1	27.92	1	1	17.4	1.31	1.11	2.11	86.01
<i>FCGR2A</i>	630.29	1	739.14	1	1	278.57	119.18	188.3	185	1562.36
<i>FCGR2A/C</i>	1291.48	7.44	1011.59	4.05	1	416.33	111.32	270.57	197.63	987.85
<i>FCGR2B</i>	9.29	1	1.58	1	1	1	2.62	10.42	2.11	110.5
<i>FCGR3A/B</i>	853.37	63.18	503.12	7.67	1.6	998.46	192.53	369.51	515.53	2468.66
<i>FCGRT</i>	472.53	6.08	205.33	11.07	12.94	182.42	77.27	47.11	8.16	413.34
<i>FKBP5</i>	123.85	720.2	419.17	149.7	99.39	274.26	420.41	538.5	625.01	693.92
<i>FN1</i>	1	1	1.58	1	1	5.44	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>FOXP3</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>FYN</i>	253.47	542.62	428.67	44.14	24.47	399.59	111.32	667.46	751.32	123.86
<i>G6PD</i>	95.71	85.58	89.69	30.1	25.91	80.06	90.37	72.68	58.68	279.74
<i>GAPDH</i>	4457.77	3502.64	6072.51	4737.45	4960.39	3812.48	7773.06	3710.29	3460.83	2646.8
<i>GATA3</i>	5.28	7.72	1.58	1	1.06	5.92	19.65	19.32	10.26	8.07
<i>GBP1</i>	148.97	596.72	1196.92	105.76	46.98	623.45	43.22	100.47	117.63	1451.02
<i>GBP5</i>	74.61	1906.67	1518.47	90.35	48.24	622.49	142.76	365.07	498.69	2867.25
<i>GFII1</i>	55.52	201.14	40.59	115.27	116.5	87.24	171.57	359.51	334.48	41.47
<i>GNLY</i>	1247.27	8607.76	67.52	68.83	6.82	1069.73	56.32	9563.59	11684.07	2061.16
<i>GP1BB</i>	21.35	1	482.53	1	1	27.92	22.26	1.11	2.11	108.28
<i>GPI</i>	127.87	154.42	138.8	104.85	117.22	137.46	51.08	149.39	168.16	106.05
<i>GPR183</i>	267.54	17.01	148.3	2.92	1.42	47.53	72.03	60.45	121.84	1.39
<i>GUSB</i>	75.62	39.68	78.61	30.78	28.79	44.19	9.17	72.68	73.42	81.56
<i>GZMA</i>	801.12	3858.07	496.79	175.98	16.73	2585.56	103.47	3003.22	4772.42	2009.94
<i>GZMB</i>	654.41	4594.59	110.29	94.88	8.26	2115.36	158.47	4690.84	5601.9	2081.2
<i>GZMK</i>	432.34	1435.14	311.46	166.01	19.79	1207.49	27.5	1245.56	2142.92	212.94
<i>HAMP</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>HAVCR2</i>	146.96	241.57	113.45	11.98	2.14	132.2	6.55	298.36	458.69	94.92
<i>HFE</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>HLA-A</i>	3135.39	3225.08	5724.03	732.77	709.38	2642.48	1769.4	3245.58	3608.2	9260.32
<i>HLA-B</i>	5190.31	2806.56	8912.65	1328.3	1520.72	3519.27	3464.15	3984.89	4540.84	8429.73
<i>HLA-C</i>	463.49	686.32	2695.4	206.56	193.76	547.39	774.03	1334.5	1326.07	5750.92



<i>HLA-DMA</i>	579.05	63.18	552.23	139.96	128.93	270.44	514.71	211.65	109.21	1544.55
<i>HLA-DMB</i>	580.05	42.41	305.12	94.88	76.34	361.32	428.27	109.37	65	689.46
<i>HLA-DOB</i>	4.27	38.04	16.83	10.39	12.22	6.88	95.61	1	2.11	72.65
<i>HLA-DPA1</i>	2807.8	250.04	1496.3	730.73	776.56	1204.14	3013.62	289.47	292.37	591.49
<i>HLA-DPB1</i>	3307.22	330.9	1749.74	814.54	943.87	1196.96	7291.09	429.55	448.16	887.65
<i>HLA-DQA1</i>	707.67	1	260.77	99.19	124.96	458.9	2.62	1.11	2.11	219.62
<i>HLA-DQB1</i>	502.68	1	230.67	46.86	55.81	167.6	2.62	1.11	2.11	1007.89
<i>HLA-DRA</i>	7953.65	459.3	5724.03	2373.24	2905.49	3468.56	9310.64	1101.04	848.17	3394.99
<i>HLA-DRB1</i>	689.58	54.43	987.83	57.06	69.31	661.71	708.55	92.69	113.42	346.54
<i>HLA-DRB3</i>	1376.9	242.12	2609.86	216.98	200.61	779.38	677.11	862.01	319.74	5575.01
<i>HPRT1</i>	148.97	195.13	135.63	203.16	201.51	248.91	310.4	272.79	323.95	172.85
<i>HRAS</i>	24.37	30.67	23.17	32.14	33.12	18.83	9.17	28.21	10.26	21.43
<i>ICAM1</i>	249.45	18.1	568.07	13.56	12.94	106.37	30.12	173.85	96.58	1620.26
<i>ICAM2</i>	47.48	11.54	103.95	31.01	54.55	48.97	37.98	13.76	12.37	83.78
<i>ICAM3</i>	578.04	424.88	612.42	111.87	84.26	404.37	318.26	509.59	669.22	1063.56
<i>ICAM4</i>	1	1	1.58	1	1.78	1	2.62	1	2.11	70.42
<i>ICAM5</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>ICOS</i>	39.44	51.43	197.41	1	1.6	82.93	2.62	137.16	107.11	39.25
<i>ICOSLG</i>	101.74	4.17	48.51	53.2	42.66	14.05	205.62	84.91	58.68	32.57
<i>IDO1</i>	5.28	4.71	27.92	1	1	19.79	2.62	7.09	2.11	1.39
<i>IFI16</i>	284.62	743.97	406.5	459.36	408.62	658.84	493.76	406.2	412.37	555.86
<i>IFI35</i>	73.61	126.28	149.89	39.84	34.56	147.98	98.23	63.79	86.05	664.97
<i>IFIH1</i>	35.42	74.1	214.83	45.05	36.72	65.23	48.46	79.35	81.84	426.71
<i>IFIT2</i>	72.6	4.71	408.08	11.98	6.82	15.01	30.12	47.11	25	310.91
<i>IFITM1</i>	1081.47	2542.11	2725.49	2373.24	2839.57	1702.56	6651.96	2401.77	3193.45	3018.67
<i>IFNA1/13</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IFNA2</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IFNAR1</i>	6.28	5.26	1.58	2.69	8.08	7.83	2.62	4.86	2.11	8.07
<i>IFNAR2</i>	887.53	178.19	547.47	96.24	93.81	281.92	294.68	327.27	309.21	546.95
<i>IFNB1</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.53	2.11	2.23
<i>IFNG</i>	15.32	139.67	1.58	13.11	1	109.24	2.62	126.04	22.89	23.66

<i>IFNGR1</i>	1364.84	34.22	1326.81	67.48	71.3	260.87	134.9	797.53	563.95	963.36
<i>IGF2R</i>	69.59	169.99	148.3	60.23	97.23	106.85	45.84	149.39	201.84	197.35
<i>IKBKAP</i>	11.3	67.55	1	23.98	20.51	51.84	58.94	19.32	56.58	52.61
<i>IKBKB</i>	41.45	112.9	1.58	39.39	34.92	85.32	64.18	47.11	52.37	59.29
<i>IKBKE</i>	64.56	163.98	40.59	23.76	12.4	96.8	35.36	116.04	145	88.24
<i>IKBKG</i>	49.49	91.04	121.38	23.53	27.35	68.58	22.26	103.81	105	206.25
<i>IKZF1</i>	31.4	83.94	5.74	51.62	45.36	98.72	35.36	44.89	79.74	54.83
<i>IKZF2</i>	26.38	48.7	1.58	63.17	76.16	65.71	40.6	51.56	67.11	79.33
<i>IKZF3</i>	21.35	145.95	2.57	42.78	40.14	101.59	2.62	97.14	94.47	21.43
<i>IL10</i>	25.37	4.99	7.33	3.14	1	28.4	3.93	4.86	2.11	2.23
<i>IL10RA</i>	971.94	540.44	750.23	44.82	5.74	568.92	72.03	801.98	1275.54	840.89
<i>IL11RA</i>	1	6.35	1.58	2.46	3.22	4.01	2.62	1.11	8.16	2.23
<i>IL12A</i>	2.26	7.72	1.58	6.99	7.36	3.53	17.03	1	2.11	2.23
<i>IL12B</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL12RB1</i>	21.35	71.92	7.33	6.09	1.6	49.45	9.17	68.23	79.74	110.5
<i>IL13</i>	1	1.43	1.58	1	1.24	1	3.93	1.11	2.11	2.23
<i>IL13RA1</i>	209.26	1	164.14	14.02	3.58	93.93	51.08	7.09	6.05	208.48
<i>IL15</i>	20.35	1.43	15.25	1	3.76	17.88	2.62	5.98	2.11	23.66
<i>IL16</i>	350.94	149.78	256.02	98.06	94.17	245.09	121.8	261.68	267.11	288.65
<i>IL17A</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL17B</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL17F</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL18</i>	34.42	1	7.33	13.34	15.47	10.7	2.62	1	2.11	14.75
<i>IL18R1</i>	21.35	37.5	43.76	1	1	54.71	9.17	208.31	153.42	725.09
<i>IL18RAP</i>	34.42	58.53	46.93	2.92	1.24	46.58	61.56	197.19	189.21	1482.2
<i>IL19</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL1A</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL1B</i>	56.52	1	50.09	9.94	31.49	8.31	9.17	1.11	2.11	1.39
<i>IL1R1</i>	9.29	1	2.57	1	1	1.61	9.17	3.75	2.11	48.15
<i>IL1R2</i>	20.35	6.62	72.27	1	2.86	12.14	45.84	351.73	176.58	4913.65
<i>IL1RAP</i>	269.55	46.24	656.77	23.3	23.21	25.53	231.82	222.76	100.79	1333

<i>IL1RL1</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1	2.11	2.23
<i>IL1RL2</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL1RN</i>	4.27	1	77.02	1	1	8.31	2.62	1.11	2.11	81.56
<i>IL2</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL20</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL21</i>	1	1	1.58	1	1	4.48	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL21R</i>	28.39	25.75	51.68	3.82	5.56	21.7	2.62	44.89	31.32	3.62
<i>IL22</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL22RA2</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL23A</i>	1.26	1.43	1.58	1	1	1	2.62	3.75	1.84	2.23
<i>IL23R</i>	1	2.25	1.58	1	1	3.05	2.62	3.75	6.05	2.23
<i>IL26</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	1.39
<i>IL27</i>	1	1	21.58	1	1	1.14	2.62	1.11	2.11	50.38
<i>IL28A</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL28A/B</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	2.64	2.11	2.23
<i>IL29</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL2RA</i>	19.34	29.03	77.02	1	1	4.48	43.22	84.91	65	143.91
<i>IL2RB</i>	163.04	675.67	127.71	306.91	421.04	200.6	19.65	567.4	662.9	157.27
<i>IL2RG</i>	300.7	924.27	346.3	241.9	249.41	818.13	273.73	598.53	976.59	673.88
<i>IL3</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
			222177.	26948.8		63691.9	44517.9			
<i>IL32</i>	5890.69	7776.44	89	3	3534.38	5	5	127961.48	167778.34	325520.03
<i>IL4</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL4R</i>	242.42	65.36	181.57	23.98	42.12	91.06	27.5	259.45	258.69	375.49
<i>IL5</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1	2.11	2.23
<i>IL6</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL6R</i>	108.78	1	64.35	1	1.06	35.1	2.62	5.98	2.11	88.24
<i>IL6ST</i>	199.21	257.14	675.78	92.39	72.02	187.21	221.34	305.03	349.21	391.08
<i>IL7</i>	1	5.81	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>IL7R</i>	121.84	80.11	172.06	171.22	233.2	95.85	1.31	460.68	881.85	141.68
<i>IL8</i>	41.45	1	1852.7	1	1	80.54	11.79	409.54	6.05	261.92

<i>IL9</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>ILF3</i>	425.3	638.51	701.12	846.48	726.13	501.47	1256	768.63	818.69	408.89
<i>IRAK1</i>	109.78	129.83	146.72	95.34	85.7	73.36	66.79	126.04	86.05	41.47
<i>IRAK2</i>	36.43	16.73	265.52	1	1	7.35	3.93	24.88	2.11	10.3
<i>IRAK3</i>	40.45	1	102.37	9.03	9.7	30.31	32.74	64.9	14.47	190.67
<i>IRAK4</i>	45.47	87.22	45.34	35.08	38.88	72.89	35.36	77.13	109.21	123.86
<i>IRF1</i>	579.05	450.01	1738.65	218.34	141.17	521.08	551.38	462.9	578.69	2170.27
<i>IRF3</i>	3.27	31.49	1.58	15.83	17.09	15.96	6.55	10.42	10.26	41.47
<i>IRF4</i>	78.63	245.12	134.05	128.41	94.89	63.8	2.62	879.8	488.16	72.65
<i>IRF5</i>	123.85	14.82	145.14	5.86	11.32	56.62	2.62	12.65	2.11	150.59
<i>IRF7</i>	31.4	38.59	110.29	19.68	18.35	44.19	35.36	33.77	18.68	348.77
<i>IRF8</i>	396.16	35.58	219.58	67.93	31.49	135.07	386.36	38.22	22.89	45.93
<i>IRGM</i>	2.26	1	1.58	7.45	12.58	1	19.65	1.11	2.11	2.23
<i>ITGA2B</i>	39.44	1	1917.65	1	1	106.85	278.97	1.11	2.11	126.09
<i>ITGA4</i>	206.25	874.28	111.87	244.62	188.54	357.49	412.55	720.82	846.06	132.77
<i>ITGA5</i>	282.61	52.79	309.87	142.45	192.5	70.97	174.19	40.44	105	83.78
<i>ITGA6</i>	4.27	69.19	1.58	13.11	24.29	52.32	360.17	28.21	107.11	5.85
<i>ITGAE</i>	61.55	24.93	37.42	56.6	62.65	34.14	153.23	31.55	37.63	28.11
<i>ITGAL</i>	485.59	442.91	225.92	37.8	13.48	596.66	72.03	383.97	591.32	442.29
<i>ITGAM</i>	606.18	61.54	509.46	1	1	258.96	79.89	231.66	201.84	1945.36
<i>ITGAX</i>	645.37	81.48	943.48	1	1	368.97	53.7	396.2	225	2290.51
<i>ITGB1</i>	304.72	383.9	889.62	291.51	475.61	326.4	231.82	250.56	688.17	382.17
<i>ITGB2</i>	1503.51	637.15	677.36	66.12	29.51	970.24	161.09	936.5	1229.22	1744.96
<i>ITLN1</i>	1	1	2.57	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>ITLN2</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>JAK1</i>	261.51	376.8	297.2	93.07	115.24	227.39	284.2	568.52	606.06	248.56
<i>JAK2</i>	121.84	338.28	297.2	41.43	38.88	331.66	92.99	202.75	203.95	1090.28
<i>JAK3</i>	125.86	293.48	167.31	56.15	29.87	229.3	140.14	296.14	353.42	932.18
<i>KCNJ2</i>	8.29	1	50.09	1	1	7.35	2.62	1	2.11	248.56
<i>KIR3DL1</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1	2.11	2.23
<i>KIR3DL2</i>	1	1.16	1.58	1	1	1	82.51	10.42	2.11	5.85

<i>KIR3DL3</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>KIR_Activating</i> <i>_Subgroup_1</i>	12.31	2.8	1.58	1	1.06	17.88	2.62	53.78	31.32	39.25
<i>KIR_Activating</i> <i>_Subgroup_2</i>	2.26	1	1.58	1	1	7.83	2.62	34.88	31.32	37.02
<i>KIR_Inhibiting</i> <i>_Subgroup_1</i>	30.4	33.67	1.58	1	1	21.7	53.7	101.59	52.37	2.23
<i>KIR_Inhibiting</i> <i>_Subgroup_2</i>	13.31	31.49	1.58	1	1	18.83	85.13	133.83	75.53	1.39
<i>KIT</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>KLRAP1</i>	3.27	2.8	1.58	1	3.76	1	1.31	1.11	2.11	2.23
<i>KLRB1</i>	148.97	1.71	64.35	1.33	1	50.88	1.31	21.54	14.47	45.93
<i>KLRC1</i>	41.45	725.39	1.58	1	1	130.76	2.62	198.31	212.37	45.93
<i>KLRC2</i>	63.56	1153.21	1.58	1	1	189.12	2.62	308.37	393.43	126.09
<i>KLRC3</i>	37.43	99.78	1.58	1	1	44.66	2.62	128.27	166.05	37.02
<i>KLRC4</i>	66.57	185.29	43.76	6.31	1.24	92.98	17.03	136.05	250.27	90.46
<i>KLRD1</i>	94.71	614.75	1.58	1	1	238.87	9.17	296.14	496.58	94.92
<i>KLRF1</i>	77.62	1	1.58	2.46	3.4	46.58	2.62	7.09	2.11	3.62
<i>KLRF2</i>	1	1	1.58	77.22	56.89	1	134.9	1.11	2.11	2.23
<i>KLRG1</i>	7.29	129.01	1.58	1	1	20.27	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>KLRG2</i>	1	1	1.58	1.56	1.6	4.48	1.31	1.11	2.11	3.62
<i>KLRK1</i>	241.42	1503.44	213.25	230.8	323.25	734.9	45.84	896.48	1496.59	469.01
<i>LAG3</i>	46.47	790.96	72.27	70.42	10.06	478.51	14.41	433.99	593.43	166.17
<i>LAIR1</i>	228.35	36.13	262.35	255.71	282.19	97.76	525.19	77.13	77.63	814.16
<i>LAMP3</i>	1	1.71	1.58	1	1	4.01	2.62	1	2.11	2.23
<i>LCK</i>	145.95	620.48	148.3	45.28	14.03	455.07	32.74	409.54	587.11	190.67
<i>LCP2</i>	919.69	510.39	2285.14	156.5	168.19	698.54	443.99	708.59	654.48	1635.84
<i>LEF1</i>	12.31	3.62	40.59	385.74	615.37	66.67	810.7	17.09	12.37	23.66
<i>LGALS3</i>	1219.14	138.3	2004.77	1.56	1	246.52	19.65	381.74	370.27	422.25
<i>LIF</i>	28.39	21.38	77.02	25.34	14.93	28.88	30.12	41.55	6.05	61.51
<i>LILRA1</i>	88.68	1	1.58	1	1	26.97	2.62	1.11	2.11	14.75

<i>LILRA2</i>	197.2	1	83.36	19	21.41	60.93	77.27	1.53	1.84	99.37
<i>LILRA3</i>	161.03	1.98	27.92	2.24	1	75.28	19.65	22.65	35.53	88.24
<i>LILRA4</i>	6.28	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>LILRA5</i>	483.58	1.71	534.8	1.1	1	204.91	113.94	278.35	159.74	2096.79
<i>LILRA6</i>	208.26	20.28	194.24	11.3	11.14	106.37	40.6	97.14	83.95	284.19
<i>LILRB1</i>	668.48	19.74	235.42	10.84	4.66	130.76	17.03	11.53	2.11	77.1
<i>LILRB2</i>	839.3	6.08	333.63	47.77	43.38	312.53	145.38	73.79	18.68	767.4
<i>LILRB3</i>	167.06	1	428.67	1	1	120.72	37.98	159.4	54.47	1417.62
<i>LILRB4</i>	187.15	1	233.84	1.1	9.16	58.54	2.62	1.11	2.11	90.46
<i>LILRB5</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>LITAF</i>	646.37	360.41	1249.19	42.78	27.17	320.66	163.71	949.84	982.91	1390.9
<i>LTA</i>	18.34	14.82	18.41	16.51	16.91	22.66	19.65	32.66	20.79	21.43
<i>LTB4R</i>	32.41	34.49	43.76	16.51	13.12	29.84	48.46	106.03	71.32	212.94
<i>LTB4R2</i>	9.29	21.38	15.25	15.38	9.34	13.57	30.12	62.67	54.47	74.88
<i>LTBR</i>	167.06	1	224.34	21.94	21.59	96.8	22.26	28.21	3.95	146.13
<i>LTF</i>	1	1	102.37	1	1	1	6.55	1.11	2.11	108.28
<i>LY96</i>	168.06	1	138.8	10.62	4.12	119.28	17.03	37.1	22.89	477.92
<i>MAF</i>	1	5.26	1.58	1	1	7.83	3.93	7.09	22.89	2.23
<i>MALT1</i>	296.68	83.66	244.93	48.9	50.58	128.85	58.94	245	292.37	81.56
<i>MAP4K1</i>	60.54	247.03	39.01	76.08	62.11	158.03	150.62	341.72	378.69	70.42
<i>MAP4K2</i>	32.41	61.81	97.61	43.01	45.72	46.1	142.76	80.46	90.26	79.33
<i>MAP4K4</i>	305.73	131.2	474.61	306	374.94	258.48	514.71	153.84	237.63	246.34
<i>MAPK1</i>	287.64	254.68	563.31	171.45	194.66	331.18	286.82	209.42	378.69	357.68
<i>MAPK11</i>	3.27	5.26	7.33	2.24	3.4	7.83	9.17	8.2	14.47	37.02
<i>MAPK14</i>	192.18	187.75	602.92	100.32	102.09	215.91	286.82	329.49	334.48	2430.8
<i>MAPKAPK2</i>	455.45	317.79	971.99	63.85	86.96	181.47	305.16	634.11	555.53	431.16
<i>MARCO</i>	44.46	1	1	1	1	47.06	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>MASP1</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>MASP2</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>MBL2</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>MBP</i>	130.88	101.7	154.64	32.82	36	74.32	6.55	61.56	43.95	119.41

<i>MCL1</i>	2144.6	1508.35	2978.94	649.41	628.88	1901.55	1827.03	1664.69	1985.02	6178.46
<i>MIF</i>	87.67	190.48	116.62	280.86	291.73	99.19	260.63	132.71	151.32	45.93
<i>MME</i>	1	1	1	413.15	704.88	1	2172.79	1.11	2.11	2.23
<i>MRI</i>	17.33	13.18	20	4.73	6.46	16.44	11.79	12.65	1.84	8.07
<i>MRC1</i>	22.36	1	227.5	11.98	16.73	2.57	35.36	1.11	2.11	219.62
<i>MS4A1</i>	1	1	1.58	674.1	383.4	1	341.83	1.11	2.11	2.23
<i>MSR1</i>	16.33	1	56.43	1	1	16.44	51.08	1.11	2.11	2.23
<i>MUC1</i>	1	17.28	2.57	1	1	4.01	2.62	4.86	2.11	8.07
<i>MX1</i>	523.78	460.12	715.38	245.29	163.69	390.98	234.44	378.41	452.37	1854.07
<i>MYD88</i>	337.88	194.85	349.47	105.08	96.51	330.71	119.18	144.94	235.53	575.9
<i>NCAM1</i>	21.35	54.16	29.5	2.69	2.14	52.8	56.32	98.25	145	52.61
<i>NCF4</i>	160.02	63.72	219.58	172.81	144.78	73.84	244.91	220.54	231.32	716.19
<i>NCR1</i>	16.33	25.2	1.58	1	1	16.92	2.62	14.87	8.16	5.85
<i>NEG_A</i>	1	6.25	10.62	5.88	7.88	1	1.5	1	1	5.62
<i>NEG_B</i>	1	1	1	2.88	1	1	1.5	1	1	1.62
<i>NEG_C</i>	1	3.25	1	1	1	3.38	1	1	1	1.62
<i>NEG_D</i>	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
<i>NEG_E</i>	9.25	1.25	2.62	6.88	5.88	4.38	2.5	3.38	9.88	5.62
<i>NEG_F</i>	8.25	8.25	15.62	2.88	4.88	9.38	3.5	12.38	5.88	1
<i>NEG_G</i>	1	1	1	1	1	1	1	1	1	1
<i>NEG_H</i>	2.25	1	1	1	1	1	1	1	1	1
<i>NFATC1</i>	81.64	66.73	72.27	18.32	18.71	62.36	14.41	101.59	121.84	90.46
<i>NFATC2</i>	73.61	309.87	99.2	27.61	27.71	277.61	27.5	411.76	345	117.18
<i>NFATC3</i>	97.72	335	65.93	141.55	180.43	240.78	98.23	168.29	330.27	117.18
<i>NFIL3</i>	42.45	26.29	43.76	47.77	86.96	87.71	72.03	183.85	113.42	322.05
<i>NFKB1</i>	87.67	32.58	92.86	29.42	30.05	50.88	100.85	102.7	109.21	37.02
<i>NFKB2</i>	181.12	65.09	518.96	41.88	37.98	178.6	179.43	671.91	427.11	1143.73
<i>NFKBIA</i>	862.41	1107.58	2727.08	384.61	337.48	1967.08	2290.66	1416.77	1416.59	10781.2
<i>NFKBIZ</i>	98.73	157.7	449.27	46.64	45.18	313.01	195.14	272.79	233.42	1063.56
<i>NLRP3</i>	163.04	1	330.46	23.08	26.09	53.27	24.88	23.76	2.11	159.49
<i>NOD1</i>	16.33	37.77	18.41	24.66	31.49	41.79	64.18	11.53	37.63	48.15

<i>NOD2</i>	302.71	8.54	425.51	2.24	3.76	76.23	14.41	43.77	27.11	351
<i>NOS2</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>NOTCH1</i>	110.78	67.27	91.28	12.43	17.45	50.4	3.93	77.13	52.37	112.73
<i>NOTCH2</i>	220.31	77.93	107.12	18.09	24.29	148.94	30.12	32.66	58.68	126.09
<i>NT5E</i>	1.26	1	12.08	153.1	232.12	3.05	43.22	7.09	2.11	23.66
<i>OAZ1</i>	2058.19	651.9	7740.48	865.74	804.29	1471.53	1719.63	695.25	976.59	1869.65
<i>PAX5</i>	1	1	1.58	289.69	297.86	1	203	4.86	2.11	5.85
<i>PDCD1</i>	8.29	82.03	1.58	2.46	1	24.1	2.62	189.41	151.32	2.23
<i>PDCD1LG2</i>	1	1.71	1.58	1	1	7.35	2.62	2.64	2.11	2.23
<i>PDCD2</i>	25.37	27.11	4.16	19	14.93	14.53	19.65	20.43	10.26	23.66
<i>PDGFB</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>PDGFRB</i>	1	7.99	1.58	127.28	102.45	27.92	1.31	8.2	2.11	19.21
<i>PECAM1</i>	809.16	76.83	379.57	36.89	31.67	324.01	244.91	77.13	138.69	288.65
<i>PIGR</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>PLA2G2A</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>PLA2G2E</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	3.62
<i>PLAU</i>	40.45	1	91.28	3.82	10.42	1	43.22	1	2.11	43.7
<i>PLAUR</i>	93.7	1	198.99	3.6	3.58	65.71	2.62	100.47	2.11	139.45
<i>PML</i>	112.79	162.89	701.12	83.78	75.26	161.86	184.67	222.76	172.37	1210.53
<i>POLR1B</i>	6.28	26.84	1.58	28.51	27.35	21.7	2.62	17.09	14.47	2.23
<i>POLR2A</i>	81.64	175.46	219.58	122.29	98.13	127.89	182.05	198.31	208.16	540.27
<i>POS_A</i>	13734.2	21673.2	58556.6	44275.8	19784.8	33066.3				
	5	5	2	8	8	8	29061.5	46725.38	46043.88	45696.62
			18339.6	14606.8		10481.3				
<i>POS_B</i>	4221.25	7882.25	2	8	6308.88	8	8010.5	14851.38	13760.88	14971.62
<i>POS_C</i>	1514.25	2359.25	5671.62	4510.88	2070.88	3234.38	3299.5	4828.38	4576.88	4900.62
<i>POS_D</i>	298.25	491.25	1184.62	922.88	423.88	695.38	852.5	944.38	917.88	986.62
<i>POS_E</i>	54.25	83.25	210.62	167.88	77.88	118.38	116.5	192.38	155.88	187.62
<i>POS_F</i>	27.25	42.25	96.62	62.88	41.88	55.38	48.5	66.38	73.88	86.62
<i>POU2F2</i>	139.93	25.75	43.76	39.39	37.08	104.93	30.12	24.88	22.89	68.19
<i>PPARG</i>	5.28	2.25	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23



			11321.9							
<i>PPBP</i>	395.16	3.35	3	2.01	1	670.32	1200.99	64.9	212.37	2753.68
<i>PPIA</i>	62.55	47.6	35.84	83.56	76.34	44.19	116.56	48.22	69.21	37.02
<i>PRDM1</i>	81.64	529.51	143.55	19.91	6.46	220.69	24.88	521.82	730.27	241.88
<i>PRF1</i>	622.25	4702.22	149.89	168.28	19.07	2208.64	168.95	3132.18	4353.47	1549
<i>PRKCD</i>	145.95	58.8	474.61	32.14	34.92	169.51	74.65	149.39	94.47	1074.7
<i>PSMB10</i>	282.61	512.3	352.64	164.2	142.79	412.98	192.53	270.57	326.06	473.47
<i>PSMB5</i>	76.62	33.94	53.26	160.8	164.95	83.41	98.23	31.55	50.26	41.47
<i>PSMB7</i>	455.45	241.3	604.5	197.5	192.5	331.66	635.2	407.31	458.69	330.95
<i>PSMB8</i>	524.78	1232.16	853.19	707.17	672.46	1112.3	1145.99	594.09	926.06	1025.71
<i>PSMB9</i>	326.83	747.24	373.23	366.71	290.11	818.6	614.25	370.63	475.53	1007.89
<i>PSMC2</i>	236.39	198.68	292.45	123.88	115.06	242.22	113.94	221.65	189.21	148.36
<i>PSMD7</i>	434.35	296.75	583.91	256.17	274.27	357.49	373.26	455.12	467.11	573.67
<i>PTAFR</i>	218.3	1	373.23	1	1	52.8	2.62	28.21	16.58	673.88
<i>PTGER4</i>	45.47	29.3	75.44	58.19	74.36	54.71	24.88	74.9	77.63	70.42
<i>PTGS2</i>	6.28	1	1.58	1	1	5.92	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>PTK2</i>	41.45	1	153.06	147.21	158.46	23.62	85.13	1.11	2.11	92.69
<i>PTPN2</i>	120.83	118.36	127.71	61.13	49.5	87.71	56.32	149.39	130.26	177.31
<i>PTPN22</i>	82.65	173	96.03	30.78	13.3	185.29	37.98	257.23	277.63	101.6
<i>PTPN6</i>	531.82	328.72	580.74	405.67	458.32	556.96	292.06	303.92	286.06	1992.13
<i>PTPRC_all</i>	1415.08	2290.5	2196.43	120.03	30.77	2529.12	878.81	2827.57	3212.4	6287.57
<i>PYCARD</i>	45.47	22.2	24.75	10.17	13.3	38.92	3.93	15.98	3.95	50.38
<i>RAF1</i>	192.18	134.48	306.7	105.53	96.69	152.77	200.38	218.32	197.63	462.33
<i>RAG1</i>	1	1	1.58	146.3	176.83	1	289.44	1.11	2.11	2.23
<i>RAG2</i>	1	1	1.58	121.61	159.18	1	475.42	1.11	2.11	2.23
<i>RARRES3</i>	248.45	467.77	319.38	61.36	36.54	645.93	87.75	212.76	429.22	415.57
<i>RELA</i>	123.85	54.43	194.24	57.06	60.31	54.71	64.18	121.6	132.37	99.37
<i>RELB</i>	171.08	13.45	167.31	16.73	14.39	44.19	66.79	237.22	142.9	101.6
<i>RORC</i>	8.29	1	1.58	1	2.68	12.62	11.79	5.98	2.11	2.23
							11450.6			
<i>RPL19</i>	4006.59	3621.21	4173.28	5789.65	4964.9	2908.91	9	3530.19	4214.52	2237.07

<i>RUNX1</i>	174.09	23.02	165.73	91.94	107.86	46.1	87.75	25.99	20.79	148.36
<i>SI00A8</i>	8114.42	47.88	9457.55	2.46	1	6183.57	1620.1	3641.36	1370.28	40366.11
	10464.7		15760.3							
<i>SI00A9</i>	7	39.68	4	1	1	6338.07	1882.04	3342.3	1018.69	34433.99
<i>SIPRI</i>	8.29	19.46	40.59	1	1	15.96	2.62	20.43	37.63	52.61
<i>sCTLA4</i>	16.33	102.24	48.51	6.31	4.66	59.97	2.62	90.47	75.53	50.38
<i>SDHA</i>	43.46	70.55	54.85	51.39	64.81	30.79	37.98	63.79	94.47	57.06
<i>SELE</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>SELL</i>	535.84	302.22	595	60.91	77.24	499.08	155.85	330.6	370.27	1885.24
<i>SELPLG</i>	16.33	27.93	1.58	1	1	17.4	1.31	13.76	31.32	94.92
<i>SERPING1</i>	48.48	1	173.65	1	1	117.85	11.79	18.2	8.16	273.06
<i>SH2D1A</i>	81.64	169.45	84.94	15.38	1	196.77	3.93	212.76	212.37	30.34
<i>SIGIRR</i>	88.68	151.69	51.68	46.86	58.69	136.03	56.32	174.96	309.21	90.46
<i>SKI</i>	235.39	95.96	358.98	22.17	39.06	69.06	58.94	356.17	467.11	99.37
<i>SLAMF1</i>	8.29	83.39	5.74	1	1	38.45	2.62	100.47	86.05	94.92
<i>SLAMF6</i>	3.27	69.46	1.58	1.33	1	48.97	1.31	15.98	33.42	8.07
<i>SLAMF7</i>	50.49	102.24	67.52	8.35	1.42	240.3	2.62	198.31	111.32	63.74
<i>SLC2A1</i>	2.26	3.35	31.09	2.69	5.02	2.57	2.62	4.86	2.11	1.39
<i>SMAD3</i>	215.29	134.48	178.4	10.17	16.55	90.11	30.12	104.92	147.11	21.43
<i>SMAD5</i>	51.5	24.38	23.17	31.46	39.42	19.79	64.18	46	39.74	10.3
<i>SOCS1</i>	41.45	26.57	604.5	16.05	32.03	41.32	318.26	120.48	126.05	362.13
<i>SOCS3</i>	123.85	23.84	926.05	3.14	12.58	295.31	323.5	746.39	208.16	4176.59
<i>SPP1</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>SRC</i>	263.52	1	200.58	10.17	15.29	41.32	1.31	8.2	2.11	59.29
<i>STAT1</i>	331.85	849.96	1177.91	148.8	56.35	794.69	153.23	245	271.32	1540.09
<i>STAT2</i>	200.22	259.33	542.72	140.87	103.89	405.33	163.71	189.41	235.53	774.08
<i>STAT3</i>	453.44	358.49	1200.09	95.56	83.72	412.5	263.25	485.13	547.11	1219.44
<i>STAT4</i>	94.71	278.45	140.38	9.26	6.82	161.86	106.09	480.69	435.53	589.26
<i>STAT5A</i>	127.87	90.49	232.26	22.17	21.77	121.68	166.33	103.81	117.63	117.18
<i>STAT5B</i>	145.95	161.52	157.81	48.67	67.87	163.77	85.13	191.64	279.74	366.58
<i>STAT6</i>	312.76	229.28	408.08	240.08	243.47	450.77	326.11	292.8	349.21	1562.36

<i>SYK</i>	270.56	1	179.98	118.44	159.36	117.85	226.58	13.76	2.11	246.34
<i>TAGAP</i>	199.21	219.71	379.57	66.8	90.57	250.83	247.53	295.03	250.27	898.78
<i>TALI</i>	3.27	1	181.57	1	1	6.88	1.31	1.11	2.11	2.23
<i>TAPI</i>	106.77	401.93	669.44	126.6	87.86	318.75	153.23	187.19	235.53	985.63
<i>TAP2</i>	43.46	148.68	160.98	35.31	32.94	90.58	40.6	54.89	79.74	460.11
<i>TAPBP</i>	292.66	383.35	1215.93	132.71	122.62	348.88	362.79	397.31	456.58	2330.6
<i>TBK1</i>	187.15	186.93	265.52	41.65	45.72	133.16	61.56	221.65	176.58	226.3
<i>TBP</i>	94.71	70.55	39.01	60.23	71.3	67.15	64.18	92.69	111.32	108.28
<i>TBX21</i>	62.55	431.16	10.49	65.66	45.54	272.83	2.62	136.05	193.42	61.51
<i>TCF4</i>	7.29	1	1.58	186.63	173.77	5.44	171.57	1.11	2.11	28.11
<i>TCF7</i>	109.78	11	146.72	11.3	12.22	88.19	2.62	166.07	161.84	43.7
<i>TFRC</i>	81.64	190.21	347.89	51.85	66.61	136.03	268.49	164.95	248.16	406.66
<i>TGFB1</i>	1011.13	830.29	2652.63	146.76	163.15	549.78	423.03	1343.4	1395.54	2947.41
<i>TGFB1</i>	672.5	1	208.5	1	1	163.29	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>TGFBR1</i>	53.51	25.2	96.03	4.5	3.94	29.36	6.55	17.09	33.42	117.18
<i>TGFBR2</i>	322.81	174.36	256.02	112.33	108.76	198.69	98.23	132.71	201.84	339.86
<i>THY1</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>TICAM1</i>	34.42	21.1	80.19	13.11	15.11	56.14	85.13	37.1	37.63	83.78
<i>TIGIT</i>	83.65	25.75	61.18	14.47	2.68	77.67	2.62	51.56	92.37	37.02
<i>TIRAP</i>	1	5.26	1.58	1	1	4.01	2.62	1	2.11	1.39
<i>TLR1</i>	466.5	13.45	229.09	34.4	20.87	79.1	90.37	47.11	75.53	785.22
<i>TLR2</i>	310.75	5.81	661.52	11.75	9.16	159.94	40.6	168.29	100.79	1909.74
<i>TLR3</i>	1	1.16	1.58	6.31	10.78	4.96	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>TLR4</i>	279.6	1	346.3	9.26	2.68	91.54	703.31	67.12	298.69	551.4
<i>TLR5</i>	12.31	1	1.58	1	1	12.14	2.62	4.86	2.11	37.02
<i>TLR7</i>	44.46	1	1	12.2	11.32	11.18	2.62	1.53	2.11	2.23
<i>TLR8</i>	213.28	1	129.3	1	1	107.8	1.31	8.2	1.84	90.46
<i>TLR9</i>	3.27	1	1.58	6.99	6.1	1	2.62	5.98	2.11	5.85
<i>TMEM173</i>	190.17	246.21	267.1	10.84	8.98	217.82	3.93	139.38	271.32	497.96
<i>TNF</i>	169.07	12.91	164.14	95.11	111.82	98.24	127.04	49.33	18.68	148.36
<i>TNFAIP3</i>	578.04	767.73	2061.79	214.49	282.37	831.04	671.88	3248.92	3618.72	4100.88

<i>TNFAIP6</i>	3.27	4.44	21.58	1	1.6	1.61	2.62	1.53	1.84	5.85
<i>TNFRSF10C</i>	29.39	1	58.01	1	1	17.4	19.65	43.77	56.58	406.66
<i>TNFRSF11A</i>	13.31	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>TNFRSF13B</i>	1	1	1.58	6.09	5.74	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>TNFRSF13C</i>	1	4.44	1.58	167.14	231.22	1	318.26	3.75	2.11	2.23
<i>TNFRSF14</i>	75.62	92.68	137.22	38.48	48.24	148.94	53.7	91.58	111.32	172.85
<i>TNFRSF17</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>TNFRSF1B</i>	453.44	158.25	450.85	34.63	52.57	176.68	77.27	207.2	199.74	368.81
<i>TNFRSF4</i>	4.27	1	16.83	1	1	4.48	2.62	12.65	2.11	1.39
<i>TNFRSF8</i>	16.33	1	1.58	1	1	1	1.31	1	2.11	2.23
<i>TNFRSF9</i>	1	37.5	1.58	4.96	1	9.27	2.62	43.77	43.95	16.98
<i>TNFSF10</i>	157.01	109.62	545.89	14.02	5.92	518.69	43.22	87.13	109.21	1010.12
<i>TNFSF11</i>	1	1	1.58	1.1	1	1.61	2.62	12.65	2.11	2.23
<i>TNFSF12</i>	159.02	74.1	48.51	1.78	1	75.28	3.93	83.8	81.84	250.79
<i>TNFSF13B</i>	190.17	1.98	132.46	1.1	1	112.59	2.62	12.65	14.47	97.14
<i>TNFSF15</i>	1.26	1	1.58	1	1	4.01	2.62	1.11	2.11	2.23
<i>TNFSF4</i>	10.3	5.81	143.55	206.79	193.58	8.79	265.87	9.31	1.84	45.93
<i>TNFSF8</i>	65.57	1	24.75	1	1	8.79	2.62	5.98	10.26	2.23
<i>TOLLIP</i>	91.69	29.85	69.1	16.96	19.07	49.45	27.5	22.65	41.84	112.73
<i>TP53</i>	57.53	157.43	27.92	274.29	232.66	159.46	265.87	113.81	168.16	94.92
<i>TRAF1</i>	38.44	47.88	43.76	3.6	1.06	55.67	2.62	89.36	191.32	37.02
<i>TRAF2</i>	14.32	46.78	8.91	21.94	19.25	36.05	22.26	44.89	1.84	12.53
<i>TRAF3</i>	244.43	157.43	256.02	37.35	37.08	85.8	66.79	233.88	210.27	150.59
<i>TRAF4</i>	32.41	20.56	32.67	83.56	83.18	19.31	140.14	86.02	58.68	3.62
<i>TRAF5</i>	19.34	71.64	1	23.08	32.76	69.54	43.22	56	86.05	41.47
<i>TRAF6</i>	59.54	44.05	75.44	35.31	37.08	61.41	66.79	83.8	69.21	161.72
<i>TUBB</i>	179.11	388.55	268.69	448.49	541.17	391.45	326.11	106.03	147.11	188.44
<i>TYK2</i>	99.73	134.48	170.48	80.16	60.49	145.11	142.76	162.73	191.32	362.13
<i>UBE2L3</i>	25.37	52.25	50.09	47.99	61.57	59.97	27.5	18.2	20.79	43.7
<i>VCAM1</i>	12.31	12.64	4.16	1.1	1	10.22	2.62	21.54	29.21	3.62
<i>VTN</i>	1	1	1.58	1	1	1	2.62	1.11	2.11	2.23

<i>XBPI</i>	218.3	173.27	354.23	619.96	652.47	143.2	478.04	257.23	121.84	1858.52
<i>XCLI</i>	1	1	1.58	1	1	1	3.93	1.53	2.11	2.23
<i>XCRI</i>	1	1	1.58	1	1	1	3.93	1.11	2.11	2.23
<i>ZAP70</i>	68.58	492.36	129.3	83.11	50.76	302.01	77.27	477.35	549.22	166.17
<i>ZBTB16</i>	21.35	1.98	1.58	1	1.6	10.7	6.55	11.53	2.11	2.23
<i>ZEB1</i>	15.32	27.66	26.33	11.3	13.48	14.53	11.79	73.79	35.53	2.23

---