

Kitaake		WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Wild-type
OsU6a <i>xa13m</i> /Kit T ₁	<p>1A-1</p>	WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Wild-type
	<p>1A-5</p>	WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Wild-type
	<p>1A-8</p>	WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Wild-type
	<p>1A-16</p>	WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Wild-type
	<p>2A-2</p>	WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Wild-type
	<p>3A-2</p>	M2: TGTCCATGGCTAACCTCGGCGG M2: TGTCCATGGCTAACCTCGGCGG	Homozygote
	<p>3A-3</p>	WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Wild-type
	<p>3A-4</p>	M3: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG M2: TGTCCATGGCTAACCTCGGCGG	Bi-allele
	<p>3A-5</p>	WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Wild-type
	<p>3A-6</p>	WT: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG M2: TGTCCATGGCTAACCTCGGCGG	Heterozygote
	<p>4A-1</p>	M1: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG M1: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Homozygote
	<p>4A-2</p>	M1: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG M1: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Homozygote
	<p>4A-3</p>	M1: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG M1: TGTCCATGGCTAACCCGGCGG	Homozygote