

	Pso_sev_cor	Pso_sev_p	AD_sev_cor	AD_sev_p
CTF1	0.18	3.47E-01	0.76	3.59E-06
FGD3	0.30	1.23E-01	0.76	4.03E-06
WIF1	-0.45	1.69E-02	-0.72	2.07E-05
BCAP31P1	0.20	2.98E-01	0.71	3.94E-05
IGFL4	-0.33	9.04E-02	0.70	5.41E-05
RP11-430H10.2	0.25	1.91E-01	0.70	5.47E-05
SVIP	-0.18	3.50E-01	-0.70	5.53E-05
TEAD1	-0.25	1.94E-01	-0.69	6.41E-05
ATP13A5	-0.36	5.66E-02	-0.68	8.57E-05
SHROOM2	0.48	8.97E-03	0.68	9.57E-05
RP11-832A4.7	0.33	8.51E-02	0.68	1.06E-04
G10488	-0.18	3.57E-01	-0.67	1.43E-04
WNT5A	0.18	3.69E-01	0.66	1.59E-04
KIF21A	-0.39	4.09E-02	-0.66	2.06E-04
RP11-74M13.4	-0.17	4.00E-01	-0.65	2.12E-04
CLIP4	0.07	7.14E-01	-0.65	2.22E-04
CCDC110	-0.29	1.40E-01	-0.65	2.41E-04
RP11-288A5.2	-0.09	6.56E-01	-0.65	2.41E-04
CNKSR2	-0.34	7.66E-02	-0.65	2.61E-04
OR2T10	-0.33	8.24E-02	-0.65	2.61E-04
TP73	0.31	1.13E-01	0.64	2.93E-04
PCDH11X	-0.22	2.54E-01	-0.64	3.31E-04
UPF3B	-0.15	4.45E-01	0.64	3.37E-04
RASAL2	-0.62	4.76E-04	-0.64	3.64E-04
RP11-121C2.2	-0.04	8.50E-01	-0.63	3.86E-04
NCAM2	-0.09	6.50E-01	-0.63	3.90E-04
CDH12	-0.42	2.52E-02	-0.63	4.00E-04
CTD-2380F24.1	0.16	4.23E-01	-0.63	4.00E-04
ZNF732	-0.07	7.11E-01	-0.63	4.00E-04
SCEL	-0.28	1.46E-01	-0.63	4.20E-04
PPP1R12A	-0.08	6.83E-01	-0.63	4.35E-04
G3945	0.03	8.67E-01	-0.63	4.42E-04
SCIN	-0.38	4.64E-02	-0.63	4.42E-04
ANKRD36BP2	-0.44	1.84E-02	-0.63	4.76E-04
AC079466.1	-0.18	3.52E-01	-0.62	4.96E-04
PLAU	0.17	3.80E-01	0.62	5.01E-04
SNORA18	-0.18	3.66E-01	0.62	5.09E-04
AQP9	-0.41	2.83E-02	-0.62	5.13E-04
RILPL2	0.09	6.36E-01	0.62	5.34E-04
RP11-732A21.3	-0.11	5.84E-01	0.62	5.34E-04
KLF1	0.15	4.41E-01	0.62	5.61E-04
PIWIL1	-0.13	5.15E-01	0.62	5.70E-04
CTC-479C5.10	0.14	4.90E-01	-0.62	5.75E-04
MTCL1	0.38	4.62E-02	0.62	5.75E-04
XLOC_008968	-0.05	8.08E-01	0.62	5.80E-04
UNC5D	-0.09	6.56E-01	-0.62	5.80E-04

<b>RP11-456K23.1</b>	0.15	4.54E-01	0.62	5.99E-04
<b>LGALS9C</b>	0.29	1.34E-01	0.62	6.33E-04
<b>SETP17</b>	-0.14	4.83E-01	-0.61	6.49E-04
<b>MAP4K2</b>	0.31	1.12E-01	0.61	6.59E-04
<b>FAM83D</b>	0.34	7.27E-02	0.61	7.02E-04
<b>SLC16A7</b>	-0.02	9.10E-01	-0.61	7.19E-04
<b>STON2</b>	0.29	1.40E-01	0.61	7.30E-04
<b>MTHFR</b>	0.19	3.39E-01	0.61	7.42E-04
<b>FAM201A</b>	-0.40	3.31E-02	-0.61	7.47E-04
<b>RASAL2-AS1</b>	-0.25	2.02E-01	-0.61	8.14E-04
<b>SLC2A13</b>	-0.27	1.63E-01	-0.61	8.27E-04
<b>WDR66</b>	0.05	7.88E-01	0.61	8.27E-04
<b>XLOC_013541</b>	0.16	4.18E-01	0.60	8.53E-04
<b>SMC5</b>	0.04	8.25E-01	-0.60	8.53E-04
<b>RBM17P1</b>	-0.41	2.89E-02	-0.60	8.59E-04
<b>AGR3</b>	0.02	9.09E-01	-0.60	8.86E-04
<b>HTR7</b>	0.24	2.21E-01	0.60	8.93E-04
<b>SULF2</b>	0.10	6.03E-01	0.60	9.00E-04
<b>XLOC_008043</b>	-0.46	1.32E-02	-0.60	9.49E-04
<b>WDR33</b>	0.02	9.16E-01	-0.60	9.63E-04
<b>RP11-127B20.2</b>	-0.07	7.13E-01	-0.60	9.71E-04
<b>CHAT</b>	0.18	3.52E-01	0.60	9.71E-04
<b>STXBP6</b>	-0.34	7.64E-02	-0.60	9.78E-04
<b>KRT37</b>	0.42	2.71E-02	0.60	9.78E-04
<b>BLACAT1</b>	0.34	7.89E-02	0.60	9.85E-04
<b>GJB4</b>	-0.22	2.58E-01	-0.60	9.85E-04
<b>HSF2</b>	-0.25	1.97E-01	-0.60	1.00E-03
<b>ZNF486</b>	-0.20	3.02E-01	-0.60	1.02E-03
<b>CROT</b>	0.34	7.82E-02	0.60	1.02E-03
<b>ARSA</b>	0.18	3.61E-01	0.60	1.02E-03
<b>HMGA2</b>	0.23	2.37E-01	0.60	1.03E-03
<b>CCL2</b>	0.26	1.73E-01	0.60	1.04E-03
<b>ELFN2</b>	-0.34	7.79E-02	-0.60	1.04E-03
<b>UNC5A</b>	0.21	2.89E-01	0.60	1.04E-03
<b>DLG5</b>	0.08	6.91E-01	0.60	1.05E-03
<b>ABHD12B</b>	-0.17	3.95E-01	-0.59	1.09E-03
<b>KCNJ3</b>	0.10	6.19E-01	-0.59	1.13E-03
<b>FLYWCH1</b>	0.02	9.26E-01	0.59	1.14E-03
<b>KCNA4</b>	-0.19	3.45E-01	-0.59	1.14E-03
<b>ASB11</b>	-0.05	7.85E-01	-0.59	1.18E-03
<b>CDR2</b>	-0.26	1.79E-01	-0.59	1.18E-03
<b>RP11-227D13.1</b>	-0.03	8.73E-01	0.59	1.18E-03
<b>WNT5A-AS1</b>	0.16	4.26E-01	0.59	1.18E-03
<b>FAM179B</b>	-0.14	4.76E-01	-0.59	1.19E-03
<b>MAVS</b>	0.32	9.56E-02	0.59	1.20E-03
<b>G10489</b>	-0.14	4.65E-01	-0.59	1.20E-03
<b>KCNV1</b>	-0.16	4.29E-01	-0.59	1.21E-03

<b>TMPRSS6</b>	-0.36	5.62E-02	-0.59	1.22E-03
<b>AC005048.1</b>	-0.18	3.72E-01	-0.59	1.25E-03
<b>ZNF667</b>	-0.15	4.47E-01	-0.59	1.27E-03
<b>RIN2</b>	0.21	2.80E-01	0.59	1.30E-03
<b>KRT16P1</b>	0.23	2.34E-01	0.59	1.33E-03
<b>GAN</b>	-0.25	2.02E-01	-0.58	1.35E-03
<b>TMEM19</b>	0.25	1.98E-01	0.58	1.36E-03
<b>INSIG2</b>	-0.49	7.75E-03	-0.58	1.37E-03
<b>DNAJB14</b>	0.06	7.65E-01	-0.58	1.40E-03
<b>RP11-298I3.4</b>	-0.04	8.41E-01	0.58	1.48E-03
<b>AC011288.2</b>	0.05	7.96E-01	0.58	1.49E-03
<b>TNFRSF17</b>	0.00	9.81E-01	0.58	1.51E-03
<b>WI2-89927D4.1</b>	0.00	9.90E-01	0.58	1.52E-03
<b>LEF1-AS1</b>	-0.37	5.12E-02	-0.58	1.53E-03
<b>RP11-88H12.2</b>	0.38	4.37E-02	-0.58	1.57E-03
<b>SUSD6</b>	0.14	4.66E-01	0.58	1.57E-03
<b>HDAC11</b>	-0.06	7.53E-01	0.58	1.61E-03
<b>SERTAD4</b>	0.36	5.70E-02	0.58	1.62E-03
<b>INPP1</b>	0.35	6.91E-02	0.58	1.64E-03
<b>SALL4</b>	0.01	9.54E-01	0.58	1.64E-03
<b>SUSD2</b>	-0.16	4.29E-01	-0.58	1.68E-03
<b>ADAM23</b>	0.24	2.15E-01	0.58	1.70E-03
<b>PGM5P4-AS1</b>	-0.12	5.31E-01	-0.57	1.75E-03
<b>XG</b>	-0.43	2.39E-02	-0.57	1.75E-03
<b>NET1</b>	0.04	8.48E-01	-0.57	1.76E-03
<b>PCBD2</b>	0.32	9.33E-02	0.57	1.77E-03
<b>ANO3</b>	-0.30	1.20E-01	-0.57	1.80E-03
<b>MAP3K14</b>	-0.28	1.42E-01	0.57	1.80E-03
<b>ARRDC2</b>	0.03	8.85E-01	0.57	1.86E-03
<b>TRIM4</b>	0.00	9.89E-01	0.57	1.86E-03
<b>ANKRD18A</b>	-0.42	2.72E-02	-0.57	1.90E-03
<b>MSMB</b>	-0.07	7.10E-01	-0.57	1.90E-03
<b>MYO9A</b>	-0.29	1.29E-01	-0.57	1.93E-03
<b>RP11-438F14.3</b>	-0.04	8.26E-01	-0.57	1.95E-03
<b>MAPKAPK5</b>	0.07	7.30E-01	-0.57	1.97E-03
<b>ADORA2BP1</b>	-0.16	4.16E-01	-0.57	1.98E-03
<b>TNFSF10</b>	0.36	5.82E-02	0.57	1.98E-03
<b>SORCS2</b>	0.43	2.18E-02	0.57	1.99E-03
<b>PPP1R3C</b>	-0.12	5.50E-01	0.57	2.01E-03
<b>NFIL3</b>	0.36	5.66E-02	0.57	2.03E-03
<b>AC079753.5</b>	-0.06	7.47E-01	-0.57	2.06E-03
<b>MYLIP</b>	0.16	4.20E-01	0.57	2.13E-03
<b>RP11-420L9.2</b>	-0.12	5.27E-01	0.57	2.13E-03
<b>RP11-490D19.8</b>	-0.06	7.66E-01	-0.56	2.15E-03
<b>SGCG</b>	-0.35	6.98E-02	-0.56	2.18E-03
<b>ANKRD34B</b>	0.09	6.57E-01	0.56	2.24E-03
<b>AC093673.5</b>	0.37	5.10E-02	0.56	2.25E-03

ARMCX5	0.17	3.82E-01	-0.56	2.25E-03
NLGN4X	0.11	5.62E-01	0.56	2.25E-03
SPINK13	0.03	8.93E-01	0.56	2.27E-03
AC104986.1	-0.03	8.80E-01	-0.56	2.30E-03
PORCN	0.26	1.81E-01	0.56	2.31E-03
CHML	-0.07	7.10E-01	-0.56	2.31E-03
CTD-2378E12.1	0.06	7.50E-01	-0.56	2.38E-03
AC026740.1	-0.13	5.08E-01	-0.56	2.39E-03
SPHK2	0.07	7.36E-01	0.56	2.44E-03
PLEKHA5	-0.24	2.14E-01	-0.56	2.49E-03
LAMA3	-0.02	9.36E-01	0.56	2.52E-03
ANKRD29	0.21	2.75E-01	0.56	2.59E-03
TPBG	0.37	5.07E-02	0.56	2.61E-03
RNU2-42P	0.03	8.98E-01	-0.55	2.66E-03
LYL1	0.10	6.04E-01	0.55	2.66E-03
ATP13A4	-0.03	8.87E-01	-0.55	2.68E-03
KCND3	0.31	1.14E-01	0.55	2.68E-03
USP30-AS1	0.03	8.66E-01	0.55	2.68E-03
CD200R1	-0.17	4.01E-01	0.55	2.71E-03
CDKN2B	0.32	1.01E-01	0.55	2.77E-03
SYNDIG1L	-0.21	2.95E-01	0.55	2.77E-03
ALG1L	0.21	2.76E-01	0.55	2.78E-03
MTUS1	0.10	5.96E-01	0.55	2.78E-03
DFFB	0.24	2.14E-01	0.55	2.86E-03
TRANK1	0.24	2.10E-01	0.55	2.86E-03
CLSTN2	-0.43	2.27E-02	-0.55	2.89E-03
TEX15	0.13	5.10E-01	0.55	2.89E-03
CACNA2D3	0.36	6.18E-02	0.55	2.91E-03
ARID5B	0.09	6.37E-01	0.55	2.97E-03
FOXE1	0.64	2.50E-04	0.55	2.97E-03
SNORA11B	0.17	3.93E-01	0.55	2.97E-03
G25251	-0.08	6.76E-01	0.55	3.05E-03
NOTCH1	0.20	2.96E-01	0.55	3.05E-03
C1RL	0.23	2.30E-01	0.55	3.07E-03
TSPAN13	0.13	5.15E-01	-0.55	3.07E-03
MTHFD2L	-0.16	4.19E-01	-0.55	3.09E-03
SNX30	-0.04	8.28E-01	-0.55	3.09E-03
RP11-525K10.3	-0.17	3.73E-01	0.55	3.11E-03
SLC43A1	-0.13	5.17E-01	0.55	3.11E-03
KIAA0895	-0.29	1.36E-01	-0.55	3.13E-03
PFKFB3	0.11	5.88E-01	0.55	3.13E-03
ADAMDEC1	0.48	1.05E-02	0.55	3.15E-03
INPP4B	-0.29	1.34E-01	-0.55	3.15E-03
NAF1	-0.20	3.03E-01	-0.55	3.15E-03
RN7SL748P	0.24	2.16E-01	0.55	3.15E-03
B3GAT2	0.03	8.76E-01	-0.55	3.19E-03
CHST1	0.27	1.65E-01	0.55	3.21E-03

LINC01443	0.19	3.26E-01	0.55	3.21E-03
NDUFAF5	-0.06	7.81E-01	-0.55	3.21E-03
TIMD4	0.20	3.00E-01	0.55	3.21E-03
COL6A6	-0.22	2.66E-01	0.55	3.27E-03
TCN1	0.37	5.01E-02	0.55	3.27E-03
RP11-96H17.3	0.10	6.23E-01	-0.54	3.29E-03
TUBB8P7	0.42	2.77E-02	0.54	3.31E-03
MAK	-0.32	9.47E-02	-0.54	3.31E-03
RASA2	0.03	8.97E-01	-0.54	3.31E-03
NCR3LG1	-0.08	7.04E-01	-0.54	3.36E-03
BTG3	0.29	1.40E-01	0.54	3.38E-03
CACHD1	0.26	1.81E-01	0.54	3.38E-03
SNAI2	0.19	3.24E-01	0.54	3.40E-03
SLC52A1	0.10	6.29E-01	0.54	3.44E-03
AFAP1L2	0.30	1.25E-01	0.54	3.46E-03
ABCG4	0.31	1.10E-01	0.54	3.49E-03
CARD6	0.37	5.07E-02	0.54	3.49E-03
AC067959.1	-0.21	2.76E-01	-0.54	3.51E-03
ROBO1	0.19	3.33E-01	0.54	3.55E-03
RPL39P40	-0.06	7.61E-01	0.54	3.58E-03
G4061	-0.09	6.61E-01	-0.54	3.60E-03
SNTB1	-0.34	7.97E-02	-0.54	3.60E-03
FBXO10	0.26	1.80E-01	0.54	3.62E-03
RP11-624L4.1	0.05	8.12E-01	0.54	3.62E-03
CLDN1	-0.36	6.33E-02	-0.54	3.67E-03
TMEM185AP1	0.19	3.40E-01	0.54	3.67E-03
METTL10	-0.08	6.80E-01	-0.54	3.74E-03
PARP12	0.34	8.10E-02	0.54	3.76E-03
SCCPDH	-0.08	6.91E-01	-0.54	3.76E-03
G11854	-0.15	4.47E-01	-0.54	3.78E-03
G41001	0.40	3.62E-02	0.54	3.88E-03
RP11-3P17.4	-0.14	4.73E-01	-0.54	3.88E-03
SLC39A13	0.25	2.03E-01	0.54	3.90E-03
ANKRD65	0.10	5.99E-01	0.54	3.95E-03
LBX2	-0.36	6.18E-02	0.54	3.95E-03
FAM179A	-0.16	4.14E-01	-0.54	4.00E-03
RP11-425D10.10	-0.07	7.30E-01	0.54	4.00E-03
IRAK2	0.48	9.33E-03	0.54	4.03E-03
MAP3K10	0.19	3.27E-01	0.54	4.03E-03
CEL	0.02	9.31E-01	-0.53	4.08E-03
CCL18	-0.08	6.93E-01	0.53	4.10E-03
KIAA1324L	-0.11	5.66E-01	-0.53	4.13E-03
RBMS2P1	-0.18	3.57E-01	0.53	4.15E-03
VPS37A	0.08	6.77E-01	-0.53	4.15E-03
CTDSP2	-0.30	1.24E-01	0.53	4.18E-03
SSH3	-0.03	8.70E-01	0.53	4.18E-03
ZNF566	0.05	8.16E-01	-0.53	4.18E-03

MDGA2	-0.42	2.73E-02	-0.53	4.26E-03
G3386	0.16	4.06E-01	0.53	4.28E-03
TMEM99	-0.32	9.27E-02	-0.53	4.28E-03
KRT16P3	0.35	6.39E-02	0.53	4.31E-03
LGR5	-0.25	1.91E-01	-0.53	4.31E-03
C16orf89	0.18	3.53E-01	-0.53	4.33E-03
CACNA2D1	-0.34	8.10E-02	-0.53	4.33E-03
BTC	-0.10	5.96E-01	-0.53	4.41E-03
RP3-425C14.4	0.09	6.57E-01	-0.53	4.41E-03
FAM213B	0.29	1.40E-01	0.53	4.44E-03
LINC01549	0.16	4.29E-01	0.53	4.44E-03
SMYD4	0.13	4.95E-01	0.53	4.44E-03
ZNF90	-0.38	4.64E-02	-0.53	4.50E-03
MAB21L3	0.36	6.18E-02	0.53	4.52E-03
RP11-1024P17.1	-0.19	3.37E-01	-0.53	4.52E-03
MARVELD1	0.06	7.76E-01	0.53	4.55E-03
IFNAR2	0.05	8.01E-01	0.53	4.63E-03
GRIPAP1	0.18	3.67E-01	0.53	4.69E-03
ANO7P1	0.18	3.49E-01	0.53	4.72E-03
LGALS9B	0.17	3.97E-01	0.53	4.72E-03
SAMD4A	-0.28	1.45E-01	-0.53	4.72E-03
CCNJ	0.22	2.70E-01	-0.53	4.75E-03
ABCA7	0.02	9.33E-01	0.53	4.78E-03
RP11-290L7.5	-0.27	1.64E-01	-0.53	4.81E-03
C1QL2	-0.19	3.40E-01	-0.53	4.83E-03
CISH	-0.02	9.20E-01	0.53	4.83E-03
KYNU	0.33	8.26E-02	0.53	4.83E-03
TRIM14	0.36	5.96E-02	0.53	4.86E-03
ANKRD20A5P	-0.26	1.77E-01	-0.53	4.92E-03
BHLHE41	-0.49	7.87E-03	-0.53	4.92E-03
EGFL6	-0.08	6.98E-01	0.53	4.92E-03
DLX4	-0.01	9.49E-01	-0.52	4.95E-03
RSG1	0.08	6.89E-01	0.52	4.95E-03
DIAPH2	-0.23	2.33E-01	-0.52	5.01E-03
KIAA2022	-0.38	4.66E-02	-0.52	5.01E-03
L3MBTL4	-0.24	2.10E-01	-0.52	5.01E-03
ST5	0.29	1.30E-01	0.52	5.01E-03
RP11-1148L6.8	0.18	3.66E-01	0.52	5.04E-03
TLDC1	0.16	4.12E-01	0.52	5.04E-03
RP11-119F7.3	-0.53	3.93E-03	0.52	5.07E-03
G23403	-0.01	9.78E-01	-0.52	5.10E-03
G13883	0.36	5.76E-02	0.52	5.13E-03
NAALAD2	0.06	7.76E-01	-0.52	5.20E-03
ARPIN	0.01	9.57E-01	0.52	5.23E-03
FAM204A	0.15	4.61E-01	-0.52	5.23E-03
C9orf47	-0.03	8.78E-01	-0.52	5.26E-03
TIPARP	-0.14	4.64E-01	-0.52	5.32E-03

HS3ST4	0.28	1.50E-01	0.52	5.32E-03
LGALS3BP	0.03	8.90E-01	0.52	5.38E-03
RP13-516M14.4	-0.05	8.04E-01	0.52	5.42E-03
SNORA71C	0.17	3.95E-01	0.52	5.42E-03
RPL19P14	0.05	8.08E-01	0.52	5.45E-03
FER1L6	-0.25	1.92E-01	0.52	5.48E-03
SCUBE2	-0.15	4.43E-01	0.52	5.48E-03
CYP2J2	-0.13	4.99E-01	-0.52	5.51E-03
RP11-247A12.7	0.09	6.43E-01	-0.52	5.51E-03
CHD3	-0.04	8.28E-01	0.52	5.55E-03
CLEC7A	0.57	1.70E-03	0.52	5.64E-03
COL4A4	-0.20	3.00E-01	0.52	5.68E-03
PCDHGB5	-0.33	8.67E-02	-0.52	5.68E-03
CRTAC1	-0.12	5.54E-01	0.52	5.74E-03
CTA-398F10.2	-0.26	1.77E-01	-0.52	5.74E-03
AC007204.1	-0.03	8.68E-01	-0.52	5.85E-03
LINC01032	-0.03	8.81E-01	-0.52	5.85E-03
RMRPP2	-0.38	4.56E-02	0.52	5.85E-03
GPT2	0.32	9.56E-02	0.52	5.88E-03
PCGF5	-0.07	7.07E-01	-0.52	5.88E-03
UGT2A1	-0.15	4.60E-01	-0.52	5.88E-03
CTD-2267D19.3	0.35	7.12E-02	0.52	5.91E-03
LINC01300	-0.32	9.90E-02	-0.52	5.95E-03
YEATS2	0.09	6.36E-01	0.52	5.95E-03
KNDC1	-0.02	9.23E-01	0.51	5.98E-03
ZNF775	0.17	4.01E-01	0.51	5.98E-03
DNAJC24	-0.04	8.21E-01	-0.51	6.02E-03
C9orf91	0.40	3.36E-02	0.51	6.05E-03
TMEM67	0.00	9.94E-01	-0.51	6.09E-03
DIEXF	0.10	6.31E-01	-0.51	6.16E-03
INPP5A	-0.19	3.41E-01	-0.51	6.20E-03
ABR	0.39	4.07E-02	0.51	6.23E-03
RP3-400B16.2	-0.42	2.81E-02	-0.51	6.31E-03
VPS9D1	0.26	1.82E-01	0.51	6.34E-03
AMDHD2	0.31	1.06E-01	0.51	6.42E-03
RP11-68I3.10	0.01	9.51E-01	0.51	6.42E-03
TRPT1	0.09	6.37E-01	0.51	6.45E-03
HSD11B1	-0.22	2.62E-01	-0.51	6.49E-03
CHRM2	-0.16	4.06E-01	-0.51	6.56E-03
RTP4	0.38	4.80E-02	0.51	6.60E-03
SIX5	-0.14	4.88E-01	0.51	6.60E-03
ARHGEF10	-0.51	5.98E-03	-0.51	6.68E-03
MAP4K3	-0.13	4.94E-01	-0.51	6.68E-03
BCL3	0.26	1.76E-01	0.51	6.68E-03
TGM6	0.19	3.35E-01	0.51	6.68E-03
AC144525.1	-0.11	5.87E-01	-0.51	6.72E-03
CCDC87	-0.11	5.61E-01	0.51	6.76E-03

<b>RP11-554I8.2</b>	-0.15	4.50E-01	0.51	6.76E-03
<b>AC000111.6</b>	0.06	7.76E-01	-0.51	6.83E-03
<b>SMAD1</b>	0.18	3.61E-01	0.51	6.83E-03
<b>XLOC_001477</b>	0.28	1.56E-01	0.51	6.83E-03
<b>AC019117.2</b>	-0.25	1.96E-01	0.51	6.87E-03
<b>RP11-712L6.5</b>	0.17	3.88E-01	-0.51	6.91E-03
<b>CDH26</b>	0.22	2.61E-01	0.51	6.91E-03
<b>DPF2</b>	0.35	6.96E-02	0.51	6.91E-03
<b>CSF1</b>	0.05	7.94E-01	0.51	6.95E-03
<b>MACC1</b>	-0.28	1.49E-01	-0.51	6.99E-03
<b>AC006372.4</b>	-0.02	9.23E-01	-0.51	7.07E-03
<b>BCLAF1</b>	-0.07	7.20E-01	-0.51	7.07E-03
<b>RNA5SP383</b>	-0.26	1.81E-01	0.51	7.07E-03
<b>RP11-428C19.5</b>	-0.14	4.72E-01	-0.51	7.07E-03
<b>MGAT4A</b>	-0.15	4.49E-01	-0.51	7.11E-03
<b>CHPT1</b>	-0.09	6.37E-01	-0.51	7.15E-03
<b>G42895</b>	0.18	3.69E-01	-0.51	7.15E-03
<b>ARHGEF3</b>	0.14	4.64E-01	0.51	7.15E-03
<b>AC011816.1</b>	-0.07	7.38E-01	0.51	7.19E-03
<b>DIRC3</b>	-0.01	9.44E-01	0.50	7.23E-03
<b>RP5-1097P24.1</b>	0.09	6.49E-01	0.50	7.31E-03
<b>BACH2</b>	-0.52	4.99E-03	-0.50	7.36E-03
<b>CERS6</b>	-0.21	2.93E-01	-0.50	7.36E-03
<b>MS4A14</b>	0.19	3.39E-01	0.50	7.40E-03
<b>AC005307.3</b>	-0.08	6.68E-01	-0.50	7.48E-03
<b>CDH13</b>	0.15	4.35E-01	0.50	7.48E-03
<b>TMEM56</b>	-0.03	8.63E-01	-0.50	7.52E-03
<b>TPRKBP2</b>	-0.32	9.33E-02	-0.50	7.52E-03
<b>NMNAT3</b>	-0.10	6.21E-01	-0.50	7.61E-03
<b>FABP2</b>	-0.14	4.70E-01	-0.50	7.69E-03
<b>GPR149</b>	0.02	9.03E-01	0.50	7.69E-03
<b>MAPK8IP1</b>	-0.17	3.95E-01	-0.50	7.69E-03
<b>GSG1</b>	-0.44	1.91E-02	-0.50	7.74E-03
<b>KLK1</b>	-0.44	1.80E-02	-0.50	7.74E-03
<b>SDK2</b>	0.34	7.69E-02	0.50	7.78E-03
<b>CDH24</b>	0.04	8.51E-01	0.50	7.82E-03
<b>NAGK</b>	0.27	1.63E-01	0.50	7.82E-03
<b>TMPRSS4</b>	0.18	3.60E-01	0.50	7.82E-03
<b>BMP3</b>	-0.01	9.47E-01	-0.50	7.82E-03
<b>IDS</b>	-0.05	7.91E-01	-0.50	7.82E-03
<b>LIN52</b>	0.01	9.60E-01	-0.50	7.82E-03
<b>CCDC88C</b>	0.00	9.94E-01	0.50	7.87E-03
<b>KCTD3</b>	-0.07	7.27E-01	-0.50	7.87E-03
<b>PALD1</b>	0.38	4.34E-02	0.50	7.87E-03
<b>RP11-1008C21.1</b>	-0.13	5.09E-01	-0.50	7.96E-03
<b>ZNF790</b>	-0.13	5.06E-01	-0.50	8.00E-03
<b>FBXO3</b>	0.02	9.02E-01	-0.50	8.05E-03



GRAMD2	0.27	1.63E-01	0.50	8.05E-03
PTPN18	-0.01	9.51E-01	0.50	8.05E-03
RP11-546K22.3	-0.02	9.32E-01	-0.50	8.05E-03
MYH14	-0.38	4.52E-02	-0.50	8.09E-03
RP11-731J8.2	0.06	7.75E-01	-0.50	8.09E-03
WEE1	-0.42	2.77E-02	-0.50	8.09E-03
EPHB2	0.47	1.19E-02	0.50	8.14E-03
SP110	0.41	2.98E-02	0.50	8.27E-03
AQP10	-0.06	7.69E-01	0.50	8.32E-03
NAA40	0.21	2.81E-01	0.50	8.36E-03
RP11-848P1.2	0.11	5.94E-01	0.50	8.36E-03
STARD5	0.08	6.69E-01	0.50	8.36E-03
AL591704.7	0.43	2.34E-02	0.50	8.41E-03
C11orf84	0.31	1.12E-01	0.50	8.41E-03
CDH10	-0.39	3.88E-02	-0.50	8.41E-03
OR2W3	0.22	2.68E-01	0.50	8.41E-03
RP11-348P10.2	0.07	7.07E-01	-0.50	8.41E-03
UGT3A2	-0.37	5.10E-02	-0.50	8.41E-03
AC006548.28	-0.09	6.43E-01	-0.50	8.46E-03
RHOQP2	-0.18	3.67E-01	0.50	8.46E-03
YPEL2	0.09	6.58E-01	0.50	8.46E-03
LNP1	-0.29	1.30E-01	-0.50	8.50E-03
SPTAN1	-0.34	7.46E-02	-0.50	8.50E-03
AC010731.2	0.18	3.72E-01	0.50	8.50E-03
RP5-827C21.2	0.19	3.41E-01	0.50	8.50E-03
RP5-1100H13.3	0.15	4.54E-01	-0.50	8.55E-03
C17orf62	0.29	1.37E-01	0.50	8.55E-03
FLOT2	0.32	9.42E-02	0.50	8.55E-03
FRMD5	-0.19	3.20E-01	0.50	8.55E-03
LINC00519	0.31	1.10E-01	0.50	8.55E-03
CCR5	0.31	1.06E-01	0.50	8.60E-03
HRK	0.12	5.49E-01	0.49	8.69E-03
USP44	0.14	4.93E-01	-0.49	8.69E-03
RP11-477L16.2	-0.35	6.39E-02	-0.49	8.74E-03
RP11-803P9.1	0.06	7.65E-01	-0.49	8.74E-03
PLA2G4F	0.34	7.64E-02	0.49	8.79E-03
VSTM4	0.20	3.02E-01	0.49	8.79E-03
G14803	0.01	9.45E-01	-0.49	8.79E-03
OR10A6	-0.14	4.66E-01	-0.49	8.79E-03
C22orf46	0.36	5.62E-02	0.49	8.84E-03
CTDSPL2	-0.12	5.33E-01	-0.49	8.84E-03
ANKRD20A7P	-0.49	7.71E-03	-0.49	8.89E-03
CCNF	0.22	2.65E-01	0.49	8.89E-03
RNU1-2	-0.03	8.98E-01	0.49	8.89E-03
ZNF503-AS2	0.40	3.37E-02	0.49	8.89E-03
CRABP1	-0.63	3.20E-04	-0.49	8.93E-03
DHRS13	0.23	2.39E-01	0.49	8.98E-03

ESPNNP	-0.05	7.85E-01	-0.49	9.03E-03
IL37	0.10	6.23E-01	-0.49	9.03E-03
CTD-2555A7.2	0.14	4.84E-01	0.49	9.08E-03
EPHA6	-0.01	9.54E-01	0.49	9.18E-03
DDX58	0.34	8.10E-02	0.49	9.23E-03
GRB7	-0.04	8.53E-01	0.49	9.28E-03
XLOC_007895	0.24	2.12E-01	0.49	9.33E-03
CFAP36	-0.30	1.25E-01	-0.49	9.38E-03
LINC00601	0.03	8.63E-01	-0.49	9.38E-03
TNPO1P3	0.12	5.29E-01	0.49	9.38E-03
ZNF582	0.06	7.79E-01	-0.49	9.38E-03
RP11-479G22.8	-0.07	7.13E-01	-0.49	9.43E-03
ZNF319	0.37	5.44E-02	0.49	9.43E-03
RP11-730A19.9	0.34	7.89E-02	0.49	9.49E-03
BCAN	-0.34	7.82E-02	-0.49	9.49E-03
RP11-686D22.8	0.32	9.36E-02	0.49	9.54E-03
SIRT3	-0.05	8.19E-01	0.49	9.54E-03
SSTR2	-0.08	6.72E-01	-0.49	9.54E-03
HHIP-AS1	0.32	9.99E-02	-0.49	9.59E-03
TMEM105	-0.03	8.76E-01	0.49	9.59E-03
ZNF542P	0.05	8.15E-01	-0.49	9.59E-03
GPA33	-0.07	7.05E-01	0.49	9.64E-03
NSUN3	0.20	3.18E-01	-0.49	9.64E-03
PLCG1	0.08	6.90E-01	0.49	9.64E-03
ARHGEF7	-0.36	6.01E-02	-0.49	9.69E-03
RP11-98L5.5	-0.42	2.78E-02	-0.49	9.69E-03
SLC1A6	-0.21	2.91E-01	-0.49	9.69E-03
RP11-553K23.2	-0.30	1.26E-01	-0.49	9.75E-03
AC092159.2	0.05	8.17E-01	-0.49	9.80E-03
ZNF432	-0.22	2.70E-01	-0.49	9.80E-03
CDK18	-0.05	8.11E-01	0.49	9.85E-03
OCEL1	-0.05	8.13E-01	0.49	9.85E-03
MMP14	0.14	4.73E-01	0.49	9.90E-03
RPS10L	0.23	2.49E-01	0.49	9.90E-03
SPRYD4	0.23	2.37E-01	0.49	9.90E-03
XLOC_009602	-0.01	9.66E-01	0.49	9.90E-03
G6313	-0.18	3.52E-01	-0.49	9.96E-03
ID4	-0.33	9.01E-02	-0.49	9.96E-03
LRGUK	-0.12	5.36E-01	-0.49	9.96E-03
ZNF681	0.42	2.81E-02	-0.49	9.96E-03
PTPN21	-0.41	2.86E-02	-0.49	1.00E-02
ZNF343	0.16	4.22E-01	-0.49	1.00E-02
DCBLD1	0.29	1.40E-01	0.49	1.01E-02
IQCB1	0.03	8.74E-01	-0.49	1.01E-02
OAS2	0.35	6.48E-02	0.49	1.01E-02
RNU6-140P	-0.05	8.04E-01	0.49	1.02E-02
SCARNA20	0.31	1.04E-01	0.49	1.02E-02

<b>RP1-239B22.5</b>	-0.16	4.08E-01	-0.49	1.02E-02
<b>TMEM220</b>	-0.11	5.71E-01	-0.49	1.03E-02
<b>ZFP28</b>	-0.07	7.23E-01	-0.49	1.03E-02
<b>ZNF529</b>	-0.16	4.17E-01	-0.49	1.03E-02
<b>AC002331.1</b>	0.17	3.93E-01	0.49	1.03E-02
<b>RANBP10</b>	0.26	1.77E-01	0.49	1.03E-02
<b>ZNF711</b>	0.03	8.98E-01	-0.49	1.03E-02
<b>CES5A</b>	0.30	1.21E-01	-0.48	1.04E-02
<b>CHRM1</b>	-0.34	7.39E-02	-0.48	1.04E-02
<b>TNFRSF8</b>	0.07	7.26E-01	0.48	1.04E-02
<b>TSPAN8</b>	-0.14	4.62E-01	-0.48	1.04E-02
<b>CCDC13-AS1</b>	-0.14	4.70E-01	-0.48	1.04E-02
<b>G32333</b>	-0.10	6.21E-01	-0.48	1.04E-02
<b>TNNC1</b>	-0.39	4.21E-02	-0.48	1.04E-02
<b>VAV2</b>	0.07	7.13E-01	0.48	1.04E-02
<b>G12029</b>	-0.34	8.13E-02	0.48	1.05E-02
<b>RN7SL526P</b>	0.04	8.22E-01	-0.48	1.05E-02
<b>RP11-243M5.3</b>	0.04	8.25E-01	0.48	1.05E-02
<b>RGS2</b>	-0.05	8.11E-01	-0.48	1.06E-02
<b>RP11-33N14.3</b>	0.05	8.03E-01	-0.48	1.06E-02
<b>FASTKD3</b>	0.01	9.66E-01	-0.48	1.06E-02
<b>GPR68</b>	0.30	1.17E-01	0.48	1.06E-02
<b>NDE1</b>	0.26	1.75E-01	0.48	1.06E-02
<b>ANGPTL4</b>	0.23	2.33E-01	0.48	1.07E-02
<b>GPRASP2</b>	-0.04	8.39E-01	-0.48	1.07E-02
<b>MYOZ2</b>	-0.31	1.05E-01	-0.48	1.07E-02
<b>PCDHGA2</b>	-0.44	1.97E-02	-0.48	1.07E-02
<b>TNFSF9</b>	0.20	3.01E-01	0.48	1.07E-02
<b>CARD14</b>	0.31	1.12E-01	0.48	1.08E-02
<b>CMTR1</b>	0.51	5.62E-03	0.48	1.08E-02
<b>ENPP3</b>	-0.39	3.94E-02	-0.48	1.08E-02
<b>TMEM173</b>	0.32	9.96E-02	0.48	1.08E-02
<b>GGA2</b>	-0.19	3.45E-01	0.48	1.09E-02
<b>RP11-141M1.4</b>	-0.08	6.84E-01	0.48	1.09E-02
<b>XLOC_013955</b>	-0.19	3.32E-01	-0.48	1.10E-02
<b>KB-1460A1.5</b>	-0.25	2.06E-01	-0.48	1.11E-02
<b>RP1-138B7.4</b>	-0.15	4.39E-01	-0.48	1.11E-02
<b>MED22</b>	0.15	4.46E-01	0.48	1.11E-02
<b>NFYA</b>	0.04	8.51E-01	0.48	1.11E-02
<b>RNU5B-3P</b>	0.05	7.96E-01	-0.48	1.11E-02
<b>SDCCAG8</b>	0.10	6.16E-01	0.48	1.11E-02
<b>CHST14</b>	0.12	5.46E-01	0.48	1.12E-02
<b>EPB41</b>	-0.27	1.57E-01	-0.48	1.12E-02
<b>ST6GALNAC1</b>	0.40	3.62E-02	0.48	1.12E-02
<b>VGLL3</b>	-0.25	1.98E-01	-0.48	1.12E-02
<b>XLOC_002793</b>	0.20	3.09E-01	-0.48	1.12E-02
<b>CA13</b>	-0.06	7.61E-01	-0.48	1.13E-02

<b>AC016747.3</b>	0.23	2.48E-01	0.48	1.13E-02
<b>HMGXB3</b>	0.32	9.74E-02	0.48	1.13E-02
<b>RNU4-23P</b>	-0.12	5.41E-01	-0.48	1.13E-02
<b>RP11-583F2.2</b>	-0.18	3.52E-01	-0.48	1.13E-02
<b>AL022345.10</b>	-0.07	7.27E-01	-0.48	1.14E-02
<b>MTFP1</b>	0.24	2.22E-01	0.48	1.14E-02
<b>EXPH5</b>	-0.29	1.30E-01	-0.48	1.14E-02
<b>RHOBTB3</b>	-0.19	3.24E-01	-0.48	1.14E-02
<b>NHLRC4</b>	-0.14	4.72E-01	0.48	1.15E-02
<b>PEX11G</b>	0.29	1.38E-01	0.48	1.15E-02
<b>PRUNE</b>	0.22	2.64E-01	0.48	1.15E-02
<b>RP1-151F17.2</b>	0.22	2.66E-01	0.48	1.15E-02
<b>ZNF254</b>	0.10	6.10E-01	-0.48	1.15E-02
<b>CNP</b>	0.31	1.07E-01	0.48	1.16E-02
<b>FAM234B</b>	-0.31	1.12E-01	-0.48	1.16E-02
<b>FHOD1</b>	-0.10	6.03E-01	0.48	1.16E-02
<b>JUN</b>	0.13	5.02E-01	0.48	1.16E-02
<b>ALCAM</b>	-0.23	2.38E-01	-0.48	1.16E-02
<b>CTD-2026G6.3</b>	0.05	7.87E-01	-0.48	1.16E-02
<b>PROM2</b>	0.26	1.89E-01	0.48	1.16E-02
<b>RP11-17E13.2</b>	-0.13	5.07E-01	-0.48	1.16E-02
<b>TLE3</b>	0.33	8.84E-02	0.48	1.16E-02
<b>ID3</b>	0.07	7.12E-01	0.48	1.17E-02
<b>FAM21A</b>	0.02	9.10E-01	-0.48	1.17E-02
<b>RP6-24A23.7</b>	-0.45	1.65E-02	-0.48	1.17E-02
<b>ADAMTS7</b>	0.19	3.26E-01	0.48	1.17E-02
<b>DGKZ</b>	0.30	1.23E-01	0.48	1.17E-02
<b>VASH2</b>	0.01	9.50E-01	0.48	1.17E-02
<b>G11189</b>	-0.11	5.89E-01	0.48	1.18E-02
<b>PML</b>	0.26	1.85E-01	0.48	1.18E-02
<b>G25996</b>	0.34	7.74E-02	0.48	1.19E-02
<b>G27456</b>	0.23	2.46E-01	0.48	1.19E-02
<b>LINC01106</b>	-0.11	5.67E-01	0.48	1.19E-02
<b>BTNL10</b>	0.08	7.00E-01	-0.48	1.19E-02
<b>FAM21B</b>	-0.07	7.30E-01	0.48	1.19E-02
<b>PITX1</b>	0.15	4.49E-01	0.48	1.19E-02
<b>VSIG10</b>	-0.09	6.59E-01	-0.48	1.19E-02
<b>CXorf57</b>	-0.18	3.54E-01	-0.48	1.20E-02
<b>EFNA1</b>	0.01	9.53E-01	0.48	1.20E-02
<b>GNG4</b>	-0.31	1.14E-01	0.48	1.20E-02
<b>G16052</b>	0.33	9.01E-02	0.48	1.20E-02
<b>GIMAP2</b>	-0.13	5.22E-01	0.48	1.20E-02
<b>HIP1</b>	-0.01	9.42E-01	0.48	1.20E-02
<b>MPP1</b>	0.00	9.93E-01	0.48	1.20E-02
<b>PCBP4</b>	-0.13	4.95E-01	0.48	1.20E-02
<b>RP11-56B16.6</b>	-0.20	3.02E-01	-0.48	1.20E-02
<b>RP11-785D18.3</b>	-0.10	6.04E-01	0.48	1.21E-02

FAM110C	0.61	6.33E-04	0.48	1.22E-02
LIPI	-0.05	7.89E-01	-0.48	1.22E-02
PCAT29	-0.20	3.09E-01	0.48	1.22E-02
SNORD1B	-0.14	4.87E-01	0.48	1.22E-02
G14986	-0.09	6.60E-01	0.48	1.22E-02
GSDMC	0.44	1.91E-02	0.48	1.22E-02
LHFPL3-AS1	-0.09	6.64E-01	-0.48	1.22E-02
RNU6-647P	-0.28	1.46E-01	-0.48	1.22E-02
SLC25A3P2	-0.34	7.32E-02	-0.48	1.22E-02
ICAM5	-0.21	2.87E-01	0.47	1.23E-02
CDK6	-0.01	9.69E-01	-0.47	1.24E-02
ZNF728	-0.05	8.13E-01	-0.47	1.24E-02
RP11-240E2.2	-0.01	9.66E-01	-0.47	1.24E-02
RP11-429E11.3	0.00	9.86E-01	0.47	1.24E-02
TMEM150A	-0.06	7.60E-01	0.47	1.24E-02
LIPJ	0.01	9.60E-01	-0.47	1.25E-02
RP11-474G23.3	0.21	2.89E-01	-0.47	1.25E-02
AP4M1	-0.07	7.21E-01	0.47	1.26E-02
LINC00346	-0.09	6.39E-01	0.47	1.26E-02
APOL2	0.30	1.23E-01	0.47	1.26E-02
HELB	0.18	3.72E-01	0.47	1.26E-02
SLC8B1	0.22	2.63E-01	0.47	1.26E-02
SNORA59B	0.39	3.77E-02	-0.47	1.26E-02
AADACP1	-0.40	3.62E-02	-0.47	1.27E-02
CLDN23	-0.45	1.66E-02	-0.47	1.27E-02
SLC35F5	0.11	5.68E-01	-0.47	1.27E-02
PRG2	-0.21	2.92E-01	-0.47	1.28E-02
SDR42E1	0.44	1.81E-02	0.47	1.28E-02
TECPR2	0.21	2.91E-01	0.47	1.28E-02
TRERF1	-0.04	8.21E-01	0.47	1.28E-02
AC011431.2	-0.07	7.17E-01	-0.47	1.28E-02
AKR1B10	0.27	1.71E-01	0.47	1.28E-02
IAH1	-0.12	5.41E-01	0.47	1.28E-02
RP11-286H15.1	-0.14	4.92E-01	-0.47	1.28E-02
TEX101	-0.15	4.56E-01	0.47	1.28E-02
TRIM60P17	0.07	7.05E-01	-0.47	1.28E-02
Z98044.1	-0.12	5.28E-01	-0.47	1.28E-02
IKBKE	0.34	7.22E-02	0.47	1.29E-02
LURAP1L	0.18	3.47E-01	0.47	1.29E-02
RP11-142L1.1	0.35	7.05E-02	-0.47	1.30E-02
XLOC_002712	-0.14	4.91E-01	-0.47	1.30E-02
CTD-2240E14.4	0.28	1.48E-01	0.47	1.30E-02
G31075	-0.13	5.07E-01	-0.47	1.30E-02
G38688	0.28	1.43E-01	0.47	1.30E-02
KIAA0513	0.51	5.27E-03	0.47	1.30E-02
TMEM55A	-0.27	1.70E-01	-0.47	1.30E-02
LINC00900	0.28	1.53E-01	0.47	1.31E-02

PIGZ	-0.05	7.86E-01	0.47	1.31E-02
RP4-809F4.1	0.04	8.59E-01	-0.47	1.31E-02
TRIM68	0.19	3.34E-01	0.47	1.31E-02
ENO4	-0.12	5.29E-01	-0.47	1.32E-02
RP11-2E11.6	0.00	9.99E-01	-0.47	1.32E-02
RP11-511P7.5	0.11	5.90E-01	0.47	1.32E-02
VSIG1	0.22	2.65E-01	-0.47	1.32E-02
XLOC_008878	0.21	2.74E-01	0.47	1.32E-02
SHROOM3	0.16	4.26E-01	-0.47	1.33E-02
CCND1	-0.04	8.41E-01	-0.47	1.34E-02
PNMAL2	-0.21	2.75E-01	-0.47	1.34E-02
RP11-129M16.4	-0.17	3.85E-01	-0.47	1.34E-02
CCDC92	0.18	3.63E-01	0.47	1.34E-02
GAS2	0.04	8.48E-01	-0.47	1.34E-02
AC011899.9	0.23	2.38E-01	0.47	1.35E-02
ACCSL	-0.28	1.51E-01	-0.47	1.35E-02
GNB1L	0.19	3.41E-01	-0.47	1.35E-02
GREM1	-0.28	1.52E-01	-0.47	1.35E-02
G14419	-0.03	8.91E-01	0.47	1.36E-02
HOXB7	-0.05	7.84E-01	0.47	1.36E-02
PAOX	-0.06	7.49E-01	0.47	1.36E-02
XLOC_004198	0.01	9.40E-01	0.47	1.36E-02
ZNF507	-0.44	1.87E-02	-0.47	1.36E-02
AC005532.5	-0.04	8.30E-01	-0.47	1.36E-02
CAMKK1	-0.07	7.42E-01	-0.47	1.36E-02
VPS13A	-0.21	2.74E-01	-0.47	1.36E-02
CXADR	0.04	8.25E-01	0.47	1.37E-02
HILS1	0.10	6.23E-01	-0.47	1.37E-02
XLOC_002825	-0.09	6.46E-01	0.47	1.37E-02
RP11-153F5.3	-0.39	3.95E-02	-0.47	1.38E-02
RP11-158K1.3	-0.01	9.71E-01	-0.47	1.38E-02
RP11-556I14.2	0.12	5.49E-01	-0.47	1.38E-02
BEX5	-0.26	1.78E-01	-0.47	1.38E-02
G9222	-0.03	8.81E-01	-0.47	1.38E-02
MLC1	-0.10	6.22E-01	-0.47	1.38E-02
PALMD	-0.10	6.04E-01	-0.47	1.38E-02
RNU6-925P	-0.18	3.49E-01	-0.47	1.39E-02
BCL2	-0.35	7.01E-02	-0.47	1.40E-02
FGF14-IT1	-0.34	7.29E-02	-0.47	1.40E-02
TENM3	0.18	3.69E-01	0.47	1.41E-02
CTDSP1	0.20	3.13E-01	0.47	1.41E-02
RP3-405J10.5	0.08	6.74E-01	0.47	1.41E-02
G353	0.05	8.07E-01	0.47	1.42E-02
LINC00992	-0.20	3.04E-01	-0.47	1.42E-02
ZC3H12B	-0.22	2.57E-01	-0.47	1.42E-02
ZNF580	0.32	9.87E-02	0.47	1.42E-02
ABHD4	0.12	5.54E-01	0.47	1.43E-02

PARP16	0.32	1.01E-01	0.47	1.43E-02
PLEKH02	0.10	6.31E-01	0.47	1.43E-02
RP11-707A18.1	-0.16	4.25E-01	-0.47	1.43E-02
RP11-146D12.2	-0.01	9.67E-01	-0.47	1.43E-02
RP11-288C18.1	-0.12	5.45E-01	-0.47	1.43E-02
TRIM69	0.23	2.37E-01	0.47	1.43E-02
RP11-615I2.3	0.03	8.67E-01	0.47	1.44E-02
C20orf96	-0.02	9.03E-01	-0.47	1.45E-02
CRNDE	0.11	5.69E-01	-0.47	1.45E-02
RNA5SP493	-0.02	9.17E-01	-0.47	1.45E-02
TRIM51BP	-0.18	3.63E-01	-0.47	1.45E-02
DLGAP3	0.21	2.72E-01	0.46	1.46E-02
RP11-690D19.3	0.01	9.50E-01	-0.46	1.46E-02
GEM	-0.25	1.93E-01	-0.46	1.46E-02
RP11-526F3.1	0.14	4.77E-01	-0.46	1.46E-02
TTY15	0.26	1.77E-01	0.46	1.46E-02
AC078864.2	-0.22	2.53E-01	-0.46	1.47E-02
C10orf99	0.42	2.68E-02	0.46	1.47E-02
CTC-471J1.10	-0.29	1.28E-01	0.46	1.47E-02
SNX25	-0.20	2.98E-01	-0.46	1.47E-02
SNX29	-0.29	1.41E-01	0.46	1.47E-02
LINC00305	-0.29	1.38E-01	-0.46	1.48E-02
RHCE	0.12	5.47E-01	0.46	1.49E-02
RP11-1148L6.5	-0.07	7.32E-01	0.46	1.49E-02
SYNE1	-0.33	8.73E-02	-0.46	1.49E-02
TNIP3	0.36	6.26E-02	0.46	1.49E-02
UBALD2	0.29	1.30E-01	0.46	1.49E-02
CTBP1-AS2	0.25	2.03E-01	0.46	1.49E-02
G10803	0.32	9.47E-02	0.46	1.49E-02
GNAT1	-0.25	1.94E-01	-0.46	1.49E-02
PELI2	-0.30	1.24E-01	-0.46	1.49E-02
TLL1	-0.01	9.50E-01	-0.46	1.49E-02
KCNH1	0.11	5.62E-01	0.46	1.50E-02
RP11-218E20.3	0.16	4.16E-01	0.46	1.50E-02
VSIG8	0.16	4.15E-01	0.46	1.50E-02
PAX6	0.02	9.29E-01	-0.46	1.50E-02
SLAMF7	0.34	7.84E-02	0.46	1.51E-02
SLC16A14	0.24	2.15E-01	0.46	1.51E-02
CLTCL1	0.05	8.05E-01	0.46	1.52E-02
MIR4482-1	-0.11	5.63E-01	-0.46	1.52E-02
RP11-184A2.2	-0.21	2.91E-01	-0.46	1.52E-02
IL13	-0.33	8.16E-02	0.46	1.54E-02
PLBD1-AS1	-0.09	6.55E-01	0.46	1.54E-02
RP11-817O13.9	-0.35	6.87E-02	0.46	1.54E-02
RPL36AP33	0.18	3.46E-01	-0.46	1.54E-02
CCL3	0.10	6.24E-01	0.46	1.55E-02
RP11-436H11.5	-0.39	4.04E-02	-0.46	1.55E-02

<b>RP13-923O23.7</b>	0.06	7.70E-01	-0.46	1.55E-02
<b>FGF14-AS2</b>	-0.08	6.98E-01	-0.46	1.55E-02
<b>LINC00862</b>	-0.14	4.63E-01	-0.46	1.55E-02
<b>NFATC2</b>	-0.49	8.44E-03	-0.46	1.55E-02
<b>R3HCC1L</b>	0.44	1.98E-02	0.46	1.55E-02
<b>XLOC_002943</b>	-0.06	7.59E-01	-0.46	1.55E-02
<b>G656</b>	-0.06	7.80E-01	-0.46	1.56E-02
<b>GPR83</b>	-0.19	3.37E-01	-0.46	1.56E-02
<b>HAGH</b>	-0.08	6.80E-01	0.46	1.56E-02
<b>GOLGA7B</b>	0.16	4.27E-01	0.46	1.57E-02
<b>KRT16P4</b>	0.25	1.92E-01	0.46	1.57E-02
<b>ZNF827</b>	0.06	7.53E-01	0.46	1.57E-02
<b>LYPLAL1-AS1</b>	0.46	1.50E-02	-0.46	1.57E-02
<b>RP11-10K17.3</b>	-0.03	8.67E-01	0.46	1.58E-02
<b>RP11-736N17.4</b>	-0.13	4.98E-01	0.46	1.58E-02
<b>GOLGA8K</b>	-0.40	3.63E-02	-0.46	1.59E-02
<b>RP4-655J12.5</b>	-0.14	4.63E-01	-0.46	1.59E-02
<b>CCNJL</b>	0.08	6.82E-01	0.46	1.59E-02
<b>NHS</b>	-0.22	2.58E-01	-0.46	1.59E-02
<b>STBD1</b>	0.25	1.97E-01	-0.46	1.59E-02
<b>ARHGGEF26</b>	-0.33	8.34E-02	-0.46	1.60E-02
<b>CCL23</b>	-0.10	6.21E-01	0.46	1.61E-02
<b>G23773</b>	-0.05	7.99E-01	-0.46	1.61E-02
<b>GDF7</b>	-0.25	1.99E-01	-0.46	1.61E-02
<b>CTD-3105H18.14</b>	-0.07	7.39E-01	0.46	1.62E-02
<b>PPP1R14C</b>	-0.26	1.78E-01	-0.46	1.62E-02
<b>RP11-134G8.7</b>	0.02	9.31E-01	0.46	1.62E-02
<b>ZDHHC24</b>	0.21	2.87E-01	0.46	1.62E-02
<b>MMP25</b>	0.04	8.38E-01	0.46	1.62E-02
<b>MYEF2</b>	-0.35	7.20E-02	-0.46	1.63E-02
<b>NUMA1</b>	0.01	9.75E-01	0.46	1.63E-02
<b>AKAP12</b>	-0.41	2.95E-02	-0.46	1.64E-02
<b>KCTD8</b>	-0.31	1.12E-01	-0.46	1.64E-02
<b>MAP9</b>	0.05	8.08E-01	-0.46	1.64E-02
<b>DTX3L</b>	0.31	1.04E-01	0.46	1.65E-02
<b>LDLRAP1</b>	0.46	1.45E-02	0.46	1.65E-02
<b>RP11-129M6.1</b>	-0.15	4.57E-01	0.46	1.65E-02
<b>RP11-640L9.2</b>	0.39	3.97E-02	0.46	1.65E-02
<b>CTC-471J1.11</b>	0.02	9.08E-01	-0.46	1.66E-02
<b>DPP6</b>	0.11	5.78E-01	-0.46	1.66E-02
<b>FAM189A2</b>	-0.57	1.45E-03	-0.46	1.66E-02
<b>G16208</b>	0.17	3.86E-01	0.46	1.66E-02
<b>NT5C2</b>	0.19	3.34E-01	0.46	1.66E-02
<b>OLFM1</b>	0.24	2.20E-01	0.46	1.66E-02
<b>RP11-344A16.2</b>	-0.05	8.14E-01	-0.46	1.66E-02
<b>APOL1</b>	0.32	9.74E-02	0.46	1.67E-02
<b>USP32P2</b>	0.39	4.04E-02	0.46	1.67E-02



BCAP29	-0.09	6.61E-01	-0.46	1.67E-02
SNX18P3	-0.36	6.09E-02	-0.46	1.67E-02
XLOC_009826	-0.11	5.80E-01	-0.46	1.67E-02
BRI3BP	0.12	5.44E-01	-0.46	1.68E-02
FAM35A	-0.09	6.58E-01	-0.46	1.68E-02
RALGAPA1	-0.26	1.90E-01	-0.46	1.68E-02
PRICKLE4	0.41	3.24E-02	0.46	1.68E-02
AC104532.3	0.26	1.80E-01	0.46	1.69E-02
RP11-138E9.2	-0.40	3.52E-02	0.46	1.69E-02
RP11-421F16.3	-0.26	1.85E-01	-0.46	1.69E-02
RN7SKP178	-0.05	8.17E-01	-0.46	1.70E-02
FAT2	0.17	3.98E-01	0.46	1.71E-02
PRSS36	-0.09	6.32E-01	0.46	1.71E-02
CAMK2B	0.07	7.25E-01	-0.46	1.71E-02
CLASP2	-0.11	5.69E-01	-0.46	1.71E-02
EFCAB6-AS1	0.20	3.15E-01	0.45	1.72E-02
KRT16P5	-0.10	6.02E-01	0.45	1.72E-02
RP11-50D9.4	0.16	4.18E-01	-0.45	1.72E-02
C2orf42	0.16	4.29E-01	0.45	1.72E-02
G30345	0.25	2.07E-01	-0.45	1.72E-02
HMCN1	-0.21	2.92E-01	0.45	1.72E-02
RP4-635E18.7	0.02	9.33E-01	-0.45	1.72E-02
SYCE3	-0.10	5.95E-01	0.45	1.72E-02
ADAMTS12	0.00	9.91E-01	0.45	1.73E-02
MIR3926-2	-0.17	3.79E-01	-0.45	1.74E-02
CIB2	0.21	2.83E-01	0.45	1.74E-02
PLS3-AS1	-0.29	1.36E-01	0.45	1.74E-02
WNT3	0.15	4.38E-01	0.45	1.74E-02
RP11-49K24.8	-0.06	7.65E-01	-0.45	1.75E-02
BEX2	-0.25	1.91E-01	-0.45	1.76E-02
CTA-212A2.1	-0.03	8.64E-01	0.45	1.76E-02
CYP2U1	-0.30	1.22E-01	-0.45	1.76E-02
MAP3K3	0.12	5.39E-01	0.45	1.76E-02
NDRG4	0.19	3.37E-01	0.45	1.76E-02
CRIP1	-0.50	6.47E-03	-0.45	1.77E-02
RP11-166B2.8	-0.32	9.50E-02	-0.45	1.77E-02
SPX	-0.08	7.03E-01	-0.45	1.77E-02
MAP3K2	0.13	5.13E-01	-0.45	1.77E-02
SSTR1	-0.20	3.02E-01	0.45	1.77E-02
OSTN	0.11	5.90E-01	-0.45	1.78E-02
CTTNBP2NL	0.17	3.88E-01	0.45	1.79E-02
IL4R	0.30	1.22E-01	0.45	1.79E-02
LINC00242	0.04	8.32E-01	0.45	1.79E-02
TAF8	0.38	4.90E-02	0.45	1.79E-02
RP11-421M1.8	0.05	7.86E-01	-0.45	1.80E-02
RP11-757O6.1	-0.35	7.12E-02	-0.45	1.80E-02
AKR1B15	0.37	5.03E-02	0.45	1.80E-02

DEF6	0.28	1.42E-01	0.45	1.80E-02
DUOX1	0.09	6.59E-01	0.45	1.80E-02
TGFB1	0.12	5.59E-01	0.45	1.80E-02
TRPM6	0.41	2.92E-02	0.45	1.80E-02
PRKD2	0.01	9.51E-01	0.45	1.81E-02
RGL1	0.26	1.90E-01	0.45	1.82E-02
TMC6	-0.09	6.38E-01	0.45	1.82E-02
CEP128	-0.16	4.03E-01	-0.45	1.83E-02
PTK7	0.26	1.84E-01	0.45	1.83E-02
AC004987.9	0.01	9.54E-01	0.45	1.84E-02
AC118138.2	-0.19	3.41E-01	0.45	1.84E-02
FGD4	-0.17	3.79E-01	-0.45	1.84E-02
RPS6KA6	-0.16	4.28E-01	-0.45	1.84E-02
SLA2	0.21	2.73E-01	0.45	1.84E-02
CLCF1	-0.19	3.40E-01	-0.45	1.85E-02
CNNM4	0.41	2.95E-02	0.45	1.85E-02
COL21A1	-0.55	2.22E-03	-0.45	1.85E-02
CTA-292E10.6	0.14	4.62E-01	-0.45	1.85E-02
ZSWIM4	0.24	2.19E-01	0.45	1.85E-02
GRK5	0.05	8.03E-01	0.45	1.85E-02
PLAT	0.19	3.39E-01	0.45	1.85E-02
RP1-100J12.1	-0.10	6.29E-01	-0.45	1.85E-02
SLC24A1	-0.02	9.31E-01	0.45	1.85E-02
ZFAND4	-0.20	3.02E-01	-0.45	1.85E-02
CTA-384D8.36	0.23	2.31E-01	0.45	1.86E-02
GLYAT	0.02	9.08E-01	0.45	1.86E-02
RP11-168F9.2	-0.09	6.39E-01	-0.45	1.86E-02
RP11-214K3.18	0.05	7.89E-01	-0.45	1.86E-02
RP11-73M18.7	0.36	5.66E-02	-0.45	1.86E-02
RP11-989E6.3	0.22	2.62E-01	0.45	1.86E-02
STX7	-0.45	1.51E-02	-0.45	1.86E-02
TMEM237	-0.19	3.36E-01	-0.45	1.86E-02
TSPYL5	-0.11	5.92E-01	-0.45	1.86E-02
CTB-49A3.2	-0.07	7.26E-01	0.45	1.87E-02
G22375	0.16	4.24E-01	-0.45	1.87E-02
STXBP5-AS1	-0.04	8.25E-01	0.45	1.87E-02
CYP21A2	0.04	8.48E-01	-0.45	1.88E-02
PANK3	0.31	1.06E-01	-0.45	1.88E-02
SEMA4B	0.28	1.53E-01	0.45	1.88E-02
SERPINB13	0.16	4.07E-01	0.45	1.88E-02
AC002310.17	0.02	9.33E-01	-0.45	1.89E-02
G5386	0.06	7.47E-01	0.45	1.89E-02
HTR1F	-0.22	2.69E-01	0.45	1.89E-02
LCORL	-0.13	5.15E-01	-0.45	1.89E-02
LINC00392	0.04	8.28E-01	-0.45	1.89E-02
MCMDC2	-0.08	6.74E-01	-0.45	1.89E-02
RAVER1	0.10	6.09E-01	0.45	1.89E-02

LGMN	0.44	1.89E-02	0.45	1.90E-02
GPS2P1	0.02	9.23E-01	0.45	1.91E-02
HSF5	0.16	4.30E-01	0.45	1.91E-02
TRIM58	0.15	4.33E-01	0.45	1.91E-02
ATG10-IT1	-0.21	2.78E-01	0.45	1.92E-02
OASL	0.42	2.56E-02	0.45	1.92E-02
RP11-1166P10.1	0.34	7.69E-02	-0.45	1.92E-02
RP4-736H5.3	0.13	5.12E-01	-0.45	1.92E-02
SLITRK5	0.00	9.82E-01	-0.45	1.92E-02
SLC6A8	0.38	4.90E-02	0.45	1.93E-02
USP19	0.21	2.81E-01	0.45	1.93E-02
AC006557.1	-0.43	2.08E-02	-0.45	1.93E-02
LONRF1	-0.22	2.50E-01	-0.45	1.93E-02
MRPS31P5	0.05	8.14E-01	-0.45	1.93E-02
ZNF725P	0.08	7.02E-01	-0.45	1.94E-02
FAM76A	-0.05	7.87E-01	-0.45	1.95E-02
LINC01102	-0.12	5.53E-01	-0.45	1.95E-02
LINC01336	0.12	5.29E-01	0.45	1.95E-02
RP11-115N12.1	0.14	4.93E-01	-0.45	1.95E-02
RP11-423H2.1	0.02	9.03E-01	0.45	1.95E-02
RP11-89K10.1	-0.04	8.38E-01	-0.45	1.95E-02
SUSD3	0.10	6.18E-01	0.45	1.95E-02
RLN2	0.12	5.56E-01	-0.45	1.96E-02
AC073043.1	-0.18	3.55E-01	-0.45	1.97E-02
TSLP	0.36	6.26E-02	0.45	1.97E-02
ANKRD20A1	0.05	8.17E-01	-0.45	1.98E-02
COL6A5	-0.25	1.95E-01	0.45	1.98E-02
GPX2	0.26	1.79E-01	0.45	1.98E-02
KRT16P6	0.08	6.96E-01	0.45	1.98E-02
RBM27	0.08	6.96E-01	-0.45	1.98E-02
SPAG1	-0.22	2.65E-01	-0.45	1.98E-02
XLOC_003378	0.15	4.50E-01	0.45	1.98E-02
ZBTB5	-0.09	6.39E-01	0.45	1.98E-02
MIR31HG	0.26	1.78E-01	0.45	1.99E-02
RORA	-0.28	1.44E-01	-0.45	1.99E-02
SNORD3C	0.42	2.73E-02	0.45	1.99E-02
LINC01293	-0.05	7.94E-01	0.45	2.00E-02
RPS15AP34	0.02	9.24E-01	-0.45	2.00E-02
SLC12A6	-0.11	5.77E-01	0.45	2.00E-02
AGRN	0.27	1.68E-01	0.44	2.01E-02
LEPROT	0.22	2.65E-01	0.44	2.01E-02
RP11-1E4.1	-0.07	7.17E-01	-0.44	2.01E-02
RP11-64D22.1	-0.16	4.15E-01	-0.44	2.01E-02
ZNF487	-0.21	2.72E-01	-0.44	2.01E-02
RP11-87N3.6	-0.19	3.22E-01	0.44	2.02E-02
IER5L	0.14	4.87E-01	0.44	2.03E-02
LINC00237	0.10	6.11E-01	0.44	2.03E-02

<b>NXPE2</b>	-0.23	2.39E-01	-0.44	2.03E-02
<b>XLOC_000610</b>	-0.25	1.95E-01	-0.44	2.03E-02
<b>AQP5</b>	0.13	5.20E-01	0.44	2.04E-02
<b>PCP4L1</b>	0.34	7.54E-02	0.44	2.04E-02
<b>RSPO3</b>	-0.25	1.98E-01	0.44	2.04E-02
<b>RP1-27K12.4</b>	0.09	6.63E-01	-0.44	2.04E-02
<b>RP11-101E13.5</b>	-0.22	2.68E-01	-0.44	2.04E-02
<b>RP11-697E22.2</b>	-0.16	4.20E-01	-0.44	2.04E-02
<b>RP3-337H4.10</b>	-0.28	1.44E-01	-0.44	2.04E-02
<b>APITD1-CORT</b>	-0.20	3.15E-01	-0.44	2.05E-02
<b>CDC42EP1</b>	0.25	1.93E-01	0.44	2.05E-02
<b>LYPLA1P3</b>	0.25	1.98E-01	-0.44	2.05E-02
<b>PAX5</b>	0.14	4.69E-01	0.44	2.05E-02
<b>UCHL5</b>	0.08	6.86E-01	-0.44	2.05E-02
<b>ACP5</b>	0.26	1.75E-01	0.44	2.06E-02
<b>HYAL1</b>	0.02	9.08E-01	0.44	2.06E-02
<b>LILRB4</b>	0.11	5.83E-01	0.44	2.06E-02
<b>MFSD2B</b>	0.38	4.78E-02	0.44	2.06E-02
<b>SIPA1</b>	0.10	6.18E-01	0.44	2.06E-02
<b>DTWD1</b>	-0.20	3.15E-01	-0.44	2.06E-02
<b>GRIA4</b>	-0.48	9.75E-03	-0.44	2.06E-02
<b>RPL7L1P2</b>	-0.35	6.84E-02	-0.44	2.06E-02
<b>XLOC_013506</b>	-0.09	6.35E-01	-0.44	2.06E-02
<b>RP4-694A7.2</b>	0.17	3.85E-01	-0.44	2.07E-02
<b>AC008074.4</b>	-0.12	5.43E-01	-0.44	2.08E-02
<b>RP11-387H17.4</b>	-0.09	6.40E-01	-0.44	2.08E-02
<b>MYOF</b>	-0.14	4.80E-01	0.44	2.09E-02
<b>RNF31</b>	0.17	3.75E-01	0.44	2.09E-02
<b>RP11-137L10.5</b>	-0.32	9.45E-02	-0.44	2.10E-02
<b>RP13-726E6.2</b>	-0.25	1.97E-01	-0.44	2.10E-02
<b>MN1</b>	-0.06	7.44E-01	0.44	2.10E-02
<b>PIGV</b>	0.12	5.52E-01	0.44	2.10E-02
<b>EFNB2</b>	-0.22	2.54E-01	-0.44	2.11E-02
<b>TRDMT1</b>	-0.30	1.16E-01	-0.44	2.11E-02
<b>AC007879.7</b>	0.00	9.85E-01	0.44	2.12E-02
<b>SOWAHB</b>	-0.16	4.17E-01	-0.44	2.13E-02
<b>AASS</b>	0.32	9.62E-02	0.44	2.13E-02
<b>RN7SKP282</b>	0.15	4.49E-01	0.44	2.13E-02
<b>ACTRT3</b>	0.04	8.37E-01	0.44	2.14E-02
<b>C4orf19</b>	-0.39	4.04E-02	-0.44	2.14E-02
<b>EPHX4</b>	0.06	7.71E-01	0.44	2.14E-02
<b>GATSL2</b>	-0.26	1.85E-01	0.44	2.14E-02
<b>IL10RB-AS1</b>	0.01	9.54E-01	0.44	2.14E-02
<b>XLOC_004197</b>	0.13	5.01E-01	0.44	2.14E-02
<b>GJA5</b>	0.00	9.99E-01	0.44	2.15E-02
<b>UPF1</b>	0.23	2.42E-01	0.44	2.15E-02
<b>WDR48</b>	0.10	6.19E-01	0.44	2.15E-02

ZFYVE28	0.07	7.25E-01	0.44	2.15E-02
<b>RP11-330M2.4</b>	-0.11	5.91E-01	-0.44	2.15E-02
THOC1	-0.18	3.59E-01	-0.44	2.15E-02
CA3	-0.03	8.92E-01	-0.44	2.16E-02
KPNA5	-0.04	8.50E-01	-0.44	2.16E-02
RAI14	-0.31	1.08E-01	-0.44	2.16E-02
TRBV27	0.14	4.87E-01	0.44	2.16E-02
ZNF114	-0.12	5.28E-01	-0.44	2.16E-02
AADACL3	-0.12	5.55E-01	-0.44	2.17E-02
<b>AL590084.1</b>	-0.04	8.55E-01	-0.44	2.17E-02
CYP4X1	0.24	2.18E-01	0.44	2.17E-02
DLC1	-0.36	5.62E-02	-0.44	2.17E-02
G7779	0.19	3.26E-01	0.44	2.17E-02
<b>RP11-1016B18.1</b>	0.07	7.41E-01	-0.44	2.17E-02
BARD1	-0.09	6.51E-01	-0.44	2.18E-02
KCNMB4	-0.15	4.40E-01	-0.44	2.18E-02
KRTAP5-4	0.26	1.75E-01	0.44	2.18E-02
<b>RP11-435O5.6</b>	-0.22	2.53E-01	-0.44	2.18E-02
TMEM47	-0.33	8.29E-02	-0.44	2.18E-02
C17orf67	0.12	5.29E-01	0.44	2.20E-02
<b>CTD-2336O2.1</b>	-0.05	8.16E-01	0.44	2.20E-02
FAM109A	0.11	5.63E-01	0.44	2.21E-02
CDKAL1	-0.29	1.36E-01	-0.44	2.22E-02
TLK1P1	-0.18	3.72E-01	-0.44	2.22E-02
USP45	0.03	8.62E-01	-0.44	2.22E-02
ADA	-0.05	8.05E-01	0.44	2.23E-02
FAM83F	0.32	9.24E-02	0.44	2.23E-02
LMOD2	0.02	9.06E-01	-0.44	2.23E-02
PTGDR2	-0.13	5.09E-01	0.44	2.23E-02
SGSH	-0.01	9.48E-01	0.44	2.24E-02
G25631	0.27	1.72E-01	-0.44	2.26E-02
PEBP4	-0.06	7.48E-01	-0.44	2.26E-02
<b>RP11-252A24.3</b>	0.03	8.98E-01	0.44	2.26E-02
CATSPER3	0.25	2.00E-01	0.44	2.27E-02
CLDN14	0.12	5.27E-01	0.44	2.27E-02
EFNA5	-0.14	4.93E-01	-0.44	2.27E-02
MURC	0.00	9.90E-01	0.44	2.27E-02
OSBPL3	0.16	4.13E-01	-0.44	2.27E-02
<b>RP11-430H10.3</b>	0.25	1.93E-01	0.44	2.27E-02
<b>RP11-783K16.13</b>	0.25	2.01E-01	0.44	2.27E-02
TCERG1	0.16	4.12E-01	-0.44	2.27E-02
<b>APCDD1L-AS1</b>	-0.47	1.11E-02	-0.44	2.28E-02
PLD2	0.15	4.49E-01	0.44	2.28E-02
ZNF282	0.33	8.53E-02	0.44	2.28E-02
AMBRA1	0.18	3.71E-01	0.44	2.29E-02
HSPA6	-0.35	7.20E-02	0.44	2.30E-02
<b>KB-1205A7.1</b>	0.17	3.88E-01	-0.44	2.30E-02

<b>MEMO1P1</b>	0.33	8.67E-02	-0.44	2.30E-02
<b>NIPAL1</b>	-0.08	6.80E-01	-0.44	2.30E-02
<b>RAB3B</b>	-0.27	1.64E-01	-0.44	2.30E-02
<b>SNORA74A</b>	0.21	2.85E-01	0.44	2.30E-02
<b>TUBG2</b>	0.32	9.24E-02	0.44	2.30E-02
<b>ACRBP</b>	0.00	9.88E-01	0.44	2.32E-02
<b>LRRC39</b>	-0.09	6.33E-01	-0.44	2.32E-02
<b>PTCHD4</b>	0.03	8.95E-01	0.44	2.32E-02
<b>UCK1</b>	0.06	7.51E-01	0.44	2.32E-02
<b>G11629</b>	-0.10	6.20E-01	0.44	2.33E-02
<b>PCDHGA1</b>	-0.13	5.03E-01	0.44	2.33E-02
<b>CD3D</b>	0.24	2.26E-01	0.43	2.34E-02
<b>HNRNPA1P21</b>	-0.11	5.92E-01	0.43	2.34E-02
<b>PBX2</b>	0.05	7.99E-01	0.43	2.34E-02
<b>PYGO2</b>	0.56	1.91E-03	0.43	2.34E-02
<b>RP4-616B8.5</b>	0.01	9.48E-01	0.43	2.34E-02
<b>BST1</b>	-0.04	8.29E-01	-0.43	2.35E-02
<b>ETNK2</b>	-0.32	1.01E-01	-0.43	2.35E-02
<b>RP1-272L16.1</b>	0.34	7.49E-02	0.43	2.35E-02
<b>C10orf55</b>	0.23	2.39E-01	0.43	2.36E-02
<b>LGR6</b>	-0.19	3.36E-01	0.43	2.36E-02
<b>NRXN3</b>	-0.41	2.86E-02	-0.43	2.36E-02
<b>RPL23AP87</b>	-0.12	5.39E-01	-0.43	2.36E-02
<b>CTNS</b>	0.11	5.79E-01	0.43	2.37E-02
<b>PCDHGB4</b>	-0.21	2.78E-01	-0.43	2.37E-02
<b>RP11-1263C18.1</b>	-0.20	2.96E-01	-0.43	2.37E-02
<b>DOC2GP</b>	0.04	8.52E-01	-0.43	2.38E-02
<b>RP11-958F21.1</b>	0.22	2.54E-01	0.43	2.38E-02
<b>RP11-177H2.1</b>	-0.17	3.77E-01	-0.43	2.39E-02
<b>RP11-464C19.3</b>	-0.39	4.23E-02	-0.43	2.39E-02
<b>ZNF682</b>	-0.31	1.09E-01	-0.43	2.39E-02
<b>N4BP1</b>	0.39	4.28E-02	0.43	2.39E-02
<b>APBA3</b>	0.11	5.66E-01	0.43	2.40E-02
<b>PPFIBP2</b>	0.16	4.20E-01	0.43	2.40E-02
<b>ADAM21</b>	-0.08	6.80E-01	-0.43	2.41E-02
<b>CTB-50L17.10</b>	0.06	7.61E-01	0.43	2.41E-02
<b>LTB4R</b>	0.36	5.70E-02	0.43	2.41E-02
<b>NKX1-2</b>	0.34	7.27E-02	-0.43	2.41E-02
<b>RP11-184I16.4</b>	-0.03	8.80E-01	-0.43	2.41E-02
<b>SLC4A11</b>	0.14	4.88E-01	0.43	2.41E-02
<b>CDKL1</b>	-0.25	1.93E-01	-0.43	2.43E-02
<b>EDARADD</b>	0.17	3.96E-01	0.43	2.43E-02
<b>AMBP</b>	-0.02	9.35E-01	-0.43	2.44E-02
<b>CCM2</b>	0.28	1.48E-01	0.43	2.44E-02
<b>G33837</b>	0.01	9.59E-01	-0.43	2.44E-02
<b>JMJD4</b>	0.23	2.46E-01	0.43	2.44E-02
<b>MTM1</b>	-0.08	7.01E-01	-0.43	2.44E-02

<b>NOP14-AS1</b>	0.44	1.89E-02	0.43	2.44E-02
<b>SLC9A3R2</b>	-0.32	9.87E-02	0.43	2.44E-02
<b>WDR64</b>	-0.04	8.39E-01	-0.43	2.44E-02
<b>C16orf74</b>	-0.12	5.59E-01	-0.43	2.45E-02
<b>MED25</b>	0.10	6.31E-01	0.43	2.45E-02
<b>SESN2</b>	0.44	2.01E-02	0.43	2.45E-02
<b>ERCC2</b>	0.05	7.88E-01	0.43	2.46E-02
<b>FRRS1</b>	0.31	1.08E-01	0.43	2.46E-02
<b>G43312</b>	0.05	7.89E-01	-0.43	2.46E-02
<b>TAC1</b>	-0.30	1.23E-01	-0.43	2.46E-02
<b>ATP9A</b>	0.18	3.69E-01	0.43	2.47E-02
<b>IL15RA</b>	0.10	6.20E-01	0.43	2.47E-02
<b>RNVU1-18</b>	0.04	8.46E-01	0.43	2.47E-02
<b>KRBOX1</b>	0.16	4.25E-01	-0.43	2.48E-02
<b>STC1</b>	0.16	4.14E-01	-0.43	2.48E-02
<b>AC073410.1</b>	-0.02	9.31E-01	0.43	2.49E-02
<b>BCO1</b>	-0.09	6.60E-01	-0.43	2.49E-02
<b>G19270</b>	-0.21	2.91E-01	-0.43	2.49E-02
<b>G41661</b>	-0.12	5.43E-01	-0.43	2.50E-02
<b>LAT2</b>	0.14	4.64E-01	0.43	2.50E-02
<b>PCDHGA12</b>	-0.17	3.93E-01	0.43	2.50E-02
<b>PDK4</b>	-0.17	3.83E-01	-0.43	2.50E-02
<b>ARHGAP44</b>	0.05	7.95E-01	-0.43	2.52E-02
<b>OR55B1P</b>	0.07	7.40E-01	-0.43	2.52E-02
<b>PSD3</b>	-0.51	5.80E-03	-0.43	2.52E-02
<b>SBNO2</b>	0.19	3.39E-01	0.43	2.52E-02
<b>TRIM2</b>	-0.15	4.38E-01	-0.43	2.52E-02
<b>G31097</b>	-0.17	3.94E-01	0.43	2.53E-02
<b>IGF2BP3</b>	0.36	6.07E-02	-0.43	2.53E-02
<b>MET</b>	-0.13	5.26E-01	-0.43	2.53E-02
<b>SLCO1A2</b>	-0.30	1.15E-01	-0.43	2.53E-02
<b>ABCC10</b>	0.17	3.81E-01	0.43	2.54E-02
<b>C5orf46</b>	-0.26	1.73E-01	-0.43	2.54E-02
<b>HVCN1</b>	0.39	4.01E-02	0.43	2.54E-02
<b>RP11-308D16.2</b>	-0.31	1.14E-01	-0.43	2.54E-02
<b>SLC4A8</b>	0.36	5.88E-02	0.43	2.54E-02
<b>PRKCB</b>	-0.29	1.35E-01	-0.43	2.55E-02
<b>CENPBD1</b>	-0.09	6.63E-01	0.43	2.55E-02
<b>KRT8P12</b>	-0.17	3.96E-01	0.43	2.55E-02
<b>NELL2</b>	-0.17	3.92E-01	0.43	2.55E-02
<b>RN7SL767P</b>	0.04	8.30E-01	0.43	2.55E-02
<b>RP1-50J22.4</b>	-0.06	7.57E-01	0.43	2.55E-02
<b>SLCO2A1</b>	-0.33	8.70E-02	0.43	2.55E-02
<b>CLIP2</b>	0.21	2.73E-01	0.43	2.56E-02
<b>G15987</b>	-0.03	8.77E-01	0.43	2.57E-02
<b>MMP19</b>	0.01	9.54E-01	0.43	2.57E-02
<b>RP11-293B20.2</b>	-0.10	6.09E-01	0.43	2.57E-02

SYNPO	0.08	6.82E-01	0.43	2.57E-02
HELT	-0.28	1.45E-01	-0.43	2.57E-02
LZTFL1	-0.32	9.59E-02	-0.43	2.57E-02
<b>CTC-487M23.5</b>	-0.18	3.65E-01	-0.43	2.59E-02
SLC12A4	-0.01	9.67E-01	0.43	2.59E-02
CASP10	0.15	4.57E-01	0.43	2.60E-02
RCHY1	0.22	2.69E-01	-0.43	2.60E-02
GPC5-AS2	-0.13	5.19E-01	-0.43	2.61E-02
LIPE	0.33	9.12E-02	0.43	2.61E-02
MRV11-AS1	-0.15	4.60E-01	-0.43	2.61E-02
NCAPD3	-0.25	1.94E-01	-0.43	2.61E-02
ELL2	0.35	6.70E-02	0.43	2.62E-02
METTL15P1	-0.19	3.34E-01	-0.43	2.62E-02
PCGF2	0.03	8.95E-01	0.43	2.62E-02
SLC18A2	-0.14	4.71E-01	-0.43	2.62E-02
CHN2	-0.40	3.47E-02	-0.43	2.63E-02
BRD8	-0.06	7.61E-01	0.43	2.63E-02
PGBD5	0.38	4.78E-02	0.43	2.63E-02
CDH17	-0.03	8.98E-01	-0.43	2.64E-02
PRKCQ-AS1	0.35	6.75E-02	0.43	2.64E-02
SH3PXD2A-AS1	0.32	9.50E-02	0.43	2.64E-02
CLDN16	-0.24	2.23E-01	-0.43	2.66E-02
MAF	-0.02	9.24E-01	0.43	2.66E-02
PSG4	0.12	5.47E-01	-0.43	2.66E-02
<b>RP11-316M21.7</b>	0.18	3.57E-01	-0.43	2.66E-02
ANGEL1	0.33	8.95E-02	0.43	2.67E-02
BTBD16	-0.26	1.89E-01	-0.43	2.67E-02
PAPL	0.40	3.72E-02	0.43	2.67E-02
POU1F1	0.03	8.61E-01	-0.43	2.68E-02
CC2D1B	0.20	3.17E-01	0.43	2.69E-02
PIK3IP1	0.11	5.69E-01	0.43	2.69E-02
DCT	-0.23	2.38E-01	-0.43	2.69E-02
<b>RP11-413H22.3</b>	-0.21	2.78E-01	-0.43	2.69E-02
ADGRG7	-0.24	2.15E-01	-0.43	2.70E-02
ASIP	0.14	4.79E-01	-0.43	2.70E-02
CYP4F8	-0.06	7.45E-01	-0.43	2.70E-02
HNRNPCP7	-0.17	3.77E-01	-0.43	2.70E-02
<b>RP11-659E9.2</b>	-0.13	4.96E-01	0.43	2.70E-02
AHCTF1	-0.03	8.91E-01	-0.42	2.72E-02
KATNAL1	-0.42	2.44E-02	-0.42	2.72E-02
RPP25L	0.20	3.14E-01	0.42	2.72E-02
CCDC102A	-0.01	9.40E-01	0.42	2.73E-02
IGKV1-5	0.28	1.48E-01	0.42	2.73E-02
RPEP3	0.13	5.05E-01	-0.42	2.73E-02
TP53I3	0.22	2.50E-01	0.42	2.73E-02
ZNF140	-0.15	4.59E-01	-0.42	2.73E-02
ATP13A4-AS1	0.14	4.77E-01	-0.42	2.74E-02



G25097	-0.31	1.13E-01	-0.42	2.74E-02
CACNB4	0.29	1.29E-01	0.42	2.74E-02
MPI	0.45	1.59E-02	0.42	2.74E-02
UBALD1	-0.23	2.33E-01	0.42	2.74E-02
CNGB1	0.09	6.57E-01	0.42	2.75E-02
FAIM2	0.18	3.50E-01	0.42	2.75E-02
RASSF10	0.25	1.97E-01	0.42	2.75E-02
RP11-490N5.3	-0.06	7.68E-01	-0.42	2.77E-02
TTC22	0.36	5.90E-02	0.42	2.77E-02
BTG1	0.24	2.16E-01	0.42	2.78E-02
NUDT10	-0.20	3.02E-01	-0.42	2.78E-02
RP11-122A21.2	0.22	2.63E-01	-0.42	2.78E-02
EHBP1L1	0.32	9.81E-02	0.42	2.79E-02
HACL1	-0.15	4.34E-01	-0.42	2.79E-02
LRFN3	0.15	4.55E-01	0.42	2.79E-02
RFX2	-0.38	4.51E-02	-0.42	2.79E-02
RNU6-1011P	-0.02	9.38E-01	-0.42	2.79E-02
RP11-11N5.1	0.03	8.98E-01	0.42	2.79E-02
RP11-557H15.3	0.32	1.01E-01	0.42	2.79E-02
SH3RF3-AS1	0.22	2.67E-01	0.42	2.79E-02
TMPRSS11D	0.28	1.44E-01	0.42	2.79E-02
PAPD5	0.04	8.59E-01	-0.42	2.80E-02
PGF	0.06	7.63E-01	0.42	2.80E-02
RBM11	-0.02	9.20E-01	-0.42	2.80E-02
SEPN1	0.33	8.78E-02	0.42	2.80E-02
TMEM133	-0.23	2.46E-01	-0.42	2.80E-02
UIMC1	0.05	8.14E-01	0.42	2.80E-02
LLNLR-285B5.1	-0.24	2.22E-01	-0.42	2.82E-02
NR1D2	-0.21	2.87E-01	-0.42	2.82E-02
RP11-22A3.2	0.18	3.55E-01	-0.42	2.82E-02
U2SURP	0.00	9.92E-01	-0.42	2.82E-02
FNIP1	-0.27	1.66E-01	-0.42	2.83E-02
RAD17P1	0.04	8.53E-01	-0.42	2.83E-02
ZIK1	-0.14	4.65E-01	-0.42	2.83E-02
ZNF799	-0.26	1.80E-01	-0.42	2.83E-02
CTD-2330K9.2	0.22	2.57E-01	0.42	2.84E-02
EDNRA	0.06	7.79E-01	0.42	2.84E-02
HARS2	0.15	4.43E-01	0.42	2.84E-02
KIRREL	0.19	3.41E-01	0.42	2.84E-02
LGI3	-0.37	5.20E-02	-0.42	2.84E-02
MIR4458HG	0.19	3.39E-01	0.42	2.84E-02
RP11-159D12.8	0.07	7.20E-01	-0.42	2.84E-02
CTA-797E19.1	-0.18	3.46E-01	0.42	2.85E-02
DUOXA1	0.16	4.08E-01	0.42	2.85E-02
KRR1	0.11	5.66E-01	-0.42	2.85E-02
AC007966.1	0.03	8.93E-01	-0.42	2.87E-02
EVI5	-0.04	8.51E-01	-0.42	2.87E-02

PTGER2	-0.03	8.81E-01	-0.42	2.87E-02
WFS1	-0.17	3.91E-01	-0.42	2.87E-02
CASD1	0.33	9.01E-02	-0.42	2.88E-02
NIT1	0.17	3.88E-01	0.42	2.88E-02
OR2A20P	0.11	5.67E-01	-0.42	2.88E-02
OSBPL8	-0.07	7.30E-01	-0.42	2.88E-02
RAB3IP	-0.05	7.85E-01	-0.42	2.88E-02
ULK4P2	-0.24	2.14E-01	-0.42	2.88E-02
XLOC_007686	0.20	3.08E-01	0.42	2.88E-02
G5173	0.03	8.82E-01	0.42	2.89E-02
PACS1	0.19	3.24E-01	0.42	2.89E-02
PARP9	0.33	8.62E-02	0.42	2.89E-02
RP11-829H16.3	0.04	8.25E-01	-0.42	2.89E-02
C6orf223	0.20	2.99E-01	0.42	2.91E-02
TYMP	0.31	1.13E-01	0.42	2.91E-02
RP11-408H1.3	0.14	4.79E-01	0.42	2.92E-02
SYT8	-0.34	7.87E-02	-0.42	2.92E-02
C15orf59-AS1	-0.32	1.00E-01	-0.42	2.93E-02
GALNT10	0.32	9.47E-02	0.42	2.93E-02
IL13RA2	-0.15	4.50E-01	0.42	2.93E-02
TTC4	0.16	4.29E-01	0.42	2.93E-02
VWF	0.34	7.32E-02	0.42	2.93E-02
PEX1	-0.26	1.90E-01	-0.42	2.94E-02
SCD5	-0.19	3.44E-01	-0.42	2.94E-02
ABCG1	0.35	6.75E-02	0.42	2.94E-02
MEFV	0.32	1.02E-01	0.42	2.94E-02
RP11-1277A3.3	0.16	4.19E-01	0.42	2.94E-02
TRIP10	0.02	9.16E-01	0.42	2.94E-02
PROB1	0.20	2.96E-01	0.42	2.96E-02
ZNF662	0.24	2.14E-01	0.42	2.96E-02
CDAN1	-0.02	9.20E-01	0.42	2.97E-02
FZD10	-0.05	8.03E-01	0.42	2.97E-02
G32779	0.19	3.21E-01	0.42	2.97E-02
NFATC2IP	0.05	7.98E-01	0.42	2.97E-02
RP11-383I23.2	-0.23	2.33E-01	0.42	2.97E-02
XLOC_002973	-0.28	1.53E-01	-0.42	2.97E-02
ADAT1	0.20	3.17E-01	0.42	2.98E-02
DOCK7	0.07	7.14E-01	-0.42	2.98E-02
ALDH3B1	0.11	5.74E-01	0.42	3.00E-02
AZI2	0.26	1.76E-01	0.42	3.00E-02
ELMO2	0.10	5.95E-01	0.42	3.00E-02
OTOP2	-0.10	6.09E-01	-0.42	3.00E-02
SHROOM1	0.14	4.66E-01	0.42	3.00E-02
snoU109	-0.12	5.32E-01	-0.42	3.00E-02
ACAD11	-0.60	6.66E-04	-0.42	3.01E-02
CTD-2192J16.20	0.15	4.33E-01	0.42	3.01E-02
GBA2	0.31	1.14E-01	0.42	3.01E-02

<b>KHNYN</b>	0.13	5.00E-01	0.42	3.01E-02
<b>MAGOH2P</b>	-0.05	8.03E-01	-0.42	3.01E-02
<b>RASAL3</b>	0.30	1.22E-01	0.42	3.01E-02
<b>RP11-187A9.3</b>	0.20	2.99E-01	0.42	3.01E-02
<b>SRP14-AS1</b>	-0.16	4.12E-01	0.42	3.01E-02
<b>TUBE1</b>	-0.31	1.08E-01	-0.42	3.01E-02
<b>CLCN7</b>	0.19	3.28E-01	0.42	3.02E-02
<b>GAL</b>	-0.08	6.99E-01	-0.42	3.02E-02
<b>RP11-379F4.7</b>	-0.19	3.23E-01	-0.42	3.02E-02
<b>SRC</b>	0.35	6.52E-02	0.42	3.02E-02
<b>STEAP2-AS1</b>	0.13	5.01E-01	-0.42	3.02E-02
<b>WNT9B</b>	0.19	3.21E-01	0.42	3.02E-02
<b>C2orf49</b>	-0.26	1.84E-01	-0.42	3.04E-02
<b>CNTNAP2</b>	0.42	2.63E-02	0.42	3.04E-02
<b>DTX4</b>	-0.11	5.63E-01	-0.42	3.04E-02
<b>HMGB3P8</b>	0.01	9.57E-01	-0.42	3.04E-02
<b>UNC13A</b>	0.11	5.82E-01	0.42	3.04E-02
<b>AC093388.3</b>	-0.06	7.63E-01	-0.42	3.05E-02
<b>AC097523.1</b>	0.04	8.24E-01	0.42	3.05E-02
<b>2-Mar</b>	-0.33	8.70E-02	-0.42	3.05E-02
<b>PARP8</b>	0.23	2.33E-01	0.42	3.05E-02
<b>RP3-475N16.1</b>	0.03	8.95E-01	-0.42	3.05E-02
<b>SNORA73B</b>	0.13	5.24E-01	0.42	3.05E-02
<b>SREBF1</b>	0.30	1.17E-01	0.42	3.05E-02
<b>IDNK</b>	-0.09	6.35E-01	0.42	3.06E-02
<b>LRRC20</b>	0.14	4.68E-01	0.42	3.06E-02
<b>B9D1</b>	-0.19	3.24E-01	-0.42	3.08E-02
<b>FBXO45</b>	0.34	7.56E-02	0.42	3.08E-02
<b>NARSP2</b>	-0.04	8.57E-01	-0.42	3.08E-02
<b>KRT77</b>	-0.26	1.81E-01	-0.42	3.09E-02
<b>MAP4K5</b>	0.11	5.68E-01	-0.42	3.09E-02
<b>SNORA74</b>	-0.09	6.63E-01	0.42	3.09E-02
<b>USP18</b>	0.35	7.12E-02	0.42	3.09E-02
<b>C9orf85</b>	0.12	5.37E-01	0.42	3.10E-02
<b>LINC01123</b>	0.25	2.02E-01	0.42	3.10E-02
<b>MICD</b>	0.18	3.46E-01	0.42	3.10E-02
<b>RNF149</b>	0.51	6.05E-03	0.42	3.10E-02
<b>SPRY4</b>	0.39	4.26E-02	0.42	3.10E-02
<b>CEP72</b>	-0.12	5.38E-01	-0.42	3.10E-02
<b>ABHD14A</b>	-0.06	7.48E-01	0.42	3.12E-02
<b>C10orf107</b>	-0.12	5.55E-01	0.42	3.12E-02
<b>EPHA5</b>	-0.43	2.33E-02	-0.42	3.12E-02
<b>NMNAT1</b>	0.07	7.28E-01	0.42	3.12E-02
<b>PLA2G2F</b>	0.44	1.86E-02	0.42	3.12E-02
<b>RNU7-70P</b>	0.23	2.47E-01	-0.42	3.12E-02
<b>RP11-927P21.1</b>	-0.19	3.26E-01	-0.42	3.12E-02
<b>RP3-413H6.2</b>	-0.08	6.95E-01	-0.42	3.12E-02

<b>TNFRSF10B</b>	0.21	2.83E-01	0.42	3.12E-02
<b>CTC-232P5.3</b>	-0.29	1.38E-01	-0.42	3.13E-02
<b>MKLN1</b>	-0.10	6.25E-01	-0.42	3.13E-02
<b>NUPR1L</b>	0.02	9.00E-01	-0.42	3.13E-02
<b>PLA2G4D</b>	0.42	2.51E-02	0.42	3.13E-02
<b>SLC35F1</b>	0.08	7.02E-01	-0.42	3.13E-02
<b>ANGPTL6</b>	-0.28	1.51E-01	0.41	3.15E-02
<b>CCDC64B</b>	0.16	4.05E-01	0.41	3.15E-02
<b>DYSF</b>	-0.07	7.37E-01	0.41	3.15E-02
<b>G34070</b>	-0.21	2.93E-01	-0.41	3.15E-02
<b>KRT34</b>	0.02	9.00E-01	0.41	3.15E-02
<b>MRPS6P2</b>	0.05	8.10E-01	-0.41	3.15E-02
<b>NLGN4Y</b>	0.25	1.93E-01	0.41	3.15E-02
<b>ST20</b>	-0.03	8.74E-01	-0.41	3.15E-02
<b>ZNF876P</b>	-0.25	2.08E-01	-0.41	3.15E-02
<b>ARAP3</b>	0.03	8.78E-01	0.41	3.16E-02
<b>B3GNT4</b>	-0.03	8.85E-01	0.41	3.16E-02
<b>BARX2</b>	0.13	5.09E-01	-0.41	3.16E-02
<b>COL12A1</b>	-0.05	8.09E-01	0.41	3.16E-02
<b>MGC32805</b>	-0.04	8.30E-01	0.41	3.16E-02
<b>RP11-513M16.8</b>	-0.38	4.66E-02	-0.41	3.16E-02
<b>TCAM1P</b>	-0.15	4.51E-01	-0.41	3.16E-02
<b>AC006262.11</b>	0.01	9.64E-01	-0.41	3.17E-02
<b>MIR103A1</b>	-0.17	3.78E-01	-0.41	3.17E-02
<b>RP11-747H12.3</b>	0.28	1.52E-01	-0.41	3.17E-02
<b>ZBTB40-IT1</b>	-0.09	6.51E-01	-0.41	3.17E-02
<b>ABCA1</b>	0.15	4.39E-01	0.41	3.17E-02
<b>G43605</b>	0.33	8.29E-02	0.41	3.17E-02
<b>DDI1</b>	-0.09	6.34E-01	-0.41	3.19E-02
<b>RP11-111J6.2</b>	-0.01	9.74E-01	-0.41	3.19E-02
<b>SLC24A3</b>	0.37	5.03E-02	0.41	3.19E-02
<b>G34162</b>	0.22	2.62E-01	0.41	3.20E-02
<b>KIAA0922</b>	-0.17	3.73E-01	0.41	3.20E-02
<b>RNA5SP282</b>	0.07	7.20E-01	0.41	3.20E-02
<b>TMEM120A</b>	-0.06	7.67E-01	0.41	3.20E-02
<b>AC090587.5</b>	0.10	6.07E-01	-0.41	3.21E-02
<b>CFAP61</b>	-0.01	9.79E-01	0.41	3.21E-02
<b>HCP5</b>	0.14	4.73E-01	0.41	3.21E-02
<b>PITPNA</b>	0.36	6.24E-02	0.41	3.21E-02
<b>RP11-1029M24.4</b>	-0.25	2.08E-01	0.41	3.21E-02
<b>RP11-456H18.2</b>	-0.29	1.38E-01	-0.41	3.21E-02
<b>RP11-5809.2</b>	0.03	8.83E-01	-0.41	3.21E-02
<b>RSPH3</b>	0.13	4.96E-01	0.41	3.21E-02
<b>TMEM204</b>	-0.16	4.04E-01	0.41	3.21E-02
<b>USP9Y</b>	0.30	1.25E-01	0.41	3.21E-02
<b>FAM134B</b>	-0.27	1.69E-01	-0.41	3.23E-02
<b>MAPK14</b>	0.32	9.87E-02	0.41	3.23E-02

<b>RP11-1094M14.11</b>	-0.06	7.79E-01	-0.41	3.23E-02
<b>RP11-350F16.1</b>	-0.13	5.16E-01	-0.41	3.23E-02
<b>RP11-476B13.2</b>	-0.44	1.94E-02	-0.41	3.23E-02
<b>THEGL</b>	-0.11	5.65E-01	-0.41	3.23E-02
<b>ZMYM4-AS1</b>	-0.21	2.83E-01	-0.41	3.23E-02
<b>MMP16</b>	-0.11	5.63E-01	-0.41	3.24E-02
<b>MPP4</b>	-0.21	2.78E-01	-0.41	3.24E-02
<b>SLC2A5</b>	0.25	1.93E-01	0.41	3.24E-02
<b>SYP</b>	-0.33	8.40E-02	-0.41	3.24E-02
<b>TMEM222</b>	0.40	3.70E-02	0.41	3.24E-02
<b>TRMT1L</b>	0.07	7.36E-01	0.41	3.24E-02
<b>ATP13A2</b>	0.31	1.11E-01	0.41	3.26E-02
<b>GS1-39E22.2</b>	-0.12	5.38E-01	-0.41	3.26E-02
<b>LINC00639</b>	-0.22	2.65E-01	0.41	3.26E-02
<b>TAPBP</b>	0.35	6.75E-02	0.41	3.26E-02
<b>ULK3</b>	0.09	6.45E-01	0.41	3.26E-02
<b>ADCK4</b>	0.13	5.18E-01	0.41	3.27E-02
<b>ARL17A</b>	0.13	4.95E-01	-0.41	3.27E-02
<b>CLEC12B</b>	-0.41	3.19E-02	-0.41	3.27E-02
<b>NIT2</b>	-0.04	8.56E-01	-0.41	3.27E-02
<b>CEACAM8</b>	-0.02	9.34E-01	-0.41	3.29E-02
<b>JAG2</b>	0.11	5.91E-01	0.41	3.29E-02
<b>KIF3A</b>	0.04	8.40E-01	-0.41	3.29E-02
<b>PPP2R2C</b>	0.44	2.05E-02	0.41	3.30E-02
<b>LLNLR-276H7.1</b>	-0.44	1.89E-02	-0.41	3.30E-02
<b>PHACTR3</b>	-0.15	4.56E-01	-0.41	3.30E-02
<b>PIK3CA</b>	0.06	7.53E-01	-0.41	3.30E-02
<b>PTPRK</b>	0.14	4.80E-01	-0.41	3.30E-02
<b>RP11-1029J19.5</b>	-0.04	8.31E-01	-0.41	3.30E-02
<b>XLOC_014122</b>	-0.02	9.15E-01	-0.41	3.30E-02
<b>AF212831.2</b>	-0.20	3.05E-01	-0.41	3.31E-02
<b>CDC14B</b>	-0.02	9.01E-01	0.41	3.31E-02
<b>FER</b>	-0.17	3.90E-01	-0.41	3.31E-02
<b>RP11-539L10.2</b>	-0.17	3.95E-01	0.41	3.31E-02
<b>APOBEC3D</b>	0.32	9.90E-02	0.41	3.33E-02
<b>GALNT18</b>	0.40	3.52E-02	0.41	3.33E-02
<b>HTRA3</b>	-0.03	8.65E-01	0.41	3.33E-02
<b>PGS1</b>	-0.13	5.01E-01	0.41	3.33E-02
<b>RP11-467L13.4</b>	-0.04	8.57E-01	0.41	3.33E-02
<b>ZSCAN29</b>	0.13	5.11E-01	0.41	3.33E-02
<b>NPY1R</b>	-0.28	1.47E-01	-0.41	3.33E-02
<b>PLGLB2</b>	-0.17	3.90E-01	-0.41	3.33E-02
<b>SLC8A1</b>	-0.29	1.31E-01	-0.41	3.33E-02
<b>SMURF2</b>	-0.10	6.07E-01	-0.41	3.33E-02
<b>ZFX-AS1</b>	-0.39	4.03E-02	-0.41	3.33E-02
<b>CNOT3</b>	-0.13	5.16E-01	0.41	3.34E-02
<b>HACD4</b>	-0.19	3.29E-01	-0.41	3.34E-02

<b>PTENP1</b>	0.07	7.26E-01	0.41	3.34E-02
<b>RNF128</b>	-0.35	7.03E-02	-0.41	3.34E-02
<b>RP11-347C18.3</b>	0.02	9.39E-01	-0.41	3.34E-02
<b>EML5</b>	-0.36	6.35E-02	-0.41	3.36E-02
<b>G12287</b>	0.18	3.53E-01	-0.41	3.36E-02
<b>LRRFIP2</b>	-0.17	3.83E-01	-0.41	3.36E-02
<b>RP11-644C3.1</b>	0.01	9.61E-01	-0.41	3.36E-02
<b>SGK3</b>	-0.26	1.90E-01	-0.41	3.36E-02
<b>CAB39L</b>	-0.25	2.06E-01	-0.41	3.37E-02
<b>GMIP</b>	-0.03	8.74E-01	0.41	3.37E-02
<b>HGD</b>	0.13	5.02E-01	-0.41	3.37E-02
<b>HMOX1</b>	0.18	3.46E-01	0.41	3.37E-02
<b>LRRC73</b>	0.19	3.46E-01	-0.41	3.37E-02
<b>PCDHGA6</b>	-0.21	2.83E-01	-0.41	3.37E-02
<b>PCSK9</b>	0.24	2.22E-01	0.41	3.37E-02
<b>RP11-337C18.8</b>	0.25	1.92E-01	-0.41	3.37E-02
<b>DHRS1</b>	0.20	2.96E-01	0.41	3.39E-02
<b>MTND5P32</b>	-0.35	6.52E-02	-0.41	3.39E-02
<b>PCDHA11</b>	-0.14	4.72E-01	0.41	3.39E-02
<b>RP11-286N22.16</b>	-0.10	6.07E-01	-0.41	3.39E-02
<b>GSK3B</b>	-0.17	3.97E-01	-0.41	3.40E-02
<b>RAB29</b>	0.37	5.38E-02	0.41	3.40E-02
<b>RP11-216M21.1</b>	0.05	7.98E-01	-0.41	3.40E-02
<b>TIGD1</b>	-0.15	4.58E-01	-0.41	3.40E-02
<b>ZNF720</b>	-0.20	3.08E-01	-0.41	3.40E-02
<b>FLJ20021</b>	0.34	7.46E-02	0.41	3.42E-02
<b>MTRNR2L12</b>	0.23	2.36E-01	-0.41	3.42E-02
<b>SEMA6B</b>	0.07	7.13E-01	0.41	3.42E-02
<b>AC005062.2</b>	-0.41	3.09E-02	-0.41	3.43E-02
<b>GSDMD</b>	-0.01	9.75E-01	0.41	3.43E-02
<b>NEDD9</b>	-0.15	4.46E-01	-0.41	3.43E-02
<b>NHLH2</b>	-0.13	5.16E-01	-0.41	3.43E-02
<b>NIFK-AS1</b>	0.14	4.67E-01	0.41	3.43E-02
<b>PAX8-AS1</b>	0.11	5.92E-01	-0.41	3.43E-02
<b>RP11-467P9.1</b>	-0.22	2.61E-01	-0.41	3.43E-02
<b>SHISA4</b>	-0.04	8.50E-01	-0.41	3.43E-02
<b>VDAC1P11</b>	-0.01	9.60E-01	-0.41	3.43E-02
<b>UBE2Q1-AS1</b>	-0.25	2.05E-01	-0.41	3.45E-02
<b>ZNF649</b>	0.04	8.36E-01	-0.41	3.45E-02
<b>AC005229.1</b>	-0.02	9.32E-01	0.41	3.46E-02
<b>APOL6</b>	0.30	1.16E-01	0.41	3.46E-02
<b>ARFRP1</b>	0.30	1.16E-01	0.41	3.46E-02
<b>ATP8B5P</b>	-0.07	7.21E-01	0.41	3.46E-02
<b>CTD-2227C6.2</b>	-0.14	4.63E-01	-0.41	3.46E-02
<b>FAM107B</b>	-0.33	8.48E-02	-0.41	3.46E-02
<b>FBXO9</b>	0.40	3.51E-02	0.41	3.46E-02
<b>NEXN-AS1</b>	-0.31	1.06E-01	0.41	3.46E-02

QSOX1	0.33	8.59E-02	0.41	3.46E-02
THRSP	0.00	9.98E-01	-0.41	3.46E-02
FAM134C	0.21	2.78E-01	0.41	3.47E-02
FBXO6	0.34	7.27E-02	0.41	3.47E-02
G2582	-0.04	8.29E-01	-0.41	3.47E-02
TXK	-0.18	3.63E-01	-0.41	3.47E-02
GLRB	-0.28	1.42E-01	-0.41	3.49E-02
MYO3A	-0.35	6.50E-02	-0.41	3.49E-02
RP11-218F10.3	-0.16	4.24E-01	-0.41	3.49E-02
UBE3A	-0.03	8.81E-01	-0.41	3.49E-02
ADAD2	-0.18	3.57E-01	-0.41	3.50E-02
PMS2CL	-0.14	4.72E-01	-0.41	3.50E-02
RP11-517B11.7	0.10	6.31E-01	-0.41	3.50E-02
SNCG	-0.33	8.29E-02	-0.41	3.50E-02
FAM160B2	0.13	5.19E-01	0.41	3.50E-02
RP11-150O12.2	0.12	5.29E-01	0.41	3.50E-02
G25046	-0.04	8.31E-01	-0.41	3.52E-02
G35258	-0.13	5.01E-01	-0.41	3.52E-02
RP11-15N24.4	-0.03	8.71E-01	-0.41	3.52E-02
DISP2	0.16	4.14E-01	0.41	3.52E-02
RAC2	0.40	3.56E-02	0.41	3.52E-02
RP11-285E9.6	-0.23	2.39E-01	0.41	3.52E-02
ZFY	0.29	1.34E-01	0.41	3.52E-02
ITPKA	-0.17	3.91E-01	-0.41	3.54E-02
RP11-77E14.2	0.01	9.66E-01	-0.41	3.54E-02
CHST8	-0.02	9.23E-01	-0.41	3.55E-02
GPR179	-0.14	4.74E-01	-0.41	3.55E-02
GTPBP2	0.21	2.81E-01	0.41	3.55E-02
RANP3	-0.10	6.15E-01	-0.41	3.55E-02
RP11-879F14.2	0.07	7.19E-01	0.41	3.55E-02
IYD	-0.01	9.64E-01	-0.41	3.57E-02
OAS1	0.30	1.17E-01	0.41	3.57E-02
OGFR	0.38	4.85E-02	0.41	3.57E-02
RGS6	-0.24	2.11E-01	-0.41	3.57E-02
WDR17	-0.24	2.10E-01	-0.41	3.57E-02
EOGT	0.37	5.29E-02	0.41	3.58E-02
KDM5C-IT1	-0.02	9.22E-01	-0.41	3.58E-02
MYO1G	0.31	1.12E-01	0.41	3.58E-02
RP11-70F11.7	0.03	8.86E-01	0.41	3.58E-02
ALS2	-0.18	3.58E-01	-0.41	3.60E-02
CACNA1B	-0.17	3.95E-01	-0.41	3.60E-02
IL12A-AS1	-0.09	6.52E-01	-0.41	3.60E-02
RP11-478C6.6	-0.19	3.29E-01	-0.41	3.60E-02
RPS10P3	-0.12	5.58E-01	0.41	3.60E-02
SERPINA12	-0.18	3.61E-01	-0.41	3.60E-02
THOC6	0.24	2.21E-01	0.41	3.60E-02
TIA1	0.01	9.75E-01	-0.41	3.60E-02

CTSLP1	-0.08	6.94E-01	-0.41	3.61E-02
DYNC1I1	-0.17	3.79E-01	-0.41	3.61E-02
RP11-368L12.1	-0.09	6.38E-01	-0.41	3.61E-02
TTC12	-0.10	6.15E-01	-0.41	3.61E-02
AC010243.1	0.06	7.66E-01	-0.40	3.63E-02
AC079804.1	-0.03	8.74E-01	-0.40	3.63E-02
AC094019.4	0.07	7.07E-01	-0.40	3.63E-02
BEX4	-0.26	1.86E-01	-0.40	3.63E-02
BFSP2	0.20	3.15E-01	0.40	3.63E-02
CNKS1	-0.03	8.97E-01	0.40	3.63E-02
POLR3F	-0.06	7.69E-01	-0.40	3.63E-02
TAB1	0.30	1.25E-01	0.40	3.63E-02
TRIM25	0.22	2.53E-01	0.40	3.63E-02
USP40	0.09	6.35E-01	0.40	3.63E-02
CREB1	-0.11	5.76E-01	-0.40	3.64E-02
FABP7	0.05	8.09E-01	-0.40	3.64E-02
SNORD116-24	0.19	3.26E-01	-0.40	3.64E-02
ATG2A	0.35	6.70E-02	0.40	3.64E-02
CKMT2-AS1	0.13	5.06E-01	0.40	3.64E-02
CYP27C1	0.35	6.39E-02	0.40	3.64E-02
NSUN4	0.20	3.17E-01	0.40	3.64E-02
ZNF346	0.39	3.79E-02	0.40	3.64E-02
APOBR	-0.14	4.86E-01	0.40	3.66E-02
HCAR3	0.03	8.83E-01	0.40	3.66E-02
HRH2	0.20	3.02E-01	0.40	3.66E-02
AC093901.1	-0.07	7.31E-01	-0.40	3.66E-02
C16orf52	0.00	9.91E-01	-0.40	3.66E-02
RP13-554M15.5	-0.34	7.72E-02	-0.40	3.66E-02
TIPARP-AS1	-0.31	1.13E-01	-0.40	3.66E-02
TRIT1	-0.18	3.60E-01	-0.40	3.66E-02
ZCCHC14	-0.12	5.44E-01	-0.40	3.66E-02
AC090587.4	0.13	5.13E-01	0.40	3.67E-02
ARRDC1	0.25	2.03E-01	0.40	3.67E-02
ASPN	-0.13	5.06E-01	0.40	3.67E-02
EPHB3	0.20	2.98E-01	0.40	3.67E-02
NAA16	-0.22	2.64E-01	-0.40	3.67E-02
SPATA24	0.14	4.89E-01	0.40	3.67E-02
AC004112.4	0.05	8.16E-01	-0.40	3.69E-02
BNIP3P26	0.01	9.72E-01	-0.40	3.69E-02
EIF4A1P2	0.05	7.96E-01	0.40	3.69E-02
HSD11B1L	0.10	5.97E-01	0.40	3.69E-02
KB-1507C5.3	-0.19	3.33E-01	-0.40	3.69E-02
RP11-394B2.6	0.23	2.31E-01	0.40	3.69E-02
RSPH1	-0.29	1.34E-01	-0.40	3.69E-02
ACIN1	-0.17	3.86E-01	0.40	3.70E-02
ACP2	-0.03	8.67E-01	0.40	3.70E-02
GBAP1	0.33	8.59E-02	0.40	3.70E-02



LRRC61	0.24	2.14E-01	0.40	3.70E-02
PAICSP1	-0.11	5.62E-01	-0.40	3.70E-02
PLEKHJ1	0.25	1.97E-01	0.40	3.70E-02
RNU6-1176P	-0.35	6.66E-02	-0.40	3.70E-02
RP11-475I24.3	-0.45	1.67E-02	-0.40	3.70E-02
RPRML	0.17	3.90E-01	-0.40	3.70E-02
TRIM15	0.29	1.31E-01	0.40	3.70E-02
ZNF561	0.08	6.68E-01	0.40	3.70E-02
AGAP2	0.42	2.67E-02	0.40	3.72E-02
G43247	0.19	3.45E-01	0.40	3.72E-02
RP11-321C24.4	0.11	5.84E-01	0.40	3.72E-02
ZSWIM6	0.27	1.60E-01	0.40	3.72E-02
OR10A3	-0.06	7.58E-01	-0.40	3.74E-02
PPIAP28	-0.01	9.53E-01	0.40	3.74E-02
SMC1B	-0.12	5.37E-01	-0.40	3.74E-02
ZFP90	0.14	4.90E-01	0.40	3.74E-02
CLDN8	-0.12	5.34E-01	-0.40	3.75E-02
RP11-843P14.2	-0.34	7.44E-02	-0.40	3.75E-02
ITGB5	-0.03	8.75E-01	0.40	3.75E-02
G34082	-0.06	7.72E-01	0.40	3.77E-02
STK32C	0.13	5.15E-01	0.40	3.77E-02
G15649	-0.09	6.35E-01	-0.40	3.77E-02
JPX	-0.24	2.23E-01	-0.40	3.77E-02
ROS1	-0.11	5.64E-01	-0.40	3.77E-02
AC009403.2	0.04	8.49E-01	0.40	3.78E-02
AP5S1	0.41	2.89E-02	0.40	3.78E-02
CD8BP	-0.12	5.38E-01	0.40	3.78E-02
FAM172A	0.01	9.48E-01	-0.40	3.78E-02
FGFBP3	0.02	9.01E-01	-0.40	3.78E-02
LRRC37A9P	0.08	6.94E-01	-0.40	3.78E-02
RP11-80I15.1	-0.14	4.75E-01	-0.40	3.78E-02
SOCS1	0.15	4.60E-01	0.40	3.78E-02
TEAD3	0.07	7.13E-01	0.40	3.78E-02
TMEM161B	0.08	6.72E-01	-0.40	3.78E-02
IFI27	0.19	3.28E-01	0.40	3.80E-02
IGSF21	0.02	9.00E-01	0.40	3.80E-02
NAA25	0.12	5.58E-01	-0.40	3.80E-02
OFD1	-0.28	1.53E-01	-0.40	3.80E-02
PARP4P1	-0.29	1.41E-01	0.40	3.80E-02
PIK3CD	0.02	9.00E-01	0.40	3.80E-02
STRC	0.00	9.99E-01	-0.40	3.80E-02
RIF1	-0.08	6.99E-01	-0.40	3.82E-02
ADGRL1	0.33	8.34E-02	0.40	3.82E-02
CD70	-0.04	8.30E-01	0.40	3.82E-02
GPR153	0.26	1.85E-01	0.40	3.82E-02
HRH3	-0.01	9.71E-01	0.40	3.82E-02
LINC01358	-0.01	9.43E-01	0.40	3.82E-02

POM121L9P	0.08	6.95E-01	0.40	3.82E-02
RNF168	0.41	2.99E-02	0.40	3.82E-02
RP11-421N8.1	0.23	2.41E-01	0.40	3.82E-02
RP13-516M14.1	0.03	8.62E-01	0.40	3.82E-02
TRIM10	0.22	2.57E-01	0.40	3.82E-02
FAM189B	0.02	9.18E-01	0.40	3.83E-02
RP13-128O4.3	0.32	9.84E-02	0.40	3.83E-02
COL24A1	-0.22	2.53E-01	-0.40	3.83E-02
FAM153C	-0.19	3.32E-01	-0.40	3.83E-02
SSBP2	-0.20	2.97E-01	-0.40	3.83E-02
GAB1	0.13	5.06E-01	0.40	3.85E-02
GAPDHS	0.14	4.64E-01	-0.40	3.85E-02
PPM1A	-0.03	8.97E-01	-0.40	3.85E-02
RPL21P54	0.01	9.76E-01	-0.40	3.85E-02
TMPRSS11E	-0.14	4.79E-01	-0.40	3.85E-02
RP11-321A17.4	-0.11	5.77E-01	-0.40	3.86E-02
CMAHP	-0.48	9.51E-03	-0.40	3.88E-02
DCAKD	-0.07	7.22E-01	0.40	3.88E-02
G38513	0.11	5.76E-01	-0.40	3.88E-02
RP11-211N8.2	-0.04	8.30E-01	-0.40	3.88E-02
ZNF384	0.16	4.30E-01	0.40	3.88E-02
CNTFR	-0.07	7.12E-01	-0.40	3.90E-02
PBRM1	0.08	7.02E-01	-0.40	3.90E-02
PMS2P1	0.06	7.61E-01	-0.40	3.90E-02
THUMPD2	0.09	6.64E-01	-0.40	3.90E-02
RN7SL730P	0.17	3.89E-01	0.40	3.90E-02
G25761	0.19	3.27E-01	-0.40	3.91E-02
RASSF8	-0.35	6.98E-02	-0.40	3.91E-02
RP11-16B9.1	-0.06	7.46E-01	-0.40	3.91E-02
RP11-290F24.6	-0.33	8.95E-02	-0.40	3.91E-02
RP11-303E16.9	-0.11	5.93E-01	-0.40	3.91E-02
RP11-380L11.4	0.07	7.28E-01	-0.40	3.91E-02
RP11-89H19.2	0.36	5.90E-02	-0.40	3.91E-02
TENM1	-0.55	2.58E-03	-0.40	3.91E-02
ZNF334	0.12	5.31E-01	-0.40	3.91E-02
ZNF790-AS1	-0.05	7.85E-01	-0.40	3.91E-02
LINC01232	0.07	7.28E-01	0.40	3.91E-02
PDLIM7	0.21	2.78E-01	0.40	3.91E-02
RP4-671O14.7	0.05	7.92E-01	0.40	3.91E-02
ST13P19	-0.20	3.08E-01	0.40	3.91E-02
AC092756.1	0.19	3.37E-01	-0.40	3.93E-02
CHST7	0.30	1.21E-01	0.40	3.93E-02
DHX58	0.36	6.07E-02	0.40	3.93E-02
G3707	-0.16	4.25E-01	-0.40	3.93E-02
HIC2	-0.11	5.75E-01	-0.40	3.93E-02
ITGAM	-0.07	7.14E-01	0.40	3.93E-02
TNMD	-0.07	7.39E-01	-0.40	3.93E-02

WLS	-0.09	6.35E-01	-0.40	3.93E-02
XYLT2	0.24	2.28E-01	0.40	3.93E-02
EPO	-0.06	7.64E-01	-0.40	3.95E-02
SUGCT	-0.11	5.67E-01	0.40	3.95E-02
TBX6	-0.19	3.41E-01	0.40	3.95E-02
ALDH3B2	0.10	6.10E-01	0.40	3.96E-02
EGF	-0.15	4.54E-01	-0.40	3.96E-02
FRAS1	-0.01	9.45E-01	-0.40	3.96E-02
KB-1208A12.3	0.00	9.90E-01	-0.40	3.96E-02
LINC00648	-0.04	8.27E-01	-0.40	3.96E-02
PPP1R26	0.08	7.04E-01	0.40	3.96E-02
SMLR1	0.12	5.43E-01	-0.40	3.96E-02
TPPP	-0.54	2.87E-03	-0.40	3.96E-02
KCNJ15	0.43	2.11E-02	0.40	3.98E-02
HMGB3P10	-0.34	7.87E-02	-0.40	3.98E-02
RP11-27K13.3	0.13	5.24E-01	-0.40	3.98E-02
DTX2	0.13	4.99E-01	0.40	4.00E-02
G36605	-0.11	5.90E-01	0.40	4.00E-02
IFITM1	0.15	4.43E-01	0.40	4.01E-02
RP11-650P15.1	0.30	1.16E-01	-0.40	4.01E-02
TREX2	0.29	1.40E-01	0.40	4.01E-02
TTY14	0.29	1.37E-01	0.40	4.01E-02
ZP1	-0.01	9.60E-01	-0.40	4.01E-02
FMR1-IT1	-0.10	6.22E-01	0.40	4.03E-02
GMFG	0.24	2.11E-01	0.40	4.03E-02
RNU5E-4P	-0.11	5.82E-01	0.40	4.03E-02
CDADC1	-0.30	1.17E-01	-0.40	4.05E-02
G33410	-0.07	7.25E-01	-0.40	4.05E-02
HES4	-0.14	4.83E-01	-0.40	4.05E-02
ID1	0.47	1.08E-02	0.40	4.05E-02
IP6K3	-0.26	1.88E-01	0.40	4.05E-02
LPL	-0.02	9.23E-01	-0.40	4.05E-02
OGDHL	0.03	8.64E-01	0.40	4.05E-02
PRDM5	0.13	5.20E-01	-0.40	4.05E-02
PWWP2A	-0.13	5.15E-01	0.40	4.05E-02
RNA5SP395	0.27	1.65E-01	0.40	4.05E-02
SLC35A3	-0.04	8.30E-01	-0.40	4.05E-02
ANKRD39	0.02	9.22E-01	0.40	4.06E-02
CCDC173	-0.31	1.03E-01	-0.40	4.06E-02
EFCC1	0.02	9.09E-01	0.40	4.06E-02
F3	-0.02	9.02E-01	-0.40	4.06E-02
RP11-1078H9.2	-0.10	6.26E-01	0.40	4.06E-02
RP11-159L20.2	0.10	5.98E-01	-0.40	4.06E-02
UG0898H09	-0.37	5.27E-02	-0.40	4.06E-02
ALG1L8P	-0.26	1.77E-01	-0.40	4.08E-02
AP000695.4	0.06	7.57E-01	0.40	4.08E-02
CIB1	0.11	5.65E-01	0.40	4.08E-02

NFE2	0.00	9.92E-01	0.40	4.08E-02
OR7E130P	-0.07	7.42E-01	-0.40	4.08E-02
RP11-20E24.1	0.32	9.33E-02	0.40	4.08E-02
RP11-292F22.7	0.00	9.91E-01	-0.40	4.08E-02
RP11-2K6.1	-0.10	6.30E-01	-0.40	4.08E-02
SNORA35	-0.11	5.88E-01	0.40	4.08E-02
XLOC_005515	-0.07	7.33E-01	-0.40	4.08E-02
C2	-0.12	5.48E-01	0.40	4.10E-02
MIR210	-0.31	1.04E-01	0.40	4.10E-02
CMTM4	-0.31	1.12E-01	-0.40	4.10E-02
GS1-279B7.1	-0.13	5.20E-01	-0.40	4.10E-02
GSTA3	-0.07	7.13E-01	-0.40	4.10E-02
MPC1	0.08	6.84E-01	-0.40	4.10E-02
bac-BPGBPG55C2	-0.36	5.90E-02	-0.40	4.10E-02
ANKRD31	0.24	2.22E-01	0.40	4.11E-02
ASNSP5	0.03	8.79E-01	-0.40	4.11E-02
CPXM1	-0.12	5.34E-01	0.40	4.11E-02
KCTD4	0.37	5.40E-02	0.40	4.11E-02
MFHAS1	0.41	2.84E-02	0.40	4.11E-02
RP11-395G23.3	-0.05	8.19E-01	0.40	4.11E-02
SLC26A3	-0.26	1.77E-01	-0.40	4.11E-02
DGAT2L6	-0.08	6.81E-01	-0.40	4.13E-02
LEKR1	-0.18	3.66E-01	-0.40	4.13E-02
MITF	-0.51	5.21E-03	-0.40	4.13E-02
SLC47A1	0.07	7.30E-01	-0.40	4.13E-02
TGM4	-0.19	3.37E-01	-0.40	4.13E-02
FBXO4	0.24	2.18E-01	0.40	4.13E-02
IFNGR1	0.34	7.97E-02	0.40	4.13E-02
LA16c-360H6.1	0.25	2.01E-01	0.40	4.13E-02
XLOC_012115	-0.26	1.77E-01	0.40	4.13E-02
G16040	0.08	6.80E-01	-0.39	4.15E-02
IL21R	0.11	5.84E-01	0.39	4.15E-02
XLOC_007992	-0.40	3.60E-02	-0.39	4.15E-02
ZDHC9	-0.20	3.11E-01	-0.39	4.15E-02
ASB9P1	0.00	9.83E-01	-0.39	4.16E-02
CHRNA9	0.36	6.05E-02	0.39	4.16E-02
METTL7B	0.09	6.49E-01	-0.39	4.16E-02
RGP1	0.21	2.72E-01	0.39	4.16E-02
RP11-613F22.8	-0.17	3.82E-01	-0.39	4.16E-02
CD274	0.23	2.43E-01	0.39	4.18E-02
RNU4-68P	0.05	8.01E-01	-0.39	4.18E-02
RP11-64B16.4	-0.11	5.92E-01	-0.39	4.18E-02
AP001059.7	-0.05	8.00E-01	-0.39	4.20E-02
ASTN1	-0.05	7.85E-01	-0.39	4.20E-02
CTC-255N20.1	-0.23	2.30E-01	-0.39	4.20E-02
FBXO27	0.11	5.87E-01	0.39	4.20E-02
G39634	-0.09	6.47E-01	0.39	4.20E-02

G39837	0.23	2.44E-01	-0.39	4.20E-02
GNPDA1	0.13	5.16E-01	0.39	4.20E-02
KIAA1211L	-0.16	4.04E-01	-0.39	4.20E-02
SMAD2	0.14	4.75E-01	-0.39	4.20E-02
KB-1958F4.1	-0.33	8.29E-02	-0.39	4.22E-02
VASN	0.16	4.08E-01	0.39	4.22E-02
AFTPH	-0.14	4.82E-01	-0.39	4.23E-02
CTB-107G13.1	-0.02	9.18E-01	-0.39	4.23E-02
EXOC6	0.16	4.26E-01	-0.39	4.23E-02
GCNT1P1	-0.28	1.43E-01	-0.39	4.23E-02
RAB9B	-0.05	7.98E-01	-0.39	4.23E-02
RP11-186N15.3	0.13	5.17E-01	0.39	4.23E-02
RPS6KA5	0.18	3.63E-01	-0.39	4.23E-02
ZNF92	-0.02	9.06E-01	-0.39	4.23E-02
ARRB1	0.34	7.51E-02	0.39	4.25E-02
CLCN1	0.01	9.53E-01	0.39	4.25E-02
NOCT	0.48	9.05E-03	0.39	4.25E-02
AL355490.2	0.07	7.40E-01	-0.39	4.25E-02
ANKRD18DP	-0.37	5.08E-02	-0.39	4.25E-02
C8orf46	0.01	9.60E-01	-0.39	4.25E-02
PCDHGA3	-0.25	2.02E-01	-0.39	4.25E-02
MSRB1	0.23	2.43E-01	0.39	4.27E-02
PIK3C3	-0.15	4.37E-01	-0.39	4.27E-02
PLA2G2A	-0.31	1.10E-01	0.39	4.27E-02
RP11-463O9.1	0.15	4.45E-01	-0.39	4.27E-02
SPINK1	0.26	1.88E-01	-0.39	4.27E-02
TMSB15B	-0.12	5.28E-01	-0.39	4.27E-02
STXBP3	0.03	8.98E-01	-0.39	4.29E-02
C6orf48	0.02	9.31E-01	0.39	4.29E-02
CCK	0.15	4.41E-01	0.39	4.29E-02
ABHD8	0.13	4.99E-01	0.39	4.30E-02
ASPHD1	-0.09	6.52E-01	0.39	4.30E-02
CCDC85C	0.30	1.19E-01	0.39	4.30E-02
CTC-308K20.4	-0.04	8.21E-01	0.39	4.30E-02
RP11-574K11.27	0.22	2.55E-01	-0.39	4.30E-02
SNORD73	0.06	7.66E-01	-0.39	4.30E-02
SPECC1	0.16	4.29E-01	0.39	4.30E-02
SPIRE1	0.13	5.22E-01	0.39	4.30E-02
TPRG1	0.01	9.48E-01	-0.39	4.30E-02
ZNFX1	0.23	2.41E-01	0.39	4.30E-02
FAM210B	0.13	5.01E-01	0.39	4.32E-02
G10020	0.01	9.75E-01	0.39	4.32E-02
G35948	-0.45	1.59E-02	0.39	4.32E-02
LTB4R2	0.22	2.66E-01	0.39	4.32E-02
MYOM3	0.23	2.29E-01	0.39	4.32E-02
SLC6A12	-0.26	1.81E-01	0.39	4.32E-02
SNORA14A	-0.13	5.01E-01	0.39	4.32E-02

SP140L	0.23	2.45E-01	0.39	4.32E-02
STAT5A	0.06	7.75E-01	0.39	4.32E-02
ZNF549	0.02	9.06E-01	-0.39	4.32E-02
BRWD3	-0.12	5.50E-01	-0.39	4.34E-02
LCA5L	0.01	9.61E-01	-0.39	4.34E-02
PRDX3P2	0.27	1.73E-01	-0.39	4.34E-02
TEKT3	-0.27	1.62E-01	-0.39	4.34E-02
RN7SL349P	0.01	9.76E-01	0.39	4.34E-02
CXCL1	0.29	1.40E-01	0.39	4.36E-02
EEF1DP5	0.01	9.59E-01	-0.39	4.36E-02
EFCAB1	-0.25	2.07E-01	-0.39	4.36E-02
FAM53C	0.51	6.08E-03	0.39	4.36E-02
HECTD3	-0.17	4.00E-01	0.39	4.36E-02
NAP1L2	-0.08	6.92E-01	-0.39	4.36E-02
PRELID2	0.20	3.10E-01	-0.39	4.36E-02
RP11-629N8.4	0.10	5.99E-01	-0.39	4.36E-02
STAT5B	0.05	8.09E-01	0.39	4.38E-02
AWAT2	-0.03	8.88E-01	-0.39	4.38E-02
TCEAL3	-0.24	2.23E-01	-0.39	4.38E-02
GDI2P2	-0.32	1.02E-01	0.39	4.39E-02
ALS2CR12	0.05	8.13E-01	-0.39	4.39E-02
AMOT	0.04	8.33E-01	-0.39	4.39E-02
CRY2	-0.31	1.09E-01	-0.39	4.39E-02
KCNH7	-0.08	6.86E-01	-0.39	4.39E-02
RP11-344B5.2	0.10	6.10E-01	-0.39	4.39E-02
RP11-53I6.4	0.10	6.25E-01	-0.39	4.39E-02
ANKIB1	-0.19	3.22E-01	-0.39	4.41E-02
ASPA	-0.36	5.86E-02	-0.39	4.41E-02
DNAJC17	0.21	2.94E-01	0.39	4.41E-02
HOMER3	0.06	7.62E-01	0.39	4.41E-02
RP11-506M13.3	-0.44	1.94E-02	-0.39	4.41E-02
SP6	-0.15	4.56E-01	-0.39	4.41E-02
ZCCHC11	-0.26	1.83E-01	-0.39	4.41E-02
MR1	0.23	2.36E-01	0.39	4.43E-02
RNU6-946P	-0.13	5.01E-01	-0.39	4.43E-02
RP11-164N3.1	0.16	4.21E-01	-0.39	4.43E-02
RP11-305L7.6	0.08	6.80E-01	0.39	4.43E-02
C6orf99	-0.16	4.13E-01	-0.39	4.45E-02
DLGAP1	-0.19	3.20E-01	-0.39	4.45E-02
ARHGEF17	-0.22	2.60E-01	0.39	4.45E-02
HELZ2	0.44	1.93E-02	0.39	4.45E-02
AC008074.3	-0.12	5.43E-01	-0.39	4.47E-02
FAM86FP	-0.24	2.28E-01	-0.39	4.47E-02
LINC01265	0.09	6.38E-01	-0.39	4.47E-02
RP11-1134I14.8	-0.24	2.14E-01	-0.39	4.47E-02
TMF1	-0.07	7.21E-01	-0.39	4.47E-02
ZNF213-AS1	-0.04	8.41E-01	-0.39	4.47E-02

ZNF738	-0.14	4.68E-01	-0.39	4.47E-02
SUSD5	-0.15	4.61E-01	0.39	4.47E-02
AC084290.2	-0.03	8.86E-01	-0.39	4.48E-02
RP11-80A15.1	-0.14	4.72E-01	0.39	4.48E-02
LA16c-380H5.6	-0.06	7.78E-01	0.39	4.50E-02
NMI	0.06	7.55E-01	0.39	4.50E-02
RP11-43D4.3	0.14	4.82E-01	0.39	4.50E-02
CLCA4	-0.20	2.98E-01	-0.39	4.50E-02
CTD-3035K23.6	0.22	2.57E-01	-0.39	4.50E-02
LRIT3	0.33	8.67E-02	-0.39	4.50E-02
LRR8C	-0.23	2.37E-01	-0.39	4.50E-02
TMEM260	-0.12	5.36E-01	-0.39	4.50E-02
ALX1	-0.39	4.21E-02	-0.39	4.52E-02
C11orf54	0.22	2.70E-01	-0.39	4.52E-02
SIDT1	0.15	4.51E-01	0.39	4.52E-02
ANKRD30A	-0.20	3.14E-01	-0.39	4.54E-02
BIRC7	-0.07	7.30E-01	-0.39	4.54E-02
CCDC38	-0.39	4.15E-02	-0.39	4.54E-02
PFKFB1	-0.02	9.18E-01	0.39	4.54E-02
BMP1	0.21	2.93E-01	0.39	4.56E-02
DARS-AS1	0.39	4.26E-02	0.39	4.56E-02
RNPEPL1	0.10	6.07E-01	0.39	4.56E-02
STOML1	0.21	2.79E-01	0.39	4.56E-02
TBC1D10A	0.26	1.78E-01	0.39	4.56E-02
LA16c-313F4.1	0.04	8.48E-01	0.39	4.58E-02
PLXNB2	-0.10	6.02E-01	0.39	4.58E-02
SEC14L6	0.02	9.08E-01	-0.39	4.58E-02
TMUB2	0.08	6.97E-01	0.39	4.58E-02
UBE2SP1	0.05	8.14E-01	0.39	4.58E-02
CNTN4	-0.25	2.09E-01	-0.39	4.59E-02
INMT	0.03	8.65E-01	0.39	4.59E-02
LSM8	0.02	9.22E-01	-0.39	4.59E-02
MIR544B	0.13	5.00E-01	-0.39	4.59E-02
TRAM1L1	-0.25	1.93E-01	-0.39	4.59E-02
TLR2	0.39	3.77E-02	0.39	4.61E-02
TMEM140	0.18	3.60E-01	0.39	4.61E-02
RP11-61L19.3	-0.09	6.52E-01	-0.39	4.61E-02
RP5-974N19.1	0.28	1.45E-01	-0.39	4.61E-02
RP6-201G10.2	-0.03	8.63E-01	-0.39	4.61E-02
CLCNKA	-0.20	3.15E-01	-0.39	4.63E-02
MPZ	-0.15	4.58E-01	-0.39	4.63E-02
PDK1	0.09	6.46E-01	-0.39	4.63E-02
RP11-134O21.1	-0.03	8.76E-01	-0.39	4.63E-02
RP11-371E8.4	-0.05	8.07E-01	-0.39	4.63E-02
GATB	0.09	6.40E-01	0.39	4.63E-02
MESP2	0.16	4.28E-01	0.39	4.63E-02
NABP1	0.41	2.95E-02	0.39	4.63E-02

<b>NMRAL1</b>	0.34	7.61E-02	0.39	4.63E-02
<b>BASP1</b>	0.13	5.16E-01	0.39	4.65E-02
<b>CD36</b>	0.47	1.19E-02	0.39	4.65E-02
<b>RP11-1082L8.3</b>	0.03	8.88E-01	0.39	4.65E-02
<b>XLOC_000839</b>	0.05	7.94E-01	0.39	4.65E-02
<b>AP001412.1</b>	0.13	5.06E-01	0.39	4.67E-02
<b>RAMP1</b>	0.28	1.49E-01	0.39	4.67E-02
<b>SLC43A2</b>	0.21	2.76E-01	0.39	4.67E-02
<b>STAC2</b>	0.11	5.75E-01	0.39	4.67E-02
<b>XKR9</b>	0.13	5.09E-01	0.39	4.67E-02
<b>ZHX1-C8orf76</b>	0.36	6.37E-02	0.39	4.67E-02
<b>CLDN17</b>	0.34	7.32E-02	-0.39	4.67E-02
<b>TEX12</b>	-0.57	1.58E-03	-0.39	4.67E-02
<b>TRPV6</b>	-0.06	7.43E-01	-0.39	4.67E-02
<b>AC005752.10</b>	-0.18	3.50E-01	-0.39	4.69E-02
<b>G12854</b>	0.12	5.48E-01	0.39	4.69E-02
<b>MAT1A</b>	-0.24	2.22E-01	-0.39	4.69E-02
<b>RP11-867G2.6</b>	0.04	8.52E-01	-0.39	4.69E-02
<b>BMP8B</b>	-0.25	1.95E-01	-0.39	4.71E-02
<b>FBXO46</b>	0.44	2.06E-02	0.39	4.71E-02
<b>HOXC9</b>	0.12	5.34E-01	0.39	4.71E-02
<b>MTND4P19</b>	0.00	9.93E-01	-0.39	4.71E-02
<b>RP11-339B21.8</b>	-0.33	8.37E-02	0.39	4.71E-02
<b>ZCCHC6</b>	0.16	4.04E-01	0.39	4.71E-02
<b>LSAMP</b>	-0.32	9.33E-02	-0.39	4.73E-02
<b>NOD2</b>	0.18	3.57E-01	0.39	4.73E-02
<b>PCDHB19P</b>	0.06	7.81E-01	-0.39	4.73E-02
<b>PIGCP1</b>	-0.12	5.50E-01	0.39	4.73E-02
<b>RP11-1072A3.4</b>	0.11	5.77E-01	0.39	4.73E-02
<b>TLR10</b>	0.24	2.18E-01	-0.39	4.73E-02
<b>VIPR1</b>	0.28	1.47E-01	0.39	4.73E-02
<b>ZFP30</b>	-0.05	7.87E-01	-0.39	4.73E-02
<b>TP53TG1</b>	0.07	7.07E-01	0.38	4.75E-02
<b>VIPAS39</b>	0.15	4.34E-01	0.38	4.75E-02
<b>WDR81</b>	0.11	5.66E-01	0.38	4.75E-02
<b>COBL</b>	-0.40	3.41E-02	-0.38	4.75E-02
<b>PHYHIP</b>	0.03	8.88E-01	-0.38	4.75E-02
<b>RP11-255C15.3</b>	0.11	5.73E-01	-0.38	4.75E-02
<b>RP3-467L1.4</b>	-0.08	6.72E-01	-0.38	4.75E-02
<b>ADNP</b>	-0.09	6.66E-01	-0.38	4.76E-02
<b>CTD-2366F13.2</b>	0.11	5.92E-01	-0.38	4.76E-02
<b>IRAK1BP1</b>	0.28	1.56E-01	-0.38	4.76E-02
<b>RP11-443O13.3</b>	0.05	7.86E-01	-0.38	4.76E-02
<b>SPATA13</b>	-0.32	9.62E-02	-0.38	4.76E-02
<b>TNNT2</b>	-0.26	1.84E-01	-0.38	4.76E-02
<b>G34667</b>	0.04	8.21E-01	0.38	4.76E-02
<b>NIN</b>	-0.23	2.43E-01	-0.38	4.78E-02



PARD6G	0.08	6.73E-01	-0.38	4.78E-02
TEDDM1	0.32	9.81E-02	-0.38	4.78E-02
CBS	-0.21	2.87E-01	-0.38	4.80E-02
CDO1	-0.31	1.13E-01	-0.38	4.80E-02
EXOC8	-0.13	5.26E-01	-0.38	4.80E-02
SLC2A14	-0.50	6.14E-03	-0.38	4.80E-02
JAG1	0.12	5.52E-01	0.38	4.80E-02
REPIN1	0.35	6.84E-02	0.38	4.80E-02
RP11-166B2.1	-0.15	4.40E-01	0.38	4.80E-02
SCARNA18	0.03	8.77E-01	0.38	4.80E-02
SNORA50	0.14	4.84E-01	0.38	4.80E-02
C9orf9	-0.18	3.58E-01	0.38	4.82E-02
CLSTN1	-0.06	7.72E-01	0.38	4.82E-02
G43233	-0.14	4.82E-01	-0.38	4.82E-02
LTBP2	0.09	6.46E-01	0.38	4.82E-02
C1QB	0.17	3.85E-01	0.38	4.84E-02
CSGALNACT1	0.30	1.27E-01	0.38	4.84E-02
HNRNPA1P22	0.04	8.53E-01	-0.38	4.84E-02
INSR	-0.44	1.90E-02	-0.38	4.84E-02
RNASE6	0.34	7.24E-02	0.38	4.84E-02
RP11-278A23.1	0.04	8.31E-01	-0.38	4.84E-02
CANT1	0.26	1.87E-01	0.38	4.86E-02
EIF1AY	0.34	7.44E-02	0.38	4.86E-02
9-Mar	-0.05	7.83E-01	0.38	4.86E-02
NCOA7	0.33	8.42E-02	0.38	4.86E-02
TICAM1	0.24	2.14E-01	0.38	4.86E-02
GTF3C4	-0.17	3.83E-01	-0.38	4.86E-02
SLC25A14	0.01	9.78E-01	-0.38	4.86E-02
SLITRK6	-0.18	3.69E-01	-0.38	4.86E-02
ZNF138	-0.26	1.83E-01	-0.38	4.86E-02
C19orf68	-0.22	2.57E-01	0.38	4.88E-02
CTD-3094K11.1	0.33	8.18E-02	0.38	4.88E-02
FMO5	-0.08	6.84E-01	-0.38	4.88E-02
GOLM1	-0.09	6.62E-01	-0.38	4.88E-02
PRRC1	-0.31	1.12E-01	-0.38	4.88E-02
ROR2	-0.43	2.36E-02	0.38	4.88E-02
RP11-438B23.2	-0.03	8.64E-01	-0.38	4.88E-02
RP3-428L16.2	0.36	5.92E-02	-0.38	4.88E-02
TTC26	-0.18	3.51E-01	-0.38	4.88E-02
MGME1	0.30	1.17E-01	0.38	4.90E-02
RAB15	0.20	2.97E-01	0.38	4.90E-02
RNF39	-0.11	5.77E-01	0.38	4.90E-02
LINC01589	0.07	7.05E-01	-0.38	4.92E-02
AC096574.5	-0.35	6.75E-02	0.38	4.92E-02
ARL14	-0.03	8.81E-01	0.38	4.92E-02
CTD-2031P19.4	-0.03	8.67E-01	0.38	4.92E-02
THY1	-0.22	2.70E-01	0.38	4.92E-02

TK2	0.02	9.26E-01	0.38	4.92E-02
RP11-326L17.1	-0.06	7.63E-01	-0.38	4.94E-02
EFR3B	0.23	2.42E-01	0.38	4.94E-02
RXRB	0.11	5.80E-01	0.38	4.94E-02
ANKRD2	0.06	7.61E-01	-0.38	4.96E-02
RP1-45I4.2	0.00	1.00E+00	-0.38	4.96E-02
SLC8A2	0.31	1.06E-01	0.38	4.96E-02
AP000432.1	0.10	6.27E-01	0.38	4.98E-02
TMEM154	0.38	4.56E-02	0.38	4.98E-02
OSGIN2	0.29	1.31E-01	-0.38	4.98E-02
SLC25A21	0.15	4.59E-01	-0.38	4.98E-02
TUBAL3	0.23	2.33E-01	-0.38	4.98E-02
AKIP1	0.00	9.93E-01	0.38	5.00E-02
GNGT2	0.35	6.98E-02	0.38	5.00E-02
ZFAND3	0.04	8.53E-01	0.38	5.00E-02
AC006262.4	-0.31	1.09E-01	-0.38	5.00E-02
G38146	-0.04	8.57E-01	-0.38	5.00E-02
CTD-2013N24.2	0.03	8.76E-01	-0.38	5.02E-02
GJB6	0.33	8.90E-02	0.38	5.02E-02
LINC00152	-0.05	7.98E-01	0.38	5.02E-02
MMP24-AS1	0.11	5.71E-01	0.38	5.02E-02
POMC	0.12	5.56E-01	-0.38	5.02E-02
RNF19B	0.33	8.64E-02	0.38	5.02E-02
STX4	0.10	6.13E-01	0.38	5.02E-02
ZNF503	0.24	2.21E-01	0.38	5.02E-02
KLC4	0.18	3.61E-01	0.38	5.04E-02
RP11-225H22.4	-0.11	5.68E-01	0.38	5.04E-02
TCTA	0.19	3.30E-01	0.38	5.04E-02
TRAF2	0.20	2.98E-01	0.38	5.04E-02
ARMC9	-0.34	7.39E-02	-0.38	5.04E-02
C3orf70	0.06	7.43E-01	-0.38	5.04E-02
G22259	0.09	6.48E-01	-0.38	5.04E-02
KCNJ13	-0.31	1.06E-01	-0.38	5.04E-02
SLC22A15	-0.31	1.05E-01	-0.38	5.04E-02
ZNF274	-0.03	8.67E-01	-0.38	5.04E-02
AP1G2	0.12	5.54E-01	0.38	5.06E-02
G36295	0.24	2.15E-01	-0.38	5.06E-02
MT1P1	0.12	5.29E-01	-0.38	5.06E-02
RAB17	0.49	8.40E-03	0.38	5.06E-02
RARRES1	-0.01	9.48E-01	-0.38	5.06E-02
RP11-749I16.3	0.36	5.80E-02	-0.38	5.06E-02
RP11-95O2.1	-0.30	1.23E-01	-0.38	5.06E-02
RP3-525N10.2	-0.30	1.19E-01	-0.38	5.06E-02
SENP2	-0.01	9.69E-01	-0.38	5.06E-02
ECEL1P3	0.23	2.37E-01	-0.38	5.08E-02
G31356	-0.17	3.89E-01	-0.38	5.08E-02
G909	-0.06	7.77E-01	-0.38	5.08E-02

ATG9A	0.04	8.42E-01	0.38	5.08E-02
PGLYRP4	0.41	3.07E-02	0.38	5.08E-02
CCSAP	-0.21	2.91E-01	-0.38	5.10E-02
LINC00322	0.09	6.44E-01	-0.38	5.10E-02
MT-TF	0.00	9.83E-01	-0.38	5.10E-02
PBX4	-0.39	4.09E-02	-0.38	5.10E-02
RN7SKP92	-0.03	8.69E-01	-0.38	5.10E-02
TMEM68	-0.05	8.07E-01	-0.38	5.10E-02
CTD-2650P22.1	0.23	2.44E-01	0.38	5.12E-02
DDX11-AS1	-0.30	1.20E-01	-0.38	5.12E-02
EHF	0.25	1.99E-01	0.38	5.12E-02
EHMT1	0.21	2.78E-01	0.38	5.12E-02
G35839	0.06	7.73E-01	-0.38	5.12E-02
LCK	0.38	4.76E-02	0.38	5.12E-02
MACC1-AS1	-0.05	8.11E-01	-0.38	5.12E-02
RN7SL521P	0.09	6.59E-01	-0.38	5.12E-02
RP11-231D20.2	0.11	5.75E-01	0.38	5.12E-02
RP11-773H22.4	-0.09	6.44E-01	-0.38	5.12E-02
RP4-529N6.1	-0.04	8.36E-01	0.38	5.12E-02
11-Sep	-0.13	5.03E-01	-0.38	5.12E-02
XLOC_005410	-0.03	8.83E-01	0.38	5.12E-02
ZC3H4	0.31	1.08E-01	0.38	5.12E-02
B3GNT9	-0.09	6.43E-01	0.38	5.14E-02
IKZF5	-0.28	1.48E-01	-0.38	5.14E-02
KIF27	-0.13	5.11E-01	-0.38	5.14E-02
SLC25A29	-0.23	2.36E-01	-0.38	5.14E-02
CHMP1B2P	-0.10	5.95E-01	-0.38	5.16E-02
CTC-436P18.4	0.25	2.06E-01	-0.38	5.16E-02
FGF17	-0.10	6.19E-01	-0.38	5.16E-02
GLP1R	0.20	3.08E-01	0.38	5.16E-02
RP11-180M15.4	0.23	2.37E-01	0.38	5.16E-02
SEC14L4	-0.19	3.39E-01	-0.38	5.16E-02
RP11-1415C14.4	-0.04	8.22E-01	0.38	5.18E-02
RP11-95G6.1	-0.34	7.39E-02	0.38	5.18E-02
TMEM42	0.02	9.36E-01	0.38	5.18E-02
DUS4L	0.14	4.93E-01	-0.38	5.18E-02
PER2	-0.27	1.70E-01	-0.38	5.18E-02
AC006994.2	0.04	8.21E-01	-0.38	5.20E-02
CTD-2201E18.3	0.02	9.39E-01	0.38	5.20E-02
DLEU1	0.23	2.47E-01	-0.38	5.20E-02
G41823	0.08	6.68E-01	-0.38	5.20E-02
MFSD6L	0.04	8.50E-01	-0.38	5.20E-02
OR9I3P	-0.34	7.32E-02	-0.38	5.20E-02
RP11-454P21.1	0.23	2.47E-01	0.38	5.20E-02
GPATCH2	0.00	9.82E-01	-0.38	5.22E-02
KCNJ9	0.01	9.45E-01	-0.38	5.22E-02
RP11-20G13.5	0.10	6.28E-01	-0.38	5.22E-02

<b>RP11-277I20.2</b>	-0.16	4.15E-01	-0.38	5.22E-02
<b>RPL35P2</b>	-0.13	5.01E-01	0.38	5.22E-02
<b>STYK1</b>	0.11	5.69E-01	0.38	5.22E-02
<b>TTC7B</b>	0.31	1.08E-01	0.38	5.22E-02
<b>UNC93B1</b>	0.06	7.72E-01	0.38	5.22E-02
<b>ZBED6CL</b>	0.29	1.33E-01	0.38	5.22E-02
<b>ZSCAN18</b>	-0.28	1.44E-01	-0.38	5.22E-02
<b>AC007228.11</b>	0.15	4.60E-01	-0.38	5.24E-02
<b>C1QC</b>	0.13	5.00E-01	0.38	5.24E-02
<b>IKBKG</b>	0.03	8.86E-01	0.38	5.24E-02
<b>LPAR6</b>	0.29	1.33E-01	0.38	5.24E-02
<b>RP11-446N19.1</b>	0.05	8.09E-01	-0.38	5.24E-02
<b>FAM205A</b>	0.06	7.48E-01	0.38	5.26E-02
<b>PRPF4B</b>	0.02	9.24E-01	-0.38	5.26E-02
<b>RP11-536C5.2</b>	-0.30	1.17E-01	-0.38	5.26E-02
<b>RP11-576N17.5</b>	-0.31	1.12E-01	-0.38	5.26E-02
<b>RP11-80H5.7</b>	-0.11	5.69E-01	-0.38	5.26E-02
<b>STXBP2</b>	0.19	3.39E-01	0.38	5.26E-02
<b>TNFRSF4</b>	0.23	2.41E-01	0.38	5.26E-02
<b>GALNT11</b>	-0.24	2.15E-01	-0.38	5.28E-02
<b>RP11-230B22.1</b>	0.15	4.45E-01	0.38	5.28E-02
<b>AC008985.1</b>	-0.05	7.99E-01	0.38	5.30E-02
<b>MED20</b>	0.03	8.75E-01	0.38	5.30E-02
<b>RP11-506N2.1</b>	-0.20	3.17E-01	-0.38	5.30E-02
<b>RP11-73G16.2</b>	-0.22	2.69E-01	0.38	5.30E-02
<b>RP4-781B1.5</b>	-0.26	1.84E-01	-0.38	5.30E-02
<b>SREBF2</b>	0.09	6.54E-01	0.38	5.30E-02
<b>ZNF726</b>	-0.09	6.60E-01	-0.38	5.30E-02
<b>PPP1R18</b>	0.01	9.51E-01	0.38	5.33E-02
<b>SLC26A11</b>	-0.11	5.76E-01	0.38	5.33E-02
<b>CTB-50L17.5</b>	0.03	8.75E-01	-0.38	5.33E-02
<b>SLAIN1</b>	-0.30	1.17E-01	-0.38	5.33E-02
<b>ITGB1P1</b>	0.05	8.13E-01	-0.38	5.35E-02
<b>SYCP2L</b>	-0.10	6.00E-01	-0.38	5.35E-02
<b>ZBP1</b>	0.24	2.27E-01	0.38	5.35E-02
<b>ASAP2</b>	-0.18	3.59E-01	-0.38	5.37E-02
<b>TAMM41</b>	-0.17	3.83E-01	-0.38	5.37E-02
<b>EIF4BP3</b>	-0.07	7.26E-01	0.38	5.37E-02
<b>GJA1</b>	0.23	2.43E-01	0.38	5.37E-02
<b>SLC4A3</b>	0.30	1.25E-01	0.38	5.37E-02
<b>ADAMTS17</b>	-0.19	3.29E-01	-0.38	5.39E-02
<b>FAHD2B</b>	-0.18	3.66E-01	-0.38	5.39E-02
<b>GRM7-AS1</b>	-0.20	3.15E-01	-0.38	5.39E-02
<b>IL20RB</b>	-0.15	4.37E-01	0.38	5.39E-02
<b>LINC00937</b>	-0.21	2.73E-01	-0.38	5.39E-02
<b>MFSD2A</b>	-0.09	6.43E-01	-0.38	5.39E-02
<b>NIPSNAP3B</b>	-0.20	2.96E-01	-0.38	5.39E-02

<b>RP11-145E17.3</b>	0.12	5.43E-01	-0.38	5.39E-02
<b>TAPBPL</b>	0.09	6.63E-01	0.38	5.39E-02
<b>DEFB109P1</b>	-0.18	3.65E-01	-0.37	5.41E-02
<b>XLOC_002675</b>	0.14	4.86E-01	-0.37	5.41E-02
<b>EYA2</b>	0.37	5.56E-02	0.37	5.41E-02
<b>G31837</b>	-0.24	2.26E-01	0.37	5.41E-02
<b>GPR137</b>	-0.05	8.15E-01	0.37	5.41E-02
<b>PRKAR2A-AS1</b>	0.12	5.56E-01	0.37	5.41E-02
<b>USF1</b>	0.25	2.05E-01	0.37	5.41E-02
<b>DMXL1</b>	-0.08	6.77E-01	-0.37	5.45E-02
<b>FAM122A</b>	0.04	8.55E-01	-0.37	5.45E-02
<b>G36656</b>	0.11	5.62E-01	0.37	5.45E-02
<b>MFSD3</b>	-0.01	9.54E-01	0.37	5.45E-02
<b>NFATC3</b>	0.02	9.20E-01	0.37	5.45E-02
<b>PABPC5-AS1</b>	-0.04	8.27E-01	-0.37	5.45E-02
<b>PFKFB4</b>	0.31	1.07E-01	0.37	5.45E-02
<b>RNASEL</b>	0.11	5.92E-01	0.37	5.45E-02
<b>ZNF418</b>	0.10	6.19E-01	-0.37	5.45E-02
<b>CD300C</b>	-0.02	9.17E-01	0.37	5.47E-02
<b>LINC00866</b>	-0.03	8.71E-01	0.37	5.47E-02
<b>OR5K2</b>	0.00	9.97E-01	0.37	5.47E-02
<b>ALG13</b>	-0.32	9.45E-02	-0.37	5.47E-02
<b>BACH1-AS1</b>	-0.19	3.20E-01	-0.37	5.47E-02
<b>IGFL2</b>	-0.19	3.33E-01	-0.37	5.47E-02
<b>LRRC7</b>	-0.27	1.70E-01	-0.37	5.47E-02
<b>WRN</b>	-0.02	9.32E-01	-0.37	5.47E-02
<b>C1S</b>	0.03	8.90E-01	0.37	5.49E-02
<b>GCNT3</b>	0.18	3.65E-01	0.37	5.49E-02
<b>GJB2</b>	0.33	8.84E-02	0.37	5.49E-02
<b>RP11-686O6.2</b>	-0.20	3.14E-01	0.37	5.49E-02
<b>SEMA4A</b>	0.07	7.24E-01	0.37	5.49E-02
<b>TRBV19</b>	-0.04	8.26E-01	0.37	5.49E-02
<b>FGFR1OP</b>	-0.03	8.68E-01	-0.37	5.49E-02
<b>GUCA1B</b>	-0.07	7.16E-01	-0.37	5.49E-02
<b>RP11-508M8.1</b>	0.14	4.83E-01	-0.37	5.49E-02
<b>RP11-517M22.1</b>	-0.08	6.77E-01	-0.37	5.49E-02
<b>RPS17P1</b>	-0.05	8.13E-01	-0.37	5.49E-02
<b>SH3BGRL2</b>	0.00	9.82E-01	-0.37	5.49E-02
<b>BTBD2</b>	0.22	2.63E-01	0.37	5.52E-02
<b>HR</b>	0.43	2.11E-02	0.37	5.52E-02
<b>ABRA</b>	-0.01	9.67E-01	-0.37	5.52E-02
<b>NUMBL</b>	-0.04	8.58E-01	-0.37	5.52E-02
<b>OR7E47P</b>	-0.13	5.15E-01	-0.37	5.52E-02
<b>PLEKHA6</b>	-0.35	6.98E-02	-0.37	5.52E-02
<b>FAM83A</b>	0.48	9.23E-03	0.37	5.54E-02
<b>KIAA1024</b>	0.12	5.54E-01	-0.37	5.54E-02
<b>MBNL1</b>	0.04	8.24E-01	-0.37	5.54E-02

<b>MED23</b>	0.16	4.02E-01	-0.37	5.54E-02
<b>MTBP</b>	0.02	9.21E-01	-0.37	5.54E-02
<b>OR51E1</b>	-0.26	1.84E-01	0.37	5.54E-02
<b>RP11-311F12.1</b>	0.04	8.52E-01	-0.37	5.54E-02
<b>SCNN1B</b>	0.06	7.81E-01	-0.37	5.54E-02
<b>ZNF570</b>	-0.03	8.95E-01	-0.37	5.54E-02
<b>RP11-255H23.2</b>	-0.12	5.44E-01	-0.37	5.56E-02
<b>FAM13B</b>	0.35	6.94E-02	0.37	5.56E-02
<b>NOX4</b>	0.17	3.94E-01	0.37	5.56E-02
<b>RP11-373D23.3</b>	-0.35	7.10E-02	0.37	5.56E-02
<b>F8A1</b>	0.45	1.53E-02	0.37	5.58E-02
<b>FAM171B</b>	-0.14	4.90E-01	-0.37	5.58E-02
<b>KB-1639H6.2</b>	-0.14	4.86E-01	-0.37	5.58E-02
<b>PANK4</b>	-0.01	9.71E-01	0.37	5.58E-02
<b>RP11-320P7.2</b>	-0.33	8.67E-02	-0.37	5.58E-02
<b>RP11-429E11.2</b>	-0.27	1.58E-01	0.37	5.58E-02
<b>AC079781.7</b>	-0.40	3.31E-02	-0.37	5.60E-02
<b>G5758</b>	-0.40	3.37E-02	-0.37	5.60E-02
<b>G6426</b>	0.04	8.59E-01	-0.37	5.60E-02
<b>MPRIP</b>	0.03	8.88E-01	-0.37	5.60E-02
<b>TMEM170A</b>	-0.05	7.92E-01	-0.37	5.60E-02
<b>AC064850.4</b>	-0.08	6.95E-01	0.37	5.62E-02
<b>ANK1</b>	0.04	8.36E-01	0.37	5.62E-02
<b>LOXL2</b>	-0.18	3.55E-01	0.37	5.62E-02
<b>ODF3B</b>	0.11	5.65E-01	0.37	5.62E-02
<b>AC016894.1</b>	0.20	3.05E-01	-0.37	5.62E-02
<b>ANKRD26P3</b>	-0.26	1.77E-01	-0.37	5.65E-02
<b>G18962</b>	-0.01	9.79E-01	0.37	5.65E-02
<b>G5109</b>	-0.22	2.61E-01	-0.37	5.65E-02
<b>NFKBID</b>	0.35	7.01E-02	0.37	5.65E-02
<b>STK35</b>	0.25	2.04E-01	-0.37	5.65E-02
<b>TCEANC2</b>	0.02	9.00E-01	0.37	5.65E-02
<b>ABI3</b>	0.31	1.05E-01	0.37	5.67E-02
<b>RP11-148B3.1</b>	-0.06	7.58E-01	0.37	5.67E-02
<b>AMY2B</b>	0.01	9.61E-01	-0.37	5.67E-02
<b>G30143</b>	-0.07	7.14E-01	-0.37	5.67E-02
<b>GPR19</b>	0.02	9.21E-01	-0.37	5.67E-02
<b>PPIL6</b>	-0.33	8.67E-02	-0.37	5.67E-02
<b>CTB-179K24.3</b>	-0.36	5.99E-02	-0.37	5.69E-02
<b>G28648</b>	0.30	1.16E-01	-0.37	5.69E-02
<b>MTURN</b>	-0.34	7.56E-02	-0.37	5.69E-02
<b>RP11-404P21.1</b>	0.19	3.39E-01	-0.37	5.69E-02
<b>SYTL2</b>	-0.12	5.34E-01	-0.37	5.69E-02
<b>DSC2</b>	0.21	2.76E-01	0.37	5.69E-02
<b>RP11-752L20.3</b>	-0.15	4.53E-01	0.37	5.69E-02
<b>RPL37P2</b>	0.15	4.50E-01	0.37	5.69E-02
<b>SNORA23</b>	0.10	6.12E-01	0.37	5.69E-02

SUPT6H	-0.01	9.76E-01	0.37	5.69E-02
ZNF687	-0.13	5.01E-01	0.37	5.69E-02
CDH20	-0.37	5.42E-02	-0.37	5.71E-02
CDYL2	0.13	5.04E-01	0.37	5.71E-02
NAP1L3	-0.28	1.53E-01	-0.37	5.71E-02
C1orf194	0.03	8.80E-01	-0.37	5.73E-02
EDN1	-0.11	5.80E-01	-0.37	5.73E-02
PARD3	-0.24	2.18E-01	-0.37	5.73E-02
RELL2	0.14	4.92E-01	0.37	5.73E-02
RP11-298J20.3	0.19	3.25E-01	0.37	5.73E-02
RPL12P42	0.18	3.60E-01	0.37	5.73E-02
CA1	-0.03	8.74E-01	-0.37	5.76E-02
CCDC125	0.23	2.37E-01	0.37	5.76E-02
ENKUR	0.27	1.64E-01	0.37	5.76E-02
FADS1	-0.22	2.66E-01	-0.37	5.76E-02
MFGE8	0.19	3.24E-01	0.37	5.76E-02
RP11-110H1.9	-0.11	5.89E-01	-0.37	5.76E-02
RP11-261C10.5	-0.22	2.70E-01	-0.37	5.76E-02
TLCD1	-0.02	9.27E-01	-0.37	5.76E-02
TNRC6C	-0.16	4.04E-01	0.37	5.76E-02
XLOC_012011	0.20	2.98E-01	-0.37	5.76E-02
ARHGEF26-AS1	-0.21	2.88E-01	-0.37	5.78E-02
FZD8	-0.33	8.62E-02	-0.37	5.78E-02
RNU4-2	0.07	7.23E-01	0.37	5.78E-02
RP1-40E16.9	-0.32	9.27E-02	0.37	5.78E-02
RP11-710F7.3	-0.23	2.40E-01	-0.37	5.78E-02
RP11-792A8.1	0.03	8.86E-01	0.37	5.78E-02
CADM1	0.18	3.56E-01	0.37	5.80E-02
CLEC4F	0.04	8.37E-01	0.37	5.80E-02
EGFLAM	0.01	9.45E-01	0.37	5.80E-02
HSD3BP3	0.09	6.36E-01	0.37	5.80E-02
PSIP1	-0.21	2.80E-01	-0.37	5.80E-02
REPS1	0.10	6.03E-01	-0.37	5.80E-02
RP11-251G23.5	-0.31	1.09E-01	-0.37	5.80E-02
RP11-651L5.3	0.24	2.27E-01	0.37	5.80E-02
SPTBN1	-0.34	7.32E-02	-0.37	5.80E-02
STOML3	-0.05	7.82E-01	-0.37	5.80E-02
LINC01206	0.18	3.50E-01	0.37	5.82E-02
METTL8	0.21	2.78E-01	0.37	5.82E-02
NCKIPSD	0.36	5.62E-02	0.37	5.82E-02
PRKCQ	0.38	4.68E-02	0.37	5.82E-02
RP11-1348G14.8	0.05	7.84E-01	0.37	5.82E-02
TNFAIP8	0.19	3.40E-01	0.37	5.82E-02
EIF5A2	0.15	4.44E-01	-0.37	5.82E-02
GSTM3	0.38	4.81E-02	-0.37	5.82E-02
OR7E22P	0.02	9.12E-01	-0.37	5.82E-02
TXNP5	-0.12	5.56E-01	-0.37	5.82E-02

<b>ADGRB3</b>	-0.42	2.53E-02	0.37	5.85E-02
<b>IRF2</b>	0.26	1.89E-01	0.37	5.85E-02
<b>IRF7</b>	0.29	1.42E-01	0.37	5.85E-02
<b>PPFIBP1</b>	-0.23	2.44E-01	-0.37	5.85E-02
<b>RAB24</b>	0.39	4.17E-02	0.37	5.85E-02
<b>SLC16A9</b>	0.40	3.60E-02	0.37	5.85E-02
<b>ZNF441</b>	-0.25	1.91E-01	-0.37	5.85E-02
<b>AC025171.1</b>	-0.13	5.00E-01	0.37	5.87E-02
<b>CTC-506B8.1</b>	-0.27	1.58E-01	-0.37	5.87E-02
<b>DDIT4</b>	0.12	5.40E-01	0.37	5.87E-02
<b>FABP5</b>	0.23	2.37E-01	0.37	5.87E-02
<b>FAM234A</b>	0.18	3.67E-01	0.37	5.87E-02
<b>LINC00842</b>	0.11	5.86E-01	-0.37	5.87E-02
<b>NSMAF</b>	-0.08	6.79E-01	-0.37	5.87E-02
<b>OR7E94P</b>	0.02	9.17E-01	-0.37	5.87E-02
<b>RP11-552M11.4</b>	-0.08	6.84E-01	-0.37	5.87E-02
<b>ACADL</b>	-0.27	1.57E-01	-0.37	5.89E-02
<b>AP000442.1</b>	0.00	9.92E-01	0.37	5.89E-02
<b>CRYZP1</b>	0.19	3.22E-01	-0.37	5.89E-02
<b>FSIP2-AS1</b>	-0.12	5.47E-01	-0.37	5.89E-02
<b>PSD4</b>	0.30	1.16E-01	0.37	5.89E-02
<b>RP11-3304.2</b>	-0.05	8.11E-01	-0.37	5.89E-02
<b>RP13-131K19.1</b>	-0.05	7.85E-01	-0.37	5.89E-02
<b>SDC4</b>	0.09	6.60E-01	-0.37	5.89E-02
<b>ZNF502</b>	0.16	4.11E-01	-0.37	5.89E-02
<b>KIAA1683</b>	-0.19	3.31E-01	-0.37	5.91E-02
<b>MYOZ1</b>	0.03	8.66E-01	-0.37	5.91E-02
<b>SLC46A2</b>	-0.35	6.89E-02	-0.37	5.91E-02
<b>ARHGEF37</b>	0.41	2.88E-02	0.37	5.91E-02
<b>ADRA2C</b>	-0.32	1.01E-01	0.37	5.94E-02
<b>AP000662.9</b>	-0.08	6.83E-01	-0.37	5.94E-02
<b>CLEC4C</b>	0.04	8.28E-01	0.37	5.94E-02
<b>GALK1</b>	0.01	9.54E-01	0.37	5.94E-02
<b>POGK</b>	0.16	4.16E-01	-0.37	5.94E-02
<b>RN7SL36P</b>	-0.12	5.49E-01	-0.37	5.94E-02
<b>RP11-297A16.2</b>	0.13	5.23E-01	0.37	5.94E-02
<b>ZBTB10</b>	-0.20	2.99E-01	-0.37	5.94E-02
<b>BIN2</b>	0.33	8.59E-02	0.37	5.96E-02
<b>CHST3</b>	0.41	3.09E-02	0.37	5.96E-02
<b>GGH</b>	0.21	2.95E-01	0.37	5.96E-02
<b>HSPE1P28</b>	0.02	9.08E-01	0.37	5.96E-02
<b>SNORA42</b>	-0.08	6.69E-01	0.37	5.96E-02
<b>TVP23A</b>	-0.02	9.14E-01	0.37	5.96E-02
<b>AC136289.1</b>	0.17	3.73E-01	-0.37	5.96E-02
<b>ACTBP13</b>	-0.10	6.01E-01	-0.37	5.96E-02
<b>BMP2</b>	-0.02	9.25E-01	-0.37	5.96E-02
<b>CCDC126</b>	0.09	6.60E-01	-0.37	5.96E-02



<b>CTD-3126B10.2</b>	-0.01	9.57E-01	-0.37	5.96E-02
<b>DGCR5</b>	-0.37	5.10E-02	-0.37	5.96E-02
<b>PAX8</b>	0.17	3.91E-01	-0.37	5.96E-02
<b>ZNF680</b>	0.04	8.58E-01	-0.37	5.96E-02
<b>DPY19L2P3</b>	-0.21	2.83E-01	-0.37	5.98E-02
<b>RP11-553A10.1</b>	0.14	4.91E-01	-0.37	5.98E-02
<b>ZBTB24</b>	0.07	7.35E-01	-0.37	5.98E-02
<b>C5orf66</b>	0.34	7.95E-02	0.37	5.98E-02
<b>RN7SL142P</b>	0.31	1.13E-01	0.37	5.98E-02
<b>RP11-713P17.3</b>	0.17	3.85E-01	0.37	5.98E-02
<b>C3orf58</b>	-0.03	8.78E-01	-0.37	6.00E-02
<b>CTSB</b>	0.16	4.14E-01	0.37	6.00E-02
<b>GPM6B</b>	-0.29	1.40E-01	-0.37	6.00E-02
<b>RP11-340I6.8</b>	-0.27	1.71E-01	-0.37	6.00E-02
<b>SYT9</b>	-0.22	2.52E-01	-0.37	6.00E-02
<b>VAC14</b>	0.39	3.94E-02	0.37	6.00E-02
<b>WWOX</b>	-0.01	9.64E-01	0.37	6.00E-02
<b>RP1-191J18.66</b>	0.11	5.90E-01	0.37	6.03E-02
<b>RP11-256L6.2</b>	0.16	4.19E-01	0.37	6.03E-02
<b>TFE3</b>	0.19	3.36E-01	0.37	6.03E-02
<b>ITIH1</b>	0.12	5.46E-01	-0.37	6.03E-02
<b>RP11-83M16.5</b>	0.04	8.27E-01	-0.37	6.03E-02
<b>ZNF107</b>	0.04	8.58E-01	-0.37	6.03E-02
<b>NPFFR1</b>	0.06	7.62E-01	-0.37	6.05E-02
<b>ABTB1</b>	-0.16	4.08E-01	0.37	6.05E-02
<b>AL353662.1</b>	-0.07	7.28E-01	0.37	6.05E-02
<b>FBXW4</b>	0.00	9.93E-01	0.37	6.05E-02
<b>G4754</b>	-0.21	2.88E-01	0.37	6.05E-02
<b>MARK2</b>	0.13	5.01E-01	0.37	6.05E-02
<b>RAB4B</b>	0.28	1.47E-01	0.37	6.05E-02
<b>TRAJ34</b>	-0.14	4.72E-01	0.37	6.05E-02
<b>CTC-518B2.8</b>	0.43	2.37E-02	0.37	6.07E-02
<b>G5385</b>	0.28	1.42E-01	0.37	6.07E-02
<b>SELPLG</b>	0.30	1.16E-01	0.37	6.07E-02
<b>DUSP13</b>	0.27	1.60E-01	-0.37	6.07E-02
<b>GRIK1</b>	0.00	9.80E-01	-0.37	6.07E-02
<b>PDLIM5</b>	-0.17	4.01E-01	-0.37	6.07E-02
<b>POLR2J4</b>	-0.42	2.73E-02	-0.37	6.07E-02
<b>RN7SKP227</b>	0.22	2.50E-01	-0.37	6.07E-02
<b>RNU6-242P</b>	-0.08	6.79E-01	-0.37	6.07E-02
<b>RP1-12G14.7</b>	-0.22	2.54E-01	-0.37	6.07E-02
<b>RP1-67A8.3</b>	-0.25	2.03E-01	-0.37	6.07E-02
<b>RP11-66B24.7</b>	-0.18	3.64E-01	-0.37	6.07E-02
<b>RP3-509I19.6</b>	0.00	9.97E-01	-0.37	6.07E-02
<b>ZNF675</b>	-0.17	3.96E-01	-0.37	6.07E-02
<b>DOPEY1</b>	0.01	9.70E-01	-0.37	6.10E-02
<b>GNB3</b>	0.11	5.74E-01	-0.37	6.10E-02

LPO	-0.16	4.29E-01	-0.37	6.10E-02
RP11-61K12.2	-0.29	1.35E-01	-0.37	6.10E-02
TRIM35	0.08	6.82E-01	-0.37	6.10E-02
ZNF66	-0.25	2.06E-01	-0.37	6.10E-02
RN7SKP134	-0.06	7.79E-01	0.37	6.10E-02
G39251	-0.26	1.82E-01	-0.36	6.12E-02
LRRC36	-0.07	7.32E-01	-0.36	6.12E-02
NAP1L1P1	0.32	9.93E-02	-0.36	6.12E-02
RP11-396B14.2	-0.11	5.75E-01	0.36	6.12E-02
WDR24	0.21	2.87E-01	0.36	6.12E-02
ZNF812	0.44	1.81E-02	0.36	6.12E-02
FAM153B	-0.12	5.35E-01	-0.36	6.14E-02
MTMR10	-0.11	5.89E-01	-0.36	6.14E-02
NEMP2	-0.30	1.18E-01	-0.36	6.14E-02
NGEF	-0.24	2.23E-01	-0.36	6.14E-02
SLC19A2	-0.08	6.78E-01	-0.36	6.14E-02
CARHSP1	0.40	3.56E-02	0.36	6.14E-02
ELMO3	0.03	8.86E-01	0.36	6.14E-02
NLRX1	0.34	7.92E-02	0.36	6.14E-02
AC007246.3	-0.07	7.32E-01	-0.36	6.17E-02
AMZ2P1	-0.19	3.45E-01	-0.36	6.17E-02
ARHGAP1	0.30	1.27E-01	0.36	6.17E-02
MAP6	-0.23	2.31E-01	-0.36	6.17E-02
MYO9B	-0.12	5.41E-01	0.36	6.17E-02
OTOGL	-0.15	4.47E-01	-0.36	6.17E-02
RFX5	0.34	7.89E-02	0.36	6.17E-02
RGMB	-0.04	8.23E-01	-0.36	6.17E-02
RP5-855D21.3	0.26	1.85E-01	-0.36	6.17E-02
SCN2A	0.11	5.63E-01	0.36	6.17E-02
WDR35	-0.29	1.34E-01	-0.36	6.17E-02
KRT6B	0.25	2.06E-01	0.36	6.19E-02
LYNX1	0.16	4.03E-01	0.36	6.19E-02
PDCD1	0.13	5.20E-01	0.36	6.19E-02
RP11-277L2.3	0.17	3.81E-01	0.36	6.19E-02
G10911	-0.53	3.98E-03	-0.36	6.19E-02
PGM5P2	0.13	5.24E-01	-0.36	6.19E-02
C15orf59	-0.16	4.13E-01	-0.36	6.21E-02
G25746	-0.40	3.52E-02	-0.36	6.21E-02
LINC00920	-0.09	6.63E-01	-0.36	6.21E-02
LONRF3	-0.20	3.06E-01	-0.36	6.21E-02
PNPLA5	-0.14	4.73E-01	-0.36	6.21E-02
RP11-413E1.4	0.22	2.54E-01	-0.36	6.21E-02
RPL30P13	-0.14	4.72E-01	-0.36	6.21E-02
MCM3AP	0.13	4.98E-01	0.36	6.21E-02
RNASEK	-0.03	8.99E-01	0.36	6.21E-02
RP11-624D20.1	-0.29	1.41E-01	0.36	6.21E-02
SPI1	0.06	7.73E-01	0.36	6.21E-02

TRIM38	0.43	2.15E-02	0.36	6.21E-02
FHL3	0.20	3.02E-01	0.36	6.24E-02
IFI44	0.32	1.01E-01	0.36	6.24E-02
LRRC34	-0.09	6.38E-01	-0.36	6.24E-02
RP11-459E5.1	-0.10	6.01E-01	-0.36	6.24E-02
SLC47A2	-0.21	2.82E-01	-0.36	6.24E-02
SSH2	-0.18	3.55E-01	0.36	6.24E-02
ZNF217	0.36	5.82E-02	0.36	6.24E-02
CHAC1	0.41	2.95E-02	0.36	6.26E-02
GRB10	-0.02	9.36E-01	0.36	6.26E-02
CCAT2	0.16	4.18E-01	-0.36	6.26E-02
RP11-16P20.4	-0.24	2.19E-01	-0.36	6.26E-02
RP11-813F20.4	0.07	7.07E-01	-0.36	6.26E-02
C19orf25	0.24	2.09E-01	0.36	6.29E-02
CRCP	0.22	2.51E-01	0.36	6.29E-02
CTB-147C22.8	-0.14	4.72E-01	-0.36	6.29E-02
G40762	0.21	2.73E-01	0.36	6.29E-02
LRRTM3	0.13	5.01E-01	-0.36	6.29E-02
MIR130A	-0.17	3.98E-01	-0.36	6.29E-02
ZNF658	-0.02	9.33E-01	-0.36	6.29E-02
CARKD	0.06	7.65E-01	0.36	6.31E-02
G19448	0.02	9.35E-01	-0.36	6.31E-02
G38700	0.24	2.09E-01	0.36	6.31E-02
LRP5	-0.10	6.26E-01	0.36	6.31E-02
NHLRC2	0.07	7.05E-01	-0.36	6.31E-02
PCK2	0.13	5.06E-01	0.36	6.31E-02
RP11-274H2.5	0.06	7.48E-01	-0.36	6.31E-02
SMG1P4	-0.31	1.11E-01	0.36	6.31E-02
CYP4F35P	-0.31	1.03E-01	-0.36	6.33E-02
DEDD2	-0.03	8.79E-01	0.36	6.33E-02
HSPE1P5	0.00	9.98E-01	0.36	6.33E-02
SGK1	0.32	9.24E-02	0.36	6.33E-02
ZNF818P	-0.42	2.77E-02	-0.36	6.33E-02
ATP2B1	-0.22	2.59E-01	-0.36	6.36E-02
G2523	0.01	9.58E-01	-0.36	6.36E-02
LINC01285	0.06	7.81E-01	-0.36	6.36E-02
PER3	-0.34	7.64E-02	-0.36	6.36E-02
RAB39B	-0.10	6.27E-01	-0.36	6.36E-02
RP1-199J3.6	-0.01	9.55E-01	-0.36	6.36E-02
SLC34A3	-0.23	2.31E-01	-0.36	6.36E-02
LCE3E	0.24	2.22E-01	0.36	6.36E-02
MTA3	0.01	9.40E-01	0.36	6.36E-02
ALOX5AP	0.12	5.38E-01	0.36	6.38E-02
ARHGAP9	0.13	5.21E-01	0.36	6.38E-02
G19573	-0.04	8.50E-01	0.36	6.38E-02
GVQW1	0.04	8.43E-01	0.36	6.38E-02
KERA	-0.07	7.33E-01	-0.36	6.38E-02

MIR4435-2HG	-0.04	8.32E-01	0.36	6.38E-02
RP11-102N12.3	-0.04	8.56E-01	0.36	6.38E-02
SRGAP1	-0.25	1.98E-01	-0.36	6.38E-02
UBE3AP2	-0.14	4.86E-01	-0.36	6.38E-02
ZBTB39	-0.13	5.03E-01	-0.36	6.38E-02
KLHL31	0.03	8.65E-01	-0.36	6.41E-02
RP4-620E11.4	0.09	6.48E-01	-0.36	6.41E-02
SETP6	-0.25	2.07E-01	-0.36	6.41E-02
SH3GL2	-0.19	3.31E-01	-0.36	6.41E-02
TAS2R20	-0.08	6.88E-01	-0.36	6.41E-02
CCDC96	-0.24	2.12E-01	0.36	6.41E-02
RNU2-6P	0.20	3.13E-01	0.36	6.41E-02
RP11-141B14.1	0.13	4.99E-01	0.36	6.41E-02
SNORA5A	0.09	6.41E-01	0.36	6.41E-02
AC018693.6	-0.33	8.24E-02	-0.36	6.43E-02
EXOC3	0.22	2.62E-01	0.36	6.43E-02
FASN	-0.03	8.73E-01	-0.36	6.43E-02
PFKL	0.18	3.48E-01	0.36	6.43E-02
PRSS53	0.08	6.81E-01	0.36	6.43E-02
RP11-13K12.1	-0.03	8.70E-01	0.36	6.43E-02
FGD6	-0.07	7.18E-01	0.36	6.45E-02
NACC2	0.01	9.46E-01	0.36	6.45E-02
OSER1	-0.01	9.60E-01	0.36	6.45E-02
SEMA3F	0.00	9.85E-01	0.36	6.45E-02
SGSM3	0.16	4.13E-01	0.36	6.45E-02
CHP2	-0.18	3.63E-01	-0.36	6.45E-02
RP11-24B13.2	-0.34	7.61E-02	-0.36	6.45E-02
RP11-470P21.2	-0.26	1.85E-01	-0.36	6.45E-02
TMIGD1	-0.08	6.71E-01	-0.36	6.45E-02
FERMT1	0.39	4.15E-02	0.36	6.48E-02
OPRL1	0.11	5.94E-01	0.36	6.48E-02
TPRXL	0.49	8.57E-03	0.36	6.48E-02
XLOC_001447	-0.51	5.86E-03	0.36	6.48E-02
CA5B	-0.36	5.88E-02	-0.36	6.48E-02
DIRAS1	-0.23	2.30E-01	-0.36	6.48E-02
AC138393.1	-0.12	5.49E-01	-0.36	6.50E-02
GGACT	0.39	3.82E-02	0.36	6.50E-02
KRT6C	0.14	4.73E-01	0.36	6.50E-02
RP1-30M3.6	-0.25	1.91E-01	-0.36	6.50E-02
RP11-1072A3.3	-0.28	1.56E-01	-0.36	6.50E-02
RP11-533E19.7	0.17	3.86E-01	0.36	6.50E-02
SNORD39	0.25	2.08E-01	0.36	6.50E-02
WEE2	0.18	3.64E-01	-0.36	6.50E-02
ATXN3	-0.28	1.50E-01	-0.36	6.53E-02
CDC73	0.04	8.48E-01	-0.36	6.53E-02
KLHL10	0.09	6.53E-01	-0.36	6.53E-02
P3H3	-0.21	2.72E-01	-0.36	6.53E-02

RGCC	-0.11	5.61E-01	-0.36	6.53E-02
RP11-259G18.1	-0.11	5.76E-01	-0.36	6.53E-02
AC008592.8	0.01	9.78E-01	0.36	6.53E-02
PINLYP	-0.16	4.05E-01	0.36	6.53E-02
SLC16A3	0.06	7.51E-01	0.36	6.53E-02
G31022	0.35	6.73E-02	-0.36	6.55E-02
GAS2L1	0.11	5.61E-01	-0.36	6.55E-02
IRGQ	0.17	3.82E-01	0.36	6.55E-02
RP11-1396O13.2	-0.33	8.87E-02	-0.36	6.55E-02
RP11-471B22.3	0.00	9.89E-01	0.36	6.55E-02
RP5-1172N10.2	-0.03	8.97E-01	-0.36	6.55E-02
SGPP1	-0.15	4.41E-01	-0.36	6.55E-02
CTSC	0.36	5.74E-02	0.36	6.58E-02
G13882	-0.01	9.53E-01	0.36	6.58E-02
G3793	-0.12	5.34E-01	-0.36	6.58E-02
GBP3	0.14	4.67E-01	0.36	6.58E-02
LINC00891	0.09	6.45E-01	0.36	6.58E-02
MTMR6	0.07	7.29E-01	-0.36	6.58E-02
RP5-1157M23.2	-0.13	5.00E-01	0.36	6.58E-02
SAMD10	0.10	6.04E-01	0.36	6.58E-02
SOX2	0.42	2.47E-02	0.36	6.58E-02
SPATA3-AS1	-0.01	9.64E-01	0.36	6.58E-02
TCEAL7	0.19	3.34E-01	-0.36	6.58E-02
ALG1L6P	-0.24	2.24E-01	-0.36	6.60E-02
CRB1	0.16	4.15E-01	-0.36	6.60E-02
DSG2-AS1	-0.07	7.29E-01	-0.36	6.60E-02
RP11-191A15.2	-0.29	1.33E-01	-0.36	6.60E-02
RP11-338N10.3	0.30	1.21E-01	-0.36	6.60E-02
RXRG	-0.21	2.94E-01	-0.36	6.60E-02
kbac-BPG299F13.1	0.09	6.42E-01	-0.36	6.60E-02
ZNF736	-0.02	9.01E-01	-0.36	6.60E-02
ATF6B	0.15	4.34E-01	0.36	6.60E-02
LMTK3	0.11	5.85E-01	0.36	6.60E-02
PLEKHG3	0.15	4.44E-01	0.36	6.60E-02
RNU4-1	-0.03	8.89E-01	0.36	6.60E-02
ADCY3	0.16	4.11E-01	0.36	6.63E-02
RP11-324I22.3	-0.16	4.16E-01	0.36	6.63E-02
ZSWIM8	0.05	7.93E-01	0.36	6.63E-02
RNU6-759P	-0.21	2.86E-01	-0.36	6.63E-02
RP11-25D3.1	-0.29	1.33E-01	-0.36	6.63E-02
UBAC2-AS1	-0.10	6.31E-01	-0.36	6.63E-02
ZNF717	-0.24	2.13E-01	-0.36	6.63E-02
CASP4	0.37	5.25E-02	0.36	6.65E-02
IRF3	0.11	5.87E-01	0.36	6.65E-02
PPARGC1A	-0.30	1.27E-01	-0.36	6.65E-02
RAB11FIP2	-0.04	8.28E-01	-0.36	6.65E-02
RP11-1080G15.1	0.09	6.50E-01	-0.36	6.65E-02

<b>RP11-708J19.3</b>	0.11	5.64E-01	-0.36	6.65E-02
SSBP3	0.18	3.64E-01	0.36	6.65E-02
ANXA2R	0.40	3.48E-02	0.36	6.67E-02
DLGAP1-AS5	-0.23	2.35E-01	-0.36	6.67E-02
NDNF	-0.37	5.54E-02	-0.36	6.67E-02
<b>RP11-430H10.1</b>	-0.08	6.97E-01	-0.36	6.67E-02
SNORA53	0.11	5.65E-01	0.36	6.67E-02
ANKFN1	-0.40	3.55E-02	-0.36	6.70E-02
CES1	-0.34	8.10E-02	-0.36	6.70E-02
DDAH1	0.11	5.71E-01	-0.36	6.70E-02
<b>AC187652.1</b>	-0.19	3.25E-01	0.36	6.70E-02
NIPSNAP1	0.29	1.40E-01	0.36	6.70E-02
NRBF2	0.37	5.20E-02	0.36	6.70E-02
PTPN7	0.53	3.93E-03	0.36	6.70E-02
SLCO2B1	-0.02	9.09E-01	0.36	6.70E-02
SNORA75	0.04	8.37E-01	0.36	6.70E-02
ADGRG1	0.36	5.99E-02	0.36	6.72E-02
CHRM5	0.03	8.69E-01	-0.36	6.72E-02
<b>CTD-2527I21.15</b>	-0.15	4.42E-01	-0.36	6.72E-02
DOC2A	0.44	1.90E-02	-0.36	6.72E-02
FCGR3A	0.11	5.88E-01	0.36	6.72E-02
FOXS1	-0.12	5.41E-01	0.36	6.72E-02
G38234	-0.03	8.90E-01	0.36	6.72E-02
<b>RP11-327F22.2</b>	0.28	1.50E-01	-0.36	6.72E-02
SLC12A9	0.00	9.89E-01	0.36	6.72E-02
SMTN	0.29	1.36E-01	0.36	6.72E-02
MED14OS	0.21	2.80E-01	-0.36	6.75E-02
<b>CTC-526N19.1</b>	0.30	1.17E-01	0.36	6.75E-02
FCHSD1	0.32	9.93E-02	0.36	6.75E-02
GSDMA	0.23	2.40E-01	0.36	6.75E-02
<b>XLOC_008935</b>	0.14	4.75E-01	0.36	6.75E-02
G39184	-0.07	7.29E-01	-0.36	6.78E-02
IGHG2	0.39	3.89E-02	0.36	6.78E-02
KRT24	0.13	5.05E-01	0.36	6.78E-02
<b>RP11-159D12.6</b>	0.25	1.93E-01	0.36	6.78E-02
SH3BP2	0.01	9.46E-01	-0.36	6.78E-02
SMAD4	0.00	9.82E-01	-0.36	6.78E-02
STK31	0.00	9.88E-01	-0.36	6.78E-02
<b>CTD-2173L22.4</b>	0.06	7.67E-01	-0.36	6.80E-02
IL34	-0.26	1.77E-01	-0.36	6.80E-02
LRRC49	-0.10	6.26E-01	-0.36	6.80E-02
PRDM2	0.03	8.87E-01	0.36	6.80E-02
<b>RP11-481C4.1</b>	-0.30	1.20E-01	0.36	6.80E-02
SLC24A4	-0.05	8.00E-01	0.36	6.80E-02
TCIRG1	0.04	8.56E-01	0.36	6.80E-02
TDRD12	0.04	8.38E-01	-0.36	6.80E-02
TRAPPC13	0.20	3.06E-01	-0.36	6.80E-02

ZNF24	-0.01	9.44E-01	-0.36	6.80E-02
GBA	0.38	4.62E-02	0.36	6.83E-02
GZMA	0.02	9.13E-01	0.36	6.83E-02
TMEM185A	0.18	3.66E-01	0.36	6.83E-02
LIX1	0.35	7.03E-02	-0.36	6.83E-02
AL713999.1	-0.14	4.66E-01	0.36	6.85E-02
CD3G	0.36	6.24E-02	0.36	6.85E-02
GRAMD3	-0.13	5.26E-01	-0.36	6.85E-02
HOXC13-AS	0.60	8.06E-04	0.36	6.85E-02
LURAP1	-0.10	6.09E-01	0.36	6.85E-02
P4HTM	-0.25	2.05E-01	-0.36	6.85E-02
PAN3-AS1	0.19	3.26E-01	0.36	6.85E-02
RP5-115904.2	0.21	2.95E-01	-0.36	6.85E-02
SIRPB1	0.06	7.57E-01	0.36	6.85E-02
SMG9	0.19	3.46E-01	0.36	6.85E-02
WWC2-AS2	0.05	7.91E-01	0.36	6.85E-02
ZMYM4	0.24	2.11E-01	0.36	6.85E-02
GIT1	-0.02	9.02E-01	0.36	6.88E-02
HS3ST2	0.17	3.92E-01	0.36	6.88E-02
NAGS	0.30	1.18E-01	0.36	6.88E-02
NEU2	0.19	3.37E-01	0.36	6.88E-02
PLBD1	0.24	2.28E-01	0.36	6.88E-02
RP11-394I13.1	-0.11	5.76E-01	0.36	6.88E-02
CNDP1	-0.09	6.43E-01	-0.36	6.88E-02
NMNAT2	-0.35	7.15E-02	-0.36	6.88E-02
RP11-452J6.2	-0.12	5.41E-01	-0.36	6.88E-02
RP11-848P1.9	-0.02	9.02E-01	-0.36	6.88E-02
RP5-1120P11.4	-0.35	7.03E-02	-0.36	6.88E-02
AC002310.10	0.23	2.39E-01	0.36	6.90E-02
AC091177.1	0.26	1.78E-01	-0.36	6.90E-02
BNIP3P22	0.00	9.86E-01	-0.36	6.90E-02
DUSP18	0.00	9.80E-01	0.36	6.90E-02
FMNL1	0.11	5.82E-01	0.36	6.90E-02
HAS3	0.21	2.85E-01	0.36	6.90E-02
HEATR5B	-0.26	1.80E-01	-0.36	6.90E-02
LONRF2	-0.04	8.45E-01	-0.36	6.90E-02
MYADM	-0.40	3.33E-02	-0.36	6.90E-02
PAPD7	-0.02	9.18E-01	-0.36	6.90E-02
RAB28	-0.02	9.14E-01	-0.36	6.90E-02
RP11-505C13.1	-0.06	7.80E-01	-0.36	6.90E-02
RP11-53019.1	-0.29	1.37E-01	-0.36	6.90E-02
S100A8	0.21	2.81E-01	0.36	6.90E-02
SHISA9	0.20	3.09E-01	-0.36	6.90E-02
TDH	0.04	8.54E-01	0.36	6.90E-02
CLEC18A	0.06	7.79E-01	-0.35	6.93E-02
MCF2L-AS1	0.02	9.15E-01	-0.35	6.93E-02
RP11-119F19.5	-0.28	1.51E-01	-0.35	6.93E-02

<b>RP11-478B9.2</b>	-0.27	1.68E-01	-0.35	6.93E-02
<b>HAL</b>	0.13	4.93E-01	0.35	6.93E-02
<b>KAZALD1</b>	-0.12	5.54E-01	0.35	6.93E-02
<b>LASP1</b>	0.20	3.16E-01	0.35	6.93E-02
<b>ZNF710</b>	0.29	1.31E-01	0.35	6.93E-02
<b>AC145124.2</b>	0.08	6.95E-01	0.35	6.95E-02
<b>ARPC1B</b>	0.22	2.71E-01	0.35	6.95E-02
<b>FGFR2</b>	0.16	4.10E-01	0.35	6.95E-02
<b>GIF</b>	-0.02	9.28E-01	0.35	6.95E-02
<b>KIAA1549L</b>	-0.49	8.75E-03	-0.35	6.95E-02
<b>RHOH</b>	0.03	8.78E-01	0.35	6.98E-02
<b>RNF14</b>	0.45	1.61E-02	0.35	6.98E-02
<b>RP11-15A1.4</b>	-0.20	3.17E-01	0.35	6.98E-02
<b>KCNJ14</b>	-0.04	8.51E-01	-0.35	7.01E-02
<b>RNF217</b>	-0.15	4.43E-01	-0.35	7.01E-02
<b>IFITM3</b>	0.17	3.93E-01	0.35	7.01E-02
<b>RP11-327F22.1</b>	0.22	2.58E-01	0.35	7.01E-02
<b>RBBP4P2</b>	-0.04	8.27E-01	-0.35	7.03E-02
<b>RP11-114N19.3</b>	-0.04	8.51E-01	-0.35	7.03E-02
<b>RP5-1023B21.1</b>	0.04	8.54E-01	-0.35	7.03E-02
<b>SCARA3</b>	-0.17	3.75E-01	-0.35	7.03E-02
<b>AC005537.2</b>	0.47	1.17E-02	0.35	7.06E-02
<b>ADPRH</b>	0.00	9.99E-01	0.35	7.06E-02
<b>KRT13</b>	-0.09	6.41E-01	0.35	7.06E-02
<b>NPC1</b>	0.11	5.72E-01	0.35	7.06E-02
<b>RP11-378E13.3</b>	-0.01	9.47E-01	0.35	7.06E-02
<b>SLC52A3</b>	0.21	2.80E-01	0.35	7.06E-02
<b>TSPAN15</b>	0.18	3.65E-01	0.35	7.06E-02
<b>KCNIP4</b>	-0.09	6.47E-01	-0.35	7.06E-02
<b>PDIK1L</b>	-0.14	4.82E-01	-0.35	7.06E-02
<b>RP11-120K24.5</b>	-0.08	6.99E-01	-0.35	7.06E-02
<b>RP11-15L13.4</b>	-0.08	6.77E-01	-0.35	7.06E-02
<b>RP11-167H9.4</b>	-0.13	5.17E-01	-0.35	7.06E-02
<b>RP5-1063M23.2</b>	-0.40	3.72E-02	-0.35	7.06E-02
<b>AHCYL2</b>	0.08	6.81E-01	-0.35	7.08E-02
<b>CATSPERG</b>	-0.34	7.95E-02	-0.35	7.08E-02
<b>G38113</b>	-0.27	1.63E-01	-0.35	7.08E-02
<b>NPY5R</b>	-0.40	3.49E-02	-0.35	7.08E-02
<b>SCRN1</b>	0.03	8.62E-01	0.35	7.08E-02
<b>ZNF575</b>	-0.29	1.33E-01	0.35	7.08E-02
<b>RNU7-96P</b>	0.08	6.96E-01	-0.35	7.11E-02
<b>RP11-22C11.1</b>	-0.12	5.56E-01	-0.35	7.11E-02
<b>TAS2R6P</b>	-0.03	8.68E-01	-0.35	7.11E-02
<b>C19orf54</b>	-0.05	7.84E-01	0.35	7.11E-02
<b>CORO2A</b>	0.37	5.52E-02	0.35	7.11E-02
<b>SUSD1</b>	0.29	1.36E-01	0.35	7.11E-02
<b>TMEM241</b>	0.36	5.92E-02	0.35	7.11E-02



YPEL3	-0.03	8.73E-01	0.35	7.11E-02
CRBN	-0.18	3.48E-01	-0.35	7.14E-02
IL1RAPL1	-0.40	3.28E-02	-0.35	7.14E-02
RPL17P50	-0.21	2.84E-01	-0.35	7.14E-02
LINC01296	-0.09	6.64E-01	0.35	7.14E-02
RP11-15E18.5	0.21	2.93E-01	0.35	7.14E-02
RP11-512M8.11	-0.17	3.93E-01	0.35	7.14E-02
RP11-809O17.1	0.37	5.35E-02	0.35	7.14E-02
WDR6	-0.02	9.33E-01	0.35	7.14E-02
XX-FW83563B9.5	0.24	2.20E-01	0.35	7.14E-02
AP001350.4	-0.06	7.55E-01	-0.35	7.16E-02
C1orf145	0.17	3.96E-01	-0.35	7.16E-02
FLOT1	-0.12	5.35E-01	0.35	7.16E-02
GREM2	-0.39	3.92E-02	-0.35	7.16E-02
ITPRIPL2	0.13	5.00E-01	0.35	7.16E-02
RHOU	0.19	3.27E-01	-0.35	7.16E-02
RP11-1060G2.1	0.01	9.49E-01	0.35	7.16E-02
SCO2	0.39	3.77E-02	0.35	7.16E-02
XLOC_010311	-0.38	4.41E-02	-0.35	7.16E-02
ZBTB17	0.17	3.76E-01	0.35	7.16E-02
HMG2P8	-0.15	4.51E-01	-0.35	7.19E-02
KRT79	0.00	9.96E-01	-0.35	7.19E-02
SNORA63	0.08	6.71E-01	0.35	7.19E-02
CTD-2530N21.5	0.11	5.66E-01	-0.35	7.21E-02
G5146	-0.06	7.80E-01	-0.35	7.21E-02
TTC3-AS1	-0.14	4.88E-01	-0.35	7.21E-02
C2orf16	0.23	2.34E-01	0.35	7.21E-02
CD47	0.26	1.85E-01	0.35	7.24E-02
ZMYM3	0.16	4.29E-01	0.35	7.24E-02
CACNA1S	-0.22	2.50E-01	-0.35	7.24E-02
LINC00282	0.33	8.92E-02	-0.35	7.24E-02
ORC3	-0.22	2.66E-01	-0.35	7.24E-02
PRR33	-0.40	3.43E-02	-0.35	7.24E-02
CTD-3035D6.1	0.34	7.24E-02	0.35	7.27E-02
CTSD	0.27	1.61E-01	0.35	7.27E-02
HSD3B7	-0.06	7.79E-01	0.35	7.27E-02
PCNPP5	-0.20	3.15E-01	-0.35	7.27E-02
RAD1	0.16	4.24E-01	-0.35	7.27E-02
SLA	0.32	9.56E-02	0.35	7.27E-02
SLC7A8	-0.14	4.82E-01	0.35	7.27E-02
TIRAP	-0.03	8.76E-01	0.35	7.27E-02
ABCB11	0.24	2.22E-01	-0.35	7.29E-02
C7orf49	0.22	2.60E-01	0.35	7.29E-02
DACT1	-0.08	6.83E-01	-0.35	7.29E-02
MYH16	-0.15	4.57E-01	-0.35	7.29E-02
RP11-70D24.2	0.02	9.12E-01	0.35	7.29E-02
ACKR2	0.03	8.76E-01	0.35	7.32E-02

<b>ADRB2</b>	-0.20	2.98E-01	-0.35	7.32E-02
<b>AL161645.2</b>	0.02	9.24E-01	0.35	7.32E-02
<b>CUX1</b>	0.15	4.46E-01	0.35	7.32E-02
<b>RP11-72M17.1</b>	-0.06	7.58E-01	-0.35	7.32E-02
<b>TMBIM1</b>	0.18	3.60E-01	0.35	7.32E-02
<b>MEST</b>	-0.21	2.79E-01	-0.35	7.35E-02
<b>MOB1B</b>	0.27	1.67E-01	-0.35	7.35E-02
<b>RP11-230F18.6</b>	-0.10	6.07E-01	-0.35	7.35E-02
<b>RP11-304F15.5</b>	0.00	9.91E-01	-0.35	7.35E-02
<b>RP11-395N3.2</b>	-0.18	3.53E-01	-0.35	7.35E-02
<b>CCL13</b>	-0.15	4.35E-01	0.35	7.35E-02
<b>RNU5F-1</b>	0.17	3.99E-01	0.35	7.35E-02
<b>TRIM16L</b>	0.19	3.29E-01	0.35	7.35E-02
<b>CATSPERD</b>	0.22	2.56E-01	-0.35	7.37E-02
<b>CEP192</b>	0.02	9.03E-01	-0.35	7.37E-02
<b>GPX3</b>	0.15	4.54E-01	0.35	7.37E-02
<b>LBHD1</b>	0.01	9.54E-01	0.35	7.37E-02
<b>RP11-798M19.3</b>	-0.14	4.71E-01	-0.35	7.37E-02
<b>WNT3A</b>	-0.27	1.67E-01	-0.35	7.37E-02
<b>ZNF524</b>	0.05	8.00E-01	0.35	7.37E-02
<b>C4orf36</b>	-0.04	8.39E-01	0.35	7.40E-02
<b>LINC01003</b>	0.03	8.63E-01	-0.35	7.40E-02
<b>MAP1LC3B2</b>	-0.41	3.22E-02	0.35	7.40E-02
<b>PDLIM4</b>	-0.18	3.67E-01	-0.35	7.40E-02
<b>PHIP</b>	-0.12	5.38E-01	-0.35	7.40E-02
<b>RP11-92K15.3</b>	-0.08	6.89E-01	0.35	7.40E-02
<b>SALL1</b>	-0.27	1.66E-01	0.35	7.40E-02
<b>ZNF420</b>	0.01	9.61E-01	-0.35	7.40E-02
<b>C1QTNF1</b>	-0.05	7.88E-01	0.35	7.43E-02
<b>FHL5</b>	-0.25	2.02E-01	0.35	7.43E-02
<b>MMP13</b>	-0.03	8.67E-01	0.35	7.43E-02
<b>MORC2</b>	0.01	9.70E-01	0.35	7.43E-02
<b>NID1</b>	-0.04	8.32E-01	0.35	7.43E-02
<b>OSM</b>	0.00	9.89E-01	0.35	7.43E-02
<b>RP11-96D1.7</b>	0.21	2.94E-01	-0.35	7.43E-02
<b>RP4-655J12.4</b>	-0.04	8.21E-01	-0.35	7.43E-02
<b>VGf</b>	-0.25	1.98E-01	-0.35	7.43E-02
<b>ZGRF1</b>	0.09	6.54E-01	-0.35	7.43E-02
<b>AGAP3</b>	0.22	2.57E-01	0.35	7.46E-02
<b>CD8A</b>	0.23	2.31E-01	0.35	7.46E-02
<b>PDK3</b>	0.12	5.55E-01	0.35	7.46E-02
<b>PRG4</b>	-0.24	2.26E-01	0.35	7.46E-02
<b>AC011290.5</b>	-0.08	6.76E-01	-0.35	7.46E-02
<b>AMER1</b>	0.08	6.95E-01	-0.35	7.46E-02
<b>CTC-260E6.4</b>	-0.17	3.82E-01	-0.35	7.46E-02
<b>LINC01091</b>	-0.45	1.74E-02	-0.35	7.46E-02
<b>RN7SL426P</b>	0.03	8.92E-01	-0.35	7.46E-02

SENP6	0.11	5.84E-01	-0.35	7.46E-02
NOVA2	-0.28	1.42E-01	0.35	7.48E-02
ROCK1P1	-0.44	2.02E-02	0.35	7.48E-02
RP11-823P9.4	-0.15	4.34E-01	0.35	7.48E-02
RPL41P5	0.19	3.25E-01	0.35	7.48E-02
PRKAG2-AS1	-0.70	3.88E-05	-0.35	7.48E-02
TANK	0.32	1.01E-01	-0.35	7.48E-02
CTC-428G20.2	0.21	2.93E-01	-0.35	7.51E-02
ITPRIPL1	-0.10	6.17E-01	0.35	7.51E-02
NARF	-0.10	6.16E-01	0.35	7.51E-02
RGS9	-0.11	5.72E-01	-0.35	7.51E-02
RP11-91P24.6	-0.21	2.84E-01	-0.35	7.51E-02
RP11-95I19.1	0.08	6.93E-01	0.35	7.51E-02
SMOX	0.09	6.35E-01	0.35	7.51E-02
TMEM9	0.12	5.42E-01	0.35	7.51E-02
EPB41L4B	-0.11	5.61E-01	-0.35	7.54E-02
FAM19A2	-0.28	1.45E-01	-0.35	7.54E-02
PAPPA2	-0.37	5.01E-02	-0.35	7.54E-02
RP11-19G24.2	-0.33	8.37E-02	-0.35	7.54E-02
RP11-583F2.6	-0.01	9.45E-01	-0.35	7.54E-02
SOX11	0.13	5.16E-01	-0.35	7.54E-02
AC067940.1	0.07	7.22E-01	0.35	7.54E-02
AC008686.1	-0.17	3.88E-01	-0.35	7.56E-02
AC226118.1	0.00	9.92E-01	-0.35	7.56E-02
OPA1-AS1	0.02	9.35E-01	-0.35	7.56E-02
TLDC2	0.06	7.78E-01	-0.35	7.56E-02
XKR6	-0.08	6.96E-01	-0.35	7.56E-02
ZNF208	-0.15	4.53E-01	-0.35	7.56E-02
AC114271.2	-0.03	8.63E-01	0.35	7.56E-02
RIT1	0.30	1.18E-01	0.35	7.56E-02
EIF2AK2	0.22	2.59E-01	0.35	7.59E-02
MXD4	0.17	3.97E-01	0.35	7.59E-02
ZFPM1	0.19	3.30E-01	0.35	7.59E-02
AC000123.3	-0.06	7.68E-01	-0.35	7.59E-02
SLC22A31	-0.18	3.49E-01	-0.35	7.59E-02
AC013474.4	0.13	5.11E-01	0.35	7.62E-02
ERG	0.06	7.66E-01	0.35	7.62E-02
FOXO1	-0.33	8.59E-02	-0.35	7.62E-02
HMGCS2	0.00	9.93E-01	-0.35	7.62E-02
NKAP	-0.12	5.39E-01	-0.35	7.62E-02
RFX3	0.03	8.94E-01	-0.35	7.62E-02
RNU6-36P	0.02	9.25E-01	0.35	7.62E-02
RP11-356N1.2	0.11	5.81E-01	0.35	7.62E-02
TIMP4	-0.01	9.57E-01	-0.35	7.62E-02
ZNF408	0.23	2.31E-01	0.35	7.62E-02
ABCG5	0.03	8.92E-01	-0.35	7.65E-02
DOK5	-0.07	7.32E-01	-0.35	7.65E-02

EEF1A1P16	-0.11	5.74E-01	0.35	7.65E-02
KCNA1	-0.11	5.78E-01	-0.35	7.65E-02
RABGAP1L	-0.08	7.04E-01	-0.35	7.65E-02
AC005831.1	0.27	1.65E-01	0.35	7.68E-02
GORASP1	0.29	1.41E-01	0.35	7.68E-02
RP11-442N24_B.1	0.18	3.71E-01	0.35	7.68E-02
VASH1	0.24	2.27E-01	0.35	7.68E-02
CYP1A2	-0.31	1.05E-01	-0.35	7.68E-02
DNAJC19	-0.05	7.85E-01	-0.35	7.68E-02
FCGR1A	0.08	6.80E-01	-0.35	7.68E-02
MAG11	-0.29	1.28E-01	-0.35	7.68E-02
RP5-906C1.1	0.25	1.95E-01	-0.35	7.68E-02
C4orf46	0.00	9.83E-01	-0.35	7.70E-02
DEPDC1	0.11	5.92E-01	0.35	7.70E-02
GOLGA80	0.02	9.28E-01	-0.35	7.70E-02
GPR55	0.20	3.00E-01	0.35	7.70E-02
HMG2P20	-0.03	8.78E-01	0.35	7.70E-02
SNHG25	0.21	2.75E-01	0.35	7.70E-02
SNORD51	0.01	9.68E-01	-0.35	7.70E-02
ZNF492	-0.07	7.11E-01	-0.35	7.70E-02
ASL	0.42	2.43E-02	0.35	7.73E-02
SNORA22	-0.16	4.13E-01	0.35	7.73E-02
VKORC1	0.22	2.50E-01	0.35	7.73E-02
C3orf17	0.00	9.89E-01	-0.35	7.73E-02
G38458	-0.32	9.18E-02	-0.35	7.73E-02
GLYATL1P3	0.35	7.17E-02	-0.35	7.73E-02
RN7SL277P	0.04	8.21E-01	-0.35	7.73E-02
RP1-20C7.6	-0.10	6.01E-01	-0.35	7.73E-02
RP11-182J1.5	0.01	9.44E-01	-0.35	7.73E-02
AC006539.1	0.07	7.25E-01	-0.35	7.76E-02
AC009948.7	0.01	9.70E-01	-0.35	7.76E-02
DGAT2	0.12	5.48E-01	-0.35	7.76E-02
DLK1	0.01	9.59E-01	-0.35	7.76E-02
FAM199X	0.11	5.92E-01	-0.35	7.76E-02
SFTPC	-0.35	6.89E-02	-0.35	7.76E-02
SSPN	-0.10	6.31E-01	-0.35	7.76E-02
FABP5P7	0.09	6.51E-01	0.35	7.76E-02
RP11-428K3.1	0.07	7.40E-01	0.35	7.76E-02
TCF4	0.05	8.04E-01	0.35	7.76E-02
TTC39B	0.29	1.31E-01	0.35	7.76E-02
TXLNA	0.10	5.99E-01	0.35	7.76E-02
PRMT2	0.07	7.31E-01	0.35	7.79E-02
RP11-182L21.6	-0.26	1.90E-01	-0.35	7.79E-02
RP11-7K24.3	0.08	6.76E-01	-0.35	7.79E-02
RP5-1100I6.1	-0.12	5.53E-01	-0.35	7.79E-02
XLOC_011384	0.06	7.65E-01	-0.35	7.79E-02
ZNF571	-0.14	4.93E-01	-0.35	7.79E-02

ZNF853	-0.40	3.51E-02	-0.35	7.79E-02
RP11-29H23.5	-0.17	3.81E-01	-0.34	7.81E-02
SOX6	-0.36	5.74E-02	-0.34	7.81E-02
AC074212.5	-0.10	6.04E-01	0.34	7.81E-02
CTD-3126B10.4	0.08	7.02E-01	0.34	7.81E-02
G6PC3	0.18	3.49E-01	0.34	7.81E-02
LINC00649	0.00	9.81E-01	0.34	7.81E-02
NDST1	0.47	1.14E-02	0.34	7.81E-02
RNU6-1201P	-0.12	5.51E-01	0.34	7.81E-02
RP11-45506.2	-0.10	6.11E-01	0.34	7.81E-02
UPF3AP3	-0.25	1.91E-01	0.34	7.81E-02
AGKP1	0.40	3.40E-02	0.34	7.84E-02
CCER2	0.00	9.80E-01	-0.34	7.84E-02
RN7SKP203	-0.06	7.46E-01	0.34	7.84E-02
RP11-244M2.1	-0.06	7.60E-01	-0.34	7.84E-02
SLC7A10	0.04	8.23E-01	-0.34	7.84E-02
SNORA31	0.02	9.17E-01	-0.34	7.84E-02
TMEM79	0.31	1.04E-01	0.34	7.84E-02
XLOC_005409	-0.03	8.74E-01	-0.34	7.84E-02
ZBTB11-AS1	0.11	5.82E-01	0.34	7.84E-02
ZFYVE19	0.13	5.22E-01	0.34	7.84E-02
EFCAB12	-0.22	2.54E-01	-0.34	7.87E-02
LCOR	0.29	1.36E-01	-0.34	7.87E-02
RP11-367J11.2	-0.29	1.38E-01	-0.34	7.87E-02
RP11-524O24.2	0.04	8.48E-01	-0.34	7.87E-02
SPAG16	-0.11	5.62E-01	-0.34	7.87E-02
RP11-134G8.5	0.17	3.91E-01	0.34	7.87E-02
TCAF2	0.20	3.00E-01	0.34	7.87E-02
TKTL1	0.18	3.67E-01	0.34	7.87E-02
VWA1	0.17	3.96E-01	0.34	7.87E-02
C10orf54	0.15	4.40E-01	0.34	7.90E-02
C7orf55	0.23	2.41E-01	-0.34	7.90E-02
FSCN3	-0.06	7.55E-01	-0.34	7.90E-02
FURIN	0.43	2.30E-02	0.34	7.90E-02
G16363	0.17	3.79E-01	0.34	7.90E-02
G3639	-0.01	9.63E-01	0.34	7.90E-02
MEI4	-0.10	5.99E-01	-0.34	7.90E-02
SH3BGR	-0.09	6.48E-01	-0.34	7.90E-02
P2RY10	0.25	1.95E-01	0.34	7.93E-02
PAQR3	0.05	8.04E-01	-0.34	7.93E-02
RNF213	0.08	6.92E-01	0.34	7.93E-02
4-Sep	-0.31	1.12E-01	-0.34	7.93E-02
TSPAN9	0.02	9.28E-01	0.34	7.93E-02
ZFP37	0.04	8.49E-01	0.34	7.93E-02
C1R	0.04	8.37E-01	0.34	7.96E-02
G36224	0.31	1.13E-01	0.34	7.96E-02
SLFN5	0.24	2.26E-01	0.34	7.96E-02

ZNF239	-0.29	1.40E-01	0.34	7.96E-02
ZSCAN20	0.19	3.42E-01	0.34	7.96E-02
CPM	-0.34	7.51E-02	-0.34	7.96E-02
HULC	-0.13	5.10E-01	-0.34	7.96E-02
LARP1B	-0.06	7.54E-01	-0.34	7.96E-02
RNU1-109P	-0.13	4.93E-01	-0.34	7.96E-02
ZNF880	-0.33	9.07E-02	-0.34	7.96E-02
BTN3A3	0.06	7.81E-01	0.34	7.99E-02
C1orf204	0.30	1.23E-01	0.34	7.99E-02
CTB-113P19.4	0.09	6.35E-01	0.34	7.99E-02
CTC-203F4.2	0.42	2.54E-02	0.34	7.99E-02
EVPL	-0.04	8.40E-01	0.34	7.99E-02
FOXJ3	-0.18	3.49E-01	-0.34	7.99E-02
G40351	-0.26	1.87E-01	-0.34	7.99E-02
LPAL2	-0.25	2.00E-01	-0.34	7.99E-02
MGEA5	-0.13	5.01E-01	-0.34	7.99E-02
NKAIN1	0.20	3.11E-01	0.34	7.99E-02
NRIP3	0.22	2.66E-01	0.34	7.99E-02
SLC48A1	0.11	5.63E-01	0.34	7.99E-02
XRCC6BP1	-0.08	6.93E-01	-0.34	7.99E-02
ARFIP1	0.11	5.87E-01	-0.34	8.01E-02
CABP7	-0.02	9.15E-01	-0.34	8.01E-02
CPA4	0.09	6.53E-01	0.34	8.01E-02
E2F5	0.02	9.27E-01	-0.34	8.01E-02
FBXO2	0.21	2.85E-01	0.34	8.01E-02
PCDHA7	-0.11	5.86E-01	0.34	8.01E-02
PLPPR2	0.01	9.45E-01	0.34	8.01E-02
RPL23AP7	-0.45	1.75E-02	-0.34	8.01E-02
SNAP23	0.10	5.97E-01	0.34	8.01E-02
CKAP2	0.21	2.93E-01	0.34	8.04E-02
COL18A1	0.02	9.26E-01	0.34	8.04E-02
EPHA1	0.15	4.46E-01	0.34	8.04E-02
G25971	0.17	3.99E-01	-0.34	8.04E-02
G9514	0.16	4.25E-01	-0.34	8.04E-02
RNU6-125P	-0.05	8.04E-01	-0.34	8.04E-02
RP11-7807.2	-0.11	5.69E-01	-0.34	8.04E-02
RP13-991F5.2	0.38	4.36E-02	0.34	8.04E-02
S100A12	0.37	5.10E-02	0.34	8.04E-02
SMAD6	0.27	1.65E-01	0.34	8.04E-02
ACOXL	-0.07	7.21E-01	-0.34	8.07E-02
NEK4	0.20	3.19E-01	-0.34	8.07E-02
RP11-1391J7.1	-0.21	2.93E-01	-0.34	8.07E-02
RIPK4	0.37	4.94E-02	0.34	8.07E-02
AC002511.3	0.22	2.54E-01	0.34	8.10E-02
C19orf44	0.13	4.94E-01	0.34	8.10E-02
DLG1-AS1	0.08	7.03E-01	0.34	8.10E-02
FREM2	-0.03	8.68E-01	-0.34	8.10E-02

GYS1	0.39	3.76E-02	0.34	8.10E-02
NPAS1	-0.21	2.85E-01	-0.34	8.10E-02
NTRK2	-0.22	2.56E-01	0.34	8.10E-02
RBM4B	0.04	8.53E-01	0.34	8.10E-02
RP11-456I15.2	-0.06	7.60E-01	-0.34	8.10E-02
SAMD12	-0.28	1.52E-01	-0.34	8.10E-02
SSX2IP	-0.03	8.86E-01	-0.34	8.10E-02
ZNF749	-0.19	3.24E-01	-0.34	8.10E-02
LCE3A	0.37	5.21E-02	0.34	8.13E-02
PTPN6	0.33	8.45E-02	0.34	8.13E-02
PTPRG	-0.13	5.04E-01	0.34	8.13E-02
SPAG6	-0.37	5.33E-02	-0.34	8.13E-02
UNC80	-0.41	3.18E-02	-0.34	8.13E-02
AP001065.15	-0.18	3.56E-01	0.34	8.16E-02
GACAT2	-0.06	7.70E-01	0.34	8.16E-02
PCDHGB9P	-0.04	8.33E-01	0.34	8.16E-02
PPM1F	0.31	1.08E-01	0.34	8.16E-02
PRRC2A	0.33	8.56E-02	0.34	8.16E-02
RP11-276H7.3	0.32	9.53E-02	0.34	8.16E-02
RP11-479O9.4	-0.12	5.47E-01	0.34	8.16E-02
CCDC112	-0.09	6.42E-01	-0.34	8.16E-02
FOXD3	-0.09	6.61E-01	-0.34	8.16E-02
MUC15	-0.03	8.77E-01	-0.34	8.16E-02
PKHD1	-0.16	4.24E-01	-0.34	8.16E-02
RP4-800M22.4	0.18	3.72E-01	-0.34	8.16E-02
EIF2B5-IT1	0.21	2.90E-01	0.34	8.19E-02
EPB41L1	0.30	1.22E-01	0.34	8.19E-02
SAPCD2P3	0.41	2.98E-02	0.34	8.19E-02
AF224669.3	-0.18	3.63E-01	-0.34	8.19E-02
DAPP1	0.06	7.75E-01	-0.34	8.19E-02
LINC00456	-0.15	4.58E-01	-0.34	8.19E-02
PPTC7	-0.16	4.10E-01	-0.34	8.19E-02
RP11-207C16.4	-0.08	6.95E-01	-0.34	8.19E-02
RP11-694I15.7	-0.13	5.13E-01	-0.34	8.19E-02
G36500	-0.23	2.40E-01	-0.34	8.22E-02
KCNK15	-0.16	4.04E-01	-0.34	8.22E-02
LINC00571	0.03	8.79E-01	-0.34	8.22E-02
NUP133	0.07	7.38E-01	-0.34	8.22E-02
PIK3R2	-0.43	2.22E-02	-0.34	8.22E-02
RBM44	0.19	3.44E-01	-0.34	8.22E-02
THAP9-AS1	-0.13	5.06E-01	-0.34	8.22E-02
AC003986.5	-0.38	4.74E-02	0.34	8.22E-02
ANKRD35	0.04	8.49E-01	0.34	8.22E-02
ASH1L-IT1	0.14	4.67E-01	0.34	8.22E-02
CCL26	-0.24	2.20E-01	0.34	8.22E-02
CD4	0.15	4.50E-01	0.34	8.22E-02
RN7SL735P	-0.17	3.83E-01	0.34	8.22E-02

<b>RP11-297A16.4</b>	0.38	4.64E-02	0.34	8.22E-02
<b>ZNF589</b>	0.17	3.89E-01	0.34	8.22E-02
<b>CABLES1</b>	-0.19	3.29E-01	-0.34	8.25E-02
<b>FBXO25</b>	-0.18	3.68E-01	-0.34	8.25E-02
<b>HAND2</b>	-0.03	8.85E-01	-0.34	8.25E-02
<b>RP11-109N23.4</b>	-0.24	2.16E-01	-0.34	8.25E-02
<b>RP11-573D15.1</b>	0.24	2.13E-01	0.34	8.25E-02
<b>SCAP</b>	0.17	3.85E-01	0.34	8.25E-02
<b>CKS1BP3</b>	0.00	9.91E-01	-0.34	8.27E-02
<b>CXXC4</b>	-0.11	5.69E-01	-0.34	8.27E-02
<b>C12orf75</b>	0.21	2.91E-01	0.34	8.27E-02
<b>TIGIT</b>	0.14	4.86E-01	0.34	8.27E-02
<b>APPL2</b>	-0.05	8.09E-01	0.34	8.30E-02
<b>HAPLN3</b>	0.08	6.90E-01	0.34	8.30E-02
<b>PLP1</b>	-0.34	7.27E-02	-0.34	8.30E-02
<b>PPARD</b>	0.38	4.33E-02	0.34	8.30E-02
<b>PRORS1P</b>	0.07	7.17E-01	0.34	8.30E-02
<b>RNU11</b>	0.03	8.93E-01	0.34	8.30E-02
<b>RP11-242C19.2</b>	0.12	5.32E-01	-0.34	8.30E-02
<b>RP11-44N22.3</b>	-0.22	2.67E-01	0.34	8.30E-02
<b>RP11-567M16.6</b>	0.20	3.17E-01	0.34	8.30E-02
<b>SLC25A4</b>	0.02	9.39E-01	-0.34	8.30E-02
<b>KCNK12</b>	0.04	8.56E-01	-0.34	8.33E-02
<b>LINC01550</b>	-0.30	1.21E-01	-0.34	8.33E-02
<b>NDRG3</b>	0.05	8.01E-01	0.34	8.33E-02
<b>PACRGL</b>	-0.24	2.16E-01	-0.34	8.33E-02
<b>RNU6-249P</b>	-0.28	1.53E-01	-0.34	8.33E-02
<b>RNU6-958P</b>	-0.08	6.99E-01	0.34	8.33E-02
<b>RWDD2B</b>	0.07	7.26E-01	0.34	8.33E-02
<b>ZNF564</b>	0.35	6.91E-02	-0.34	8.33E-02
<b>AIM2</b>	0.10	6.18E-01	0.34	8.36E-02
<b>AP000254.8</b>	-0.02	9.33E-01	-0.34	8.36E-02
<b>FOXO3B</b>	0.29	1.38E-01	0.34	8.36E-02
<b>IFI16</b>	0.27	1.66E-01	0.34	8.36E-02
<b>SLC35B3</b>	0.14	4.86E-01	0.34	8.36E-02
<b>SLC35D1</b>	0.40	3.53E-02	0.34	8.36E-02
<b>ATP8A1</b>	-0.33	8.16E-02	-0.34	8.39E-02
<b>BCHE</b>	-0.21	2.89E-01	-0.34	8.39E-02
<b>DNAJC27</b>	0.18	3.54E-01	-0.34	8.39E-02
<b>FTCD</b>	-0.19	3.46E-01	0.34	8.39E-02
<b>IGHD</b>	0.18	3.52E-01	-0.34	8.39E-02
<b>MSANTD4</b>	0.25	1.92E-01	-0.34	8.39E-02
<b>NEK9</b>	-0.19	3.45E-01	0.34	8.39E-02
<b>RP11-114H24.6</b>	0.06	7.53E-01	-0.34	8.39E-02
<b>RP11-133M8.3</b>	-0.36	6.13E-02	0.34	8.39E-02
<b>TST</b>	0.36	5.92E-02	0.34	8.39E-02
<b>VPS41</b>	-0.21	2.88E-01	-0.34	8.39E-02



CFAP45	0.52	4.45E-03	0.34	8.42E-02
CITF22-49E9.3	0.25	1.98E-01	0.34	8.42E-02
GRN	0.36	5.82E-02	0.34	8.42E-02
NKX2-8	0.02	9.01E-01	0.34	8.42E-02
DYRK2	-0.12	5.32E-01	-0.34	8.42E-02
HERC2P10	0.22	2.51E-01	-0.34	8.42E-02
KIAA1671	-0.07	7.42E-01	-0.34	8.42E-02
RP11-314B1.2	-0.02	9.06E-01	-0.34	8.42E-02
RP11-706C16.8	0.03	8.94E-01	-0.34	8.42E-02
RP3-414A15.12	-0.21	2.94E-01	-0.34	8.42E-02
AC003090.1	-0.25	2.00E-01	-0.34	8.45E-02
BRAF	-0.16	4.14E-01	-0.34	8.45E-02
CHIC1	0.06	7.59E-01	-0.34	8.45E-02
CYP27B1	-0.08	7.02E-01	0.34	8.45E-02
DHRS2	-0.11	5.90E-01	-0.34	8.45E-02
HOXC13	0.39	3.85E-02	0.34	8.45E-02
RABGAP1	0.06	7.45E-01	0.34	8.45E-02
RP1-261D10.2	-0.17	3.76E-01	-0.34	8.45E-02
RP11-325F22.2	-0.15	4.49E-01	-0.34	8.45E-02
RP11-585P4.5	0.18	3.49E-01	-0.34	8.45E-02
TBXAS1	0.11	5.65E-01	0.34	8.45E-02
TNPO2	0.02	9.06E-01	0.34	8.45E-02
WDFY4	0.00	9.88E-01	0.34	8.45E-02
XLOC_013542	0.05	8.14E-01	0.34	8.45E-02
AP1S2	-0.28	1.46E-01	-0.34	8.48E-02
CNTN2	-0.12	5.50E-01	-0.34	8.48E-02
RP11-557N21.1	-0.13	5.20E-01	-0.34	8.48E-02
RP11-90D4.3	-0.23	2.38E-01	-0.34	8.48E-02
SASS6	0.11	5.71E-01	-0.34	8.48E-02
ZNF296	-0.39	4.18E-02	-0.34	8.48E-02
ADCY7	-0.10	6.23E-01	0.34	8.48E-02
ENSAP2	0.24	2.17E-01	0.34	8.48E-02
FUT7	0.40	3.27E-02	0.34	8.48E-02
KIF18BP1	0.33	8.21E-02	0.34	8.48E-02
MON1B	0.09	6.40E-01	0.34	8.48E-02
PTPRN2	0.06	7.45E-01	0.34	8.48E-02
ADAP1	-0.09	6.40E-01	0.34	8.51E-02
RNU4ATAC11P	0.00	1.00E+00	0.34	8.51E-02
C10orf90	-0.12	5.57E-01	-0.34	8.51E-02
E2F8	-0.05	8.04E-01	-0.34	8.51E-02
FRMD3	-0.23	2.48E-01	-0.34	8.51E-02
PLEKHG1	-0.40	3.75E-02	-0.34	8.51E-02
RP11-91P24.7	-0.22	2.71E-01	-0.34	8.51E-02
TNNT1	-0.28	1.43E-01	-0.34	8.51E-02
C1orf52	-0.12	5.37E-01	-0.34	8.54E-02
MIR550A3	-0.03	8.64E-01	-0.34	8.54E-02
RP11-651P23.5	-0.04	8.46E-01	-0.34	8.54E-02

UBR5-AS1	0.31	1.12E-01	-0.34	8.54E-02
ZNF887P	-0.21	2.93E-01	-0.34	8.54E-02
CD33	0.25	1.97E-01	0.34	8.54E-02
IGFL1	0.15	4.45E-01	0.34	8.54E-02
RP4-591C20.9	0.14	4.86E-01	0.34	8.54E-02
RPL23AP10	-0.14	4.66E-01	0.34	8.54E-02
SNORA38	-0.12	5.55E-01	0.34	8.54E-02
AC011239.1	-0.15	4.57E-01	0.34	8.57E-02
AC090617.1	-0.31	1.06E-01	-0.34	8.57E-02
CMKLR1	0.01	9.46E-01	0.34	8.57E-02
CTA-384D8.35	0.27	1.67E-01	0.34	8.57E-02
EGFEM1P	-0.41	2.89E-02	-0.34	8.57E-02
FA2H	-0.15	4.39E-01	-0.34	8.57E-02
HERC6	0.37	5.37E-02	0.34	8.57E-02
MBNL2	-0.11	5.69E-01	-0.34	8.57E-02
RNU6-322P	0.14	4.78E-01	0.34	8.57E-02
KBTBD6	0.09	6.41E-01	-0.34	8.60E-02
CHL1	0.18	3.48E-01	0.34	8.60E-02
CNOT6LP1	0.16	4.19E-01	0.34	8.60E-02
CTD-2015H6.3	0.05	7.96E-01	0.34	8.60E-02
GYLTL1B	0.13	5.06E-01	0.34	8.60E-02
CPEB1	-0.07	7.27E-01	-0.34	8.63E-02
ELAVL2	-0.22	2.50E-01	0.34	8.63E-02
RNFT1P2	-0.31	1.09E-01	-0.34	8.63E-02
RP11-108M9.3	0.02	9.26E-01	-0.34	8.63E-02
TGFBR2	-0.30	1.25E-01	-0.34	8.63E-02
TRPM2-AS	0.32	9.93E-02	0.34	8.63E-02
VENTX	-0.10	6.12E-01	0.34	8.63E-02
C9orf152	-0.30	1.23E-01	-0.34	8.66E-02
DBNL	0.46	1.27E-02	0.34	8.66E-02
EPS8	-0.24	2.28E-01	-0.34	8.66E-02
FTLP14	0.08	7.03E-01	0.34	8.66E-02
MAN1C1	-0.04	8.59E-01	0.34	8.66E-02
PLXNA1	0.33	8.78E-02	0.34	8.66E-02
RP1-28H20.3	0.03	8.67E-01	-0.34	8.66E-02
RP11-336A10.2	-0.17	3.98E-01	-0.34	8.66E-02
RP11-797A18.6	-0.09	6.61E-01	-0.34	8.66E-02
SORCS1	-0.16	4.02E-01	-0.34	8.66E-02
CAMK2A	-0.34	7.79E-02	-0.34	8.69E-02
CTD-2621I17.3	0.32	9.30E-02	-0.34	8.69E-02
KCNA5	0.09	6.60E-01	-0.34	8.69E-02
PDGFD	-0.10	6.31E-01	-0.34	8.69E-02
RP1-102H19.7	0.05	7.99E-01	-0.34	8.69E-02
SPATC1L	0.01	9.67E-01	0.34	8.69E-02
TTC32	-0.33	8.32E-02	-0.34	8.69E-02
ZNF823	-0.12	5.35E-01	-0.34	8.69E-02
C4BPB	-0.16	4.22E-01	0.34	8.72E-02

CA11	0.18	3.66E-01	0.34	8.72E-02
FAM153A	-0.15	4.58E-01	-0.34	8.72E-02
G11966	0.24	2.28E-01	0.34	8.72E-02
GNPDA2	0.04	8.38E-01	-0.34	8.72E-02
MIR4296	0.11	5.94E-01	0.34	8.72E-02
MTERF4	0.12	5.36E-01	0.34	8.72E-02
PIWIL4	-0.31	1.06E-01	-0.34	8.72E-02
TIGD7	0.19	3.41E-01	-0.34	8.72E-02
XLOC_007690	-0.14	4.80E-01	-0.34	8.72E-02
XLOC_014082	0.11	5.75E-01	0.34	8.72E-02
C2orf40	0.13	5.08E-01	-0.34	8.76E-02
CMB9-55A18.1	-0.11	5.60E-01	-0.34	8.76E-02
CPEB3_ribozyme	-0.09	6.53E-01	-0.34	8.76E-02
CTA-747E2.10	-0.43	2.22E-02	-0.34	8.76E-02
RP11-365F18.6	0.14	4.87E-01	-0.34	8.76E-02
RP11-478C6.4	-0.09	6.56E-01	-0.34	8.76E-02
RP11-535M15.2	0.03	8.85E-01	-0.34	8.76E-02
SOCS6	0.09	6.55E-01	-0.34	8.76E-02
TNNI2	-0.30	1.21E-01	-0.34	8.76E-02
DOT1L	0.18	3.56E-01	0.34	8.76E-02
GPR108	0.31	1.03E-01	0.34	8.76E-02
LHPP	0.25	2.03E-01	0.34	8.76E-02
AF127577.8	-0.15	4.34E-01	0.33	8.79E-02
DMBT1P1	-0.27	1.59E-01	-0.33	8.79E-02
ERN1	0.18	3.58E-01	0.33	8.79E-02
G11316	0.18	3.60E-01	-0.33	8.79E-02
KLF12	0.19	3.43E-01	-0.33	8.79E-02
RP11-439H13.2	-0.01	9.67E-01	-0.33	8.79E-02
RP11-864I4.1	0.07	7.36E-01	0.33	8.79E-02
RP5-884M6.1	-0.04	8.46E-01	0.33	8.79E-02
SOX21	-0.07	7.22E-01	0.33	8.79E-02
WIPI2	0.17	3.92E-01	0.33	8.79E-02
ZBTB16	-0.22	2.54E-01	-0.33	8.79E-02
EXOC6B	-0.28	1.53E-01	-0.33	8.82E-02
RP11-267J23.1	0.17	3.89E-01	-0.33	8.82E-02
TACC1	-0.32	1.02E-01	-0.33	8.82E-02
TMEM62	0.08	6.73E-01	-0.33	8.82E-02
NXF1	-0.01	9.60E-01	0.33	8.82E-02
RP5-1042K10.13	0.06	7.67E-01	0.33	8.82E-02
AC092066.1	0.04	8.42E-01	-0.33	8.85E-02
CNTNAP3B	-0.24	2.25E-01	-0.33	8.85E-02
DGAT1	0.30	1.16E-01	0.33	8.85E-02
EPB41L4A-AS2	0.43	2.35E-02	0.33	8.85E-02
HCAR2	-0.07	7.36E-01	0.33	8.85E-02
PER1	-0.12	5.41E-01	-0.33	8.85E-02
SH3TC1	0.08	6.98E-01	0.33	8.85E-02
ZNF461	-0.21	2.91E-01	-0.33	8.85E-02

ZNF626	0.05	8.03E-01	-0.33	8.85E-02
EEA1	0.15	4.46E-01	-0.33	8.88E-02
GRM7	-0.28	1.51E-01	-0.33	8.88E-02
HCFC1R1	0.00	9.83E-01	0.33	8.88E-02
KIAA1143	0.05	8.14E-01	-0.33	8.88E-02
MAB21L1	0.13	4.95E-01	-0.33	8.88E-02
SNORD123	0.33	8.48E-02	0.33	8.88E-02
TBKBP1	0.09	6.64E-01	0.33	8.88E-02
TMEM86A	0.33	8.62E-02	0.33	8.88E-02
TNP1	-0.03	8.99E-01	-0.33	8.88E-02
XLOC_011533	-0.05	7.99E-01	-0.33	8.88E-02
CTD-2547L24.3	0.17	3.89E-01	0.33	8.91E-02
RP4-758J18.2	0.08	6.69E-01	0.33	8.91E-02
AC004381.6	0.13	5.23E-01	-0.33	8.91E-02
AC008074.5	-0.31	1.08E-01	-0.33	8.91E-02
KIAA0408	-0.23	2.37E-01	-0.33	8.91E-02
NCLP1	-0.03	8.77E-01	-0.33	8.91E-02
RP11-126K1.2	0.18	3.68E-01	-0.33	8.91E-02
RP11-800A3.7	-0.16	4.05E-01	-0.33	8.91E-02
SCN4A	-0.02	9.14E-01	-0.33	8.91E-02
TGFB2	0.21	2.87E-01	-0.33	8.91E-02
C17orf104	-0.15	4.53E-01	-0.33	8.94E-02
CTC-558O2.1	0.15	4.38E-01	-0.33	8.94E-02
MIR331	-0.02	9.10E-01	-0.33	8.94E-02
OPCML	-0.33	8.32E-02	-0.33	8.94E-02
PM20D2	-0.01	9.53E-01	-0.33	8.94E-02
RP1-228H13.5	0.22	2.59E-01	0.33	8.94E-02
SLC36A4	0.08	6.90E-01	-0.33	8.94E-02
TUBBP5	0.11	5.92E-01	0.33	8.94E-02
URB1-AS1	-0.12	5.52E-01	0.33	8.94E-02
AC019048.1	0.00	9.85E-01	-0.33	8.97E-02
IGFALS	0.12	5.41E-01	-0.33	8.97E-02
RP1-234P15.4	0.09	6.36E-01	-0.33	8.97E-02
RP11-435J9.2	0.10	6.25E-01	-0.33	8.97E-02
CCDC106	0.10	6.03E-01	0.33	8.97E-02
DOK1	0.28	1.52E-01	0.33	8.97E-02
G2584	0.21	2.89E-01	0.33	8.97E-02
LA16c-390H2.4	-0.01	9.69E-01	0.33	8.97E-02
RP11-435F17.3	-0.08	6.81E-01	0.33	8.97E-02
RP11-805J14.3	-0.23	2.38E-01	0.33	8.97E-02
TRAV17	-0.20	3.05E-01	0.33	8.97E-02
ADGRF2	-0.10	6.17E-01	-0.33	9.00E-02
CECR6	0.00	9.80E-01	-0.33	9.00E-02
CYB561A3	-0.19	3.36E-01	-0.33	9.00E-02
RNU6-742P	0.04	8.44E-01	-0.33	9.00E-02
RP11-158L12.4	0.00	9.94E-01	-0.33	9.00E-02
RP4-669K10.8	0.18	3.57E-01	-0.33	9.00E-02

ZNF175	0.15	4.42E-01	-0.33	9.00E-02
ZNF91	-0.05	7.87E-01	-0.33	9.00E-02
AC093609.1	-0.13	5.19E-01	0.33	9.00E-02
CD40	0.05	8.17E-01	0.33	9.00E-02
ENKD1	-0.09	6.58E-01	0.33	9.00E-02
GSTA4	0.23	2.37E-01	0.33	9.00E-02
EPSTI1	0.27	1.62E-01	0.33	9.03E-02
GTF2IRD2B	0.10	6.01E-01	-0.33	9.03E-02
RAB11B-AS1	0.12	5.51E-01	0.33	9.03E-02
RND1	0.39	4.14E-02	0.33	9.03E-02
RP11-379B8.1	-0.02	9.23E-01	-0.33	9.03E-02
TASP1	-0.17	3.89E-01	-0.33	9.03E-02
ATOH8	-0.14	4.83E-01	-0.33	9.07E-02
CLCC1	-0.07	7.17E-01	-0.33	9.07E-02
FST	-0.23	2.32E-01	-0.33	9.07E-02
GSPT2	0.01	9.46E-01	-0.33	9.07E-02
RP11-503P10.1	0.02	9.11E-01	-0.33	9.07E-02
RP11-799B12.4	-0.26	1.76E-01	-0.33	9.07E-02
ZNF383	-0.21	2.91E-01	-0.33	9.07E-02
GIMAP1	-0.12	5.29E-01	0.33	9.07E-02
HEYL	-0.25	2.01E-01	0.33	9.07E-02
MED18	0.23	2.43E-01	0.33	9.07E-02
PSPH	0.37	5.29E-02	0.33	9.07E-02
RP11-563N6.6	0.04	8.38E-01	0.33	9.07E-02
SLC1A5	0.27	1.72E-01	0.33	9.07E-02
CTD-2526A2.2	-0.19	3.26E-01	-0.33	9.10E-02
G35821	-0.18	3.52E-01	-0.33	9.10E-02
G40767	0.16	4.08E-01	-0.33	9.10E-02
HS3ST5	-0.22	2.64E-01	-0.33	9.10E-02
MIR181A2HG	-0.23	2.31E-01	-0.33	9.10E-02
PRKCZ	0.09	6.61E-01	0.33	9.10E-02
RNU6-767P	0.12	5.29E-01	-0.33	9.10E-02
RP5-1142J19.1	0.28	1.46E-01	0.33	9.10E-02
SMIM17	0.21	2.83E-01	-0.33	9.10E-02
TBATA	-0.10	6.01E-01	-0.33	9.10E-02
TMEM108-AS1	-0.22	2.65E-01	0.33	9.10E-02
XYLB	0.02	9.06E-01	-0.33	9.10E-02
RHBDD3	0.39	4.20E-02	0.33	9.13E-02
XLOC_002876	-0.33	8.42E-02	0.33	9.13E-02
XLOC_008719	-0.27	1.67E-01	0.33	9.13E-02
PRLR	0.12	5.55E-01	-0.33	9.13E-02
RP11-494K3.2	-0.03	8.67E-01	-0.33	9.13E-02
TSIX	-0.39	4.29E-02	-0.33	9.13E-02
WI2-1896O14.1	-0.29	1.33E-01	-0.33	9.13E-02
C8orf48	-0.36	6.05E-02	-0.33	9.16E-02
EPHX2	-0.18	3.58E-01	-0.33	9.16E-02
HMG20A	0.24	2.19E-01	0.33	9.16E-02

MIER2	-0.12	5.47E-01	0.33	9.16E-02
NEURL3	0.29	1.28E-01	0.33	9.16E-02
RP11-329N15.3	0.33	9.12E-02	-0.33	9.16E-02
RP11-616K22.1	-0.21	2.72E-01	0.33	9.16E-02
RP11-875O11.3	-0.17	3.77E-01	0.33	9.16E-02
SPR	0.07	7.40E-01	0.33	9.16E-02
TCF25	0.12	5.44E-01	0.33	9.16E-02
TMPRSS13	0.06	7.48E-01	0.33	9.16E-02
ZNF184	0.03	8.73E-01	-0.33	9.16E-02
ZNF92P3	-0.30	1.15E-01	-0.33	9.16E-02
CASC18	0.02	9.16E-01	0.33	9.19E-02
CTD-2104P17.2	-0.32	9.56E-02	-0.33	9.19E-02
CTD-2179L22.1	-0.13	5.25E-01	0.33	9.19E-02
DNAJC19P5	-0.07	7.30E-01	-0.33	9.19E-02
GNMT	-0.19	3.21E-01	-0.33	9.19E-02
KB-1615E4.2	-0.15	4.41E-01	0.33	9.19E-02
MFSD6	-0.16	4.05E-01	-0.33	9.19E-02
MVP	0.15	4.34E-01	0.33	9.19E-02
NCBP3	-0.10	6.00E-01	-0.33	9.19E-02
RASAL1	0.21	2.93E-01	0.33	9.19E-02
RP11-188P20.3	-0.10	6.23E-01	-0.33	9.19E-02
USP31	0.04	8.37E-01	-0.33	9.19E-02
ADIRF-AS1	-0.18	3.70E-01	-0.33	9.22E-02
DUOX2	0.27	1.60E-01	0.33	9.22E-02
FAR2	-0.28	1.46E-01	-0.33	9.22E-02
FNTB	0.06	7.79E-01	0.33	9.22E-02
FSD1	0.19	3.27E-01	0.33	9.22E-02
HIGD1AP18	-0.08	6.94E-01	-0.33	9.22E-02
IL10	0.04	8.40E-01	0.33	9.22E-02
KCNJ2-AS1	0.17	3.80E-01	0.33	9.22E-02
MYO1F	0.21	2.88E-01	0.33	9.22E-02
NCDN	0.21	2.92E-01	0.33	9.22E-02
PLK1	0.22	2.55E-01	0.33	9.22E-02
RP11-409K20.7	0.00	9.93E-01	0.33	9.22E-02
ST3GAL2	0.05	7.85E-01	0.33	9.22E-02
AP001258.4	0.22	2.56E-01	-0.33	9.26E-02
BPHL	-0.16	4.25E-01	-0.33	9.26E-02
RNASE13	-0.11	5.86E-01	-0.33	9.26E-02
RP11-141C7.5	-0.55	2.53E-03	-0.33	9.26E-02
RP11-147L13.8	-0.15	4.46E-01	-0.33	9.26E-02
AZGP1P1	0.08	7.03E-01	0.33	9.26E-02
HMHA1	0.23	2.33E-01	0.33	9.26E-02
HSPD1P2	0.22	2.71E-01	0.33	9.26E-02
RP11-159F24.6	0.10	6.27E-01	0.33	9.26E-02
RP11-398B16.2	0.21	2.84E-01	0.33	9.26E-02
RP11-505K9.1	0.04	8.32E-01	0.33	9.26E-02
TEKT4P2	0.08	6.68E-01	0.33	9.26E-02

TOX2	-0.28	1.48E-01	0.33	9.26E-02
ADAMTS4	0.28	1.50E-01	0.33	9.29E-02
LINC01159	0.29	1.32E-01	0.33	9.29E-02
PAFAH1B3	0.12	5.56E-01	0.33	9.29E-02
PHF6	0.09	6.60E-01	0.33	9.29E-02
SNORD85	-0.02	9.23E-01	0.33	9.29E-02
SPNS2	0.29	1.34E-01	0.33	9.29E-02
UPF2	0.04	8.58E-01	0.33	9.29E-02
CTC-422A18.2	0.35	6.44E-02	-0.33	9.29E-02
RP11-367N14.2	-0.12	5.44E-01	-0.33	9.29E-02
SYBU	-0.30	1.20E-01	-0.33	9.29E-02
XLOC_012849	-0.14	4.73E-01	-0.33	9.29E-02
AZGP1	-0.01	9.63E-01	0.33	9.32E-02
MKNK1	0.24	2.26E-01	0.33	9.32E-02
MYO10	-0.20	3.03E-01	0.33	9.32E-02
NAAA	0.31	1.09E-01	0.33	9.32E-02
SLC15A3	0.00	9.83E-01	0.33	9.32E-02
EXOC1	-0.18	3.68E-01	-0.33	9.32E-02
ISM2	-0.04	8.50E-01	-0.33	9.32E-02
POLA1	-0.12	5.29E-01	-0.33	9.32E-02
ZNF706	-0.12	5.29E-01	-0.33	9.32E-02
AB019441.29	0.31	1.12E-01	-0.33	9.35E-02
AC009274.6	-0.21	2.73E-01	-0.33	9.35E-02
CTD-2303H24.2	0.26	1.89E-01	0.33	9.35E-02
EDIL3	-0.09	6.61E-01	-0.33	9.35E-02
ELP6	0.32	9.39E-02	0.33	9.35E-02
RNF185	-0.03	8.90E-01	0.33	9.35E-02
RNU6-1143P	0.00	9.81E-01	0.33	9.35E-02
RNU6-846P	0.08	6.97E-01	-0.33	9.35E-02
RP11-357H14.16	-0.10	6.01E-01	0.33	9.35E-02
RP11-461L13.4	-0.09	6.37E-01	-0.33	9.35E-02
RP11-665E10.4	0.16	4.14E-01	-0.33	9.35E-02
RP11-7F17.3	-0.42	2.43E-02	-0.33	9.35E-02
SV2B	-0.38	4.37E-02	-0.33	9.35E-02
GGT1	0.04	8.37E-01	0.33	9.39E-02
HRNR	0.24	2.23E-01	0.33	9.39E-02
NANOGP5	0.01	9.79E-01	0.33	9.39E-02
PRPF40B	0.03	8.68E-01	0.33	9.39E-02
RIPK3	-0.15	4.44E-01	0.33	9.39E-02
SLC22A3	0.22	2.70E-01	0.33	9.39E-02
NXNL2	-0.22	2.58E-01	-0.33	9.39E-02
AC007255.8	-0.07	7.25E-01	0.33	9.42E-02
ARIH2OS	0.16	4.24E-01	0.33	9.42E-02
INA	0.18	3.57E-01	0.33	9.42E-02
ITGAX	0.00	9.85E-01	0.33	9.42E-02
MED29	0.36	5.64E-02	0.33	9.42E-02
TREML1	-0.04	8.52E-01	0.33	9.42E-02

<b>C11orf42</b>	-0.27	1.60E-01	-0.33	9.42E-02
<b>DCBLD2</b>	-0.05	8.19E-01	-0.33	9.42E-02
<b>MAP3K7</b>	0.13	4.98E-01	-0.33	9.42E-02
<b>RP11-646I6.5</b>	-0.24	2.11E-01	-0.33	9.42E-02
<b>RPL5P30</b>	-0.09	6.34E-01	-0.33	9.42E-02
<b>AC005740.6</b>	-0.05	7.84E-01	-0.33	9.45E-02
<b>BRD1</b>	-0.29	1.36E-01	-0.33	9.45E-02
<b>CD38</b>	0.26	1.77E-01	0.33	9.45E-02
<b>CEP164P1</b>	0.08	6.69E-01	-0.33	9.45E-02
<b>RNASE7</b>	0.18	3.55E-01	0.33	9.45E-02
<b>RP11-196O2.1</b>	-0.29	1.32E-01	-0.33	9.45E-02
<b>RP11-436M15.3</b>	0.17	3.78E-01	-0.33	9.45E-02
<b>RP11-463C14.1</b>	-0.08	6.93E-01	-0.33	9.45E-02
<b>SLC29A1</b>	-0.03	8.74E-01	-0.33	9.45E-02
<b>ADAT3</b>	-0.21	2.95E-01	0.33	9.48E-02
<b>ADD3-AS1</b>	-0.06	7.43E-01	-0.33	9.48E-02
<b>ANXA3</b>	0.09	6.55E-01	-0.33	9.48E-02
<b>BAAT</b>	0.05	7.95E-01	-0.33	9.48E-02
<b>C9orf172</b>	0.07	7.28E-01	0.33	9.48E-02
<b>CCP110</b>	-0.35	6.48E-02	-0.33	9.48E-02
<b>CYB5D2</b>	0.05	7.92E-01	0.33	9.48E-02
<b>RP11-154F14.2</b>	-0.56	1.98E-03	-0.33	9.48E-02
<b>RP11-384B12.2</b>	0.10	6.05E-01	-0.33	9.48E-02
<b>RP11-556I13.2</b>	0.33	9.09E-02	0.33	9.48E-02
<b>STK24-AS1</b>	0.04	8.46E-01	0.33	9.48E-02
<b>U3</b>	-0.39	4.21E-02	0.33	9.48E-02
<b>ART3</b>	0.01	9.49E-01	-0.33	9.52E-02
<b>CTC-327F10.1</b>	-0.09	6.44E-01	-0.33	9.52E-02
<b>FUT10</b>	-0.12	5.44E-01	-0.33	9.52E-02
<b>GPC5</b>	0.09	6.59E-01	-0.33	9.52E-02
<b>RP13-476E20.1</b>	-0.44	1.81E-02	-0.33	9.52E-02
<b>CDC25B</b>	0.23	2.41E-01	0.33	9.52E-02
<b>G39827</b>	0.21	2.93E-01	0.33	9.52E-02
<b>TBC1D22A</b>	0.21	2.89E-01	0.33	9.52E-02
<b>AP000679.2</b>	-0.14	4.90E-01	-0.33	9.55E-02
<b>ARHGEF2</b>	0.18	3.64E-01	0.33	9.55E-02
<b>CTC-444N24.8</b>	-0.01	9.55E-01	-0.33	9.55E-02
<b>EAF1-AS1</b>	0.06	7.66E-01	-0.33	9.55E-02
<b>HNRNPU-AS1</b>	-0.05	8.04E-01	-0.33	9.55E-02
<b>LINC00294</b>	0.05	7.87E-01	0.33	9.55E-02
<b>RP11-157K17.5</b>	-0.13	5.08E-01	-0.33	9.55E-02
<b>RP11-302K17.4</b>	0.01	9.61E-01	-0.33	9.55E-02
<b>RP11-523H24.3</b>	-0.09	6.56E-01	-0.33	9.55E-02
<b>SDHDP6</b>	0.01	9.65E-01	-0.33	9.55E-02
<b>SNORD6</b>	0.13	5.00E-01	-0.33	9.55E-02
<b>THAP2</b>	0.26	1.85E-01	0.33	9.55E-02
<b>TMEM178B</b>	-0.20	3.05E-01	-0.33	9.55E-02



TTC5	-0.14	4.86E-01	-0.33	9.55E-02
ZNF283	0.26	1.87E-01	-0.33	9.55E-02
ZNF530	-0.15	4.58E-01	-0.33	9.55E-02
CENPH	0.06	7.59E-01	-0.33	9.58E-02
LRIT2	-0.06	7.64E-01	-0.33	9.58E-02
MIR4500HG	-0.11	5.84E-01	-0.33	9.58E-02
PPIL4	0.06	7.51E-01	-0.33	9.58E-02
RNU7-151P	0.04	8.21E-01	-0.33	9.58E-02
RP11-113K21.4	-0.13	5.01E-01	-0.33	9.58E-02
ZNF704	-0.24	2.23E-01	-0.33	9.58E-02
CDKL5	-0.03	8.70E-01	0.33	9.58E-02
FPGS	0.02	9.33E-01	0.33	9.58E-02
IST1	0.35	7.03E-02	0.33	9.58E-02
PODNL1	-0.08	6.93E-01	0.33	9.58E-02
SLC30A4	0.10	6.08E-01	0.33	9.58E-02
TPD52L1	0.17	3.98E-01	0.33	9.58E-02
TRAV16	-0.15	4.57E-01	0.33	9.58E-02
XXcos-LUCA16.1	-0.02	9.20E-01	0.33	9.58E-02
ANTXR1	0.13	5.16E-01	0.33	9.61E-02
APOC1	-0.02	9.10E-01	-0.33	9.61E-02
CCDC144NL-AS1	0.00	9.85E-01	0.33	9.61E-02
CDH7	0.07	7.40E-01	-0.33	9.61E-02
CTB-131K11.1	-0.09	6.38E-01	-0.33	9.61E-02
GFOD2	0.39	4.28E-02	0.33	9.61E-02
IL32	0.38	4.46E-02	0.33	9.61E-02
LRRN4CL	-0.29	1.30E-01	-0.33	9.61E-02
RAPSN	-0.07	7.36E-01	-0.33	9.61E-02
RP1-34H18.1	-0.27	1.60E-01	-0.33	9.61E-02
RP11-156E8.1	-0.04	8.37E-01	-0.33	9.61E-02
RPS15AP12	0.09	6.52E-01	-0.33	9.61E-02
SMCO3	-0.24	2.24E-01	-0.33	9.61E-02
TM4SF20	0.08	6.89E-01	-0.33	9.61E-02
ZNF552	0.35	6.87E-02	0.33	9.61E-02
AP000692.10	0.12	5.52E-01	0.33	9.65E-02
GINS3	0.20	3.11E-01	0.33	9.65E-02
MAN1B1-AS1	0.22	2.58E-01	0.33	9.65E-02
MCAM	0.28	1.45E-01	0.33	9.65E-02
MOB3A	0.11	5.88E-01	0.33	9.65E-02
PXDN	-0.09	6.55E-01	0.33	9.65E-02
XLOC_014397	-0.04	8.22E-01	0.33	9.65E-02
RNU6-1284P	-0.01	9.61E-01	-0.33	9.65E-02
RP11-359M6.1	-0.15	4.38E-01	-0.33	9.65E-02
RP11-459O16.1	-0.23	2.35E-01	-0.33	9.65E-02
RP11-485M7.2	0.02	9.37E-01	-0.33	9.65E-02
CC2D1A	0.18	3.57E-01	0.33	9.68E-02
FABP7P1	-0.51	5.35E-03	0.33	9.68E-02
KLHDC8B	0.04	8.57E-01	0.33	9.68E-02

FOXP2	-0.04	8.39E-01	-0.33	9.68E-02
MAP2	-0.30	1.23E-01	-0.33	9.68E-02
MRPS10P2	-0.05	8.12E-01	-0.33	9.68E-02
RALGDS	-0.31	1.12E-01	-0.33	9.68E-02
RC3H1	0.00	9.93E-01	-0.33	9.68E-02
SLC5A8	0.16	4.17E-01	-0.33	9.68E-02
AC004231.2	-0.35	6.70E-02	-0.33	9.71E-02
AZIN1	-0.04	8.44E-01	-0.33	9.71E-02
CR769776.1	-0.44	2.07E-02	0.33	9.71E-02
CTD-3234P18.6	-0.13	5.18E-01	-0.33	9.71E-02
DPYD	0.28	1.50E-01	0.33	9.71E-02
MIR5192	-0.26	1.89E-01	0.33	9.71E-02
MKLN1-AS	-0.08	6.98E-01	0.33	9.71E-02
MMP9	0.41	3.01E-02	0.33	9.71E-02
OR2A01P	-0.30	1.26E-01	-0.33	9.71E-02
PEG3	-0.34	7.24E-02	-0.33	9.71E-02
PLEKHD1	0.14	4.87E-01	-0.33	9.71E-02
PPP1R9B	-0.10	6.00E-01	0.33	9.71E-02
RP11-452H21.4	-0.35	7.10E-02	-0.33	9.71E-02
AC005262.4	0.27	1.67E-01	0.33	9.75E-02
AC124789.1	0.12	5.56E-01	0.33	9.75E-02
SFTPD	0.06	7.49E-01	0.33	9.75E-02
BCKDK	0.29	1.33E-01	0.33	9.78E-02
FAM86DP	0.14	4.93E-01	-0.33	9.78E-02
FEM1A	0.22	2.65E-01	-0.33	9.78E-02
PHF21A	-0.08	6.75E-01	0.33	9.78E-02
RP11-165E7.1	-0.06	7.48E-01	-0.33	9.78E-02
RP11-454K7.1	0.15	4.49E-01	-0.33	9.78E-02
SLC19A3	-0.15	4.60E-01	-0.33	9.78E-02
SLC35G1	0.34	7.44E-02	-0.33	9.78E-02
STXBP5L	-0.03	8.75E-01	-0.33	9.78E-02
TMA16	0.28	1.45E-01	-0.33	9.78E-02
USP24	-0.02	9.31E-01	-0.33	9.78E-02
WDR92	-0.22	2.61E-01	-0.33	9.78E-02
ZNF532	0.08	6.72E-01	0.33	9.78E-02
AC005086.3	-0.07	7.35E-01	0.32	9.81E-02
AC008063.2	-0.17	3.76E-01	0.32	9.81E-02
AC024257.1	0.07	7.29E-01	-0.32	9.81E-02
DMXL2	-0.25	1.99E-01	0.32	9.81E-02
HNF4A	0.06	7.80E-01	-0.32	9.81E-02
PEG10	-0.29	1.38E-01	-0.32	9.81E-02
RN7SKP235	-0.02	9.20E-01	0.32	9.81E-02
SLC25A28	0.32	9.50E-02	0.32	9.81E-02
SPON2	-0.20	3.11E-01	-0.32	9.81E-02
ADGRB1	-0.16	4.29E-01	-0.32	9.85E-02
ALPK2	-0.12	5.43E-01	0.32	9.85E-02
ASH1L	-0.15	4.35E-01	-0.32	9.85E-02

<b>FBXW2</b>	0.26	1.81E-01	0.32	9.85E-02
<b>GOPC</b>	0.09	6.42E-01	-0.32	9.85E-02
<b>LINC00302</b>	0.12	5.33E-01	0.32	9.85E-02
<b>RP11-358B23.6</b>	-0.04	8.39E-01	-0.32	9.85E-02
<b>SAMD9</b>	0.36	5.66E-02	0.32	9.85E-02
<b>ADAM19</b>	0.29	1.38E-01	0.32	9.88E-02
<b>TRABD</b>	0.21	2.83E-01	0.32	9.88E-02
<b>TTC23</b>	0.17	3.83E-01	0.32	9.88E-02
<b>UPP1</b>	0.13	5.11E-01	0.32	9.88E-02
<b>AC006145.4</b>	-0.18	3.59E-01	-0.32	9.88E-02
<b>CLCN5</b>	0.14	4.89E-01	-0.32	9.88E-02
<b>FAM221A</b>	-0.39	3.95E-02	-0.32	9.88E-02
<b>FAM84B</b>	0.20	2.98E-01	-0.32	9.88E-02
<b>RPL23AP58</b>	-0.07	7.15E-01	-0.32	9.88E-02
<b>FES</b>	0.21	2.73E-01	0.32	9.91E-02
<b>KBTBD2</b>	0.23	2.41E-01	0.32	9.91E-02
<b>OSMR</b>	0.20	3.06E-01	0.32	9.91E-02
<b>PEX26</b>	0.25	2.05E-01	0.32	9.91E-02
<b>PPM1M</b>	-0.03	8.74E-01	0.32	9.91E-02
<b>THTPA</b>	0.20	3.13E-01	0.32	9.91E-02
<b>DCC</b>	-0.05	8.02E-01	-0.32	9.91E-02
<b>FBXW11P1</b>	-0.21	2.95E-01	-0.32	9.91E-02
<b>RP11-496I9.1</b>	-0.26	1.83E-01	-0.32	9.91E-02
<b>RP3-466P17.1</b>	-0.07	7.15E-01	-0.32	9.91E-02
<b>SGOL1-AS1</b>	0.17	3.88E-01	-0.32	9.91E-02
<b>SPN</b>	0.30	1.15E-01	0.32	9.95E-02
<b>TBC1D13</b>	0.15	4.41E-01	0.32	9.95E-02
<b>ZFY-AS1</b>	0.30	1.23E-01	0.32	9.95E-02
<b>G39721</b>	-0.26	1.82E-01	-0.32	9.95E-02
<b>GPR89A</b>	0.06	7.66E-01	-0.32	9.95E-02
<b>PARGP1</b>	-0.20	3.18E-01	-0.32	9.95E-02
<b>RP11-121C2.3</b>	-0.04	8.39E-01	-0.32	9.95E-02
<b>RP11-89H19.1</b>	-0.20	3.04E-01	-0.32	9.95E-02
<b>RP4-657D16.3</b>	-0.25	1.93E-01	-0.32	9.95E-02
<b>KCTD12</b>	-0.32	1.01E-01	-0.32	9.98E-02
<b>KRT4</b>	-0.16	4.03E-01	-0.32	9.98E-02
<b>METTL25</b>	0.06	7.77E-01	-0.32	9.98E-02
<b>PI4K2B</b>	0.30	1.21E-01	-0.32	9.98E-02
<b>RNU6-1091P</b>	0.10	6.08E-01	-0.32	9.98E-02
<b>RNU6-433P</b>	-0.29	1.30E-01	-0.32	9.98E-02
<b>RP11-478C6.1</b>	-0.19	3.26E-01	-0.32	9.98E-02
<b>RP11-84C10.1</b>	0.15	4.39E-01	-0.32	9.98E-02
<b>RP5-966M1.7</b>	-0.13	5.18E-01	-0.32	9.98E-02
<b>APOL3</b>	0.06	7.76E-01	0.32	9.98E-02
<b>COMP</b>	-0.04	8.23E-01	0.32	9.98E-02
<b>PINK1</b>	0.01	9.74E-01	0.32	9.98E-02
<b>RP11-372B4.3</b>	0.26	1.82E-01	0.32	9.98E-02

SPRY2	0.00	9.96E-01	0.32	9.98E-02
TCP11L1	-0.15	4.57E-01	0.32	9.98E-02
TMEM37	0.38	4.49E-02	0.32	9.98E-02
ADAM10	0.20	2.98E-01	0.32	1.00E-01
C2orf15	0.10	6.26E-01	-0.32	1.00E-01
NOS3	0.08	7.04E-01	-0.32	1.00E-01
RP11-687F6.5	0.40	3.45E-02	-0.32	1.00E-01
SMARCAL1	0.15	4.42E-01	0.32	1.00E-01
TDRD5	-0.32	9.87E-02	-0.32	1.00E-01
TMEM190	-0.18	3.65E-01	0.32	1.00E-01
AC105398.3	-0.10	6.06E-01	-0.32	1.00E-01
NDUFA4L2	0.14	4.82E-01	0.32	1.00E-01
PPP2R4	0.14	4.76E-01	0.32	1.00E-01
RP11-107M16.2	0.05	7.97E-01	-0.32	1.00E-01
RP11-791G16.2	-0.25	2.04E-01	-0.32	1.00E-01
RP11-855A2.5	-0.18	3.60E-01	0.32	1.00E-01
AJAP1	0.26	1.89E-01	0.32	1.01E-01
ANKRD12	-0.30	1.17E-01	-0.32	1.01E-01
GCSAM	-0.23	2.43E-01	-0.32	1.01E-01
INADL	-0.23	2.43E-01	-0.32	1.01E-01
REP15	-0.10	6.19E-01	-0.32	1.01E-01
RP11-148L24.1	-0.30	1.20E-01	-0.32	1.01E-01
RP11-296E7.1	-0.15	4.57E-01	-0.32	1.01E-01
SCAANT1	0.11	5.87E-01	-0.32	1.01E-01
SOX21-AS1	0.32	9.71E-02	0.32	1.01E-01
TMEM30C	-0.10	6.13E-01	-0.32	1.01E-01
AC022819.2	-0.02	9.32E-01	0.32	1.01E-01
AL590762.10	-0.39	4.21E-02	-0.32	1.01E-01
ARMCX3	-0.22	2.65E-01	-0.32	1.01E-01
CTD-2553L13.4	0.21	2.81E-01	0.32	1.01E-01
PIFO	-0.26	1.88E-01	-0.32	1.01E-01
RHBDD2	0.28	1.51E-01	0.32	1.01E-01
SESN3	0.09	6.42E-01	0.32	1.01E-01
TRIM73	0.24	2.17E-01	-0.32	1.01E-01
XLOC_013914	-0.17	3.94E-01	-0.32	1.01E-01
ATP5F1P7	-0.33	8.18E-02	-0.32	1.02E-01
C1orf132	-0.06	7.55E-01	-0.32	1.02E-01
FAM120C	-0.04	8.36E-01	-0.32	1.02E-01
FASLG	0.01	9.42E-01	0.32	1.02E-01
LHFPL3	-0.28	1.47E-01	-0.32	1.02E-01
LINC00641	-0.19	3.29E-01	-0.32	1.02E-01
OGN	-0.12	5.47E-01	-0.32	1.02E-01
PPEF1	-0.14	4.65E-01	-0.32	1.02E-01
RP1-292B18.1	0.26	1.78E-01	0.32	1.02E-01
RP11-411B10.8	-0.03	8.73E-01	-0.32	1.02E-01
RP11-651P23.2	-0.17	3.77E-01	-0.32	1.02E-01
RP11-839G9.1	-0.13	5.23E-01	-0.32	1.02E-01

RP4-635A23.4	0.00	9.93E-01	0.32	1.02E-01
ADAMTS9-AS1	0.00	9.85E-01	-0.32	1.02E-01
CCT6P1	0.02	9.09E-01	-0.32	1.02E-01
EPS15	-0.06	7.69E-01	-0.32	1.02E-01
FAM167B	0.19	3.39E-01	0.32	1.02E-01
G11672	-0.04	8.38E-01	-0.32	1.02E-01
LCN2	0.28	1.47E-01	0.32	1.02E-01
LLNLF-158E9.1	-0.01	9.50E-01	-0.32	1.02E-01
MUT	0.04	8.50E-01	-0.32	1.02E-01
MYBL1	-0.04	8.26E-01	-0.32	1.02E-01
PLEKHA7	0.24	2.18E-01	0.32	1.02E-01
RNA5SP345	-0.02	9.14E-01	-0.32	1.02E-01
RP11-646I6.6	-0.13	4.99E-01	-0.32	1.02E-01
RTTN	-0.19	3.40E-01	-0.32	1.02E-01
SEC24B-AS1	-0.11	5.82E-01	-0.32	1.02E-01
SEMA3D	-0.31	1.14E-01	-0.32	1.02E-01
SETP20	-0.12	5.53E-01	-0.32	1.02E-01
WDR78	-0.26	1.90E-01	-0.32	1.02E-01
AGAP1-IT1	-0.02	9.33E-01	-0.32	1.02E-01
CH507-9B2.5	0.11	5.79E-01	0.32	1.02E-01
EPM2AIP1	0.03	8.99E-01	-0.32	1.02E-01
GPD1	-0.07	7.38E-01	-0.32	1.02E-01
KCNK10	0.07	7.07E-01	0.32	1.02E-01
ZDHHC15	-0.11	5.71E-01	-0.32	1.02E-01
C21orf91	0.13	4.93E-01	0.32	1.03E-01
CD3E	0.25	1.98E-01	0.32	1.03E-01
CTD-2129N1.1	0.53	4.05E-03	-0.32	1.03E-01
G39617	0.13	5.03E-01	-0.32	1.03E-01
IGHG1	0.43	2.27E-02	0.32	1.03E-01
LRRCC1	-0.50	6.89E-03	-0.32	1.03E-01
MBOAT7	0.24	2.27E-01	0.32	1.03E-01
MOK	-0.29	1.32E-01	-0.32	1.03E-01
SLFNL1	-0.19	3.32E-01	-0.32	1.03E-01
SRD5A2	-0.05	8.04E-01	0.32	1.03E-01
SV2C	-0.17	3.75E-01	0.32	1.03E-01
TTC19	0.17	3.74E-01	-0.32	1.03E-01
VHL	0.33	8.37E-02	0.32	1.03E-01
CDKL2	-0.27	1.68E-01	-0.32	1.03E-01
DNAJC4	-0.21	2.74E-01	0.32	1.03E-01
EHHADH	0.14	4.76E-01	0.32	1.03E-01
G5265	-0.48	1.03E-02	-0.32	1.03E-01
HORMAD2-AS1	-0.08	6.77E-01	-0.32	1.03E-01
IL13RA1	0.29	1.39E-01	0.32	1.03E-01
MEIOB	0.03	8.70E-01	-0.32	1.03E-01
MMRN2	-0.11	5.60E-01	-0.32	1.03E-01
RP11-686O6.1	-0.14	4.93E-01	-0.32	1.03E-01
UCA1	0.08	6.92E-01	0.32	1.03E-01

<b>C9orf41-AS1</b>	0.02	9.04E-01	-0.32	1.03E-01
<b>CFAP99</b>	-0.04	8.28E-01	0.32	1.03E-01
<b>CLVS2</b>	-0.06	7.58E-01	-0.32	1.03E-01
<b>DIO3</b>	0.27	1.68E-01	-0.32	1.03E-01
<b>GYG2</b>	-0.41	2.95E-02	-0.32	1.03E-01
<b>KRT6A</b>	0.20	3.00E-01	0.32	1.03E-01
<b>LINC00238</b>	-0.32	9.74E-02	-0.32	1.03E-01
<b>OOEP</b>	0.21	2.90E-01	0.32	1.03E-01
<b>RP11-468E2.5</b>	-0.05	8.11E-01	0.32	1.03E-01
<b>SP8</b>	-0.12	5.41E-01	-0.32	1.03E-01
<b>AC022007.5</b>	-0.21	2.89E-01	-0.32	1.04E-01
<b>CTD-2047H16.3</b>	0.05	8.15E-01	0.32	1.04E-01
<b>FAM76B</b>	-0.07	7.38E-01	-0.32	1.04E-01
<b>HIVEP1</b>	-0.34	7.44E-02	-0.32	1.04E-01
<b>KLHDC7B</b>	0.26	1.89E-01	0.32	1.04E-01
<b>PTPRM</b>	-0.43	2.22E-02	-0.32	1.04E-01
<b>RP11-399O19.9</b>	-0.16	4.21E-01	-0.32	1.04E-01
<b>SPEF2</b>	0.01	9.64E-01	-0.32	1.04E-01
<b>SRY</b>	0.26	1.78E-01	0.32	1.04E-01
<b>ZNF528-AS1</b>	-0.40	3.66E-02	-0.32	1.04E-01
<b>AADAACL2</b>	-0.19	3.41E-01	-0.32	1.04E-01
<b>CACNA1E</b>	0.06	7.70E-01	-0.32	1.04E-01
<b>CNGA1</b>	-0.26	1.74E-01	-0.32	1.04E-01
<b>CORO1B</b>	0.26	1.74E-01	0.32	1.04E-01
<b>ETHE1</b>	0.42	2.68E-02	0.32	1.04E-01
<b>FCF1P5</b>	-0.01	9.67E-01	-0.32	1.04E-01
<b>PCF11</b>	-0.15	4.60E-01	-0.32	1.04E-01
<b>PLA2G7</b>	-0.08	6.73E-01	-0.32	1.04E-01
<b>RP11-342I1.2</b>	-0.11	5.68E-01	-0.32	1.04E-01
<b>RP11-473M20.11</b>	-0.24	2.24E-01	0.32	1.04E-01
<b>TPM3P9</b>	-0.13	5.22E-01	-0.32	1.04E-01
<b>UBXN10</b>	-0.06	7.69E-01	-0.32	1.04E-01
<b>AC002451.3</b>	-0.16	4.15E-01	-0.32	1.04E-01
<b>DNM1P35</b>	-0.13	5.14E-01	-0.32	1.04E-01
<b>ORC4</b>	-0.07	7.26E-01	-0.32	1.04E-01
<b>RP11-509J21.4</b>	-0.19	3.25E-01	-0.32	1.04E-01
<b>RPGR</b>	-0.02	9.08E-01	-0.32	1.04E-01
<b>KXbac-B476C20.13</b>	-0.05	7.85E-01	-0.32	1.04E-01
<b>FAM65C</b>	0.14	4.79E-01	0.32	1.04E-01
<b>FAM84A</b>	0.30	1.18E-01	0.32	1.04E-01
<b>SFXN5</b>	0.26	1.79E-01	0.32	1.04E-01
<b>ZNF354A</b>	0.09	6.47E-01	0.32	1.04E-01
<b>DOK6</b>	-0.35	6.44E-02	-0.32	1.05E-01
<b>PPP3CC</b>	-0.11	5.77E-01	-0.32	1.05E-01
<b>RP11-311F12.2</b>	-0.06	7.72E-01	0.32	1.05E-01
<b>RP11-85K15.3</b>	0.03	8.87E-01	-0.32	1.05E-01
<b>SPESP1</b>	-0.21	2.89E-01	0.32	1.05E-01

WDR31	-0.11	5.87E-01	0.32	1.05E-01
ADM2	0.17	4.00E-01	0.32	1.05E-01
ALDH3A2	-0.23	2.31E-01	-0.32	1.05E-01
C17orf75	0.17	3.86E-01	0.32	1.05E-01
C2orf48	0.00	9.80E-01	-0.32	1.05E-01
CSNK1G2P1	-0.28	1.47E-01	0.32	1.05E-01
G36147	-0.14	4.78E-01	-0.32	1.05E-01
GAA	0.31	1.11E-01	0.32	1.05E-01
GABBR2	0.19	3.23E-01	0.32	1.05E-01
IDE	0.02	9.24E-01	0.32	1.05E-01
IGKV2-24	-0.11	5.91E-01	-0.32	1.05E-01
IKBKGP1	-0.10	6.27E-01	0.32	1.05E-01
LINC01133	-0.04	8.26E-01	-0.32	1.05E-01
MAEL	-0.05	7.86E-01	-0.32	1.05E-01
RP11-191A15.1	-0.12	5.50E-01	-0.32	1.05E-01
UBL5P2	-0.27	1.63E-01	-0.32	1.05E-01
ZNF646	0.16	4.13E-01	0.32	1.05E-01
CARD11	0.19	3.30E-01	0.32	1.05E-01
CTD-3222D19.8	0.11	5.77E-01	-0.32	1.05E-01
CYP2W1	-0.26	1.88E-01	-0.32	1.05E-01
DDX3Y	0.29	1.29E-01	0.32	1.05E-01
GAS6-AS2	0.28	1.51E-01	0.32	1.05E-01
GATA6	-0.24	2.18E-01	-0.32	1.05E-01
IRAK4	-0.04	8.54E-01	0.32	1.05E-01
MTSS1	0.31	1.05E-01	0.32	1.05E-01
NKIRAS2	0.34	7.79E-02	0.32	1.05E-01
PLPP4	-0.15	4.55E-01	-0.32	1.05E-01
RN7SL608P	0.10	6.08E-01	-0.32	1.05E-01
RP11-242D8.3	-0.20	2.98E-01	-0.32	1.05E-01
SLC22A16	-0.22	2.51E-01	0.32	1.05E-01
TCHH	-0.09	6.60E-01	0.32	1.05E-01
XLOC_003809	0.29	1.31E-01	0.32	1.05E-01
ZNF772	0.17	3.96E-01	-0.32	1.05E-01
APLN	0.15	4.43E-01	-0.32	1.06E-01
ARHGAP12	-0.26	1.90E-01	-0.32	1.06E-01
ARHGAP5-AS1	0.24	2.28E-01	0.32	1.06E-01
BEND6	-0.23	2.44E-01	0.32	1.06E-01
CCRL2	0.08	6.80E-01	0.32	1.06E-01
CDC42BPA	-0.23	2.47E-01	-0.32	1.06E-01
CRADD	0.08	6.77E-01	0.32	1.06E-01
CSNK1A1P1	0.08	6.79E-01	-0.32	1.06E-01
IRS2	-0.14	4.82E-01	-0.32	1.06E-01
MIR221	0.09	6.55E-01	0.32	1.06E-01
PSTPIP2	0.35	6.66E-02	0.32	1.06E-01
RP11-777F6.3	-0.09	6.60E-01	-0.32	1.06E-01
SH2D3C	-0.08	6.73E-01	0.32	1.06E-01
WDR45	0.25	2.01E-01	0.32	1.06E-01

<b>XLOC_012720</b>	-0.02	9.36E-01	-0.32	1.06E-01
<b>AC012074.2</b>	-0.08	6.72E-01	-0.32	1.06E-01
<b>CTD-2270N23.1</b>	-0.01	9.50E-01	-0.32	1.06E-01
<b>CXCR3</b>	0.20	3.17E-01	0.32	1.06E-01
<b>EIF2A</b>	0.13	4.96E-01	-0.32	1.06E-01
<b>EXOC3L4</b>	0.07	7.13E-01	0.32	1.06E-01
<b>FGD2</b>	0.26	1.83E-01	0.32	1.06E-01
<b>MTCO1P19</b>	0.03	8.77E-01	0.32	1.06E-01
<b>MYO7A</b>	0.02	9.36E-01	0.32	1.06E-01
<b>POU5F1B</b>	0.00	9.83E-01	-0.32	1.06E-01
<b>RNF214</b>	-0.21	2.82E-01	0.32	1.06E-01
<b>RP11-404O13.4</b>	0.10	6.15E-01	0.32	1.06E-01
<b>VGLL4</b>	0.02	9.18E-01	0.32	1.06E-01
<b>AC011997.1</b>	0.14	4.74E-01	-0.32	1.06E-01
<b>CCNT2</b>	-0.27	1.68E-01	-0.32	1.06E-01
<b>CTD-2651B20.4</b>	0.13	5.01E-01	-0.32	1.06E-01
<b>EML3</b>	0.07	7.15E-01	0.32	1.06E-01
<b>LINC00683</b>	-0.04	8.25E-01	0.32	1.06E-01
<b>LINC00689</b>	-0.19	3.26E-01	0.32	1.06E-01
<b>MTCO2P19</b>	0.10	6.12E-01	-0.32	1.06E-01
<b>RP11-192H23.8</b>	-0.11	5.88E-01	-0.32	1.06E-01
<b>RP5-1091N2.9</b>	-0.06	7.79E-01	0.32	1.06E-01
<b>TET3</b>	-0.04	8.26E-01	-0.32	1.06E-01
<b>BHMT2</b>	-0.30	1.27E-01	-0.32	1.07E-01
<b>CHFR</b>	0.11	5.84E-01	0.32	1.07E-01
<b>CTAGE9</b>	0.09	6.37E-01	-0.32	1.07E-01
<b>JMY</b>	0.14	4.78E-01	0.32	1.07E-01
<b>NSMCE4A</b>	-0.13	4.93E-01	-0.32	1.07E-01
<b>RP3-337H4.9</b>	-0.09	6.42E-01	-0.32	1.07E-01
<b>SFTPB</b>	-0.07	7.31E-01	0.32	1.07E-01
<b>SLAMF1</b>	0.20	3.11E-01	0.32	1.07E-01
<b>TRPM8</b>	-0.20	3.12E-01	-0.32	1.07E-01
<b>AF196972.9</b>	0.01	9.63E-01	0.32	1.07E-01
<b>CLHC1</b>	-0.34	7.79E-02	-0.32	1.07E-01
<b>G21027</b>	-0.21	2.82E-01	-0.32	1.07E-01
<b>GS1-204I12.4</b>	0.27	1.69E-01	0.32	1.07E-01
<b>RGS3</b>	0.31	1.08E-01	0.32	1.07E-01
<b>RP11-158M2.6</b>	-0.11	5.66E-01	-0.32	1.07E-01
<b>CSRP2BP</b>	0.04	8.39E-01	-0.32	1.07E-01
<b>CTD-2012J19.1</b>	0.04	8.25E-01	-0.32	1.07E-01
<b>EIF1AX-AS1</b>	-0.25	2.00E-01	-0.32	1.07E-01
<b>G14609</b>	-0.15	4.50E-01	-0.32	1.07E-01
<b>HABP4</b>	-0.33	8.75E-02	-0.32	1.07E-01
<b>RNA5SP141</b>	0.02	9.31E-01	-0.32	1.07E-01
<b>RP11-264B17.3</b>	0.06	7.62E-01	-0.32	1.07E-01
<b>SAMD5</b>	-0.06	7.43E-01	-0.32	1.07E-01
<b>SGSM1</b>	-0.17	3.86E-01	-0.32	1.07E-01



SH3KBP1	0.18	3.57E-01	-0.32	1.07E-01
UGT3A1	-0.02	9.11E-01	-0.32	1.07E-01
USP54	-0.15	4.55E-01	-0.32	1.07E-01
ZXDA	-0.20	3.05E-01	-0.32	1.07E-01
CSNK1G1	0.18	3.70E-01	0.32	1.08E-01
DRAM2	0.28	1.54E-01	0.32	1.08E-01
KCNN3	0.20	2.97E-01	0.32	1.08E-01
LCE2A	0.10	5.95E-01	0.32	1.08E-01
LINC01186	0.13	5.23E-01	-0.32	1.08E-01
RP11-114B7.6	0.14	4.84E-01	0.32	1.08E-01
RP11-523H20.3	-0.29	1.30E-01	0.32	1.08E-01
TDRD6	-0.02	9.32E-01	-0.32	1.08E-01
CTD-2566J3.1	-0.06	7.66E-01	-0.32	1.08E-01
G15152	-0.29	1.33E-01	0.32	1.08E-01
HERC3	0.11	5.94E-01	-0.32	1.08E-01
HFE	0.17	3.90E-01	0.32	1.08E-01
KCNAB1	-0.17	3.78E-01	-0.32	1.08E-01
LPAR5	0.20	3.11E-01	0.32	1.08E-01
RP5-1147A1.1	0.26	1.76E-01	0.32	1.08E-01
SCARNA1	-0.02	9.26E-01	0.32	1.08E-01
STAT6	-0.06	7.81E-01	0.32	1.08E-01
TXNRD3	0.23	2.35E-01	0.32	1.08E-01
C1orf27	0.01	9.77E-01	-0.32	1.09E-01
CTA-407F11.8	-0.09	6.32E-01	-0.32	1.09E-01
FAM73A	0.12	5.33E-01	-0.32	1.09E-01
G9978	-0.19	3.32E-01	-0.32	1.09E-01
GRINA	0.22	2.57E-01	0.32	1.09E-01
HIBCH	0.11	5.77E-01	0.32	1.09E-01
INHBA	-0.14	4.73E-01	0.32	1.09E-01
MIR4524B	0.26	1.82E-01	0.32	1.09E-01
RP11-395N21.2	-0.35	6.98E-02	-0.32	1.09E-01
RP11-6F2.5	-0.19	3.46E-01	-0.32	1.09E-01
RP11-930O11.3	-0.21	2.72E-01	-0.32	1.09E-01
SMCR5	0.00	9.82E-01	-0.32	1.09E-01
XLOC_008299	0.37	5.35E-02	0.32	1.09E-01
ZNF425	0.26	1.79E-01	0.32	1.09E-01
CARS2	-0.11	5.64E-01	-0.32	1.09E-01
CEMIP	0.15	4.41E-01	0.32	1.09E-01
COL2A1	-0.40	3.44E-02	-0.32	1.09E-01
DLEU7	-0.02	9.22E-01	-0.32	1.09E-01
G25047	-0.26	1.79E-01	-0.32	1.09E-01
LCE1F	0.05	8.09E-01	0.32	1.09E-01
PAXBP1	-0.06	7.69E-01	-0.32	1.09E-01
RP11-463O9.9	0.08	6.92E-01	-0.32	1.09E-01
RP11-769N19.2	0.09	6.57E-01	0.32	1.09E-01
RPL12P12	0.18	3.63E-01	0.32	1.09E-01
SKOR1	-0.11	5.87E-01	-0.32	1.09E-01

TMEM132C	-0.14	4.91E-01	-0.32	1.09E-01
ZNF609	0.14	4.68E-01	0.32	1.09E-01
FXYD5	0.30	1.23E-01	0.32	1.09E-01
MFI2-AS1	-0.06	7.47E-01	-0.32	1.09E-01
NR1D1	-0.08	7.01E-01	-0.32	1.09E-01
NXN	0.32	9.18E-02	0.32	1.09E-01
RIMKLB	-0.37	5.20E-02	-0.32	1.09E-01
RN7SL344P	-0.03	8.76E-01	0.32	1.09E-01
RP11-361D15.2	-0.18	3.66E-01	0.32	1.09E-01
SMNDC1	0.20	3.16E-01	-0.32	1.09E-01
ST7-AS1	-0.15	4.55E-01	-0.32	1.09E-01
CIAO1	0.18	3.65E-01	0.31	1.10E-01
ILDR1	0.05	8.04E-01	-0.31	1.10E-01
KTN1-AS1	0.03	8.95E-01	0.31	1.10E-01
RP11-392M9.2	-0.02	9.20E-01	-0.31	1.10E-01
TRPM5	-0.11	5.79E-01	-0.31	1.10E-01
XLOC_014097	0.30	1.16E-01	-0.31	1.10E-01
AC008592.3	0.32	1.01E-01	0.31	1.10E-01
FRMD1	-0.05	8.00E-01	0.31	1.10E-01
FZD2	0.29	1.33E-01	0.31	1.10E-01
IFI6	0.31	1.06E-01	0.31	1.10E-01
LINC01411	0.23	2.45E-01	0.31	1.10E-01
MST1R	-0.22	2.63E-01	0.31	1.10E-01
MTX2	0.06	7.58E-01	0.31	1.10E-01
NAV1	0.17	3.84E-01	0.31	1.10E-01
PPP1R27	-0.27	1.66E-01	0.31	1.10E-01
RP11-333O1.1	-0.07	7.23E-01	0.31	1.10E-01
S100A9	0.26	1.85E-01	0.31	1.10E-01
TTC39A-AS1	-0.04	8.45E-01	0.31	1.10E-01
IMMP1L	-0.19	3.22E-01	-0.31	1.10E-01
OLFM4	-0.42	2.58E-02	-0.31	1.10E-01
OR2T11	-0.30	1.15E-01	-0.31	1.10E-01
PMCHL1	-0.14	4.66E-01	-0.31	1.10E-01
RP11-731K22.1	-0.18	3.60E-01	-0.31	1.10E-01
EEF1B2P7	0.05	7.87E-01	-0.31	1.10E-01
FAM83H-AS1	0.09	6.47E-01	0.31	1.10E-01
G32019	0.16	4.25E-01	-0.31	1.10E-01
HBM	0.30	1.20E-01	-0.31	1.10E-01
KCNJ11	-0.08	6.99E-01	-0.31	1.10E-01
LETM2	-0.03	8.97E-01	-0.31	1.10E-01
PPP1R3G	-0.07	7.28E-01	0.31	1.10E-01
TOPBP1	0.08	7.03E-01	-0.31	1.10E-01
WBP2	0.00	9.90E-01	0.31	1.10E-01
YBX2	-0.25	2.00E-01	-0.31	1.10E-01
A4GNT	-0.16	4.11E-01	-0.31	1.11E-01
AC068522.4	-0.14	4.77E-01	-0.31	1.11E-01
AC073957.15	-0.29	1.39E-01	0.31	1.11E-01

ANKS1A	0.30	1.27E-01	0.31	1.11E-01
DNM2	0.09	6.39E-01	0.31	1.11E-01
G39215	0.07	7.16E-01	-0.31	1.11E-01
LINC00526	-0.25	1.91E-01	0.31	1.11E-01
LMO4	0.09	6.40E-01	-0.31	1.11E-01
LUC7L2	-0.10	6.12E-01	-0.31	1.11E-01
RNU6-59P	-0.32	1.02E-01	-0.31	1.11E-01
RP11-250B2.4	0.15	4.41E-01	-0.31	1.11E-01
SULT1A1	-0.08	6.71E-01	-0.31	1.11E-01
BNIP3	0.13	5.16E-01	0.31	1.11E-01
CSNK1D	0.04	8.21E-01	0.31	1.11E-01
MMACHC	0.22	2.51E-01	0.31	1.11E-01
MT-TC	0.19	3.24E-01	-0.31	1.11E-01
PHF24	0.01	9.50E-01	-0.31	1.11E-01
RP11-3L21.2	-0.14	4.78E-01	-0.31	1.11E-01
RP11-85G20.1	-0.12	5.40E-01	0.31	1.11E-01
ZNF615	-0.19	3.33E-01	-0.31	1.11E-01
C11orf68	-0.06	7.47E-01	0.31	1.11E-01
KRT16	0.23	2.29E-01	0.31	1.11E-01
LSM11	0.09	6.40E-01	-0.31	1.11E-01
MCM9	0.24	2.28E-01	-0.31	1.11E-01
MIPOL1	-0.10	6.21E-01	-0.31	1.11E-01
NME3	0.05	8.11E-01	0.31	1.11E-01
PCDHA3	-0.06	7.45E-01	0.31	1.11E-01
RP11-85A1.3	0.02	9.20E-01	-0.31	1.11E-01
S1PR3	0.06	7.48E-01	-0.31	1.11E-01
TNS3	0.16	4.29E-01	0.31	1.11E-01
XLOC_005449	-0.04	8.35E-01	-0.31	1.11E-01
ZNF613	-0.29	1.30E-01	-0.31	1.11E-01
B4GALT4	-0.35	6.61E-02	0.31	1.12E-01
CASC8	0.16	4.26E-01	0.31	1.12E-01
CCBL1	0.17	3.82E-01	0.31	1.12E-01
CEP19	0.26	1.74E-01	0.31	1.12E-01
CYP19A1	-0.09	6.44E-01	0.31	1.12E-01
FAM27E2	0.09	6.47E-01	0.31	1.12E-01
G35488	-0.01	9.46E-01	-0.31	1.12E-01
SNHG3	0.16	4.19E-01	0.31	1.12E-01
SPTLC1P1	-0.13	5.07E-01	0.31	1.12E-01
USP13	-0.28	1.53E-01	-0.31	1.12E-01
ZNF513	0.17	3.75E-01	0.31	1.12E-01
B3GAT3	-0.15	4.59E-01	0.31	1.12E-01
C11orf57	-0.04	8.37E-01	-0.31	1.12E-01
FPR3	0.20	3.11E-01	0.31	1.12E-01
IMPDH1P10	0.06	7.68E-01	0.31	1.12E-01
RP11-227D13.2	0.34	7.72E-02	-0.31	1.12E-01
ZC2HC1B	-0.04	8.30E-01	-0.31	1.12E-01
FERMT2	0.02	9.11E-01	-0.31	1.13E-01

IGFN1	0.23	2.37E-01	0.31	1.13E-01
KLF14	-0.20	3.13E-01	-0.31	1.13E-01
LINC00662	0.19	3.44E-01	-0.31	1.13E-01
MTIF2	0.19	3.37E-01	0.31	1.13E-01
OVOL1	0.27	1.58E-01	0.31	1.13E-01
PROSER3	-0.12	5.37E-01	-0.31	1.13E-01
RNF215	0.29	1.41E-01	0.31	1.13E-01
RNU6-1019P	-0.18	3.60E-01	0.31	1.13E-01
RP11-16B13.1	-0.24	2.26E-01	0.31	1.13E-01
C5orf38	-0.21	2.76E-01	0.31	1.13E-01
CSPG5	0.04	8.45E-01	-0.31	1.13E-01
FOXC1	-0.06	7.64E-01	-0.31	1.13E-01
MATN1-AS1	-0.11	5.65E-01	-0.31	1.13E-01
MROH6	-0.01	9.61E-01	0.31	1.13E-01
PARP14	0.26	1.81E-01	0.31	1.13E-01
PRDM15	-0.17	3.79E-01	0.31	1.13E-01
PRKG2	-0.22	2.59E-01	-0.31	1.13E-01
RP11-40B20.1	0.01	9.53E-01	-0.31	1.13E-01
SLC9B1	-0.12	5.27E-01	-0.31	1.13E-01
TTC3	-0.17	3.92E-01	-0.31	1.13E-01
ADAMTS9	-0.21	2.91E-01	-0.31	1.13E-01
C5orf15	0.04	8.33E-01	-0.31	1.13E-01
CBLL1	0.03	8.82E-01	-0.31	1.13E-01
CYP3A43	0.07	7.15E-01	-0.31	1.13E-01
EDA	-0.33	8.45E-02	-0.31	1.13E-01
G36217	-0.08	6.89E-01	-0.31	1.13E-01
LRRC32	-0.23	2.47E-01	0.31	1.13E-01
RNU2-59P	0.25	2.00E-01	0.31	1.13E-01
RP11-157E16.1	-0.19	3.41E-01	-0.31	1.13E-01
RP11-17G2.1	0.08	6.82E-01	-0.31	1.13E-01
RP11-257I8.2	0.02	9.21E-01	-0.31	1.13E-01
RP11-462B18.3	-0.16	4.29E-01	-0.31	1.13E-01
RPL23AP72	-0.03	8.89E-01	-0.31	1.13E-01
SMIM13	0.05	7.96E-01	-0.31	1.13E-01
TESPA1	-0.02	9.17E-01	0.31	1.13E-01
TMC8	0.07	7.28E-01	0.31	1.13E-01
ZNF737	-0.27	1.68E-01	-0.31	1.13E-01
CTA-392E5.1	0.12	5.38E-01	0.31	1.14E-01
CXXC5	-0.07	7.17E-01	0.31	1.14E-01
KIF26B	0.09	6.47E-01	0.31	1.14E-01
NCK1	0.17	3.96E-01	0.31	1.14E-01
PSMD8P1	-0.49	8.44E-03	-0.31	1.14E-01
RP1-278C19.8	0.18	3.67E-01	0.31	1.14E-01
RP11-382A20.3	-0.08	6.73E-01	-0.31	1.14E-01
RP11-48B3.3	0.12	5.45E-01	-0.31	1.14E-01
RP13-36G14.4	-0.10	6.04E-01	-0.31	1.14E-01
RP3-467L1.6	0.43	2.14E-02	-0.31	1.14E-01

<b>AC005498.3</b>	0.14	4.72E-01	-0.31	1.14E-01
<b>DPP4</b>	-0.32	1.01E-01	0.31	1.14E-01
<b>KIAA1958</b>	-0.08	6.84E-01	-0.31	1.14E-01
<b>ORMDL1</b>	0.03	8.67E-01	-0.31	1.14E-01
<b>RP11-830F9.5</b>	0.23	2.38E-01	-0.31	1.14E-01
<b>SGCE</b>	-0.47	1.11E-02	-0.31	1.14E-01
<b>SH3TC2</b>	-0.25	1.92E-01	-0.31	1.14E-01
<b>SPATS2L</b>	-0.11	5.61E-01	-0.31	1.14E-01
<b>TPI1P2</b>	0.09	6.63E-01	0.31	1.14E-01
<b>TTLL13P</b>	-0.01	9.61E-01	-0.31	1.14E-01
<b>XLOC_011603</b>	0.18	3.49E-01	0.31	1.14E-01
<b>ZBED9</b>	-0.15	4.41E-01	-0.31	1.14E-01
<b>AC007285.7</b>	-0.23	2.29E-01	-0.31	1.14E-01
<b>AK9</b>	-0.09	6.65E-01	-0.31	1.14E-01
<b>C19orf66</b>	0.38	4.74E-02	0.31	1.14E-01
<b>G26051</b>	-0.11	5.61E-01	-0.31	1.14E-01
<b>G36170</b>	-0.11	5.92E-01	-0.31	1.14E-01
<b>GZMK</b>	0.03	8.91E-01	-0.31	1.14E-01
<b>HCN2</b>	0.00	9.85E-01	0.31	1.14E-01
<b>HP1BP3</b>	0.09	6.55E-01	-0.31	1.14E-01
<b>KALRN</b>	0.15	4.54E-01	0.31	1.14E-01
<b>KLHL22</b>	-0.20	3.18E-01	0.31	1.14E-01
<b>MAGEA11</b>	0.05	8.16E-01	-0.31	1.14E-01
<b>PPP1R3D</b>	0.27	1.57E-01	0.31	1.14E-01
<b>RBM19</b>	0.01	9.63E-01	0.31	1.14E-01
<b>RP11-565F19.4</b>	-0.34	7.64E-02	-0.31	1.14E-01
<b>RP11-769O8.3</b>	0.03	8.62E-01	-0.31	1.14E-01
<b>UBAC2</b>	0.23	2.31E-01	0.31	1.14E-01
<b>USP20</b>	0.25	1.91E-01	0.31	1.14E-01
<b>ACE</b>	-0.12	5.27E-01	0.31	1.15E-01
<b>CRTC2</b>	-0.02	9.12E-01	0.31	1.15E-01
<b>FAM217B</b>	0.26	1.86E-01	0.31	1.15E-01
<b>LINC01132</b>	-0.09	6.36E-01	0.31	1.15E-01
<b>RICTOR</b>	-0.29	1.38E-01	-0.31	1.15E-01
<b>TRDN</b>	-0.05	7.94E-01	-0.31	1.15E-01
<b>VAV1</b>	0.12	5.41E-01	0.31	1.15E-01
<b>AC011330.13</b>	-0.20	2.98E-01	0.31	1.15E-01
<b>BBS4</b>	0.19	3.31E-01	0.31	1.15E-01
<b>CSK</b>	0.49	8.19E-03	0.31	1.15E-01
<b>FBXO33</b>	0.15	4.47E-01	-0.31	1.15E-01
<b>LA16c-313D11.9</b>	-0.07	7.29E-01	-0.31	1.15E-01
<b>MAP4</b>	0.07	7.26E-01	0.31	1.15E-01
<b>RP11-184I16.3</b>	-0.05	7.99E-01	0.31	1.15E-01
<b>RP11-34F20.7</b>	-0.10	6.13E-01	0.31	1.15E-01
<b>SLC25A11</b>	0.20	3.05E-01	0.31	1.15E-01
<b>TNFAIP2</b>	0.11	5.68E-01	0.31	1.15E-01
<b>TNIP1</b>	0.27	1.70E-01	0.31	1.15E-01

ANKRD28	-0.05	8.11E-01	-0.31	1.16E-01
GADD45G	0.03	8.90E-01	0.31	1.16E-01
LENEP	0.30	1.16E-01	-0.31	1.16E-01
LGALSL	-0.28	1.42E-01	-0.31	1.16E-01
RNU2-39P	0.05	7.97E-01	-0.31	1.16E-01
RP1-101A2.1	0.08	6.90E-01	-0.31	1.16E-01
RP11-452H21.1	-0.34	7.74E-02	-0.31	1.16E-01
RP11-6O2.4	-0.23	2.32E-01	-0.31	1.16E-01
RP11-86H7.6	0.10	6.19E-01	-0.31	1.16E-01
RP11-91A18.4	0.57	1.71E-03	-0.31	1.16E-01
SNHG7	0.17	3.89E-01	0.31	1.16E-01
SYNE2	-0.38	4.90E-02	-0.31	1.16E-01
TENM2	0.09	6.33E-01	0.31	1.16E-01
USP28	0.08	6.79E-01	0.31	1.16E-01
AC007292.4	0.55	2.50E-03	0.31	1.16E-01
B3GNT6	0.27	1.65E-01	0.31	1.16E-01
CCDC28B	-0.14	4.63E-01	-0.31	1.16E-01
DNASE1L1	0.31	1.12E-01	0.31	1.16E-01
ERICD	-0.14	4.71E-01	0.31	1.16E-01
FAM219B	0.07	7.40E-01	0.31	1.16E-01
GTF2F2	-0.35	6.94E-02	-0.31	1.16E-01
KHK	0.05	8.04E-01	-0.31	1.16E-01
KIAA0232	-0.26	1.87E-01	-0.31	1.16E-01
KIAA1328	-0.17	3.80E-01	-0.31	1.16E-01
RCOR2	0.01	9.48E-01	0.31	1.16E-01
SLC17A5	0.14	4.68E-01	-0.31	1.16E-01
SNORA64	-0.01	9.75E-01	0.31	1.16E-01
TNFRSF1B	0.07	7.24E-01	0.31	1.16E-01
ZNF488	0.01	9.63E-01	0.31	1.16E-01
AC004870.5	0.27	1.67E-01	0.31	1.16E-01
CMPK2	0.34	7.37E-02	0.31	1.16E-01
CNNM3	0.12	5.42E-01	0.31	1.16E-01
CSPP1	-0.21	2.83E-01	-0.31	1.16E-01
CYP26C1	0.08	6.95E-01	-0.31	1.16E-01
DNALI1	0.09	6.67E-01	-0.31	1.16E-01
FIGN	-0.19	3.26E-01	0.31	1.16E-01
G2608	0.47	1.18E-02	0.31	1.16E-01
G3878	-0.03	8.87E-01	0.31	1.16E-01
P3H4	-0.04	8.33E-01	0.31	1.16E-01
RP11-1236K1.8	-0.29	1.28E-01	-0.31	1.16E-01
RP11-245J9.6	-0.34	7.66E-02	-0.31	1.16E-01
RP11-4K16.2	-0.10	6.20E-01	-0.31	1.16E-01
SPDYE6	0.15	4.42E-01	-0.31	1.16E-01
TMEM187	0.07	7.40E-01	0.31	1.16E-01
XLOC_010725	-0.38	4.62E-02	-0.31	1.16E-01
ZXDB	-0.25	2.07E-01	-0.31	1.16E-01
DEGS1	0.00	9.92E-01	0.31	1.17E-01

DOK3	0.15	4.37E-01	0.31	1.17E-01
H2AFJ	0.18	3.57E-01	0.31	1.17E-01
HIF3A	-0.04	8.23E-01	0.31	1.17E-01
LINC01251	-0.13	4.94E-01	0.31	1.17E-01
LRRC15	-0.26	1.79E-01	0.31	1.17E-01
RP11-398K22.12	0.11	5.84E-01	0.31	1.17E-01
TFEC	0.10	6.16E-01	0.31	1.17E-01
TXNL4B	0.22	2.60E-01	0.31	1.17E-01
XLOC_005448	-0.23	2.38E-01	-0.31	1.17E-01
ZMYM6	-0.14	4.68E-01	-0.31	1.17E-01
AC087239.1	-0.20	3.15E-01	-0.31	1.17E-01
C1QA	0.20	3.09E-01	0.31	1.17E-01
CH25H	0.26	1.78E-01	0.31	1.17E-01
COL16A1	-0.03	8.90E-01	0.31	1.17E-01
CTB-31O20.2	-0.06	7.81E-01	-0.31	1.17E-01
FRMD8	0.48	9.47E-03	0.31	1.17E-01
KRBA2	0.01	9.72E-01	0.31	1.17E-01
LA16c-359F1.1	0.42	2.68E-02	0.31	1.17E-01
MAPK11	-0.01	9.66E-01	0.31	1.17E-01
RNY5P8	-0.21	2.81E-01	0.31	1.17E-01
TERT	-0.24	2.11E-01	-0.31	1.17E-01
TMEM176B	0.13	5.25E-01	0.31	1.17E-01
TRPM7	0.00	9.85E-01	0.31	1.17E-01
VN1R14P	-0.12	5.33E-01	-0.31	1.17E-01
IL2RG	0.09	6.52E-01	0.31	1.17E-01
KIAA1217	0.24	2.20E-01	0.31	1.17E-01
OCRL	-0.11	5.63E-01	-0.31	1.17E-01
PBX1	-0.12	5.27E-01	0.31	1.17E-01
RNU7-171P	-0.10	6.20E-01	0.31	1.17E-01
RPL5P34	0.00	9.86E-01	-0.31	1.17E-01
TAP1	0.18	3.55E-01	0.31	1.17E-01
AC140076.1	0.10	5.95E-01	0.31	1.18E-01
ATP1A3	0.32	1.01E-01	0.31	1.18E-01
DISP1	-0.15	4.39E-01	-0.31	1.18E-01
G263	-0.26	1.89E-01	-0.31	1.18E-01
G5850	-0.03	8.92E-01	-0.31	1.18E-01
LINC01605	0.22	2.64E-01	0.31	1.18E-01
S100A7A	0.14	4.66E-01	0.31	1.18E-01
SERPINB6	0.13	4.94E-01	0.31	1.18E-01
SNRPGP1	0.08	6.81E-01	-0.31	1.18E-01
UCHL1	-0.16	4.29E-01	-0.31	1.18E-01
XLOC_004632	-0.22	2.66E-01	-0.31	1.18E-01
ZHX3	0.11	5.90E-01	0.31	1.18E-01
ADGRA3	-0.20	3.04E-01	-0.31	1.18E-01
ADORA2A-AS1	-0.13	5.21E-01	-0.31	1.18E-01
ARHGEF35	-0.28	1.53E-01	-0.31	1.18E-01
BRI3BPP1	0.00	9.91E-01	-0.31	1.18E-01

<b>CTC-287O8.1</b>	-0.12	5.45E-01	-0.31	1.18E-01
<b>CTD-2081C10.5</b>	0.35	6.48E-02	-0.31	1.18E-01
<b>FAM124B</b>	-0.18	3.57E-01	0.31	1.18E-01
<b>FAM181B</b>	0.20	3.16E-01	0.31	1.18E-01
<b>FGFR1OP2</b>	0.06	7.46E-01	-0.31	1.18E-01
<b>GLS</b>	-0.04	8.37E-01	-0.31	1.18E-01
<b>HSPA8P4</b>	-0.41	2.90E-02	0.31	1.18E-01
<b>IGLC2</b>	0.19	3.28E-01	0.31	1.18E-01
<b>LY96</b>	0.19	3.25E-01	0.31	1.18E-01
<b>PPIL2</b>	0.08	6.95E-01	0.31	1.18E-01
<b>RN7SL144P</b>	-0.09	6.60E-01	-0.31	1.18E-01
<b>RP11-234K24.3</b>	-0.07	7.20E-01	0.31	1.18E-01
<b>RP11-363L24.3</b>	-0.07	7.15E-01	-0.31	1.18E-01
<b>RP11-383G6.3</b>	-0.10	6.24E-01	-0.31	1.18E-01
<b>SCRN3</b>	0.20	3.05E-01	0.31	1.18E-01
<b>SLC25A44</b>	0.16	4.04E-01	0.31	1.18E-01
<b>VTRNA2-1</b>	-0.25	2.05E-01	0.31	1.18E-01
<b>CTC-325H20.7</b>	-0.08	6.72E-01	0.31	1.19E-01
<b>PPCDC</b>	-0.10	6.22E-01	0.31	1.19E-01
<b>PRR5</b>	0.10	6.02E-01	0.31	1.19E-01
<b>SNORA28</b>	0.08	6.92E-01	0.31	1.19E-01
<b>C21orf59</b>	-0.24	2.19E-01	-0.31	1.19E-01
<b>FGFRL1</b>	-0.28	1.51E-01	-0.31	1.19E-01
<b>PLGLB1</b>	-0.19	3.36E-01	-0.31	1.19E-01
<b>RNU6-1237P</b>	-0.02	9.27E-01	-0.31	1.19E-01
<b>RNU6-414P</b>	0.41	2.84E-02	-0.31	1.19E-01
<b>TRAF3IP1</b>	-0.26	1.90E-01	-0.31	1.19E-01
<b>ACAA1</b>	-0.01	9.67E-01	0.31	1.19E-01
<b>HDAC7</b>	0.27	1.63E-01	0.31	1.19E-01
<b>IFT122</b>	-0.23	2.49E-01	-0.31	1.19E-01
<b>IQCJ</b>	-0.01	9.53E-01	-0.31	1.19E-01
<b>KLRF2</b>	-0.18	3.59E-01	-0.31	1.19E-01
<b>LIAS</b>	0.24	2.20E-01	0.31	1.19E-01
<b>MIR4473</b>	-0.27	1.61E-01	-0.31	1.19E-01
<b>RN7SKP160</b>	-0.11	5.62E-01	-0.31	1.19E-01
<b>RP11-517I3.2</b>	0.37	5.40E-02	-0.31	1.19E-01
<b>RP11-6N17.2</b>	-0.03	8.71E-01	-0.31	1.19E-01
<b>SNTA1</b>	-0.06	7.58E-01	0.31	1.19E-01
<b>TOMM40L</b>	0.35	6.39E-02	0.31	1.19E-01
<b>ZNF396</b>	-0.07	7.18E-01	-0.31	1.19E-01
<b>ALB</b>	-0.14	4.91E-01	-0.31	1.19E-01
<b>ARG1</b>	0.23	2.44E-01	0.31	1.19E-01
<b>G23016</b>	-0.41	2.99E-02	-0.31	1.19E-01
<b>ITPKC</b>	0.18	3.57E-01	0.31	1.19E-01
<b>LAX1</b>	0.50	6.89E-03	0.31	1.19E-01
<b>MAN2B1</b>	0.11	5.92E-01	0.31	1.19E-01
<b>MIR5194</b>	-0.09	6.62E-01	0.31	1.19E-01



<b>MMP15</b>	0.06	7.61E-01	0.31	1.19E-01
<b>RN7SL129P</b>	-0.16	4.23E-01	0.31	1.19E-01
<b>RNY5P5</b>	-0.27	1.71E-01	-0.31	1.19E-01
<b>RP1-92O14.3</b>	-0.09	6.45E-01	0.31	1.19E-01
<b>RP11-17M16.2</b>	-0.02	9.10E-01	0.31	1.19E-01
<b>RRM1-AS1</b>	0.00	9.86E-01	-0.31	1.19E-01
<b>SIAE</b>	0.07	7.12E-01	0.31	1.19E-01
<b>SMTNL2</b>	-0.13	4.93E-01	-0.31	1.19E-01
<b>TOR4A</b>	0.44	1.91E-02	0.31	1.19E-01
<b>UNKL</b>	-0.02	9.24E-01	0.31	1.19E-01
<b>ARHGAP22</b>	-0.04	8.37E-01	0.31	1.20E-01
<b>C3orf79</b>	0.27	1.67E-01	-0.31	1.20E-01
<b>CTD-2026D20.3</b>	0.02	9.32E-01	-0.31	1.20E-01
<b>FNTA</b>	0.07	7.32E-01	0.31	1.20E-01
<b>GPR65</b>	0.15	4.40E-01	0.31	1.20E-01
<b>GPR78</b>	0.44	1.77E-02	0.31	1.20E-01
<b>LEMD2</b>	0.36	5.74E-02	0.31	1.20E-01
<b>OVCH2</b>	-0.33	8.53E-02	-0.31	1.20E-01
<b>PAEP</b>	0.21	2.77E-01	-0.31	1.20E-01
<b>RP11-727A23.4</b>	0.21	2.91E-01	-0.31	1.20E-01
<b>UBA7</b>	0.22	2.60E-01	0.31	1.20E-01
<b>WDR72</b>	-0.11	5.60E-01	-0.31	1.20E-01
<b>AC046143.2</b>	0.05	8.04E-01	-0.31	1.20E-01
<b>AP001372.2</b>	0.28	1.42E-01	0.31	1.20E-01
<b>C1orf216</b>	0.04	8.48E-01	0.31	1.20E-01
<b>CDK9</b>	0.19	3.45E-01	0.31	1.20E-01
<b>CORO1A</b>	0.19	3.22E-01	0.31	1.20E-01
<b>CYSLTR2</b>	-0.52	4.91E-03	0.31	1.20E-01
<b>FAM195A</b>	0.16	4.29E-01	0.31	1.20E-01
<b>G10801</b>	0.43	2.27E-02	0.31	1.20E-01
<b>G6277</b>	0.05	7.85E-01	-0.31	1.20E-01
<b>LINC00852</b>	-0.10	6.07E-01	-0.31	1.20E-01
<b>NPM1P9</b>	-0.09	6.62E-01	-0.31	1.20E-01
<b>NTRK1</b>	0.24	2.27E-01	0.31	1.20E-01
<b>PPAT</b>	0.21	2.75E-01	-0.31	1.20E-01
<b>SERPINE3</b>	-0.16	4.17E-01	-0.31	1.20E-01
<b>USF2</b>	-0.07	7.25E-01	0.31	1.20E-01
<b>AC012358.7</b>	0.07	7.10E-01	-0.31	1.21E-01
<b>BRD2</b>	0.02	9.39E-01	0.31	1.21E-01
<b>CTD-2013N17.1</b>	0.07	7.24E-01	-0.31	1.21E-01
<b>MIR3176</b>	0.01	9.61E-01	0.31	1.21E-01
<b>RGS12</b>	0.49	7.79E-03	0.31	1.21E-01
<b>RORC</b>	-0.38	4.59E-02	-0.31	1.21E-01
<b>RP11-171I2.2</b>	0.24	2.15E-01	-0.31	1.21E-01
<b>RP11-573G6.6</b>	-0.26	1.86E-01	0.31	1.21E-01
<b>SLC35A4</b>	0.29	1.33E-01	0.31	1.21E-01
<b>AF131215.9</b>	0.12	5.59E-01	-0.31	1.21E-01

<b>AP000439.3</b>	0.24	2.18E-01	-0.31	1.21E-01
<b>ATP13A1</b>	0.29	1.39E-01	0.31	1.21E-01
<b>BX470102.3</b>	0.19	3.29E-01	-0.31	1.21E-01
<b>C7orf25</b>	0.29	1.41E-01	0.31	1.21E-01
<b>CDK11B</b>	-0.33	9.04E-02	0.31	1.21E-01
<b>CECR1</b>	0.22	2.56E-01	0.31	1.21E-01
<b>CIC</b>	0.29	1.38E-01	0.31	1.21E-01
<b>DCP2</b>	0.34	7.39E-02	0.31	1.21E-01
<b>FAM3C</b>	-0.03	8.93E-01	-0.31	1.21E-01
<b>GK5</b>	0.22	2.59E-01	-0.31	1.21E-01
<b>HSBP1P1</b>	-0.10	6.24E-01	0.31	1.21E-01
<b>IL411</b>	0.28	1.56E-01	0.31	1.21E-01
<b>PDZD7</b>	-0.18	3.69E-01	-0.31	1.21E-01
<b>RELN</b>	-0.06	7.49E-01	-0.31	1.21E-01
<b>RP11-874G11.1</b>	-0.24	2.24E-01	-0.31	1.21E-01
<b>TFPT</b>	0.00	9.86E-01	0.31	1.21E-01
<b>TRIM6</b>	0.06	7.65E-01	0.31	1.21E-01
<b>WDR83</b>	0.19	3.39E-01	0.31	1.21E-01
<b>ZNF223</b>	0.11	5.93E-01	-0.31	1.21E-01
<b>AC024084.1</b>	0.04	8.33E-01	0.31	1.21E-01
<b>BAG5</b>	0.12	5.33E-01	-0.31	1.21E-01
<b>CPNE2</b>	0.08	6.76E-01	0.31	1.21E-01
<b>DDX11L2</b>	-0.31	1.07E-01	-0.31	1.21E-01
<b>DNAH6</b>	-0.20	3.12E-01	-0.31	1.21E-01
<b>G8119</b>	0.06	7.50E-01	-0.31	1.21E-01
<b>HSPD1P11</b>	-0.31	1.04E-01	-0.31	1.21E-01
<b>ISG15</b>	0.35	6.73E-02	0.31	1.21E-01
<b>LINC01534</b>	0.08	6.71E-01	-0.31	1.21E-01
<b>LPCAT1</b>	0.04	8.36E-01	0.31	1.21E-01
<b>MTUS2</b>	0.09	6.67E-01	-0.31	1.21E-01
<b>RP11-18B3.3</b>	0.37	5.27E-02	-0.31	1.21E-01
<b>RP11-4L24.4</b>	0.06	7.52E-01	-0.31	1.21E-01
<b>RP11-93209.7</b>	-0.10	6.10E-01	-0.31	1.21E-01
<b>TRIM17</b>	0.19	3.26E-01	0.31	1.21E-01
<b>TYW1B</b>	0.34	7.97E-02	0.31	1.21E-01
<b>AC106801.1</b>	-0.05	8.17E-01	0.31	1.22E-01
<b>ALK</b>	0.14	4.74E-01	-0.31	1.22E-01
<b>CCDC159</b>	0.01	9.74E-01	0.31	1.22E-01
<b>CD19</b>	0.06	7.80E-01	-0.31	1.22E-01
<b>CTD-2325M2.1</b>	0.04	8.48E-01	0.31	1.22E-01
<b>ELOVL3</b>	0.15	4.50E-01	-0.31	1.22E-01
<b>FCGR3B</b>	0.20	3.07E-01	0.31	1.22E-01
<b>FMN1</b>	-0.34	8.13E-02	-0.31	1.22E-01
<b>HPS3</b>	-0.31	1.09E-01	-0.31	1.22E-01
<b>MYB</b>	-0.23	2.33E-01	-0.31	1.22E-01
<b>NCBP2</b>	0.22	2.66E-01	0.31	1.22E-01
<b>PTMAP5</b>	-0.18	3.53E-01	-0.31	1.22E-01

<b>RNU6-466P</b>	-0.32	9.21E-02	-0.31	1.22E-01
<b>RP11-775D22.3</b>	-0.14	4.67E-01	-0.31	1.22E-01
<b>XLOC_005560</b>	0.23	2.35E-01	0.31	1.22E-01
<b>AC064836.3</b>	-0.04	8.23E-01	-0.30	1.22E-01
<b>AC135050.5</b>	-0.02	9.17E-01	0.30	1.22E-01
<b>AP3M1</b>	-0.05	8.12E-01	0.30	1.22E-01
<b>CTB-36H16.2</b>	-0.04	8.53E-01	-0.30	1.22E-01
<b>CTD-2284J15.1</b>	-0.24	2.12E-01	-0.30	1.22E-01
<b>DPYSL3</b>	-0.38	4.90E-02	-0.30	1.22E-01
<b>IZUMO1</b>	0.27	1.60E-01	-0.30	1.22E-01
<b>LCE6A</b>	-0.03	8.65E-01	0.30	1.22E-01
<b>MIER3</b>	0.13	5.08E-01	-0.30	1.22E-01
<b>MTG2</b>	0.12	5.39E-01	0.30	1.22E-01
<b>NEBL</b>	-0.23	2.38E-01	-0.30	1.22E-01
<b>RN7SL751P</b>	-0.39	4.00E-02	0.30	1.22E-01
<b>RP11-375I20.6</b>	-0.08	6.99E-01	-0.30	1.22E-01
<b>SERPINB3</b>	0.28	1.49E-01	0.30	1.22E-01
<b>TMEM108</b>	-0.14	4.66E-01	-0.30	1.22E-01
<b>TNFRSF10D</b>	0.28	1.46E-01	0.30	1.22E-01
<b>CDC23</b>	0.21	2.79E-01	0.30	1.22E-01
<b>GRAMD1B</b>	-0.11	5.78E-01	0.30	1.22E-01
<b>HLA-E</b>	0.22	2.60E-01	0.30	1.22E-01
<b>LBH</b>	-0.02	9.29E-01	0.30	1.22E-01
<b>MFNG</b>	0.13	5.24E-01	0.30	1.22E-01
<b>MANBA</b>	-0.14	4.78E-01	-0.30	1.22E-01
<b>MCF2L</b>	-0.02	9.32E-01	-0.30	1.22E-01
<b>RP11-328C8.4</b>	0.04	8.24E-01	-0.30	1.22E-01
<b>AC107072.2</b>	0.04	8.24E-01	-0.30	1.23E-01
<b>AC137590.1</b>	-0.27	1.72E-01	-0.30	1.23E-01
<b>ARL4A</b>	0.02	9.11E-01	0.30	1.23E-01
<b>CCDC66</b>	0.00	9.90E-01	-0.30	1.23E-01
<b>CDH2</b>	-0.17	3.76E-01	-0.30	1.23E-01
<b>CDON</b>	-0.30	1.25E-01	-0.30	1.23E-01
<b>FMNL3</b>	-0.11	5.71E-01	0.30	1.23E-01
<b>KCTD21</b>	0.04	8.29E-01	0.30	1.23E-01
<b>MID1</b>	0.38	4.87E-02	0.30	1.23E-01
<b>MKNK2</b>	0.09	6.39E-01	0.30	1.23E-01
<b>PRR3</b>	-0.13	5.24E-01	-0.30	1.23E-01
<b>RN7SL254P</b>	0.10	6.05E-01	0.30	1.23E-01
<b>RP11-21L23.2</b>	0.04	8.32E-01	-0.30	1.23E-01
<b>RP11-844G16.3</b>	0.14	4.62E-01	-0.30	1.23E-01
<b>1-Sep</b>	0.15	4.42E-01	0.30	1.23E-01
<b>SNHG21</b>	-0.01	9.51E-01	-0.30	1.23E-01
<b>SNORD17</b>	0.00	9.91E-01	0.30	1.23E-01
<b>SNPH</b>	0.06	7.49E-01	0.30	1.23E-01
<b>ST6GALNAC2</b>	-0.33	8.64E-02	-0.30	1.23E-01
<b>ZNF34</b>	-0.67	8.25E-05	-0.30	1.23E-01

EXTL1	-0.22	2.61E-01	0.30	1.23E-01
OR7C1	-0.25	1.94E-01	0.30	1.23E-01
RP11-1167A19.2	-0.26	1.89E-01	0.30	1.23E-01
SPERT	-0.30	1.16E-01	0.30	1.23E-01
ZNF219	0.45	1.73E-02	0.30	1.23E-01
PCDHGA8	-0.13	5.01E-01	-0.30	1.23E-01
UPK1A	-0.09	6.63E-01	-0.30	1.23E-01
ZNF439	0.02	9.16E-01	-0.30	1.23E-01
ABI2	-0.28	1.53E-01	-0.30	1.24E-01
ALDH7A1	0.23	2.48E-01	0.30	1.24E-01
B4GALNT2	0.05	7.84E-01	-0.30	1.24E-01
C14orf28	0.09	6.49E-01	-0.30	1.24E-01
C9orf84	0.14	4.62E-01	0.30	1.24E-01
CTD-2006C1.13	-0.22	2.70E-01	0.30	1.24E-01
HLA-DQB2	0.12	5.39E-01	-0.30	1.24E-01
NOX1	-0.19	3.21E-01	-0.30	1.24E-01
RP11-170N16.3	0.31	1.04E-01	0.30	1.24E-01
RP11-530C5.2	-0.10	5.98E-01	-0.30	1.24E-01
RP11-803B1.8	-0.02	9.31E-01	-0.30	1.24E-01
SNORA5C	0.31	1.07E-01	0.30	1.24E-01
SNX10	0.31	1.14E-01	0.30	1.24E-01
ZNF253	-0.24	2.26E-01	-0.30	1.24E-01
ZSCAN5A	0.17	3.90E-01	-0.30	1.24E-01
AC006042.7	0.04	8.44E-01	-0.30	1.24E-01
AL596137.1	-0.25	2.07E-01	0.30	1.24E-01
KREMEN2	-0.16	4.23E-01	0.30	1.24E-01
LINC00094	0.19	3.41E-01	0.30	1.24E-01
PHYH	-0.13	5.01E-01	-0.30	1.24E-01
PRSS8	0.18	3.50E-01	0.30	1.24E-01
RANBP17	-0.31	1.10E-01	-0.30	1.24E-01
RNU4-80P	-0.05	8.01E-01	-0.30	1.24E-01
RP1-221C16.8	-0.17	3.82E-01	0.30	1.24E-01
RP11-210K20.5	-0.18	3.66E-01	-0.30	1.24E-01
ZNF257	0.05	7.88E-01	-0.30	1.24E-01
AMTN	0.03	8.71E-01	-0.30	1.24E-01
C10orf62	-0.08	6.79E-01	-0.30	1.24E-01
C4orf48	0.03	8.69E-01	0.30	1.24E-01
CDK3	-0.26	1.86E-01	0.30	1.24E-01
EXOC3L2	0.20	3.09E-01	0.30	1.24E-01
G26976	0.05	7.83E-01	-0.30	1.24E-01
LINC00184	-0.11	5.64E-01	-0.30	1.24E-01
LINC00343	-0.14	4.77E-01	-0.30	1.24E-01
MAST4-IT1	0.23	2.43E-01	0.30	1.24E-01
MCEE	0.14	4.67E-01	0.30	1.24E-01
NDUFV2-AS1	0.02	9.27E-01	-0.30	1.24E-01
ODF3L1	-0.22	2.63E-01	-0.30	1.24E-01
RP11-129B9.2	-0.14	4.83E-01	0.30	1.24E-01

RP11-31F15.2	-0.17	3.84E-01	-0.30	1.24E-01
RP11-667K14.8	-0.04	8.28E-01	-0.30	1.24E-01
TAF7L	-0.10	6.27E-01	-0.30	1.24E-01
TMEM59L	-0.40	3.67E-02	-0.30	1.24E-01
AC068831.3	-0.24	2.17E-01	-0.30	1.25E-01
AP000265.1	-0.44	1.89E-02	-0.30	1.25E-01
FOXN4	-0.26	1.73E-01	-0.30	1.25E-01
G35720	-0.34	7.61E-02	0.30	1.25E-01
ISOC1	0.04	8.24E-01	-0.30	1.25E-01
MINK1	0.25	2.05E-01	0.30	1.25E-01
NCF1B	0.16	4.08E-01	0.30	1.25E-01
PDZK1	-0.01	9.44E-01	-0.30	1.25E-01
PPP1R13B	0.14	4.87E-01	0.30	1.25E-01
RP11-130L8.2	-0.08	6.88E-01	-0.30	1.25E-01
RP11-254A24.2	-0.03	8.65E-01	0.30	1.25E-01
SIPA1L2	0.32	9.15E-02	0.30	1.25E-01
SLC37A4	0.13	5.22E-01	0.30	1.25E-01
SNHG10	0.30	1.20E-01	-0.30	1.25E-01
SOGA3	0.06	7.73E-01	0.30	1.25E-01
ALG1L9P	-0.38	4.85E-02	-0.30	1.25E-01
CNTNAP3	-0.35	6.70E-02	-0.30	1.25E-01
RP1-63M2.5	0.04	8.38E-01	-0.30	1.25E-01
RPS20P10	0.13	4.98E-01	-0.30	1.25E-01
COMT	0.40	3.55E-02	0.30	1.25E-01
CRHBP	0.09	6.57E-01	0.30	1.25E-01
PDE2A	-0.01	9.47E-01	0.30	1.25E-01
SERPINA1	0.36	6.20E-02	0.30	1.25E-01
UBE2CP3	0.13	5.24E-01	0.30	1.25E-01
CAMK1D	-0.01	9.64E-01	0.30	1.26E-01
DHX15	0.04	8.46E-01	-0.30	1.26E-01
FBXO18	-0.09	6.39E-01	0.30	1.26E-01
FUT1	0.25	1.98E-01	0.30	1.26E-01
GPATCH1	-0.26	1.84E-01	-0.30	1.26E-01
.LOXNC01-237H1.7	-0.01	9.76E-01	-0.30	1.26E-01
LPCAT3	0.33	8.90E-02	0.30	1.26E-01
MSRB2	0.24	2.24E-01	0.30	1.26E-01
NANOGP11	0.03	8.91E-01	-0.30	1.26E-01
NKAIN3	0.03	8.75E-01	-0.30	1.26E-01
OR5P2	-0.27	1.68E-01	-0.30	1.26E-01
OSBPL9	-0.23	2.29E-01	-0.30	1.26E-01
RIN3	0.09	6.45E-01	0.30	1.26E-01
RN7SL851P	-0.11	5.62E-01	-0.30	1.26E-01
RP11-449L23.2	-0.21	2.77E-01	-0.30	1.26E-01
RP11-95H11.1	-0.38	4.71E-02	-0.30	1.26E-01
SYMPK	0.01	9.50E-01	0.30	1.26E-01
TRAV12-3	0.12	5.56E-01	0.30	1.26E-01
AP2A2	0.05	7.87E-01	0.30	1.26E-01

CD37	0.11	5.73E-01	0.30	1.26E-01
GJD3	0.17	3.78E-01	0.30	1.26E-01
IFNE	0.09	6.52E-01	0.30	1.26E-01
NXPE3	-0.09	6.64E-01	0.30	1.26E-01
PRDM1	0.27	1.64E-01	0.30	1.26E-01
RNU6-876P	0.12	5.31E-01	0.30	1.26E-01
RP11-374F3.5	0.03	8.99E-01	-0.30	1.26E-01
RP11-646E18.4	0.05	7.99E-01	0.30	1.26E-01
RP4-563E14.1	0.02	9.14E-01	-0.30	1.26E-01
RPL41P1	-0.10	6.27E-01	-0.30	1.26E-01
TMCC2	0.00	9.93E-01	-0.30	1.26E-01
TOM1	0.22	2.71E-01	0.30	1.26E-01
TRAPPC11	0.15	4.44E-01	-0.30	1.26E-01
TRBV20-1	0.05	7.84E-01	0.30	1.26E-01
AP000783.1	-0.40	3.36E-02	0.30	1.26E-01
ARHGAP42	-0.23	2.46E-01	-0.30	1.26E-01
CILP2	-0.17	3.87E-01	-0.30	1.26E-01
FAM200A	0.07	7.32E-01	0.30	1.26E-01
HLA-T	-0.07	7.41E-01	-0.30	1.26E-01
RP11-21K12.3	-0.08	6.95E-01	0.30	1.26E-01
RP11-227G15.11	-0.15	4.34E-01	-0.30	1.26E-01
RP11-77I22.2	-0.01	9.67E-01	-0.30	1.26E-01
RP11-782C8.6	-0.05	7.93E-01	-0.30	1.26E-01
RP4-541C22.5	0.08	6.79E-01	-0.30	1.26E-01
SNORD14A	0.23	2.34E-01	-0.30	1.26E-01
ZNF264	0.07	7.41E-01	-0.30	1.26E-01
ASTE1	0.15	4.38E-01	-0.30	1.27E-01
CALB1	0.36	6.33E-02	-0.30	1.27E-01
CDH6	-0.24	2.24E-01	0.30	1.27E-01
CICP3	0.07	7.17E-01	0.30	1.27E-01
COASY	0.15	4.34E-01	0.30	1.27E-01
G30338	0.22	2.71E-01	0.30	1.27E-01
G6796	-0.26	1.83E-01	0.30	1.27E-01
HIST1H1T	0.04	8.24E-01	0.30	1.27E-01
LINC01127	0.32	9.84E-02	0.30	1.27E-01
PNMA3	-0.23	2.37E-01	0.30	1.27E-01
PRICKLE3	0.17	3.86E-01	0.30	1.27E-01
RP11-687F6.4	-0.02	9.13E-01	0.30	1.27E-01
RPUSD3	-0.11	5.80E-01	0.30	1.27E-01
AC073415.2	0.24	2.27E-01	0.30	1.27E-01
AC108142.1	0.28	1.48E-01	0.30	1.27E-01
BEAN1-AS1	-0.12	5.41E-01	-0.30	1.27E-01
CR392039.2	0.07	7.33E-01	-0.30	1.27E-01
CREB3L4	-0.09	6.59E-01	0.30	1.27E-01
DRP2	-0.19	3.39E-01	-0.30	1.27E-01
F7	0.05	8.17E-01	-0.30	1.27E-01
LPAR1	-0.26	1.90E-01	-0.30	1.27E-01

<b>MTCYBP3</b>	0.09	6.37E-01	0.30	1.27E-01
<b>SERGEF</b>	0.04	8.57E-01	0.30	1.27E-01
<b>ST6GAL1</b>	0.25	1.95E-01	0.30	1.27E-01
<b>AGFG2</b>	-0.29	1.39E-01	-0.30	1.28E-01
<b>C3orf84</b>	-0.13	5.25E-01	-0.30	1.28E-01
<b>CACFD1</b>	0.20	3.11E-01	0.30	1.28E-01
<b>CBLN1</b>	-0.29	1.34E-01	0.30	1.28E-01
<b>RFNG</b>	-0.10	6.20E-01	0.30	1.28E-01
<b>RP11-416L21.2</b>	-0.09	6.67E-01	0.30	1.28E-01
<b>RP11-487I5.4</b>	0.59	9.91E-04	0.30	1.28E-01
<b>RPL7AP15</b>	-0.31	1.05E-01	-0.30	1.28E-01
<b>ADGRF4</b>	-0.09	6.44E-01	-0.30	1.28E-01
<b>AMPD3</b>	0.41	2.82E-02	0.30	1.28E-01
<b>ATP6V0A2</b>	0.15	4.49E-01	-0.30	1.28E-01
<b>C17orf99</b>	0.27	1.65E-01	0.30	1.28E-01
<b>CDKL4</b>	0.05	8.09E-01	-0.30	1.28E-01
<b>COG5</b>	-0.02	9.01E-01	-0.30	1.28E-01
<b>CTB-51E13.1</b>	-0.11	5.82E-01	-0.30	1.28E-01
<b>LIMK2</b>	0.38	4.81E-02	0.30	1.28E-01
<b>LRRC37A3</b>	-0.05	7.83E-01	-0.30	1.28E-01
<b>LSMEM2</b>	0.19	3.44E-01	-0.30	1.28E-01
<b>METTL21EP</b>	0.04	8.44E-01	-0.30	1.28E-01
<b>NTNG1</b>	0.09	6.59E-01	-0.30	1.28E-01
<b>PDZK1IP1</b>	0.33	8.29E-02	0.30	1.28E-01
<b>RAB13</b>	-0.10	6.09E-01	0.30	1.28E-01
<b>SCAF1</b>	0.35	6.98E-02	0.30	1.28E-01
<b>TH2LCRR</b>	0.16	4.20E-01	-0.30	1.28E-01
<b>COX4I2</b>	0.18	3.52E-01	0.30	1.29E-01
<b>CTD-2630F21.1</b>	0.10	6.17E-01	-0.30	1.29E-01
<b>DDX41</b>	0.12	5.40E-01	0.30	1.29E-01
<b>DLG3</b>	0.37	4.99E-02	0.30	1.29E-01
<b>FRG2HP</b>	-0.06	7.55E-01	-0.30	1.29E-01
<b>GCSHP5</b>	0.04	8.24E-01	0.30	1.29E-01
<b>GRHL2</b>	0.29	1.31E-01	0.30	1.29E-01
<b>RP11-615I2.2</b>	-0.43	2.23E-02	0.30	1.29E-01
<b>RP4-773N10.4</b>	0.20	3.13E-01	0.30	1.29E-01
<b>SNORA24</b>	0.21	2.76E-01	0.30	1.29E-01
<b>TMED11P</b>	-0.01	9.74E-01	-0.30	1.29E-01
<b>XLOC_006644</b>	0.11	5.90E-01	0.30	1.29E-01
<b>AC019117.1</b>	0.12	5.32E-01	-0.30	1.29E-01
<b>ACVR1</b>	0.18	3.72E-01	0.30	1.29E-01
<b>LAMB2</b>	-0.06	7.43E-01	0.30	1.29E-01
<b>LINC01291</b>	-0.01	9.75E-01	0.30	1.29E-01
<b>LIPE-AS1</b>	0.34	7.54E-02	0.30	1.29E-01
<b>RP11-212D19.4</b>	0.13	5.16E-01	0.30	1.29E-01
<b>RP11-390K5.3</b>	0.07	7.25E-01	0.30	1.29E-01
<b>SOX13</b>	-0.44	1.82E-02	0.30	1.29E-01

TMEM43	-0.24	2.23E-01	-0.30	1.29E-01
TPSD1	0.20	3.01E-01	0.30	1.29E-01
TRIM55	-0.22	2.51E-01	-0.30	1.29E-01
AIM1	0.27	1.61E-01	0.30	1.29E-01
ATP6V0C	0.15	4.32E-01	-0.30	1.29E-01
FMN2	-0.15	4.49E-01	-0.30	1.29E-01
PDE8B	-0.18	3.61E-01	-0.30	1.29E-01
RP11-389G6.4	0.16	4.30E-01	-0.30	1.29E-01
RP11-661G16.1	0.10	6.21E-01	0.30	1.29E-01
RPAP3	0.00	9.85E-01	-0.30	1.29E-01
SLC9C1	-0.05	7.86E-01	-0.30	1.29E-01
SMG5	0.22	2.58E-01	0.30	1.29E-01
WDR53	0.29	1.36E-01	0.30	1.29E-01
WFIKKN2	-0.11	5.78E-01	-0.30	1.29E-01
ABHD6	-0.22	2.71E-01	-0.30	1.30E-01
AC067945.3	0.19	3.29E-01	-0.30	1.30E-01
AMD1P3	-0.12	5.52E-01	0.30	1.30E-01
DCUN1D4	-0.01	9.58E-01	-0.30	1.30E-01
EN2	-0.03	8.98E-01	0.30	1.30E-01
GLI1	-0.13	5.13E-01	-0.30	1.30E-01
HK3	0.05	8.10E-01	0.30	1.30E-01
HTR6	-0.04	8.26E-01	-0.30	1.30E-01
KRT8P48	0.05	7.89E-01	0.30	1.30E-01
LY86	-0.02	9.20E-01	0.30	1.30E-01
PHF10	-0.03	8.95E-01	-0.30	1.30E-01
RP11-167H9.5	-0.11	5.67E-01	-0.30	1.30E-01
SELP	-0.07	7.23E-01	0.30	1.30E-01
ABCD1	0.09	6.58E-01	0.30	1.30E-01
ADAMTSL3	-0.13	5.17E-01	-0.30	1.30E-01
ATP10D	0.07	7.22E-01	0.30	1.30E-01
GDPGP1	0.31	1.12E-01	0.30	1.30E-01
MAPK7	0.04	8.50E-01	0.30	1.30E-01
MIR199A1	-0.20	3.11E-01	-0.30	1.30E-01
RAPGEF2	-0.16	4.30E-01	-0.30	1.30E-01
RPL3P1	-0.15	4.38E-01	0.30	1.30E-01
WDR55	0.12	5.50E-01	0.30	1.30E-01
AC002366.3	-0.09	6.52E-01	0.30	1.31E-01
C8orf37	0.20	3.16E-01	-0.30	1.31E-01
CDC42P4	0.27	1.65E-01	-0.30	1.31E-01
FGFBP2	0.17	3.83E-01	-0.30	1.31E-01
G33207	-0.24	2.28E-01	-0.30	1.31E-01
GPALPP1	0.04	8.26E-01	-0.30	1.31E-01
PKHD1L1	-0.14	4.63E-01	0.30	1.31E-01
RNU6-678P	-0.05	7.88E-01	-0.30	1.31E-01
RP11-266L9.5	-0.14	4.81E-01	-0.30	1.31E-01
RP11-284M14.1	-0.02	9.06E-01	0.30	1.31E-01
RP11-534C12.1	0.10	6.21E-01	-0.30	1.31E-01



RP11-560A15.6	-0.20	3.04E-01	-0.30	1.31E-01
TAL1	0.27	1.72E-01	0.30	1.31E-01
TRAV9-2	-0.04	8.24E-01	0.30	1.31E-01
AC006445.7	-0.16	4.26E-01	-0.30	1.31E-01
AC072052.7	-0.09	6.54E-01	-0.30	1.31E-01
ANPEP	-0.15	4.49E-01	0.30	1.31E-01
C14orf132	-0.43	2.13E-02	-0.30	1.31E-01
CTD-2104P17.1	0.12	5.42E-01	-0.30	1.31E-01
FMO2	0.04	8.24E-01	0.30	1.31E-01
G18244	-0.15	4.44E-01	0.30	1.31E-01
G24769	-0.22	2.68E-01	-0.30	1.31E-01
GANC	-0.16	4.30E-01	0.30	1.31E-01
GUCY1B2	-0.37	4.98E-02	-0.30	1.31E-01
MLK7-AS1	-0.23	2.35E-01	-0.30	1.31E-01
OR2AE1	-0.02	9.00E-01	-0.30	1.31E-01
RP11-285A1.1	-0.02	9.17E-01	0.30	1.31E-01
RP11-497H16.6	-0.08	6.97E-01	0.30	1.31E-01
RP5-862P8.2	-0.05	8.05E-01	-0.30	1.31E-01
RPS26P3	0.16	4.12E-01	0.30	1.31E-01
SEC14L2	0.32	9.18E-02	0.30	1.31E-01
TATDN2P3	-0.18	3.66E-01	-0.30	1.31E-01
FMOD	-0.16	4.21E-01	0.30	1.31E-01
HSD17B2	0.46	1.47E-02	0.30	1.31E-01
MIR3659	0.23	2.40E-01	-0.30	1.31E-01
MPZL2	0.31	1.03E-01	0.30	1.31E-01
PARP3	0.17	3.83E-01	0.30	1.31E-01
PDE1B	0.10	6.30E-01	-0.30	1.31E-01
PNLDC1	0.01	9.60E-01	-0.30	1.31E-01
RP1-197B17.5	0.00	9.80E-01	-0.30	1.31E-01
RP11-977G19.12	-0.07	7.31E-01	-0.30	1.31E-01
RP5-1120P11.1	0.27	1.64E-01	0.30	1.31E-01
SERINC2	0.28	1.45E-01	0.30	1.31E-01
SNORD116-1	0.19	3.40E-01	-0.30	1.31E-01
SPATA9	-0.03	8.67E-01	-0.30	1.31E-01
WNT7B	-0.32	9.62E-02	-0.30	1.31E-01
BMPR1B	-0.40	3.32E-02	-0.30	1.32E-01
BNIP3P10	0.10	6.24E-01	-0.30	1.32E-01
CDK12	0.14	4.88E-01	-0.30	1.32E-01
G30917	0.18	3.67E-01	-0.30	1.32E-01
HK2	0.12	5.40E-01	0.30	1.32E-01
IL17RB	0.13	4.97E-01	0.30	1.32E-01
IL22	0.07	7.22E-01	0.30	1.32E-01
MTCO3P2	-0.42	2.53E-02	0.30	1.32E-01
PLEKHG7	0.28	1.48E-01	0.30	1.32E-01
RNF26	0.47	1.16E-02	0.30	1.32E-01
RP1-40E16.12	0.10	6.17E-01	-0.30	1.32E-01
XLOC_011075	-0.09	6.38E-01	-0.30	1.32E-01

Z98881.1	-0.13	5.02E-01	-0.30	1.32E-01
ZNF43	0.06	7.62E-01	-0.30	1.32E-01
AC004471.10	-0.22	2.66E-01	0.30	1.32E-01
ANAPC10	0.11	5.83E-01	-0.30	1.32E-01
ANKRD20A9P	-0.30	1.15E-01	-0.30	1.32E-01
C1orf95	-0.29	1.33E-01	-0.30	1.32E-01
CCDC9	0.09	6.59E-01	0.30	1.32E-01
CDC14A	-0.07	7.28E-01	-0.30	1.32E-01
DDX11L8	-0.12	5.45E-01	-0.30	1.32E-01
DHRS3	0.03	8.94E-01	0.30	1.32E-01
DMWD	-0.15	4.54E-01	0.30	1.32E-01
G32346	0.25	1.95E-01	-0.30	1.32E-01
KLK12	-0.06	7.59E-01	-0.30	1.32E-01
PTX3	0.23	2.46E-01	-0.30	1.32E-01
RN7SL532P	-0.07	7.09E-01	-0.30	1.32E-01
RP11-230L22.4	0.01	9.50E-01	-0.30	1.32E-01
RP11-483P21.6	-0.05	8.14E-01	-0.30	1.32E-01
SIM2	-0.14	4.62E-01	-0.30	1.32E-01
AC139099.4	-0.33	8.34E-02	0.30	1.33E-01
COQ9	0.29	1.38E-01	0.30	1.33E-01
GAMT	0.06	7.67E-01	0.30	1.33E-01
PLEKHA8P1	0.10	6.00E-01	0.30	1.33E-01
TLR5	0.19	3.20E-01	0.30	1.33E-01
LRRC19	-0.14	4.70E-01	-0.30	1.33E-01
RP11-488L18.4	-0.03	8.93E-01	-0.30	1.33E-01
CACNB2	-0.08	6.76E-01	-0.30	1.33E-01
CDH19	-0.33	8.98E-02	-0.30	1.33E-01
CTD-2291D10.4	-0.28	1.50E-01	-0.30	1.33E-01
CTD-2626G11.2	-0.01	9.72E-01	-0.30	1.33E-01
G35086	-0.22	2.68E-01	0.30	1.33E-01
HEPHL1	0.25	1.92E-01	0.30	1.33E-01
PCDHGA11	-0.28	1.50E-01	-0.30	1.33E-01
PRKX	-0.42	2.74E-02	-0.30	1.33E-01
RIMBP2	0.08	6.88E-01	0.30	1.33E-01
RP11-12A2.1	-0.10	6.31E-01	0.30	1.33E-01
RP11-333I13.1	-0.33	8.37E-02	-0.30	1.33E-01
RP11-497H16.9	-0.09	6.32E-01	0.30	1.33E-01
RP11-507J18.2	0.17	3.93E-01	0.30	1.33E-01
RP11-65N13.6	0.01	9.78E-01	-0.30	1.33E-01
RP4-799D16.1	0.26	1.87E-01	0.30	1.33E-01
TCEAL2	-0.06	7.76E-01	-0.30	1.33E-01
ALAD	-0.09	6.40E-01	0.30	1.33E-01
C16orf62	0.20	2.96E-01	0.30	1.33E-01
DOCK2	0.23	2.29E-01	0.30	1.33E-01
EEF1A1P9	0.28	1.54E-01	0.30	1.33E-01
FOXP3	0.07	7.41E-01	0.30	1.33E-01
FZD10-AS1	0.13	4.95E-01	0.30	1.33E-01

NCKAP1L	0.10	6.29E-01	0.30	1.33E-01
RP3-495K2.3	-0.34	7.46E-02	-0.30	1.33E-01
RP4-613A2.1	-0.13	5.03E-01	-0.30	1.33E-01
SNX18	0.04	8.38E-01	-0.30	1.33E-01
TMEM56-RWDD3	0.01	9.57E-01	-0.30	1.33E-01
TRIM21	0.32	1.02E-01	0.30	1.33E-01
VKORC1L1	-0.25	2.08E-01	-0.30	1.33E-01
XPO4	0.04	8.42E-01	-0.30	1.33E-01
AGTRAP	0.37	5.33E-02	0.30	1.34E-01
AP001059.6	-0.30	1.25E-01	-0.30	1.34E-01
CD40LG	0.08	6.77E-01	0.30	1.34E-01
CTD-2012J19.2	0.05	7.89E-01	0.30	1.34E-01
KLRK1	0.26	1.79E-01	-0.30	1.34E-01
MTCO1P29	0.16	4.25E-01	-0.30	1.34E-01
MVB12B	0.44	2.07E-02	0.30	1.34E-01
PAQR5	0.01	9.48E-01	0.30	1.34E-01
RGAG4	-0.57	1.64E-03	-0.30	1.34E-01
RN7SKP287	-0.07	7.25E-01	0.30	1.34E-01
RP11-33B1.3	-0.06	7.52E-01	-0.30	1.34E-01
RP11-399B17.1	-0.49	7.44E-03	-0.30	1.34E-01
RP11-428C19.4	-0.28	1.56E-01	-0.30	1.34E-01
TRIM65	0.15	4.31E-01	0.30	1.34E-01
ALDH1A2	-0.14	4.79E-01	-0.30	1.34E-01
CHURC1	-0.04	8.53E-01	0.30	1.34E-01
CTB-33G10.1	0.22	2.63E-01	-0.30	1.34E-01
EXOC7	0.35	6.48E-02	0.30	1.34E-01
FOXD4	-0.18	3.68E-01	-0.30	1.34E-01
G16357	-0.03	8.95E-01	0.30	1.34E-01
G3016	0.23	2.37E-01	0.30	1.34E-01
LAIR1	0.09	6.46E-01	0.30	1.34E-01
LIPK	0.00	9.80E-01	-0.30	1.34E-01
RP11-148B18.4	-0.07	7.05E-01	-0.30	1.34E-01
RPS12P31	-0.11	5.71E-01	0.30	1.34E-01
SERHL	-0.01	9.76E-01	-0.30	1.34E-01
SYK	0.27	1.61E-01	0.30	1.34E-01
TP63	0.42	2.80E-02	0.30	1.34E-01
TRAK2	-0.37	5.54E-02	-0.30	1.34E-01
TRIM24	0.08	6.77E-01	-0.30	1.34E-01
AL354718.1	0.16	4.12E-01	-0.30	1.35E-01
ALS2CR11	-0.27	1.64E-01	-0.30	1.35E-01
C12orf77	0.11	5.92E-01	-0.30	1.35E-01
CRYM-AS1	-0.38	4.49E-02	-0.30	1.35E-01
CTB-133G6.2	-0.10	6.16E-01	0.30	1.35E-01
CTD-2553L13.10	0.01	9.66E-01	-0.30	1.35E-01
DDX43P1	-0.34	7.92E-02	-0.30	1.35E-01
G2112	0.07	7.14E-01	0.30	1.35E-01
G32422	-0.09	6.48E-01	-0.30	1.35E-01

GPR15	0.23	2.47E-01	-0.30	1.35E-01
HLA-K	-0.24	2.11E-01	-0.30	1.35E-01
MUTYH	0.03	8.69E-01	0.30	1.35E-01
PP2D1	0.24	2.23E-01	-0.30	1.35E-01
RHEB	0.02	9.05E-01	-0.30	1.35E-01
RP11-529E10.6	-0.24	2.12E-01	0.30	1.35E-01
RP11-545P7.9	0.04	8.33E-01	0.30	1.35E-01
RP4-603I14.3	-0.28	1.49E-01	0.30	1.35E-01
RP4-794I6.4	0.28	1.55E-01	0.30	1.35E-01
S100A7	0.14	4.74E-01	0.30	1.35E-01
SEMA3B	-0.07	7.29E-01	-0.30	1.35E-01
ZDHHC17	-0.23	2.45E-01	-0.30	1.35E-01
AC007880.1	0.01	9.75E-01	-0.30	1.35E-01
CPSF6	0.39	4.23E-02	-0.30	1.35E-01
FYN	-0.18	3.69E-01	-0.30	1.35E-01
HIF1AP1	-0.13	4.95E-01	-0.30	1.35E-01
MAP2K6	0.21	2.90E-01	0.30	1.35E-01
6-Mar	-0.08	6.72E-01	-0.30	1.35E-01
PLD4	-0.10	6.10E-01	-0.30	1.35E-01
RN7SL3	0.24	2.28E-01	0.30	1.35E-01
RP11-651K21.1	0.10	6.27E-01	-0.30	1.35E-01
RP11-670E13.6	0.00	9.99E-01	0.30	1.35E-01
RP11-740D6.3	0.11	5.69E-01	-0.30	1.35E-01
SPATA22	-0.18	3.52E-01	-0.30	1.35E-01
TRBC2	0.19	3.24E-01	0.30	1.35E-01
XIST	-0.54	3.02E-03	-0.30	1.35E-01
XLOC_013174	0.14	4.74E-01	-0.30	1.35E-01
ZNF674-AS1	0.16	4.16E-01	-0.30	1.35E-01
DNAJB5	0.23	2.34E-01	0.29	1.36E-01
ESAM	-0.01	9.75E-01	0.29	1.36E-01
MXD1	0.24	2.28E-01	0.29	1.36E-01
RNA5SP151	-0.05	8.13E-01	-0.29	1.36E-01
RP11-108K3.1	0.23	2.41E-01	0.29	1.36E-01
RP11-430L17.1	-0.01	9.43E-01	-0.29	1.36E-01
ZNF677	-0.12	5.59E-01	-0.29	1.36E-01
AC002044.3	-0.17	3.77E-01	-0.29	1.36E-01
CTD-2215E18.2	-0.16	4.18E-01	-0.29	1.36E-01
CTD-3096P4.1	-0.45	1.69E-02	-0.29	1.36E-01
FDX1	0.02	9.08E-01	-0.29	1.36E-01
G26596	-0.04	8.59E-01	-0.29	1.36E-01
IPMK	0.16	4.19E-01	-0.29	1.36E-01
KCTD9P2	-0.05	7.94E-01	0.29	1.36E-01
LINC00664	-0.09	6.33E-01	-0.29	1.36E-01
LINC01315	-0.21	2.73E-01	-0.29	1.36E-01
PRKAR2B	-0.19	3.34E-01	-0.29	1.36E-01
RNU6-584P	0.03	8.80E-01	0.29	1.36E-01
RP11-158H5.7	-0.02	9.24E-01	0.29	1.36E-01

RP11-748H22.1	0.01	9.74E-01	0.29	1.36E-01
STAU2-AS1	-0.24	2.23E-01	-0.29	1.36E-01
TLL1	-0.33	8.16E-02	0.29	1.36E-01
ZNF230	0.15	4.53E-01	-0.29	1.36E-01
ALG1L7P	-0.01	9.68E-01	-0.29	1.36E-01
C3orf49	0.32	9.18E-02	-0.29	1.36E-01
CH507-9B2.8	0.13	4.95E-01	0.29	1.36E-01
CHST2	0.23	2.45E-01	-0.29	1.36E-01
CTD-2313J17.7	0.08	6.78E-01	-0.29	1.36E-01
HAO2	0.15	4.48E-01	-0.29	1.36E-01
LCA5	0.05	8.15E-01	-0.29	1.36E-01
MPTX1	-0.13	5.19E-01	-0.29	1.36E-01
MSI1	-0.06	7.72E-01	-0.29	1.36E-01
POU3F1	0.17	3.88E-01	0.29	1.36E-01
REN	0.40	3.45E-02	0.29	1.36E-01
RNU6-388P	0.31	1.06E-01	-0.29	1.36E-01
RP11-70D24.4	0.05	8.05E-01	-0.29	1.36E-01
SLC22A8	-0.12	5.53E-01	0.29	1.36E-01
TIGD6	0.32	9.18E-02	0.29	1.36E-01
KXbac-B444P24.1C	-0.03	8.73E-01	-0.29	1.36E-01
AC073069.2	-0.19	3.26E-01	-0.29	1.37E-01
BAG3	0.25	2.04E-01	0.29	1.37E-01
CCDC162P	0.15	4.38E-01	-0.29	1.37E-01
CCDC62	-0.23	2.32E-01	-0.29	1.37E-01
CHRND	-0.28	1.42E-01	-0.29	1.37E-01
CTSL	0.25	2.02E-01	0.29	1.37E-01
DHRS4-AS1	0.04	8.54E-01	0.29	1.37E-01
FAM83B	0.04	8.58E-01	0.29	1.37E-01
GAPT	0.07	7.24E-01	-0.29	1.37E-01
MFSD8	0.10	6.05E-01	-0.29	1.37E-01
MIR1256	-0.18	3.55E-01	-0.29	1.37E-01
RP11-150O12.6	0.05	7.87E-01	0.29	1.37E-01
RP11-526I2.1	-0.44	1.84E-02	0.29	1.37E-01
RP11-5G9.6	-0.06	7.54E-01	-0.29	1.37E-01
RSPH9	-0.24	2.17E-01	-0.29	1.37E-01
TRPC1	-0.09	6.32E-01	-0.29	1.37E-01
ZDHHC1	-0.14	4.63E-01	-0.29	1.37E-01
ABCF3	0.20	2.97E-01	0.29	1.37E-01
AF001548.6	-0.01	9.66E-01	0.29	1.37E-01
ASIC4	-0.17	3.77E-01	-0.29	1.37E-01
BCORP1	0.38	4.52E-02	0.29	1.37E-01
CPB2-AS1	0.00	9.96E-01	-0.29	1.37E-01
CR848007.2	-0.61	6.20E-04	-0.29	1.37E-01
DIO2	0.34	7.27E-02	0.29	1.37E-01
RP11-1099M24.9	-0.01	9.67E-01	-0.29	1.37E-01
RP11-236L14.2	0.15	4.51E-01	-0.29	1.37E-01
RP11-51F16.1	-0.26	1.73E-01	0.29	1.37E-01

<b>RP11-616M22.12</b>	0.01	9.48E-01	-0.29	1.37E-01
<b>RPL23AP53</b>	-0.01	9.42E-01	-0.29	1.37E-01
<b>TIGAR</b>	0.11	5.64E-01	0.29	1.37E-01
<b>TMEM150B</b>	0.00	9.99E-01	0.29	1.37E-01
<b>ZNF839P1</b>	0.37	5.20E-02	0.29	1.37E-01
<b>AC114808.2</b>	-0.03	8.68E-01	-0.29	1.38E-01
<b>CHN1</b>	0.10	6.06E-01	0.29	1.38E-01
<b>DRAIC</b>	-0.14	4.81E-01	0.29	1.38E-01
<b>G41369</b>	-0.22	2.62E-01	-0.29	1.38E-01
<b>GIMAP4</b>	0.04	8.57E-01	0.29	1.38E-01
<b>GTF3AP2</b>	0.05	8.08E-01	-0.29	1.38E-01
<b>ICAM1</b>	0.19	3.32E-01	0.29	1.38E-01
<b>IFIH1</b>	0.28	1.53E-01	0.29	1.38E-01
<b>KB-1396H2.2</b>	0.22	2.68E-01	0.29	1.38E-01
<b>NACAD</b>	-0.05	7.98E-01	-0.29	1.38E-01
<b>NRAP</b>	0.32	1.02E-01	0.29	1.38E-01
<b>RP1-197B17.3</b>	0.09	6.33E-01	-0.29	1.38E-01
<b>RP11-527N22.2</b>	0.19	3.21E-01	0.29	1.38E-01
<b>RP11-582E3.4</b>	-0.34	8.00E-02	-0.29	1.38E-01
<b>SLC35E3</b>	0.15	4.50E-01	0.29	1.38E-01
<b>TMEM259</b>	0.14	4.88E-01	0.29	1.38E-01
<b>ZNRF3-IT1</b>	-0.15	4.42E-01	-0.29	1.38E-01
<b>BCAR3</b>	-0.26	1.73E-01	-0.29	1.38E-01
<b>CTAGE6</b>	0.25	2.08E-01	-0.29	1.38E-01
<b>FAM69A</b>	-0.05	7.96E-01	0.29	1.38E-01
<b>G16985</b>	-0.22	2.62E-01	-0.29	1.38E-01
<b>OSGIN1</b>	-0.11	5.70E-01	-0.29	1.38E-01
<b>OTULIN</b>	-0.01	9.49E-01	0.29	1.38E-01
<b>RP1L1</b>	-0.10	6.04E-01	-0.29	1.38E-01
<b>SLC1A4</b>	-0.13	5.09E-01	-0.29	1.38E-01
<b>TMCC1</b>	0.30	1.16E-01	0.29	1.38E-01
<b>XAF1</b>	0.35	7.03E-02	0.29	1.38E-01
<b>ADAR</b>	0.33	9.04E-02	0.29	1.39E-01
<b>CENPC</b>	-0.16	4.12E-01	-0.29	1.39E-01
<b>CNTN1</b>	-0.21	2.86E-01	-0.29	1.39E-01
<b>COL9A3</b>	-0.08	6.98E-01	0.29	1.39E-01
<b>PDIA3P1</b>	-0.19	3.37E-01	-0.29	1.39E-01
<b>PLA2G16</b>	-0.08	6.85E-01	-0.29	1.39E-01
<b>RP11-160H12.2</b>	-0.21	2.93E-01	-0.29	1.39E-01
<b>RP11-392P7.7</b>	-0.11	5.74E-01	-0.29	1.39E-01
<b>RP11-74E22.3</b>	0.31	1.04E-01	0.29	1.39E-01
<b>SNURF</b>	0.22	2.69E-01	-0.29	1.39E-01
<b>TEF</b>	-0.15	4.42E-01	-0.29	1.39E-01
<b>AP000695.6</b>	-0.16	4.30E-01	0.29	1.39E-01
<b>FAM166B</b>	0.03	8.73E-01	-0.29	1.39E-01
<b>MEN1</b>	-0.08	7.00E-01	0.29	1.39E-01
<b>MFSD4</b>	-0.24	2.24E-01	-0.29	1.39E-01

NFKBIL1	0.14	4.86E-01	0.29	1.39E-01
PTGER1	-0.04	8.42E-01	-0.29	1.39E-01
RNU6-915P	-0.16	4.29E-01	-0.29	1.39E-01
RP11-269F19.2	-0.04	8.27E-01	0.29	1.39E-01
RP11-325E14.5	0.00	9.98E-01	-0.29	1.39E-01
RP3-340B19.2	0.23	2.47E-01	0.29	1.39E-01
RP3-340N1.2	0.03	8.65E-01	-0.29	1.39E-01
RP3-453C12.14	-0.04	8.48E-01	-0.29	1.39E-01
RPL24P4	-0.27	1.71E-01	0.29	1.39E-01
XLOC_008614	-0.16	4.16E-01	-0.29	1.39E-01
ZNF292	-0.20	3.13E-01	-0.29	1.39E-01
ZNF625	-0.24	2.11E-01	-0.29	1.39E-01
CHRNB4	-0.03	8.69E-01	-0.29	1.39E-01
CTA-384D8.31	0.25	1.93E-01	0.29	1.39E-01
CTD-3214K23.1	0.01	9.69E-01	0.29	1.39E-01
FUT11	-0.06	7.45E-01	0.29	1.39E-01
LINC01060	-0.31	1.10E-01	0.29	1.39E-01
NPM1P6	-0.04	8.57E-01	-0.29	1.39E-01
PROX1-AS1	-0.45	1.68E-02	0.29	1.39E-01
RP11-146N23.4	-0.21	2.76E-01	0.29	1.39E-01
RP5-1182A14.5	-0.03	8.95E-01	-0.29	1.39E-01
SMG7-AS1	0.09	6.56E-01	-0.29	1.39E-01
SRP9P1	0.08	6.69E-01	0.29	1.39E-01
USE1	0.34	7.56E-02	0.29	1.39E-01
BNIP3P17	-0.06	7.63E-01	-0.29	1.40E-01
CFAP54	-0.27	1.72E-01	0.29	1.40E-01
CTNND2	0.08	6.93E-01	-0.29	1.40E-01
DDX25	-0.18	3.65E-01	-0.29	1.40E-01
FLG2	-0.32	9.84E-02	-0.29	1.40E-01
G40986	0.46	1.50E-02	-0.29	1.40E-01
GPN2	0.24	2.27E-01	0.29	1.40E-01
HIGD1AP14	0.21	2.83E-01	-0.29	1.40E-01
KRTCAP3	0.01	9.66E-01	0.29	1.40E-01
NRP2	0.08	6.96E-01	0.29	1.40E-01
PCNXL3	0.08	6.74E-01	0.29	1.40E-01
PWAR1	0.04	8.44E-01	-0.29	1.40E-01
RP11-33N14.5	0.20	3.16E-01	-0.29	1.40E-01
RP3-477O4.5	0.01	9.50E-01	-0.29	1.40E-01
YWHAEP7	0.04	8.36E-01	0.29	1.40E-01
CTD-2026K11.6	-0.16	4.16E-01	-0.29	1.40E-01
CTD-2260A17.2	0.26	1.79E-01	0.29	1.40E-01
CXCL3	-0.06	7.72E-01	0.29	1.40E-01
KCNH8	-0.21	2.89E-01	-0.29	1.40E-01
KIDINS220	-0.11	5.89E-01	-0.29	1.40E-01
LMBRD2	0.32	9.81E-02	-0.29	1.40E-01
PLCD3	0.02	9.36E-01	0.29	1.40E-01
RP11-141B14.2	0.29	1.38E-01	-0.29	1.40E-01

SCN4B	0.47	1.18E-02	0.29	1.40E-01
AC007163.3	0.18	3.49E-01	0.29	1.41E-01
CCDC6	-0.12	5.48E-01	-0.29	1.41E-01
CCDC88B	0.20	3.07E-01	0.29	1.41E-01
CHKB-CPT1B	-0.16	4.08E-01	-0.29	1.41E-01
EPB41L3	-0.02	9.39E-01	-0.29	1.41E-01
FAM157A	0.10	6.18E-01	-0.29	1.41E-01
G12463	-0.17	3.94E-01	-0.29	1.41E-01
G29948	0.04	8.42E-01	0.29	1.41E-01
HNRNPA1P68	0.41	2.83E-02	-0.29	1.41E-01
HSFY3P	0.17	3.83E-01	0.29	1.41E-01
KLF9	-0.14	4.84E-01	-0.29	1.41E-01
MEF2B	-0.15	4.60E-01	0.29	1.41E-01
MIR32	0.01	9.70E-01	-0.29	1.41E-01
MIR627	-0.08	7.02E-01	-0.29	1.41E-01
OR2A13P	-0.26	1.75E-01	-0.29	1.41E-01
PSORS1C2	0.52	4.70E-03	0.29	1.41E-01
PTH2R	-0.13	5.23E-01	-0.29	1.41E-01
RGPD1	-0.13	5.09E-01	-0.29	1.41E-01
RP11-20D14.6	-0.22	2.71E-01	0.29	1.41E-01
RP11-597M17.1	0.09	6.33E-01	-0.29	1.41E-01
RP3-426I6.2	-0.17	3.97E-01	-0.29	1.41E-01
RP5-1148A21.3	0.09	6.37E-01	0.29	1.41E-01
SEMA4C	-0.26	1.84E-01	0.29	1.41E-01
Z69720.3	-0.14	4.85E-01	-0.29	1.41E-01
ZNF527	0.37	5.50E-02	-0.29	1.41E-01
C5	-0.04	8.24E-01	-0.29	1.41E-01
CEP104	0.14	4.74E-01	0.29	1.41E-01
CST3	0.30	1.16E-01	0.29	1.41E-01
CTD-2024P10.2	-0.20	3.09E-01	-0.29	1.41E-01
KIF9-AS1	0.27	1.61E-01	0.29	1.41E-01
PCNXL4	0.26	1.78E-01	-0.29	1.41E-01
RP11-157G21.2	-0.20	2.97E-01	0.29	1.41E-01
RP11-690P14.4	0.15	4.35E-01	-0.29	1.41E-01
SLC7A11-AS1	0.21	2.85E-01	0.29	1.41E-01
UTRN	-0.23	2.38E-01	-0.29	1.41E-01
BATF	0.09	6.46E-01	0.29	1.42E-01
EPX	-0.05	7.92E-01	-0.29	1.42E-01
G1730	0.15	4.45E-01	-0.29	1.42E-01
GUSBP4	-0.14	4.71E-01	-0.29	1.42E-01
LINC01134	-0.16	4.27E-01	0.29	1.42E-01
MAN1B1	-0.07	7.07E-01	0.29	1.42E-01
MIR210HG	-0.12	5.56E-01	0.29	1.42E-01
MMP24	-0.20	3.18E-01	-0.29	1.42E-01
MRPS30	0.22	2.71E-01	-0.29	1.42E-01
PPIAP29	-0.05	8.08E-01	0.29	1.42E-01
PRKY	0.28	1.52E-01	0.29	1.42E-01



SETP5	-0.07	7.42E-01	-0.29	1.42E-01
ZP2	-0.22	2.68E-01	-0.29	1.42E-01
CALCRL	-0.06	7.66E-01	0.29	1.42E-01
CYB561D1	-0.09	6.49E-01	0.29	1.42E-01
SERPINB4	0.32	9.81E-02	0.29	1.42E-01
SLC26A6	-0.01	9.58E-01	0.29	1.42E-01
TSTD2	0.01	9.54E-01	0.29	1.42E-01
COX11	0.07	7.11E-01	-0.29	1.42E-01
CPE	-0.26	1.77E-01	-0.29	1.42E-01
G2447	-0.19	3.31E-01	-0.29	1.42E-01
GREB1	-0.26	1.88E-01	-0.29	1.42E-01
LINC01552	-0.10	6.05E-01	-0.29	1.42E-01
NPAT	-0.04	8.52E-01	-0.29	1.42E-01
PLLP	-0.09	6.42E-01	-0.29	1.42E-01
RP11-220I1.4	0.08	6.70E-01	-0.29	1.42E-01
SPG20	-0.23	2.35E-01	-0.29	1.42E-01
UXT-AS1	-0.18	3.49E-01	-0.29	1.42E-01
WNT8B	-0.16	4.14E-01	-0.29	1.42E-01
XLOC_012871	-0.06	7.73E-01	-0.29	1.42E-01
AHNAK	-0.39	3.80E-02	-0.29	1.42E-01
C14orf80	-0.50	6.65E-03	-0.29	1.42E-01
CTC-487M23.7	-0.41	2.96E-02	-0.29	1.42E-01
DPEP2	0.07	7.32E-01	0.29	1.42E-01
DSG4	0.28	1.53E-01	0.29	1.42E-01
LTBR	0.34	8.08E-02	0.29	1.42E-01
OR9Q1	-0.12	5.45E-01	0.29	1.42E-01
PADI4	-0.49	8.57E-03	-0.29	1.42E-01
PMS1	0.08	6.97E-01	-0.29	1.42E-01
RN7SKP80	0.04	8.53E-01	0.29	1.42E-01
RNASE1	0.11	5.64E-01	0.29	1.42E-01
RNU6-171P	-0.09	6.61E-01	-0.29	1.42E-01
RP11-795F19.1	-0.22	2.61E-01	-0.29	1.42E-01
SGCA	-0.36	6.15E-02	-0.29	1.42E-01
TBX4	0.36	6.22E-02	0.29	1.42E-01
TMEM63C	0.14	4.92E-01	-0.29	1.42E-01
AF131217.1	0.17	3.93E-01	-0.29	1.43E-01
AP3B2	-0.05	8.08E-01	-0.29	1.43E-01
BCL2L15	0.07	7.40E-01	0.29	1.43E-01
CTC-463A16.1	-0.24	2.13E-01	-0.29	1.43E-01
FAM50B	0.16	4.15E-01	0.29	1.43E-01
G42897	0.21	2.83E-01	-0.29	1.43E-01
MIRLET7F1	0.05	7.92E-01	0.29	1.43E-01
NCF1	0.15	4.57E-01	0.29	1.43E-01
RN7SL789P	-0.13	5.22E-01	0.29	1.43E-01
RP11-20B24.7	-0.12	5.30E-01	0.29	1.43E-01
ATF7IP	0.04	8.23E-01	0.29	1.43E-01
G36254	0.11	5.85E-01	-0.29	1.43E-01

MAP3K6	0.07	7.31E-01	0.29	1.43E-01
MNS1	-0.16	4.20E-01	-0.29	1.43E-01
NPRL2	0.11	5.85E-01	0.29	1.43E-01
NQO2	0.01	9.46E-01	0.29	1.43E-01
PLEKHH3	0.35	6.98E-02	0.29	1.43E-01
RP11-397J20.1	0.04	8.33E-01	-0.29	1.43E-01
RP11-662B19.1	0.21	2.73E-01	0.29	1.43E-01
RP11-89B16.1	-0.13	4.99E-01	-0.29	1.43E-01
RPS3AP3	0.14	4.71E-01	0.29	1.43E-01
SLC38A7	-0.10	6.09E-01	0.29	1.43E-01
SNORD7	-0.07	7.19E-01	-0.29	1.43E-01
ST8SIA6-AS1	-0.05	8.11E-01	-0.29	1.43E-01
TPT1P10	-0.39	4.20E-02	-0.29	1.43E-01
CTD-2619J13.19	-0.04	8.23E-01	0.29	1.44E-01
FAM43A	0.41	2.89E-02	0.29	1.44E-01
MLKL	0.24	2.13E-01	0.29	1.44E-01
UNC13D	0.29	1.35E-01	0.29	1.44E-01
AC018867.2	0.30	1.17E-01	-0.29	1.44E-01
ACSBG2	0.10	6.25E-01	-0.29	1.44E-01
CTD-2537I9.18	0.17	3.81E-01	-0.29	1.44E-01
FOXO6	-0.27	1.70E-01	-0.29	1.44E-01
PLEKHA3	0.08	6.89E-01	-0.29	1.44E-01
SLC26A5	-0.15	4.60E-01	-0.29	1.44E-01
AP000304.1	-0.13	5.18E-01	-0.29	1.44E-01
ASS1P10	-0.05	7.99E-01	-0.29	1.44E-01
FOXJ2	-0.11	5.81E-01	-0.29	1.44E-01
KLHL32	-0.21	2.84E-01	-0.29	1.44E-01
LINC00892	0.11	5.83E-01	0.29	1.44E-01
MSL3P1	0.23	2.35E-01	0.29	1.44E-01
PCDHB12	-0.09	6.36E-01	0.29	1.44E-01
PHYHIPL	0.11	5.92E-01	-0.29	1.44E-01
RP11-1006G14.1	-0.03	8.94E-01	-0.29	1.44E-01
RPS3AP40	-0.04	8.46E-01	-0.29	1.44E-01
TTC3P1	-0.33	8.87E-02	-0.29	1.44E-01
ZNF317	0.08	6.75E-01	0.29	1.44E-01
CCDC15	-0.04	8.30E-01	-0.29	1.45E-01
CORT	0.18	3.64E-01	-0.29	1.45E-01
COX15	0.05	8.02E-01	0.29	1.45E-01
GCOM2	-0.17	3.86E-01	-0.29	1.45E-01
GNA12	0.25	2.05E-01	0.29	1.45E-01
MIR4742	-0.19	3.41E-01	-0.29	1.45E-01
PSMA6P1	0.33	8.59E-02	0.29	1.45E-01
RP11-1277A3.2	-0.24	2.14E-01	0.29	1.45E-01
SLC27A3	0.12	5.41E-01	0.29	1.45E-01
STAG3	-0.20	2.96E-01	-0.29	1.45E-01
ZNF793-AS1	-0.35	7.05E-02	0.29	1.45E-01
G22374	-0.13	4.95E-01	-0.29	1.45E-01

NPRL3	0.05	8.14E-01	0.29	1.45E-01
PBXIP1	0.09	6.56E-01	0.29	1.45E-01
PLCD1	0.36	5.74E-02	0.29	1.45E-01
RP11-730G20.2	0.08	6.76E-01	-0.29	1.45E-01
SUFU	0.12	5.33E-01	0.29	1.45E-01
TBC1D2	0.03	8.80E-01	0.29	1.45E-01
TGIF2	0.46	1.43E-02	0.29	1.45E-01
YIPF6	0.24	2.15E-01	-0.29	1.45E-01
AADAT	0.09	6.33E-01	-0.29	1.46E-01
AC007563.3	-0.28	1.49E-01	-0.29	1.46E-01
APOBEC3C	0.12	5.29E-01	0.29	1.46E-01
AQP4	0.02	9.10E-01	-0.29	1.46E-01
CEP57L1	-0.02	9.28E-01	-0.29	1.46E-01
CTD-3075F15.1	0.01	9.79E-01	0.29	1.46E-01
CYB5A	0.21	2.90E-01	-0.29	1.46E-01
EIF4EP2	0.07	7.21E-01	0.29	1.46E-01
GCFC2	-0.06	7.75E-01	-0.29	1.46E-01
RP11-182I10.2	0.05	8.04E-01	-0.29	1.46E-01
RP11-488L18.10	0.05	8.16E-01	-0.29	1.46E-01
RPS20P33	-0.34	7.92E-02	0.29	1.46E-01
RUNX3	0.15	4.54E-01	0.29	1.46E-01
SATB2	0.02	9.25E-01	0.29	1.46E-01
TANGO2	-0.12	5.31E-01	0.29	1.46E-01
TMEM132B	-0.41	3.04E-02	-0.29	1.46E-01
TRIM26	0.34	7.64E-02	0.29	1.46E-01
TYW5	0.19	3.30E-01	-0.29	1.46E-01
UGT1A10	0.18	3.57E-01	0.29	1.46E-01
VIT	-0.27	1.70E-01	0.29	1.46E-01
XLOC_007109	0.13	4.93E-01	-0.29	1.46E-01
ASPRV1	-0.04	8.56E-01	0.29	1.46E-01
CCDC58P5	0.14	4.79E-01	-0.29	1.46E-01
CIART	-0.25	2.02E-01	-0.29	1.46E-01
DDX17	-0.08	6.80E-01	-0.29	1.46E-01
DYNAP	0.19	3.36E-01	-0.29	1.46E-01
G32319	0.10	6.24E-01	0.29	1.46E-01
KCTD16	-0.05	8.17E-01	-0.29	1.46E-01
LIPT1	-0.06	7.75E-01	-0.29	1.46E-01
PSMB9	0.06	7.51E-01	0.29	1.46E-01
RNU6-306P	-0.13	5.01E-01	-0.29	1.46E-01
RP11-94A24.1	-0.19	3.26E-01	0.29	1.46E-01
RPS26P47	-0.02	9.01E-01	-0.29	1.46E-01
TAF12	0.02	9.15E-01	0.29	1.46E-01
TRAPPC4	0.19	3.26E-01	0.29	1.46E-01
ZNF727	-0.34	7.29E-02	-0.29	1.46E-01
ASPH	-0.07	7.14E-01	-0.29	1.46E-01
C3orf52	-0.36	5.88E-02	-0.29	1.46E-01
FAM188A	-0.25	1.93E-01	-0.29	1.46E-01

<b>RP11-114H23.1</b>	-0.41	2.85E-02	-0.29	1.46E-01
<b>SF3A3P1</b>	-0.08	6.68E-01	-0.29	1.46E-01
<b>SNAPC4</b>	0.06	7.49E-01	-0.29	1.46E-01
<b>TRMT13</b>	-0.04	8.26E-01	-0.29	1.46E-01
<b>AC004540.5</b>	0.14	4.85E-01	0.29	1.46E-01
<b>ERICH6-AS1</b>	0.00	9.93E-01	0.29	1.46E-01
<b>ERMAP</b>	-0.08	6.74E-01	0.29	1.46E-01
<b>KMT2E-AS1</b>	-0.25	1.98E-01	0.29	1.46E-01
<b>LAPTM5</b>	0.33	9.12E-02	0.29	1.46E-01
<b>MX1</b>	0.33	8.24E-02	0.29	1.46E-01
<b>RPS4Y1</b>	0.18	3.59E-01	0.29	1.46E-01
<b>CCDC163P</b>	0.15	4.42E-01	0.29	1.47E-01
<b>CRCT1</b>	0.18	3.65E-01	0.29	1.47E-01
<b>CTD-2554C21.3</b>	-0.05	7.99E-01	-0.29	1.47E-01
<b>CYYR1</b>	0.02	9.26E-01	0.29	1.47E-01
<b>F2RL2</b>	-0.15	4.34E-01	0.29	1.47E-01
<b>GDF6</b>	-0.19	3.40E-01	0.29	1.47E-01
<b>IGKV4-1</b>	0.54	3.06E-03	0.29	1.47E-01
<b>LRRC4</b>	0.00	9.82E-01	0.29	1.47E-01
<b>NUTM2B-AS1</b>	-0.01	9.40E-01	-0.29	1.47E-01
<b>RNU6-26P</b>	-0.24	2.13E-01	0.29	1.47E-01
<b>RP3-467N11.1</b>	0.01	9.40E-01	0.29	1.47E-01
<b>TSHZ1</b>	0.13	4.96E-01	0.29	1.47E-01
<b>C2CD2</b>	-0.10	6.27E-01	-0.29	1.47E-01
<b>CEP83</b>	-0.11	5.68E-01	-0.29	1.47E-01
<b>CTC-436P18.5</b>	-0.09	6.47E-01	-0.29	1.47E-01
<b>ERICH3</b>	0.33	8.81E-02	0.29	1.47E-01
<b>KCNJ2</b>	0.42	2.50E-02	0.29	1.47E-01
<b>MAGEH1</b>	-0.31	1.03E-01	-0.29	1.47E-01
<b>RP11-108O10.2</b>	-0.10	6.14E-01	-0.29	1.47E-01
<b>RP11-456J20.1</b>	-0.15	4.38E-01	-0.29	1.47E-01
<b>RP11-65L3.4</b>	0.01	9.46E-01	-0.29	1.47E-01
<b>SPECC1L</b>	0.19	3.24E-01	0.29	1.47E-01
<b>TRIM32</b>	-0.07	7.39E-01	-0.29	1.47E-01
<b>BRPF3</b>	0.00	9.98E-01	0.29	1.48E-01
<b>FUT4</b>	-0.05	7.92E-01	-0.29	1.48E-01
<b>GSTK1</b>	0.10	6.31E-01	0.29	1.48E-01
<b>MYO1C</b>	0.01	9.57E-01	0.29	1.48E-01
<b>RN7SKP173</b>	-0.15	4.39E-01	-0.29	1.48E-01
<b>RP1-47A17.1</b>	-0.15	4.38E-01	0.29	1.48E-01
<b>RP11-138A9.1</b>	0.04	8.46E-01	-0.29	1.48E-01
<b>RPS6KB2</b>	-0.08	6.84E-01	0.29	1.48E-01
<b>SNHG6</b>	0.04	8.52E-01	-0.29	1.48E-01
<b>VSNL1</b>	0.32	9.45E-02	0.29	1.48E-01
<b>ZBTB45</b>	0.22	2.60E-01	0.29	1.48E-01
<b>AC114812.8</b>	-0.04	8.26E-01	-0.29	1.48E-01
<b>C17orf107</b>	0.28	1.45E-01	0.29	1.48E-01

CCR8	-0.22	2.60E-01	0.29	1.48E-01
CELSR1	-0.01	9.56E-01	0.29	1.48E-01
ENDOV	0.15	4.56E-01	-0.29	1.48E-01
LGALS9	0.11	5.92E-01	0.29	1.48E-01
POLB	0.16	4.17E-01	0.29	1.48E-01
RP11-378J18.8	0.27	1.67E-01	-0.29	1.48E-01
RP4-672N11.1	-0.44	1.83E-02	-0.29	1.48E-01
RP4-724E16.2	0.07	7.09E-01	0.29	1.48E-01
AC007551.1	-0.17	3.93E-01	-0.29	1.49E-01
AC073284.4	-0.23	2.45E-01	-0.29	1.49E-01
APBB1IP	0.20	3.11E-01	0.29	1.49E-01
BACE1	0.15	4.43E-01	0.29	1.49E-01
COL19A1	-0.02	9.35E-01	-0.29	1.49E-01
CTD-2260A17.3	-0.21	2.93E-01	-0.29	1.49E-01
GAL3ST1	-0.01	9.49E-01	-0.29	1.49E-01
IL12RB1	0.24	2.27E-01	0.29	1.49E-01
KB-1562D12.3	0.08	7.02E-01	-0.29	1.49E-01
MATK	0.15	4.49E-01	0.29	1.49E-01
RP11-49G2.3	-0.29	1.31E-01	-0.29	1.49E-01
RP11-62F24.2	0.22	2.68E-01	-0.29	1.49E-01
ZNF385A	0.01	9.55E-01	0.29	1.49E-01
AIP	0.02	9.26E-01	0.29	1.49E-01
BMPR1A	-0.18	3.58E-01	-0.29	1.49E-01
C1orf233	-0.10	6.28E-01	0.29	1.49E-01
CTB-60B18.18	-0.11	5.71E-01	-0.29	1.49E-01
PARP15	0.03	8.80E-01	0.29	1.49E-01
PI4K2A	0.38	4.41E-02	0.29	1.49E-01
PRR13	0.09	6.41E-01	0.29	1.49E-01
RP11-475A13.1	-0.36	5.92E-02	0.29	1.49E-01
RP3-496C20.1	-0.08	6.76E-01	-0.29	1.49E-01
RP5-997D16.2	0.30	1.15E-01	0.29	1.49E-01
RRN3	0.02	9.04E-01	-0.29	1.49E-01
TRAF6	-0.11	5.63E-01	-0.29	1.49E-01
XLOC_011990	-0.03	8.62E-01	-0.29	1.49E-01
AC106786.1	0.26	1.86E-01	0.28	1.50E-01
ARID2	-0.19	3.29E-01	-0.28	1.50E-01
CLEC1B	-0.14	4.88E-01	-0.28	1.50E-01
KREMEN1	0.32	9.87E-02	0.28	1.50E-01
METAP1D	-0.14	4.89E-01	-0.28	1.50E-01
MYL6B	0.16	4.19E-01	0.28	1.50E-01
PKD1L1	-0.08	6.71E-01	-0.28	1.50E-01
RNA5SP201	-0.30	1.22E-01	-0.28	1.50E-01
RP11-165A20.3	-0.35	6.77E-02	0.28	1.50E-01
RP11-57H12.2	-0.38	4.33E-02	-0.28	1.50E-01
RP11-767L7.2	-0.07	7.23E-01	0.28	1.50E-01
RTN4RL2	0.02	9.26E-01	0.28	1.50E-01
SDAD1P4	-0.05	8.19E-01	-0.28	1.50E-01

TADA1	-0.04	8.21E-01	-0.28	1.50E-01
CCDC181	-0.23	2.47E-01	-0.28	1.50E-01
DBT	0.09	6.58E-01	0.28	1.50E-01
FAM107A	-0.34	7.32E-02	-0.28	1.50E-01
FCGR1B	0.08	6.91E-01	-0.28	1.50E-01
FNTAP2	0.07	7.27E-01	-0.28	1.50E-01
GFRA2	-0.25	2.09E-01	0.28	1.50E-01
NPTX2	-0.25	2.02E-01	-0.28	1.50E-01
PCDHA5	0.10	6.25E-01	0.28	1.50E-01
RIBC2	0.13	5.01E-01	-0.28	1.50E-01
RNU6-57P	-0.19	3.26E-01	-0.28	1.50E-01
RP11-123B3.2	-0.27	1.71E-01	0.28	1.50E-01
RP11-347E10.1	-0.10	5.98E-01	-0.28	1.50E-01
RP11-51J9.6	-0.28	1.56E-01	-0.28	1.50E-01
RP11-802O23.3	-0.10	6.18E-01	0.28	1.50E-01
RPL35P6	-0.21	2.87E-01	-0.28	1.50E-01
ZNF295-AS1	-0.31	1.06E-01	-0.28	1.50E-01
BEAN1	-0.09	6.37E-01	-0.28	1.51E-01
BNIP3P29	-0.04	8.21E-01	-0.28	1.51E-01
FBXW5	0.08	6.88E-01	0.28	1.51E-01
IGSF5	-0.13	4.95E-01	-0.28	1.51E-01
MAML1	0.19	3.25E-01	0.28	1.51E-01
MGAT5B	-0.30	1.24E-01	0.28	1.51E-01
NDUFA13	0.32	1.00E-01	-0.28	1.51E-01
RP11-181C21.4	-0.26	1.85E-01	0.28	1.51E-01
RP11-554E23.4	-0.27	1.70E-01	-0.28	1.51E-01
RRAGD	-0.15	4.34E-01	-0.28	1.51E-01
SGMS2	-0.06	7.54E-01	-0.28	1.51E-01
SPTA1	0.39	3.76E-02	0.28	1.51E-01
AC007317.1	-0.16	4.09E-01	-0.28	1.51E-01
AC024580.1	0.25	2.00E-01	0.28	1.51E-01
BAK1	0.25	1.94E-01	0.28	1.51E-01
DUT	0.02	9.16E-01	-0.28	1.51E-01
G4440	-0.15	4.48E-01	-0.28	1.51E-01
HSPA1L	-0.13	5.12E-01	-0.28	1.51E-01
IP6K1	-0.05	7.82E-01	0.28	1.51E-01
KCNK3	-0.38	4.49E-02	0.28	1.51E-01
KIF18A	0.14	4.74E-01	0.28	1.51E-01
LCP2	0.21	2.95E-01	0.28	1.51E-01
MS4A7	0.08	6.93E-01	0.28	1.51E-01
NADK2-AS1	0.00	9.81E-01	-0.28	1.51E-01
RN7SKP116	-0.10	6.15E-01	-0.28	1.51E-01
RP11-293M10.2	-0.03	8.91E-01	-0.28	1.51E-01
RP11-363J20.2	-0.02	9.01E-01	-0.28	1.51E-01
RP11-452G18.2	0.16	4.26E-01	0.28	1.51E-01
RP11-6B6.3	-0.20	3.11E-01	-0.28	1.51E-01
RP11-74E22.4	-0.29	1.36E-01	-0.28	1.51E-01

<b>TOP3A</b>	0.18	3.57E-01	0.28	1.51E-01
<b>HS3ST1</b>	0.34	7.37E-02	0.28	1.51E-01
<b>KRT16P2</b>	0.38	4.73E-02	0.28	1.51E-01
<b>LLNLR-304A6.1</b>	0.21	2.89E-01	0.28	1.51E-01
<b>NRSN2</b>	0.07	7.32E-01	0.28	1.51E-01
<b>RP11-38G5.2</b>	-0.18	3.63E-01	-0.28	1.51E-01
<b>STK3</b>	-0.19	3.44E-01	-0.28	1.51E-01
<b>UNGP3</b>	0.06	7.48E-01	0.28	1.51E-01
<b>USP53</b>	0.15	4.49E-01	-0.28	1.51E-01
<b>CCR4</b>	0.19	3.41E-01	0.28	1.52E-01
<b>CD84</b>	0.34	7.64E-02	0.28	1.52E-01
<b>CSTF3</b>	0.09	6.40E-01	-0.28	1.52E-01
<b>CTC-281F24.5</b>	0.01	9.60E-01	-0.28	1.52E-01
<b>FAM222A-AS1</b>	0.13	4.96E-01	-0.28	1.52E-01
<b>LRG1</b>	0.42	2.73E-02	0.28	1.52E-01
<b>MICU3</b>	-0.22	2.71E-01	-0.28	1.52E-01
<b>MUS81</b>	-0.03	8.98E-01	0.28	1.52E-01
<b>ORAOV1</b>	-0.08	6.80E-01	-0.28	1.52E-01
<b>PVRL1</b>	0.43	2.11E-02	0.28	1.52E-01
<b>RP1-206D15.5</b>	-0.32	9.81E-02	-0.28	1.52E-01
<b>RP11-317N8.5</b>	0.20	3.14E-01	0.28	1.52E-01
<b>RP11-589N15.2</b>	0.32	9.39E-02	0.28	1.52E-01
<b>RP5-994D16.11</b>	0.01	9.43E-01	-0.28	1.52E-01
<b>SH3RF1</b>	-0.09	6.54E-01	-0.28	1.52E-01
<b>TUBA1A</b>	-0.21	2.74E-01	-0.28	1.52E-01
<b>AGBL3</b>	-0.37	5.05E-02	-0.28	1.52E-01
<b>ANKH</b>	-0.20	3.17E-01	-0.28	1.52E-01
<b>CCZ1B</b>	-0.12	5.32E-01	-0.28	1.52E-01
<b>CTC-542B22.2</b>	0.26	1.77E-01	-0.28	1.52E-01
<b>L3HYPDH</b>	0.08	6.84E-01	-0.28	1.52E-01
<b>MIR1262</b>	-0.01	9.69E-01	-0.28	1.52E-01
<b>RP11-11N7.4</b>	-0.31	1.08E-01	-0.28	1.52E-01
<b>ZNF567</b>	-0.45	1.75E-02	-0.28	1.52E-01
<b>BDH1</b>	0.26	1.81E-01	0.28	1.52E-01
<b>CACNA2D3-AS1</b>	0.12	5.46E-01	0.28	1.52E-01
<b>EHBP1</b>	-0.11	5.78E-01	0.28	1.52E-01
<b>FAM193A</b>	0.12	5.56E-01	0.28	1.52E-01
<b>G36323</b>	0.41	3.23E-02	0.28	1.52E-01
<b>G8456</b>	0.11	5.73E-01	0.28	1.52E-01
<b>MOSPD3</b>	-0.03	8.91E-01	0.28	1.52E-01
<b>PCSK1N</b>	0.06	7.50E-01	0.28	1.52E-01
<b>PTP4A2P2</b>	-0.10	6.04E-01	0.28	1.52E-01
<b>AC121251.1</b>	0.01	9.42E-01	0.28	1.53E-01
<b>ANO1</b>	-0.09	6.42E-01	0.28	1.53E-01
<b>CCDC168</b>	-0.07	7.40E-01	-0.28	1.53E-01
<b>CFAP97</b>	0.01	9.56E-01	-0.28	1.53E-01
<b>G26457</b>	-0.14	4.67E-01	0.28	1.53E-01

<b>HNRNPA3P15</b>	0.00	9.99E-01	0.28	1.53E-01
<b>ITGB2</b>	0.17	3.96E-01	0.28	1.53E-01
<b>KCNC4-AS1</b>	0.42	2.44E-02	0.28	1.53E-01
<b>LINC01410</b>	0.09	6.43E-01	-0.28	1.53E-01
<b>RALGAPB</b>	-0.20	3.20E-01	-0.28	1.53E-01
<b>RASSF4</b>	0.01	9.79E-01	0.28	1.53E-01
<b>RNU6ATAC16P</b>	0.08	6.85E-01	-0.28	1.53E-01
<b>RNU7-110P</b>	-0.17	4.00E-01	-0.28	1.53E-01
<b>RP11-196G18.3</b>	0.13	5.10E-01	-0.28	1.53E-01
<b>RP11-392O17.2</b>	-0.18	3.65E-01	-0.28	1.53E-01
<b>RP11-7005.2</b>	0.08	6.89E-01	0.28	1.53E-01
<b>SECTM1</b>	0.07	7.22E-01	0.28	1.53E-01
<b>SYDE2</b>	-0.03	8.70E-01	-0.28	1.53E-01
<b>AC016700.2</b>	-0.14	4.66E-01	-0.28	1.53E-01
<b>AKR1C6P</b>	0.06	7.57E-01	-0.28	1.53E-01
<b>CDH3</b>	0.22	2.51E-01	0.28	1.53E-01
<b>FZD3</b>	-0.15	4.46E-01	-0.28	1.53E-01
<b>G1047</b>	0.17	4.00E-01	0.28	1.53E-01
<b>G1920</b>	-0.23	2.44E-01	-0.28	1.53E-01
<b>HMGB3P21</b>	-0.03	8.62E-01	-0.28	1.53E-01
<b>HSPE1P22</b>	0.19	3.32E-01	0.28	1.53E-01
<b>IRF8</b>	0.29	1.39E-01	0.28	1.53E-01
<b>PITPNM1</b>	0.36	6.28E-02	0.28	1.53E-01
<b>RP1-80N2.2</b>	-0.47	1.17E-02	0.28	1.53E-01
<b>RP11-283I3.6</b>	-0.05	7.85E-01	-0.28	1.53E-01
<b>RP11-342F17.1</b>	0.01	9.53E-01	0.28	1.53E-01
<b>RP11-363H12.1</b>	-0.20	3.17E-01	0.28	1.53E-01
<b>RP11-3K24.1</b>	0.32	9.84E-02	0.28	1.53E-01
<b>RP11-885B4.2</b>	0.04	8.37E-01	0.28	1.53E-01
<b>SLC9A2</b>	-0.13	5.21E-01	-0.28	1.53E-01
<b>USP27X-AS1</b>	0.16	4.11E-01	-0.28	1.53E-01
<b>VN1R81P</b>	-0.15	4.51E-01	0.28	1.53E-01
<b>XPNPEP1</b>	0.07	7.42E-01	-0.28	1.53E-01
<b>AC006978.6</b>	-0.13	5.25E-01	0.28	1.54E-01
<b>G113</b>	0.05	7.91E-01	-0.28	1.54E-01
<b>KB-1460A1.1</b>	-0.38	4.36E-02	-0.28	1.54E-01
<b>MTCO1P15</b>	-0.43	2.17E-02	0.28	1.54E-01
<b>RP11-1072C15.4</b>	-0.02	9.38E-01	-0.28	1.54E-01
<b>RP11-10L7.1</b>	0.05	7.89E-01	-0.28	1.54E-01
<b>RP11-496D24.2</b>	-0.04	8.44E-01	-0.28	1.54E-01
<b>RP11-65I12.1</b>	0.21	2.72E-01	-0.28	1.54E-01
<b>RP11-96C23.12</b>	0.10	6.29E-01	0.28	1.54E-01
<b>RP5-1077I2.3</b>	-0.16	4.10E-01	-0.28	1.54E-01
<b>TDP2</b>	0.26	1.74E-01	0.28	1.54E-01
<b>ZNF467</b>	-0.06	7.54E-01	0.28	1.54E-01
<b>BTBD11</b>	0.24	2.28E-01	0.28	1.54E-01
<b>C1orf50</b>	-0.07	7.16E-01	0.28	1.54E-01



CSMD2	0.04	8.46E-01	0.28	1.54E-01
HPCAL1	0.28	1.54E-01	0.28	1.54E-01
RN7SL49P	-0.10	6.18E-01	0.28	1.54E-01
RP11-807H7.2	0.01	9.54E-01	0.28	1.54E-01
G2449	0.04	8.27E-01	-0.28	1.54E-01
GLIDR	0.26	1.86E-01	-0.28	1.54E-01
LRRC3B	-0.38	4.49E-02	-0.28	1.54E-01
LTV1P1	-0.35	6.44E-02	-0.28	1.54E-01
RYR2	-0.26	1.83E-01	-0.28	1.54E-01
AC018804.7	0.17	3.98E-01	-0.28	1.55E-01
APOBEC3G	0.27	1.69E-01	0.28	1.55E-01
EEF1A1P13	0.14	4.64E-01	0.28	1.55E-01
ELF5	0.16	4.30E-01	0.28	1.55E-01
EOMES	0.17	3.96E-01	-0.28	1.55E-01
EPHA4	0.39	4.29E-02	0.28	1.55E-01
ERMN	-0.05	8.12E-01	-0.28	1.55E-01
HCG15	0.17	3.73E-01	-0.28	1.55E-01
LSP1	-0.15	4.51E-01	-0.28	1.55E-01
MOB3C	0.30	1.17E-01	0.28	1.55E-01
NKD2	-0.30	1.18E-01	0.28	1.55E-01
PM20D1	0.02	9.09E-01	-0.28	1.55E-01
PYGO1	0.16	4.26E-01	-0.28	1.55E-01
RP11-414C23.1	0.22	2.65E-01	0.28	1.55E-01
RP13-514E23.1	-0.58	1.15E-03	-0.28	1.55E-01
RP13-890H12.2	0.22	2.63E-01	-0.28	1.55E-01
RP5-1068E13.7	-0.19	3.25E-01	-0.28	1.55E-01
SNORD127	0.28	1.55E-01	-0.28	1.55E-01
TEN1	0.34	7.84E-02	0.28	1.55E-01
VEGFB	0.06	7.73E-01	0.28	1.55E-01
ANP32E	-0.01	9.76E-01	-0.28	1.55E-01
CTC-296K1.4	-0.07	7.39E-01	0.28	1.55E-01
CTD-2013N17.6	-0.01	9.65E-01	-0.28	1.55E-01
FKBP7	-0.17	3.87E-01	-0.28	1.55E-01
G39463	-0.28	1.44E-01	-0.28	1.55E-01
HOXC4	-0.07	7.07E-01	0.28	1.55E-01
IFI35	0.14	4.70E-01	0.28	1.55E-01
MIR4504	0.15	4.33E-01	0.28	1.55E-01
MTND4P23	-0.15	4.53E-01	-0.28	1.55E-01
OLAH	-0.18	3.65E-01	-0.28	1.55E-01
RABEP2	-0.13	5.19E-01	0.28	1.55E-01
RP11-547D13.1	0.26	1.85E-01	-0.28	1.55E-01
RPL9P7	0.06	7.71E-01	-0.28	1.55E-01
RPSAP9	0.01	9.77E-01	0.28	1.55E-01
TTYH3	0.10	6.16E-01	0.28	1.55E-01
XLOC_014355	-0.15	4.49E-01	-0.28	1.55E-01
ZFHX4	-0.03	8.70E-01	0.28	1.55E-01
AL133245.2	0.01	9.50E-01	-0.28	1.56E-01

<b>C17orf105</b>	-0.21	2.78E-01	0.28	1.56E-01
<b>C1orf54</b>	0.01	9.68E-01	0.28	1.56E-01
<b>MIR125B1</b>	-0.11	5.63E-01	-0.28	1.56E-01
<b>RNU1-120P</b>	0.15	4.60E-01	0.28	1.56E-01
<b>RP5-1021I20.6</b>	0.11	5.60E-01	-0.28	1.56E-01
<b>SIGLEC10</b>	0.26	1.78E-01	0.28	1.56E-01
<b>TTC9</b>	0.30	1.25E-01	0.28	1.56E-01
<b>AC006372.5</b>	0.07	7.23E-01	-0.28	1.56E-01
<b>ADCY2</b>	-0.36	6.37E-02	-0.28	1.56E-01
<b>RFX1</b>	-0.26	1.79E-01	-0.28	1.56E-01
<b>RP11-340F14.6</b>	0.05	7.93E-01	-0.28	1.56E-01
<b>RP11-363E6.4</b>	-0.16	4.24E-01	-0.28	1.56E-01
<b>RP11-706O15.3</b>	-0.02	9.08E-01	-0.28	1.56E-01
<b>RP3-486I3.7</b>	-0.02	9.02E-01	-0.28	1.56E-01
<b>SLC30A10</b>	-0.28	1.53E-01	-0.28	1.56E-01
<b>TTC30A</b>	0.21	2.78E-01	-0.28	1.56E-01
<b>UFM1</b>	-0.05	7.85E-01	-0.28	1.56E-01
<b>PIH1D2</b>	-0.04	8.29E-01	0.28	1.56E-01
<b>RP3-405J10.4</b>	-0.14	4.73E-01	0.28	1.56E-01
<b>VDAC1P4</b>	0.03	8.68E-01	0.28	1.56E-01
<b>ZC3HAV1</b>	0.32	9.84E-02	0.28	1.56E-01
<b>C11orf91</b>	0.04	8.21E-01	-0.28	1.57E-01
<b>COMMD2</b>	0.07	7.29E-01	-0.28	1.57E-01
<b>DHX29</b>	0.06	7.69E-01	-0.28	1.57E-01
<b>FAM171A1</b>	-0.27	1.72E-01	0.28	1.57E-01
<b>FAM45B</b>	0.09	6.58E-01	0.28	1.57E-01
<b>G5264</b>	-0.29	1.30E-01	-0.28	1.57E-01
<b>GAPDHP62</b>	0.10	6.11E-01	-0.28	1.57E-01
<b>KDM6A</b>	-0.43	2.21E-02	-0.28	1.57E-01
<b>LDLRAD3</b>	-0.22	2.58E-01	0.28	1.57E-01
<b>PLXNA2</b>	-0.22	2.53E-01	-0.28	1.57E-01
<b>RBCK1</b>	0.15	4.41E-01	0.28	1.57E-01
<b>RBP1</b>	0.15	4.48E-01	-0.28	1.57E-01
<b>RN7SL637P</b>	0.02	9.03E-01	0.28	1.57E-01
<b>SBK1</b>	-0.32	1.01E-01	-0.28	1.57E-01
<b>ZCCHC17</b>	0.19	3.44E-01	0.28	1.57E-01
<b>AC072062.1</b>	0.04	8.42E-01	-0.28	1.57E-01
<b>CBWD2</b>	-0.16	4.15E-01	-0.28	1.57E-01
<b>CHRD12</b>	0.14	4.91E-01	-0.28	1.57E-01
<b>COTL1</b>	0.31	1.14E-01	0.28	1.57E-01
<b>MIR4427</b>	0.02	9.32E-01	0.28	1.57E-01
<b>NAP1L5</b>	0.03	8.70E-01	-0.28	1.57E-01
<b>RP11-1260E13.4</b>	0.25	2.06E-01	0.28	1.57E-01
<b>RP11-147L13.2</b>	0.32	1.02E-01	-0.28	1.57E-01
<b>RP11-21M24.2</b>	-0.17	3.86E-01	0.28	1.57E-01
<b>RP11-2B6.3</b>	-0.02	9.28E-01	0.28	1.57E-01
<b>RP11-453E17.4</b>	-0.07	7.35E-01	-0.28	1.57E-01

RP11-467J12.2	-0.06	7.72E-01	-0.28	1.57E-01
RP11-767C1.2	0.04	8.49E-01	-0.28	1.57E-01
ZNF814	0.34	7.59E-02	-0.28	1.57E-01
ZNRF3-AS1	0.08	6.97E-01	-0.28	1.57E-01
AC004985.12	0.05	8.02E-01	-0.28	1.58E-01
AC010883.5	-0.05	7.99E-01	-0.28	1.58E-01
ADAMTS5	-0.19	3.36E-01	0.28	1.58E-01
CTD-2383M3.1	0.12	5.42E-01	-0.28	1.58E-01
FOXP1	0.12	5.57E-01	0.28	1.58E-01
G28010	-0.23	2.44E-01	-0.28	1.58E-01
HAND2-AS1	-0.04	8.31E-01	-0.28	1.58E-01
IGSF3	0.25	2.07E-01	0.28	1.58E-01
MGST2	0.17	3.93E-01	0.28	1.58E-01
RAB38	0.31	1.07E-01	0.28	1.58E-01
RNU6-1025P	0.06	7.50E-01	0.28	1.58E-01
RP11-615I2.1	0.11	5.78E-01	-0.28	1.58E-01
RP11-753H16.5	0.14	4.68E-01	0.28	1.58E-01
SUN1	-0.51	5.62E-03	-0.28	1.58E-01
THOC2	-0.04	8.51E-01	-0.28	1.58E-01
TMEM8A	0.01	9.78E-01	0.28	1.58E-01
AC010980.2	-0.43	2.31E-02	0.28	1.58E-01
AC067956.1	0.35	7.05E-02	0.28	1.58E-01
ATP11C	0.11	5.82E-01	-0.28	1.58E-01
C5AR2	0.14	4.85E-01	0.28	1.58E-01
CORO7	0.27	1.62E-01	0.28	1.58E-01
CTC-490E21.10	-0.08	6.98E-01	0.28	1.58E-01
CXCL17	0.24	2.19E-01	0.28	1.58E-01
FAM85B	-0.13	5.06E-01	0.28	1.58E-01
FKBP14	-0.06	7.62E-01	-0.28	1.58E-01
MSL1	-0.13	5.03E-01	-0.28	1.58E-01
NBAS	-0.13	4.94E-01	-0.28	1.58E-01
RNU1-51P	-0.11	5.65E-01	0.28	1.58E-01
RNU6-689P	-0.09	6.56E-01	-0.28	1.58E-01
RP11-1069G10.1	-0.04	8.46E-01	-0.28	1.58E-01
RP11-119H12.4	-0.35	6.41E-02	-0.28	1.58E-01
RP11-266L9.3	-0.10	6.01E-01	-0.28	1.58E-01
RP11-2C24.3	0.12	5.28E-01	-0.28	1.58E-01
RP11-413B19.2	-0.27	1.71E-01	-0.28	1.58E-01
RP11-502H18.2	0.23	2.44E-01	0.28	1.58E-01
RP11-770J1.3	-0.21	2.85E-01	0.28	1.58E-01
UGT2B7	-0.17	3.85E-01	-0.28	1.58E-01
UPF3BP1	-0.09	6.32E-01	0.28	1.58E-01
XLOC_007865	0.14	4.74E-01	-0.28	1.58E-01
ZNF471	-0.04	8.38E-01	-0.28	1.58E-01
AC012066.1	-0.28	1.48E-01	0.28	1.58E-01
CTB-193M12.5	0.08	6.68E-01	0.28	1.58E-01
HEXA-AS1	0.00	9.97E-01	0.28	1.58E-01

HSD3BP1	-0.35	6.57E-02	0.28	1.58E-01
LINC01181	0.02	9.25E-01	0.28	1.58E-01
LINC01215	0.18	3.61E-01	0.28	1.58E-01
PKIA	0.47	1.20E-02	0.28	1.58E-01
POM121	0.38	4.81E-02	0.28	1.58E-01
RP11-84C10.2	-0.04	8.29E-01	0.28	1.58E-01
SMG6	0.29	1.29E-01	0.28	1.58E-01
STRIP1	0.26	1.73E-01	0.28	1.58E-01
TTC39C-AS1	0.00	9.98E-01	0.28	1.58E-01
TYK2	0.01	9.71E-01	0.28	1.58E-01
XLOC_002554	0.38	4.56E-02	0.28	1.58E-01
AGGF1P1	-0.04	8.46E-01	-0.28	1.58E-01
CTSE	0.01	9.58E-01	-0.28	1.58E-01
ERBB2IP	-0.27	1.68E-01	-0.28	1.58E-01
POLQ	-0.05	8.07E-01	-0.28	1.58E-01
RP11-203H19.2	-0.23	2.44E-01	-0.28	1.58E-01
ARHGAP26-IT1	-0.10	5.99E-01	0.28	1.59E-01
COQ5	0.05	8.03E-01	0.28	1.59E-01
CTD-2145A24.4	0.29	1.35E-01	-0.28	1.59E-01
LTB	0.27	1.69E-01	0.28	1.59E-01
RNU4-8P	-0.07	7.36E-01	-0.28	1.59E-01
SNTG2	-0.49	7.91E-03	0.28	1.59E-01
SRRM4	-0.17	3.82E-01	-0.28	1.59E-01
AP000302.58	0.05	8.09E-01	0.28	1.59E-01
CSF2	0.25	1.94E-01	0.28	1.59E-01
ESRP2	0.17	4.00E-01	0.28	1.59E-01
HOXB2	-0.09	6.67E-01	0.28	1.59E-01
RP11-165M1.2	-0.17	3.93E-01	-0.28	1.59E-01
RP11-455O6.5	-0.03	8.80E-01	-0.28	1.59E-01
RP11-701H24.7	0.13	5.26E-01	-0.28	1.59E-01
RP4-814D15.2	-0.25	1.92E-01	-0.28	1.59E-01
SEC14L1P1	-0.07	7.15E-01	-0.28	1.59E-01
STARD3	-0.04	8.24E-01	0.28	1.59E-01
XLOC_007999	0.49	8.62E-03	-0.28	1.59E-01
ZNRF2P2	0.15	4.47E-01	0.28	1.59E-01
CD164L2	0.06	7.58E-01	0.28	1.60E-01
CTC-543D15.8	0.17	3.96E-01	-0.28	1.60E-01
CTD-2020K17.4	-0.04	8.23E-01	0.28	1.60E-01
DIO2-AS1	0.26	1.77E-01	-0.28	1.60E-01
FAM53B	0.24	2.16E-01	0.28	1.60E-01
GIMAP6	-0.09	6.62E-01	0.28	1.60E-01
PLK2	0.22	2.52E-01	0.28	1.60E-01
RP11-469H8.6	-0.04	8.27E-01	0.28	1.60E-01
RP11-486P11.1	-0.28	1.48E-01	-0.28	1.60E-01
RP11-587D21.1	-0.14	4.84E-01	-0.28	1.60E-01
SMIM11B	-0.19	3.24E-01	-0.28	1.60E-01
SRR	-0.06	7.45E-01	-0.28	1.60E-01

VANGL2	0.26	1.83E-01	0.28	1.60E-01
WWP1	-0.11	5.85E-01	-0.28	1.60E-01
ZNF135	-0.04	8.38E-01	-0.28	1.60E-01
C11orf45	-0.17	3.93E-01	0.28	1.60E-01
CADM3	-0.32	1.02E-01	-0.28	1.60E-01
CRABP2	0.34	7.97E-02	0.28	1.60E-01
CTD-2017C7.3	-0.06	7.59E-01	0.28	1.60E-01
CUBN	-0.22	2.63E-01	-0.28	1.60E-01
G26935	0.05	8.11E-01	0.28	1.60E-01
HPS1	0.04	8.25E-01	0.28	1.60E-01
LINC01521	0.01	9.42E-01	0.28	1.60E-01
NCF1C	0.00	9.98E-01	0.28	1.60E-01
RNU6-593P	0.09	6.38E-01	0.28	1.60E-01
RP11-227F19.5	0.10	5.98E-01	0.28	1.60E-01
RP11-723O4.7	-0.03	8.92E-01	-0.28	1.60E-01
SNORA37	0.19	3.38E-01	0.28	1.60E-01
SUDS3	0.03	8.61E-01	-0.28	1.60E-01
XLOC_008619	0.19	3.41E-01	-0.28	1.60E-01
XLOC_008955	-0.01	9.63E-01	-0.28	1.60E-01
AL355885.1	-0.37	5.10E-02	-0.28	1.61E-01
ERBB4	-0.11	5.71E-01	-0.28	1.61E-01
FAM174B	0.01	9.55E-01	-0.28	1.61E-01
FAP	-0.17	3.76E-01	0.28	1.61E-01
G6708	0.03	8.79E-01	-0.28	1.61E-01
IGLV1-51	-0.13	5.14E-01	0.28	1.61E-01
MGAT4EP	0.25	2.00E-01	-0.28	1.61E-01
PSG11	0.23	2.38E-01	-0.28	1.61E-01
RP11-350J20.9	0.20	3.07E-01	-0.28	1.61E-01
SUCLA2-AS1	0.18	3.66E-01	0.28	1.61E-01
TEX11	-0.42	2.72E-02	0.28	1.61E-01
AC005329.7	-0.14	4.79E-01	0.28	1.61E-01
AC012358.8	0.15	4.51E-01	0.28	1.61E-01
ADI1	0.19	3.42E-01	0.28	1.61E-01
C4BPAP2	0.04	8.59E-01	0.28	1.61E-01
CTD-2523D13.2	0.14	4.70E-01	0.28	1.61E-01
FAM227A	-0.38	4.54E-02	-0.28	1.61E-01
GYPB	-0.27	1.60E-01	-0.28	1.61E-01
MORC3	0.24	2.28E-01	0.28	1.61E-01
RABGEF1	-0.01	9.47E-01	0.28	1.61E-01
RP11-54O7.1	0.04	8.59E-01	-0.28	1.61E-01
RP11-94C24.13	-0.29	1.33E-01	-0.28	1.61E-01
RPL21P122	-0.07	7.20E-01	-0.28	1.61E-01
SERPINF2	-0.01	9.46E-01	0.28	1.61E-01
TATDN1P1	0.25	1.97E-01	0.28	1.61E-01
VPS9D1-AS1	0.05	7.83E-01	-0.28	1.61E-01
AC011477.1	0.24	2.17E-01	-0.28	1.62E-01
CTD-2078B5.2	-0.16	4.24E-01	-0.28	1.62E-01

<b>CTD-2286N8.2</b>	0.13	4.95E-01	-0.28	1.62E-01
<b>G31307</b>	0.14	4.75E-01	0.28	1.62E-01
<b>GUSB</b>	-0.03	8.95E-01	0.28	1.62E-01
<b>ITGA3</b>	0.34	7.66E-02	0.28	1.62E-01
<b>POLD4</b>	-0.05	8.08E-01	0.28	1.62E-01
<b>RP11-567F11.1</b>	0.01	9.77E-01	-0.28	1.62E-01
<b>TIMM23B</b>	0.17	3.83E-01	0.28	1.62E-01
<b>FTH1P2</b>	-0.12	5.30E-01	0.28	1.62E-01
<b>G33755</b>	0.08	6.96E-01	0.28	1.62E-01
<b>GCSH</b>	0.15	4.40E-01	0.28	1.62E-01
<b>RP11-289I10.2</b>	-0.10	6.01E-01	0.28	1.62E-01
<b>TNFSF14</b>	0.36	6.13E-02	0.28	1.62E-01
<b>AADA4L4</b>	-0.13	5.01E-01	-0.28	1.62E-01
<b>CCDC172</b>	-0.08	6.88E-01	-0.28	1.62E-01
<b>FLG-AS1</b>	-0.28	1.52E-01	-0.28	1.62E-01
<b>G27476</b>	0.02	9.01E-01	-0.28	1.62E-01
<b>HNRNPA1P14</b>	0.01	9.43E-01	-0.28	1.62E-01
<b>KDM4C</b>	-0.09	6.50E-01	-0.28	1.62E-01
<b>NAA35</b>	0.10	6.12E-01	-0.28	1.62E-01
<b>RGPD6</b>	-0.41	3.10E-02	-0.28	1.62E-01
<b>RNU2-37P</b>	0.39	4.09E-02	-0.28	1.62E-01
<b>RP11-889L3.1</b>	-0.08	6.71E-01	-0.28	1.62E-01
<b>THAP10</b>	0.02	9.39E-01	-0.28	1.62E-01
<b>XLOC_005050</b>	0.10	6.27E-01	-0.28	1.62E-01
<b>XLOC_008979</b>	-0.02	9.31E-01	-0.28	1.62E-01
<b>ZDHC11B</b>	-0.54	2.83E-03	-0.28	1.62E-01
<b>AC024475.1</b>	0.10	6.12E-01	-0.28	1.63E-01
<b>C1orf158</b>	-0.04	8.43E-01	-0.28	1.63E-01
<b>CTC-448F2.4</b>	-0.05	7.93E-01	-0.28	1.63E-01
<b>EIF2S2P2</b>	0.03	8.98E-01	0.28	1.63E-01
<b>HS6ST2</b>	0.09	6.57E-01	-0.28	1.63E-01
<b>IL6R</b>	0.14	4.93E-01	-0.28	1.63E-01
<b>MFSD10</b>	0.43	2.31E-02	0.28	1.63E-01
<b>NEDD4</b>	0.17	3.87E-01	0.28	1.63E-01
<b>RP11-165D7.5</b>	-0.05	8.16E-01	0.28	1.63E-01
<b>RP11-424I19.2</b>	-0.04	8.29E-01	-0.28	1.63E-01
<b>RP11-508N12.2</b>	-0.05	7.92E-01	0.28	1.63E-01
<b>RP11-588K22.2</b>	-0.43	2.10E-02	0.28	1.63E-01
<b>SASH3</b>	0.13	5.24E-01	0.28	1.63E-01
<b>SIRPG</b>	0.05	8.13E-01	0.28	1.63E-01
<b>TMEM161A</b>	0.25	1.93E-01	0.28	1.63E-01
<b>TMEM170B</b>	-0.08	7.00E-01	-0.28	1.63E-01
<b>USF1P1</b>	0.09	6.59E-01	0.28	1.63E-01
<b>USMG5P1</b>	-0.17	3.93E-01	0.28	1.63E-01
<b>AP000295.10</b>	-0.14	4.88E-01	-0.28	1.63E-01
<b>CCL17</b>	0.14	4.64E-01	0.28	1.63E-01
<b>CTD-2349P21.9</b>	0.19	3.29E-01	-0.28	1.63E-01

CTLA4	0.18	3.69E-01	0.28	1.63E-01
RP11-153M7.3	0.18	3.63E-01	0.28	1.63E-01
SMG1P1	-0.20	3.18E-01	-0.28	1.63E-01
TMEM191C	-0.06	7.52E-01	0.28	1.63E-01
XLOC_007971	0.21	2.94E-01	-0.28	1.63E-01
ZFAND5	0.25	1.99E-01	0.28	1.63E-01
ZNF785	0.16	4.08E-01	0.28	1.63E-01
DCDC2B	0.20	3.17E-01	-0.28	1.64E-01
JPH1	0.23	2.33E-01	-0.28	1.64E-01
KCNT2	-0.29	1.32E-01	-0.28	1.64E-01
LRR37A2	-0.02	9.11E-01	-0.28	1.64E-01
PRMT5-AS1	-0.42	2.42E-02	-0.28	1.64E-01
RMDN2-AS1	-0.15	4.34E-01	-0.28	1.64E-01
RP5-1048B16.1	0.03	8.97E-01	-0.28	1.64E-01
USP27X	-0.32	1.02E-01	-0.28	1.64E-01
ZNF519	-0.03	8.86E-01	-0.28	1.64E-01
C4orf3	0.00	9.86E-01	0.28	1.64E-01
KCNRG	0.18	3.72E-01	0.28	1.64E-01
MAP3K11	0.38	4.68E-02	0.28	1.64E-01
NFE2L1	0.22	2.69E-01	0.28	1.64E-01
RP1-120G22.11	0.10	6.03E-01	0.28	1.64E-01
SLC25A53	0.10	6.16E-01	0.28	1.64E-01
ZBTB7C	0.16	4.21E-01	0.28	1.64E-01
AC020571.3	0.44	1.89E-02	0.28	1.64E-01
ALDH1L2	-0.48	8.92E-03	0.28	1.64E-01
CTD-2256P15.4	-0.01	9.44E-01	-0.28	1.64E-01
DBIL5P	-0.13	5.01E-01	-0.28	1.64E-01
FAM185A	-0.13	5.09E-01	-0.28	1.64E-01
G10252	-0.09	6.55E-01	-0.28	1.64E-01
LINC00167	-0.02	9.36E-01	-0.28	1.64E-01
LRR358	0.10	6.06E-01	-0.28	1.64E-01
RNU6-308P	-0.08	6.85E-01	-0.28	1.64E-01
RP11-180P8.5	-0.21	2.93E-01	-0.28	1.64E-01
RP11-320L11.2	-0.05	8.09E-01	0.28	1.64E-01
RP11-697N18.1	-0.07	7.14E-01	-0.28	1.64E-01
SUPV3L1	0.27	1.57E-01	-0.28	1.64E-01
ZNF526	0.32	9.39E-02	0.28	1.64E-01
AC087793.1	0.18	3.66E-01	0.28	1.65E-01
ARHGEF4	0.03	8.99E-01	0.28	1.65E-01
CTD-2308L22.1	0.29	1.33E-01	0.28	1.65E-01
GNAI2	0.19	3.37E-01	0.28	1.65E-01
INTS4	-0.08	6.68E-01	0.28	1.65E-01
LINC00961	0.09	6.40E-01	-0.28	1.65E-01
PIK3IP1-AS1	0.01	9.64E-01	-0.28	1.65E-01
RAD50	0.12	5.54E-01	0.28	1.65E-01
RBBP8	0.21	2.85E-01	0.28	1.65E-01
RN7SKP158	-0.21	2.93E-01	0.28	1.65E-01

<b>RNA5SP165</b>	0.08	6.95E-01	-0.28	1.65E-01
<b>RNU6-911P</b>	-0.16	4.20E-01	-0.28	1.65E-01
<b>SLC35G5</b>	-0.22	2.59E-01	0.28	1.65E-01
<b>AC010890.1</b>	-0.04	8.32E-01	0.27	1.65E-01
<b>AL591377.1</b>	0.05	8.12E-01	0.27	1.65E-01
<b>ATP2A3</b>	0.40	3.51E-02	0.27	1.65E-01
<b>FOXK1</b>	0.23	2.48E-01	0.27	1.65E-01
<b>G18966</b>	0.22	2.60E-01	0.27	1.65E-01
<b>GON4L</b>	-0.09	6.34E-01	0.27	1.65E-01
<b>LRRC6</b>	-0.10	6.18E-01	0.27	1.65E-01
<b>MAOB</b>	-0.19	3.25E-01	0.27	1.65E-01
<b>NCCRP1</b>	0.24	2.19E-01	0.27	1.65E-01
<b>RAP2B</b>	0.38	4.76E-02	0.27	1.65E-01
<b>VMO1</b>	0.34	7.66E-02	0.27	1.65E-01
<b>ACTR10</b>	0.17	3.86E-01	-0.27	1.65E-01
<b>CASKIN1</b>	-0.20	2.97E-01	-0.27	1.65E-01
<b>COLEC12</b>	-0.18	3.66E-01	-0.27	1.65E-01
<b>KMT2E</b>	-0.32	9.65E-02	-0.27	1.65E-01
<b>OXR1</b>	-0.13	5.14E-01	-0.27	1.65E-01
<b>RNU6-789P</b>	-0.03	8.91E-01	-0.27	1.65E-01
<b>TMIE</b>	0.13	5.13E-01	-0.27	1.65E-01
<b>BTBD9</b>	0.16	4.07E-01	-0.27	1.66E-01
<b>CTC-451P13.1</b>	-0.12	5.49E-01	-0.27	1.66E-01
<b>GBF1</b>	-0.19	3.39E-01	0.27	1.66E-01
<b>MEI1</b>	0.18	3.70E-01	0.27	1.66E-01
<b>MRE11A</b>	-0.23	2.37E-01	-0.27	1.66E-01
<b>NEK3</b>	-0.21	2.88E-01	-0.27	1.66E-01
<b>OSCAR</b>	0.18	3.59E-01	0.27	1.66E-01
<b>RNU6-5P</b>	-0.27	1.59E-01	0.27	1.66E-01
<b>RP1-71H24.1</b>	0.13	5.10E-01	0.27	1.66E-01
<b>RP11-35J10.7</b>	-0.22	2.52E-01	-0.27	1.66E-01
<b>RP11-379F4.1</b>	-0.12	5.44E-01	-0.27	1.66E-01
<b>RP11-680C21.1</b>	0.32	9.53E-02	0.27	1.66E-01
<b>RP11-847H18.3</b>	-0.06	7.45E-01	-0.27	1.66E-01
<b>SCML1</b>	-0.06	7.44E-01	-0.27	1.66E-01
<b>SLC1A7</b>	-0.23	2.35E-01	0.27	1.66E-01
<b>SNORA16B</b>	-0.07	7.42E-01	-0.27	1.66E-01
<b>TTLL5</b>	-0.22	2.60E-01	0.27	1.66E-01
<b>USP12</b>	-0.20	3.07E-01	-0.27	1.66E-01
<b>XLOC_000633</b>	0.08	6.78E-01	-0.27	1.66E-01
<b>AC105049.1</b>	-0.04	8.52E-01	0.27	1.66E-01
<b>BCAP31P2</b>	0.22	2.65E-01	0.27	1.66E-01
<b>CH17-437K3.1</b>	0.05	7.89E-01	0.27	1.66E-01
<b>COG6</b>	-0.08	6.82E-01	-0.27	1.66E-01
<b>CYCSP52</b>	-0.28	1.47E-01	-0.27	1.66E-01
<b>FADS2</b>	-0.27	1.63E-01	-0.27	1.66E-01
<b>FAM151B</b>	0.08	6.89E-01	0.27	1.66E-01



HMGB1P14	-0.05	8.00E-01	-0.27	1.66E-01
IFIT1	0.28	1.51E-01	0.27	1.66E-01
OAS3	0.44	2.02E-02	0.27	1.66E-01
RNA5SP429	0.01	9.66E-01	0.27	1.66E-01
RNU6-1275P	0.06	7.48E-01	-0.27	1.66E-01
RP11-113C12.4	-0.20	3.13E-01	-0.27	1.66E-01
RP11-40C11.2	-0.20	3.11E-01	-0.27	1.66E-01
RP11-575H3.1	-0.22	2.58E-01	-0.27	1.66E-01
RP11-680A11.5	0.00	9.86E-01	0.27	1.66E-01
SGPP2	0.10	6.17E-01	0.27	1.66E-01
VPS39	0.00	9.88E-01	0.27	1.66E-01
XLOC_010601	0.04	8.44E-01	-0.27	1.66E-01
Xbac-BPG252P9.1	0.13	5.17E-01	-0.27	1.66E-01
ZNF518B	0.47	1.17E-02	0.27	1.66E-01
CBY1	0.22	2.66E-01	0.27	1.67E-01
IL2RA	0.16	4.16E-01	0.27	1.67E-01
REEP4	0.06	7.43E-01	0.27	1.67E-01
RP11-570L15.2	0.02	9.17E-01	0.27	1.67E-01
RP5-940J5.3	-0.08	6.70E-01	0.27	1.67E-01
CTB-58E17.2	0.19	3.24E-01	-0.27	1.67E-01
DPRXP1	0.28	1.49E-01	-0.27	1.67E-01
IGKV6-21	-0.08	6.74E-01	-0.27	1.67E-01
MT4	-0.21	2.95E-01	-0.27	1.67E-01
OBSCN	0.23	2.44E-01	-0.27	1.67E-01
RHOBTB1	-0.26	1.78E-01	-0.27	1.67E-01
AC096921.2	-0.07	7.12E-01	-0.27	1.67E-01
FAM89B	0.04	8.58E-01	0.27	1.67E-01
G32150	0.06	7.60E-01	-0.27	1.67E-01
NLGN1	0.01	9.54E-01	-0.27	1.67E-01
NPAS2	0.05	8.15E-01	0.27	1.67E-01
PTEN	0.09	6.54E-01	0.27	1.67E-01
RP11-18C24.8	0.07	7.33E-01	-0.27	1.67E-01
RP11-252K23.1	-0.03	8.98E-01	-0.27	1.67E-01
RP11-408O19.5	-0.16	4.07E-01	-0.27	1.67E-01
TESC	-0.08	7.01E-01	0.27	1.67E-01
WNT10A	0.21	2.91E-01	0.27	1.67E-01
ZNF568	0.09	6.62E-01	-0.27	1.67E-01
AKAP6	0.25	2.02E-01	0.27	1.68E-01
ANKFY1	0.02	9.24E-01	0.27	1.68E-01
BMP7	-0.04	8.35E-01	-0.27	1.68E-01
BTBD9-AS1	0.13	5.25E-01	-0.27	1.68E-01
CUL5	0.18	3.70E-01	-0.27	1.68E-01
GSTT1	-0.24	2.22E-01	0.27	1.68E-01
LINC01364	-0.06	7.81E-01	-0.27	1.68E-01
NUDT18	0.01	9.50E-01	0.27	1.68E-01
PKN2	-0.08	7.02E-01	-0.27	1.68E-01
PLSCR2	0.11	5.94E-01	0.27	1.68E-01

<b>RP11-298D21.1</b>	0.14	4.64E-01	0.27	1.68E-01
<b>SLC16A6P1</b>	-0.09	6.63E-01	-0.27	1.68E-01
<b>SYNGR3</b>	-0.15	4.44E-01	-0.27	1.68E-01
<b>TTC31</b>	-0.04	8.40E-01	0.27	1.68E-01
<b>Z98049.1</b>	-0.20	2.98E-01	0.27	1.68E-01
<b>AXDND1</b>	-0.15	4.37E-01	-0.27	1.68E-01
<b>C6orf222</b>	-0.40	3.41E-02	-0.27	1.68E-01
<b>CTD-2525P14.5</b>	-0.11	5.60E-01	-0.27	1.68E-01
<b>G35257</b>	-0.12	5.33E-01	0.27	1.68E-01
<b>KIT</b>	-0.40	3.66E-02	-0.27	1.68E-01
<b>NBEAL2</b>	0.09	6.42E-01	0.27	1.68E-01
<b>PCAT19</b>	-0.01	9.64E-01	0.27	1.68E-01
<b>PDZRN3</b>	0.22	2.65E-01	-0.27	1.68E-01
<b>PLD1</b>	-0.06	7.62E-01	0.27	1.68E-01
<b>PRR5L</b>	0.39	4.14E-02	0.27	1.68E-01
<b>RNA5SP294</b>	0.28	1.53E-01	0.27	1.68E-01
<b>RP11-212F11.1</b>	-0.01	9.57E-01	-0.27	1.68E-01
<b>RP11-418J17.3</b>	0.02	9.08E-01	-0.27	1.68E-01
<b>RPL26P19</b>	-0.08	6.93E-01	0.27	1.68E-01
<b>BRD7</b>	-0.17	3.74E-01	-0.27	1.69E-01
<b>CMA1</b>	-0.25	1.92E-01	-0.27	1.69E-01
<b>HMGB1</b>	-0.04	8.44E-01	-0.27	1.69E-01
<b>PRKAG2</b>	-0.16	4.14E-01	-0.27	1.69E-01
<b>RP11-150O12.3</b>	-0.13	5.15E-01	-0.27	1.69E-01
<b>RP11-203F10.6</b>	-0.07	7.41E-01	-0.27	1.69E-01
<b>RP11-444E17.6</b>	0.07	7.12E-01	-0.27	1.69E-01
<b>TDRD15</b>	0.08	6.93E-01	-0.27	1.69E-01
<b>TUBB8P2</b>	0.27	1.64E-01	-0.27	1.69E-01
<b>ZNF793</b>	-0.12	5.29E-01	-0.27	1.69E-01
<b>AC009302.2</b>	0.22	2.56E-01	0.27	1.69E-01
<b>LMCD1-AS1</b>	-0.40	3.39E-02	0.27	1.69E-01
<b>PPP1R16B</b>	0.27	1.61E-01	0.27	1.69E-01
<b>RP11-109N23.1</b>	-0.07	7.39E-01	0.27	1.69E-01
<b>RP11-477N3.1</b>	-0.22	2.59E-01	0.27	1.69E-01
<b>RP11-576C2.1</b>	0.25	2.01E-01	0.27	1.69E-01
<b>TMEM26</b>	0.10	6.20E-01	0.27	1.69E-01
<b>ZNRF1</b>	0.14	4.74E-01	0.27	1.69E-01
<b>AC010226.4</b>	-0.08	6.85E-01	-0.27	1.69E-01
<b>FFAR4</b>	0.17	3.91E-01	0.27	1.69E-01
<b>NCK2</b>	0.08	7.01E-01	0.27	1.69E-01
<b>RN7SL738P</b>	-0.19	3.46E-01	0.27	1.69E-01
<b>RP11-1198D22.1</b>	0.20	3.14E-01	0.27	1.69E-01
<b>RP11-417L19.6</b>	-0.08	6.88E-01	-0.27	1.69E-01
<b>TMED7</b>	0.12	5.35E-01	-0.27	1.69E-01
<b>WNT7A</b>	-0.24	2.16E-01	0.27	1.69E-01
<b>AL357115.1</b>	-0.33	8.42E-02	0.27	1.70E-01
<b>ALKBH8</b>	-0.02	9.34E-01	-0.27	1.70E-01

ARL11	0.32	1.02E-01	0.27	1.70E-01
ARMCX1	-0.21	2.95E-01	-0.27	1.70E-01
CD48	0.01	9.59E-01	0.27	1.70E-01
DPPA2P4	0.04	8.56E-01	0.27	1.70E-01
FOXCUT	0.08	7.03E-01	-0.27	1.70E-01
GPATCH11	-0.12	5.48E-01	-0.27	1.70E-01
MAGI2-AS3	-0.32	9.96E-02	-0.27	1.70E-01
MPHOSPH8	0.08	6.69E-01	0.27	1.70E-01
NUDT16L1	-0.01	9.42E-01	0.27	1.70E-01
PLAG1	-0.29	1.35E-01	-0.27	1.70E-01
PLEKHG6	-0.35	6.84E-02	-0.27	1.70E-01
RP11-164N3.2	0.03	8.86E-01	-0.27	1.70E-01
RP11-195F19.5	0.04	8.27E-01	0.27	1.70E-01
RP11-789C17.1	0.05	8.02E-01	-0.27	1.70E-01
STAG3L4	0.25	2.08E-01	-0.27	1.70E-01
STAT2	0.27	1.65E-01	0.27	1.70E-01
CKAP2P1	0.03	8.87E-01	-0.27	1.70E-01
CTD-2537I9.12	0.03	8.62E-01	-0.27	1.70E-01
DUTP6	-0.37	5.31E-02	-0.27	1.70E-01
ERVFRD-1	0.10	5.99E-01	-0.27	1.70E-01
G3632	-0.13	5.02E-01	-0.27	1.70E-01
G40005	-0.17	3.79E-01	-0.27	1.70E-01
MAT2B	0.11	5.92E-01	0.27	1.70E-01
OPLAH	0.07	7.21E-01	0.27	1.70E-01
PRKAG3	-0.35	6.52E-02	0.27	1.70E-01
RP11-151N17.1	0.18	3.69E-01	0.27	1.70E-01
RP11-307C18.1	-0.15	4.40E-01	-0.27	1.70E-01
RP11-609D21.3	0.06	7.54E-01	0.27	1.70E-01
RP11-820I16.3	-0.05	7.87E-01	-0.27	1.70E-01
SP7	0.19	3.45E-01	0.27	1.70E-01
TMEM132A	0.39	4.21E-02	0.27	1.70E-01
WASF1	0.06	7.78E-01	0.27	1.70E-01
YWHAQP6	-0.16	4.30E-01	-0.27	1.70E-01
ZNF404	0.00	9.86E-01	-0.27	1.70E-01
CTB-102L5.7	-0.17	3.99E-01	0.27	1.71E-01
EXOC3-AS1	0.13	4.93E-01	0.27	1.71E-01
G28332	0.28	1.42E-01	0.27	1.71E-01
G9801	-0.35	6.84E-02	-0.27	1.71E-01
GPSM1	0.25	2.03E-01	0.27	1.71E-01
HAS1	-0.06	7.43E-01	-0.27	1.71E-01
LRP6	-0.20	3.13E-01	-0.27	1.71E-01
NOL3	-0.14	4.81E-01	0.27	1.71E-01
RN7SL844P	-0.02	9.12E-01	-0.27	1.71E-01
RNU6-1079P	-0.14	4.69E-01	0.27	1.71E-01
RNU6-1280P	-0.02	9.23E-01	-0.27	1.71E-01
RP11-177H13.2	-0.34	7.54E-02	0.27	1.71E-01
RP11-400K9.4	0.29	1.28E-01	0.27	1.71E-01

<b>RP11-500M8.4</b>	-0.30	1.20E-01	-0.27	1.71E-01
<b>RP5-1120P11.3</b>	-0.10	6.14E-01	-0.27	1.71E-01
<b>RPL37P3</b>	-0.16	4.24E-01	0.27	1.71E-01
<b>RPL7P24</b>	-0.33	8.51E-02	-0.27	1.71E-01
<b>STX6</b>	0.35	7.17E-02	0.27	1.71E-01
<b>ZFAND6</b>	0.07	7.19E-01	0.27	1.71E-01
<b>C1orf105</b>	0.24	2.11E-01	-0.27	1.71E-01
<b>EIF2S2P5</b>	-0.10	6.08E-01	-0.27	1.71E-01
<b>FNDC1</b>	-0.21	2.75E-01	-0.27	1.71E-01
<b>G12734</b>	0.16	4.02E-01	-0.27	1.71E-01
<b>G2589</b>	0.03	8.90E-01	-0.27	1.71E-01
<b>GHc-362H12.3</b>	-0.02	9.17E-01	-0.27	1.71E-01
<b>GIMAP7</b>	-0.16	4.07E-01	0.27	1.71E-01
<b>KB-1958F4.2</b>	0.05	7.97E-01	-0.27	1.71E-01
<b>10-Mar</b>	-0.35	6.57E-02	0.27	1.71E-01
<b>MIR5692A2</b>	0.07	7.27E-01	-0.27	1.71E-01
<b>PAQR4</b>	-0.21	2.88E-01	0.27	1.71E-01
<b>PKDREJ</b>	-0.09	6.54E-01	-0.27	1.71E-01
<b>PMFBP1</b>	0.15	4.53E-01	-0.27	1.71E-01
<b>PNPO</b>	0.31	1.07E-01	0.27	1.71E-01
<b>RP11-391H12.8</b>	0.02	9.06E-01	-0.27	1.71E-01
<b>SIK2</b>	-0.48	9.84E-03	-0.27	1.71E-01
<b>ZBED5-AS1</b>	-0.02	9.12E-01	0.27	1.71E-01
<b>AC008752.3</b>	0.04	8.53E-01	-0.27	1.72E-01
<b>ARHGAP25</b>	0.19	3.39E-01	0.27	1.72E-01
<b>B4GALT6</b>	0.09	6.67E-01	-0.27	1.72E-01
<b>CTD-2363C16.2</b>	-0.35	7.10E-02	0.27	1.72E-01
<b>CTD-2368P22.1</b>	-0.17	3.80E-01	-0.27	1.72E-01
<b>G34374</b>	0.05	8.10E-01	0.27	1.72E-01
<b>G7721</b>	-0.06	7.79E-01	-0.27	1.72E-01
<b>IPO5P1</b>	0.12	5.50E-01	-0.27	1.72E-01
<b>LACTB2-AS1</b>	0.04	8.37E-01	-0.27	1.72E-01
<b>MIR3929</b>	0.45	1.53E-02	-0.27	1.72E-01
<b>NATD1</b>	-0.13	5.13E-01	0.27	1.72E-01
<b>RP11-252C24.2</b>	0.03	8.64E-01	-0.27	1.72E-01
<b>RP11-329J18.5</b>	-0.13	5.14E-01	-0.27	1.72E-01
<b>TRAV14DV4</b>	-0.12	5.54E-01	0.27	1.72E-01
<b>ZNF850</b>	-0.20	3.00E-01	-0.27	1.72E-01
<b>AKR7L</b>	-0.14	4.63E-01	-0.27	1.72E-01
<b>BMP6</b>	0.02	9.06E-01	0.27	1.72E-01
<b>C1orf68</b>	0.05	7.91E-01	0.27	1.72E-01
<b>C7orf60</b>	0.07	7.39E-01	0.27	1.72E-01
<b>CAMK2G</b>	0.16	4.04E-01	0.27	1.72E-01
<b>CTD-3224K15.2</b>	0.02	9.01E-01	-0.27	1.72E-01
<b>DUS1L</b>	0.15	4.33E-01	0.27	1.72E-01
<b>G15375</b>	-0.03	8.74E-01	-0.27	1.72E-01
<b>G23907</b>	-0.06	7.71E-01	-0.27	1.72E-01

HOXA7	0.28	1.51E-01	0.27	1.72E-01
IMMP2L	-0.38	4.73E-02	-0.27	1.72E-01
ITGA9	-0.30	1.15E-01	-0.27	1.72E-01
MAGEE1	-0.07	7.09E-01	-0.27	1.72E-01
PGRMC1	0.00	9.89E-01	-0.27	1.72E-01
PLPP5	0.19	3.36E-01	-0.27	1.72E-01
PRPSAP1	0.03	8.88E-01	0.27	1.72E-01
RAB11FIP5	0.12	5.52E-01	0.27	1.72E-01
RNASEH2CP1	0.26	1.85E-01	0.27	1.72E-01
RP13-228J13.5	0.06	7.60E-01	-0.27	1.72E-01
RP5-1159O4.1	-0.12	5.59E-01	-0.27	1.72E-01
SEMA3F-AS1	-0.23	2.36E-01	-0.27	1.72E-01
TIMM9P1	0.02	9.02E-01	-0.27	1.72E-01
YY1AP1	0.29	1.38E-01	0.27	1.72E-01
ZNF510	-0.09	6.64E-01	-0.27	1.72E-01
AC009245.3	-0.24	2.14E-01	0.27	1.73E-01
CYCSP4	0.13	5.15E-01	-0.27	1.73E-01
FXVD6	-0.16	4.06E-01	-0.27	1.73E-01
MCM8	-0.08	6.69E-01	-0.27	1.73E-01
NLRP3P	0.07	7.11E-01	-0.27	1.73E-01
PABPC4L	-0.05	8.19E-01	0.27	1.73E-01
PTPRQ	-0.02	9.36E-01	-0.27	1.73E-01
RN7SL707P	-0.01	9.55E-01	0.27	1.73E-01
RNF20	0.06	7.79E-01	0.27	1.73E-01
RP11-603J24.7	-0.27	1.67E-01	0.27	1.73E-01
SNORA34	0.12	5.50E-01	0.27	1.73E-01
TNFSF13	-0.10	6.21E-01	0.27	1.73E-01
TNRC18	0.09	6.35E-01	0.27	1.73E-01
TOLLIP	0.29	1.37E-01	0.27	1.73E-01
TSSK3	0.07	7.18E-01	-0.27	1.73E-01
AC013410.2	0.20	3.05E-01	-0.27	1.73E-01
COMTD1	0.20	3.06E-01	0.27	1.73E-01
CYP2T1P	-0.21	2.73E-01	0.27	1.73E-01
LINC00637	-0.22	2.56E-01	-0.27	1.73E-01
LRRC37A6P	0.01	9.46E-01	-0.27	1.73E-01
LRRC4C	-0.33	9.12E-02	-0.27	1.73E-01
OBP2A	-0.06	7.75E-01	-0.27	1.73E-01
RNU6-142P	-0.03	8.86E-01	-0.27	1.73E-01
RNU6-645P	-0.01	9.47E-01	0.27	1.73E-01
RP11-252C24.3	-0.30	1.25E-01	-0.27	1.73E-01
RP11-271C24.2	0.12	5.41E-01	-0.27	1.73E-01
RP11-300D11.3	0.03	8.64E-01	-0.27	1.73E-01
RP11-41O4.1	-0.08	6.69E-01	-0.27	1.73E-01
RP11-584P21.2	0.01	9.76E-01	-0.27	1.73E-01
RP3-340B19.3	0.15	4.52E-01	0.27	1.73E-01
RPS6P8	0.12	5.29E-01	0.27	1.73E-01
SCNN1D	0.31	1.08E-01	0.27	1.73E-01

TGIF1	0.28	1.46E-01	0.27	1.73E-01
TRHDE-AS1	-0.19	3.22E-01	-0.27	1.73E-01
AC011648.1	0.15	4.55E-01	0.27	1.74E-01
ALG12	-0.26	1.85E-01	0.27	1.74E-01
B3GALT2	-0.10	6.31E-01	-0.27	1.74E-01
KCTD2	-0.01	9.49E-01	0.27	1.74E-01
KDM4A-AS1	0.07	7.30E-01	-0.27	1.74E-01
LOXHD1	0.25	1.94E-01	0.27	1.74E-01
RANP8	0.20	2.97E-01	-0.27	1.74E-01
RP11-140I16.3	-0.03	8.65E-01	-0.27	1.74E-01
RP11-141M3.6	0.09	6.66E-01	-0.27	1.74E-01
RP11-667K14.14	0.21	2.91E-01	-0.27	1.74E-01
SP100	0.18	3.54E-01	0.27	1.74E-01
TWF2	0.20	3.15E-01	0.27	1.74E-01
ZNF101P2	-0.16	4.18E-01	-0.27	1.74E-01
ACAA2	0.13	5.01E-01	-0.27	1.74E-01
CNFN	0.29	1.38E-01	0.27	1.74E-01
HAVCR2	0.32	9.90E-02	0.27	1.74E-01
MIR3677	0.03	8.80E-01	-0.27	1.74E-01
NACA3P	0.06	7.68E-01	0.27	1.74E-01
OCA2	-0.24	2.27E-01	-0.27	1.74E-01
RFESD	0.33	8.70E-02	-0.27	1.74E-01
RP1-159A19.4	0.06	7.78E-01	-0.27	1.74E-01
RP11-248J23.6	-0.26	1.81E-01	-0.27	1.74E-01
RP11-259F16.3	-0.11	5.73E-01	0.27	1.74E-01
RP11-571M6.18	0.02	9.22E-01	-0.27	1.74E-01
RP11-5017.1	0.23	2.47E-01	0.27	1.74E-01
SCNN1A	0.08	6.75E-01	0.27	1.74E-01
SFRP1	0.18	3.49E-01	0.27	1.74E-01
AC142528.1	-0.14	4.66E-01	0.27	1.75E-01
CASK-AS1	0.09	6.53E-01	-0.27	1.75E-01
CTB-96E2.10	-0.20	3.05E-01	0.27	1.75E-01
DENND2A	-0.03	8.70E-01	-0.27	1.75E-01
FOPNL	0.11	5.75E-01	-0.27	1.75E-01
LYSMD4	0.17	3.98E-01	0.27	1.75E-01
MOGAT2	-0.05	8.05E-01	-0.27	1.75E-01
NETO2	0.12	5.31E-01	0.27	1.75E-01
NXT2	-0.04	8.37E-01	-0.27	1.75E-01
PCED1B	0.04	8.42E-01	0.27	1.75E-01
PLAGL1	-0.46	1.40E-02	-0.27	1.75E-01
RBPMS2	-0.24	2.22E-01	0.27	1.75E-01
RNF182	-0.25	2.05E-01	-0.27	1.75E-01
RP11-385G16.1	0.26	1.84E-01	-0.27	1.75E-01
RP11-439A17.10	-0.06	7.79E-01	-0.27	1.75E-01
TMEM200C	-0.22	2.50E-01	-0.27	1.75E-01
AC004449.6	-0.19	3.26E-01	-0.27	1.75E-01
AGBL2	0.00	9.82E-01	0.27	1.75E-01

CPSF1P1	-0.01	9.70E-01	-0.27	1.75E-01
CYYR1-AS1	0.10	6.10E-01	0.27	1.75E-01
DNAJA4	-0.39	4.26E-02	-0.27	1.75E-01
EHMT2	0.05	7.88E-01	0.27	1.75E-01
IFNA20P	0.29	1.36E-01	-0.27	1.75E-01
MSX2	0.16	4.23E-01	0.27	1.75E-01
MYO5C	-0.31	1.09E-01	-0.27	1.75E-01
RBPMS-AS1	0.18	3.49E-01	0.27	1.75E-01
RP11-158I9.5	-0.01	9.74E-01	-0.27	1.75E-01
RP11-260E18.1	-0.13	5.13E-01	-0.27	1.75E-01
RP11-44F21.2	-0.11	5.88E-01	-0.27	1.75E-01
RP11-680H20.1	0.20	3.16E-01	0.27	1.75E-01
RP11-71L14.3	0.30	1.15E-01	0.27	1.75E-01
RP11-723O4.9	0.06	7.76E-01	-0.27	1.75E-01
RP13-753N3.1	-0.03	8.90E-01	0.27	1.75E-01
RPL37AP1	-0.31	1.12E-01	-0.27	1.75E-01
SLC38A11	0.00	9.82E-01	0.27	1.75E-01
SMIM14	0.17	3.93E-01	0.27	1.75E-01
TRAV3	0.15	4.51E-01	0.27	1.75E-01
CH17-262A2.1	0.13	5.04E-01	-0.27	1.76E-01
GLI3	-0.20	3.13E-01	0.27	1.76E-01
GRIA1	0.15	4.57E-01	-0.27	1.76E-01
INO80	0.11	5.66E-01	-0.27	1.76E-01
PPP4R1-AS1	0.12	5.54E-01	0.27	1.76E-01
RP11-123O10.1	0.34	7.84E-02	-0.27	1.76E-01
SNORA14B	0.00	9.89E-01	0.27	1.76E-01
SNORD74	-0.22	2.51E-01	-0.27	1.76E-01
SYT7	0.34	8.02E-02	-0.27	1.76E-01
UEVLD	0.34	7.84E-02	0.27	1.76E-01
AC011363.1	-0.04	8.26E-01	-0.27	1.76E-01
ARL13B	0.10	6.22E-01	-0.27	1.76E-01
ASCC1	0.39	4.21E-02	0.27	1.76E-01
C9orf3	-0.08	6.89E-01	0.27	1.76E-01
DOK7	0.08	6.87E-01	-0.27	1.76E-01
FBP1	0.05	8.12E-01	-0.27	1.76E-01
FCGBP	0.08	6.72E-01	-0.27	1.76E-01
HACD2	-0.05	8.01E-01	-0.27	1.76E-01
KCNJ12	0.20	3.09E-01	0.27	1.76E-01
MIR5094	0.19	3.41E-01	-0.27	1.76E-01
OPA1	0.16	4.09E-01	-0.27	1.76E-01
RP11-314N13.9	0.03	8.78E-01	0.27	1.76E-01
RP11-563E2.2	-0.04	8.35E-01	-0.27	1.76E-01
RPL7AP26	-0.19	3.41E-01	-0.27	1.76E-01
SYT5	0.02	9.05E-01	0.27	1.76E-01
TMC3	0.06	7.54E-01	0.27	1.76E-01
AGO3	-0.06	7.46E-01	-0.27	1.77E-01
CTC-499B15.7	-0.24	2.19E-01	-0.27	1.77E-01

RP11-379F4.9	-0.07	7.24E-01	-0.27	1.77E-01
RP11-45L9.1	-0.22	2.63E-01	-0.27	1.77E-01
CTC-297N7.10	-0.47	1.09E-02	0.27	1.77E-01
METAP1	0.36	6.15E-02	0.27	1.77E-01
RP11-308D16.1	-0.14	4.66E-01	0.27	1.77E-01
RP11-336A10.5	-0.05	7.96E-01	0.27	1.77E-01
RP11-449D8.1	0.17	3.97E-01	0.27	1.77E-01
RP11-502I4.3	-0.23	2.48E-01	0.27	1.77E-01
TXLNGY	0.21	2.87E-01	0.27	1.77E-01
ZNF213	0.20	3.06E-01	0.27	1.77E-01
CLCA2	0.28	1.55E-01	0.27	1.77E-01
KLHL29	-0.31	1.11E-01	-0.27	1.77E-01
LCE3D	0.21	2.90E-01	0.27	1.77E-01
LRCH2	0.02	9.06E-01	0.27	1.77E-01
LTN1	-0.03	8.86E-01	-0.27	1.77E-01
MLXIP	0.06	7.73E-01	-0.27	1.77E-01
MTND1P9	0.06	7.63E-01	-0.27	1.77E-01
PTMAP2	-0.01	9.64E-01	-0.27	1.77E-01
RNF121	0.47	1.08E-02	0.27	1.77E-01
RPL23AP30	0.07	7.25E-01	0.27	1.77E-01
RPP25	-0.09	6.54E-01	-0.27	1.77E-01
RSL24D1	0.03	8.70E-01	-0.27	1.77E-01
SERTAD1	0.42	2.56E-02	0.27	1.77E-01
SOCS5P4	0.07	7.41E-01	-0.27	1.77E-01
TMC1	0.16	4.17E-01	0.27	1.77E-01
XLOC_008277	0.39	4.21E-02	0.27	1.77E-01
XLOC_011382	-0.09	6.61E-01	-0.27	1.77E-01
AC004967.7	-0.05	7.88E-01	-0.27	1.78E-01
AC005785.2	-0.14	4.74E-01	-0.27	1.78E-01
AHNAK2	-0.41	3.03E-02	-0.27	1.78E-01
DNAL4	-0.08	6.73E-01	0.27	1.78E-01
G31549	-0.20	3.16E-01	-0.27	1.78E-01
GCNT4	0.29	1.40E-01	0.27	1.78E-01
IDO2	0.02	9.25E-01	-0.27	1.78E-01
RAB40A	-0.19	3.34E-01	-0.27	1.78E-01
RP11-466A19.7	-0.02	9.06E-01	-0.27	1.78E-01
RPS3AP32	-0.07	7.40E-01	-0.27	1.78E-01
SCG3	0.15	4.39E-01	-0.27	1.78E-01
TAS2R62P	-0.24	2.11E-01	0.27	1.78E-01
TLK2	0.15	4.48E-01	0.27	1.78E-01
ZNF285B	-0.24	2.27E-01	-0.27	1.78E-01
B3GALT1	-0.58	1.21E-03	-0.27	1.78E-01
BRD3	-0.20	3.02E-01	-0.27	1.78E-01
BRF2	0.13	4.95E-01	0.27	1.78E-01
GFI1	0.18	3.60E-01	-0.27	1.78E-01
MT1A	-0.29	1.34E-01	-0.27	1.78E-01
NYAP2	-0.04	8.26E-01	0.27	1.78E-01



OTOF	-0.26	1.78E-01	-0.27	1.78E-01
PDZRN3-AS1	-0.05	7.87E-01	-0.27	1.78E-01
PPP1R12B	0.06	7.54E-01	0.27	1.78E-01
RABGGTA	0.38	4.49E-02	0.27	1.78E-01
RPS5P3	-0.32	9.93E-02	-0.27	1.78E-01
SLC39A2	0.29	1.37E-01	0.27	1.78E-01
TAOK1	0.33	8.98E-02	0.27	1.78E-01
TCEA2	0.02	9.35E-01	0.27	1.78E-01
UBE2QL1	0.27	1.64E-01	0.27	1.78E-01
XLOC_012351	0.00	9.99E-01	-0.27	1.78E-01
YAF2	0.07	7.07E-01	-0.27	1.78E-01
AC009009.1	0.09	6.67E-01	-0.27	1.79E-01
AC016745.3	-0.37	4.96E-02	-0.27	1.79E-01
AL138706.1	0.07	7.23E-01	-0.27	1.79E-01
CIDEC	0.08	6.75E-01	-0.27	1.79E-01
CNOT10-AS1	-0.17	3.74E-01	-0.27	1.79E-01
CTD-2547L24.4	0.34	7.79E-02	0.27	1.79E-01
KIAA1644	-0.10	6.23E-01	0.27	1.79E-01
LLNLR-307A6.1	-0.53	3.70E-03	0.27	1.79E-01
MIR4762	-0.03	8.95E-01	-0.27	1.79E-01
MLLT1	0.39	4.15E-02	0.27	1.79E-01
PCLO	-0.10	6.14E-01	-0.27	1.79E-01
PCSK2	-0.22	2.63E-01	-0.27	1.79E-01
PMM1	-0.22	2.63E-01	0.27	1.79E-01
RP1-99E18.2	-0.31	1.10E-01	-0.27	1.79E-01
RP11-334C17.3	0.12	5.39E-01	0.27	1.79E-01
TRIOBP	0.36	5.86E-02	0.27	1.79E-01
ZFP36	0.21	2.95E-01	0.27	1.79E-01
HCG23	0.19	3.24E-01	0.27	1.79E-01
HCLS1	0.13	5.23E-01	0.27	1.79E-01
HNRNPA1P1	0.03	8.82E-01	-0.27	1.79E-01
KL	0.32	9.65E-02	0.27	1.79E-01
LMF1	0.21	2.87E-01	0.27	1.79E-01
PART1	0.20	3.16E-01	0.27	1.79E-01
PPWD1	-0.08	6.74E-01	-0.27	1.79E-01
RAI1-AS1	-0.25	2.05E-01	-0.27	1.79E-01
RP11-689E3.2	-0.21	2.76E-01	-0.27	1.79E-01
RP11-706C16.7	0.03	8.67E-01	0.27	1.79E-01
RP11-806O11.1	-0.10	6.18E-01	-0.27	1.79E-01
RPSAP21	-0.06	7.72E-01	-0.27	1.79E-01
C15orf62	0.33	8.24E-02	0.27	1.80E-01
CTD-2132N18.2	-0.19	3.24E-01	0.27	1.80E-01
DCTN1-AS1	0.11	5.72E-01	-0.27	1.80E-01
FKBP1A	0.35	6.39E-02	0.27	1.80E-01
FLYWCH2	0.03	8.77E-01	0.27	1.80E-01
KB-1732A1.1	0.32	9.62E-02	0.27	1.80E-01
MAPK9	0.21	2.76E-01	0.27	1.80E-01

MIR566	-0.01	9.69E-01	-0.27	1.80E-01
NADK2	0.31	1.12E-01	-0.27	1.80E-01
RP11-250B2.6	-0.07	7.29E-01	-0.27	1.80E-01
RPL21P3	-0.26	1.78E-01	-0.27	1.80E-01
WRAP73	0.08	6.70E-01	0.27	1.80E-01
XLOC_005778	0.20	2.97E-01	-0.27	1.80E-01
APOBEC3F	0.21	2.88E-01	0.27	1.80E-01
GALNTL6	-0.38	4.56E-02	-0.27	1.80E-01
ITPK1	0.16	4.29E-01	0.27	1.80E-01
MORF4L2-AS1	0.02	9.12E-01	-0.27	1.80E-01
MTND4P20	-0.20	3.15E-01	-0.27	1.80E-01
MTND5P28	0.06	7.53E-01	0.27	1.80E-01
OLMALINC	-0.17	3.89E-01	0.27	1.80E-01
OVOS2	-0.02	9.34E-01	-0.27	1.80E-01
PPP1R26P1	0.07	7.20E-01	-0.27	1.80E-01
RBM25	-0.06	7.59E-01	-0.27	1.80E-01
RNU6-177P	-0.01	9.59E-01	-0.27	1.80E-01
RP11-1152H14.1	-0.20	3.02E-01	-0.27	1.80E-01
RP11-539L10.5	0.11	5.61E-01	0.27	1.80E-01
U7	-0.07	7.13E-01	0.27	1.80E-01
AC003973.3	-0.16	4.04E-01	-0.27	1.81E-01
CLCN3	0.27	1.72E-01	0.27	1.81E-01
DOCK4-AS1	-0.34	7.69E-02	-0.27	1.81E-01
G5142	-0.05	7.84E-01	-0.27	1.81E-01
GLS2	0.01	9.47E-01	-0.27	1.81E-01
KANSL2	-0.04	8.24E-01	-0.27	1.81E-01
MIR33B	0.26	1.76E-01	0.27	1.81E-01
MPP3	-0.32	9.24E-02	-0.27	1.81E-01
RN7SKP74	-0.34	8.05E-02	-0.27	1.81E-01
RNU6-196P	0.31	1.13E-01	-0.27	1.81E-01
RNU7-169P	0.00	9.80E-01	-0.27	1.81E-01
RP4-781K5.6	-0.12	5.44E-01	-0.27	1.81E-01
AC004988.1	-0.27	1.67E-01	-0.27	1.81E-01
ATXN7	-0.10	5.96E-01	-0.27	1.81E-01
G40462	0.33	8.64E-02	0.27	1.81E-01
GLIS3	-0.35	6.59E-02	0.27	1.81E-01
GPR84	0.52	4.18E-03	-0.27	1.81E-01
IGSF6	0.10	6.26E-01	0.27	1.81E-01
PSD2	0.03	8.77E-01	-0.27	1.81E-01
RP11-220D10.1	0.14	4.64E-01	0.27	1.81E-01
RP11-301O19.1	0.32	9.87E-02	0.27	1.81E-01
RP11-574F21.2	0.05	7.95E-01	-0.27	1.81E-01
RP11-63L7.5	-0.20	3.07E-01	0.27	1.81E-01
RUFY2	0.01	9.63E-01	-0.27	1.81E-01
SH2D7	0.08	6.87E-01	0.27	1.81E-01
SNX20	0.34	7.79E-02	0.27	1.81E-01
STIL	0.01	9.45E-01	0.27	1.81E-01

TCERG1L	0.17	3.97E-01	-0.27	1.81E-01
WHSC1L1	-0.24	2.15E-01	-0.27	1.81E-01
YBX1P7	-0.15	4.50E-01	0.27	1.81E-01
ZNF550	0.02	9.10E-01	-0.27	1.81E-01
EDA2R	-0.10	5.97E-01	0.26	1.82E-01
IL10RA	0.25	1.97E-01	0.26	1.82E-01
OR2G6	0.00	9.93E-01	-0.26	1.82E-01
PNKP	0.01	9.44E-01	0.26	1.82E-01
RNA5SP290	0.15	4.33E-01	-0.26	1.82E-01
RP11-277P12.9	0.29	1.29E-01	0.26	1.82E-01
SIT1	0.29	1.36E-01	0.26	1.82E-01
SLC5A5	0.01	9.76E-01	0.26	1.82E-01
TMEM17	0.40	3.52E-02	0.26	1.82E-01
WDR37	0.25	2.06E-01	0.26	1.82E-01
AC006460.2	-0.38	4.39E-02	-0.26	1.82E-01
BTBD18	-0.24	2.21E-01	-0.26	1.82E-01
C10orf95	0.27	1.60E-01	-0.26	1.82E-01
CTD-2218G20.1	0.19	3.44E-01	-0.26	1.82E-01
CTD-2639E6.4	-0.13	5.07E-01	0.26	1.82E-01
CTGF	-0.09	6.58E-01	-0.26	1.82E-01
ETFB	0.42	2.50E-02	0.26	1.82E-01
KLB	0.20	3.00E-01	-0.26	1.82E-01
LRRIQ3	-0.01	9.76E-01	0.26	1.82E-01
RP11-434D12.1	-0.02	9.10E-01	-0.26	1.82E-01
RP11-517P14.2	-0.19	3.28E-01	0.26	1.82E-01
RP11-554D14.8	0.11	5.91E-01	-0.26	1.82E-01
RP11-678G14.2	-0.02	9.27E-01	-0.26	1.82E-01
RP11-687M24.7	0.03	8.99E-01	-0.26	1.82E-01
RP3-425P12.4	-0.36	5.84E-02	-0.26	1.82E-01
TSPAN10	0.02	9.29E-01	0.26	1.82E-01
VLDLR	0.23	2.36E-01	0.26	1.82E-01
XLOC_008224	0.32	9.39E-02	0.26	1.82E-01
CACNB3	0.20	3.17E-01	0.26	1.83E-01
CTD-2540B15.9	0.09	6.37E-01	0.26	1.83E-01
DOK2	0.37	5.48E-02	0.26	1.83E-01
KDM5D	0.32	9.42E-02	0.26	1.83E-01
PHF11	0.01	9.74E-01	0.26	1.83E-01
RELA	0.30	1.19E-01	0.26	1.83E-01
RN7SL4P	0.08	7.01E-01	0.26	1.83E-01
RNU6-1334P	0.23	2.43E-01	0.26	1.83E-01
VMP1	0.10	6.19E-01	0.26	1.83E-01
AL138751.1	-0.10	6.07E-01	-0.26	1.83E-01
DIAPH2-AS1	-0.13	4.94E-01	-0.26	1.83E-01
FAM133B	0.02	9.34E-01	-0.26	1.83E-01
ITM2A	-0.07	7.41E-01	-0.26	1.83E-01
RP11-365H22.2	0.29	1.33E-01	-0.26	1.83E-01
RP11-511H23.2	-0.01	9.79E-01	-0.26	1.83E-01

<b>RP11-815J21.3</b>	0.43	2.36E-02	-0.26	1.83E-01
<b>SMCHD1</b>	0.06	7.48E-01	-0.26	1.83E-01
<b>UST</b>	-0.14	4.68E-01	-0.26	1.83E-01
<b>ZNF195</b>	0.30	1.24E-01	-0.26	1.83E-01
<b>ENO1-AS1</b>	-0.15	4.54E-01	0.26	1.83E-01
<b>GLDC</b>	-0.22	2.53E-01	-0.26	1.83E-01
<b>MAGI1-IT1</b>	0.06	7.77E-01	-0.26	1.83E-01
<b>MAP10</b>	0.00	9.94E-01	0.26	1.83E-01
<b>MAP4K4</b>	0.15	4.61E-01	0.26	1.83E-01
<b>PGM5-AS1</b>	0.31	1.10E-01	-0.26	1.83E-01
<b>PRKAA1</b>	0.20	3.07E-01	-0.26	1.83E-01
<b>RP11-244G12.1</b>	0.00	9.92E-01	-0.26	1.83E-01
<b>RP11-42I10.1</b>	0.37	5.23E-02	0.26	1.83E-01
<b>RP11-57H14.2</b>	-0.08	7.03E-01	0.26	1.83E-01
<b>STAB1</b>	0.09	6.55E-01	0.26	1.83E-01
<b>G32522</b>	-0.03	8.91E-01	-0.26	1.84E-01
<b>MRPS31P4</b>	-0.19	3.36E-01	-0.26	1.84E-01
<b>RP11-243M5.5</b>	-0.22	2.64E-01	-0.26	1.84E-01
<b>RP11-439E19.9</b>	0.18	3.68E-01	-0.26	1.84E-01
<b>RP11-544M22.3</b>	0.19	3.36E-01	-0.26	1.84E-01
<b>THUMPD1</b>	-0.08	6.87E-01	-0.26	1.84E-01
<b>TWIST1</b>	-0.30	1.23E-01	-0.26	1.84E-01
<b>FTH1</b>	0.01	9.45E-01	0.26	1.84E-01
<b>KLHL2</b>	0.26	1.78E-01	0.26	1.84E-01
<b>OBFC1</b>	0.19	3.38E-01	0.26	1.84E-01
<b>PRKD3</b>	-0.29	1.40E-01	0.26	1.84E-01
<b>PRR14</b>	-0.19	3.34E-01	0.26	1.84E-01
<b>SERPINA5</b>	-0.15	4.39E-01	0.26	1.84E-01
<b>SNHG20</b>	0.11	5.73E-01	0.26	1.84E-01
<b>AC079776.1</b>	-0.23	2.49E-01	-0.26	1.85E-01
<b>ARL1</b>	0.09	6.60E-01	-0.26	1.85E-01
<b>CACNA1C</b>	-0.18	3.58E-01	0.26	1.85E-01
<b>CD86</b>	0.11	5.70E-01	0.26	1.85E-01
<b>CNPY4</b>	-0.14	4.66E-01	0.26	1.85E-01
<b>CTC-529I10.1</b>	0.14	4.89E-01	-0.26	1.85E-01
<b>CTD-2006H14.2</b>	-0.11	5.81E-01	-0.26	1.85E-01
<b>CUZD1</b>	0.10	6.26E-01	-0.26	1.85E-01
<b>F5</b>	0.02	9.13E-01	0.26	1.85E-01
<b>FBXO40</b>	0.33	8.34E-02	-0.26	1.85E-01
<b>RNU1-122P</b>	0.09	6.33E-01	0.26	1.85E-01
<b>RNU6-817P</b>	-0.06	7.57E-01	-0.26	1.85E-01
<b>RP11-642A1.1</b>	-0.11	5.67E-01	-0.26	1.85E-01
<b>RP11-787D11.1</b>	0.29	1.35E-01	-0.26	1.85E-01
<b>RPL27P12</b>	0.03	8.85E-01	-0.26	1.85E-01
<b>SLC2A6</b>	0.24	2.23E-01	0.26	1.85E-01
<b>SUMF2</b>	0.16	4.09E-01	0.26	1.85E-01
<b>TEKT2</b>	-0.04	8.24E-01	-0.26	1.85E-01

<b>TMEM206</b>	0.06	7.47E-01	0.26	1.85E-01
<b>AC100830.5</b>	0.25	2.01E-01	-0.26	1.85E-01
<b>AP000525.9</b>	-0.03	8.91E-01	0.26	1.85E-01
<b>G33836</b>	0.06	7.78E-01	-0.26	1.85E-01
<b>GNAS-AS1</b>	-0.23	2.44E-01	-0.26	1.85E-01
<b>GPRC5B</b>	-0.17	3.90E-01	0.26	1.85E-01
<b>RAB33B</b>	0.20	3.15E-01	0.26	1.85E-01
<b>RNU6ATAC9P</b>	0.09	6.60E-01	-0.26	1.85E-01
<b>RP11-12L8.1</b>	-0.06	7.75E-01	-0.26	1.85E-01
<b>RP11-351C21.2</b>	-0.33	8.34E-02	-0.26	1.85E-01
<b>RP11-58G13.1</b>	-0.03	8.65E-01	-0.26	1.85E-01
<b>RTN4</b>	-0.22	2.64E-01	-0.26	1.85E-01
<b>SMAP1</b>	0.27	1.59E-01	0.26	1.85E-01
<b>TSC22D3</b>	-0.13	5.04E-01	-0.26	1.85E-01
<b>AJUBA</b>	0.09	6.66E-01	0.26	1.86E-01
<b>ANK2</b>	-0.29	1.28E-01	-0.26	1.86E-01
<b>ARVCF</b>	0.05	7.87E-01	-0.26	1.86E-01
<b>DRG2</b>	0.29	1.37E-01	0.26	1.86E-01
<b>FEZ1</b>	-0.22	2.54E-01	-0.26	1.86E-01
<b>FKBP4P1</b>	0.14	4.62E-01	-0.26	1.86E-01
<b>G14802</b>	-0.04	8.49E-01	-0.26	1.86E-01
<b>LINC00624</b>	-0.25	2.06E-01	-0.26	1.86E-01
<b>LINC00936</b>	-0.27	1.72E-01	-0.26	1.86E-01
<b>PIP5K1C</b>	0.08	6.69E-01	0.26	1.86E-01
<b>PLA2G15</b>	-0.22	2.68E-01	0.26	1.86E-01
<b>RNU6-701P</b>	-0.16	4.28E-01	-0.26	1.86E-01
<b>RP11-16N11.2</b>	0.15	4.54E-01	-0.26	1.86E-01
<b>RP11-497G19.7</b>	-0.23	2.47E-01	0.26	1.86E-01
<b>RP11-584P21.4</b>	-0.21	2.85E-01	-0.26	1.86E-01
<b>RP11-944L7.4</b>	0.01	9.45E-01	-0.26	1.86E-01
<b>SERINC5</b>	0.31	1.13E-01	0.26	1.86E-01
<b>SLC7A1</b>	0.29	1.30E-01	0.26	1.86E-01
<b>SNORA80B</b>	-0.09	6.53E-01	0.26	1.86E-01
<b>TRIM62</b>	0.06	7.78E-01	0.26	1.86E-01
<b>ZDHC8</b>	0.23	2.29E-01	0.26	1.86E-01
<b>ZIM2</b>	0.23	2.44E-01	-0.26	1.86E-01
<b>ABCC1</b>	0.23	2.44E-01	0.26	1.86E-01
<b>APAF1</b>	0.17	4.01E-01	0.26	1.86E-01
<b>ATP8B1</b>	0.34	7.66E-02	0.26	1.86E-01
<b>C3orf38</b>	0.12	5.43E-01	-0.26	1.86E-01
<b>CCL14</b>	0.04	8.54E-01	-0.26	1.86E-01
<b>GPATCH8</b>	-0.22	2.60E-01	-0.26	1.86E-01
<b>HOXD8</b>	-0.09	6.38E-01	0.26	1.86E-01
<b>IFNGR2</b>	0.22	2.68E-01	0.26	1.86E-01
<b>IL21R-AS1</b>	0.11	5.62E-01	0.26	1.86E-01
<b>MAGIX</b>	-0.01	9.60E-01	-0.26	1.86E-01
<b>OAZ2</b>	0.06	7.54E-01	0.26	1.86E-01

<b>RAD54L2</b>	-0.02	9.02E-01	-0.26	1.86E-01
<b>RP11-474C8.8</b>	0.15	4.51E-01	-0.26	1.86E-01
<b>SPOCK2</b>	0.27	1.72E-01	0.26	1.86E-01
<b>TPD52</b>	0.34	7.44E-02	0.26	1.86E-01
<b>CD8B</b>	0.09	6.42E-01	0.26	1.87E-01
<b>CDKN1C</b>	-0.24	2.23E-01	0.26	1.87E-01
<b>FOSL2</b>	-0.02	9.39E-01	0.26	1.87E-01
<b>IGHG3</b>	0.31	1.05E-01	0.26	1.87E-01
<b>OR7E91P</b>	0.39	3.79E-02	0.26	1.87E-01
<b>RNU4-22P</b>	-0.35	6.98E-02	0.26	1.87E-01
<b>RNY1</b>	0.14	4.76E-01	0.26	1.87E-01
<b>TMC4</b>	0.16	4.12E-01	0.26	1.87E-01
<b>ZP4</b>	0.44	1.88E-02	0.26	1.87E-01
<b>AC073130.1</b>	-0.52	4.50E-03	-0.26	1.87E-01
<b>CLEC11A</b>	-0.09	6.63E-01	-0.26	1.87E-01
<b>GLRA3</b>	-0.40	3.45E-02	-0.26	1.87E-01
<b>KB-173C10.2</b>	-0.16	4.04E-01	-0.26	1.87E-01
<b>PRKAA2</b>	0.05	8.12E-01	-0.26	1.87E-01
<b>RP11-113K21.6</b>	0.21	2.80E-01	-0.26	1.87E-01
<b>RP11-267M23.1</b>	0.05	8.18E-01	-0.26	1.87E-01
<b>RP11-411A19.5</b>	0.42	2.78E-02	-0.26	1.87E-01
<b>ZNF829</b>	0.17	3.78E-01	-0.26	1.87E-01
<b>AC005076.5</b>	-0.12	5.47E-01	-0.26	1.87E-01
<b>AGK</b>	0.17	3.82E-01	-0.26	1.87E-01
<b>CLEC2A</b>	0.05	8.07E-01	-0.26	1.87E-01
<b>CPNE4</b>	-0.19	3.43E-01	-0.26	1.87E-01
<b>DDTL</b>	0.18	3.48E-01	0.26	1.87E-01
<b>ELOVL2</b>	-0.30	1.19E-01	-0.26	1.87E-01
<b>G24400</b>	0.32	9.68E-02	0.26	1.87E-01
<b>MSTO2P</b>	-0.08	6.94E-01	-0.26	1.87E-01
<b>RP11-392A14.9</b>	0.08	6.91E-01	-0.26	1.87E-01
<b>RP11-73K9.2</b>	0.27	1.70E-01	-0.26	1.87E-01
<b>RP11-758M4.4</b>	0.02	9.03E-01	0.26	1.87E-01
<b>RP4-671G15.2</b>	0.05	7.91E-01	-0.26	1.87E-01
<b>RUNX1T1</b>	-0.24	2.25E-01	0.26	1.87E-01
<b>SYT12</b>	0.27	1.58E-01	0.26	1.87E-01
<b>WWTR1</b>	0.28	1.44E-01	0.26	1.87E-01
<b>AC023481.1</b>	0.08	6.84E-01	0.26	1.88E-01
<b>ATP1A1</b>	0.09	6.55E-01	0.26	1.88E-01
<b>BSNDP2</b>	-0.11	5.91E-01	0.26	1.88E-01
<b>CEBPA</b>	-0.08	6.95E-01	-0.26	1.88E-01
<b>CTD-2027I19.3</b>	-0.17	3.93E-01	-0.26	1.88E-01
<b>CTD-2201E9.3</b>	-0.10	6.10E-01	-0.26	1.88E-01
<b>FAM71D</b>	0.00	9.97E-01	-0.26	1.88E-01
<b>HNRNPA3P7</b>	-0.09	6.62E-01	-0.26	1.88E-01
<b>OTUB2</b>	0.26	1.85E-01	0.26	1.88E-01
<b>RP11-160H22.5</b>	-0.10	6.08E-01	-0.26	1.88E-01

RP11-245D16.4	0.07	7.39E-01	0.26	1.88E-01
RP11-304L19.3	-0.21	2.83E-01	0.26	1.88E-01
RP11-317B17.3	-0.10	6.19E-01	-0.26	1.88E-01
RP11-369F10.2	-0.20	3.10E-01	0.26	1.88E-01
RP11-81A1.6	-0.35	6.77E-02	-0.26	1.88E-01
RP3-429O6.1	0.01	9.66E-01	-0.26	1.88E-01
RP4-614O4.13	-0.12	5.34E-01	-0.26	1.88E-01
XLOC_007667	0.15	4.46E-01	0.26	1.88E-01
XLOC_014046	-0.01	9.72E-01	-0.26	1.88E-01
ZNF419	-0.40	3.70E-02	-0.26	1.88E-01
AD000864.6	-0.07	7.28E-01	0.26	1.88E-01
CTD-2235C13.1	-0.18	3.52E-01	0.26	1.88E-01
DPH6-AS1	-0.05	8.16E-01	-0.26	1.88E-01
IFNA5	0.23	2.47E-01	-0.26	1.88E-01
KLHL3	0.31	1.08E-01	0.26	1.88E-01
MCOLN1	0.01	9.76E-01	0.26	1.88E-01
PGAM1P6	0.05	7.93E-01	0.26	1.88E-01
PSPN	-0.23	2.44E-01	0.26	1.88E-01
RAB3D	0.26	1.77E-01	0.26	1.88E-01
RN7SL170P	-0.10	6.05E-01	-0.26	1.88E-01
RP11-383C5.3	-0.21	2.88E-01	-0.26	1.88E-01
TAS2R43	0.06	7.63E-01	0.26	1.88E-01
TRIM37	-0.02	9.39E-01	-0.26	1.88E-01
ZC3H12A	0.38	4.81E-02	0.26	1.88E-01
AC017104.6	-0.42	2.73E-02	-0.26	1.89E-01
AP000251.3	0.15	4.41E-01	-0.26	1.89E-01
BORCS6	0.04	8.42E-01	0.26	1.89E-01
C6orf25	-0.28	1.53E-01	-0.26	1.89E-01
CALML3	0.39	3.94E-02	0.26	1.89E-01
FAM110A	-0.14	4.87E-01	0.26	1.89E-01
GPR158	-0.19	3.24E-01	0.26	1.89E-01
HSD17B13	-0.14	4.68E-01	-0.26	1.89E-01
IRX4	0.03	8.66E-01	-0.26	1.89E-01
KLHL7	-0.10	6.19E-01	-0.26	1.89E-01
LINC00665	-0.03	8.68E-01	-0.26	1.89E-01
MAST2	-0.13	5.01E-01	0.26	1.89E-01
MCIDAS	-0.05	7.85E-01	-0.26	1.89E-01
MFSD12	-0.29	1.36E-01	-0.26	1.89E-01
PRSS21	0.26	1.77E-01	0.26	1.89E-01
RP11-107K17.2	-0.03	8.89E-01	-0.26	1.89E-01
RP11-288K12.1	0.22	2.68E-01	0.26	1.89E-01
RP11-382A20.4	-0.21	2.76E-01	-0.26	1.89E-01
RP11-700J17.1	0.05	7.89E-01	-0.26	1.89E-01
RP3-382I10.7	-0.01	9.75E-01	-0.26	1.89E-01
SAMMD15	0.34	8.10E-02	0.26	1.89E-01
UTS2	0.21	2.80E-01	-0.26	1.89E-01
ADH5	0.31	1.09E-01	0.26	1.89E-01

<b>C1QTNF3-AMACR</b>	-0.05	8.01E-01	-0.26	1.89E-01
<b>CELF3</b>	0.15	4.56E-01	-0.26	1.89E-01
<b>CYHR1</b>	-0.06	7.78E-01	0.26	1.89E-01
<b>FABP5P5</b>	0.10	6.22E-01	0.26	1.89E-01
<b>KPRP</b>	-0.02	9.24E-01	0.26	1.89E-01
<b>MYPOP</b>	-0.01	9.78E-01	0.26	1.89E-01
<b>OR7E100P</b>	0.23	2.48E-01	-0.26	1.89E-01
<b>PCSK6</b>	0.37	5.16E-02	0.26	1.89E-01
<b>PIP5KL1</b>	-0.02	9.14E-01	0.26	1.89E-01
<b>PSMB8-AS1</b>	0.13	5.07E-01	0.26	1.89E-01
<b>RP11-115C21.2</b>	0.04	8.45E-01	0.26	1.89E-01
<b>RP11-122G18.7</b>	-0.19	3.26E-01	0.26	1.89E-01
<b>RP11-353M9.1</b>	-0.10	6.16E-01	-0.26	1.89E-01
<b>RP11-475O6.1</b>	-0.29	1.40E-01	-0.26	1.89E-01
<b>RP11-745L13.2</b>	-0.01	9.49E-01	-0.26	1.89E-01
<b>RP11-777B9.1</b>	-0.27	1.70E-01	-0.26	1.89E-01
<b>SIGLEC1</b>	-0.09	6.41E-01	0.26	1.89E-01
<b>UBXN7-AS1</b>	0.02	9.38E-01	-0.26	1.89E-01
<b>AC024896.1</b>	0.16	4.23E-01	-0.26	1.90E-01
<b>ACADSB</b>	-0.07	7.30E-01	-0.26	1.90E-01
<b>C5orf28</b>	0.01	9.54E-01	-0.26	1.90E-01
<b>CCDC3</b>	0.11	5.64E-01	0.26	1.90E-01
<b>CTD-3247F14.2</b>	-0.07	7.21E-01	-0.26	1.90E-01
<b>CTSW</b>	0.06	7.65E-01	0.26	1.90E-01
<b>DPRXP3</b>	0.10	6.29E-01	-0.26	1.90E-01
<b>ECT2L</b>	-0.09	6.56E-01	-0.26	1.90E-01
<b>FILIP1L</b>	-0.09	6.50E-01	-0.26	1.90E-01
<b>GPD1L</b>	-0.30	1.15E-01	-0.26	1.90E-01
<b>H3F3AP6</b>	-0.04	8.50E-01	0.26	1.90E-01
<b>IRF1</b>	0.11	5.90E-01	0.26	1.90E-01
<b>MVK</b>	0.12	5.46E-01	0.26	1.90E-01
<b>RGS9BP</b>	-0.07	7.36E-01	-0.26	1.90E-01
<b>RNU6-711P</b>	0.00	9.89E-01	-0.26	1.90E-01
<b>SCN9A</b>	-0.26	1.90E-01	0.26	1.90E-01
<b>TRIM50</b>	-0.02	9.13E-01	0.26	1.90E-01
<b>TRMT2A</b>	0.14	4.90E-01	0.26	1.90E-01
<b>USP25</b>	0.14	4.93E-01	-0.26	1.90E-01
<b>ZNF433</b>	0.00	9.83E-01	0.26	1.90E-01
<b>ZRSR2</b>	-0.45	1.60E-02	-0.26	1.90E-01
<b>AC004691.5</b>	-0.13	5.07E-01	-0.26	1.90E-01
<b>C17orf97</b>	0.07	7.07E-01	-0.26	1.90E-01
<b>CTC-428H11.2</b>	-0.05	8.16E-01	-0.26	1.90E-01
<b>CTD-2587H19.2</b>	-0.14	4.83E-01	0.26	1.90E-01
<b>CTNNAL1</b>	-0.23	2.48E-01	-0.26	1.90E-01
<b>GPANK1</b>	0.25	2.06E-01	0.26	1.90E-01
<b>GPR37</b>	0.19	3.31E-01	0.26	1.90E-01
<b>IPO13</b>	0.03	8.80E-01	0.26	1.90E-01



<b>NUTF2P6</b>	0.23	2.48E-01	-0.26	1.90E-01
<b>PLA2R1</b>	0.23	2.32E-01	-0.26	1.90E-01
<b>RP1-56K13.5</b>	0.14	4.75E-01	-0.26	1.90E-01
<b>RP11-473O4.5</b>	0.25	1.99E-01	-0.26	1.90E-01
<b>RP11-568N6.1</b>	0.19	3.24E-01	-0.26	1.90E-01
<b>SLC51A</b>	-0.24	2.18E-01	-0.26	1.90E-01
<b>SNORD100</b>	0.19	3.39E-01	-0.26	1.90E-01
<b>TTY10</b>	0.43	2.35E-02	0.26	1.90E-01
<b>ZNF529-AS1</b>	-0.17	4.01E-01	-0.26	1.90E-01
<b>CNNM1</b>	0.18	3.51E-01	-0.26	1.91E-01
<b>FADS2P1</b>	0.22	2.66E-01	0.26	1.91E-01
<b>GABRA2</b>	0.34	7.69E-02	-0.26	1.91E-01
<b>IRX6</b>	0.06	7.54E-01	-0.26	1.91E-01
<b>LINC01503</b>	0.17	3.96E-01	0.26	1.91E-01
<b>MPEG1</b>	0.07	7.24E-01	0.26	1.91E-01
<b>PAN3</b>	-0.20	2.98E-01	-0.26	1.91E-01
<b>RP11-1149O23.3</b>	0.31	1.14E-01	0.26	1.91E-01
<b>SNORA36B</b>	-0.15	4.52E-01	0.26	1.91E-01
<b>ZNF839</b>	-0.15	4.44E-01	-0.26	1.91E-01
<b>ADCY9</b>	-0.09	6.63E-01	0.26	1.91E-01
<b>CERK</b>	0.07	7.38E-01	0.26	1.91E-01
<b>LINC00853</b>	-0.25	2.01E-01	0.26	1.91E-01
<b>PDE10A</b>	-0.35	6.68E-02	0.26	1.91E-01
<b>SNORD114-1</b>	-0.11	5.70E-01	0.26	1.91E-01
<b>ATAD5</b>	0.05	7.97E-01	-0.26	1.91E-01
<b>CCDC178</b>	0.00	9.85E-01	-0.26	1.91E-01
<b>INHA</b>	-0.16	4.28E-01	-0.26	1.91E-01
<b>KIAA2026</b>	-0.29	1.36E-01	-0.26	1.91E-01
<b>KNOP1P2</b>	-0.12	5.55E-01	-0.26	1.91E-01
<b>MYL3</b>	-0.15	4.36E-01	-0.26	1.91E-01
<b>PET117</b>	0.08	6.86E-01	-0.26	1.91E-01
<b>RP11-267M23.4</b>	-0.19	3.35E-01	-0.26	1.91E-01
<b>RP11-408H20.3</b>	-0.05	8.04E-01	-0.26	1.91E-01
<b>RP11-575L7.4</b>	-0.18	3.49E-01	-0.26	1.91E-01
<b>RP5-945I17.2</b>	0.09	6.39E-01	-0.26	1.91E-01
<b>RPA3</b>	0.18	3.53E-01	-0.26	1.91E-01
<b>SOX5</b>	-0.06	7.66E-01	-0.26	1.91E-01
<b>BRAT1</b>	-0.11	5.79E-01	0.26	1.92E-01
<b>CASP6</b>	0.05	7.88E-01	0.26	1.92E-01
<b>CDK19</b>	-0.07	7.36E-01	0.26	1.92E-01
<b>DNAJC10</b>	0.02	9.16E-01	-0.26	1.92E-01
<b>DYNC2LI1</b>	0.06	7.70E-01	-0.26	1.92E-01
<b>FAM72A</b>	-0.22	2.65E-01	0.26	1.92E-01
<b>GNL3L</b>	-0.05	8.13E-01	0.26	1.92E-01
<b>MS4A4A</b>	-0.07	7.40E-01	0.26	1.92E-01
<b>PLAUR</b>	0.16	4.23E-01	0.26	1.92E-01
<b>PPIAP11</b>	-0.20	2.97E-01	0.26	1.92E-01

PSKH1	0.01	9.74E-01	0.26	1.92E-01
PUDPP2	0.10	6.13E-01	-0.26	1.92E-01
RP11-115H13.1	0.40	3.47E-02	0.26	1.92E-01
RP11-1379J22.5	-0.13	5.21E-01	0.26	1.92E-01
RP11-494M8.4	-0.23	2.48E-01	-0.26	1.92E-01
TCEAL1	-0.08	6.80E-01	-0.26	1.92E-01
TMEM117	0.28	1.56E-01	0.26	1.92E-01
ZNF287	-0.16	4.23E-01	-0.26	1.92E-01
ABHD17AP3	0.15	4.54E-01	-0.26	1.93E-01
AKAP5	0.10	6.23E-01	-0.26	1.93E-01
DOC2B	0.07	7.07E-01	0.26	1.93E-01
FAM167A	-0.15	4.43E-01	0.26	1.93E-01
FCER2	-0.27	1.65E-01	0.26	1.93E-01
GHDC	0.18	3.69E-01	0.26	1.93E-01
LINC01585	0.00	9.85E-01	-0.26	1.93E-01
LRP10	0.31	1.11E-01	0.26	1.93E-01
PLAC8L1	-0.27	1.60E-01	-0.26	1.93E-01
RFK	0.05	7.89E-01	-0.26	1.93E-01
RNU6-155P	-0.16	4.10E-01	-0.26	1.93E-01
RP11-305E6.4	-0.21	2.80E-01	-0.26	1.93E-01
RP11-45A17.3	-0.19	3.29E-01	0.26	1.93E-01
RP11-498C9.15	0.27	1.63E-01	-0.26	1.93E-01
SH2D2A	0.31	1.14E-01	0.26	1.93E-01
SNX27	-0.06	7.78E-01	-0.26	1.93E-01
WDR41	-0.06	7.75E-01	-0.26	1.93E-01
AC046143.3	-0.04	8.54E-01	0.26	1.93E-01
C2orf74	-0.13	5.17E-01	0.26	1.93E-01
FUZ	0.29	1.41E-01	0.26	1.93E-01
GSS	-0.04	8.57E-01	0.26	1.93E-01
NEK6	0.05	8.10E-01	0.26	1.93E-01
PLEKHG2	0.12	5.50E-01	0.26	1.93E-01
RELL1	-0.26	1.83E-01	-0.26	1.93E-01
RP11-2N1.1	-0.19	3.32E-01	-0.26	1.93E-01
RP11-812E19.3	0.08	7.02E-01	0.26	1.93E-01
RP3-399L15.3	0.00	9.93E-01	-0.26	1.93E-01
RP4-758J18.10	0.21	2.94E-01	0.26	1.93E-01
SLC25A38	0.00	9.86E-01	0.26	1.93E-01
TECR	-0.06	7.71E-01	0.26	1.93E-01
TTF1	-0.07	7.19E-01	-0.26	1.93E-01
ZNF592	0.02	9.27E-01	0.26	1.93E-01
AC008738.2	-0.07	7.28E-01	-0.26	1.94E-01
BIRC6-AS1	-0.11	5.90E-01	-0.26	1.94E-01
C1QTNF1-AS1	0.15	4.36E-01	0.26	1.94E-01
G40216	-0.17	3.92E-01	-0.26	1.94E-01
HYMAI	-0.44	1.90E-02	-0.26	1.94E-01
IKBKAP	-0.05	8.00E-01	-0.26	1.94E-01
MTMR4	0.05	7.96E-01	0.26	1.94E-01

<b>RORA-AS1</b>	-0.36	6.24E-02	-0.26	1.94E-01
<b>RP11-757F18.5</b>	-0.25	2.06E-01	-0.26	1.94E-01
<b>RP11-817O13.8</b>	0.33	9.12E-02	0.26	1.94E-01
<b>RP11-85O21.2</b>	-0.36	5.86E-02	-0.26	1.94E-01
<b>SNRNP27</b>	-0.24	2.21E-01	-0.26	1.94E-01
<b>THRAP3</b>	0.08	6.89E-01	-0.26	1.94E-01
<b>ZNF160</b>	-0.24	2.13E-01	-0.26	1.94E-01
<b>ZNF805</b>	-0.06	7.53E-01	-0.26	1.94E-01
<b>CTD-2184D3.1</b>	-0.10	6.30E-01	-0.26	1.94E-01
<b>DLGAP1-AS1</b>	0.04	8.25E-01	0.26	1.94E-01
<b>DMBX1</b>	0.22	2.62E-01	-0.26	1.94E-01
<b>FYB</b>	0.01	9.40E-01	0.26	1.94E-01
<b>IPP</b>	-0.03	8.77E-01	0.26	1.94E-01
<b>PADI1</b>	-0.10	6.14E-01	0.26	1.94E-01
<b>PRR19</b>	0.32	1.01E-01	0.26	1.94E-01
<b>QPCTL</b>	0.14	4.74E-01	0.26	1.94E-01
<b>RP11-18H21.1</b>	0.24	2.24E-01	0.26	1.94E-01
<b>RP11-345P4.7</b>	0.30	1.16E-01	-0.26	1.94E-01
<b>RP11-354E23.5</b>	-0.23	2.38E-01	-0.26	1.94E-01
<b>RPL7AP28</b>	0.00	9.99E-01	-0.26	1.94E-01
<b>RPS6KA2</b>	0.13	5.12E-01	0.26	1.94E-01
<b>SDHAF2</b>	0.20	2.96E-01	0.26	1.94E-01
<b>SLC4A5</b>	-0.16	4.12E-01	-0.26	1.94E-01
<b>CTB-55O6.8</b>	-0.24	2.14E-01	-0.26	1.95E-01
<b>EBF4</b>	0.37	5.40E-02	0.26	1.95E-01
<b>LPAR4</b>	-0.25	1.99E-01	0.26	1.95E-01
<b>MLIP</b>	0.07	7.21E-01	0.26	1.95E-01
<b>NRROS</b>	-0.14	4.88E-01	0.26	1.95E-01
<b>RIPK2</b>	-0.25	1.91E-01	-0.26	1.95E-01
<b>RP11-159D12.2</b>	-0.24	2.18E-01	-0.26	1.95E-01
<b>RP11-463J10.2</b>	-0.12	5.29E-01	0.26	1.95E-01
<b>RP11-513D5.5</b>	-0.02	9.01E-01	0.26	1.95E-01
<b>RP11-61J19.4</b>	0.05	7.96E-01	0.26	1.95E-01
<b>RPL9P2</b>	-0.33	9.07E-02	-0.26	1.95E-01
<b>RPS26P6</b>	-0.08	6.95E-01	-0.26	1.95E-01
<b>RPS3P1</b>	-0.17	3.86E-01	0.26	1.95E-01
<b>RSRC2</b>	-0.10	6.07E-01	-0.26	1.95E-01
<b>SQSTM1</b>	-0.10	6.02E-01	0.26	1.95E-01
<b>TIGD2</b>	0.07	7.32E-01	0.26	1.95E-01
<b>TM4SF1-AS1</b>	-0.04	8.50E-01	-0.26	1.95E-01
<b>BCOR</b>	0.08	6.87E-01	0.26	1.95E-01
<b>MROH1</b>	0.04	8.53E-01	0.26	1.95E-01
<b>RP11-10A14.3</b>	0.17	3.91E-01	0.26	1.95E-01
<b>SNORA20</b>	0.19	3.44E-01	0.26	1.95E-01
<b>SRRM3</b>	0.15	4.49E-01	0.26	1.95E-01
<b>AC073626.2</b>	-0.03	8.91E-01	-0.26	1.95E-01
<b>ARHGAP8</b>	-0.17	3.79E-01	-0.26	1.95E-01

<b>CH17-264L24.1</b>	-0.10	6.13E-01	-0.26	1.95E-01
<b>DLEU7-AS1</b>	-0.05	7.94E-01	-0.26	1.95E-01
<b>KCNE1</b>	-0.22	2.55E-01	-0.26	1.95E-01
<b>LA16c-395F10.2</b>	-0.17	3.98E-01	-0.26	1.95E-01
<b>MANEA-AS1</b>	-0.22	2.51E-01	-0.26	1.95E-01
<b>RN7SKP198</b>	-0.21	2.88E-01	-0.26	1.95E-01
<b>RP11-298I3.1</b>	0.19	3.31E-01	-0.26	1.95E-01
<b>TFB2M</b>	0.11	5.69E-01	-0.26	1.95E-01
<b>CDC42EP3</b>	0.21	2.73E-01	-0.26	1.96E-01
<b>CEBPG</b>	0.13	5.08E-01	-0.26	1.96E-01
<b>CELP</b>	-0.21	2.93E-01	-0.26	1.96E-01
<b>LINC01449</b>	-0.18	3.72E-01	-0.26	1.96E-01
<b>RP11-816J6.3</b>	-0.20	3.14E-01	-0.26	1.96E-01
<b>SLITRK2</b>	-0.30	1.25E-01	-0.26	1.96E-01
<b>AC104135.2</b>	-0.04	8.41E-01	0.26	1.96E-01
<b>EPN3</b>	0.37	5.01E-02	0.26	1.96E-01
<b>FKBP1B</b>	0.14	4.65E-01	0.26	1.96E-01
<b>G10695</b>	0.03	8.62E-01	0.26	1.96E-01
<b>GPR132</b>	0.18	3.55E-01	0.26	1.96E-01
<b>KRTAP10-3</b>	-0.07	7.14E-01	0.26	1.96E-01
<b>ROM1</b>	0.09	6.36E-01	0.26	1.96E-01
<b>RP11-62G11.1</b>	-0.15	4.44E-01	0.26	1.96E-01
<b>TCAIM</b>	0.23	2.45E-01	0.26	1.96E-01
<b>VSIG4</b>	-0.01	9.55E-01	0.26	1.96E-01
<b>ZC3H12D</b>	0.29	1.35E-01	0.26	1.96E-01
<b>AC004980.10</b>	0.02	9.05E-01	0.26	1.96E-01
<b>CTB-152G17.4</b>	-0.18	3.63E-01	0.26	1.96E-01
<b>CTD-2267D19.4</b>	-0.11	5.73E-01	0.26	1.96E-01
<b>G6PD</b>	0.19	3.25E-01	0.26	1.96E-01
<b>GSTM5</b>	-0.43	2.18E-02	-0.26	1.96E-01
<b>KIF2C</b>	0.13	5.02E-01	0.26	1.96E-01
<b>KLF11</b>	-0.16	4.25E-01	-0.26	1.96E-01
<b>MIR1972-2</b>	-0.22	2.56E-01	-0.26	1.96E-01
<b>MUM1L1</b>	0.04	8.37E-01	-0.26	1.96E-01
<b>RNA5SP465</b>	-0.22	2.58E-01	0.26	1.96E-01
<b>RP11-159G9.5</b>	0.06	7.51E-01	0.26	1.96E-01
<b>SEC62</b>	-0.13	5.26E-01	-0.26	1.96E-01
<b>TEC</b>	0.04	8.46E-01	-0.26	1.96E-01
<b>UPF3BP2</b>	-0.21	2.89E-01	-0.26	1.96E-01
<b>XLOC_004671</b>	-0.09	6.35E-01	-0.26	1.96E-01
<b>AC005159.1</b>	-0.16	4.07E-01	-0.26	1.97E-01
<b>AP4B1-AS1</b>	-0.18	3.57E-01	-0.26	1.97E-01
<b>B3GNTL1</b>	0.01	9.58E-01	-0.26	1.97E-01
<b>CASP7</b>	0.07	7.10E-01	0.26	1.97E-01
<b>CTA-243E7.1</b>	-0.24	2.14E-01	-0.26	1.97E-01
<b>DENND5B</b>	-0.31	1.09E-01	-0.26	1.97E-01
<b>FANCM</b>	0.15	4.38E-01	-0.26	1.97E-01

G23772	-0.28	1.50E-01	-0.26	1.97E-01
GUF1	0.10	6.04E-01	-0.26	1.97E-01
LIMK1	0.10	6.10E-01	0.26	1.97E-01
MSS51	0.16	4.20E-01	-0.26	1.97E-01
PAG1	0.05	8.04E-01	-0.26	1.97E-01
PNOC	-0.13	5.05E-01	-0.26	1.97E-01
RNU1-27P	-0.10	6.19E-01	0.26	1.97E-01
RP11-123O10.3	-0.07	7.30E-01	-0.26	1.97E-01
RP11-266K4.9	-0.30	1.23E-01	-0.26	1.97E-01
RP11-552M11.8	-0.30	1.23E-01	-0.26	1.97E-01
RPL12P35	-0.01	9.61E-01	0.26	1.97E-01
SH3GL1P1	0.29	1.28E-01	0.26	1.97E-01
SNORA71B	0.16	4.22E-01	0.26	1.97E-01
SPRR3	0.14	4.75E-01	0.26	1.97E-01
THEMIS	0.23	2.33E-01	0.26	1.97E-01
TMCO4	-0.01	9.48E-01	0.26	1.97E-01
ZNF415P1	-0.10	5.95E-01	0.26	1.97E-01
AC005618.6	0.19	3.44E-01	-0.26	1.98E-01
C3orf18	0.05	7.88E-01	0.26	1.98E-01
G26744	-0.20	3.17E-01	-0.26	1.98E-01
G38114	-0.22	2.56E-01	-0.26	1.98E-01
GUCY1B3	-0.50	6.54E-03	-0.26	1.98E-01
HPGDS	-0.26	1.84E-01	-0.26	1.98E-01
KLHL30	-0.10	6.23E-01	0.26	1.98E-01
MIR5683	0.04	8.45E-01	0.26	1.98E-01
NAT14	-0.04	8.33E-01	-0.26	1.98E-01
RN7SL225P	-0.11	5.87E-01	-0.26	1.98E-01
RP11-22B23.1	0.02	9.26E-01	0.26	1.98E-01
RP11-467H10.2	-0.09	6.51E-01	-0.26	1.98E-01
RP11-60C6.5	-0.11	5.81E-01	-0.26	1.98E-01
SLC2A8	0.08	6.68E-01	0.26	1.98E-01
TNIP2	0.06	7.44E-01	0.26	1.98E-01
APOE	0.15	4.50E-01	-0.26	1.98E-01
BFSP1	0.11	5.91E-01	0.26	1.98E-01
BMX	0.33	8.81E-02	0.26	1.98E-01
CARD18	0.23	2.47E-01	-0.26	1.98E-01
CHRNE	-0.15	4.44E-01	0.26	1.98E-01
ERI2	0.20	3.05E-01	0.26	1.98E-01
FKBP8	0.08	6.75E-01	0.26	1.98E-01
HAS2-AS1	-0.42	2.48E-02	0.26	1.98E-01
LRP4	-0.14	4.86E-01	0.26	1.98E-01
MIR3157	-0.17	3.74E-01	-0.26	1.98E-01
NELL1	-0.08	7.00E-01	-0.26	1.98E-01
RDH16	0.08	6.75E-01	0.26	1.98E-01
RP11-15I20.1	-0.05	7.94E-01	0.26	1.98E-01
ST6GALNAC3	-0.32	9.99E-02	0.26	1.98E-01
USP1	0.06	7.64E-01	-0.26	1.98E-01

ZNF117	0.13	5.17E-01	-0.26	1.98E-01
AFF3	-0.38	4.62E-02	-0.26	1.99E-01
ATP1A4	0.03	8.81E-01	0.26	1.99E-01
BLZF2P	-0.18	3.72E-01	-0.26	1.99E-01
COL4A3	-0.31	1.08E-01	0.26	1.99E-01
DCP1A	-0.01	9.67E-01	-0.26	1.99E-01
HAUS1P1	-0.42	2.53E-02	0.26	1.99E-01
HTRA1	0.12	5.40E-01	0.26	1.99E-01
NRAV	0.14	4.73E-01	0.26	1.99E-01
NRIP1	0.36	5.76E-02	-0.26	1.99E-01
RP11-109A6.2	0.08	7.00E-01	-0.26	1.99E-01
RP11-120M18.2	-0.14	4.70E-01	-0.26	1.99E-01
RP11-697K23.3	-0.01	9.40E-01	0.26	1.99E-01
RP11-76C10.6	-0.03	8.79E-01	-0.26	1.99E-01
RP3-431P23.5	0.20	3.12E-01	0.26	1.99E-01
RPL7P16	0.06	7.76E-01	0.26	1.99E-01
RRAS	0.08	7.01E-01	0.26	1.99E-01
SH2D1A	0.21	2.88E-01	0.26	1.99E-01
TRIM60P18	0.07	7.39E-01	-0.26	1.99E-01
ACAP2-IT1	0.23	2.44E-01	-0.26	1.99E-01
ACKR4	0.11	5.61E-01	0.26	1.99E-01
CCDC137	0.33	8.75E-02	0.26	1.99E-01
CRAT	-0.01	9.71E-01	-0.26	1.99E-01
ESPL1	0.01	9.65E-01	-0.26	1.99E-01
FOXK2	0.21	2.85E-01	0.26	1.99E-01
FRYL	-0.19	3.36E-01	-0.26	1.99E-01
G26207	-0.04	8.23E-01	-0.26	1.99E-01
LA16c-380F5.3	0.28	1.42E-01	0.26	1.99E-01
LLNLR-304A6.2	-0.05	7.96E-01	0.26	1.99E-01
NPHP1	-0.10	6.06E-01	-0.26	1.99E-01
PCDH7	0.05	8.15E-01	0.26	1.99E-01
PSAP	0.04	8.21E-01	0.26	1.99E-01
RP11-392B6.1	0.09	6.52E-01	-0.26	1.99E-01
XLOC_003663	-0.11	5.64E-01	0.26	1.99E-01
AP000240.9	0.15	4.34E-01	-0.25	2.00E-01
BANF1P2	0.30	1.21E-01	0.25	2.00E-01
CTC-499B15.8	0.04	8.39E-01	0.25	2.00E-01
ETFA	0.02	9.20E-01	-0.25	2.00E-01
HMBOX1	-0.24	2.27E-01	-0.25	2.00E-01
IL19	0.17	3.91E-01	0.25	2.00E-01
MGC16275	0.18	3.60E-01	-0.25	2.00E-01
RP11-229O3.1	-0.27	1.67E-01	0.25	2.00E-01
RP11-490B18.5	0.02	9.35E-01	0.25	2.00E-01
RPS23P5	0.09	6.44E-01	-0.25	2.00E-01
SAFB	-0.01	9.46E-01	0.25	2.00E-01
TMC7	0.20	2.98E-01	0.25	2.00E-01
TNRC6C-AS1	0.29	1.28E-01	0.25	2.00E-01

ZNF362	-0.17	3.89E-01	0.25	2.00E-01
ADH4	0.08	7.02E-01	-0.25	2.00E-01
AL162424.1	0.00	9.81E-01	-0.25	2.00E-01
C10orf10	-0.25	1.99E-01	0.25	2.00E-01
CTD-3239E11.2	0.22	2.56E-01	-0.25	2.00E-01
F10	0.00	9.85E-01	0.25	2.00E-01
GATA5	0.06	7.73E-01	0.25	2.00E-01
HARBI1	0.22	2.59E-01	0.25	2.00E-01
LINC01569	0.19	3.41E-01	0.25	2.00E-01
MAATS1	-0.15	4.58E-01	-0.25	2.00E-01
MLLT3	0.20	3.01E-01	0.25	2.00E-01
RC3H2	0.26	1.78E-01	0.25	2.00E-01
RFWD3	0.09	6.48E-01	0.25	2.00E-01
RHOV	0.21	2.73E-01	0.25	2.00E-01
RP11-361F15.5	-0.15	4.35E-01	-0.25	2.00E-01
RP11-400F19.6	0.17	3.94E-01	0.25	2.00E-01
RP11-59H7.3	0.06	7.78E-01	-0.25	2.00E-01
RP11-804N13.1	0.01	9.70E-01	-0.25	2.00E-01
SLC29A4	0.39	4.20E-02	0.25	2.00E-01
SMARCA4	0.06	7.72E-01	0.25	2.00E-01
SNORD9	0.05	7.91E-01	0.25	2.00E-01
SNORD99	0.26	1.80E-01	-0.25	2.00E-01
TSC22D1	-0.08	6.88E-01	-0.25	2.00E-01
ZSCAN9	0.02	9.17E-01	-0.25	2.00E-01
AC012370.2	-0.15	4.60E-01	0.25	2.01E-01
AWAT1	-0.01	9.47E-01	-0.25	2.01E-01
CTB-63M22.1	-0.05	8.16E-01	0.25	2.01E-01
CTC-297N7.9	0.01	9.43E-01	-0.25	2.01E-01
DSCC1	0.11	5.69E-01	-0.25	2.01E-01
LINC01527	0.35	7.08E-02	0.25	2.01E-01
MIR4767	-0.01	9.75E-01	0.25	2.01E-01
PPP4R4	-0.16	4.26E-01	-0.25	2.01E-01
RP11-167P22.3	0.18	3.57E-01	-0.25	2.01E-01
RP11-307C19.2	-0.32	1.01E-01	-0.25	2.01E-01
RP11-548P2.2	-0.19	3.23E-01	-0.25	2.01E-01
RP11-801G16.2	-0.05	8.12E-01	-0.25	2.01E-01
AK6	-0.01	9.58E-01	-0.25	2.01E-01
AP001439.2	0.00	9.97E-01	-0.25	2.01E-01
DIAPH3-AS2	-0.26	1.87E-01	-0.25	2.01E-01
GYPE	-0.13	5.15E-01	-0.25	2.01E-01
RP11-240G22.5	0.27	1.65E-01	-0.25	2.01E-01
RP11-372K14.2	-0.08	6.95E-01	-0.25	2.01E-01
RP11-530N7.3	-0.14	4.75E-01	-0.25	2.01E-01
RP11-723J4.3	-0.42	2.52E-02	-0.25	2.01E-01
CD53	0.17	3.89E-01	0.25	2.01E-01
CLEC4G	0.07	7.36E-01	0.25	2.01E-01
DAPK3	-0.01	9.56E-01	0.25	2.01E-01

PNPLA6	0.29	1.31E-01	0.25	2.01E-01
RP11-452L6.7	0.24	2.22E-01	0.25	2.01E-01
SLC7A7	0.41	2.90E-02	0.25	2.01E-01
UBAP2L	0.08	6.87E-01	0.25	2.01E-01
AC104134.2	-0.15	4.44E-01	-0.25	2.02E-01
CEP78	0.14	4.63E-01	-0.25	2.02E-01
EEF1A1P22	0.22	2.53E-01	-0.25	2.02E-01
ENPP1	-0.14	4.81E-01	-0.25	2.02E-01
FUT2	-0.05	7.92E-01	0.25	2.02E-01
G32331	0.03	8.76E-01	0.25	2.02E-01
G3405	-0.03	8.79E-01	-0.25	2.02E-01
MAP3K13	-0.08	6.77E-01	-0.25	2.02E-01
MC1R	-0.18	3.68E-01	-0.25	2.02E-01
PIWIL2	-0.06	7.52E-01	-0.25	2.02E-01
RINL	0.09	6.35E-01	-0.25	2.02E-01
RNF103	-0.01	9.51E-01	-0.25	2.02E-01
RP11-148K1.12	-0.24	2.10E-01	-0.25	2.02E-01
RP3-522J7.5	-0.19	3.37E-01	-0.25	2.02E-01
SCN1B	-0.22	2.56E-01	0.25	2.02E-01
TG	-0.37	5.35E-02	-0.25	2.02E-01
ZMYND11	0.16	4.23E-01	-0.25	2.02E-01
AC084117.3	0.15	4.61E-01	0.25	2.03E-01
ATP6V0D1	0.38	4.59E-02	0.25	2.03E-01
CLC	-0.25	2.09E-01	0.25	2.03E-01
LOXL1-AS1	0.20	3.13E-01	0.25	2.03E-01
RP11-345I18.4	-0.25	2.09E-01	0.25	2.03E-01
RP11-649E7.7	0.03	8.69E-01	0.25	2.03E-01
SCPEP1	0.03	8.73E-01	0.25	2.03E-01
AMIGO2	0.04	8.29E-01	-0.25	2.03E-01
GRAP	0.32	1.01E-01	-0.25	2.03E-01
MTTP	-0.19	3.39E-01	-0.25	2.03E-01
PSAPL1	-0.26	1.90E-01	-0.25	2.03E-01
PTK2	-0.17	3.95E-01	-0.25	2.03E-01
RP11-861E21.3	-0.02	9.29E-01	-0.25	2.03E-01
UBIAD1	-0.03	8.99E-01	-0.25	2.03E-01
ABCA5	-0.01	9.65E-01	-0.25	2.03E-01
AC005702.1	-0.14	4.67E-01	-0.25	2.03E-01
AC080037.1	0.25	1.99E-01	0.25	2.03E-01
AC126614.1	0.12	5.28E-01	0.25	2.03E-01
APOLD1	-0.28	1.53E-01	-0.25	2.03E-01
C1D	-0.12	5.50E-01	-0.25	2.03E-01
CECR5-AS1	-0.04	8.23E-01	-0.25	2.03E-01
CPB2	-0.03	8.74E-01	-0.25	2.03E-01
CTD-2006M22.2	-0.39	3.86E-02	-0.25	2.03E-01
CYSTM1	-0.09	6.36E-01	-0.25	2.03E-01
DRAM1	-0.18	3.49E-01	0.25	2.03E-01
EMX1	-0.14	4.93E-01	-0.25	2.03E-01



<b>FAM86B1</b>	-0.16	4.25E-01	0.25	2.03E-01
<b>FOXP4</b>	0.05	8.07E-01	0.25	2.03E-01
<b>FZD6</b>	0.38	4.56E-02	0.25	2.03E-01
<b>GUCY1A3</b>	-0.29	1.38E-01	0.25	2.03E-01
<b>IL17D</b>	0.05	8.13E-01	-0.25	2.03E-01
<b>KCND2</b>	-0.54	3.08E-03	-0.25	2.03E-01
<b>KIAA0141</b>	0.24	2.18E-01	0.25	2.03E-01
<b>KLF4P1</b>	-0.02	9.37E-01	-0.25	2.03E-01
<b>LINC00540</b>	0.16	4.29E-01	0.25	2.03E-01
<b>MRPL16</b>	0.24	2.24E-01	0.25	2.03E-01
<b>MTND4P32</b>	0.04	8.41E-01	-0.25	2.03E-01
<b>MTRF1L</b>	-0.09	6.40E-01	-0.25	2.03E-01
<b>P2RY12</b>	-0.04	8.27E-01	0.25	2.03E-01
<b>PRSS37</b>	-0.15	4.48E-01	-0.25	2.03E-01
<b>RNA5SP118</b>	-0.24	2.20E-01	-0.25	2.03E-01
<b>RP11-373D23.2</b>	0.01	9.56E-01	-0.25	2.03E-01
<b>RP11-404P21.9</b>	-0.15	4.41E-01	0.25	2.03E-01
<b>RP11-411B10.2</b>	-0.28	1.47E-01	-0.25	2.03E-01
<b>RP11-90L20.2</b>	-0.16	4.24E-01	-0.25	2.03E-01
<b>RP4-695O20.1</b>	0.35	6.59E-02	-0.25	2.03E-01
<b>RPL23AP17</b>	-0.15	4.40E-01	-0.25	2.03E-01
<b>SLC36A3</b>	-0.21	2.90E-01	-0.25	2.03E-01
<b>TGDS</b>	-0.05	8.12E-01	-0.25	2.03E-01
<b>TRAF4</b>	-0.01	9.50E-01	0.25	2.03E-01
<b>TXN2</b>	0.14	4.89E-01	0.25	2.03E-01
<b>XLOC_014105</b>	-0.44	1.81E-02	-0.25	2.03E-01
<b>GET4</b>	0.09	6.53E-01	0.25	2.04E-01
<b>IGFLR1</b>	-0.03	8.61E-01	0.25	2.04E-01
<b>PELI3</b>	-0.02	9.38E-01	0.25	2.04E-01
<b>PHKG1</b>	0.07	7.40E-01	-0.25	2.04E-01
<b>PMAIP1</b>	0.15	4.59E-01	0.25	2.04E-01
<b>RBMS1</b>	-0.11	5.60E-01	-0.25	2.04E-01
<b>RP11-154H23.4</b>	-0.33	9.04E-02	-0.25	2.04E-01
<b>RP11-198M15.1</b>	0.00	9.99E-01	-0.25	2.04E-01
<b>RP11-353N14.7</b>	-0.11	5.79E-01	-0.25	2.04E-01
<b>RP5-872K7.7</b>	-0.15	4.38E-01	-0.25	2.04E-01
<b>SHISA3</b>	0.00	9.99E-01	0.25	2.04E-01
<b>SOCS3</b>	0.13	5.11E-01	0.25	2.04E-01
<b>AC009299.3</b>	0.20	3.09E-01	0.25	2.04E-01
<b>ANKRD18EP</b>	0.44	1.89E-02	-0.25	2.04E-01
<b>BAHCC1</b>	-0.02	9.31E-01	0.25	2.04E-01
<b>CETN3</b>	0.15	4.54E-01	0.25	2.04E-01
<b>CSNK1G2</b>	0.28	1.48E-01	0.25	2.04E-01
<b>GPLD1</b>	0.22	2.58E-01	-0.25	2.04E-01
<b>HIST1H2APS4</b>	0.02	9.31E-01	-0.25	2.04E-01
<b>IFI30</b>	-0.07	7.16E-01	0.25	2.04E-01
<b>LAP3P1</b>	-0.15	4.54E-01	0.25	2.04E-01

MB21D1	0.28	1.56E-01	0.25	2.04E-01
NCR3	-0.32	9.21E-02	0.25	2.04E-01
NTAN1	-0.18	3.72E-01	0.25	2.04E-01
RAB1C	0.18	3.69E-01	-0.25	2.04E-01
RNA5SP372	-0.06	7.73E-01	0.25	2.04E-01
RP11-875O11.2	-0.25	2.02E-01	0.25	2.04E-01
RPP38	0.20	3.01E-01	-0.25	2.04E-01
RSBN1	0.08	6.86E-01	-0.25	2.04E-01
SVOPL	0.23	2.33E-01	-0.25	2.04E-01
ALDH16A1	0.20	3.04E-01	0.25	2.05E-01
BNIP3L	0.09	6.43E-01	0.25	2.05E-01
KCNE5	-0.01	9.67E-01	0.25	2.05E-01
RP11-1000B6.3	-0.12	5.34E-01	0.25	2.05E-01
RP11-267M23.3	0.17	3.79E-01	0.25	2.05E-01
RP11-363E6.3	0.26	1.75E-01	0.25	2.05E-01
SMIM20	0.09	6.40E-01	0.25	2.05E-01
USP4	-0.20	3.01E-01	0.25	2.05E-01
CAPN6	-0.09	6.64E-01	-0.25	2.05E-01
GPC6	-0.25	2.09E-01	-0.25	2.05E-01
LINC00444	-0.18	3.52E-01	-0.25	2.05E-01
OGFOD1P1	-0.25	2.01E-01	-0.25	2.05E-01
BIK	0.19	3.34E-01	0.25	2.05E-01
BLOC1S5	0.10	5.98E-01	0.25	2.05E-01
CCDC61	-0.22	2.71E-01	0.25	2.05E-01
CTD-2382E5.6	0.04	8.29E-01	0.25	2.05E-01
CUX2	0.01	9.59E-01	-0.25	2.05E-01
G30952	-0.05	7.91E-01	-0.25	2.05E-01
GRIN3A	0.03	8.87E-01	-0.25	2.05E-01
HMGN2P35	0.06	7.63E-01	0.25	2.05E-01
IGHV1-18	0.12	5.29E-01	-0.25	2.05E-01
LINC01197	-0.10	6.23E-01	0.25	2.05E-01
LRP2BP	-0.39	4.29E-02	-0.25	2.05E-01
LY6E	0.17	3.82E-01	0.25	2.05E-01
MIB2	-0.05	7.97E-01	0.25	2.05E-01
MORC2-AS1	0.22	2.51E-01	-0.25	2.05E-01
OSBPL2	0.04	8.40E-01	0.25	2.05E-01
PES1P2	0.01	9.49E-01	-0.25	2.05E-01
PNPLA3	-0.27	1.71E-01	-0.25	2.05E-01
PPP1R13L	-0.16	4.25E-01	0.25	2.05E-01
RFTN1P1	0.11	5.68E-01	0.25	2.05E-01
RN7SL558P	0.05	7.82E-01	0.25	2.05E-01
RP1-140J1.1	0.14	4.88E-01	-0.25	2.05E-01
RP11-1105G2.4	0.21	2.83E-01	-0.25	2.05E-01
RP4-753P9.3	-0.36	6.11E-02	-0.25	2.05E-01
RPL23AP52	0.02	9.32E-01	-0.25	2.05E-01
SCRIB	0.29	1.30E-01	0.25	2.05E-01
THEG	-0.12	5.34E-01	0.25	2.05E-01

<b>RP11-276H1.3</b>	0.30	1.25E-01	-0.25	2.06E-01
<b>SLC10A5</b>	-0.16	4.04E-01	-0.25	2.06E-01
<b>TRMT11</b>	0.04	8.53E-01	-0.25	2.06E-01
<b>TULP4</b>	-0.06	7.58E-01	-0.25	2.06E-01
<b>ZNF367</b>	-0.03	8.70E-01	-0.25	2.06E-01
<b>ACER3</b>	0.19	3.29E-01	0.25	2.06E-01
<b>CNN3</b>	0.28	1.43E-01	0.25	2.06E-01
<b>G33806</b>	-0.11	5.74E-01	0.25	2.06E-01
<b>G6109</b>	0.18	3.62E-01	0.25	2.06E-01
<b>PLTP</b>	0.15	4.46E-01	0.25	2.06E-01
<b>RNU1-60P</b>	0.11	5.78E-01	0.25	2.06E-01
<b>RP11-68I3.7</b>	0.05	8.18E-01	0.25	2.06E-01
<b>CLMN</b>	0.05	8.01E-01	-0.25	2.07E-01
<b>CTB-33O18.3</b>	-0.02	9.36E-01	-0.25	2.07E-01
<b>CTC-338M12.5</b>	-0.33	8.67E-02	-0.25	2.07E-01
<b>DAPK2</b>	-0.03	8.89E-01	0.25	2.07E-01
<b>ENTHD1</b>	-0.21	2.85E-01	0.25	2.07E-01
<b>GADD45A</b>	0.27	1.64E-01	0.25	2.07E-01
<b>GTPBP1</b>	0.36	5.84E-02	0.25	2.07E-01
<b>KIAA0430</b>	-0.21	2.80E-01	0.25	2.07E-01
<b>LINC00693</b>	0.14	4.71E-01	0.25	2.07E-01
<b>MALT1</b>	0.33	8.81E-02	-0.25	2.07E-01
<b>MBTPS2</b>	0.06	7.76E-01	-0.25	2.07E-01
<b>MGST1</b>	0.28	1.55E-01	-0.25	2.07E-01
<b>MRPL41</b>	-0.07	7.21E-01	0.25	2.07E-01
<b>NLRP10</b>	-0.31	1.12E-01	-0.25	2.07E-01
<b>RP11-10J21.6</b>	-0.29	1.32E-01	-0.25	2.07E-01
<b>RP11-260M2.1</b>	-0.02	9.31E-01	-0.25	2.07E-01
<b>RP11-438L19.1</b>	-0.16	4.16E-01	-0.25	2.07E-01
<b>RP11-551L14.4</b>	-0.02	9.27E-01	-0.25	2.07E-01
<b>RP11-702H23.2</b>	0.12	5.38E-01	-0.25	2.07E-01
<b>RP3-341D10.1</b>	-0.31	1.05E-01	-0.25	2.07E-01
<b>SIGLEC8</b>	0.19	3.37E-01	0.25	2.07E-01
<b>SNORD15B</b>	0.07	7.27E-01	0.25	2.07E-01
<b>TEKT5</b>	0.06	7.60E-01	-0.25	2.07E-01
<b>TLE1P1</b>	-0.34	7.77E-02	-0.25	2.07E-01
<b>ADORA1</b>	0.26	1.89E-01	0.25	2.07E-01
<b>ANAPC10P1</b>	0.03	8.78E-01	-0.25	2.07E-01
<b>CIITA</b>	0.08	7.00E-01	0.25	2.07E-01
<b>G3148</b>	-0.07	7.28E-01	-0.25	2.07E-01
<b>GLUD1P2</b>	-0.08	6.77E-01	0.25	2.07E-01
<b>HMGN1P15</b>	0.15	4.35E-01	-0.25	2.07E-01
<b>MAP3K15</b>	-0.12	5.28E-01	-0.25	2.07E-01
<b>MED17</b>	0.19	3.26E-01	-0.25	2.07E-01
<b>PEX13</b>	0.33	8.56E-02	0.25	2.07E-01
<b>RALGPS1</b>	-0.20	3.10E-01	-0.25	2.07E-01
<b>RNPC3</b>	-0.12	5.40E-01	-0.25	2.07E-01

RPL6P12	-0.31	1.03E-01	-0.25	2.07E-01
RPS20P35	0.20	3.12E-01	0.25	2.07E-01
SNORD116-23	0.14	4.90E-01	-0.25	2.07E-01
TREM1	-0.31	1.04E-01	0.25	2.07E-01
YBX1P10	0.06	7.57E-01	-0.25	2.07E-01
ZNF446	-0.27	1.59E-01	-0.25	2.07E-01
AC092580.4	0.18	3.49E-01	0.25	2.08E-01
AC130689.5	-0.12	5.54E-01	-0.25	2.08E-01
ANAPC4	0.27	1.73E-01	-0.25	2.08E-01
CCR9	-0.33	8.75E-02	-0.25	2.08E-01
CPA6	0.19	3.23E-01	0.25	2.08E-01
FOXN3	0.00	9.90E-01	-0.25	2.08E-01
G39807	0.33	8.67E-02	0.25	2.08E-01
G9021	-0.24	2.12E-01	-0.25	2.08E-01
GPHN	-0.04	8.44E-01	-0.25	2.08E-01
MIR3146	-0.21	2.86E-01	0.25	2.08E-01
MIR573	0.22	2.67E-01	-0.25	2.08E-01
PCYOX1	0.04	8.31E-01	0.25	2.08E-01
RAPGEF5	0.22	2.59E-01	0.25	2.08E-01
RBM48	-0.06	7.78E-01	-0.25	2.08E-01
RP11-384L8.1	0.21	2.84E-01	0.25	2.08E-01
THEM6	0.24	2.22E-01	0.25	2.08E-01
TMEM214	0.13	5.07E-01	0.25	2.08E-01
ZMYM1	0.26	1.81E-01	0.25	2.08E-01
AKR1E2	-0.35	6.87E-02	0.25	2.08E-01
CCT8P1	0.02	9.32E-01	-0.25	2.08E-01
CYP2C8	-0.17	3.86E-01	-0.25	2.08E-01
DHX34	0.20	2.99E-01	0.25	2.08E-01
GCC2	0.09	6.53E-01	-0.25	2.08E-01
KLHL42	0.18	3.55E-01	-0.25	2.08E-01
PAX9	0.16	4.07E-01	0.25	2.08E-01
RNA5SP288	-0.01	9.70E-01	-0.25	2.08E-01
RNU1-1	0.15	4.44E-01	0.25	2.08E-01
RP11-113A11.3	-0.34	7.79E-02	-0.25	2.08E-01
RP11-356M20.3	-0.06	7.54E-01	0.25	2.08E-01
RP11-393I2.4	-0.09	6.59E-01	-0.25	2.08E-01
RP11-831H9.3	-0.31	1.12E-01	-0.25	2.08E-01
RP13-415G19.2	0.16	4.09E-01	0.25	2.08E-01
RPTN	0.02	9.33E-01	0.25	2.08E-01
SLC22A20	-0.08	7.03E-01	-0.25	2.08E-01
TP53AIP1	0.18	3.46E-01	0.25	2.08E-01
AC022173.2	0.01	9.65E-01	-0.25	2.09E-01
FAM227B	-0.12	5.34E-01	-0.25	2.09E-01
G35278	0.06	7.66E-01	-0.25	2.09E-01
GNRH2	-0.30	1.16E-01	-0.25	2.09E-01
ITGAL	0.40	3.62E-02	0.25	2.09E-01
KLF4	-0.21	2.92E-01	-0.25	2.09E-01

MBLAC2	0.16	4.13E-01	-0.25	2.09E-01
RAPGEFL1	-0.03	8.68E-01	-0.25	2.09E-01
RNF148	-0.06	7.57E-01	0.25	2.09E-01
RP3-523K23.2	0.13	5.09E-01	0.25	2.09E-01
RP5-1125A11.7	-0.05	7.99E-01	0.25	2.09E-01
YIPF2	0.11	5.79E-01	0.25	2.09E-01
ZNF205	-0.01	9.66E-01	0.25	2.09E-01
ATP8A2P2	-0.08	6.76E-01	-0.25	2.09E-01
CD2AP	0.01	9.46E-01	-0.25	2.09E-01
CFAP161	-0.11	5.78E-01	-0.25	2.09E-01
CNGA4	-0.20	3.04E-01	-0.25	2.09E-01
CTD-2623N2.11	-0.37	5.60E-02	-0.25	2.09E-01
FAM208B	0.05	7.91E-01	-0.25	2.09E-01
FANCE	0.03	8.69E-01	0.25	2.09E-01
GDAP2	0.18	3.50E-01	-0.25	2.09E-01
LA16c-380H5.3	-0.46	1.39E-02	-0.25	2.09E-01
LHX2	-0.11	5.78E-01	-0.25	2.09E-01
MIOS	0.00	9.80E-01	-0.25	2.09E-01
MIR550A1	-0.04	8.32E-01	0.25	2.09E-01
RNF135	0.06	7.81E-01	0.25	2.09E-01
RP11-343K8.3	-0.05	7.92E-01	0.25	2.09E-01
RP11-359P5.1	0.32	9.90E-02	-0.25	2.09E-01
RP11-83J16.1	-0.10	6.10E-01	-0.25	2.09E-01
RP4-593H12.1	-0.34	7.79E-02	0.25	2.09E-01
RP5-1074L1.4	-0.22	2.56E-01	-0.25	2.09E-01
SNORA45	0.22	2.69E-01	0.25	2.09E-01
SNORD3A	0.20	3.12E-01	0.25	2.09E-01
SORBS2	-0.19	3.43E-01	-0.25	2.09E-01
SPTLC2	0.28	1.46E-01	0.25	2.09E-01
CCDC141	-0.22	2.67E-01	0.25	2.10E-01
INAFM1	0.05	8.01E-01	0.25	2.10E-01
SDCBP2	0.34	7.89E-02	0.25	2.10E-01
TIE1	-0.03	8.85E-01	0.25	2.10E-01
ZNF788	0.16	4.14E-01	0.25	2.10E-01
CXorf38	0.25	2.00E-01	-0.25	2.10E-01
FAM8A1	0.04	8.45E-01	-0.25	2.10E-01
GPR151	-0.22	2.60E-01	-0.25	2.10E-01
NECAP1P2	-0.06	7.60E-01	-0.25	2.10E-01
PDHA1P1	0.06	7.80E-01	-0.25	2.10E-01
RP11-57H14.4	-0.08	6.74E-01	-0.25	2.10E-01
RP4-593M8.1	-0.30	1.24E-01	-0.25	2.10E-01
APBA1	-0.21	2.90E-01	-0.25	2.11E-01
ASIC2	-0.08	7.00E-01	-0.25	2.11E-01
CD7	0.04	8.40E-01	0.25	2.11E-01
CTD-3064M3.4	0.10	6.01E-01	0.25	2.11E-01
CTD-3199J23.6	-0.42	2.74E-02	0.25	2.11E-01
GMPR2	0.17	3.77E-01	0.25	2.11E-01

HS3ST3A1	0.09	6.61E-01	0.25	2.11E-01
ITCH	0.01	9.65E-01	-0.25	2.11E-01
KCNC3	-0.03	8.74E-01	-0.25	2.11E-01
LCE5A	0.00	9.86E-01	-0.25	2.11E-01
LOXL4	-0.05	7.92E-01	-0.25	2.11E-01
MUC20P1	0.08	6.88E-01	-0.25	2.11E-01
RP11-356J5.12	-0.19	3.28E-01	-0.25	2.11E-01
RP11-615I2.6	0.13	5.01E-01	0.25	2.11E-01
SSH1	0.09	6.43E-01	0.25	2.11E-01
ANKRD10-IT1	-0.15	4.40E-01	-0.25	2.11E-01
CTD-2339M3.1	-0.01	9.69E-01	-0.25	2.11E-01
DPM1	0.08	6.89E-01	-0.25	2.11E-01
HPCAL4	-0.05	8.00E-01	-0.25	2.11E-01
KCNQ1OT1	-0.37	5.38E-02	-0.25	2.11E-01
KIAA0196-AS1	-0.19	3.26E-01	-0.25	2.11E-01
PHLPP2	-0.10	6.22E-01	-0.25	2.11E-01
PIF1	-0.08	6.88E-01	0.25	2.11E-01
RGS14	0.16	4.16E-01	-0.25	2.11E-01
RP11-33B1.1	0.15	4.39E-01	-0.25	2.11E-01
RP11-571F15.2	0.21	2.83E-01	0.25	2.11E-01
RP11-85B7.5	-0.20	3.13E-01	0.25	2.11E-01
SRSF4	-0.17	3.82E-01	-0.25	2.11E-01
TNS1	-0.03	8.97E-01	0.25	2.11E-01
TRABD2B	-0.08	6.73E-01	0.25	2.11E-01
CHMP4C	0.08	6.68E-01	0.25	2.12E-01
KIAA1614	-0.45	1.50E-02	0.25	2.12E-01
KLK11	-0.09	6.50E-01	-0.25	2.12E-01
PRDM6	0.04	8.30E-01	-0.25	2.12E-01
PRR29	-0.26	1.84E-01	0.25	2.12E-01
RNF219-AS1	-0.40	3.69E-02	-0.25	2.12E-01
RP1-102K2.8	-0.22	2.66E-01	-0.25	2.12E-01
RP11-36B15.1	-0.19	3.28E-01	-0.25	2.12E-01
RP11-531F16.4	-0.03	8.81E-01	-0.25	2.12E-01
RP11-545A16.3	-0.19	3.31E-01	-0.25	2.12E-01
RP11-555K12.1	0.13	5.19E-01	-0.25	2.12E-01
SNX18P9	-0.60	6.85E-04	-0.25	2.12E-01
AC079922.3	0.28	1.50E-01	0.25	2.12E-01
APOOL	0.14	4.74E-01	-0.25	2.12E-01
CABP1	-0.48	9.70E-03	0.25	2.12E-01
KXD1	0.16	4.19E-01	0.25	2.12E-01
MIR4774	-0.01	9.74E-01	-0.25	2.12E-01
NDUFA5	0.10	6.26E-01	-0.25	2.12E-01
RP11-11N7.5	-0.25	1.93E-01	-0.25	2.12E-01
RP11-142E9.1	0.01	9.67E-01	-0.25	2.12E-01
RP11-219E7.3	0.04	8.51E-01	-0.25	2.12E-01
RP11-304L19.1	-0.10	5.96E-01	-0.25	2.12E-01
RP11-505P4.6	0.21	2.91E-01	-0.25	2.12E-01

RP4-728D4.2	-0.48	8.97E-03	-0.25	2.12E-01
RP6-24A23.3	-0.20	3.20E-01	-0.25	2.12E-01
USP22	0.34	7.87E-02	0.25	2.12E-01
XLOC_003808	-0.20	3.15E-01	-0.25	2.12E-01
XLOC_009868	0.00	9.94E-01	0.25	2.12E-01
AGPAT4	0.16	4.18E-01	-0.25	2.13E-01
ARSI	-0.20	2.96E-01	-0.25	2.13E-01
CDCP1	0.26	1.84E-01	0.25	2.13E-01
ELMSAN1	-0.17	3.84E-01	-0.25	2.13E-01
RP11-798K23.5	0.35	6.64E-02	-0.25	2.13E-01
SLC39A11	0.20	3.09E-01	0.25	2.13E-01
TATDN1	-0.02	9.04E-01	-0.25	2.13E-01
XLOC_009493	-0.28	1.45E-01	-0.25	2.13E-01
ZNF740	0.08	6.93E-01	0.25	2.13E-01
AP000577.2	-0.33	8.70E-02	-0.25	2.13E-01
BRD9P2	0.00	9.90E-01	-0.25	2.13E-01
C6orf10	-0.32	1.01E-01	0.25	2.13E-01
CDHR2	-0.20	3.09E-01	-0.25	2.13E-01
EGR3	-0.17	3.75E-01	-0.25	2.13E-01
MIR4459	-0.30	1.24E-01	0.25	2.13E-01
MYD88	0.30	1.23E-01	0.25	2.13E-01
NAGA	0.17	3.88E-01	0.25	2.13E-01
RP11-446F17.3	-0.07	7.05E-01	-0.25	2.13E-01
RP3-339A18.6	-0.18	3.52E-01	0.25	2.13E-01
TMEM127	0.10	6.10E-01	0.25	2.13E-01
ZNF252P-AS1	0.00	9.90E-01	-0.25	2.13E-01
AL928654.7	-0.20	3.14E-01	-0.25	2.14E-01
ARFGF3	-0.23	2.49E-01	-0.25	2.14E-01
FCF1P2	-0.09	6.61E-01	-0.25	2.14E-01
GPR63	-0.11	5.89E-01	-0.25	2.14E-01
LRR63	-0.23	2.44E-01	0.25	2.14E-01
RHBDF2	0.23	2.31E-01	0.25	2.14E-01
RNA5SP78	-0.33	8.73E-02	0.25	2.14E-01
RP11-159F24.5	-0.34	7.39E-02	0.25	2.14E-01
RP11-48O20.5	-0.03	8.80E-01	0.25	2.14E-01
RP11-56B16.5	-0.06	7.61E-01	-0.25	2.14E-01
RP13-401N8.1	-0.10	6.22E-01	-0.25	2.14E-01
SEMG2	0.24	2.22E-01	0.25	2.14E-01
SORBS1	-0.17	3.86E-01	-0.25	2.14E-01
YTHDC1	-0.03	8.78E-01	0.25	2.14E-01
CCDC71	0.12	5.56E-01	0.25	2.15E-01
CSNK2A3	-0.12	5.41E-01	0.25	2.15E-01
DFNA5	0.21	2.91E-01	0.25	2.15E-01
ERRFI1	-0.12	5.59E-01	0.25	2.15E-01
MYH13	0.04	8.26E-01	0.25	2.15E-01
NFKB1	0.40	3.36E-02	0.25	2.15E-01
PRAF2	0.01	9.75E-01	0.25	2.15E-01

<b>RIMS3</b>	0.13	5.21E-01	0.25	2.15E-01
<b>RNU12</b>	0.14	4.70E-01	0.25	2.15E-01
<b>RP11-159N11.3</b>	0.44	2.05E-02	0.25	2.15E-01
<b>RP11-756A22.7</b>	0.09	6.51E-01	0.25	2.15E-01
<b>TRIM71</b>	-0.29	1.33E-01	0.25	2.15E-01
<b>AC017048.2</b>	-0.03	8.73E-01	-0.25	2.15E-01
<b>CBX5P1</b>	-0.41	2.95E-02	-0.25	2.15E-01
<b>CTD-2049O4.1</b>	0.11	5.86E-01	-0.25	2.15E-01
<b>FAM126B</b>	0.21	2.93E-01	-0.25	2.15E-01
<b>GDAP1L1</b>	-0.04	8.41E-01	-0.25	2.15E-01
<b>LPP</b>	-0.04	8.35E-01	-0.25	2.15E-01
<b>MORF4L2P1</b>	-0.09	6.43E-01	-0.25	2.15E-01
<b>NXPE1</b>	0.22	2.56E-01	-0.25	2.15E-01
<b>PA2G4P4</b>	0.00	9.83E-01	-0.25	2.15E-01
<b>RP11-294J22.7</b>	-0.12	5.29E-01	-0.25	2.15E-01
<b>RP11-310E22.5</b>	-0.41	3.02E-02	-0.25	2.15E-01
<b>SCARNA15</b>	0.24	2.13E-01	-0.25	2.15E-01
<b>TTC23L</b>	-0.20	3.14E-01	-0.25	2.15E-01
<b>TYR</b>	-0.28	1.48E-01	-0.25	2.15E-01
<b>ZBTB20-AS4</b>	0.10	6.19E-01	-0.25	2.15E-01
<b>AC009120.6</b>	-0.08	7.01E-01	-0.25	2.15E-01
<b>ADGRF1</b>	0.10	5.97E-01	0.25	2.15E-01
<b>BRINP2</b>	-0.30	1.15E-01	-0.25	2.15E-01
<b>CEP44</b>	-0.09	6.62E-01	-0.25	2.15E-01
<b>CTB-129P6.11</b>	0.04	8.27E-01	-0.25	2.15E-01
<b>CTD-3064H18.4</b>	-0.07	7.33E-01	-0.25	2.15E-01
<b>DNM3</b>	0.04	8.48E-01	-0.25	2.15E-01
<b>EIF3E</b>	0.02	9.27E-01	-0.25	2.15E-01
<b>ESRRAP2</b>	-0.04	8.23E-01	-0.25	2.15E-01
<b>G37636</b>	0.11	5.62E-01	0.25	2.15E-01
<b>HMGB1P31</b>	-0.08	6.74E-01	0.25	2.15E-01
<b>LILRB3</b>	0.03	8.89E-01	0.25	2.15E-01
<b>5-Mar</b>	0.42	2.77E-02	0.25	2.15E-01
<b>NAV2</b>	0.10	6.21E-01	0.25	2.15E-01
<b>RNU6-10P</b>	-0.09	6.48E-01	0.25	2.15E-01
<b>RP11-161M6.2</b>	-0.43	2.21E-02	-0.25	2.15E-01
<b>RP11-1H15.2</b>	-0.46	1.32E-02	-0.25	2.15E-01
<b>RP11-667K14.3</b>	0.21	2.83E-01	0.25	2.15E-01
<b>SLC11A2</b>	0.25	1.97E-01	-0.25	2.15E-01
<b>SNX18P15</b>	-0.10	6.15E-01	-0.25	2.15E-01
<b>UBAP2</b>	-0.08	6.92E-01	0.25	2.15E-01
<b>BORCS8</b>	-0.09	6.60E-01	0.25	2.16E-01
<b>IKZF1</b>	0.26	1.77E-01	0.25	2.16E-01
<b>RHOT2</b>	0.27	1.57E-01	0.25	2.16E-01
<b>RP13-582O9.7</b>	-0.08	7.03E-01	0.25	2.16E-01
<b>SYT11</b>	-0.29	1.39E-01	0.25	2.16E-01
<b>TRIM11</b>	-0.03	8.71E-01	0.25	2.16E-01



<b>TXNRD2</b>	-0.07	7.20E-01	0.25	2.16E-01
<b>AC007377.1</b>	-0.39	4.07E-02	-0.25	2.16E-01
<b>AC037445.1</b>	0.14	4.74E-01	-0.25	2.16E-01
<b>CORO1C</b>	-0.16	4.07E-01	-0.25	2.16E-01
<b>G12754</b>	-0.01	9.54E-01	-0.25	2.16E-01
<b>RNF130</b>	0.07	7.31E-01	-0.25	2.16E-01
<b>AC007879.2</b>	-0.02	9.04E-01	-0.25	2.16E-01
<b>AC093642.5</b>	-0.36	6.07E-02	-0.25	2.16E-01
<b>CACNA2D2</b>	-0.17	3.91E-01	-0.25	2.16E-01
<b>CCDC97</b>	0.38	4.78E-02	0.25	2.16E-01
<b>CNTF</b>	-0.06	7.58E-01	-0.25	2.16E-01
<b>CYP2C18</b>	-0.02	9.28E-01	-0.25	2.16E-01
<b>G15374</b>	0.02	9.00E-01	-0.25	2.16E-01
<b>GDPD3</b>	0.22	2.68E-01	0.25	2.16E-01
<b>GPR155</b>	0.01	9.45E-01	-0.25	2.16E-01
<b>IDH2</b>	-0.06	7.67E-01	0.25	2.16E-01
<b>NAA60</b>	-0.17	3.87E-01	0.25	2.16E-01
<b>RHCG</b>	0.35	6.50E-02	0.25	2.16E-01
<b>RP11-252I14.1</b>	-0.22	2.65E-01	-0.25	2.16E-01
<b>RP11-36C20.1</b>	0.03	8.69E-01	-0.25	2.16E-01
<b>RP11-391L3.4</b>	0.08	6.84E-01	-0.25	2.16E-01
<b>RP11-547D23.1</b>	-0.25	2.08E-01	-0.25	2.16E-01
<b>RP11-627G18.2</b>	-0.13	4.97E-01	-0.25	2.16E-01
<b>RP11-972P1.7</b>	-0.01	9.74E-01	-0.25	2.16E-01
<b>SLC31A1</b>	0.25	1.99E-01	0.25	2.16E-01
<b>ARHGEF1</b>	0.18	3.61E-01	0.25	2.17E-01
<b>ARRB2</b>	0.15	4.51E-01	0.25	2.17E-01
<b>DHRS4</b>	-0.30	1.27E-01	0.25	2.17E-01
<b>RN7SL30P</b>	-0.08	6.69E-01	0.25	2.17E-01
<b>RP11-533O20.2</b>	0.24	2.23E-01	0.25	2.17E-01
<b>RP11-750H9.5</b>	-0.02	9.26E-01	0.25	2.17E-01
<b>SYTL5</b>	0.12	5.48E-01	0.25	2.17E-01
<b>TTL</b>	0.10	6.04E-01	0.25	2.17E-01
<b>ANKRD49</b>	-0.23	2.48E-01	-0.25	2.17E-01
<b>ERMP1</b>	-0.05	7.91E-01	-0.25	2.17E-01
<b>FAM98B</b>	-0.04	8.45E-01	-0.25	2.17E-01
<b>HYKK</b>	0.00	1.00E+00	-0.25	2.17E-01
<b>IARS2</b>	0.00	9.91E-01	-0.25	2.17E-01
<b>LINC00330</b>	0.04	8.55E-01	-0.25	2.17E-01
<b>MIR553</b>	-0.05	8.07E-01	-0.25	2.17E-01
<b>PNMAL1</b>	-0.36	5.86E-02	-0.25	2.17E-01
<b>PRR13P3</b>	0.03	8.68E-01	-0.25	2.17E-01
<b>RP1-265C24.8</b>	-0.22	2.56E-01	-0.25	2.17E-01
<b>RP11-423O2.5</b>	0.05	7.83E-01	-0.25	2.17E-01
<b>RP11-515O17.2</b>	0.03	8.87E-01	-0.25	2.17E-01
<b>RPGRIP1L</b>	0.06	7.46E-01	-0.25	2.17E-01
<b>ZNF350</b>	-0.31	1.13E-01	-0.25	2.17E-01

ACTN2	0.02	9.04E-01	0.25	2.18E-01
AHDC1	-0.25	1.92E-01	-0.25	2.18E-01
CHAMP1	0.03	8.80E-01	0.25	2.18E-01
G42447	-0.04	8.43E-01	-0.25	2.18E-01
MYO7B	0.23	2.48E-01	-0.25	2.18E-01
NUCB2	-0.04	8.36E-01	-0.25	2.18E-01
PRKX-AS1	0.14	4.82E-01	0.25	2.18E-01
RABAC1	0.21	2.91E-01	0.25	2.18E-01
RN7SL846P	0.00	9.91E-01	-0.25	2.18E-01
RP11-152N13.5	-0.07	7.26E-01	0.25	2.18E-01
RP11-212P7.2	0.04	8.55E-01	0.25	2.18E-01
RP11-322E11.5	0.18	3.66E-01	0.25	2.18E-01
RPL23AP14	-0.12	5.34E-01	-0.25	2.18E-01
TBL1XR1	0.23	2.48E-01	0.25	2.18E-01
TCEANC	0.21	2.79E-01	-0.25	2.18E-01
WNK2	-0.16	4.21E-01	-0.25	2.18E-01
AL603965.1	-0.30	1.16E-01	0.24	2.18E-01
AP001055.1	-0.14	4.66E-01	0.24	2.18E-01
CD93	0.08	7.00E-01	0.24	2.18E-01
CEP85L	-0.38	4.52E-02	-0.24	2.18E-01
CHCHD10	0.30	1.27E-01	0.24	2.18E-01
CYTH1	0.15	4.47E-01	0.24	2.18E-01
HELLS	-0.01	9.66E-01	-0.24	2.18E-01
NAPRT	0.26	1.87E-01	0.24	2.18E-01
PRPH2	-0.16	4.24E-01	-0.24	2.18E-01
RAB11B	-0.22	2.68E-01	0.24	2.18E-01
RNF223	0.13	5.06E-01	0.24	2.18E-01
RNU6-862P	0.18	3.63E-01	0.24	2.18E-01
RP11-20B24.5	-0.03	8.78E-01	-0.24	2.18E-01
RP11-215C7.3	-0.19	3.30E-01	-0.24	2.18E-01
RP11-382J24.2	-0.05	7.88E-01	0.24	2.18E-01
RP11-588D3.1	0.08	6.88E-01	0.24	2.18E-01
RP11-649A18.3	0.07	7.24E-01	-0.24	2.18E-01
RP11-706O15.1	-0.33	8.87E-02	-0.24	2.18E-01
SNORA12	-0.03	8.88E-01	0.24	2.18E-01
STEAP4	0.27	1.63E-01	0.24	2.18E-01
TRAV8-4	0.00	9.96E-01	0.24	2.18E-01
ZDHHC7	0.25	1.91E-01	0.24	2.18E-01
AC007919.18	0.40	3.62E-02	0.24	2.19E-01
ADGRG4	-0.04	8.45E-01	-0.24	2.19E-01
CAPN13	-0.05	7.95E-01	-0.24	2.19E-01
CCL24	0.12	5.29E-01	0.24	2.19E-01
CTC-444N24.11	0.22	2.71E-01	-0.24	2.19E-01
CTD-3105H18.7	-0.15	4.48E-01	0.24	2.19E-01
FAM102A	0.23	2.37E-01	0.24	2.19E-01
FRRS1L	-0.21	2.78E-01	-0.24	2.19E-01
JAZF1	-0.33	8.53E-02	-0.24	2.19E-01

LINC01355	-0.33	8.45E-02	-0.24	2.19E-01
LMOD3	-0.18	3.56E-01	-0.24	2.19E-01
MCOLN3	-0.42	2.43E-02	-0.24	2.19E-01
PPIG	-0.02	9.05E-01	-0.24	2.19E-01
RN7SL285P	0.15	4.37E-01	0.24	2.19E-01
RP11-136C24.3	-0.01	9.59E-01	-0.24	2.19E-01
RP11-313J2.1	0.07	7.12E-01	0.24	2.19E-01
RP11-38L15.2	-0.09	6.37E-01	0.24	2.19E-01
RP11-53O19.3	-0.12	5.42E-01	-0.24	2.19E-01
SCD	0.16	4.29E-01	0.24	2.19E-01
SHISA5	0.15	4.54E-01	0.24	2.19E-01
SNHG8	-0.18	3.55E-01	0.24	2.19E-01
TMEM94	-0.22	2.62E-01	0.24	2.19E-01
AC092038.1	-0.02	9.16E-01	-0.24	2.19E-01
ANKRD23	-0.06	7.64E-01	-0.24	2.19E-01
ARMC7	-0.12	5.57E-01	0.24	2.19E-01
HNRNPA1P5	0.06	7.61E-01	0.24	2.19E-01
HNRNPDL	0.12	5.42E-01	-0.24	2.19E-01
ITSN2	0.21	2.80E-01	0.24	2.19E-01
JUNB	0.18	3.46E-01	0.24	2.19E-01
KRT15	0.02	9.39E-01	-0.24	2.19E-01
MECOM	0.21	2.79E-01	0.24	2.19E-01
PALM	-0.23	2.37E-01	-0.24	2.19E-01
PLD3	0.03	8.67E-01	0.24	2.19E-01
PTGDR	-0.19	3.31E-01	-0.24	2.19E-01
RFX7	-0.13	5.18E-01	0.24	2.19E-01
RNU6-553P	-0.23	2.35E-01	-0.24	2.19E-01
RPL6	0.01	9.55E-01	-0.24	2.19E-01
SDR42E2	-0.01	9.66E-01	-0.24	2.19E-01
SEPHS2	0.16	4.06E-01	0.24	2.19E-01
SERBP1P1	-0.10	6.07E-01	0.24	2.19E-01
SGIP1	-0.18	3.49E-01	0.24	2.19E-01
SLC45A4	-0.37	5.23E-02	-0.24	2.19E-01
TMEM121	-0.23	2.29E-01	-0.24	2.19E-01
ULK1	0.03	8.69E-01	0.24	2.19E-01
A2MP1	-0.20	3.00E-01	-0.24	2.20E-01
AC008592.5	0.00	9.92E-01	-0.24	2.20E-01
AC079949.1	0.30	1.16E-01	-0.24	2.20E-01
AC083873.4	0.15	4.54E-01	0.24	2.20E-01
DCAF4L1	0.02	9.31E-01	-0.24	2.20E-01
G26215	-0.17	3.96E-01	-0.24	2.20E-01
IFIT2	0.15	4.34E-01	0.24	2.20E-01
LINC00882	0.07	7.29E-01	-0.24	2.20E-01
MYO16	-0.09	6.45E-01	-0.24	2.20E-01
NAP1L1	0.02	9.15E-01	-0.24	2.20E-01
RNU4-21P	-0.06	7.72E-01	-0.24	2.20E-01
RP11-100G15.12	-0.11	5.70E-01	-0.24	2.20E-01

SNORA27	-0.14	4.83E-01	-0.24	2.20E-01
TWISTNB	0.00	9.82E-01	-0.24	2.20E-01
UBR3	-0.09	6.39E-01	-0.24	2.20E-01
PWAR5	0.04	8.30E-01	-0.24	2.21E-01
RNU5D-1	0.04	8.21E-01	0.24	2.21E-01
RP11-413G15.1	-0.17	3.80E-01	-0.24	2.21E-01
RP11-638I2.9	0.02	9.28E-01	0.24	2.21E-01
SEPT7P1	0.29	1.36E-01	-0.24	2.21E-01
SGCB	-0.14	4.91E-01	-0.24	2.21E-01
XLOC_011520	0.14	4.71E-01	0.24	2.21E-01
AARD	-0.19	3.25E-01	-0.24	2.21E-01
ARF3	0.35	6.66E-02	0.24	2.21E-01
GNRHR	0.04	8.29E-01	-0.24	2.21E-01
GTSE1-AS1	0.20	2.98E-01	-0.24	2.21E-01
KLRF1	-0.21	2.91E-01	-0.24	2.21E-01
KRI1	-0.07	7.10E-01	0.24	2.21E-01
LINC00618	0.10	6.05E-01	-0.24	2.21E-01
MANSC4	0.12	5.47E-01	-0.24	2.21E-01
RN7SL414P	-0.03	8.86E-01	-0.24	2.21E-01
RP11-39E3.5	0.03	8.93E-01	0.24	2.21E-01
RP11-540O11.1	0.09	6.58E-01	-0.24	2.21E-01
RP11-5407.3	-0.18	3.61E-01	0.24	2.21E-01
RWDD4	0.10	6.11E-01	-0.24	2.21E-01
SLC2A12	0.14	4.76E-01	-0.24	2.21E-01
XLOC_014400	0.23	2.47E-01	-0.24	2.21E-01
ZNF470	0.06	7.76E-01	-0.24	2.21E-01
BCRP8	-0.09	6.38E-01	0.24	2.22E-01
CARD16	0.16	4.27E-01	0.24	2.22E-01
CH17-76K2.6	-0.14	4.87E-01	-0.24	2.22E-01
CTD-2328D6.1	0.36	5.68E-02	-0.24	2.22E-01
DGKH	-0.01	9.65E-01	-0.24	2.22E-01
IL27RA	0.06	7.60E-01	0.24	2.22E-01
MACROD2-IT1	-0.10	5.96E-01	-0.24	2.22E-01
MARCO	0.15	4.35E-01	0.24	2.22E-01
NTN3	0.06	7.62E-01	0.24	2.22E-01
PTCH1	-0.32	9.27E-02	-0.24	2.22E-01
RN7SK	-0.03	8.65E-01	0.24	2.22E-01
RNF152	0.41	3.19E-02	0.24	2.22E-01
RP11-178L8.5	-0.17	4.00E-01	-0.24	2.22E-01
SMCO4	0.33	8.45E-02	0.24	2.22E-01
SRRM2-AS1	0.12	5.52E-01	-0.24	2.22E-01
STAG1	-0.20	3.05E-01	-0.24	2.22E-01
TSSK6	-0.19	3.29E-01	-0.24	2.22E-01
ZKSCAN5	0.01	9.47E-01	0.24	2.22E-01
CCDC77	0.11	5.89E-01	0.24	2.22E-01
CLVS1	0.21	2.72E-01	-0.24	2.22E-01
DCST2	-0.14	4.75E-01	-0.24	2.22E-01

DUS2	0.55	2.49E-03	0.24	2.22E-01
EEF1DP4	-0.09	6.47E-01	-0.24	2.22E-01
EEF2K	-0.10	6.04E-01	-0.24	2.22E-01
KDELR3	-0.18	3.52E-01	-0.24	2.22E-01
KLF7	0.27	1.72E-01	0.24	2.22E-01
LINC01277	0.09	6.43E-01	0.24	2.22E-01
RP11-254I22.3	-0.08	6.83E-01	0.24	2.22E-01
RP11-561B11.1	0.12	5.34E-01	0.24	2.22E-01
TADA2A	0.21	2.79E-01	0.24	2.22E-01
UCP2	0.19	3.24E-01	0.24	2.22E-01
XLOC_008611	-0.30	1.27E-01	-0.24	2.22E-01
ZNF540	-0.25	2.04E-01	-0.24	2.22E-01
ZNF573	-0.07	7.05E-01	-0.24	2.22E-01
CTC-479C5.11	0.12	5.41E-01	-0.24	2.23E-01
ETAA1	0.04	8.44E-01	-0.24	2.23E-01
FAR2P2	-0.44	1.79E-02	-0.24	2.23E-01
HMGB1P41	-0.01	9.57E-01	-0.24	2.23E-01
MTCO3P15	-0.39	3.82E-02	-0.24	2.23E-01
NFAT5	-0.04	8.27E-01	-0.24	2.23E-01
RP11-32B5.1	0.00	9.86E-01	-0.24	2.23E-01
RP11-347C12.11	-0.04	8.27E-01	-0.24	2.23E-01
RP11-572M11.3	-0.17	3.89E-01	-0.24	2.23E-01
TAF1D	0.01	9.54E-01	-0.24	2.23E-01
USF3	0.05	7.83E-01	-0.24	2.23E-01
ZNF610	0.05	8.10E-01	-0.24	2.23E-01
ARHGAP4	-0.22	2.50E-01	0.24	2.23E-01
C16orf70	0.19	3.22E-01	0.24	2.23E-01
CHRFAM7A	-0.11	5.60E-01	0.24	2.23E-01
FABP6	-0.12	5.54E-01	0.24	2.23E-01
GDF10	-0.25	2.08E-01	0.24	2.23E-01
PEX16	0.13	5.07E-01	0.24	2.23E-01
RP11-175B9.3	-0.08	6.75E-01	0.24	2.23E-01
CDK5R1	0.28	1.48E-01	0.24	2.24E-01
COL6A3	-0.13	5.19E-01	0.24	2.24E-01
CTAGE8	-0.32	1.01E-01	-0.24	2.24E-01
CTC-429L19.3	0.01	9.60E-01	-0.24	2.24E-01
FAM129A	0.08	6.81E-01	-0.24	2.24E-01
G29048	0.02	9.13E-01	-0.24	2.24E-01
LIPN	-0.06	7.46E-01	-0.24	2.24E-01
MIR571	-0.30	1.23E-01	-0.24	2.24E-01
RP11-181D18.4	-0.30	1.25E-01	-0.24	2.24E-01
RP5-839B4.8	0.05	8.19E-01	-0.24	2.24E-01
TRAV13-1	0.20	3.16E-01	0.24	2.24E-01
ZNF417	0.07	7.36E-01	-0.24	2.24E-01
CBFA2T2	-0.13	4.97E-01	0.24	2.24E-01
DBH-AS1	0.08	6.73E-01	0.24	2.24E-01
EPHA2	0.20	3.00E-01	0.24	2.24E-01

G10706	0.35	6.75E-02	0.24	2.24E-01
G28649	0.07	7.20E-01	-0.24	2.24E-01
HSPA14	0.13	4.97E-01	-0.24	2.24E-01
KDM4A	0.25	2.01E-01	0.24	2.24E-01
LRRC40	0.05	8.05E-01	-0.24	2.24E-01
MLF1	-0.30	1.25E-01	-0.24	2.24E-01
NDRG1	0.10	6.21E-01	0.24	2.24E-01
NT5C1B	-0.29	1.39E-01	0.24	2.24E-01
PDE6B	-0.16	4.29E-01	-0.24	2.24E-01
RP11-399K21.14	-0.09	6.56E-01	0.24	2.24E-01
RP11-996F15.6	-0.21	2.75E-01	-0.24	2.24E-01
SLC16A13	0.15	4.40E-01	0.24	2.24E-01
AL162151.3	0.13	5.15E-01	0.24	2.25E-01
CCIN	-0.03	8.62E-01	-0.24	2.25E-01
CD276	-0.05	7.98E-01	0.24	2.25E-01
CEP250	-0.14	4.86E-01	0.24	2.25E-01
CTAGE7P	0.03	8.67E-01	-0.24	2.25E-01
CTB-113P19.3	-0.08	6.69E-01	0.24	2.25E-01
CTC-209L16.1	-0.32	9.50E-02	0.24	2.25E-01
CTD-2619J13.16	-0.22	2.51E-01	0.24	2.25E-01
GALNT15	0.04	8.59E-01	0.24	2.25E-01
GRM8	-0.15	4.34E-01	0.24	2.25E-01
GSTA9P	0.33	8.29E-02	0.24	2.25E-01
HGF	0.18	3.50E-01	-0.24	2.25E-01
MIR2355	0.17	3.83E-01	0.24	2.25E-01
RP11-105N14.1	-0.05	7.96E-01	-0.24	2.25E-01
RP11-660L16.2	0.30	1.16E-01	-0.24	2.25E-01
RP11-907D1.3	0.07	7.10E-01	-0.24	2.25E-01
SHC2	-0.06	7.54E-01	0.24	2.25E-01
SNRPCP16	0.13	5.01E-01	-0.24	2.25E-01
SYCE2	-0.35	7.17E-02	-0.24	2.25E-01
TRAJ11	-0.20	2.97E-01	0.24	2.25E-01
ZNF251	-0.11	5.62E-01	-0.24	2.25E-01
ANAPC7	0.22	2.60E-01	0.24	2.25E-01
BCR	0.29	1.33E-01	0.24	2.25E-01
CAAP1	0.18	3.59E-01	-0.24	2.25E-01
CTD-2014D20.1	-0.21	2.79E-01	0.24	2.25E-01
CTD-2600O9.1	-0.10	6.09E-01	-0.24	2.25E-01
EGLN3-AS1	-0.43	2.30E-02	-0.24	2.25E-01
GNAO1	0.20	3.09E-01	0.24	2.25E-01
GPR3	0.12	5.56E-01	-0.24	2.25E-01
HRSP12	0.07	7.22E-01	0.24	2.25E-01
KANK4	-0.24	2.15E-01	-0.24	2.25E-01
KB-68A7.1	-0.34	7.89E-02	-0.24	2.25E-01
LRMP	-0.34	8.08E-02	-0.24	2.25E-01
OLR1	-0.02	9.04E-01	0.24	2.25E-01
RNU6-1	-0.14	4.86E-01	0.24	2.25E-01

<b>RNU6-856P</b>	-0.09	6.56E-01	-0.24	2.25E-01
<b>RP1-167F1.2</b>	-0.19	3.37E-01	-0.24	2.25E-01
<b>RP11-16E18.3</b>	0.20	3.00E-01	-0.24	2.25E-01
<b>RP11-641A6.3</b>	0.00	9.93E-01	-0.24	2.25E-01
<b>RP11-66H6.3</b>	0.08	7.03E-01	-0.24	2.25E-01
<b>RP11-764D10.2</b>	-0.03	8.62E-01	0.24	2.25E-01
<b>RP3-472M2.2</b>	-0.11	5.79E-01	-0.24	2.25E-01
<b>SERBP1P6</b>	-0.40	3.70E-02	0.24	2.25E-01
<b>SH2B2</b>	0.38	4.66E-02	0.24	2.25E-01
<b>SLC30A9</b>	0.16	4.23E-01	-0.24	2.25E-01
<b>SPRR2A</b>	0.26	1.81E-01	0.24	2.25E-01
<b>TAF9P3</b>	-0.49	7.67E-03	-0.24	2.25E-01
<b>TMEM116</b>	-0.29	1.28E-01	-0.24	2.25E-01
<b>TMEM217</b>	0.02	9.36E-01	-0.24	2.25E-01
<b>YOD1</b>	0.07	7.05E-01	0.24	2.25E-01
<b>BRINP1</b>	0.45	1.65E-02	0.24	2.26E-01
<b>C1orf134</b>	-0.03	8.75E-01	0.24	2.26E-01
<b>CLU10S</b>	0.50	6.78E-03	0.24	2.26E-01
<b>FGD5</b>	-0.22	2.54E-01	0.24	2.26E-01
<b>G25674</b>	-0.04	8.41E-01	-0.24	2.26E-01
<b>GOSR2</b>	0.39	4.20E-02	0.24	2.26E-01
<b>HELQ</b>	-0.18	3.69E-01	-0.24	2.26E-01
<b>LDHAP2</b>	-0.36	5.74E-02	-0.24	2.26E-01
<b>PISD</b>	-0.11	5.86E-01	-0.24	2.26E-01
<b>RP11-360L9.4</b>	0.31	1.07E-01	-0.24	2.26E-01
<b>RP11-87H9.3</b>	-0.11	5.60E-01	-0.24	2.26E-01
<b>RP3-476K8.3</b>	-0.04	8.41E-01	-0.24	2.26E-01
<b>RPS29P22</b>	0.00	9.94E-01	-0.24	2.26E-01
<b>STX19</b>	0.31	1.05E-01	0.24	2.26E-01
<b>TMEM232</b>	0.29	1.28E-01	-0.24	2.26E-01
<b>TMEM45A</b>	0.24	2.24E-01	0.24	2.26E-01
<b>CCDC74BP1</b>	-0.26	1.88E-01	0.24	2.27E-01
<b>CXCL2</b>	0.00	9.81E-01	0.24	2.27E-01
<b>G15642</b>	0.27	1.59E-01	0.24	2.27E-01
<b>G31357</b>	-0.07	7.35E-01	0.24	2.27E-01
<b>MIR1271</b>	0.03	8.98E-01	0.24	2.27E-01
<b>RP11-296K13.4</b>	0.35	6.57E-02	0.24	2.27E-01
<b>SLC6A11</b>	0.16	4.03E-01	0.24	2.27E-01
<b>AC004549.6</b>	-0.02	9.04E-01	-0.24	2.27E-01
<b>AC098824.6</b>	0.22	2.61E-01	-0.24	2.27E-01
<b>CRISPLD1</b>	-0.28	1.51E-01	-0.24	2.27E-01
<b>ELOVL5</b>	0.27	1.58E-01	-0.24	2.27E-01
<b>ESRRG</b>	0.05	8.02E-01	-0.24	2.27E-01
<b>FRG1</b>	-0.08	6.78E-01	-0.24	2.27E-01
<b>RNU6-1156P</b>	0.18	3.55E-01	-0.24	2.27E-01
<b>RP3-354N19.3</b>	0.10	6.03E-01	-0.24	2.27E-01
<b>RP4-545C24.1</b>	0.28	1.52E-01	-0.24	2.27E-01

SFSWAP	-0.25	1.93E-01	-0.24	2.27E-01
SLC7A6	-0.38	4.61E-02	-0.24	2.27E-01
SNORD116-18	0.20	3.19E-01	-0.24	2.27E-01
AGBL4	-0.32	9.59E-02	-0.24	2.27E-01
C10orf76	0.04	8.23E-01	0.24	2.27E-01
CTD-2313N18.8	-0.07	7.19E-01	-0.24	2.27E-01
FAM160A1	0.05	8.07E-01	0.24	2.27E-01
FER1L5	-0.11	5.82E-01	-0.24	2.27E-01
GLYATL1P4	0.05	7.95E-01	0.24	2.27E-01
GPX4	-0.08	6.82E-01	0.24	2.27E-01
HOPX	-0.25	2.00E-01	-0.24	2.27E-01
P2RX5-TAX1BP3	-0.12	5.29E-01	-0.24	2.27E-01
RP11-230G5.2	0.24	2.15E-01	-0.24	2.27E-01
RP11-239C9.1	-0.15	4.53E-01	0.24	2.27E-01
RP11-264I13.2	0.02	9.05E-01	-0.24	2.27E-01
RP11-295P9.12	-0.50	6.34E-03	-0.24	2.27E-01
RP11-96C23.13	-0.17	3.78E-01	-0.24	2.27E-01
SUCLG2	0.17	3.94E-01	-0.24	2.27E-01
TAS2R60	0.28	1.42E-01	-0.24	2.27E-01
WDR77	0.17	3.87E-01	0.24	2.27E-01
YEATS4	0.17	3.89E-01	-0.24	2.27E-01
AIFM2	-0.18	3.63E-01	-0.24	2.28E-01
AP000859.4	-0.12	5.28E-01	-0.24	2.28E-01
APC	-0.15	4.60E-01	-0.24	2.28E-01
C12orf66	0.06	7.73E-01	-0.24	2.28E-01
G19167	0.06	7.66E-01	-0.24	2.28E-01
NALT1	-0.27	1.59E-01	-0.24	2.28E-01
RBM14-RBM4	0.07	7.14E-01	-0.24	2.28E-01
RP11-417L19.4	0.01	9.42E-01	-0.24	2.28E-01
RP11-449G16.1	-0.15	4.51E-01	-0.24	2.28E-01
DFFA	0.30	1.18E-01	0.24	2.28E-01
PLEKHM2	0.06	7.58E-01	0.24	2.28E-01
RN7SL206P	0.31	1.07E-01	0.24	2.28E-01
RNA5SP217	0.05	7.98E-01	0.24	2.28E-01
SMAD7	0.01	9.61E-01	0.24	2.28E-01
SNX11	0.14	4.86E-01	0.24	2.28E-01
ULBP2	0.17	3.76E-01	0.24	2.28E-01
ZBTB1	0.12	5.44E-01	0.24	2.28E-01
AC007879.5	-0.15	4.52E-01	-0.24	2.28E-01
AKT3	-0.39	4.20E-02	-0.24	2.28E-01
C12orf73	0.18	3.63E-01	-0.24	2.28E-01
CTC-246B18.10	-0.14	4.75E-01	0.24	2.28E-01
GUCA2B	-0.17	3.76E-01	-0.24	2.28E-01
HSPB1P1	-0.11	5.80E-01	0.24	2.28E-01
PAK4	0.22	2.64E-01	0.24	2.28E-01
PCA3	-0.06	7.44E-01	0.24	2.28E-01
PTPN3	-0.16	4.08E-01	-0.24	2.28E-01



<b>PYCARD</b>	0.06	7.45E-01	0.24	2.28E-01
<b>RNY1P4</b>	0.20	3.05E-01	0.24	2.28E-01
<b>RP11-16P6.1</b>	0.09	6.45E-01	-0.24	2.28E-01
<b>RP11-379F4.8</b>	-0.33	8.29E-02	-0.24	2.28E-01
<b>RP4-535B20.4</b>	0.05	7.97E-01	-0.24	2.28E-01
<b>UPK2</b>	0.02	9.38E-01	-0.24	2.28E-01
<b>VEGFA</b>	-0.16	4.12E-01	0.24	2.28E-01
<b>XLOC_007053</b>	0.09	6.40E-01	0.24	2.28E-01
<b>XLOC_008269</b>	0.03	8.62E-01	0.24	2.28E-01
<b>AC068641.1</b>	-0.41	3.18E-02	-0.24	2.29E-01
<b>ALDH9A1</b>	0.20	3.01E-01	0.24	2.29E-01
<b>C8orf34-AS1</b>	0.18	3.70E-01	-0.24	2.29E-01
<b>CAMK1G</b>	-0.27	1.66E-01	0.24	2.29E-01
<b>EDN2</b>	-0.17	3.83E-01	0.24	2.29E-01
<b>FBXO16</b>	-0.15	4.33E-01	0.24	2.29E-01
<b>G25462</b>	-0.38	4.56E-02	-0.24	2.29E-01
<b>G26243</b>	-0.07	7.22E-01	0.24	2.29E-01
<b>HOXC6</b>	-0.10	5.99E-01	0.24	2.29E-01
<b>IDH1</b>	0.31	1.04E-01	0.24	2.29E-01
<b>MIR646HG</b>	-0.20	3.19E-01	-0.24	2.29E-01
<b>PEAR1</b>	-0.18	3.69E-01	0.24	2.29E-01
<b>PFKFB2</b>	0.18	3.68E-01	0.24	2.29E-01
<b>PIGFP2</b>	-0.18	3.57E-01	-0.24	2.29E-01
<b>RNU6-431P</b>	0.12	5.53E-01	-0.24	2.29E-01
<b>RP11-10L12.1</b>	0.07	7.19E-01	-0.24	2.29E-01
<b>RP11-480N24.4</b>	-0.07	7.15E-01	-0.24	2.29E-01
<b>RP11-73G16.1</b>	-0.12	5.54E-01	-0.24	2.29E-01
<b>RP4-647C14.2</b>	-0.07	7.14E-01	0.24	2.29E-01
<b>SCG5</b>	-0.14	4.83E-01	-0.24	2.29E-01
<b>SLAMF8</b>	0.16	4.19E-01	0.24	2.29E-01
<b>SNORA71D</b>	0.02	9.16E-01	0.24	2.29E-01
<b>SNX1</b>	-0.09	6.48E-01	0.24	2.29E-01
<b>TUBD1</b>	0.35	7.08E-02	0.24	2.29E-01
<b>AIFM3</b>	-0.07	7.10E-01	-0.24	2.30E-01
<b>AP001623.1</b>	-0.06	7.69E-01	0.24	2.30E-01
<b>CACNA1G</b>	0.01	9.61E-01	-0.24	2.30E-01
<b>CYP1B1</b>	-0.16	4.08E-01	-0.24	2.30E-01
<b>GLYCTK</b>	0.24	2.14E-01	0.24	2.30E-01
<b>GNG2</b>	-0.08	6.81E-01	-0.24	2.30E-01
<b>KRTAP12-2</b>	-0.29	1.41E-01	0.24	2.30E-01
<b>LOC440461</b>	0.10	5.99E-01	0.24	2.30E-01
<b>MAFA</b>	0.14	4.91E-01	0.24	2.30E-01
<b>PPIAP16</b>	-0.10	6.07E-01	-0.24	2.30E-01
<b>PPP1R36</b>	-0.13	5.00E-01	-0.24	2.30E-01
<b>RP11-341G23.4</b>	0.03	8.97E-01	0.24	2.30E-01
<b>RP11-478B9.3</b>	-0.18	3.61E-01	-0.24	2.30E-01
<b>RP4-781K5.9</b>	0.21	2.87E-01	-0.24	2.30E-01

SMG7	0.04	8.29E-01	0.24	2.30E-01
SPDYE18	-0.09	6.49E-01	-0.24	2.30E-01
TMEM134	-0.24	2.14E-01	0.24	2.30E-01
TRAJ22	-0.06	7.71E-01	-0.24	2.30E-01
ZNF101	0.20	3.01E-01	0.24	2.30E-01
AC008703.1	0.35	7.03E-02	0.24	2.30E-01
ACSL1	0.01	9.44E-01	-0.24	2.30E-01
CCDC160	0.28	1.45E-01	-0.24	2.30E-01
CTB-114C7.4	-0.10	6.29E-01	0.24	2.30E-01
CTD-2358C21.5	0.04	8.53E-01	-0.24	2.30E-01
CYP8B1	-0.27	1.59E-01	0.24	2.30E-01
G12186	0.18	3.71E-01	-0.24	2.30E-01
G30008	-0.36	6.30E-02	-0.24	2.30E-01
ITGB1	-0.15	4.49E-01	-0.24	2.30E-01
MAP3K9	0.11	5.65E-01	0.24	2.30E-01
MIR4802	-0.03	8.90E-01	0.24	2.30E-01
RAB31	0.21	2.89E-01	0.24	2.30E-01
RNU6-1306P	0.24	2.15E-01	0.24	2.30E-01
RP11-109J4.1	0.15	4.32E-01	0.24	2.30E-01
RP4-758J18.7	-0.05	8.10E-01	0.24	2.30E-01
RPS2P39	-0.18	3.55E-01	-0.24	2.30E-01
RPS6KC1	-0.16	4.09E-01	-0.24	2.30E-01
SNX22	0.44	1.90E-02	0.24	2.30E-01
TLL10	-0.07	7.29E-01	-0.24	2.30E-01
AC010733.5	0.05	8.00E-01	-0.24	2.31E-01
CYP4F3	0.05	7.99E-01	-0.24	2.31E-01
FOSB	-0.06	7.81E-01	-0.24	2.31E-01
GLT6D1	-0.02	9.03E-01	-0.24	2.31E-01
MIR4423	0.13	4.94E-01	-0.24	2.31E-01
RBP7	-0.15	4.40E-01	-0.24	2.31E-01
RP11-57H12.3	-0.27	1.66E-01	-0.24	2.31E-01
RP11-775C24.5	0.35	6.50E-02	0.24	2.31E-01
RP13-317D12.3	0.37	5.37E-02	0.24	2.31E-01
RP4-584D14.5	0.27	1.67E-01	0.24	2.31E-01
SLC28A3	0.28	1.42E-01	0.24	2.31E-01
TMEM63B	0.04	8.59E-01	0.24	2.31E-01
WDR91	0.21	2.90E-01	0.24	2.31E-01
XLOC_007925	-0.44	1.80E-02	-0.24	2.31E-01
ZRANB1	0.07	7.14E-01	0.24	2.31E-01
AURKC	0.22	2.59E-01	0.24	2.31E-01
CEP41	-0.08	7.02E-01	0.24	2.31E-01
FGD5P1	0.10	6.13E-01	0.24	2.31E-01
FMR1-AS1	-0.25	2.04E-01	0.24	2.31E-01
FOLR2	0.02	9.12E-01	0.24	2.31E-01
G32188	0.30	1.23E-01	0.24	2.31E-01
HMBS	-0.05	7.98E-01	0.24	2.31E-01
RP11-39C10.1	-0.22	2.53E-01	0.24	2.31E-01

RP11-9L18.2	0.14	4.77E-01	0.24	2.31E-01
RP4-633O19__A.1	0.32	9.74E-02	0.24	2.31E-01
SNORA38B	0.04	8.58E-01	0.24	2.31E-01
TMEM186	-0.01	9.69E-01	0.24	2.31E-01
YIPF3	0.03	8.67E-01	0.24	2.31E-01
ZG16B	0.08	6.91E-01	0.24	2.31E-01
C15orf41	-0.24	2.12E-01	-0.24	2.31E-01
HEPACAM2	-0.23	2.36E-01	-0.24	2.31E-01
KLHL15	0.07	7.33E-01	-0.24	2.31E-01
LINC01208	-0.07	7.24E-01	-0.24	2.31E-01
MRPL46	0.30	1.20E-01	-0.24	2.31E-01
RP11-1096G20.5	-0.24	2.14E-01	-0.24	2.31E-01
RP5-933K21.3	0.14	4.90E-01	-0.24	2.31E-01
RPL34-AS1	0.01	9.65E-01	-0.24	2.31E-01
TMEM243	0.23	2.48E-01	-0.24	2.31E-01
ZNF224	-0.10	6.24E-01	-0.24	2.31E-01
ABC4	-0.30	1.21E-01	-0.24	2.32E-01
BX088645.3	-0.60	7.57E-04	-0.24	2.32E-01
CSDAP1	-0.25	1.93E-01	0.24	2.32E-01
CTB-43E15.1	0.12	5.45E-01	-0.24	2.32E-01
FEZ2	0.04	8.23E-01	-0.24	2.32E-01
MKX	0.09	6.40E-01	0.24	2.32E-01
NAT10	0.04	8.46E-01	0.24	2.32E-01
NMT1	0.22	2.53E-01	0.24	2.32E-01
PRDM11	-0.08	6.83E-01	-0.24	2.32E-01
RN7SL34P	-0.01	9.71E-01	0.24	2.32E-01
RNVU1-6	0.02	9.32E-01	0.24	2.32E-01
RP11-384K6.8	-0.07	7.26E-01	-0.24	2.32E-01
RP11-402L5.1	-0.17	3.87E-01	-0.24	2.32E-01
RP11-466F5.3	-0.10	6.20E-01	0.24	2.32E-01
RP11-737O24.1	-0.11	5.94E-01	0.24	2.32E-01
RPL32P34	-0.02	9.29E-01	-0.24	2.32E-01
SLC25A21-AS1	-0.11	5.92E-01	-0.24	2.32E-01
SMC2-AS1	0.05	8.19E-01	0.24	2.32E-01
SNORA70F	-0.12	5.34E-01	0.24	2.32E-01
TNC	-0.18	3.72E-01	0.24	2.32E-01
UBE2F-SCLY	0.26	1.82E-01	-0.24	2.32E-01
WDR43	0.13	5.19E-01	-0.24	2.32E-01
ZNF440	-0.17	3.79E-01	-0.24	2.32E-01
ZNHIT3	0.00	9.83E-01	0.24	2.32E-01
AIRE	-0.25	2.04E-01	-0.24	2.33E-01
BRICD5	0.15	4.38E-01	-0.24	2.33E-01
CACNA1G-AS1	-0.09	6.61E-01	-0.24	2.33E-01
CTPS2	-0.16	4.18E-01	-0.24	2.33E-01
ERCC6L2	-0.04	8.26E-01	-0.24	2.33E-01
FAM180A	-0.24	2.22E-01	0.24	2.33E-01
FOXRED2	0.26	1.75E-01	0.24	2.33E-01

G18525	0.09	6.40E-01	-0.24	2.33E-01
IL1F10	0.14	4.67E-01	-0.24	2.33E-01
LINC01600	-0.17	3.87E-01	-0.24	2.33E-01
MIR3909	0.00	9.97E-01	-0.24	2.33E-01
PEX19	0.31	1.03E-01	-0.24	2.33E-01
RP11-261P9.4	-0.07	7.18E-01	-0.24	2.33E-01
RP11-267N12.1	0.19	3.34E-01	-0.24	2.33E-01
RPS2P41	-0.12	5.36E-01	-0.24	2.33E-01
TAS2R4	-0.34	8.00E-02	-0.24	2.33E-01
AGMAT	-0.09	6.32E-01	0.24	2.33E-01
AP001469.5	-0.41	2.95E-02	-0.24	2.33E-01
CPQ	-0.31	1.11E-01	-0.24	2.33E-01
DYRK1A	-0.13	5.05E-01	-0.24	2.33E-01
FAHD2A	-0.29	1.38E-01	-0.24	2.33E-01
GATA3	-0.18	3.72E-01	-0.24	2.33E-01
PGRMC2	-0.10	6.22E-01	-0.24	2.33E-01
RFTN1	0.10	6.02E-01	0.24	2.33E-01
RP11-147L13.11	-0.16	4.27E-01	-0.24	2.33E-01
RP11-544A12.4	-0.11	5.76E-01	-0.24	2.33E-01
RP11-81A22.4	0.04	8.36E-01	0.24	2.33E-01
TM7SF3	-0.01	9.79E-01	-0.24	2.33E-01
DNAJB3	-0.19	3.39E-01	-0.24	2.34E-01
G20694	0.02	9.14E-01	-0.24	2.34E-01
MERTK	-0.19	3.31E-01	-0.24	2.34E-01
PLIN1	0.02	9.38E-01	-0.24	2.34E-01
RP11-272P10.2	-0.09	6.32E-01	-0.24	2.34E-01
TFCP2L1	0.17	3.75E-01	-0.24	2.34E-01
TNFRSF11A	-0.03	8.75E-01	-0.24	2.34E-01
ZNF583	-0.05	8.07E-01	-0.24	2.34E-01
AC024569.1	-0.26	1.82E-01	0.24	2.34E-01
BCL2L1	0.34	7.32E-02	0.24	2.34E-01
BHLHE22	0.12	5.39E-01	0.24	2.34E-01
CCDC83	-0.06	7.81E-01	0.24	2.34E-01
MAS1L	0.05	7.91E-01	0.24	2.34E-01
TMSB4Y	0.47	1.17E-02	0.24	2.34E-01
AC006116.22	-0.08	6.68E-01	0.24	2.35E-01
CMYA5	-0.12	5.42E-01	-0.24	2.35E-01
COL5A2	-0.13	5.04E-01	0.24	2.35E-01
EID1	-0.09	6.59E-01	-0.24	2.35E-01
FHAD1	0.12	5.40E-01	0.24	2.35E-01
IRF2BPL	0.33	8.42E-02	0.24	2.35E-01
RP11-144O23.8	-0.02	9.13E-01	-0.24	2.35E-01
RP11-318A15.2	0.55	2.69E-03	0.24	2.35E-01
RP11-81A1.4	-0.36	6.01E-02	-0.24	2.35E-01
RPL12P41	0.02	9.15E-01	-0.24	2.35E-01
STON1	-0.47	1.09E-02	-0.24	2.35E-01
TMEM151A	-0.09	6.53E-01	-0.24	2.35E-01

<b>TMEM95</b>	-0.17	3.80E-01	-0.24	2.35E-01
<b>TRIM34</b>	-0.10	5.96E-01	0.24	2.35E-01
<b>UBAP1</b>	0.09	6.41E-01	0.24	2.35E-01
<b>WASH4P</b>	-0.16	4.09E-01	-0.24	2.35E-01
<b>ZNF347</b>	0.02	9.05E-01	-0.24	2.35E-01
<b>AC023115.2</b>	-0.05	8.17E-01	-0.24	2.35E-01
<b>ANKK1</b>	0.43	2.12E-02	-0.24	2.35E-01
<b>DCUN1D3</b>	0.37	5.27E-02	0.24	2.35E-01
<b>DNAJB1</b>	0.26	1.84E-01	0.24	2.35E-01
<b>DPYD-IT1</b>	0.29	1.29E-01	0.24	2.35E-01
<b>EPCAM</b>	-0.45	1.64E-02	-0.24	2.35E-01
<b>HSPE1P26</b>	0.05	8.16E-01	0.24	2.35E-01
<b>IL17RA</b>	-0.05	8.03E-01	0.24	2.35E-01
<b>IMPG2</b>	0.32	1.02E-01	-0.24	2.35E-01
<b>LDLR</b>	0.27	1.67E-01	0.24	2.35E-01
<b>LZTR1</b>	0.00	9.98E-01	0.24	2.35E-01
<b>PATE4</b>	-0.10	6.03E-01	-0.24	2.35E-01
<b>RP11-360I2.1</b>	-0.16	4.16E-01	-0.24	2.35E-01
<b>RP11-422N16.3</b>	-0.22	2.56E-01	-0.24	2.35E-01
<b>SHC1</b>	0.33	8.51E-02	0.24	2.35E-01
<b>STIM1</b>	0.13	5.06E-01	0.24	2.35E-01
<b>TMEM69</b>	0.22	2.59E-01	0.24	2.35E-01
<b>UBE2E3</b>	0.00	9.91E-01	0.24	2.35E-01
<b>DUSP16</b>	0.36	6.01E-02	-0.24	2.36E-01
<b>FERMT3</b>	0.23	2.40E-01	0.24	2.36E-01
<b>FLJ46066</b>	-0.25	2.08E-01	-0.24	2.36E-01
<b>GPCPD1</b>	0.31	1.09E-01	-0.24	2.36E-01
<b>IL26</b>	0.10	6.17E-01	0.24	2.36E-01
<b>LA16c-316G12.2</b>	-0.27	1.61E-01	-0.24	2.36E-01
<b>LINC01214</b>	0.31	1.06E-01	-0.24	2.36E-01
<b>MIR938</b>	-0.39	4.07E-02	-0.24	2.36E-01
<b>PRSS27</b>	0.32	9.65E-02	0.24	2.36E-01
<b>RNU6-1026P</b>	-0.11	5.73E-01	-0.24	2.36E-01
<b>RNU6ATAC7P</b>	0.28	1.48E-01	-0.24	2.36E-01
<b>RP11-1029J19.4</b>	0.09	6.58E-01	0.24	2.36E-01
<b>RP11-301L8.2</b>	-0.14	4.79E-01	-0.24	2.36E-01
<b>RP11-486I11.2</b>	-0.02	9.00E-01	0.24	2.36E-01
<b>RP11-506H21.5</b>	-0.21	2.78E-01	0.24	2.36E-01
<b>TMEM64</b>	0.15	4.36E-01	0.24	2.36E-01
<b>TMPRSS3</b>	-0.05	8.07E-01	-0.24	2.36E-01
<b>AC068020.1</b>	-0.43	2.17E-02	-0.24	2.36E-01
<b>AP000688.14</b>	-0.34	7.22E-02	-0.24	2.36E-01
<b>ATAD2B</b>	-0.06	7.59E-01	-0.24	2.36E-01
<b>ERGIC2</b>	0.01	9.44E-01	-0.24	2.36E-01
<b>FAM162A</b>	0.14	4.89E-01	0.24	2.36E-01
<b>FMO3</b>	-0.21	2.85E-01	0.24	2.36E-01
<b>MYO18A</b>	-0.03	8.88E-01	0.24	2.36E-01

<b>RN7SL333P</b>	0.13	5.24E-01	-0.24	2.36E-01
<b>RP11-109I13.2</b>	-0.39	4.29E-02	-0.24	2.36E-01
<b>RP11-129I19.2</b>	-0.30	1.15E-01	-0.24	2.36E-01
<b>RP11-85D18.1</b>	-0.03	8.86E-01	0.24	2.36E-01
<b>WBP2NL</b>	-0.17	3.95E-01	-0.24	2.36E-01
<b>AC005083.1</b>	-0.10	6.01E-01	-0.24	2.37E-01
<b>COL11A1</b>	-0.12	5.29E-01	-0.24	2.37E-01
<b>G32994</b>	0.36	6.20E-02	0.24	2.37E-01
<b>GPR37L1</b>	0.21	2.76E-01	-0.24	2.37E-01
<b>MEP1B</b>	-0.28	1.44E-01	-0.24	2.37E-01
<b>MIR101-1</b>	-0.05	7.89E-01	0.24	2.37E-01
<b>PACRG-AS3</b>	-0.17	3.89E-01	-0.24	2.37E-01
<b>PCDH8</b>	-0.02	9.15E-01	-0.24	2.37E-01
<b>RGPD2</b>	-0.09	6.52E-01	-0.24	2.37E-01
<b>RP11-147L13.12</b>	-0.27	1.62E-01	-0.24	2.37E-01
<b>RP11-384C4.7</b>	-0.08	6.75E-01	-0.24	2.37E-01
<b>RP11-386J22.3</b>	-0.17	3.85E-01	-0.24	2.37E-01
<b>RP3-328E19.4</b>	-0.06	7.62E-01	-0.24	2.37E-01
<b>SLC29A3</b>	0.25	2.09E-01	0.24	2.37E-01
<b>SMIM10</b>	-0.27	1.68E-01	-0.24	2.37E-01
<b>TTC13</b>	-0.07	7.18E-01	-0.24	2.37E-01
<b>WFDC1</b>	0.10	6.30E-01	0.24	2.37E-01
<b>ZNF821</b>	-0.06	7.77E-01	0.24	2.37E-01
<b>AC007792.1</b>	-0.20	3.01E-01	-0.24	2.38E-01
<b>AC096574.4</b>	-0.11	5.78E-01	-0.24	2.38E-01
<b>AK8</b>	0.14	4.69E-01	0.24	2.38E-01
<b>ATP6V0E1P1</b>	0.28	1.44E-01	0.24	2.38E-01
<b>HERC2P5</b>	0.15	4.60E-01	0.24	2.38E-01
<b>HLA-DOA</b>	0.24	2.13E-01	0.24	2.38E-01
<b>LRR8D</b>	0.19	3.22E-01	0.24	2.38E-01
<b>METTL21B</b>	0.16	4.11E-01	0.24	2.38E-01
<b>MOSPD2</b>	-0.07	7.06E-01	-0.24	2.38E-01
<b>NBPF14</b>	-0.27	1.65E-01	-0.24	2.38E-01
<b>PLD6</b>	-0.29	1.41E-01	-0.24	2.38E-01
<b>RASD1</b>	0.22	2.61E-01	0.24	2.38E-01
<b>RGPD5</b>	-0.40	3.31E-02	0.24	2.38E-01
<b>RP11-255G12.3</b>	0.15	4.39E-01	0.24	2.38E-01
<b>RP11-45M22.4</b>	-0.13	5.04E-01	-0.24	2.38E-01
<b>RP11-489E7.4</b>	-0.20	2.96E-01	0.24	2.38E-01
<b>RUBCN</b>	0.24	2.20E-01	0.24	2.38E-01
<b>SCOCP1</b>	-0.17	4.01E-01	0.24	2.38E-01
<b>SNTG1</b>	-0.08	6.74E-01	0.24	2.38E-01
<b>SV2A</b>	-0.12	5.52E-01	-0.24	2.38E-01
<b>TAF13P2</b>	0.09	6.61E-01	-0.24	2.38E-01
<b>TULP1</b>	-0.16	4.09E-01	-0.24	2.38E-01
<b>ZBTB6</b>	-0.08	6.73E-01	-0.24	2.38E-01
<b>AHI1</b>	-0.16	4.19E-01	-0.23	2.38E-01

<b>ANKRD20A3</b>	-0.08	6.99E-01	-0.23	2.38E-01
<b>CTC-412M14.5</b>	0.10	6.16E-01	-0.23	2.38E-01
<b>FAM92A1</b>	-0.05	7.86E-01	-0.23	2.38E-01
<b>G826</b>	0.04	8.57E-01	0.23	2.38E-01
<b>LMOD1</b>	0.06	7.52E-01	0.23	2.38E-01
<b>MYL9</b>	0.04	8.52E-01	0.23	2.38E-01
<b>NDUF4F4P4</b>	-0.05	7.84E-01	-0.23	2.38E-01
<b>NEFH</b>	-0.06	7.54E-01	-0.23	2.38E-01
<b>OIP5-AS1</b>	-0.04	8.50E-01	0.23	2.38E-01
<b>PTMA</b>	0.02	9.10E-01	-0.23	2.38E-01
<b>RABL2A</b>	-0.08	6.76E-01	-0.23	2.38E-01
<b>RNA5S9</b>	0.22	2.54E-01	0.23	2.38E-01
<b>RP11-71L14.4</b>	0.46	1.37E-02	-0.23	2.38E-01
<b>RP11-893F2.14</b>	-0.14	4.73E-01	-0.23	2.38E-01
<b>SLC37A1</b>	0.03	8.65E-01	-0.23	2.38E-01
<b>STX5</b>	0.11	5.92E-01	0.23	2.38E-01
<b>USP35</b>	-0.08	7.01E-01	0.23	2.38E-01
<b>UVRAG</b>	-0.10	6.14E-01	-0.23	2.38E-01
<b>AP2A1</b>	0.17	3.82E-01	0.23	2.39E-01
<b>CALD1</b>	0.12	5.41E-01	-0.23	2.39E-01
<b>CATSPERB</b>	0.29	1.33E-01	0.23	2.39E-01
<b>DLAT</b>	0.00	9.96E-01	-0.23	2.39E-01
<b>DNAJC13</b>	-0.18	3.70E-01	-0.23	2.39E-01
<b>DSG3</b>	0.15	4.38E-01	0.23	2.39E-01
<b>EYA4</b>	-0.06	7.57E-01	0.23	2.39E-01
<b>FAM78A</b>	0.35	6.41E-02	0.23	2.39E-01
<b>LYPD1</b>	0.22	2.70E-01	0.23	2.39E-01
<b>MSTN</b>	0.33	8.78E-02	0.23	2.39E-01
<b>MT-CO3</b>	0.25	2.02E-01	0.23	2.39E-01
<b>MYSM1</b>	-0.04	8.57E-01	-0.23	2.39E-01
<b>NSG1</b>	0.26	1.82E-01	0.23	2.39E-01
<b>PDE7B</b>	0.05	8.15E-01	0.23	2.39E-01
<b>RNU1-4</b>	-0.19	3.34E-01	0.23	2.39E-01
<b>RP11-119D9.1</b>	-0.18	3.51E-01	-0.23	2.39E-01
<b>RP11-278J6.5</b>	-0.06	7.61E-01	-0.23	2.39E-01
<b>C1QL4</b>	-0.05	8.17E-01	-0.23	2.40E-01
<b>COMMD9</b>	0.10	6.07E-01	0.23	2.40E-01
<b>COX5BP6</b>	-0.38	4.87E-02	-0.23	2.40E-01
<b>CTC-296K1.3</b>	0.35	6.41E-02	0.23	2.40E-01
<b>G41428</b>	-0.31	1.11E-01	-0.23	2.40E-01
<b>IGKV3-11</b>	0.40	3.56E-02	0.23	2.40E-01
<b>N4BP2</b>	0.15	4.36E-01	-0.23	2.40E-01
<b>PHBP16</b>	0.12	5.28E-01	0.23	2.40E-01
<b>PHF2P2</b>	-0.15	4.44E-01	-0.23	2.40E-01
<b>RP11-459F6.3</b>	-0.33	8.87E-02	-0.23	2.40E-01
<b>RP3-337O18.9</b>	-0.40	3.40E-02	-0.23	2.40E-01
<b>SCGB3A2</b>	-0.04	8.53E-01	-0.23	2.40E-01

SLC35D2	-0.02	9.06E-01	0.23	2.40E-01
SNORD94	0.17	3.76E-01	0.23	2.40E-01
STEAP1B	0.30	1.17E-01	0.23	2.40E-01
TLN2	-0.10	6.27E-01	-0.23	2.40E-01
ABCD3	0.22	2.65E-01	-0.23	2.40E-01
ANKRD46	0.06	7.66E-01	-0.23	2.40E-01
AOX3P	0.12	5.43E-01	-0.23	2.40E-01
HPS5	0.33	9.07E-02	0.23	2.40E-01
MIR548Q	0.13	5.26E-01	-0.23	2.40E-01
NCKAP5	-0.14	4.70E-01	0.23	2.40E-01
RNU4-47P	0.27	1.67E-01	-0.23	2.40E-01
RNU6-1048P	-0.14	4.71E-01	-0.23	2.40E-01
RP11-514P8.2	-0.25	1.97E-01	-0.23	2.40E-01
RP11-55K13.1	-0.15	4.39E-01	-0.23	2.40E-01
RP11-635N19.3	-0.12	5.34E-01	-0.23	2.40E-01
SEL1L2	-0.14	4.73E-01	0.23	2.40E-01
SFMBT2	0.19	3.44E-01	0.23	2.40E-01
SLC46A3	0.22	2.58E-01	-0.23	2.40E-01
SUGP1	0.09	6.62E-01	0.23	2.40E-01
TREML2	0.10	6.26E-01	0.23	2.40E-01
ZNF226	-0.04	8.27E-01	-0.23	2.40E-01
AC083875.2	0.26	1.88E-01	-0.23	2.41E-01
ARHGAP24	-0.30	1.22E-01	-0.23	2.41E-01
ARMC4P1	-0.29	1.34E-01	-0.23	2.41E-01
IRF2BP2	-0.27	1.63E-01	-0.23	2.41E-01
L3MBTL3	-0.12	5.27E-01	-0.23	2.41E-01
LRFN5	-0.32	1.00E-01	-0.23	2.41E-01
MMS22L	-0.01	9.69E-01	-0.23	2.41E-01
N4BP2L2	-0.37	5.54E-02	-0.23	2.41E-01
PLEKHH1	-0.01	9.50E-01	-0.23	2.41E-01
RP11-16C1.2	0.14	4.80E-01	-0.23	2.41E-01
RP5-973N23.4	-0.14	4.88E-01	-0.23	2.41E-01
TMX4	0.16	4.15E-01	-0.23	2.41E-01
VTI1BP2	-0.15	4.45E-01	-0.23	2.41E-01
ZNF826P	0.22	2.51E-01	-0.23	2.41E-01
ARID3A	0.05	8.09E-01	0.23	2.41E-01
BTN3A1	0.12	5.44E-01	0.23	2.41E-01
FLJ27354	-0.06	7.59E-01	0.23	2.41E-01
GJB1	0.06	7.60E-01	0.23	2.41E-01
NECAB3	0.21	2.77E-01	0.23	2.41E-01
AC009303.2	-0.14	4.77E-01	0.23	2.41E-01
BAMBI	-0.20	3.01E-01	0.23	2.41E-01
DEGS2	0.21	2.82E-01	0.23	2.41E-01
RN7SL5P	0.10	6.16E-01	0.23	2.41E-01
ZC3H7B	0.26	1.81E-01	0.23	2.41E-01
AC007787.3	-0.23	2.30E-01	-0.23	2.41E-01
CYP4F29P	-0.15	4.31E-01	-0.23	2.41E-01



G29699	-0.14	4.84E-01	-0.23	2.41E-01
G3769	0.01	9.65E-01	-0.23	2.41E-01
MIR4668	0.06	7.60E-01	-0.23	2.41E-01
NPIP84	-0.33	9.07E-02	-0.23	2.41E-01
OTUD1	-0.24	2.21E-01	-0.23	2.41E-01
PAIP1	0.12	5.35E-01	-0.23	2.41E-01
RP11-1099M24.6	0.00	9.93E-01	-0.23	2.41E-01
RP11-379F4.4	-0.01	9.76E-01	-0.23	2.41E-01
TAS2R10	0.11	5.76E-01	-0.23	2.41E-01
TCEAL4	-0.07	7.11E-01	-0.23	2.41E-01
UBE2W	0.11	5.78E-01	-0.23	2.41E-01
ZXDC	-0.10	6.21E-01	-0.23	2.41E-01
BAALC-AS1	0.30	1.26E-01	0.23	2.42E-01
CDY4P	0.24	2.18E-01	0.23	2.42E-01
KY	0.23	2.41E-01	0.23	2.42E-01
MKRN1	-0.08	6.88E-01	0.23	2.42E-01
RP3-355L5.4	0.05	8.01E-01	0.23	2.42E-01
RPPH1	0.12	5.39E-01	0.23	2.42E-01
SIGLEC14	-0.25	1.99E-01	0.23	2.42E-01
SLC2A9	0.30	1.25E-01	0.23	2.42E-01
SLC39A6	0.44	1.84E-02	0.23	2.42E-01
ARR3	0.03	8.88E-01	-0.23	2.42E-01
CTB-147C22.3	-0.24	2.20E-01	-0.23	2.42E-01
CTB-152G17.5	0.09	6.67E-01	-0.23	2.42E-01
CTD-2280E9.1	-0.03	8.87E-01	-0.23	2.42E-01
FAM63B	0.13	5.21E-01	-0.23	2.42E-01
HERPUD1	-0.43	2.32E-02	-0.23	2.42E-01
LIN9	-0.14	4.81E-01	-0.23	2.42E-01
MIR107	0.02	9.28E-01	-0.23	2.42E-01
MIR30E	0.16	4.30E-01	-0.23	2.42E-01
MIR567	0.02	9.18E-01	-0.23	2.42E-01
RP11-332L8.1	0.05	8.13E-01	-0.23	2.42E-01
RP11-622C24.2	-0.12	5.46E-01	-0.23	2.42E-01
SRSF12	0.26	1.78E-01	-0.23	2.42E-01
XLOC_010305	0.19	3.41E-01	-0.23	2.42E-01
ZNF157	0.37	5.03E-02	-0.23	2.42E-01
ZNF606	0.05	8.05E-01	-0.23	2.42E-01
ZNF648	-0.17	3.85E-01	-0.23	2.42E-01
AC012501.2	-0.17	3.92E-01	-0.23	2.43E-01
C1orf127	0.11	5.62E-01	0.23	2.43E-01
C5AR1	0.04	8.22E-01	0.23	2.43E-01
CDHR4	-0.43	2.11E-02	-0.23	2.43E-01
COLQ	-0.22	2.68E-01	0.23	2.43E-01
DDO	0.20	3.15E-01	-0.23	2.43E-01
IKZF2	0.05	7.87E-01	-0.23	2.43E-01
LYST	-0.12	5.42E-01	-0.23	2.43E-01
MIR3178	-0.35	6.82E-02	0.23	2.43E-01

MTND1P32	-0.28	1.48E-01	-0.23	2.43E-01
POLM	0.03	8.80E-01	0.23	2.43E-01
RP11-275F13.3	-0.29	1.29E-01	-0.23	2.43E-01
RP11-379P15.1	-0.21	2.75E-01	-0.23	2.43E-01
RP11-436K8.1	0.15	4.60E-01	0.23	2.43E-01
SBF2	-0.05	8.16E-01	-0.23	2.43E-01
ZNF546	0.18	3.72E-01	0.23	2.43E-01
ZNF595	-0.13	5.05E-01	-0.23	2.43E-01
AC009948.5	0.00	9.87E-01	0.23	2.43E-01
ACA59	0.08	6.72E-01	0.23	2.43E-01
BHLHA15	0.35	6.64E-02	-0.23	2.43E-01
C1orf112	0.02	9.05E-01	-0.23	2.43E-01
CTD-2583P5.3	-0.07	7.09E-01	-0.23	2.43E-01
FAM21EP	-0.10	6.05E-01	-0.23	2.43E-01
MASP1	-0.14	4.66E-01	0.23	2.43E-01
MIR3684	0.05	8.18E-01	-0.23	2.43E-01
MRC1L1	-0.08	6.79E-01	0.23	2.43E-01
MROH3P	0.13	4.94E-01	-0.23	2.43E-01
OR5P3	-0.02	9.05E-01	-0.23	2.43E-01
P2RX4	0.15	4.60E-01	0.23	2.43E-01
RAD51B	0.09	6.46E-01	-0.23	2.43E-01
RP11-568K15.1	0.00	9.90E-01	-0.23	2.43E-01
SCARNA4	0.09	6.42E-01	0.23	2.43E-01
AC012485.1	-0.32	9.18E-02	-0.23	2.44E-01
ACTA2	0.05	8.08E-01	0.23	2.44E-01
AGGF1	0.03	8.83E-01	0.23	2.44E-01
BLOC1S3	0.02	9.10E-01	0.23	2.44E-01
CAMSAP3	-0.24	2.11E-01	-0.23	2.44E-01
CHD5	0.16	4.16E-01	0.23	2.44E-01
COL26A1	-0.13	5.16E-01	-0.23	2.44E-01
CTD-2562G15.3	0.05	8.09E-01	0.23	2.44E-01
CTD-3001H11.2	0.05	8.13E-01	-0.23	2.44E-01
CXCR2P1	0.23	2.41E-01	0.23	2.44E-01
HECW2	-0.01	9.67E-01	0.23	2.44E-01
KLF15	-0.20	3.00E-01	-0.23	2.44E-01
KSR1	0.17	3.82E-01	0.23	2.44E-01
LA16c-312E8.2	-0.17	3.73E-01	-0.23	2.44E-01
LA16c-313D11.12	0.14	4.81E-01	0.23	2.44E-01
LYPD6	-0.33	8.84E-02	-0.23	2.44E-01
PAPD4	0.20	3.04E-01	-0.23	2.44E-01
PRAME	0.00	9.91E-01	0.23	2.44E-01
RN7SL1	0.08	6.94E-01	0.23	2.44E-01
RP11-20I20.2	-0.04	8.42E-01	-0.23	2.44E-01
SHMT1	0.13	5.24E-01	0.23	2.44E-01
SNORD116-16	0.26	1.88E-01	-0.23	2.44E-01
UNC13C	-0.07	7.29E-01	-0.23	2.44E-01
AC006946.15	0.18	3.60E-01	0.23	2.45E-01

AC116533.1	0.12	5.45E-01	-0.23	2.45E-01
ANAPC1P1	-0.22	2.51E-01	0.23	2.45E-01
BSN	-0.03	8.80E-01	-0.23	2.45E-01
C11orf52	0.10	5.98E-01	-0.23	2.45E-01
CCDC14	-0.18	3.54E-01	-0.23	2.45E-01
CCL1	-0.24	2.13E-01	0.23	2.45E-01
CTD-2246P4.1	-0.47	1.25E-02	0.23	2.45E-01
CYCSP38	-0.33	8.81E-02	-0.23	2.45E-01
G5482	-0.20	3.17E-01	0.23	2.45E-01
G554	0.01	9.67E-01	0.23	2.45E-01
IRX2	-0.11	5.73E-01	0.23	2.45E-01
MAP1B	0.01	9.55E-01	0.23	2.45E-01
MYT1	0.08	7.04E-01	0.23	2.45E-01
PTPN20B	0.09	6.38E-01	-0.23	2.45E-01
RNU1-93P	-0.24	2.17E-01	-0.23	2.45E-01
RNU6-1099P	-0.33	9.04E-02	-0.23	2.45E-01
RP11-1000B6.2	0.17	3.84E-01	-0.23	2.45E-01
TFAP2C	0.21	2.79E-01	-0.23	2.45E-01
TRAC	0.18	3.67E-01	0.23	2.45E-01
XLOC_013866	-0.11	5.83E-01	-0.23	2.45E-01
XLOC_014405	-0.01	9.63E-01	-0.23	2.45E-01
ACSM1	0.16	4.09E-01	0.23	2.45E-01
AGPAT3	0.28	1.46E-01	-0.23	2.45E-01
ARMC12	0.00	9.89E-01	0.23	2.45E-01
CHMP2B	0.09	6.33E-01	-0.23	2.45E-01
COL4A1	0.08	6.73E-01	0.23	2.45E-01
CTD-2666L21.2	-0.07	7.30E-01	-0.23	2.45E-01
DYRK1B	-0.15	4.36E-01	0.23	2.45E-01
GGA1	0.19	3.28E-01	0.23	2.45E-01
MDM1	0.00	9.80E-01	-0.23	2.45E-01
MSR1	-0.03	8.64E-01	0.23	2.45E-01
MUC20	0.09	6.52E-01	-0.23	2.45E-01
PACSIN3	0.08	6.91E-01	0.23	2.45E-01
PIM1	0.01	9.77E-01	0.23	2.45E-01
PRPF40A	0.19	3.24E-01	-0.23	2.45E-01
RP11-93H24.3	0.00	9.92E-01	-0.23	2.45E-01
SNORA76	-0.01	9.50E-01	0.23	2.45E-01
SRP54-AS1	-0.01	9.46E-01	0.23	2.45E-01
AC006272.2	-0.17	3.75E-01	0.23	2.46E-01
CBLN2	0.23	2.44E-01	-0.23	2.46E-01
CTD-3074O7.5	0.21	2.89E-01	0.23	2.46E-01
EPB41L2	-0.35	6.89E-02	-0.23	2.46E-01
FAM184A	-0.38	4.46E-02	-0.23	2.46E-01
FAM78B	-0.05	8.05E-01	0.23	2.46E-01
FLT3LG	-0.06	7.50E-01	0.23	2.46E-01
G25045	0.06	7.78E-01	0.23	2.46E-01
G8260	0.13	4.97E-01	0.23	2.46E-01

LMO7-AS1	-0.01	9.59E-01	-0.23	2.46E-01
PLAC9	-0.15	4.54E-01	-0.23	2.46E-01
PLEKHG4B	0.19	3.25E-01	0.23	2.46E-01
PLSCR1	0.34	7.95E-02	0.23	2.46E-01
RP11-111M22.4	-0.02	9.24E-01	-0.23	2.46E-01
RP11-1376P16.2	-0.21	2.87E-01	-0.23	2.46E-01
RP11-324D17.1	-0.15	4.38E-01	-0.23	2.46E-01
RP11-517C16.4	-0.24	2.17E-01	0.23	2.46E-01
SCAI	-0.14	4.70E-01	-0.23	2.46E-01
TRNAU1AP	0.01	9.64E-01	0.23	2.46E-01
XLOC_007506	0.12	5.56E-01	-0.23	2.46E-01
XLOC_008747	-0.12	5.56E-01	-0.23	2.46E-01
ZFPM2-AS1	0.00	9.91E-01	0.23	2.46E-01
ANOS2P	0.27	1.57E-01	0.23	2.47E-01
BECN1	0.06	7.75E-01	0.23	2.47E-01
CTB-32O4.2	-0.12	5.42E-01	-0.23	2.47E-01
EID3	0.19	3.29E-01	0.23	2.47E-01
HNRNPA1P4	-0.25	1.93E-01	-0.23	2.47E-01
LEF1	0.00	9.85E-01	-0.23	2.47E-01
LINC00266-1	-0.02	9.18E-01	0.23	2.47E-01
MOGS	0.10	6.01E-01	0.23	2.47E-01
NEIL2	0.13	4.97E-01	0.23	2.47E-01
OTUD6B	-0.03	8.71E-01	-0.23	2.47E-01
PCGF3	0.15	4.54E-01	0.23	2.47E-01
PWAR6	0.05	7.87E-01	-0.23	2.47E-01
RNY4P8	-0.20	3.06E-01	-0.23	2.47E-01
RP1-67K17.4	0.26	1.79E-01	-0.23	2.47E-01
RP11-1006G14.5	0.15	4.55E-01	0.23	2.47E-01
RP11-497H16.2	-0.09	6.53E-01	0.23	2.47E-01
RP11-536K7.3	0.03	8.64E-01	0.23	2.47E-01
SPRR2B	0.17	3.97E-01	0.23	2.47E-01
THRA	-0.04	8.44E-01	-0.23	2.47E-01
XXbac-B135H6.18	0.10	6.31E-01	0.23	2.47E-01
ZNF416	-0.15	4.39E-01	-0.23	2.47E-01
AF129075.5	0.06	7.50E-01	-0.23	2.47E-01
ARHGEF39	-0.04	8.56E-01	-0.23	2.47E-01
CALML5	0.06	7.68E-01	0.23	2.47E-01
CMC1	-0.07	7.41E-01	-0.23	2.47E-01
EIF5	0.23	2.47E-01	-0.23	2.47E-01
HIST2H4B	-0.14	4.89E-01	0.23	2.47E-01
MTHFS	-0.14	4.63E-01	-0.23	2.47E-01
RERG	0.25	2.06E-01	0.23	2.47E-01
RNU6-479P	-0.21	2.92E-01	-0.23	2.47E-01
RP11-168J18.6	-0.06	7.68E-01	-0.23	2.47E-01
RP11-350J20.5	-0.32	9.56E-02	-0.23	2.47E-01
TSPAN5	0.14	4.76E-01	0.23	2.47E-01
TUBA3FP	0.16	4.24E-01	-0.23	2.47E-01

ZNF836	-0.16	4.11E-01	-0.23	2.47E-01
PGAM1P11	-0.02	9.01E-01	0.23	2.48E-01
PPIAP31	0.30	1.21E-01	0.23	2.48E-01
RP11-258F22.1	-0.13	5.10E-01	0.23	2.48E-01
RP11-68L18.1	-0.03	8.63E-01	0.23	2.48E-01
SPINK7	-0.09	6.37E-01	0.23	2.48E-01
PCCA	0.08	6.90E-01	-0.23	2.48E-01
RNY3P7	-0.21	2.72E-01	-0.23	2.48E-01
RP1-197B17.4	-0.07	7.27E-01	-0.23	2.48E-01
RP11-359B20.1	0.33	8.51E-02	-0.23	2.48E-01
RP5-855D21.2	-0.08	6.75E-01	-0.23	2.48E-01
AC006262.10	0.04	8.56E-01	-0.23	2.48E-01
AL049647.1	-0.12	5.33E-01	-0.23	2.48E-01
HCRTR1	-0.04	8.44E-01	-0.23	2.48E-01
MIR5693	-0.17	4.00E-01	-0.23	2.48E-01
RP11-336K24.12	-0.24	2.16E-01	-0.23	2.48E-01
RP11-424M24.3	0.25	2.07E-01	-0.23	2.48E-01
RP11-479O9.3	-0.31	1.08E-01	-0.23	2.48E-01
RP5-1085F17.4	0.21	2.86E-01	-0.23	2.48E-01
SECISBP2	-0.20	3.04E-01	-0.23	2.48E-01
USP32P1	-0.13	5.06E-01	-0.23	2.48E-01
ADAMTS2	-0.14	4.86E-01	0.23	2.48E-01
C2orf44	0.44	1.97E-02	0.23	2.48E-01
EHD3	0.01	9.43E-01	0.23	2.48E-01
RNY5	0.10	6.19E-01	0.23	2.48E-01
RP11-370F5.4	-0.29	1.41E-01	0.23	2.48E-01
SNORA60	0.00	9.86E-01	0.23	2.48E-01
SNORD11B	-0.19	3.21E-01	0.23	2.48E-01
AK4P3	-0.15	4.31E-01	0.23	2.49E-01
DFFBP1	-0.36	5.92E-02	0.23	2.49E-01
G39123	0.00	9.97E-01	-0.23	2.49E-01
LL22NC03-2H8.5	-0.07	7.37E-01	-0.23	2.49E-01
MIIP	-0.05	7.95E-01	0.23	2.49E-01
PLIN4	0.05	8.08E-01	-0.23	2.49E-01
RBM26	-0.03	8.68E-01	-0.23	2.49E-01
RHOT1P3	-0.02	9.36E-01	0.23	2.49E-01
RP1-266L20.9	-0.11	5.79E-01	-0.23	2.49E-01
RP1-30M3.5	-0.02	9.39E-01	-0.23	2.49E-01
RP11-121L10.2	-0.01	9.51E-01	-0.23	2.49E-01
RP11-380M21.1	-0.22	2.70E-01	-0.23	2.49E-01
RP11-401P9.5	0.19	3.32E-01	0.23	2.49E-01
RP11-43F13.1	0.25	2.08E-01	0.23	2.49E-01
RP11-497D6.5	0.00	9.96E-01	-0.23	2.49E-01
RP11-504P24.5	-0.12	5.59E-01	-0.23	2.49E-01
RP3-414A15.11	-0.54	2.78E-03	0.23	2.49E-01
RP4-796I17.5	-0.25	1.96E-01	-0.23	2.49E-01
RPL35P5	0.14	4.66E-01	0.23	2.49E-01

SNORA79	0.22	2.62E-01	0.23	2.49E-01
THADA	-0.07	7.28E-01	-0.23	2.49E-01
TMEM141	-0.02	9.01E-01	0.23	2.49E-01
ADGRE2	-0.06	7.57E-01	0.23	2.50E-01
CHRNA5	-0.27	1.60E-01	0.23	2.50E-01
PDPN	0.41	2.95E-02	0.23	2.50E-01
RP11-506B6.6	-0.10	6.04E-01	0.23	2.50E-01
RPS3AP5	-0.05	8.19E-01	0.23	2.50E-01
SLC35E4	0.29	1.28E-01	0.23	2.50E-01
TBC1D2B	-0.04	8.39E-01	0.23	2.50E-01
TRIM5	0.25	2.07E-01	0.23	2.50E-01
AC007773.1	-0.48	9.84E-03	-0.23	2.50E-01
AC016999.2	-0.27	1.64E-01	-0.23	2.50E-01
EPB41L4A-AS1	0.21	2.94E-01	-0.23	2.50E-01
ILDR2	0.14	4.80E-01	-0.23	2.50E-01
RP11-177G23.2	0.04	8.37E-01	-0.23	2.50E-01
RP11-180O5.2	-0.21	2.91E-01	-0.23	2.50E-01
CYP7B1	0.25	2.01E-01	0.23	2.50E-01
DNAJC5	0.37	5.27E-02	0.23	2.50E-01
EGOT	-0.16	4.30E-01	0.23	2.50E-01
FOXD2-AS1	-0.08	6.75E-01	0.23	2.50E-01
NFS1	0.18	3.59E-01	0.23	2.50E-01
NOBOX	0.18	3.50E-01	0.23	2.50E-01
OAZ3	-0.25	2.01E-01	0.23	2.50E-01
OGFOD3	0.24	2.15E-01	0.23	2.50E-01
PROSER2	0.21	2.76E-01	0.23	2.50E-01
RNU6-80P	-0.46	1.41E-02	0.23	2.50E-01
RP1-187B23.1	-0.34	7.95E-02	0.23	2.50E-01
RP11-20G13.1	0.06	7.67E-01	0.23	2.50E-01
RP11-796E10.1	0.16	4.12E-01	0.23	2.50E-01
RP5-821D11.7	0.04	8.40E-01	0.23	2.50E-01
STARD10	-0.01	9.70E-01	0.23	2.50E-01
ANKRD13C	0.00	9.91E-01	-0.23	2.50E-01
CTC-471J1.2	-0.27	1.59E-01	-0.23	2.50E-01
PCNP	-0.03	8.63E-01	-0.23	2.50E-01
PTN	-0.19	3.44E-01	-0.23	2.50E-01
RP11-383F6.1	-0.13	5.13E-01	-0.23	2.50E-01
RP11-448G15.1	0.25	2.00E-01	-0.23	2.50E-01
RP11-71H17.1	0.11	5.84E-01	-0.23	2.50E-01
TMSB15A	-0.22	2.54E-01	-0.23	2.50E-01
UBE2FP3	-0.29	1.38E-01	-0.23	2.50E-01
AC010894.3	0.38	4.62E-02	-0.23	2.51E-01
AC092635.1	-0.11	5.89E-01	-0.23	2.51E-01
BRIP1	0.07	7.11E-01	-0.23	2.51E-01
CAST	-0.14	4.72E-01	-0.23	2.51E-01
DNAI1	-0.18	3.69E-01	0.23	2.51E-01
FLVCR1	0.02	9.13E-01	-0.23	2.51E-01

<b>G8343</b>	-0.30	1.24E-01	-0.23	2.51E-01
<b>LMX1B</b>	-0.09	6.38E-01	-0.23	2.51E-01
<b>NADK</b>	0.23	2.35E-01	0.23	2.51E-01
<b>PRAP1</b>	-0.30	1.17E-01	-0.23	2.51E-01
<b>RGPD3</b>	-0.02	9.04E-01	0.23	2.51E-01
<b>RNMT</b>	-0.04	8.26E-01	-0.23	2.51E-01
<b>RP11-45A17.4</b>	-0.34	7.32E-02	-0.23	2.51E-01
<b>RP11-667K14.10</b>	-0.01	9.71E-01	-0.23	2.51E-01
<b>RP11-806L2.2</b>	-0.27	1.65E-01	-0.23	2.51E-01
<b>SMPD4P1</b>	0.11	5.73E-01	0.23	2.51E-01
<b>USP51</b>	0.08	6.92E-01	-0.23	2.51E-01
<b>ZNF770</b>	0.27	1.69E-01	0.23	2.51E-01
<b>ARNTL</b>	0.10	6.01E-01	0.23	2.52E-01
<b>GCNT1P3</b>	0.19	3.36E-01	0.23	2.52E-01
<b>GTF2IP9</b>	0.17	3.92E-01	0.23	2.52E-01
<b>LCE1A</b>	0.03	8.83E-01	0.23	2.52E-01
<b>MIPEP</b>	-0.19	3.41E-01	0.23	2.52E-01
<b>MIR708</b>	-0.19	3.32E-01	0.23	2.52E-01
<b>NFASC</b>	0.20	2.98E-01	0.23	2.52E-01
<b>PDDC1</b>	0.16	4.20E-01	0.23	2.52E-01
<b>RN7SL806P</b>	0.17	3.87E-01	0.23	2.52E-01
<b>RPSAP19</b>	-0.21	2.95E-01	0.23	2.52E-01
<b>SH2D4B</b>	0.02	9.37E-01	0.23	2.52E-01
<b>TRPC4</b>	0.04	8.27E-01	0.23	2.52E-01
<b>AC078842.4</b>	0.02	9.39E-01	-0.23	2.52E-01
<b>DCP1B</b>	0.35	6.84E-02	-0.23	2.52E-01
<b>G15537</b>	-0.38	4.59E-02	-0.23	2.52E-01
<b>GRASP</b>	-0.05	7.97E-01	-0.23	2.52E-01
<b>KB-1410C5.5</b>	0.10	6.31E-01	-0.23	2.52E-01
<b>MIR98</b>	0.02	9.33E-01	-0.23	2.52E-01
<b>RP11-739N20.2</b>	-0.34	7.49E-02	-0.23	2.52E-01
<b>AP000962.2</b>	-0.32	9.53E-02	0.23	2.52E-01
<b>ASAH2</b>	0.09	6.54E-01	-0.23	2.52E-01
<b>ATP1B3</b>	0.24	2.16E-01	0.23	2.52E-01
<b>C14orf37</b>	-0.31	1.07E-01	-0.23	2.52E-01
<b>COCH</b>	-0.04	8.28E-01	-0.23	2.52E-01
<b>ELMO1-AS1</b>	0.18	3.60E-01	0.23	2.52E-01
<b>F13A1</b>	-0.14	4.75E-01	0.23	2.52E-01
<b>LRP11</b>	-0.02	9.08E-01	-0.23	2.52E-01
<b>MARK3</b>	0.20	3.00E-01	0.23	2.52E-01
<b>NDUFA11</b>	0.05	8.14E-01	0.23	2.52E-01
<b>NUP93</b>	-0.14	4.73E-01	-0.23	2.52E-01
<b>PGGT1B</b>	0.19	3.39E-01	-0.23	2.52E-01
<b>PPP1R1AP1</b>	-0.25	2.06E-01	-0.23	2.52E-01
<b>RP11-1258F18.1</b>	0.01	9.69E-01	-0.23	2.52E-01
<b>RP11-297N6.4</b>	0.03	8.63E-01	0.23	2.52E-01
<b>RP11-38J22.6</b>	-0.05	7.86E-01	-0.23	2.52E-01

<b>RP11-577H5.1</b>	-0.05	8.00E-01	-0.23	2.52E-01
<b>S1PR5</b>	0.03	8.91E-01	0.23	2.52E-01
<b>SGK223</b>	0.07	7.21E-01	0.23	2.52E-01
<b>SNCAIP</b>	-0.35	6.59E-02	-0.23	2.52E-01
<b>TRIM63</b>	-0.26	1.81E-01	-0.23	2.52E-01
<b>VCPIP1</b>	-0.07	7.28E-01	-0.23	2.52E-01
<b>ATP5G1P4</b>	-0.26	1.74E-01	0.23	2.53E-01
<b>DCTN1</b>	0.08	6.94E-01	0.23	2.53E-01
<b>FARP2</b>	0.01	9.56E-01	0.23	2.53E-01
<b>NOS2</b>	0.32	1.01E-01	-0.23	2.53E-01
<b>RP11-134E15.1</b>	0.07	7.15E-01	0.23	2.53E-01
<b>RP11-188D8.1</b>	0.27	1.57E-01	-0.23	2.53E-01
<b>RP11-475E11.2</b>	0.17	3.77E-01	-0.23	2.53E-01
<b>RP11-481A20.10</b>	-0.19	3.46E-01	-0.23	2.53E-01
<b>RP5-1086K13.1</b>	0.01	9.50E-01	-0.23	2.53E-01
<b>TRIM56</b>	0.04	8.48E-01	0.23	2.53E-01
<b>ZNF736P9Y</b>	0.32	9.56E-02	0.23	2.53E-01
<b>AC002401.1</b>	0.39	4.15E-02	-0.23	2.54E-01
<b>AC108448.2</b>	-0.22	2.54E-01	-0.23	2.54E-01
<b>CYB561D2</b>	0.29	1.38E-01	0.23	2.54E-01
<b>EIF1AX</b>	-0.24	2.24E-01	-0.23	2.54E-01
<b>LDB3</b>	0.01	9.42E-01	0.23	2.54E-01
<b>LINC00910</b>	0.04	8.45E-01	0.23	2.54E-01
<b>PDCD1LG2</b>	0.22	2.65E-01	0.23	2.54E-01
<b>PTPN22</b>	0.46	1.34E-02	0.23	2.54E-01
<b>RP11-16L21.7</b>	0.08	6.83E-01	0.23	2.54E-01
<b>RP11-262H14.4</b>	-0.35	7.10E-02	-0.23	2.54E-01
<b>TINF2</b>	-0.02	9.28E-01	0.23	2.54E-01
<b>UBE2E1-AS1</b>	0.23	2.33E-01	-0.23	2.54E-01
<b>XLOC_012254</b>	-0.34	7.82E-02	0.23	2.54E-01
<b>ZNF816</b>	-0.09	6.42E-01	-0.23	2.54E-01
<b>ZSCAN5D</b>	-0.05	8.05E-01	-0.23	2.54E-01
<b>AC125232.1</b>	0.11	5.87E-01	0.23	2.54E-01
<b>CCDC59</b>	-0.06	7.55E-01	-0.23	2.54E-01
<b>CENPUP2</b>	-0.11	5.88E-01	-0.23	2.54E-01
<b>CEP295</b>	0.03	8.97E-01	-0.23	2.54E-01
<b>CTD-2385L22.2</b>	-0.12	5.49E-01	-0.23	2.54E-01
<b>G26269</b>	-0.05	7.97E-01	-0.23	2.54E-01
<b>KRTAP9-2</b>	-0.22	2.66E-01	0.23	2.54E-01
<b>LIPH</b>	0.10	6.21E-01	-0.23	2.54E-01
<b>MRPS25</b>	0.19	3.22E-01	0.23	2.54E-01
<b>PDZPH1P</b>	0.13	4.95E-01	-0.23	2.54E-01
<b>PGBD4</b>	0.34	8.05E-02	-0.23	2.54E-01
<b>RP11-122K13.12</b>	-0.23	2.38E-01	-0.23	2.54E-01
<b>RP11-538D16.2</b>	-0.05	8.10E-01	-0.23	2.54E-01
<b>RP11-867G23.3</b>	-0.04	8.37E-01	-0.23	2.54E-01
<b>SNORA19</b>	-0.01	9.71E-01	-0.23	2.54E-01



TESK2	0.00	9.88E-01	0.23	2.54E-01
WFIKKN1	-0.02	9.03E-01	-0.23	2.54E-01
ZBTB21	-0.01	9.79E-01	-0.23	2.54E-01
ZDHC23	-0.16	4.04E-01	-0.23	2.54E-01
ZNF321P	0.23	2.32E-01	-0.23	2.54E-01
ZNF581	0.09	6.42E-01	0.23	2.54E-01
ZNF76	0.33	8.75E-02	0.23	2.54E-01
ABHD17B	0.22	2.71E-01	0.23	2.55E-01
ACSM6	-0.19	3.24E-01	-0.23	2.55E-01
CEACAM19	0.19	3.44E-01	0.23	2.55E-01
CPT1C	0.01	9.47E-01	0.23	2.55E-01
GATAD1	0.18	3.57E-01	0.23	2.55E-01
GSAP	-0.12	5.58E-01	-0.23	2.55E-01
IRAK3	0.24	2.16E-01	0.23	2.55E-01
MIR548AT	0.08	6.74E-01	-0.23	2.55E-01
MIR554	-0.15	4.44E-01	-0.23	2.55E-01
RBM20	0.04	8.21E-01	-0.23	2.55E-01
REXO4	0.28	1.55E-01	0.23	2.55E-01
RN7SL862P	0.00	9.99E-01	0.23	2.55E-01
RNU6-893P	0.28	1.51E-01	-0.23	2.55E-01
RP11-121E16.1	-0.03	8.79E-01	0.23	2.55E-01
RP11-123C21.2	-0.19	3.29E-01	0.23	2.55E-01
RP11-440I14.2	0.05	7.91E-01	-0.23	2.55E-01
RP5-1139B12.4	0.18	3.50E-01	-0.23	2.55E-01
RPL13AP25	0.02	9.32E-01	0.23	2.55E-01
SLC29A2	-0.02	9.33E-01	0.23	2.55E-01
SNORA71A	-0.06	7.43E-01	0.23	2.55E-01
VAT1	-0.02	9.06E-01	0.23	2.55E-01
XLOC_010023	0.06	7.53E-01	-0.23	2.55E-01
AC007556.3	-0.26	1.82E-01	-0.23	2.56E-01
AGGF1P2	-0.01	9.74E-01	0.23	2.56E-01
AL359091.2	-0.41	2.91E-02	0.23	2.56E-01
CCNT2-AS1	-0.09	6.32E-01	0.23	2.56E-01
CLMP	-0.07	7.35E-01	-0.23	2.56E-01
CSNK1E	-0.03	8.79E-01	0.23	2.56E-01
EDDM3CP	-0.23	2.42E-01	-0.23	2.56E-01
EPGN	0.32	9.18E-02	0.23	2.56E-01
FALEC	0.17	3.94E-01	-0.23	2.56E-01
GJC1	0.19	3.36E-01	0.23	2.56E-01
IRS4	-0.49	8.88E-03	-0.23	2.56E-01
KNTC1	-0.03	8.93E-01	-0.23	2.56E-01
NDUFB10	0.03	8.93E-01	0.23	2.56E-01
RAB43	-0.17	3.82E-01	0.23	2.56E-01
RIC3	-0.11	5.85E-01	-0.23	2.56E-01
RP11-90M2.5	0.03	8.85E-01	0.23	2.56E-01
RPL23AP90	-0.03	8.90E-01	0.23	2.56E-01
TAB3	0.12	5.28E-01	-0.23	2.56E-01

TMEM104	0.16	4.20E-01	0.23	2.56E-01
ZYG11B	0.03	8.86E-01	-0.23	2.56E-01
AC027612.4	-0.37	5.29E-02	-0.23	2.56E-01
C1orf198	-0.13	5.20E-01	-0.23	2.56E-01
CTD-2207P18.1	-0.05	8.00E-01	-0.23	2.56E-01
HNRNPA1P37	-0.20	3.02E-01	-0.23	2.56E-01
PROSER1	-0.12	5.31E-01	-0.23	2.56E-01
RP11-350F16.2	-0.04	8.51E-01	-0.23	2.56E-01
RP11-850A17.1	-0.18	3.62E-01	-0.23	2.56E-01
XLOC_009864	-0.08	6.70E-01	-0.23	2.56E-01
ATG13	0.08	6.79E-01	0.23	2.56E-01
AURKA	0.25	1.91E-01	0.23	2.56E-01
BCAP31	0.10	6.13E-01	0.23	2.56E-01
DCAF11	0.02	9.33E-01	0.23	2.56E-01
DOLPP1	0.05	8.11E-01	0.23	2.56E-01
FABP5P2	-0.11	5.77E-01	0.23	2.56E-01
HS1BP3	-0.14	4.79E-01	0.23	2.56E-01
PSMC1P10	0.05	8.13E-01	0.23	2.56E-01
RN7SL503P	0.03	8.92E-01	0.23	2.56E-01
RP11-1035H13.2	-0.21	2.87E-01	0.23	2.56E-01
RP11-169E6.1	-0.02	9.39E-01	0.23	2.56E-01
RP11-268I9.1	-0.07	7.14E-01	0.23	2.56E-01
SLC26A9	0.27	1.68E-01	0.23	2.56E-01
AC018712.2	0.33	8.24E-02	-0.23	2.57E-01
AKTIP	-0.02	9.29E-01	-0.23	2.57E-01
CTC-459F4.9	0.16	4.02E-01	0.23	2.57E-01
DNAJC3	0.04	8.38E-01	-0.23	2.57E-01
FAM205BP	-0.17	3.93E-01	0.23	2.57E-01
FAM72D	-0.07	7.07E-01	0.23	2.57E-01
FXYD3	-0.01	9.79E-01	0.23	2.57E-01
GM2A	0.42	2.80E-02	0.23	2.57E-01
GUCD1	0.11	5.92E-01	0.23	2.57E-01
IGHV3-15	0.32	9.42E-02	0.23	2.57E-01
INTS9	0.15	4.60E-01	0.23	2.57E-01
LINC01578	-0.36	6.30E-02	-0.23	2.57E-01
MIR455	-0.09	6.65E-01	0.23	2.57E-01
MS4A6A	-0.10	6.25E-01	0.23	2.57E-01
NAALADL1	-0.22	2.57E-01	0.23	2.57E-01
PAK1	0.10	6.08E-01	0.23	2.57E-01
PAX3	-0.51	5.83E-03	-0.23	2.57E-01
RAB11FIP4	-0.11	5.78E-01	-0.23	2.57E-01
RNF123	-0.12	5.41E-01	0.23	2.57E-01
RP11-298I3.6	-0.03	8.64E-01	-0.23	2.57E-01
RP11-517H2.6	-0.02	9.02E-01	-0.23	2.57E-01
SEC1P	-0.03	8.86E-01	0.23	2.57E-01
SPNS3	-0.07	7.22E-01	0.23	2.57E-01
TRAV19	-0.12	5.39E-01	0.23	2.57E-01

<b>XLOC_002788</b>	-0.19	3.45E-01	-0.23	2.57E-01
<b>ZW10</b>	-0.08	6.75E-01	-0.23	2.57E-01
<b>AC010504.2</b>	0.09	6.67E-01	-0.23	2.58E-01
<b>AC098795.1</b>	-0.04	8.52E-01	-0.23	2.58E-01
<b>ANXA11</b>	-0.07	7.36E-01	-0.23	2.58E-01
<b>CTD-2007H13.1</b>	-0.08	6.98E-01	0.23	2.58E-01
<b>CTXN3</b>	-0.05	8.03E-01	0.23	2.58E-01
<b>DNM3OS</b>	-0.28	1.56E-01	-0.23	2.58E-01
<b>DPPA2P1</b>	0.17	3.90E-01	0.23	2.58E-01
<b>G42267</b>	-0.22	2.57E-01	0.23	2.58E-01
<b>IFT81</b>	-0.24	2.20E-01	-0.23	2.58E-01
<b>LA16c-395F10.1</b>	0.17	3.93E-01	0.23	2.58E-01
<b>LINC00652</b>	0.05	8.09E-01	-0.23	2.58E-01
<b>NETO1</b>	0.16	4.17E-01	-0.23	2.58E-01
<b>PLEKHO1</b>	0.05	8.05E-01	0.23	2.58E-01
<b>RP1-128O3.5</b>	-0.17	3.81E-01	0.23	2.58E-01
<b>RP11-297D21.4</b>	0.28	1.42E-01	0.23	2.58E-01
<b>RP11-557J10.4</b>	-0.15	4.56E-01	-0.23	2.58E-01
<b>RP11-582J16.4</b>	-0.21	2.80E-01	-0.23	2.58E-01
<b>RP5-1065J22.4</b>	-0.16	4.13E-01	-0.23	2.58E-01
<b>SMG1</b>	-0.13	5.14E-01	-0.23	2.58E-01
<b>SMS</b>	-0.03	8.74E-01	-0.23	2.58E-01
<b>SNRNP35</b>	0.03	8.71E-01	0.23	2.58E-01
<b>ZMYND8</b>	0.07	7.25E-01	0.23	2.58E-01
<b>ZNF280C</b>	0.28	1.46E-01	-0.23	2.58E-01
<b>CPSF4</b>	0.30	1.27E-01	0.23	2.58E-01
<b>CSPG4P12</b>	0.13	5.16E-01	0.23	2.58E-01
<b>GPR1-AS</b>	0.47	1.20E-02	0.23	2.58E-01
<b>KBTBD11</b>	0.14	4.77E-01	0.23	2.58E-01
<b>MAP3K14-AS1</b>	-0.04	8.24E-01	0.23	2.58E-01
<b>NEIL3</b>	0.14	4.87E-01	0.23	2.58E-01
<b>NFKB2</b>	-0.01	9.69E-01	0.23	2.58E-01
<b>NNT-AS1</b>	0.11	5.80E-01	0.23	2.58E-01
<b>PTK6</b>	0.23	2.33E-01	0.23	2.58E-01
<b>RNU6-1301P</b>	-0.22	2.54E-01	0.23	2.58E-01
<b>RP11-692P14.1</b>	-0.02	9.10E-01	0.23	2.58E-01
<b>TRPV3</b>	0.21	2.86E-01	0.23	2.58E-01
<b>Vault</b>	-0.14	4.73E-01	0.23	2.58E-01
<b>BLID</b>	-0.23	2.37E-01	-0.23	2.58E-01
<b>G32307</b>	-0.21	2.80E-01	-0.23	2.58E-01
<b>G35143</b>	0.16	4.08E-01	-0.23	2.58E-01
<b>HMGB3P22</b>	-0.16	4.12E-01	-0.23	2.58E-01
<b>LL22NC03-2H8.4</b>	-0.05	7.88E-01	-0.23	2.58E-01
<b>PDLIM1P4</b>	-0.46	1.36E-02	-0.23	2.58E-01
<b>RP11-326C3.16</b>	0.07	7.29E-01	-0.23	2.58E-01
<b>RYK</b>	-0.08	7.01E-01	-0.23	2.58E-01
<b>SULT1C4</b>	-0.24	2.19E-01	-0.23	2.58E-01

<b>ANXA13</b>	0.24	2.10E-01	-0.23	2.59E-01
<b>CCDC36</b>	-0.08	6.94E-01	-0.23	2.59E-01
<b>CERS3</b>	0.39	3.77E-02	0.23	2.59E-01
<b>CFAP74</b>	0.28	1.52E-01	0.23	2.59E-01
<b>EVC</b>	0.08	6.89E-01	0.23	2.59E-01
<b>FAM19A3</b>	-0.30	1.16E-01	-0.23	2.59E-01
<b>G28030</b>	-0.21	2.83E-01	-0.23	2.59E-01
<b>G43427</b>	0.16	4.24E-01	0.23	2.59E-01
<b>GLYATL1P2</b>	-0.11	5.71E-01	0.23	2.59E-01
<b>INTU</b>	0.09	6.61E-01	-0.23	2.59E-01
<b>LDOC1</b>	-0.20	2.96E-01	-0.23	2.59E-01
<b>MKRN9P</b>	-0.01	9.67E-01	-0.23	2.59E-01
<b>PTGER4</b>	0.01	9.72E-01	0.23	2.59E-01
<b>RP11-145M9.5</b>	0.04	8.40E-01	-0.23	2.59E-01
<b>RP11-178F10.1</b>	-0.12	5.55E-01	-0.23	2.59E-01
<b>RP11-324I22.4</b>	0.23	2.37E-01	0.23	2.59E-01
<b>RP11-449H3.1</b>	0.11	5.77E-01	0.23	2.59E-01
<b>RP11-881M11.8</b>	-0.26	1.90E-01	-0.23	2.59E-01
<b>RP3-333A15.1</b>	0.16	4.08E-01	-0.23	2.59E-01
<b>SFXN1</b>	0.38	4.85E-02	0.23	2.59E-01
<b>SLC39A5</b>	-0.09	6.45E-01	-0.23	2.59E-01
<b>UBE2R2-AS1</b>	0.33	8.59E-02	0.23	2.59E-01
<b>XLOC_000972</b>	0.13	5.16E-01	-0.23	2.59E-01
<b>ZNF596</b>	0.07	7.07E-01	-0.23	2.59E-01
<b>AC005592.2</b>	-0.20	3.15E-01	-0.22	2.60E-01
<b>AC009014.3</b>	0.07	7.32E-01	-0.22	2.60E-01
<b>AC069394.1</b>	0.05	8.08E-01	-0.22	2.60E-01
<b>AC092171.4</b>	0.59	9.64E-04	0.22	2.60E-01
<b>BCAS1</b>	-0.30	1.24E-01	-0.22	2.60E-01
<b>C11orf74</b>	0.02	9.38E-01	0.22	2.60E-01
<b>C3orf33</b>	0.29	1.41E-01	-0.22	2.60E-01
<b>GLRA4</b>	-0.07	7.19E-01	-0.22	2.60E-01
<b>LRRC37A</b>	0.01	9.75E-01	-0.22	2.60E-01
<b>MRPL57P3</b>	0.15	4.48E-01	0.22	2.60E-01
<b>RMND5B</b>	-0.10	6.10E-01	0.22	2.60E-01
<b>RN7SL166P</b>	0.13	5.00E-01	0.22	2.60E-01
<b>RN7SL381P</b>	-0.22	2.69E-01	-0.22	2.60E-01
<b>RNU6-1327P</b>	0.13	5.06E-01	0.22	2.60E-01
<b>RP11-474P2.4</b>	0.01	9.43E-01	-0.22	2.60E-01
<b>RP4-555D20.1</b>	-0.01	9.46E-01	-0.22	2.60E-01
<b>SLN</b>	0.09	6.49E-01	-0.22	2.60E-01
<b>AC025165.8</b>	-0.30	1.17E-01	-0.22	2.60E-01
<b>AC097381.1</b>	0.19	3.24E-01	0.22	2.60E-01
<b>CA2</b>	-0.15	4.35E-01	0.22	2.60E-01
<b>CADM2</b>	-0.29	1.38E-01	-0.22	2.60E-01
<b>CASC3</b>	-0.05	8.04E-01	-0.22	2.60E-01
<b>CDIP1</b>	0.33	8.73E-02	0.22	2.60E-01

CLEC10A	0.08	7.04E-01	0.22	2.60E-01
G20736	0.25	2.02E-01	0.22	2.60E-01
GALNT14	0.00	9.81E-01	0.22	2.60E-01
GVINP1	0.27	1.57E-01	0.22	2.60E-01
KPNA7	-0.09	6.52E-01	0.22	2.60E-01
NRG4	-0.09	6.54E-01	-0.22	2.60E-01
NSUN5P1	-0.16	4.26E-01	-0.22	2.60E-01
PPARGC1B	0.15	4.44E-01	0.22	2.60E-01
PRRG2	0.05	7.98E-01	0.22	2.60E-01
RN7SL119P	0.05	8.04E-01	0.22	2.60E-01
RN7SL173P	0.09	6.33E-01	-0.22	2.60E-01
RNF144A	-0.10	6.01E-01	-0.22	2.60E-01
RP11-81H14.2	0.19	3.22E-01	-0.22	2.60E-01
RUFY4	0.01	9.48E-01	0.22	2.60E-01
SON	-0.04	8.22E-01	-0.22	2.60E-01
TATDN2	0.16	4.29E-01	0.22	2.60E-01
AC008937.3	-0.10	6.21E-01	0.22	2.61E-01
AC013444.1	0.16	4.14E-01	0.22	2.61E-01
AC018816.3	0.17	4.00E-01	-0.22	2.61E-01
AGTPBP1	-0.01	9.58E-01	-0.22	2.61E-01
BNIP3P1	-0.13	5.26E-01	0.22	2.61E-01
CD151	0.06	7.64E-01	0.22	2.61E-01
CTC-43909.1	-0.22	2.52E-01	0.22	2.61E-01
CTD-2530H12.8	-0.03	8.94E-01	-0.22	2.61E-01
CTD-2562G15.2	0.06	7.65E-01	-0.22	2.61E-01
G27121	-0.12	5.49E-01	0.22	2.61E-01
GSTCD	0.06	7.70E-01	-0.22	2.61E-01
HSCB	0.12	5.29E-01	0.22	2.61E-01
LGR4	0.06	7.69E-01	-0.22	2.61E-01
NAGLU	-0.04	8.48E-01	0.22	2.61E-01
RNU6-676P	-0.06	7.50E-01	-0.22	2.61E-01
RP11-1D12.2	-0.14	4.79E-01	-0.22	2.61E-01
RP11-49I11.2	-0.13	5.19E-01	-0.22	2.61E-01
TRH	0.32	9.74E-02	-0.22	2.61E-01
VDAC1P1	0.21	2.80E-01	0.22	2.61E-01
XLOC_008668	-0.13	4.99E-01	-0.22	2.61E-01
XLOC_013960	0.05	8.09E-01	0.22	2.61E-01
ZNF688	0.24	2.18E-01	0.22	2.61E-01
ADAD1P2	0.02	9.32E-01	-0.22	2.62E-01
BTAF1	-0.11	5.71E-01	-0.22	2.62E-01
C22orf24	0.03	8.61E-01	-0.22	2.62E-01
EIF4A3	0.26	1.84E-01	0.22	2.62E-01
NAGPA	0.31	1.12E-01	0.22	2.62E-01
PTPN20A	-0.15	4.54E-01	-0.22	2.62E-01
RP11-30L15.6	0.37	5.08E-02	-0.22	2.62E-01
RP11-415J8.5	0.07	7.07E-01	0.22	2.62E-01
RP11-46F15.2	0.04	8.56E-01	-0.22	2.62E-01

<b>RP11-49907.7</b>	-0.10	6.10E-01	-0.22	2.62E-01
<b>RP11-549L6.2</b>	-0.15	4.36E-01	-0.22	2.62E-01
<b>SAMM50P1</b>	-0.12	5.30E-01	-0.22	2.62E-01
<b>ABCB10</b>	0.00	9.90E-01	-0.22	2.62E-01
<b>ARID3C</b>	-0.03	8.83E-01	-0.22	2.62E-01
<b>CTB-109A12.1</b>	-0.15	4.54E-01	-0.22	2.62E-01
<b>EPN1</b>	0.39	3.91E-02	0.22	2.62E-01
<b>GLCCI1</b>	-0.32	9.36E-02	-0.22	2.62E-01
<b>KIAA1614-AS1</b>	-0.05	8.11E-01	-0.22	2.62E-01
<b>METTL12</b>	0.21	2.78E-01	0.22	2.62E-01
<b>MKRN2OS</b>	0.00	9.80E-01	0.22	2.62E-01
<b>NSFP1</b>	0.09	6.66E-01	0.22	2.62E-01
<b>RBMXL1</b>	0.05	8.14E-01	0.22	2.62E-01
<b>TBC1D17</b>	0.03	8.77E-01	0.22	2.62E-01
<b>XLOC_002780</b>	-0.45	1.59E-02	-0.22	2.62E-01
<b>XLOC_011523</b>	-0.12	5.37E-01	0.22	2.62E-01
<b>AC005546.2</b>	0.12	5.37E-01	0.22	2.63E-01
<b>AKAP13</b>	-0.46	1.42E-02	-0.22	2.63E-01
<b>C1GALT1</b>	0.23	2.37E-01	-0.22	2.63E-01
<b>FLJ26850</b>	-0.04	8.36E-01	0.22	2.63E-01
<b>G31132</b>	-0.16	4.26E-01	-0.22	2.63E-01
<b>G42642</b>	-0.17	3.96E-01	-0.22	2.63E-01
<b>HOXB5</b>	-0.04	8.39E-01	0.22	2.63E-01
<b>KCNA7</b>	-0.21	2.73E-01	0.22	2.63E-01
<b>MAN1A2</b>	0.22	2.51E-01	-0.22	2.63E-01
<b>MIR3945HG</b>	0.24	2.10E-01	0.22	2.63E-01
<b>MRGPRF</b>	-0.05	7.94E-01	0.22	2.63E-01
<b>PPIP5K2</b>	-0.02	9.31E-01	-0.22	2.63E-01
<b>RP11-182N22.9</b>	0.19	3.42E-01	-0.22	2.63E-01
<b>RP11-454E5.4</b>	-0.12	5.34E-01	-0.22	2.63E-01
<b>RP11-767L7.1</b>	0.02	9.09E-01	-0.22	2.63E-01
<b>RP11-872J21.3</b>	0.07	7.15E-01	0.22	2.63E-01
<b>SLC35C1</b>	0.33	8.64E-02	0.22	2.63E-01
<b>SPOCK1</b>	-0.11	5.85E-01	0.22	2.63E-01
<b>TFAP2E</b>	-0.11	5.81E-01	-0.22	2.63E-01
<b>VPS28</b>	0.03	8.82E-01	0.22	2.63E-01
<b>WBP1L</b>	0.15	4.39E-01	0.22	2.63E-01
<b>XLOC_000828</b>	0.03	8.81E-01	-0.22	2.63E-01
<b>ZC3H8</b>	-0.14	4.82E-01	-0.22	2.63E-01
<b>ABHD12</b>	0.21	2.83E-01	0.22	2.64E-01
<b>AL590762.11</b>	-0.19	3.31E-01	-0.22	2.64E-01
<b>AP000350.5</b>	-0.22	2.53E-01	0.22	2.64E-01
<b>C18orf32</b>	-0.17	3.88E-01	-0.22	2.64E-01
<b>CYP2S1</b>	0.14	4.89E-01	0.22	2.64E-01
<b>G27789</b>	0.14	4.84E-01	-0.22	2.64E-01
<b>INSM1</b>	-0.01	9.65E-01	0.22	2.64E-01
<b>KB-7G2.9</b>	-0.03	8.89E-01	0.22	2.64E-01

LRRCS5	0.31	1.08E-01	0.22	2.64E-01
PIPSL	0.18	3.55E-01	-0.22	2.64E-01
RNU7-160P	-0.27	1.71E-01	0.22	2.64E-01
RP11-159M11.2	-0.29	1.40E-01	-0.22	2.64E-01
RP11-173P15.10	-0.09	6.60E-01	-0.22	2.64E-01
RP11-524O1.4	-0.27	1.59E-01	0.22	2.64E-01
RPP30	-0.28	1.48E-01	-0.22	2.64E-01
SLC28A2	0.04	8.26E-01	0.22	2.64E-01
SOAT1	-0.12	5.45E-01	-0.22	2.64E-01
SYNGR1	-0.15	4.53E-01	0.22	2.64E-01
U47924.31	-0.23	2.35E-01	0.22	2.64E-01
UBQLN4P1	0.00	9.92E-01	0.22	2.64E-01
ACR	0.23	2.45E-01	-0.22	2.64E-01
CBX3P2	-0.01	9.45E-01	-0.22	2.64E-01
CCNG1	0.41	3.06E-02	-0.22	2.64E-01
KRTAP5-9	-0.23	2.35E-01	-0.22	2.64E-01
OVGP1	-0.15	4.31E-01	-0.22	2.64E-01
RNU5E-10P	-0.23	2.34E-01	-0.22	2.64E-01
RP11-637N19.1	0.14	4.75E-01	-0.22	2.64E-01
RP11-87H9.2	-0.13	5.09E-01	-0.22	2.64E-01
SLC10A2	-0.10	6.20E-01	-0.22	2.64E-01
SSPO	-0.39	3.77E-02	-0.22	2.64E-01
VCL	-0.08	6.96E-01	-0.22	2.64E-01
XLOC_005361	0.06	7.43E-01	-0.22	2.64E-01
AL121952.1	0.03	8.97E-01	0.22	2.64E-01
CNPPD1	-0.06	7.70E-01	0.22	2.64E-01
DLGAP2	-0.02	9.06E-01	0.22	2.64E-01
INHBB	0.08	6.91E-01	0.22	2.64E-01
RARRES3	-0.02	9.25E-01	0.22	2.64E-01
SAMD9L	0.22	2.65E-01	0.22	2.64E-01
SLFN13	0.13	5.11E-01	0.22	2.64E-01
TNFSF15	0.27	1.59E-01	0.22	2.64E-01
TOP1	0.12	5.28E-01	0.22	2.64E-01
UBE2O	0.16	4.17E-01	0.22	2.64E-01
WAS	0.09	6.45E-01	0.22	2.64E-01
AC019186.1	-0.24	2.11E-01	0.22	2.65E-01
AC092295.4	0.17	3.76E-01	-0.22	2.65E-01
CTD-2184D3.3	0.18	3.63E-01	-0.22	2.65E-01
DDB2	0.06	7.66E-01	0.22	2.65E-01
EPHX3	0.42	2.61E-02	0.22	2.65E-01
FAM160B1	-0.01	9.43E-01	-0.22	2.65E-01
G10909	-0.18	3.62E-01	0.22	2.65E-01
GIPC3	-0.26	1.87E-01	-0.22	2.65E-01
GOLGA8Q	0.21	2.75E-01	-0.22	2.65E-01
MOSPD1	0.32	9.30E-02	0.22	2.65E-01
MUSK	-0.22	2.54E-01	-0.22	2.65E-01
POU6F1	-0.04	8.56E-01	-0.22	2.65E-01

RP11-497E19.1	-0.04	8.28E-01	0.22	2.65E-01
RP11-766F14.2	-0.04	8.42E-01	-0.22	2.65E-01
RP5-894A10.2	-0.07	7.38E-01	-0.22	2.65E-01
SWSAP1	0.27	1.72E-01	0.22	2.65E-01
TEN1-CDK3	-0.18	3.46E-01	-0.22	2.65E-01
TMEM60	0.12	5.46E-01	0.22	2.65E-01
USP36	0.05	8.12E-01	-0.22	2.65E-01
XLOC_011471	-0.15	4.58E-01	0.22	2.65E-01
AAK1	-0.01	9.47E-01	0.22	2.66E-01
BHLHE40	0.08	6.90E-01	0.22	2.66E-01
CTD-2186M15.3	-0.02	9.31E-01	0.22	2.66E-01
GTF2IP13	-0.17	4.00E-01	0.22	2.66E-01
IFIT3	0.35	6.48E-02	0.22	2.66E-01
KCTD18	0.19	3.27E-01	0.22	2.66E-01
OAF	0.10	6.13E-01	0.22	2.66E-01
RP1-43O17.2	0.24	2.28E-01	0.22	2.66E-01
RP11-253I19.4	-0.11	5.67E-01	0.22	2.66E-01
RP11-521D12.5	-0.18	3.62E-01	0.22	2.66E-01
AC097662.2	0.04	8.35E-01	-0.22	2.66E-01
EEF1E1	0.23	2.42E-01	-0.22	2.66E-01
OXCT2	0.08	6.77E-01	-0.22	2.66E-01
RNU6-722P	-0.12	5.48E-01	-0.22	2.66E-01
RP11-531A24.7	0.02	9.28E-01	-0.22	2.66E-01
RP11-561N12.5	-0.06	7.68E-01	-0.22	2.66E-01
RPS4XP14	0.12	5.34E-01	-0.22	2.66E-01
AC026150.8	-0.42	2.52E-02	0.22	2.66E-01
ADAM20	-0.23	2.29E-01	-0.22	2.66E-01
C1QTNF7	-0.15	4.39E-01	-0.22	2.66E-01
CYP4A11	0.13	5.01E-01	-0.22	2.66E-01
ENOPH1	0.02	9.28E-01	-0.22	2.66E-01
GS1-166A23.1	0.07	7.25E-01	0.22	2.66E-01
HIRA	0.38	4.33E-02	0.22	2.66E-01
HOXC12	0.24	2.19E-01	0.22	2.66E-01
PHGR1	-0.01	9.79E-01	-0.22	2.66E-01
RAMP2	-0.30	1.24E-01	0.22	2.66E-01
RP11-209D20.2	0.02	9.28E-01	-0.22	2.66E-01
RP11-35G22.1	0.30	1.21E-01	-0.22	2.66E-01
RP11-420K10.1	-0.05	7.99E-01	-0.22	2.66E-01
RP11-612B6.2	-0.19	3.39E-01	0.22	2.66E-01
RP11-677M14.3	-0.25	2.07E-01	-0.22	2.66E-01
RP11-720N19.2	0.14	4.90E-01	0.22	2.66E-01
RP3-340B19.5	0.06	7.51E-01	0.22	2.66E-01
SLC7A11	0.26	1.79E-01	0.22	2.66E-01
SMARCC2	-0.36	5.99E-02	0.22	2.66E-01
TANC1	0.09	6.55E-01	-0.22	2.66E-01
CCNB3	-0.14	4.72E-01	0.22	2.67E-01
CCR10	-0.13	5.00E-01	0.22	2.67E-01



<b>CTC-441N14.4</b>	0.12	5.46E-01	0.22	2.67E-01
<b>FAM96AP2</b>	0.03	8.61E-01	0.22	2.67E-01
<b>FOXP1-AS1</b>	-0.10	6.05E-01	0.22	2.67E-01
<b>G19170</b>	0.31	1.09E-01	0.22	2.67E-01
<b>KCTD21-AS1</b>	0.01	9.51E-01	0.22	2.67E-01
<b>NADSYN1</b>	-0.11	5.63E-01	0.22	2.67E-01
<b>PANK2</b>	0.53	3.85E-03	0.22	2.67E-01
<b>RGS20</b>	-0.01	9.43E-01	0.22	2.67E-01
<b>RP11-380I10.3</b>	0.04	8.54E-01	0.22	2.67E-01
<b>UNC93A</b>	0.20	3.02E-01	0.22	2.67E-01
<b>XLOC_003787</b>	0.03	8.67E-01	0.22	2.67E-01
<b>G38643</b>	-0.06	7.45E-01	-0.22	2.67E-01
<b>HPSE2</b>	-0.01	9.57E-01	-0.22	2.67E-01
<b>LINC00678</b>	-0.19	3.39E-01	-0.22	2.67E-01
<b>LRCH1</b>	-0.23	2.44E-01	-0.22	2.67E-01
<b>PRDM10</b>	-0.40	3.72E-02	-0.22	2.67E-01
<b>PTPN13</b>	-0.09	6.60E-01	-0.22	2.67E-01
<b>RP11-118F19.1</b>	-0.30	1.19E-01	-0.22	2.67E-01
<b>RP11-2B6.2</b>	-0.28	1.54E-01	-0.22	2.67E-01
<b>RP11-2K6.2</b>	-0.10	6.31E-01	-0.22	2.67E-01
<b>RP11-308D13.3</b>	-0.15	4.59E-01	-0.22	2.67E-01
<b>RP11-708L7.9</b>	0.30	1.23E-01	-0.22	2.67E-01
<b>SREK1</b>	-0.13	5.07E-01	-0.22	2.67E-01
<b>SSR3</b>	0.06	7.64E-01	-0.22	2.67E-01
<b>TRMT6</b>	0.17	3.79E-01	-0.22	2.67E-01
<b>AC006116.17</b>	-0.06	7.58E-01	-0.22	2.68E-01
<b>AC007690.1</b>	-0.22	2.55E-01	0.22	2.68E-01
<b>AC009228.1</b>	-0.14	4.72E-01	-0.22	2.68E-01
<b>AC015726.1</b>	-0.18	3.61E-01	-0.22	2.68E-01
<b>AIG1P1</b>	-0.54	2.72E-03	-0.22	2.68E-01
<b>CWH43</b>	0.16	4.20E-01	0.22	2.68E-01
<b>DUX4L50</b>	-0.14	4.85E-01	0.22	2.68E-01
<b>ELL</b>	0.12	5.56E-01	0.22	2.68E-01
<b>FKRP</b>	0.17	3.86E-01	0.22	2.68E-01
<b>LINC01272</b>	0.09	6.48E-01	0.22	2.68E-01
<b>MACROD2</b>	-0.28	1.54E-01	-0.22	2.68E-01
<b>NPNT</b>	-0.02	9.04E-01	0.22	2.68E-01
<b>PIK3R5</b>	0.11	5.85E-01	0.22	2.68E-01
<b>RP11-144A16.8</b>	-0.07	7.20E-01	-0.22	2.68E-01
<b>RP11-196G11.5</b>	0.06	7.54E-01	-0.22	2.68E-01
<b>RP11-304F15.3</b>	-0.19	3.46E-01	-0.22	2.68E-01
<b>RP11-337N6.1</b>	-0.08	6.77E-01	-0.22	2.68E-01
<b>RP11-460N20.4</b>	-0.10	6.18E-01	-0.22	2.68E-01
<b>RP11-57H12.5</b>	-0.36	5.82E-02	-0.22	2.68E-01
<b>TMEM263</b>	0.18	3.51E-01	-0.22	2.68E-01
<b>XLOC_007725</b>	-0.09	6.33E-01	-0.22	2.68E-01
<b>ZNF480</b>	0.24	2.14E-01	0.22	2.68E-01

ZNF665	-0.11	5.93E-01	-0.22	2.68E-01
AIF1L	-0.26	1.86E-01	-0.22	2.68E-01
ANAPC1	0.12	5.29E-01	-0.22	2.68E-01
APPL1	0.11	5.94E-01	-0.22	2.68E-01
ARL6IP6	0.08	6.80E-01	-0.22	2.68E-01
CAMK2N1	-0.13	4.93E-01	-0.22	2.68E-01
CD44	0.07	7.29E-01	0.22	2.68E-01
DRD4	0.16	4.20E-01	0.22	2.68E-01
GHC-857G6.7	-0.36	5.82E-02	-0.22	2.68E-01
KLHL5	0.10	6.00E-01	0.22	2.68E-01
LRP1B	0.07	7.40E-01	-0.22	2.68E-01
LY6G6C	-0.22	2.61E-01	0.22	2.68E-01
PID1	0.00	9.83E-01	0.22	2.68E-01
POU5F1	0.03	8.93E-01	-0.22	2.68E-01
RNU6-1278P	-0.09	6.45E-01	-0.22	2.68E-01
RP11-305O4.3	-0.18	3.55E-01	-0.22	2.68E-01
RPL23AP18	0.01	9.60E-01	-0.22	2.68E-01
TRGV5	0.29	1.38E-01	0.22	2.68E-01
ZNF653	-0.13	4.95E-01	-0.22	2.68E-01
CPAMD8	-0.15	4.37E-01	0.22	2.69E-01
MAP3K5	0.33	9.01E-02	0.22	2.69E-01
MTCO1P12	0.13	5.07E-01	0.22	2.69E-01
RP1-18D14.7	0.25	1.97E-01	0.22	2.69E-01
RP5-1056H1.2	0.09	6.52E-01	0.22	2.69E-01
RSAD1	0.29	1.38E-01	0.22	2.69E-01
SH2D4A	0.21	2.73E-01	0.22	2.69E-01
TSEN54	-0.12	5.42E-01	0.22	2.69E-01
ADGRD1	-0.21	2.93E-01	-0.22	2.69E-01
CTA-217C2.2	-0.15	4.33E-01	-0.22	2.69E-01
CTB-92J24.2	0.02	9.11E-01	-0.22	2.69E-01
INSL6	-0.18	3.48E-01	-0.22	2.69E-01
NOV	0.09	6.67E-01	-0.22	2.69E-01
RP11-363E7.4	-0.23	2.31E-01	-0.22	2.69E-01
RSPH14	-0.07	7.11E-01	-0.22	2.69E-01
STAC3	0.00	9.86E-01	-0.22	2.69E-01
TCF15	0.08	6.83E-01	-0.22	2.69E-01
AC115115.3	-0.16	4.21E-01	-0.22	2.70E-01
EIF1B	0.07	7.13E-01	-0.22	2.70E-01
GABRD	-0.13	5.17E-01	-0.22	2.70E-01
LRIG3	-0.42	2.66E-02	-0.22	2.70E-01
MLLT4	0.12	5.27E-01	-0.22	2.70E-01
RP11-125O115.1	0.03	8.64E-01	-0.22	2.70E-01
ST6GALNAC5	0.13	5.11E-01	-0.22	2.70E-01
TBPL1	0.20	3.01E-01	-0.22	2.70E-01
ZC4H2	0.09	6.65E-01	-0.22	2.70E-01
AMACR	-0.20	2.99E-01	0.22	2.70E-01
ATP7B	0.10	6.26E-01	0.22	2.70E-01

GRAMD1A	0.09	6.43E-01	0.22	2.70E-01
GRAMD4	0.16	4.06E-01	0.22	2.70E-01
HSD17B3	-0.12	5.33E-01	0.22	2.70E-01
KCNMB1	0.06	7.67E-01	0.22	2.70E-01
KRT5	-0.03	8.69E-01	0.22	2.70E-01
LCE1D	0.05	7.89E-01	0.22	2.70E-01
MGRN1	0.03	8.77E-01	0.22	2.70E-01
PARP10	0.20	3.02E-01	0.22	2.70E-01
RP11-631M6.3	0.23	2.38E-01	0.22	2.70E-01
TANGO6	0.23	2.43E-01	0.22	2.70E-01
TECPR1	0.28	1.52E-01	0.22	2.70E-01
snoZ5	-0.08	6.87E-01	0.22	2.70E-01
ARV1	0.10	5.97E-01	0.22	2.70E-01
G35511	-0.08	6.92E-01	0.22	2.70E-01
IGHG4	0.34	7.74E-02	0.22	2.70E-01
IGSF22	0.07	7.09E-01	0.22	2.70E-01
INPP5K	-0.15	4.46E-01	0.22	2.70E-01
MPV17	-0.22	2.53E-01	0.22	2.70E-01
RASSF1	-0.01	9.40E-01	0.22	2.70E-01
RP11-353H3.1	-0.12	5.46E-01	0.22	2.70E-01
RP11-367F23.2	0.08	6.72E-01	0.22	2.70E-01
RP11-62I21.1	0.04	8.55E-01	0.22	2.70E-01
RPL7P49	-0.09	6.47E-01	0.22	2.70E-01
SMPD3	0.35	6.94E-02	0.22	2.70E-01
XGY1	0.47	1.15E-02	0.22	2.70E-01
AC005154.7	-0.14	4.71E-01	-0.22	2.70E-01
AGR2	-0.11	5.74E-01	-0.22	2.70E-01
CTD-2292M16.8	-0.10	6.23E-01	-0.22	2.70E-01
KIAA1522	0.00	9.83E-01	-0.22	2.70E-01
MYEOV	-0.19	3.35E-01	-0.22	2.70E-01
NEURL1B	-0.11	5.79E-01	-0.22	2.70E-01
RP11-283G6.4	-0.26	1.78E-01	-0.22	2.70E-01
RP11-310H4.6	0.18	3.50E-01	-0.22	2.70E-01
RP11-343N15.5	-0.14	4.93E-01	-0.22	2.70E-01
RP11-702F3.1	-0.05	7.93E-01	-0.22	2.70E-01
SNORD59A	0.20	3.05E-01	-0.22	2.70E-01
XLOC_005549	-0.37	5.60E-02	-0.22	2.70E-01
AC003080.4	-0.02	9.08E-01	0.22	2.71E-01
CILP	-0.28	1.44E-01	0.22	2.71E-01
COX6B1P3	0.24	2.24E-01	0.22	2.71E-01
CTD-2227E11.1	0.15	4.40E-01	-0.22	2.71E-01
CTD-2292P10.4	0.11	5.82E-01	-0.22	2.71E-01
E2F6	0.05	7.97E-01	-0.22	2.71E-01
EEF1A1P5	-0.03	8.83E-01	0.22	2.71E-01
FAM134A	0.10	6.09E-01	0.22	2.71E-01
GLTP	0.31	1.14E-01	0.22	2.71E-01
HDDC3	0.17	3.94E-01	0.22	2.71E-01

LAYN	-0.10	6.31E-01	0.22	2.71E-01
LINC01224	-0.26	1.76E-01	-0.22	2.71E-01
LLGL2	-0.08	6.86E-01	-0.22	2.71E-01
MLLT10	-0.37	5.60E-02	-0.22	2.71E-01
PLD5	0.07	7.13E-01	-0.22	2.71E-01
RP1-140C12.2	-0.27	1.63E-01	-0.22	2.71E-01
RP11-1081L13.4	-0.10	6.01E-01	-0.22	2.71E-01
RP11-394J1.2	0.14	4.66E-01	0.22	2.71E-01
RP3-342P20.2	-0.05	8.14E-01	-0.22	2.71E-01
SKP1P1	0.07	7.35E-01	0.22	2.71E-01
SRF	0.06	7.78E-01	0.22	2.71E-01
WDR4	-0.08	6.79E-01	0.22	2.71E-01
KXbac-B444P24.13	0.00	9.90E-01	-0.22	2.71E-01
ZNF7	0.19	3.31E-01	-0.22	2.71E-01
CELF2-AS2	0.01	9.72E-01	-0.22	2.72E-01
G10551	0.07	7.21E-01	-0.22	2.72E-01
G39803	0.13	5.22E-01	-0.22	2.72E-01
GPR20	0.02	9.12E-01	-0.22	2.72E-01
HIATL1	0.30	1.22E-01	-0.22	2.72E-01
HSD3BP2	0.31	1.14E-01	-0.22	2.72E-01
KLK15	-0.05	7.96E-01	-0.22	2.72E-01
LINC01068	-0.20	3.06E-01	-0.22	2.72E-01
PPP2R2B	-0.06	7.65E-01	-0.22	2.72E-01
RP11-15H20.6	0.17	3.81E-01	-0.22	2.72E-01
RP11-751K21.1	0.01	9.43E-01	-0.22	2.72E-01
RP13-455A7.1	-0.04	8.23E-01	-0.22	2.72E-01
SLC22A17	-0.45	1.66E-02	-0.22	2.72E-01
ZIC4	-0.19	3.30E-01	-0.22	2.72E-01
CDC42BPB	0.16	4.29E-01	0.22	2.72E-01
FUT3	0.27	1.73E-01	0.22	2.72E-01
HMGB1P24	-0.23	2.43E-01	0.22	2.72E-01
NAV2-IT1	-0.23	2.47E-01	0.22	2.72E-01
P2RY2	0.32	1.01E-01	0.22	2.72E-01
PATL1	0.09	6.57E-01	0.22	2.72E-01
PPP1R3B	-0.16	4.29E-01	0.22	2.72E-01
RP11-465K4.4	0.01	9.78E-01	0.22	2.72E-01
RP5-836N17.4	0.37	5.18E-02	0.22	2.72E-01
RPL23AP55	0.19	3.37E-01	0.22	2.72E-01
AC018755.1	-0.31	1.09E-01	0.22	2.72E-01
ATRIP	-0.05	8.16E-01	0.22	2.72E-01
CTC-260E6.6	-0.06	7.69E-01	-0.22	2.72E-01
CTD-2267D19.1	-0.16	4.15E-01	0.22	2.72E-01
FAM120AOS	0.14	4.81E-01	0.22	2.72E-01
FAM26E	0.00	9.96E-01	-0.22	2.72E-01
FSD1L	-0.14	4.79E-01	-0.22	2.72E-01
G7822	-0.20	3.16E-01	-0.22	2.72E-01
GPBP1	0.04	8.32E-01	-0.22	2.72E-01

MTX1P1	0.16	4.03E-01	0.22	2.72E-01
PDC	-0.31	1.13E-01	-0.22	2.72E-01
RALY-AS1	0.16	4.29E-01	0.22	2.72E-01
RP11-26L20.3	-0.11	5.77E-01	-0.22	2.72E-01
RP11-720L2.2	-0.05	7.94E-01	-0.22	2.72E-01
S100A5	-0.41	3.22E-02	0.22	2.72E-01
TPSG1	-0.13	5.18E-01	0.22	2.72E-01
ZNF26	-0.10	6.08E-01	-0.22	2.72E-01
ZNF697	-0.08	6.87E-01	0.22	2.72E-01
AC012368.1	-0.09	6.67E-01	-0.22	2.73E-01
AC079325.6	0.18	3.67E-01	0.22	2.73E-01
AKAP3	0.04	8.36E-01	0.22	2.73E-01
AKT1S1	0.38	4.66E-02	0.22	2.73E-01
B3GNT8	0.12	5.37E-01	0.22	2.73E-01
C11orf71	-0.17	3.98E-01	0.22	2.73E-01
CDC42EP3P1	-0.17	3.88E-01	0.22	2.73E-01
CTD-2619J13.5	-0.34	7.44E-02	0.22	2.73E-01
ESRRB	0.03	8.75E-01	0.22	2.73E-01
FAM110D	-0.10	6.05E-01	0.22	2.73E-01
GCK	0.26	1.80E-01	-0.22	2.73E-01
IGFBP6	-0.04	8.45E-01	0.22	2.73E-01
KHDC1	0.13	4.93E-01	0.22	2.73E-01
LINC00205	-0.13	5.05E-01	-0.22	2.73E-01
MIR4697HG	-0.32	1.01E-01	-0.22	2.73E-01
MIR562	0.16	4.05E-01	-0.22	2.73E-01
NUDT9	-0.11	5.71E-01	0.22	2.73E-01
OR2A1-AS1	0.21	2.87E-01	-0.22	2.73E-01
PWRN1	0.15	4.44E-01	-0.22	2.73E-01
RNA5SP507	0.06	7.50E-01	-0.22	2.73E-01
RP11-1123I8.1	0.06	7.48E-01	0.22	2.73E-01
RP11-1275H24.1	0.34	7.42E-02	0.22	2.73E-01
RP11-329B9.3	-0.14	4.92E-01	-0.22	2.73E-01
RRP8	0.26	1.81E-01	-0.22	2.73E-01
TAGLN2P1	-0.24	2.23E-01	0.22	2.73E-01
VAMP8	0.09	6.64E-01	0.22	2.73E-01
AC008697.1	0.12	5.47E-01	0.22	2.74E-01
AKAP9	-0.10	5.96E-01	-0.22	2.74E-01
ARMT1	0.22	2.65E-01	0.22	2.74E-01
ASUN	0.04	8.45E-01	0.22	2.74E-01
CLN3	0.04	8.51E-01	0.22	2.74E-01
CRACR2B	-0.35	7.01E-02	-0.22	2.74E-01
CTAGE5	0.16	4.07E-01	-0.22	2.74E-01
DIP2B	-0.16	4.28E-01	-0.22	2.74E-01
EBF1	-0.42	2.76E-02	0.22	2.74E-01
FAM86B3P	0.02	9.15E-01	-0.22	2.74E-01
FDXR	0.03	8.71E-01	0.22	2.74E-01
FKTN	0.20	3.09E-01	-0.22	2.74E-01

ITGA2	0.13	5.08E-01	0.22	2.74E-01
ITGB8	0.18	3.72E-01	-0.22	2.74E-01
KCTD1	0.26	1.89E-01	0.22	2.74E-01
LINC00284	-0.19	3.41E-01	-0.22	2.74E-01
LLNLR-304G9.1	0.01	9.64E-01	-0.22	2.74E-01
MAPT-AS1	-0.40	3.63E-02	0.22	2.74E-01
OARD1	-0.09	6.61E-01	0.22	2.74E-01
PHOSPHO2	-0.03	8.71E-01	-0.22	2.74E-01
PON3	0.55	2.19E-03	-0.22	2.74E-01
RP1-20N2.8	0.20	3.03E-01	-0.22	2.74E-01
RP5-1142A6.10	-0.12	5.59E-01	-0.22	2.74E-01
STARD13	-0.03	8.99E-01	0.22	2.74E-01
SYT13	0.09	6.32E-01	0.22	2.74E-01
TNFAIP8L1	0.01	9.71E-01	0.22	2.74E-01
UBE2U	-0.05	8.19E-01	0.22	2.74E-01
AC027612.1	0.07	7.21E-01	0.22	2.74E-01
C8orf58	-0.04	8.54E-01	0.22	2.74E-01
CHCHD2P6	0.27	1.58E-01	0.22	2.74E-01
CHTF8	0.01	9.61E-01	0.22	2.74E-01
CTB-176F20.3	-0.28	1.44E-01	-0.22	2.74E-01
CTSV	-0.13	5.10E-01	-0.22	2.74E-01
FOS	-0.18	3.58E-01	-0.22	2.74E-01
GPR17	-0.10	5.98E-01	-0.22	2.74E-01
INSIG1	0.04	8.54E-01	-0.22	2.74E-01
MIER1	0.05	7.88E-01	-0.22	2.74E-01
NDC1	0.21	2.92E-01	-0.22	2.74E-01
RGS19	0.16	4.09E-01	0.22	2.74E-01
RP11-457M11.6	0.08	6.75E-01	-0.22	2.74E-01
RP11-609N14.4	0.15	4.61E-01	-0.22	2.74E-01
RP11-624C23.1	-0.39	4.04E-02	0.22	2.74E-01
RP11-642A1.2	-0.02	9.04E-01	0.22	2.74E-01
TGFBR1	0.10	6.01E-01	0.22	2.74E-01
XLOC_006299	-0.08	6.94E-01	-0.22	2.74E-01
XLOC_011484	-0.26	1.87E-01	-0.22	2.74E-01
XLOC_013863	0.27	1.62E-01	-0.22	2.74E-01
AC015849.19	-0.17	3.85E-01	-0.22	2.75E-01
AKAP8	-0.13	5.13E-01	-0.22	2.75E-01
ANKAR	-0.04	8.46E-01	-0.22	2.75E-01
NUTM2E	-0.23	2.33E-01	-0.22	2.75E-01
RNU6-341P	-0.04	8.52E-01	-0.22	2.75E-01
RP11-286N22.6	0.41	3.20E-02	-0.22	2.75E-01
RP11-48B3.4	0.07	7.30E-01	-0.22	2.75E-01
RP11-57G10.8	-0.02	9.25E-01	-0.22	2.75E-01
RP11-676J12.8	-0.17	3.76E-01	-0.22	2.75E-01
SLC1A1	0.09	6.46E-01	-0.22	2.75E-01
TM9SF1	0.01	9.79E-01	-0.22	2.75E-01
VPS26BP1	0.11	5.91E-01	-0.22	2.75E-01

<b>CTD-2161E19.1</b>	0.18	3.60E-01	0.22	2.75E-01
<b>DDX60L</b>	0.38	4.81E-02	0.22	2.75E-01
<b>EZH2</b>	0.05	8.17E-01	0.22	2.75E-01
<b>G28250</b>	0.23	2.49E-01	0.22	2.75E-01
<b>IGKC</b>	0.42	2.55E-02	0.22	2.75E-01
<b>MIR4999</b>	-0.06	7.58E-01	0.22	2.75E-01
<b>SYNPR</b>	-0.14	4.72E-01	0.22	2.75E-01
<b>TSTA3</b>	0.10	6.21E-01	0.22	2.75E-01
<b>XLOC_003400</b>	0.37	5.20E-02	0.22	2.75E-01
<b>ZER1</b>	0.19	3.26E-01	0.22	2.75E-01
<b>AC017084.1</b>	0.19	3.26E-01	0.22	2.76E-01
<b>AC098614.2</b>	0.00	9.83E-01	0.22	2.76E-01
<b>ARMCX6</b>	-0.22	2.64E-01	-0.22	2.76E-01
<b>CA4</b>	-0.17	3.79E-01	0.22	2.76E-01
<b>CASP9</b>	-0.02	9.08E-01	0.22	2.76E-01
<b>CTD-2560C21.1</b>	-0.07	7.32E-01	-0.22	2.76E-01
<b>EDRF1</b>	-0.06	7.47E-01	-0.22	2.76E-01
<b>EPT1</b>	-0.10	6.19E-01	-0.22	2.76E-01
<b>ERBB3</b>	-0.02	9.31E-01	0.22	2.76E-01
<b>FBF1</b>	0.16	4.30E-01	0.22	2.76E-01
<b>GLO1</b>	-0.03	8.92E-01	-0.22	2.76E-01
<b>HHATL</b>	-0.09	6.60E-01	-0.22	2.76E-01
<b>ICE2</b>	0.10	5.97E-01	-0.22	2.76E-01
<b>RN7SKP163</b>	0.01	9.78E-01	-0.22	2.76E-01
<b>RNU7-162P</b>	0.08	6.87E-01	-0.22	2.76E-01
<b>RP11-1038A11.1</b>	-0.15	4.43E-01	-0.22	2.76E-01
<b>RP11-513O13.1</b>	-0.27	1.67E-01	-0.22	2.76E-01
<b>RP11-64K12.9</b>	-0.41	2.91E-02	0.22	2.76E-01
<b>RP11-701P16.2</b>	-0.33	8.29E-02	-0.22	2.76E-01
<b>RP11-830F9.6</b>	0.01	9.67E-01	0.22	2.76E-01
<b>XLOC_012692</b>	0.20	3.19E-01	0.22	2.76E-01
<b>AARS2</b>	0.26	1.80E-01	0.22	2.77E-01
<b>AC108488.4</b>	-0.01	9.64E-01	0.22	2.77E-01
<b>BPIFB9P</b>	-0.07	7.07E-01	-0.22	2.77E-01
<b>CTB-92J24.3</b>	-0.09	6.37E-01	-0.22	2.77E-01
<b>G11342</b>	-0.06	7.61E-01	-0.22	2.77E-01
<b>G32185</b>	0.05	8.11E-01	0.22	2.77E-01
<b>GAPDHP61</b>	-0.03	8.86E-01	0.22	2.77E-01
<b>GOLGA8A</b>	-0.10	6.08E-01	-0.22	2.77E-01
<b>HEATR5A</b>	0.04	8.33E-01	0.22	2.77E-01
<b>LINC01183</b>	0.23	2.29E-01	-0.22	2.77E-01
<b>MAP1LC3C</b>	-0.08	6.75E-01	-0.22	2.77E-01
<b>MOB2</b>	0.07	7.22E-01	0.22	2.77E-01
<b>RN7SKP124</b>	0.22	2.65E-01	-0.22	2.77E-01
<b>RN7SL188P</b>	0.08	6.85E-01	-0.22	2.77E-01
<b>RN7SL284P</b>	-0.17	3.98E-01	0.22	2.77E-01
<b>RNU5E-3P</b>	-0.12	5.29E-01	-0.22	2.77E-01

RP11-181C3.1	-0.38	4.90E-02	0.22	2.77E-01
RP11-927P21.4	-0.07	7.40E-01	-0.22	2.77E-01
RP5-1028K7.2	0.25	1.97E-01	0.22	2.77E-01
TRAF3	0.09	6.38E-01	0.22	2.77E-01
TRG-AS1	0.41	3.14E-02	0.22	2.77E-01
UBE2H	0.11	5.94E-01	0.22	2.77E-01
AL773572.7	-0.32	9.62E-02	-0.22	2.77E-01
COX19	0.00	9.99E-01	-0.22	2.77E-01
KB-1090H4.2	-0.08	6.70E-01	-0.22	2.77E-01
PKIB	0.21	2.74E-01	-0.22	2.77E-01
RNU6-681P	0.02	9.35E-01	-0.22	2.77E-01
RP11-528I4.2	0.09	6.64E-01	-0.22	2.77E-01
SORL1	0.05	8.10E-01	-0.22	2.77E-01
ASB16-AS1	0.24	2.09E-01	0.22	2.77E-01
CTD-3184A7.4	-0.13	5.07E-01	0.22	2.77E-01
G34931	-0.17	3.95E-01	0.22	2.77E-01
HSPD1P3	0.41	3.24E-02	0.22	2.77E-01
PARM1	-0.06	7.43E-01	0.22	2.77E-01
RNF112	-0.33	8.92E-02	0.22	2.77E-01
RP3-460G2.2	-0.38	4.52E-02	0.22	2.77E-01
RPL7P14	0.10	6.09E-01	0.22	2.77E-01
TOB2P1	-0.07	7.09E-01	0.22	2.77E-01
UAP1L1	0.20	2.99E-01	0.22	2.77E-01
CD82	0.18	3.61E-01	0.22	2.78E-01
LZTS2	0.16	4.22E-01	0.22	2.78E-01
RP11-264L1.3	-0.03	8.70E-01	0.22	2.78E-01
RP13-46H24.1	-0.05	8.13E-01	0.22	2.78E-01
SAYSD1	0.00	9.86E-01	0.22	2.78E-01
TGM1	0.27	1.57E-01	0.22	2.78E-01
ARRDC3-AS1	-0.15	4.56E-01	-0.22	2.78E-01
DKFZP434I0714	0.16	4.12E-01	-0.22	2.78E-01
KLKB1	-0.33	8.16E-02	-0.22	2.78E-01
LINC01481	-0.37	5.50E-02	-0.22	2.78E-01
RP3-473B4.3	0.10	5.98E-01	-0.22	2.78E-01
UBOX5-AS1	0.07	7.41E-01	-0.22	2.78E-01
ZNF705E	-0.10	5.98E-01	-0.22	2.78E-01
AC068282.3	-0.51	5.74E-03	0.22	2.79E-01
ARL6IP1	0.04	8.28E-01	-0.22	2.79E-01
DEPDC5	0.04	8.21E-01	0.22	2.79E-01
HMGA1P4	-0.06	7.66E-01	-0.22	2.79E-01
ITGB7	-0.04	8.58E-01	-0.22	2.79E-01
LIPM	-0.19	3.31E-01	-0.22	2.79E-01
PEX2	0.25	1.99E-01	0.22	2.79E-01
PHKG2	-0.17	3.86E-01	0.22	2.79E-01
ROPN1B	-0.34	7.32E-02	-0.22	2.79E-01
RP11-480A16.1	0.07	7.42E-01	-0.22	2.79E-01
RUFY3	-0.16	4.12E-01	-0.22	2.79E-01



SSBP4	0.03	8.70E-01	-0.22	2.79E-01
TSPYL4	-0.22	2.54E-01	-0.22	2.79E-01
Xbac-BPG283O16.	-0.10	6.24E-01	-0.22	2.79E-01
AC010148.1	0.28	1.46E-01	-0.22	2.79E-01
ADSS	0.22	2.57E-01	-0.22	2.79E-01
AP001628.6	-0.20	3.10E-01	-0.22	2.79E-01
FAM185BP	-0.18	3.48E-01	-0.22	2.79E-01
JMJD1C	-0.13	4.98E-01	-0.22	2.79E-01
RN7SL330P	-0.03	8.74E-01	-0.22	2.79E-01
RP11-56F10.3	-0.20	3.01E-01	-0.22	2.79E-01
SERPINE1	-0.11	5.67E-01	-0.22	2.79E-01
XLOC_001023	-0.17	4.01E-01	-0.22	2.79E-01
XLOC_013461	-0.13	5.05E-01	-0.22	2.79E-01
AP001596.6	0.35	6.70E-02	0.22	2.79E-01
FAM3A	0.25	1.91E-01	0.22	2.79E-01
RP11-161H23.10	0.14	4.84E-01	0.22	2.79E-01
ZDHH4P1	0.04	8.53E-01	0.22	2.79E-01
AFAP1	-0.05	8.17E-01	0.22	2.80E-01
ANKRD7	0.06	7.75E-01	0.22	2.80E-01
P2RY6	0.14	4.82E-01	0.22	2.80E-01
RNU6ATAC	0.30	1.19E-01	0.22	2.80E-01
AC096669.3	-0.17	4.01E-01	-0.22	2.80E-01
APLF	-0.26	1.88E-01	-0.22	2.80E-01
CTA-276O3.4	0.09	6.50E-01	-0.22	2.80E-01
CTD-2132N18.4	0.21	2.83E-01	-0.22	2.80E-01
CTD-3088G3.4	-0.23	2.36E-01	-0.22	2.80E-01
HSPE1P25	-0.12	5.57E-01	-0.22	2.80E-01
LINC00528	0.28	1.49E-01	-0.22	2.80E-01
LINC01344	0.13	4.95E-01	-0.22	2.80E-01
MCM8-AS1	-0.19	3.21E-01	-0.22	2.80E-01
MIR3136	-0.16	4.16E-01	-0.22	2.80E-01
RN7SL262P	0.02	9.04E-01	-0.22	2.80E-01
RP11-1007O24.3	-0.01	9.72E-01	-0.22	2.80E-01
RP11-474I11.7	-0.20	2.99E-01	-0.22	2.80E-01
AL162431.1	-0.05	7.82E-01	-0.22	2.81E-01
ATP11A-AS1	0.19	3.36E-01	-0.22	2.81E-01
BEND7	-0.09	6.52E-01	-0.22	2.81E-01
BTBD1	0.18	3.66E-01	-0.22	2.81E-01
DLGAP1-AS2	0.04	8.52E-01	0.22	2.81E-01
G7758	0.03	8.75E-01	-0.22	2.81E-01
GDE1	0.16	4.16E-01	0.22	2.81E-01
LINC01494	-0.28	1.53E-01	0.22	2.81E-01
MIRLET7C	-0.04	8.45E-01	-0.22	2.81E-01
OR2A7	0.34	8.05E-02	-0.22	2.81E-01
PRKRA	0.13	4.98E-01	-0.22	2.81E-01
REV1	0.11	5.75E-01	-0.22	2.81E-01
RNY3	0.21	2.87E-01	0.22	2.81E-01

RP11-169K17.3	-0.11	5.94E-01	-0.22	2.81E-01
RP11-181G12.2	0.20	3.05E-01	-0.22	2.81E-01
RP11-274B21.14	-0.02	9.20E-01	-0.22	2.81E-01
RP11-295H24.4	-0.52	4.25E-03	-0.22	2.81E-01
RP11-397O4.1	-0.15	4.46E-01	-0.22	2.81E-01
RPL37P6	0.39	3.85E-02	0.22	2.81E-01
SERPINB12	0.14	4.93E-01	-0.22	2.81E-01
TUBGCP3	-0.15	4.46E-01	-0.22	2.81E-01
XKRX	0.07	7.21E-01	0.22	2.81E-01
XLOC_005426	0.06	7.72E-01	-0.22	2.81E-01
ZNF750	-0.01	9.61E-01	0.22	2.81E-01
ACPT	-0.18	3.60E-01	-0.22	2.81E-01
AIM1L	0.01	9.67E-01	-0.22	2.81E-01
BDP1	0.02	9.09E-01	-0.22	2.81E-01
CRISP2	0.17	3.97E-01	-0.22	2.81E-01
DIO3OS	0.01	9.58E-01	-0.22	2.81E-01
DNAJC25	0.15	4.60E-01	-0.22	2.81E-01
KB-1460A1.3	-0.17	3.77E-01	-0.22	2.81E-01
OTOA	0.20	3.19E-01	-0.22	2.81E-01
PSG5	0.08	6.95E-01	-0.22	2.81E-01
RASSF9	-0.12	5.57E-01	-0.22	2.81E-01
RP1-118J21.5	0.13	5.17E-01	-0.22	2.81E-01
RP11-283G6.3	-0.19	3.21E-01	-0.22	2.81E-01
RP11-386B13.4	-0.11	5.80E-01	-0.22	2.81E-01
RUVBL1-AS1	-0.12	5.35E-01	-0.22	2.81E-01
SPARC	-0.05	8.02E-01	-0.22	2.81E-01
TMOD2	0.01	9.79E-01	-0.22	2.81E-01
ZCRB1	0.04	8.58E-01	-0.22	2.81E-01
ZNF443	0.15	4.34E-01	-0.22	2.81E-01
AKR1B1P1	-0.21	2.75E-01	0.22	2.81E-01
CES2	0.36	5.88E-02	0.22	2.81E-01
GCOM1	0.11	5.93E-01	0.22	2.81E-01
LTBP1	0.15	4.57E-01	0.22	2.81E-01
MIR141	0.26	1.76E-01	0.22	2.81E-01
MYCN	0.43	2.16E-02	0.22	2.81E-01
RNU5A-1	0.13	5.07E-01	0.22	2.81E-01
RNU6-9	0.03	8.66E-01	0.22	2.81E-01
RNY3P1	-0.10	6.20E-01	0.22	2.81E-01
SPATA42	0.17	3.98E-01	0.22	2.81E-01
SPRR1A	0.13	5.03E-01	0.22	2.81E-01
TAS2R50	0.14	4.90E-01	0.22	2.81E-01
U47924.27	-0.04	8.52E-01	0.22	2.81E-01
ADIPOR2	0.14	4.69E-01	0.21	2.82E-01
AP001468.1	-0.12	5.35E-01	-0.21	2.82E-01
EEF1GP4	0.03	8.78E-01	-0.21	2.82E-01
EXOSC6	0.23	2.29E-01	-0.21	2.82E-01
FRG1JP	-0.17	3.94E-01	-0.21	2.82E-01

<b>G11188</b>	0.00	9.86E-01	-0.21	2.82E-01
<b>GLYCK-AS1</b>	0.06	7.63E-01	0.21	2.82E-01
<b>PTPRU</b>	-0.10	6.30E-01	-0.21	2.82E-01
<b>RAI1</b>	-0.09	6.46E-01	-0.21	2.82E-01
<b>RN7SL610P</b>	-0.07	7.41E-01	-0.21	2.82E-01
<b>RNU6-1054P</b>	-0.09	6.41E-01	-0.21	2.82E-01
<b>RP1-288L1.4</b>	-0.28	1.44E-01	0.21	2.82E-01
<b>RP11-143I21.1</b>	-0.10	6.13E-01	-0.21	2.82E-01
<b>RP11-158G18.1</b>	0.08	6.81E-01	-0.21	2.82E-01
<b>RP11-266K4.13</b>	-0.30	1.16E-01	0.21	2.82E-01
<b>RP11-305D15.8</b>	0.21	2.89E-01	-0.21	2.82E-01
<b>RP11-423O2.1</b>	-0.31	1.04E-01	-0.21	2.82E-01
<b>RP11-667M19.1</b>	-0.11	5.92E-01	-0.21	2.82E-01
<b>RP6-191P20.3</b>	-0.12	5.37E-01	-0.21	2.82E-01
<b>UBE2V1</b>	-0.19	3.26E-01	-0.21	2.82E-01
<b>XLOC_005371</b>	-0.50	7.18E-03	-0.21	2.82E-01
<b>AF230666.2</b>	-0.03	8.79E-01	-0.21	2.83E-01
<b>CHIT1</b>	0.33	8.73E-02	0.21	2.83E-01
<b>FGL2</b>	-0.06	7.48E-01	-0.21	2.83E-01
<b>JADE2</b>	-0.05	8.07E-01	0.21	2.83E-01
<b>MIR3685</b>	-0.12	5.30E-01	-0.21	2.83E-01
<b>NPIP7</b>	-0.21	2.78E-01	-0.21	2.83E-01
<b>NUPL2</b>	0.17	3.89E-01	-0.21	2.83E-01
<b>RBM8B</b>	0.07	7.37E-01	-0.21	2.83E-01
<b>RCBTB2</b>	0.05	7.84E-01	0.21	2.83E-01
<b>RNA5SP203</b>	0.11	5.70E-01	-0.21	2.83E-01
<b>RNU6-1253P</b>	-0.06	7.46E-01	0.21	2.83E-01
<b>RNU6ATAC27P</b>	0.14	4.83E-01	0.21	2.83E-01
<b>RP1-91J24.3</b>	0.01	9.54E-01	0.21	2.83E-01
<b>RP11-108M11.3</b>	-0.05	8.13E-01	0.21	2.83E-01
<b>RP11-219B17.3</b>	-0.30	1.26E-01	-0.21	2.83E-01
<b>RP11-545A16.1</b>	0.02	9.21E-01	-0.21	2.83E-01
<b>ANGEL2</b>	0.04	8.40E-01	-0.21	2.84E-01
<b>ANKRD36</b>	-0.15	4.59E-01	-0.21	2.84E-01
<b>C5orf49</b>	-0.37	5.29E-02	-0.21	2.84E-01
<b>CDH4</b>	-0.21	2.91E-01	0.21	2.84E-01
<b>LINC00365</b>	-0.20	3.06E-01	-0.21	2.84E-01
<b>LINC00707</b>	-0.15	4.45E-01	0.21	2.84E-01
<b>MLLT6</b>	0.14	4.72E-01	0.21	2.84E-01
<b>NAPA</b>	0.20	3.20E-01	0.21	2.84E-01
<b>RP11-109A6.3</b>	0.09	6.63E-01	0.21	2.84E-01
<b>RP11-118E18.4</b>	0.33	9.01E-02	0.21	2.84E-01
<b>ST14</b>	0.40	3.66E-02	0.21	2.84E-01
<b>TBC1D9B</b>	0.24	2.28E-01	0.21	2.84E-01
<b>ZBTB49</b>	0.02	9.06E-01	-0.21	2.84E-01
<b>ABHD11</b>	-0.29	1.36E-01	-0.21	2.84E-01
<b>ABHD2</b>	0.16	4.26E-01	-0.21	2.84E-01

APIP	-0.06	7.77E-01	-0.21	2.84E-01
C10orf67	0.11	5.68E-01	-0.21	2.84E-01
C16orf54	0.15	4.37E-01	-0.21	2.84E-01
CDCA4P4	-0.07	7.16E-01	-0.21	2.84E-01
CTC-338M12.1	-0.27	1.63E-01	-0.21	2.84E-01
CTD-2184C24.2	0.06	7.53E-01	-0.21	2.84E-01
CTD-3216D2.5	0.29	1.33E-01	-0.21	2.84E-01
G7791	-0.15	4.54E-01	-0.21	2.84E-01
KRT8P3	0.12	5.41E-01	-0.21	2.84E-01
LGALS2	0.08	6.91E-01	0.21	2.84E-01
LRRC2	-0.27	1.58E-01	-0.21	2.84E-01
LRRC31	-0.28	1.51E-01	-0.21	2.84E-01
MEMO1	0.07	7.05E-01	-0.21	2.84E-01
MTCH1	0.14	4.72E-01	-0.21	2.84E-01
OTUD3	-0.21	2.95E-01	-0.21	2.84E-01
PSG9	0.09	6.42E-01	-0.21	2.84E-01
RAB28P5	0.12	5.53E-01	0.21	2.84E-01
RP11-179A10.1	0.09	6.62E-01	0.21	2.84E-01
RP11-430K21.2	-0.19	3.27E-01	0.21	2.84E-01
RPH3AL	0.18	3.58E-01	-0.21	2.84E-01
SLC44A4	0.23	2.44E-01	-0.21	2.84E-01
SNAI3	0.06	7.59E-01	0.21	2.84E-01
SYT14P1	-0.04	8.40E-01	-0.21	2.84E-01
ZFP92	0.31	1.04E-01	0.21	2.84E-01
AC017060.1	-0.16	4.15E-01	0.21	2.85E-01
AGAP2-AS1	0.29	1.41E-01	0.21	2.85E-01
BCKDHA	0.09	6.56E-01	-0.21	2.85E-01
C1orf140	0.01	9.53E-01	-0.21	2.85E-01
ENY2	0.06	7.53E-01	-0.21	2.85E-01
G31721	0.34	7.92E-02	0.21	2.85E-01
GATSL3	-0.04	8.50E-01	0.21	2.85E-01
HLA-V	0.15	4.44E-01	0.21	2.85E-01
HNRNPA3P5	-0.06	7.68E-01	0.21	2.85E-01
JPH3	-0.10	5.95E-01	-0.21	2.85E-01
KIF14	0.13	5.14E-01	0.21	2.85E-01
LINC01254	0.16	4.22E-01	-0.21	2.85E-01
MIR151B	-0.13	4.96E-01	-0.21	2.85E-01
NBR2	0.00	9.83E-01	0.21	2.85E-01
NFKBIE	0.04	8.35E-01	0.21	2.85E-01
NXPH4	0.30	1.26E-01	0.21	2.85E-01
PTPRJ	0.21	2.88E-01	0.21	2.85E-01
RN7SL270P	0.19	3.26E-01	0.21	2.85E-01
RNU6-6P	-0.17	3.91E-01	0.21	2.85E-01
RP1-68D18.3	-0.17	3.99E-01	-0.21	2.85E-01
RP11-34A14.3	0.13	5.09E-01	-0.21	2.85E-01
RP11-376O6.2	-0.08	6.90E-01	-0.21	2.85E-01
RP3-483K16.4	0.22	2.66E-01	0.21	2.85E-01

<b>RPL23AP92</b>	0.06	7.57E-01	0.21	2.85E-01
<b>ACD</b>	-0.24	2.16E-01	0.21	2.86E-01
<b>ALOX15</b>	0.05	7.86E-01	0.21	2.86E-01
<b>AMPD1</b>	-0.21	2.93E-01	-0.21	2.86E-01
<b>BTK</b>	0.03	8.65E-01	0.21	2.86E-01
<b>DIDO1</b>	-0.06	7.45E-01	-0.21	2.86E-01
<b>EGFR</b>	0.01	9.69E-01	-0.21	2.86E-01
<b>ERN2</b>	-0.34	7.32E-02	-0.21	2.86E-01
<b>GRID1</b>	-0.09	6.67E-01	-0.21	2.86E-01
<b>IFT27</b>	-0.19	3.37E-01	-0.21	2.86E-01
<b>LINC00589</b>	-0.30	1.20E-01	0.21	2.86E-01
<b>PLEKHA1</b>	0.04	8.40E-01	-0.21	2.86E-01
<b>PRKCA</b>	0.00	9.81E-01	-0.21	2.86E-01
<b>PRRT3-AS1</b>	0.34	7.72E-02	0.21	2.86E-01
<b>RNU6-736P</b>	-0.05	7.82E-01	0.21	2.86E-01
<b>RP11-100N20.1</b>	0.06	7.59E-01	-0.21	2.86E-01
<b>RP11-521B24.5</b>	-0.14	4.91E-01	-0.21	2.86E-01
<b>RP4-694B14.8</b>	0.03	8.63E-01	-0.21	2.86E-01
<b>RP5-916O11.2</b>	-0.28	1.46E-01	0.21	2.86E-01
<b>TMPRSS9</b>	-0.12	5.42E-01	-0.21	2.86E-01
<b>WNT16</b>	0.38	4.44E-02	0.21	2.86E-01
<b>AC017028.7</b>	-0.16	4.29E-01	-0.21	2.86E-01
<b>AC087491.2</b>	-0.15	4.39E-01	-0.21	2.86E-01
<b>C9orf116</b>	0.04	8.25E-01	-0.21	2.86E-01
<b>C9orf66</b>	0.15	4.34E-01	-0.21	2.86E-01
<b>CBWD1</b>	0.22	2.56E-01	-0.21	2.86E-01
<b>CERS4</b>	0.06	7.49E-01	0.21	2.86E-01
<b>CTAG2</b>	-0.07	7.20E-01	-0.21	2.86E-01
<b>FLNC</b>	0.16	4.17E-01	0.21	2.86E-01
<b>GRIN2C</b>	-0.01	9.40E-01	-0.21	2.86E-01
<b>HOXD11</b>	0.20	2.99E-01	-0.21	2.86E-01
<b>HSPA8P19</b>	-0.36	6.37E-02	-0.21	2.86E-01
<b>MRAP</b>	-0.02	9.32E-01	-0.21	2.86E-01
<b>MTERF1</b>	0.17	3.89E-01	-0.21	2.86E-01
<b>NMD3P1</b>	-0.40	3.58E-02	-0.21	2.86E-01
<b>PPP1R12C</b>	-0.06	7.72E-01	0.21	2.86E-01
<b>PRDM16</b>	-0.21	2.90E-01	-0.21	2.86E-01
<b>RANBP3</b>	-0.13	5.19E-01	0.21	2.86E-01
<b>RN7SL208P</b>	-0.05	7.99E-01	0.21	2.86E-01
<b>RP11-20I23.5</b>	-0.31	1.09E-01	-0.21	2.86E-01
<b>RP11-216L13.19</b>	-0.32	9.42E-02	-0.21	2.86E-01
<b>RP11-351I21.6</b>	0.28	1.52E-01	0.21	2.86E-01
<b>RP11-378J18.9</b>	-0.06	7.66E-01	0.21	2.86E-01
<b>RP11-534L20.5</b>	0.12	5.52E-01	0.21	2.86E-01
<b>RP11-76G10.1</b>	-0.29	1.37E-01	-0.21	2.86E-01
<b>SLC23A1</b>	0.27	1.63E-01	-0.21	2.86E-01
<b>SNN</b>	0.08	6.97E-01	0.21	2.86E-01

SNORD91A	0.16	4.10E-01	0.21	2.86E-01
VSIG10L	0.36	6.22E-02	0.21	2.86E-01
ACSL6	-0.09	6.67E-01	-0.21	2.87E-01
ALG1L11P	-0.08	6.78E-01	0.21	2.87E-01
AP001432.14	0.13	5.15E-01	-0.21	2.87E-01
ARHGEF3-AS1	-0.08	6.73E-01	0.21	2.87E-01
C16orf87	-0.02	9.34E-01	-0.21	2.87E-01
DACH1	-0.23	2.48E-01	-0.21	2.87E-01
DCLRE1B	0.05	8.04E-01	-0.21	2.87E-01
DKK4	0.52	4.67E-03	0.21	2.87E-01
EIF4EBP1P1	0.16	4.06E-01	0.21	2.87E-01
ENG	-0.10	5.99E-01	0.21	2.87E-01
G2E3	-0.01	9.44E-01	-0.21	2.87E-01
G30001	-0.12	5.46E-01	-0.21	2.87E-01
LLGL1	0.34	7.34E-02	0.21	2.87E-01
MIR4669	0.14	4.64E-01	0.21	2.87E-01
PAXIP1-AS1	-0.10	6.11E-01	0.21	2.87E-01
RNU2-61P	0.16	4.09E-01	0.21	2.87E-01
RNU4-35P	0.12	5.44E-01	-0.21	2.87E-01
RP11-578F21.2	-0.23	2.36E-01	-0.21	2.87E-01
RP11-819M15.1	-0.14	4.69E-01	0.21	2.87E-01
RPEP4	0.30	1.20E-01	-0.21	2.87E-01
RPS15AP11	-0.09	6.32E-01	0.21	2.87E-01
ST6GALNAC6	-0.21	2.75E-01	0.21	2.87E-01
STAG3L1	-0.37	5.29E-02	-0.21	2.87E-01
TRPM2	0.26	1.82E-01	0.21	2.87E-01
ZNF180	0.01	9.61E-01	-0.21	2.87E-01
AC013461.1	-0.02	9.33E-01	-0.21	2.88E-01
AC145676.2	-0.02	9.08E-01	-0.21	2.88E-01
ATOH7	0.12	5.37E-01	-0.21	2.88E-01
BUD13	-0.09	6.64E-01	-0.21	2.88E-01
C19orf81	0.08	6.99E-01	-0.21	2.88E-01
FAM212B-AS1	-0.32	9.30E-02	-0.21	2.88E-01
HCG27	0.17	3.74E-01	-0.21	2.88E-01
KCNIP2-AS1	-0.10	5.95E-01	-0.21	2.88E-01
MATR3	0.09	6.36E-01	-0.21	2.88E-01
RP11-1B20.1	-0.39	3.98E-02	-0.21	2.88E-01
RP11-346M5.1	0.13	4.96E-01	-0.21	2.88E-01
RP11-570L14.1	-0.15	4.43E-01	-0.21	2.88E-01
RPL9P32	-0.16	4.20E-01	-0.21	2.88E-01
CPEB1-AS1	-0.12	5.51E-01	0.21	2.88E-01
CRELD1	-0.07	7.20E-01	0.21	2.88E-01
DET1	0.08	6.90E-01	0.21	2.88E-01
DNMBP	-0.14	4.76E-01	0.21	2.88E-01
HOXC8	-0.20	3.04E-01	0.21	2.88E-01
LINC01006	-0.15	4.34E-01	0.21	2.88E-01
LINC01426	-0.05	7.87E-01	0.21	2.88E-01

PLEK2	0.26	1.77E-01	0.21	2.88E-01
RASIP1	0.55	2.30E-03	0.21	2.88E-01
RN7SL359P	0.06	7.67E-01	0.21	2.88E-01
RP11-324E6.6	-0.02	9.26E-01	0.21	2.88E-01
RP11-818F20.5	0.32	1.02E-01	0.21	2.88E-01
SNORD67	0.23	2.48E-01	0.21	2.88E-01
AMPD2	-0.04	8.45E-01	0.21	2.88E-01
ANXA1	-0.04	8.31E-01	-0.21	2.88E-01
ARMC5	0.10	5.95E-01	0.21	2.88E-01
ATP12A	0.34	7.72E-02	0.21	2.88E-01
CCNG2	0.26	1.77E-01	0.21	2.88E-01
CTD-2308G16.1	0.09	6.41E-01	-0.21	2.88E-01
FAM27E3	-0.42	2.61E-02	-0.21	2.88E-01
INHBE	0.00	9.93E-01	0.21	2.88E-01
INTS1	0.20	2.99E-01	0.21	2.88E-01
MICALCL	-0.23	2.38E-01	-0.21	2.88E-01
OR2T2	-0.10	6.12E-01	-0.21	2.88E-01
PNP	0.31	1.07E-01	0.21	2.88E-01
RNF146	-0.04	8.36E-01	-0.21	2.88E-01
RP11-388C12.5	-0.12	5.49E-01	0.21	2.88E-01
RP11-819C21.1	0.07	7.18E-01	-0.21	2.88E-01
TRAIP	0.38	4.52E-02	-0.21	2.88E-01
UBE2V1P1	0.03	8.95E-01	0.21	2.88E-01
XLOC_009777	-0.16	4.12E-01	-0.21	2.88E-01
AC005481.5	0.34	7.66E-02	0.21	2.89E-01
CCDC177	-0.02	9.15E-01	-0.21	2.89E-01
COG8	-0.18	3.63E-01	0.21	2.89E-01
DACH2	0.37	5.21E-02	-0.21	2.89E-01
DDX11L1	-0.11	5.70E-01	-0.21	2.89E-01
DIRAS3	-0.05	8.03E-01	-0.21	2.89E-01
EXOC5	0.09	6.61E-01	-0.21	2.89E-01
ITPR3	-0.09	6.56E-01	0.21	2.89E-01
KLRAP1	-0.08	6.91E-01	-0.21	2.89E-01
LINC01010	0.23	2.35E-01	0.21	2.89E-01
LINC01170	0.13	5.01E-01	-0.21	2.89E-01
MIPEPP3	0.08	7.00E-01	-0.21	2.89E-01
RP11-11M20.4	-0.64	2.77E-04	-0.21	2.89E-01
RP11-151A6.6	-0.02	9.25E-01	-0.21	2.89E-01
RP11-480G7.2	0.07	7.42E-01	0.21	2.89E-01
RP11-568J23.8	-0.14	4.65E-01	-0.21	2.89E-01
RP11-703I16.3	0.33	8.37E-02	0.21	2.89E-01
RP11-806L2.6	-0.12	5.55E-01	-0.21	2.89E-01
RP3-322G13.7	-0.05	7.88E-01	-0.21	2.89E-01
SCARNA5	-0.30	1.15E-01	0.21	2.89E-01
SIK1	-0.11	5.81E-01	0.21	2.89E-01
SLC18A3	0.00	9.80E-01	0.21	2.89E-01
TMEM54	0.27	1.68E-01	0.21	2.89E-01

ZNF663P	-0.15	4.49E-01	-0.21	2.89E-01
ZSCAN25	-0.01	9.57E-01	0.21	2.89E-01
CASP8	0.36	5.92E-02	0.21	2.90E-01
MPV17L2	0.13	5.08E-01	0.21	2.90E-01
PAF1	0.12	5.32E-01	0.21	2.90E-01
PRRG1	0.17	3.82E-01	-0.21	2.90E-01
PRRT4	0.20	3.06E-01	-0.21	2.90E-01
QTRT1	0.19	3.38E-01	0.21	2.90E-01
RP11-394I13.3	-0.12	5.38E-01	0.21	2.90E-01
RP11-507K13.6	-0.25	1.98E-01	-0.21	2.90E-01
RP11-61K9.2	0.15	4.39E-01	0.21	2.90E-01
RP11-64C12.1	-0.10	5.97E-01	-0.21	2.90E-01
RPL23AP25	0.11	5.66E-01	-0.21	2.90E-01
TBX2	-0.22	2.66E-01	0.21	2.90E-01
TMPRSS11CP	0.02	9.18E-01	0.21	2.90E-01
WASH7P	-0.37	5.54E-02	-0.21	2.90E-01
XLOC_001134	-0.29	1.36E-01	-0.21	2.90E-01
ZNF341	-0.04	8.59E-01	0.21	2.90E-01
CICP22	-0.22	2.68E-01	-0.21	2.91E-01
DHRS4L2	-0.31	1.10E-01	0.21	2.91E-01
E2F7	-0.11	5.68E-01	-0.21	2.91E-01
EDRF1-AS1	-0.13	5.01E-01	-0.21	2.91E-01
GOLGA6L9	-0.25	1.98E-01	-0.21	2.91E-01
GORAB	-0.02	9.04E-01	-0.21	2.91E-01
IGSF10	-0.14	4.72E-01	-0.21	2.91E-01
ITGB4	0.14	4.69E-01	0.21	2.91E-01
LINC01485	-0.01	9.71E-01	-0.21	2.91E-01
NES	0.28	1.43E-01	0.21	2.91E-01
RP11-404G16.2	-0.07	7.36E-01	0.21	2.91E-01
RP11-439K3.1	0.11	5.63E-01	-0.21	2.91E-01
SERPIND1	0.03	8.66E-01	-0.21	2.91E-01
SLCO5A1	0.08	7.02E-01	0.21	2.91E-01
TEX264	0.34	7.72E-02	0.21	2.91E-01
TRAFD1	0.19	3.21E-01	0.21	2.91E-01
ZNF695	0.06	7.76E-01	0.21	2.91E-01
B4GALT7	0.05	7.95E-01	0.21	2.91E-01
CTD-2145A24.3	-0.09	6.52E-01	-0.21	2.91E-01
EGFLAM-AS4	0.07	7.19E-01	0.21	2.91E-01
FAM168A	-0.28	1.48E-01	0.21	2.91E-01
FOCAD-AS1	-0.16	4.17E-01	-0.21	2.91E-01
GSE1	-0.24	2.22E-01	-0.21	2.91E-01
IQCE	0.00	9.85E-01	-0.21	2.91E-01
MEIG1	0.47	1.14E-02	0.21	2.91E-01
MTFR1L	0.05	8.10E-01	0.21	2.91E-01
PIGS	0.14	4.77E-01	0.21	2.91E-01
RP11-1057B6.1	-0.27	1.64E-01	-0.21	2.91E-01
RP11-285G1.2	-0.13	5.25E-01	-0.21	2.91E-01



RP11-327O17.2	-0.35	6.94E-02	-0.21	2.91E-01
RP11-46D6.1	-0.08	6.73E-01	0.21	2.91E-01
RP11-524F11.1	0.12	5.54E-01	0.21	2.91E-01
RP11-618N24.1	-0.06	7.81E-01	-0.21	2.91E-01
RPL23AP67	0.05	8.12E-01	-0.21	2.91E-01
TNRC18P1	0.23	2.32E-01	0.21	2.91E-01
VWC2	-0.05	7.82E-01	0.21	2.91E-01
XIRP1	0.30	1.17E-01	-0.21	2.91E-01
XLOC_005280	0.28	1.53E-01	0.21	2.91E-01
ZBED2	0.09	6.52E-01	0.21	2.91E-01
ZNF630	-0.05	8.03E-01	0.21	2.91E-01
AC092839.4	0.06	7.47E-01	-0.21	2.92E-01
AC108066.1	0.04	8.55E-01	-0.21	2.92E-01
ADAM11	-0.01	9.49E-01	0.21	2.92E-01
CALM2P2	-0.10	6.05E-01	-0.21	2.92E-01
CCR2	0.13	5.14E-01	0.21	2.92E-01
CH507-9B2.3	0.04	8.50E-01	-0.21	2.92E-01
CTD-2514C3.1	-0.18	3.57E-01	-0.21	2.92E-01
DNAJC6	-0.08	6.70E-01	-0.21	2.92E-01
EIF3EP1	0.06	7.57E-01	0.21	2.92E-01
G3616	-0.13	4.93E-01	-0.21	2.92E-01
G6795	-0.12	5.29E-01	0.21	2.92E-01
KCNJ5	-0.17	3.73E-01	0.21	2.92E-01
KLC3	-0.22	2.69E-01	-0.21	2.92E-01
MTND5P25	0.05	8.03E-01	0.21	2.92E-01
NUP210	-0.10	6.24E-01	0.21	2.92E-01
PIH1D1	0.16	4.06E-01	0.21	2.92E-01
PLA2G10	-0.10	6.27E-01	0.21	2.92E-01
RNF225	0.29	1.36E-01	0.21	2.92E-01
RNPS1P1	-0.27	1.63E-01	-0.21	2.92E-01
RNU6-1262P	-0.02	9.12E-01	-0.21	2.92E-01
RP11-10O17.1	0.06	7.60E-01	-0.21	2.92E-01
RP11-13J10.1	0.06	7.68E-01	-0.21	2.92E-01
RP11-554D14.6	0.33	8.75E-02	0.21	2.92E-01
YJEFN3	-0.18	3.66E-01	-0.21	2.92E-01
ZNF12	-0.16	4.09E-01	-0.21	2.92E-01
AC007566.10	-0.33	8.42E-02	-0.21	2.93E-01
ARHGDIB	0.13	5.03E-01	0.21	2.93E-01
CEP135	0.19	3.21E-01	-0.21	2.93E-01
CTD-2524L6.3	0.12	5.43E-01	-0.21	2.93E-01
KIAA0319L	0.09	6.49E-01	0.21	2.93E-01
MED30	-0.03	8.82E-01	-0.21	2.93E-01
MKS1	-0.01	9.72E-01	0.21	2.93E-01
PTAR1	0.05	8.14E-01	-0.21	2.93E-01
PTGIS	-0.09	6.55E-01	0.21	2.93E-01
RHOT1	0.02	9.02E-01	-0.21	2.93E-01
RP11-310P5.1	-0.07	7.33E-01	-0.21	2.93E-01

<b>RP11-367G6.3</b>	0.10	6.29E-01	-0.21	2.93E-01
<b>RP11-462G2.2</b>	-0.11	5.77E-01	0.21	2.93E-01
<b>RP4-669P10.16</b>	-0.02	9.05E-01	-0.21	2.93E-01
<b>SMIM8</b>	-0.25	1.98E-01	-0.21	2.93E-01
<b>SNX8</b>	-0.12	5.48E-01	0.21	2.93E-01
<b>SOWAHC</b>	0.22	2.71E-01	0.21	2.93E-01
<b>TEX41</b>	-0.51	6.05E-03	-0.21	2.93E-01
<b>AC010731.4</b>	-0.14	4.91E-01	-0.21	2.93E-01
<b>AC096670.3</b>	0.11	5.89E-01	-0.21	2.93E-01
<b>ALDH2</b>	0.38	4.78E-02	0.21	2.93E-01
<b>CDK15</b>	0.09	6.58E-01	-0.21	2.93E-01
<b>DPY19L1P1</b>	-0.13	5.10E-01	-0.21	2.93E-01
<b>EDN3</b>	-0.08	7.03E-01	0.21	2.93E-01
<b>FN3K</b>	0.10	6.31E-01	0.21	2.93E-01
<b>GNG11</b>	-0.05	8.04E-01	-0.21	2.93E-01
<b>HS3ST6</b>	-0.28	1.52E-01	-0.21	2.93E-01
<b>IGFBP4</b>	-0.17	3.96E-01	0.21	2.93E-01
<b>KLF17P1</b>	0.03	8.99E-01	0.21	2.93E-01
<b>LINC00632</b>	-0.20	3.17E-01	-0.21	2.93E-01
<b>MCCC1-AS1</b>	-0.09	6.53E-01	-0.21	2.93E-01
<b>MIR620</b>	-0.22	2.59E-01	-0.21	2.93E-01
<b>MTMR7</b>	-0.07	7.25E-01	-0.21	2.93E-01
<b>PDGFC</b>	-0.39	3.91E-02	0.21	2.93E-01
<b>RP11-304L19.2</b>	-0.01	9.46E-01	-0.21	2.93E-01
<b>RP11-360N9.2</b>	0.29	1.31E-01	0.21	2.93E-01
<b>RP11-461L13.3</b>	0.08	6.76E-01	-0.21	2.93E-01
<b>RP4-598P13.1</b>	-0.29	1.29E-01	0.21	2.93E-01
<b>SEZ6L</b>	-0.19	3.36E-01	-0.21	2.93E-01
<b>STARD7-AS1</b>	0.14	4.74E-01	0.21	2.93E-01
<b>SYN1</b>	-0.15	4.47E-01	-0.21	2.93E-01
<b>TSPEAR-AS1</b>	0.05	8.10E-01	0.21	2.93E-01
<b>UPF3AP2</b>	-0.44	1.85E-02	0.21	2.93E-01
<b>XLOC_008786</b>	-0.25	2.05E-01	-0.21	2.93E-01
<b>ARID5A</b>	0.11	5.78E-01	0.21	2.94E-01
<b>CCAR1</b>	0.11	5.81E-01	0.21	2.94E-01
<b>DBH</b>	-0.04	8.45E-01	0.21	2.94E-01
<b>FUNDC1</b>	0.08	6.94E-01	0.21	2.94E-01
<b>FZR1</b>	0.16	4.04E-01	0.21	2.94E-01
<b>GNAS</b>	0.18	3.57E-01	0.21	2.94E-01
<b>IBA57</b>	0.26	1.75E-01	0.21	2.94E-01
<b>LENG9</b>	0.36	6.05E-02	0.21	2.94E-01
<b>LILRA5</b>	-0.13	5.19E-01	0.21	2.94E-01
<b>NECAP2</b>	-0.02	9.37E-01	0.21	2.94E-01
<b>ORAI3</b>	-0.06	7.71E-01	0.21	2.94E-01
<b>SDC3</b>	-0.18	3.69E-01	0.21	2.94E-01
<b>8-Sep</b>	0.01	9.70E-01	0.21	2.94E-01
<b>TNK1</b>	-0.15	4.41E-01	0.21	2.94E-01

<b>APOA1-AS</b>	-0.08	6.73E-01	-0.21	2.94E-01
<b>DST</b>	-0.01	9.51E-01	-0.21	2.94E-01
<b>PDZD8</b>	0.22	2.55E-01	-0.21	2.94E-01
<b>PTGES3L</b>	0.13	5.05E-01	-0.21	2.94E-01
<b>REST</b>	0.04	8.49E-01	-0.21	2.94E-01
<b>SERPINA13P</b>	-0.02	9.31E-01	-0.21	2.94E-01
<b>TFB1M</b>	0.29	1.30E-01	-0.21	2.94E-01
<b>AC011551.3</b>	0.06	7.80E-01	-0.21	2.95E-01
<b>ANAPC2</b>	0.00	1.00E+00	0.21	2.95E-01
<b>BST2</b>	0.08	7.01E-01	0.21	2.95E-01
<b>CTD-2547L16.1</b>	-0.31	1.06E-01	-0.21	2.95E-01
<b>CTD-2561B21.4</b>	-0.19	3.34E-01	-0.21	2.95E-01
<b>DNAJB7</b>	0.23	2.37E-01	-0.21	2.95E-01
<b>HDC</b>	-0.03	8.88E-01	-0.21	2.95E-01
<b>KRT36</b>	-0.27	1.61E-01	-0.21	2.95E-01
<b>MMP28</b>	-0.07	7.37E-01	0.21	2.95E-01
<b>PI15</b>	0.02	9.12E-01	0.21	2.95E-01
<b>RN7SL752P</b>	0.12	5.54E-01	0.21	2.95E-01
<b>RP11-640M9.1</b>	-0.53	4.00E-03	-0.21	2.95E-01
<b>RP11-806H10.4</b>	0.00	9.82E-01	0.21	2.95E-01
<b>SMG1P5</b>	0.13	5.11E-01	-0.21	2.95E-01
<b>SNORA77</b>	-0.03	8.81E-01	0.21	2.95E-01
<b>AC004069.2</b>	-0.14	4.79E-01	0.21	2.96E-01
<b>ACSM4</b>	-0.18	3.65E-01	0.21	2.96E-01
<b>CLEC14A</b>	-0.22	2.65E-01	0.21	2.96E-01
<b>CTD-2537I9.13</b>	-0.22	2.59E-01	0.21	2.96E-01
<b>CTD-2541M15.3</b>	-0.19	3.44E-01	0.21	2.96E-01
<b>MIR603</b>	0.22	2.59E-01	-0.21	2.96E-01
<b>NT5C3A</b>	0.42	2.54E-02	0.21	2.96E-01
<b>PPM1K</b>	0.26	1.89E-01	-0.21	2.96E-01
<b>RBMX</b>	0.23	2.40E-01	-0.21	2.96E-01
<b>RP11-582E3.6</b>	0.10	6.07E-01	0.21	2.96E-01
<b>STAG3L5P</b>	-0.12	5.58E-01	-0.21	2.96E-01
<b>ZCCHC4</b>	-0.03	8.91E-01	-0.21	2.96E-01
<b>BAG1</b>	-0.16	4.14E-01	-0.21	2.96E-01
<b>CHI3L1</b>	-0.05	8.02E-01	-0.21	2.96E-01
<b>EVI2B</b>	0.08	6.88E-01	0.21	2.96E-01
<b>G25440</b>	0.02	9.14E-01	-0.21	2.96E-01
<b>GS1-393G12.14</b>	0.00	9.90E-01	-0.21	2.96E-01
<b>PROM1</b>	0.53	4.02E-03	0.21	2.96E-01
<b>PSMC3IP</b>	-0.24	2.23E-01	-0.21	2.96E-01
<b>PVRL3</b>	-0.33	8.62E-02	-0.21	2.96E-01
<b>RASGRP4</b>	-0.12	5.59E-01	0.21	2.96E-01
<b>RHOT1P1</b>	0.09	6.60E-01	-0.21	2.96E-01
<b>RN7SL145P</b>	-0.04	8.36E-01	0.21	2.96E-01
<b>RN7SL388P</b>	0.35	7.12E-02	0.21	2.96E-01
<b>RNU5A-8P</b>	0.01	9.55E-01	0.21	2.96E-01

RP11-381E24.1	0.11	5.93E-01	-0.21	2.96E-01
RP11-566E18.1	0.17	4.00E-01	-0.21	2.96E-01
RP5-1042I8.7	-0.31	1.03E-01	-0.21	2.96E-01
RP5-968P14.2	-0.28	1.42E-01	0.21	2.96E-01
SEPT7P2	-0.26	1.86E-01	-0.21	2.96E-01
TMEM119	-0.01	9.58E-01	0.21	2.96E-01
UBASH3B	-0.12	5.35E-01	-0.21	2.96E-01
ZNF786	0.42	2.53E-02	0.21	2.96E-01
AC005042.3	-0.10	6.10E-01	-0.21	2.97E-01
AC011385.2	0.10	6.10E-01	0.21	2.97E-01
APMAP	0.06	7.81E-01	-0.21	2.97E-01
B4GALNT4	-0.17	3.76E-01	-0.21	2.97E-01
CNOT7	-0.02	9.31E-01	-0.21	2.97E-01
DALRD3	0.01	9.55E-01	0.21	2.97E-01
FAM20B	-0.01	9.66E-01	-0.21	2.97E-01
FAM73B	0.00	9.94E-01	0.21	2.97E-01
FAT1	-0.01	9.55E-01	0.21	2.97E-01
G14979	-0.14	4.62E-01	0.21	2.97E-01
G26658	-0.01	9.48E-01	0.21	2.97E-01
LINC00871	0.10	5.95E-01	-0.21	2.97E-01
LRRC2-AS1	0.27	1.60E-01	-0.21	2.97E-01
PIGQ	-0.10	6.27E-01	0.21	2.97E-01
RARA	-0.04	8.29E-01	0.21	2.97E-01
RHPN1-AS1	-0.22	2.70E-01	-0.21	2.97E-01
RP11-114F3.4	0.12	5.54E-01	-0.21	2.97E-01
RP13-93L13.1	-0.24	2.20E-01	-0.21	2.97E-01
RPL18P10	-0.08	6.80E-01	0.21	2.97E-01
RPS6	0.17	3.82E-01	-0.21	2.97E-01
SNORA74B	0.02	9.05E-01	0.21	2.97E-01
STOX1	-0.03	8.89E-01	-0.21	2.97E-01
SYTL4	-0.09	6.34E-01	-0.21	2.97E-01
TANC2	0.10	6.20E-01	-0.21	2.97E-01
TPPP3	-0.17	3.76E-01	-0.21	2.97E-01
ART4	0.21	2.76E-01	0.21	2.98E-01
B4GALT3	0.22	2.56E-01	-0.21	2.98E-01
CHTF18	-0.11	5.90E-01	-0.21	2.98E-01
CTA-360L10.1	-0.43	2.35E-02	-0.21	2.98E-01
DHFRL1	0.08	6.93E-01	0.21	2.98E-01
G7635	-0.27	1.64E-01	0.21	2.98E-01
HOXA1	-0.06	7.68E-01	0.21	2.98E-01
IFT80	-0.06	7.68E-01	-0.21	2.98E-01
IGDCC4	-0.34	8.08E-02	-0.21	2.98E-01
MYCBPAP	0.35	6.57E-02	0.21	2.98E-01
PLCB1-IT1	0.02	9.08E-01	-0.21	2.98E-01
RP5-1029F21.4	-0.18	3.57E-01	-0.21	2.98E-01
SNORA26	0.09	6.44E-01	0.21	2.98E-01
TTPAL	0.04	8.53E-01	-0.21	2.98E-01

<b>XLOC_005452</b>	-0.19	3.37E-01	0.21	2.98E-01
<b>ZNF214</b>	-0.07	7.17E-01	0.21	2.98E-01
<b>ZNF792</b>	-0.23	2.33E-01	0.21	2.98E-01
<b>AC015923.1</b>	-0.12	5.40E-01	-0.21	2.99E-01
<b>BORCS5</b>	0.31	1.08E-01	0.21	2.99E-01
<b>CTSS</b>	0.05	8.02E-01	0.21	2.99E-01
<b>DNAH11</b>	-0.18	3.63E-01	-0.21	2.99E-01
<b>DNM1P47</b>	0.02	9.27E-01	0.21	2.99E-01
<b>ESYT3</b>	0.18	3.52E-01	0.21	2.99E-01
<b>G8228</b>	0.04	8.58E-01	0.21	2.99E-01
<b>HOMEZ</b>	0.13	5.20E-01	0.21	2.99E-01
<b>ING5</b>	0.04	8.46E-01	-0.21	2.99E-01
<b>KIF3B</b>	0.17	3.79E-01	0.21	2.99E-01
<b>NUP205</b>	0.02	9.10E-01	-0.21	2.99E-01
<b>RP11-173A8.2</b>	0.04	8.55E-01	-0.21	2.99E-01
<b>RP11-446E9.1</b>	-0.24	2.27E-01	0.21	2.99E-01
<b>RP11-645C24.5</b>	-0.08	6.83E-01	-0.21	2.99E-01
<b>RP11-761N21.1</b>	0.01	9.70E-01	0.21	2.99E-01
<b>RP11-79H23.3</b>	0.29	1.39E-01	0.21	2.99E-01
<b>SBF2-AS1</b>	-0.19	3.36E-01	-0.21	2.99E-01
<b>UROD</b>	0.13	5.18E-01	0.21	2.99E-01
<b>AC018755.16</b>	0.17	4.00E-01	0.21	2.99E-01
<b>ADGRF5</b>	-0.06	7.72E-01	0.21	2.99E-01
<b>CACNB1</b>	-0.28	1.54E-01	-0.21	2.99E-01
<b>CTA-305I2.1</b>	0.07	7.42E-01	0.21	2.99E-01
<b>CYP24A1</b>	0.24	2.24E-01	0.21	2.99E-01
<b>G42257</b>	-0.12	5.35E-01	-0.21	2.99E-01
<b>KIAA1109</b>	-0.24	2.11E-01	-0.21	2.99E-01
<b>MIR2278</b>	0.19	3.34E-01	-0.21	2.99E-01
<b>NPW</b>	-0.29	1.29E-01	0.21	2.99E-01
<b>PLEKHM1</b>	0.11	5.93E-01	0.21	2.99E-01
<b>RP11-43D2.2</b>	-0.24	2.14E-01	0.21	2.99E-01
<b>RP11-458F8.4</b>	-0.10	6.01E-01	0.21	2.99E-01
<b>RPLP1P13</b>	0.01	9.55E-01	-0.21	2.99E-01
<b>SHANK2</b>	0.10	6.02E-01	0.21	2.99E-01
<b>SHPK</b>	0.41	3.12E-02	0.21	2.99E-01
<b>TMEM165</b>	0.28	1.51E-01	0.21	2.99E-01
<b>TXNDC16</b>	-0.07	7.18E-01	-0.21	2.99E-01
<b>AL139022.1</b>	0.38	4.76E-02	0.21	3.00E-01
<b>BCL2L11</b>	0.29	1.33E-01	0.21	3.00E-01
<b>DYRK3</b>	0.08	6.72E-01	0.21	3.00E-01
<b>FANCF</b>	0.00	9.97E-01	-0.21	3.00E-01
<b>FCRLB</b>	0.22	2.71E-01	0.21	3.00E-01
<b>LRR37A11P</b>	0.22	2.63E-01	-0.21	3.00E-01
<b>MARS2</b>	0.34	7.59E-02	-0.21	3.00E-01
<b>MTCP1</b>	-0.01	9.67E-01	-0.21	3.00E-01
<b>NSUN5P2</b>	-0.31	1.14E-01	-0.21	3.00E-01

PCED1A	0.07	7.28E-01	0.21	3.00E-01
POLR3G	0.20	3.11E-01	0.21	3.00E-01
RP11-114F10.2	-0.30	1.21E-01	-0.21	3.00E-01
RP11-177A2.5	-0.08	6.70E-01	-0.21	3.00E-01
RP11-99A1.2	-0.15	4.54E-01	-0.21	3.00E-01
RRP7BP	0.13	4.93E-01	-0.21	3.00E-01
RS1	-0.21	2.83E-01	0.21	3.00E-01
SULT1C2	-0.34	7.22E-02	-0.21	3.00E-01
TM2D1	-0.04	8.22E-01	-0.21	3.00E-01
TYROBP	0.18	3.57E-01	0.21	3.00E-01
AC004947.2	0.24	2.20E-01	-0.21	3.01E-01
AC006277.2	-0.15	4.36E-01	0.21	3.01E-01
AC026188.1	-0.52	4.50E-03	-0.21	3.01E-01
AC104699.1	-0.01	9.66E-01	0.21	3.01E-01
ACSM3	-0.01	9.66E-01	-0.21	3.01E-01
CREBZF	-0.06	7.73E-01	-0.21	3.01E-01
FAM222B	0.33	8.42E-02	0.21	3.01E-01
GNAZ	-0.05	8.04E-01	-0.21	3.01E-01
IL36G	0.34	7.84E-02	0.21	3.01E-01
RAB35	0.25	1.95E-01	0.21	3.01E-01
RP11-177J6.1	0.13	5.10E-01	-0.21	3.01E-01
RP11-210K20.2	0.01	9.54E-01	-0.21	3.01E-01
RP11-229P13.25	0.30	1.25E-01	-0.21	3.01E-01
RP3-467N11.2	-0.20	3.09E-01	0.21	3.01E-01
THAP3	-0.11	5.74E-01	0.21	3.01E-01
TMPRSS7	-0.09	6.61E-01	-0.21	3.01E-01
XLOC_008100	-0.30	1.15E-01	-0.21	3.01E-01
AP001626.1	0.41	2.91E-02	0.21	3.01E-01
CITF22-92A6.1	-0.01	9.72E-01	0.21	3.01E-01
CTSZ	-0.01	9.74E-01	0.21	3.01E-01
IGHGP	0.23	2.31E-01	0.21	3.01E-01
MIR4295	0.01	9.72E-01	0.21	3.01E-01
RREB1	0.11	5.75E-01	0.21	3.01E-01
TMEM184A	0.01	9.51E-01	0.21	3.01E-01
TRBV6-5	0.03	8.87E-01	0.21	3.01E-01
UBP1	0.04	8.21E-01	0.21	3.01E-01
AP000253.1	-0.20	2.98E-01	-0.21	3.01E-01
CCDC91	-0.33	9.12E-02	-0.21	3.01E-01
G2520	0.14	4.91E-01	-0.21	3.01E-01
G38642	0.05	8.12E-01	-0.21	3.01E-01
PSG2	0.18	3.64E-01	-0.21	3.01E-01
RP1-179N16.6	0.07	7.10E-01	-0.21	3.01E-01
RP11-111G23.1	-0.21	2.82E-01	-0.21	3.01E-01
RP11-617F23.2	0.05	7.98E-01	-0.21	3.01E-01
RP4-718P11.1	0.00	9.87E-01	-0.21	3.01E-01
SIPA1L1	-0.13	5.19E-01	-0.21	3.01E-01
TUBA3E	-0.12	5.27E-01	-0.21	3.01E-01

<b>TYRP1</b>	-0.14	4.73E-01	-0.21	3.01E-01
<b>VWA2</b>	-0.03	8.68E-01	-0.21	3.01E-01
<b>ALMS1P</b>	0.02	9.28E-01	0.21	3.02E-01
<b>BOD1L1</b>	-0.09	6.39E-01	-0.21	3.02E-01
<b>CORIN</b>	-0.06	7.49E-01	0.21	3.02E-01
<b>CTC-1337H24.3</b>	-0.23	2.37E-01	-0.21	3.02E-01
<b>ETV6</b>	0.14	4.69E-01	0.21	3.02E-01
<b>FAM122B</b>	-0.04	8.41E-01	-0.21	3.02E-01
<b>G35786</b>	-0.30	1.24E-01	0.21	3.02E-01
<b>GNG3</b>	-0.10	6.18E-01	-0.21	3.02E-01
<b>IFITM10</b>	0.06	7.66E-01	0.21	3.02E-01
<b>IKZF3</b>	0.26	1.80E-01	0.21	3.02E-01
<b>LINC01446</b>	-0.13	5.10E-01	-0.21	3.02E-01
<b>LRRN4</b>	-0.24	2.11E-01	-0.21	3.02E-01
<b>OR7E38P</b>	0.00	9.81E-01	0.21	3.02E-01
<b>RP1-249I4.2</b>	0.07	7.20E-01	-0.21	3.02E-01
<b>RP11-235E17.5</b>	-0.18	3.52E-01	0.21	3.02E-01
<b>RP11-459I19.1</b>	-0.28	1.56E-01	0.21	3.02E-01
<b>RP11-486L19.2</b>	0.08	6.78E-01	-0.21	3.02E-01
<b>RP11-490H24.5</b>	0.14	4.74E-01	0.21	3.02E-01
<b>RP11-91I20.4</b>	0.11	5.75E-01	0.21	3.02E-01
<b>RP3-510D11.2</b>	0.17	3.97E-01	0.21	3.02E-01
<b>RP4-760C5.3</b>	0.15	4.31E-01	-0.21	3.02E-01
<b>SEMA5B</b>	0.04	8.46E-01	-0.21	3.02E-01
<b>SENP1</b>	0.29	1.40E-01	-0.21	3.02E-01
<b>SHH</b>	0.09	6.62E-01	-0.21	3.02E-01
<b>SVEP1</b>	-0.15	4.31E-01	-0.21	3.02E-01
<b>TRAV26-1</b>	0.09	6.54E-01	0.21	3.02E-01
<b>TRGV10</b>	-0.21	2.75E-01	0.21	3.02E-01
<b>AC010642.1</b>	0.28	1.46E-01	0.21	3.03E-01
<b>ASPHD2</b>	-0.23	2.37E-01	0.21	3.03E-01
<b>BCL2L10</b>	-0.13	5.05E-01	-0.21	3.03E-01
<b>C12orf74</b>	0.44	1.82E-02	0.21	3.03E-01
<b>COL8A1</b>	-0.36	5.68E-02	0.21	3.03E-01
<b>CTC-523E23.5</b>	-0.17	3.75E-01	0.21	3.03E-01
<b>CTD-3037G24.3</b>	-0.09	6.63E-01	-0.21	3.03E-01
<b>P1-UPK3BP1-PMS</b>	-0.32	9.33E-02	0.21	3.03E-01
<b>LDLRAD1</b>	-0.44	1.78E-02	0.21	3.03E-01
<b>LINC00702</b>	-0.05	8.12E-01	0.21	3.03E-01
<b>LRSAM1</b>	0.08	6.80E-01	0.21	3.03E-01
<b>MTRNR2L1</b>	0.42	2.72E-02	-0.21	3.03E-01
<b>MYHAS</b>	-0.21	2.83E-01	0.21	3.03E-01
<b>MYO18B</b>	-0.34	8.00E-02	0.21	3.03E-01
<b>NANOGP8</b>	-0.12	5.49E-01	-0.21	3.03E-01
<b>PSG7</b>	0.40	3.37E-02	0.21	3.03E-01
<b>RAF1P1</b>	-0.05	8.12E-01	0.21	3.03E-01
<b>RN7SL482P</b>	-0.08	6.81E-01	0.21	3.03E-01

RP11-421L21.2	0.22	2.66E-01	-0.21	3.03E-01
RP11-423P10.2	0.12	5.50E-01	-0.21	3.03E-01
RP11-536L3.4	0.09	6.47E-01	-0.21	3.03E-01
RP11-707M3.3	-0.27	1.69E-01	-0.21	3.03E-01
RP11-712B9.5	-0.13	5.00E-01	-0.21	3.03E-01
SPACA6P	-0.18	3.54E-01	-0.21	3.03E-01
SPATA7	-0.24	2.22E-01	-0.21	3.03E-01
SPRR2F	0.25	2.05E-01	0.21	3.03E-01
TBL1Y	0.34	7.74E-02	0.21	3.03E-01
ZFX	-0.32	9.53E-02	-0.21	3.03E-01
ZNF517	0.15	4.48E-01	0.21	3.03E-01
ZNF709	-0.08	6.94E-01	-0.21	3.03E-01
ZNF721	-0.07	7.28E-01	-0.21	3.03E-01
AES	0.08	6.76E-01	0.21	3.04E-01
COL25A1	-0.30	1.24E-01	-0.21	3.04E-01
CTC-512J12.7	-0.24	2.11E-01	0.21	3.04E-01
HSPG2	-0.16	4.04E-01	0.21	3.04E-01
LAMC2	-0.20	3.16E-01	-0.21	3.04E-01
MICU2	0.17	3.83E-01	-0.21	3.04E-01
MPRIP-AS1	0.02	9.26E-01	-0.21	3.04E-01
PABPC1L	0.03	8.83E-01	-0.21	3.04E-01
RN7SKP271	-0.21	2.73E-01	-0.21	3.04E-01
RN7SL749P	0.08	6.82E-01	0.21	3.04E-01
RP11-182J1.1	0.14	4.62E-01	0.21	3.04E-01
RP11-23J18.1	-0.09	6.33E-01	-0.21	3.04E-01
RP11-70D24.1	0.11	5.63E-01	-0.21	3.04E-01
RPS6KA3	-0.02	9.00E-01	-0.21	3.04E-01
SYNM	0.15	4.33E-01	0.21	3.04E-01
TFAP2A-AS1	0.05	7.95E-01	0.21	3.04E-01
YWHAZP4	0.04	8.39E-01	-0.21	3.04E-01
AC112721.2	0.06	7.67E-01	0.21	3.04E-01
CLU	-0.30	1.27E-01	0.21	3.04E-01
GPR4	-0.04	8.58E-01	-0.21	3.04E-01
GRXCR2	0.26	1.84E-01	-0.21	3.04E-01
KRTAP5-1	-0.07	7.38E-01	0.21	3.04E-01
LA16c-431H6.7	0.22	2.51E-01	-0.21	3.04E-01
POLR3GL	-0.17	3.87E-01	0.21	3.04E-01
PPP1R1A	-0.24	2.14E-01	-0.21	3.04E-01
RMRP	-0.10	6.08E-01	0.21	3.04E-01
RNF222	0.17	3.84E-01	0.21	3.04E-01
RNU7-4P	0.28	1.43E-01	-0.21	3.04E-01
RP11-147L13.14	0.21	2.87E-01	-0.21	3.04E-01
RP11-206L10.2	0.23	2.45E-01	-0.21	3.04E-01
RP11-401P9.7	-0.30	1.24E-01	-0.21	3.04E-01
RP11-631M6.2	-0.12	5.40E-01	0.21	3.04E-01
RP11-717D12.1	0.06	7.46E-01	0.21	3.04E-01
RP11-843A23.1	-0.14	4.82E-01	-0.21	3.04E-01



RP13-16H11.5	0.39	4.18E-02	-0.21	3.04E-01
RP13-638C3.3	-0.11	5.92E-01	0.21	3.04E-01
RP4-537K23.4	0.26	1.86E-01	-0.21	3.04E-01
TSPAN11	-0.11	5.72E-01	0.21	3.04E-01
TXNP6	-0.22	2.59E-01	-0.21	3.04E-01
UBA6	0.37	5.14E-02	0.21	3.04E-01
XLOC_000974	-0.07	7.23E-01	-0.21	3.04E-01
XLOC_010711	-0.02	9.26E-01	-0.21	3.04E-01
ZNF385D-AS2	0.05	8.10E-01	-0.21	3.04E-01
ZNF571-AS1	0.10	6.06E-01	-0.21	3.04E-01
ANXA10	0.02	9.09E-01	0.20	3.05E-01
AP000688.29	0.21	2.90E-01	0.20	3.05E-01
ARHGAP32	0.14	4.85E-01	0.20	3.05E-01
CTD-2270L9.4	0.23	2.41E-01	0.20	3.05E-01
CTSA	0.04	8.37E-01	0.20	3.05E-01
EVI5L	0.39	4.14E-02	0.20	3.05E-01
FCHO2	0.03	8.86E-01	-0.20	3.05E-01
MIR125B2	0.18	3.56E-01	-0.20	3.05E-01
NDUFB1P2	-0.10	6.10E-01	-0.20	3.05E-01
PLXNC1	-0.40	3.60E-02	-0.20	3.05E-01
RN7SKP50	0.04	8.33E-01	-0.20	3.05E-01
RP11-753H16.3	-0.03	8.99E-01	-0.20	3.05E-01
RP11-80H5.9	-0.35	6.87E-02	-0.20	3.05E-01
RP11-831F12.3	0.23	2.47E-01	-0.20	3.05E-01
SH2D5	-0.06	7.81E-01	0.20	3.05E-01
XLOC_013095	-0.07	7.23E-01	0.20	3.05E-01
AC090952.5	-0.13	5.05E-01	0.20	3.06E-01
CHST13	-0.23	2.37E-01	0.20	3.06E-01
LL21NC02-1C16.1	0.40	3.73E-02	0.20	3.06E-01
RNU6-494P	-0.30	1.27E-01	0.20	3.06E-01
RP11-208G20.3	0.19	3.35E-01	0.20	3.06E-01
TEX261	0.08	6.94E-01	0.20	3.06E-01
THAP8	-0.14	4.90E-01	0.20	3.06E-01
AC004067.5	-0.01	9.45E-01	-0.20	3.06E-01
AP001627.1	-0.11	5.67E-01	-0.20	3.06E-01
CEP97	0.11	5.68E-01	-0.20	3.06E-01
FIRRE	-0.15	4.37E-01	-0.20	3.06E-01
G19261	-0.03	8.77E-01	-0.20	3.06E-01
NDUFB8P2	0.03	8.73E-01	-0.20	3.06E-01
NUTM1	0.00	9.99E-01	-0.20	3.06E-01
PCM1	-0.04	8.40E-01	-0.20	3.06E-01
PLCH2	0.00	9.94E-01	-0.20	3.06E-01
RP11-19E18.2	-0.18	3.52E-01	-0.20	3.06E-01
RP11-544M22.1	-0.27	1.70E-01	-0.20	3.06E-01
RP11-666F17.1	-0.11	5.73E-01	-0.20	3.06E-01
RP11-89F17.5	-0.08	6.98E-01	-0.20	3.06E-01
RP11-89N17.2	0.03	8.82E-01	-0.20	3.06E-01

<b>RP5-1110E20.1</b>	-0.19	3.25E-01	-0.20	3.06E-01
<b>SLC24A5</b>	-0.10	5.99E-01	-0.20	3.06E-01
<b>SLC6A15</b>	-0.03	8.70E-01	-0.20	3.06E-01
<b>SLC8A3</b>	0.02	9.15E-01	-0.20	3.06E-01
<b>TGIF1P1</b>	-0.16	4.22E-01	-0.20	3.06E-01
<b>AC022182.1</b>	0.04	8.32E-01	-0.20	3.07E-01
<b>C9orf72</b>	0.19	3.45E-01	-0.20	3.07E-01
<b>COA1</b>	-0.41	2.86E-02	-0.20	3.07E-01
<b>CTD-2325B11.1</b>	-0.08	6.83E-01	-0.20	3.07E-01
<b>GRB14</b>	-0.31	1.03E-01	-0.20	3.07E-01
<b>HCG2040054</b>	-0.12	5.51E-01	-0.20	3.07E-01
<b>MIR203</b>	0.29	1.31E-01	-0.20	3.07E-01
<b>NODAL</b>	-0.01	9.44E-01	-0.20	3.07E-01
<b>PKLR</b>	0.27	1.68E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RDH10-AS1</b>	0.01	9.78E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RNU6-957P</b>	0.07	7.10E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RNU7-101P</b>	-0.11	5.63E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RP1-278O22.1</b>	0.08	6.94E-01	0.20	3.07E-01
<b>RP11-1365D11.1</b>	-0.28	1.49E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RP11-367G18.1</b>	-0.10	6.30E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RP11-4C20.3</b>	0.01	9.42E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RP11-667M19.10</b>	-0.16	4.14E-01	0.20	3.07E-01
<b>SLAMF9</b>	-0.38	4.87E-02	0.20	3.07E-01
<b>ST3GAL5</b>	-0.17	3.93E-01	-0.20	3.07E-01
<b>TMPRSS11GP</b>	-0.01	9.72E-01	-0.20	3.07E-01
<b>TRAV29DV5</b>	0.18	3.65E-01	-0.20	3.07E-01
<b>ZDHHC16</b>	0.02	9.23E-01	0.20	3.07E-01
<b>ZNF337</b>	-0.10	6.06E-01	-0.20	3.07E-01
<b>AC007256.5</b>	-0.27	1.61E-01	-0.20	3.07E-01
<b>AC092535.3</b>	-0.04	8.24E-01	-0.20	3.07E-01
<b>AL133243.2</b>	-0.17	3.76E-01	-0.20	3.07E-01
<b>CDKN1A</b>	0.44	1.82E-02	0.20	3.07E-01
<b>G18696</b>	0.17	3.79E-01	0.20	3.07E-01
<b>G32318</b>	-0.30	1.18E-01	0.20	3.07E-01
<b>MRI1</b>	0.00	9.93E-01	-0.20	3.07E-01
<b>PCSK1</b>	-0.07	7.18E-01	0.20	3.07E-01
<b>PRICKLE2</b>	0.42	2.54E-02	0.20	3.07E-01
<b>PTMAP4</b>	-0.11	5.62E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RP11-1023L17.2</b>	-0.11	5.93E-01	0.20	3.07E-01
<b>RP11-107N15.1</b>	-0.04	8.25E-01	0.20	3.07E-01
<b>RP11-115A14.1</b>	0.11	5.74E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RP11-235C23.5</b>	0.06	7.58E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RP11-284B18.3</b>	0.08	7.01E-01	-0.20	3.07E-01
<b>RP11-332H17.1</b>	0.17	3.76E-01	0.20	3.07E-01
<b>RP11-95M15.2</b>	0.11	5.87E-01	-0.20	3.07E-01
<b>TRADD</b>	-0.04	8.28E-01	0.20	3.07E-01
<b>UXS1</b>	0.04	8.33E-01	-0.20	3.07E-01

ZC3HC1	0.04	8.22E-01	0.20	3.07E-01
ZCWPW1	-0.06	7.75E-01	-0.20	3.07E-01
C6orf163	0.03	8.77E-01	-0.20	3.08E-01
CAPNS1	-0.06	7.43E-01	0.20	3.08E-01
CARM1	-0.10	5.95E-01	0.20	3.08E-01
CCDC174	-0.13	5.14E-01	-0.20	3.08E-01
CIPC	-0.06	7.61E-01	-0.20	3.08E-01
CSF3R	0.03	8.71E-01	0.20	3.08E-01
CTD-2619J13.13	0.29	1.34E-01	0.20	3.08E-01
EIF4BP2	-0.05	7.96E-01	-0.20	3.08E-01
GGT5	-0.11	5.89E-01	0.20	3.08E-01
HNRNPRP1	-0.06	7.61E-01	-0.20	3.08E-01
LRRC45	-0.06	7.78E-01	0.20	3.08E-01
LRRC9	0.07	7.21E-01	-0.20	3.08E-01
MT1XP1	-0.14	4.75E-01	0.20	3.08E-01
NLRP3	0.06	7.51E-01	0.20	3.08E-01
PIP5K1A	-0.04	8.42E-01	-0.20	3.08E-01
RBPJ	0.16	4.16E-01	-0.20	3.08E-01
RNU6-4P	-0.20	3.15E-01	0.20	3.08E-01
RP11-15A1.7	-0.03	8.91E-01	0.20	3.08E-01
RP11-288L9.4	0.30	1.25E-01	0.20	3.08E-01
RP11-436G20.1	0.17	3.80E-01	-0.20	3.08E-01
RP11-562A8.5	-0.17	3.93E-01	0.20	3.08E-01
RP11-83B20.2	-0.07	7.38E-01	0.20	3.08E-01
RP11-876N24.2	-0.20	3.07E-01	0.20	3.08E-01
RWDD4P2	0.21	2.95E-01	-0.20	3.08E-01
SCARNA3	0.20	3.15E-01	0.20	3.08E-01
SLC6A10P	0.36	5.80E-02	0.20	3.08E-01
UNC5C	-0.11	5.73E-01	-0.20	3.08E-01
XLOC_004041	0.12	5.59E-01	-0.20	3.08E-01
AC092839.3	-0.41	3.20E-02	-0.20	3.09E-01
ADCK1	0.12	5.51E-01	0.20	3.09E-01
ARFGAP3	-0.24	2.20E-01	-0.20	3.09E-01
EXOC3L1	-0.13	5.04E-01	0.20	3.09E-01
FBXO31	-0.02	9.36E-01	-0.20	3.09E-01
G8320	-0.10	6.08E-01	0.20	3.09E-01
GRAP2	-0.26	1.77E-01	0.20	3.09E-01
LEPROTL1	0.18	3.69E-01	0.20	3.09E-01
2-Mar	0.22	2.59E-01	0.20	3.09E-01
NECAP1	0.15	4.49E-01	-0.20	3.09E-01
RP11-1109F11.5	-0.02	9.23E-01	-0.20	3.09E-01
RP11-213H15.1	-0.29	1.29E-01	0.20	3.09E-01
RP11-352M15.2	-0.15	4.55E-01	-0.20	3.09E-01
RP11-517I3.1	-0.23	2.36E-01	-0.20	3.09E-01
RP11-631N16.4	0.02	9.13E-01	-0.20	3.09E-01
RP11-69E11.4	0.00	9.87E-01	-0.20	3.09E-01
RP11-761N21.2	0.01	9.72E-01	0.20	3.09E-01

<b>RP11-981G7.3</b>	-0.12	5.44E-01	-0.20	3.09E-01
<b>SLC26A7</b>	-0.02	9.20E-01	-0.20	3.09E-01
<b>SYT2</b>	-0.20	3.03E-01	-0.20	3.09E-01
<b>ZNF202</b>	-0.09	6.45E-01	-0.20	3.09E-01
<b>AL139333.1</b>	0.07	7.27E-01	0.20	3.10E-01
<b>AOC3</b>	0.13	5.01E-01	0.20	3.10E-01
<b>ARGLU1</b>	-0.25	2.07E-01	-0.20	3.10E-01
<b>CHRNA3</b>	-0.34	7.69E-02	0.20	3.10E-01
<b>CLIP3</b>	-0.19	3.25E-01	0.20	3.10E-01
<b>CPSF3L</b>	0.24	2.20E-01	0.20	3.10E-01
<b>CTA-250D13.1</b>	0.04	8.53E-01	-0.20	3.10E-01
<b>CTC-470E21.1</b>	-0.03	8.67E-01	0.20	3.10E-01
<b>CTD-2024F21.1</b>	-0.08	6.72E-01	-0.20	3.10E-01
<b>CTD-2027I19.2</b>	-0.17	3.96E-01	-0.20	3.10E-01
<b>DLX5</b>	0.04	8.48E-01	0.20	3.10E-01
<b>FAM206A</b>	0.15	4.34E-01	0.20	3.10E-01
<b>FLVCR2</b>	0.31	1.14E-01	0.20	3.10E-01
<b>HCN1</b>	-0.07	7.36E-01	0.20	3.10E-01
<b>IGKV1-39</b>	0.41	2.86E-02	0.20	3.10E-01
<b>IGLON5</b>	-0.06	7.77E-01	0.20	3.10E-01
<b>LINC00427</b>	0.06	7.43E-01	-0.20	3.10E-01
<b>MIEF2</b>	0.06	7.75E-01	0.20	3.10E-01
<b>MLANA</b>	-0.34	7.61E-02	-0.20	3.10E-01
<b>MME</b>	0.17	3.91E-01	0.20	3.10E-01
<b>OXLD1</b>	-0.08	7.01E-01	0.20	3.10E-01
<b>PPP1R3F</b>	0.48	9.37E-03	0.20	3.10E-01
<b>RNF187</b>	0.28	1.53E-01	0.20	3.10E-01
<b>RP1-266L20.2</b>	-0.11	5.70E-01	-0.20	3.10E-01
<b>RP11-266L9.4</b>	-0.26	1.78E-01	-0.20	3.10E-01
<b>RP11-689J19.1</b>	0.36	6.33E-02	0.20	3.10E-01
<b>RP11-7O11.3</b>	0.01	9.53E-01	-0.20	3.10E-01
<b>RP11-84A12.1</b>	-0.06	7.71E-01	-0.20	3.10E-01
<b>RP4-673D20.3</b>	-0.28	1.44E-01	-0.20	3.10E-01
<b>SIN3B</b>	0.04	8.36E-01	0.20	3.10E-01
<b>TMEM101</b>	0.22	2.63E-01	0.20	3.10E-01
<b>TRIM13</b>	0.19	3.34E-01	0.20	3.10E-01
<b>XLOC_014192</b>	-0.16	4.18E-01	-0.20	3.10E-01
<b>bac-BPGBPG55C2I</b>	-0.04	8.33E-01	-0.20	3.10E-01
<b>ZNF815P</b>	-0.01	9.65E-01	0.20	3.10E-01
<b>AC004854.4</b>	-0.20	3.07E-01	0.20	3.10E-01
<b>AP001429.1</b>	0.14	4.70E-01	-0.20	3.10E-01
<b>ASPDH</b>	0.31	1.05E-01	0.20	3.10E-01
<b>BANK1</b>	0.41	3.20E-02	0.20	3.10E-01
<b>C15orf39</b>	-0.10	6.30E-01	0.20	3.10E-01
<b>COX10</b>	0.29	1.34E-01	0.20	3.10E-01
<b>DNAH14</b>	-0.23	2.34E-01	-0.20	3.10E-01
<b>FGD5-AS1</b>	-0.07	7.15E-01	-0.20	3.10E-01

G24464	-0.19	3.34E-01	-0.20	3.10E-01
GOLGA8B	-0.11	5.89E-01	-0.20	3.10E-01
HIST1H4I	-0.18	3.51E-01	0.20	3.10E-01
LINGO2	-0.01	9.74E-01	-0.20	3.10E-01
MEF2A	0.17	4.00E-01	0.20	3.10E-01
NAV2-AS5	-0.12	5.58E-01	0.20	3.10E-01
PANX2	0.25	1.98E-01	0.20	3.10E-01
PPIP5K1	0.09	6.55E-01	0.20	3.10E-01
PSMG3-AS1	-0.10	6.20E-01	0.20	3.10E-01
RASL11A	0.15	4.49E-01	0.20	3.10E-01
REV3L	0.00	9.93E-01	-0.20	3.10E-01
RP11-214O1.3	0.14	4.80E-01	0.20	3.10E-01
RP11-269G24.2	-0.01	9.49E-01	-0.20	3.10E-01
RP11-471L13.3	-0.46	1.33E-02	-0.20	3.10E-01
RP11-572O17.1	0.08	6.88E-01	-0.20	3.10E-01
RP11-981G7.6	-0.10	6.04E-01	-0.20	3.10E-01
RPL21P10	-0.37	5.54E-02	0.20	3.10E-01
SCUBE1	0.14	4.72E-01	-0.20	3.10E-01
SH3PXD2A	0.02	9.08E-01	0.20	3.10E-01
SLC5A9	-0.31	1.11E-01	-0.20	3.10E-01
TOB2	0.03	8.64E-01	0.20	3.10E-01
XLOC_005110	-0.03	8.74E-01	-0.20	3.10E-01
CDK17	0.28	1.45E-01	-0.20	3.11E-01
ESCO1	0.07	7.18E-01	-0.20	3.11E-01
FAM13A-AS1	-0.16	4.25E-01	-0.20	3.11E-01
HDHD2	-0.07	7.20E-01	-0.20	3.11E-01
HOXD3	0.14	4.93E-01	-0.20	3.11E-01
LMNA	-0.11	5.61E-01	-0.20	3.11E-01
RN7SL444P	0.04	8.35E-01	-0.20	3.11E-01
RPS24P12	-0.18	3.55E-01	-0.20	3.11E-01
SLC38A1	0.18	3.60E-01	-0.20	3.11E-01
ZCWPW2	-0.10	6.28E-01	-0.20	3.11E-01
AC003991.3	0.24	2.20E-01	0.20	3.11E-01
AC005387.3	-0.11	5.62E-01	0.20	3.11E-01
BATF2	0.34	7.42E-02	0.20	3.11E-01
C3orf62	0.09	6.58E-01	0.20	3.11E-01
CSF2RB	0.14	4.71E-01	0.20	3.11E-01
ENAH	0.27	1.67E-01	0.20	3.11E-01
H3F3A	0.09	6.48E-01	0.20	3.11E-01
IL18RAP	0.19	3.25E-01	0.20	3.11E-01
IL36A	0.31	1.05E-01	0.20	3.11E-01
PHBP19	-0.19	3.24E-01	0.20	3.11E-01
PRKCH	0.27	1.62E-01	0.20	3.11E-01
RBBP8NL	0.13	5.06E-01	0.20	3.11E-01
RNU6-60P	0.14	4.65E-01	0.20	3.11E-01
STEAP3	0.48	1.06E-02	0.20	3.11E-01
ABC8	-0.05	7.93E-01	0.20	3.12E-01

AC108861.1	-0.08	6.76E-01	-0.20	3.12E-01
ACOT2	-0.03	8.82E-01	-0.20	3.12E-01
AQP8	-0.05	7.95E-01	0.20	3.12E-01
CAPN1	0.33	8.90E-02	0.20	3.12E-01
CTB-134F13.1	-0.02	9.14E-01	-0.20	3.12E-01
FAM183A	-0.02	9.26E-01	-0.20	3.12E-01
LINC00176	0.02	9.16E-01	-0.20	3.12E-01
MCTP1	0.05	8.13E-01	0.20	3.12E-01
PDP1	0.18	3.51E-01	0.20	3.12E-01
PGBD2	0.04	8.33E-01	-0.20	3.12E-01
PRDX3P4	-0.23	2.36E-01	-0.20	3.12E-01
RP11-1060J15.4	0.02	9.04E-01	-0.20	3.12E-01
RP11-1072C15.6	0.01	9.63E-01	-0.20	3.12E-01
RP11-158H5.8	-0.44	1.96E-02	-0.20	3.12E-01
RP11-321G12.1	0.19	3.30E-01	-0.20	3.12E-01
RP11-649A18.5	0.04	8.46E-01	-0.20	3.12E-01
SAV1	-0.02	9.33E-01	0.20	3.12E-01
SDS	-0.24	2.13E-01	-0.20	3.12E-01
SERPINC1	-0.14	4.73E-01	-0.20	3.12E-01
SFRP4	-0.27	1.66E-01	0.20	3.12E-01
SLC35F3	0.04	8.58E-01	-0.20	3.12E-01
SNORA84	0.14	4.91E-01	0.20	3.12E-01
TMEM256P2	0.34	7.95E-02	0.20	3.12E-01
XLOC_005458	0.17	3.90E-01	-0.20	3.12E-01
ZNF767P	-0.11	5.75E-01	-0.20	3.12E-01
ZNF888	-0.01	9.71E-01	-0.20	3.12E-01
ZSCAN26	0.11	5.65E-01	0.20	3.12E-01
AC074375.1	-0.01	9.64E-01	-0.20	3.13E-01
AP000487.5	-0.03	8.89E-01	0.20	3.13E-01
ARHGAP5	0.41	2.93E-02	0.20	3.13E-01
CTD-2562J17.6	0.47	1.07E-02	0.20	3.13E-01
DNAAF3	-0.25	2.08E-01	-0.20	3.13E-01
IDH3G	-0.05	8.01E-01	0.20	3.13E-01
KB-1589B1.4	-0.02	9.37E-01	0.20	3.13E-01
KRT75	0.25	2.01E-01	0.20	3.13E-01
PIEZO1	-0.09	6.47E-01	0.20	3.13E-01
RNU4-31P	0.19	3.39E-01	0.20	3.13E-01
RNU6-510P	0.15	4.36E-01	-0.20	3.13E-01
RNU6-610P	-0.19	3.20E-01	-0.20	3.13E-01
RP1-193H18.3	-0.50	6.37E-03	0.20	3.13E-01
RP11-29H23.7	0.32	9.56E-02	-0.20	3.13E-01
RP11-44N11.2	-0.12	5.56E-01	0.20	3.13E-01
SMIM18	0.12	5.28E-01	-0.20	3.13E-01
SNORA7B	0.18	3.62E-01	0.20	3.13E-01
SNORD83A	0.24	2.12E-01	0.20	3.13E-01
SPSB3	-0.19	3.41E-01	-0.20	3.13E-01
SULF1	-0.51	5.77E-03	0.20	3.13E-01

SUMO3	0.02	9.10E-01	0.20	3.13E-01
UBA52P8	-0.14	4.82E-01	-0.20	3.13E-01
ZMYND19P1	0.05	7.98E-01	-0.20	3.13E-01
AC103881.1	-0.07	7.35E-01	-0.20	3.13E-01
BRI3	-0.01	9.46E-01	-0.20	3.13E-01
CTC-459F4.1	0.12	5.41E-01	-0.20	3.13E-01
CTD-2278I10.4	0.24	2.10E-01	-0.20	3.13E-01
G11194	-0.06	7.62E-01	-0.20	3.13E-01
ODF2	0.09	6.32E-01	-0.20	3.13E-01
RAB11FIP1	-0.19	3.41E-01	-0.20	3.13E-01
RP3-453C12.8	-0.13	5.24E-01	-0.20	3.13E-01
TM9SF2	0.04	8.29E-01	-0.20	3.13E-01
AC007950.2	-0.23	2.29E-01	0.20	3.13E-01
AC016582.2	-0.13	5.01E-01	0.20	3.13E-01
AKIRIN2	0.32	9.96E-02	0.20	3.13E-01
FBXL6	0.01	9.68E-01	0.20	3.13E-01
GPR171	0.27	1.62E-01	0.20	3.13E-01
NPR2	0.13	5.04E-01	0.20	3.13E-01
RAMP3	-0.17	3.98E-01	0.20	3.13E-01
RP11-38G5.4	-0.22	2.51E-01	0.20	3.13E-01
RP11-49K24.4	-0.30	1.18E-01	0.20	3.13E-01
RP11-541P9.3	0.07	7.26E-01	0.20	3.13E-01
SATB1	0.05	8.00E-01	0.20	3.13E-01
VAV3	-0.10	6.29E-01	0.20	3.13E-01
ABCD2	0.25	1.91E-01	0.20	3.14E-01
ACOT11	0.15	4.58E-01	0.20	3.14E-01
FAM149B1	-0.10	6.12E-01	-0.20	3.14E-01
GPR34	0.08	6.81E-01	0.20	3.14E-01
ITIH3	-0.23	2.44E-01	-0.20	3.14E-01
KB-1507C5.4	-0.10	5.99E-01	-0.20	3.14E-01
POLR2KP1	0.00	9.92E-01	-0.20	3.14E-01
RP1-95L4.4	0.04	8.49E-01	0.20	3.14E-01
RP11-429P3.8	0.10	6.04E-01	-0.20	3.14E-01
RP11-669M16.1	-0.04	8.40E-01	-0.20	3.14E-01
RP11-99E15.2	0.03	8.63E-01	0.20	3.14E-01
RP3-492J12.2	0.06	7.50E-01	0.20	3.14E-01
RPLP0P2	-0.32	1.01E-01	-0.20	3.14E-01
SPATA33	-0.09	6.59E-01	-0.20	3.14E-01
XKR8	0.22	2.65E-01	0.20	3.14E-01
ZNF668	0.30	1.16E-01	0.20	3.14E-01
AC008079.10	-0.07	7.10E-01	-0.20	3.15E-01
AC092687.5	0.36	5.94E-02	-0.20	3.15E-01
ANKRD6	-0.11	5.67E-01	-0.20	3.15E-01
BNIP3P39	-0.22	2.66E-01	-0.20	3.15E-01
CTD-3222D19.4	-0.10	6.21E-01	-0.20	3.15E-01
DNASE1L2	-0.03	8.68E-01	0.20	3.15E-01
ECE1	0.11	5.92E-01	0.20	3.15E-01

ELP4	-0.11	5.87E-01	-0.20	3.15E-01
FAM174A	0.17	3.90E-01	-0.20	3.15E-01
FAM24B	0.03	8.62E-01	-0.20	3.15E-01
G40988	-0.12	5.27E-01	0.20	3.15E-01
HOXD10	-0.12	5.55E-01	-0.20	3.15E-01
ISYNA1	-0.10	5.95E-01	0.20	3.15E-01
MFAP4	-0.19	3.31E-01	0.20	3.15E-01
MIR4786	0.29	1.29E-01	-0.20	3.15E-01
RP11-100L22.1	-0.26	1.75E-01	-0.20	3.15E-01
RP11-38L15.3	-0.01	9.67E-01	-0.20	3.15E-01
RP11-549B18.1	0.04	8.39E-01	-0.20	3.15E-01
RP11-689B22.2	-0.07	7.28E-01	-0.20	3.15E-01
RP5-965G21.6	-0.25	2.04E-01	-0.20	3.15E-01
RPS11P5	-0.13	5.11E-01	0.20	3.15E-01
RUNX1	0.08	6.94E-01	0.20	3.15E-01
ACSBG1	-0.19	3.41E-01	-0.20	3.16E-01
DIRAS2	-0.12	5.31E-01	-0.20	3.16E-01
EXOSC1	0.18	3.66E-01	0.20	3.16E-01
GATA2	-0.04	8.24E-01	-0.20	3.16E-01
GLB1L3	0.17	3.96E-01	0.20	3.16E-01
GPR180	-0.07	7.14E-01	-0.20	3.16E-01
MGARP	0.18	3.64E-01	0.20	3.16E-01
OCLM	-0.07	7.16E-01	-0.20	3.16E-01
PRKCD	0.05	8.08E-01	0.20	3.16E-01
RP11-368P15.1	-0.37	5.35E-02	-0.20	3.16E-01
RP5-1047A19.4	0.18	3.66E-01	-0.20	3.16E-01
STARD4	0.32	9.93E-02	0.20	3.16E-01
ALX4	-0.09	6.66E-01	-0.20	3.16E-01
C14orf1	0.22	2.56E-01	0.20	3.16E-01
DPH6	0.00	9.80E-01	-0.20	3.16E-01
ERO1A	0.22	2.68E-01	0.20	3.16E-01
FGD1	0.12	5.27E-01	0.20	3.16E-01
HK1	0.09	6.57E-01	0.20	3.16E-01
HSD3B1	0.19	3.44E-01	0.20	3.16E-01
KLF3	0.12	5.32E-01	0.20	3.16E-01
NPIPA5	-0.11	5.67E-01	0.20	3.16E-01
NPM1P26	0.18	3.55E-01	-0.20	3.16E-01
NR2F2-AS1	0.05	8.05E-01	0.20	3.16E-01
POLH	0.17	3.93E-01	0.20	3.16E-01
RP11-162A12.2	0.28	1.48E-01	0.20	3.16E-01
RP11-706P11.2	-0.01	9.55E-01	-0.20	3.16E-01
RP11-8L8.2	0.21	2.91E-01	0.20	3.16E-01
RP5-1029F21.2	-0.24	2.28E-01	-0.20	3.16E-01
SKAP1	0.20	3.00E-01	0.20	3.16E-01
AC016708.2	0.21	2.85E-01	0.20	3.17E-01
ARHGEF34P	0.33	8.48E-02	0.20	3.17E-01
ATP6AP1L	-0.13	5.04E-01	-0.20	3.17E-01



BTN2A1	-0.15	4.56E-01	-0.20	3.17E-01
CCDC34	-0.06	7.47E-01	-0.20	3.17E-01
CLPX	0.12	5.52E-01	0.20	3.17E-01
G29700	-0.03	8.95E-01	-0.20	3.17E-01
G41779	-0.05	7.87E-01	-0.20	3.17E-01
GPR22	-0.18	3.55E-01	-0.20	3.17E-01
KRT8P31	0.09	6.67E-01	0.20	3.17E-01
PLCL1	-0.11	5.92E-01	0.20	3.17E-01
RP11-1112J20.2	0.34	7.27E-02	0.20	3.17E-01
RP11-800A3.4	0.24	2.18E-01	0.20	3.17E-01
RP11-91P24.3	0.08	6.93E-01	0.20	3.17E-01
XLOC_004673	-0.07	7.22E-01	0.20	3.17E-01
ZBED6	0.01	9.71E-01	0.20	3.17E-01
AC000403.4	0.19	3.44E-01	-0.20	3.18E-01
AC130469.1	-0.11	5.92E-01	0.20	3.18E-01
CEP162	-0.40	3.49E-02	-0.20	3.18E-01
COL6A2	-0.26	1.74E-01	0.20	3.18E-01
CPPED1	-0.04	8.33E-01	0.20	3.18E-01
DOCK5	-0.20	3.19E-01	-0.20	3.18E-01
KDM3A	-0.15	4.54E-01	-0.20	3.18E-01
PLXND1	-0.21	2.93E-01	0.20	3.18E-01
PSAT1P3	0.06	7.61E-01	0.20	3.18E-01
PTGES2	0.26	1.75E-01	0.20	3.18E-01
RMI2	-0.08	6.93E-01	0.20	3.18E-01
RNU6-1282P	-0.14	4.93E-01	-0.20	3.18E-01
SETBP1	0.01	9.58E-01	0.20	3.18E-01
TMEM189	0.02	9.31E-01	-0.20	3.18E-01
TMEM231	0.14	4.72E-01	-0.20	3.18E-01
TRAV4	0.26	1.88E-01	-0.20	3.18E-01
ZNF281	0.18	3.49E-01	0.20	3.18E-01
ZNF300	-0.05	7.92E-01	-0.20	3.18E-01
CCT7P1	-0.12	5.45E-01	-0.20	3.19E-01
CTD-2349P21.6	-0.08	6.68E-01	-0.20	3.19E-01
CTD-3065J16.6	0.00	9.90E-01	-0.20	3.19E-01
DPH7	-0.07	7.32E-01	-0.20	3.19E-01
MORF4L2	0.09	6.67E-01	-0.20	3.19E-01
RP11-182J23.1	0.03	8.66E-01	-0.20	3.19E-01
RP11-31H5.3	0.06	7.73E-01	-0.20	3.19E-01
RP3-477O4.14	0.01	9.66E-01	-0.20	3.19E-01
RRP15	0.08	6.84E-01	-0.20	3.19E-01
SMARCA1	-0.10	6.10E-01	-0.20	3.19E-01
AC156455.1	-0.15	4.34E-01	0.20	3.19E-01
ACOX3	0.46	1.35E-02	0.20	3.19E-01
ANKRD13D	-0.19	3.25E-01	0.20	3.19E-01
CFAP44-AS1	-0.24	2.10E-01	0.20	3.19E-01
CTC-490G23.2	0.23	2.36E-01	0.20	3.19E-01
DHFRP1	0.07	7.05E-01	0.20	3.19E-01

MIR4782	0.00	9.91E-01	0.20	3.19E-01
SLC10A6	0.31	1.07E-01	0.20	3.19E-01
AC007787.2	-0.07	7.05E-01	-0.20	3.19E-01
AC062029.1	0.03	8.61E-01	0.20	3.19E-01
AC104781.1	-0.23	2.35E-01	0.20	3.19E-01
AOX2P	0.29	1.38E-01	0.20	3.19E-01
BIRC2	0.15	4.56E-01	0.20	3.19E-01
CSTF2	0.23	2.45E-01	0.20	3.19E-01
DGCR2	0.14	4.93E-01	0.20	3.19E-01
DIS3L	0.02	9.25E-01	-0.20	3.19E-01
FCRLA	-0.19	3.42E-01	-0.20	3.19E-01
G39805	-0.13	5.17E-01	-0.20	3.19E-01
GALNT4	0.50	6.86E-03	0.20	3.19E-01
IMPG1	-0.37	5.29E-02	-0.20	3.19E-01
MATN4	-0.14	4.92E-01	-0.20	3.19E-01
RP11-21B23.2	-0.18	3.48E-01	-0.20	3.19E-01
RP11-290C10.1	0.05	7.85E-01	-0.20	3.19E-01
RP11-530A18.1	-0.41	3.22E-02	-0.20	3.19E-01
RPL13P6	-0.04	8.23E-01	-0.20	3.19E-01
RPS4XP22	-0.16	4.24E-01	0.20	3.19E-01
TMEM39B	0.28	1.46E-01	0.20	3.19E-01
ZNF771	0.15	4.59E-01	0.20	3.19E-01
ZNF800	0.03	8.75E-01	-0.20	3.19E-01
AK3P5	0.25	2.00E-01	-0.20	3.20E-01
C8orf17	-0.12	5.32E-01	-0.20	3.20E-01
CTC-459F4.3	-0.05	7.91E-01	-0.20	3.20E-01
EPM2A	0.25	1.97E-01	-0.20	3.20E-01
HHEX	0.00	9.98E-01	-0.20	3.20E-01
RP11-35J10.4	-0.36	5.86E-02	-0.20	3.20E-01
RP11-950K24.2	-0.15	4.38E-01	-0.20	3.20E-01
RPL24	0.06	7.77E-01	-0.20	3.20E-01
SLC7A6OS	-0.19	3.44E-01	-0.20	3.20E-01
ZDHHC6	0.23	2.37E-01	-0.20	3.20E-01
AC007041.2	-0.11	5.65E-01	0.20	3.20E-01
AC078883.3	0.27	1.60E-01	0.20	3.20E-01
HLA-DMB	0.01	9.76E-01	0.20	3.20E-01
HOXB-AS1	-0.04	8.49E-01	0.20	3.20E-01
MMP12	0.18	3.54E-01	0.20	3.20E-01
PRCP	0.05	8.08E-01	0.20	3.20E-01
PSMB10	0.31	1.04E-01	0.20	3.20E-01
RP11-298J20.4	-0.16	4.27E-01	0.20	3.20E-01
RP11-782C8.4	0.08	6.77E-01	0.20	3.20E-01
TSPAN12	-0.27	1.73E-01	0.20	3.20E-01
UGT1A7	0.00	9.87E-01	0.20	3.20E-01
AEBP2	0.20	2.97E-01	0.20	3.21E-01
ALG1L2	0.26	1.87E-01	0.20	3.21E-01
AMOTL1	-0.05	7.96E-01	0.20	3.21E-01

C9orf114	0.01	9.65E-01	0.20	3.21E-01
CCSER1	-0.44	1.78E-02	-0.20	3.21E-01
CCSER2	-0.08	6.83E-01	-0.20	3.21E-01
CTD-3105H18.18	-0.02	9.05E-01	0.20	3.21E-01
DSG1	-0.01	9.54E-01	0.20	3.21E-01
HLA-DMA	0.32	9.56E-02	0.20	3.21E-01
JKAMP	0.11	5.66E-01	0.20	3.21E-01
KRT33B	-0.22	2.68E-01	0.20	3.21E-01
LINC00339	0.08	7.00E-01	0.20	3.21E-01
LINC01126	0.19	3.39E-01	-0.20	3.21E-01
PAWR	0.17	3.85E-01	-0.20	3.21E-01
PCSK5	-0.40	3.33E-02	-0.20	3.21E-01
PPM1E	-0.20	3.12E-01	-0.20	3.21E-01
RNU2-64P	0.18	3.57E-01	0.20	3.21E-01
RP11-345P4.6	-0.10	6.07E-01	-0.20	3.21E-01
RP11-432I5.4	-0.13	5.08E-01	0.20	3.21E-01
RP11-501M7.1	-0.28	1.50E-01	0.20	3.21E-01
RP11-529E10.7	0.01	9.66E-01	-0.20	3.21E-01
SH3GLB1	0.12	5.43E-01	-0.20	3.21E-01
SRSF9P1	0.28	1.51E-01	0.20	3.21E-01
TLR8	0.31	1.04E-01	0.20	3.21E-01
TMEM57	0.23	2.36E-01	0.20	3.21E-01
TSSC1-IT1	0.02	9.17E-01	-0.20	3.21E-01
ABCC2	-0.17	4.01E-01	0.20	3.22E-01
AKAP11	0.08	6.78E-01	-0.20	3.22E-01
CTC-204F22.1	-0.05	7.87E-01	-0.20	3.22E-01
CTD-2589H19.6	-0.09	6.65E-01	0.20	3.22E-01
CTNNA2	-0.36	6.18E-02	0.20	3.22E-01
FRZB	0.10	6.20E-01	-0.20	3.22E-01
GNPTG	-0.04	8.50E-01	0.20	3.22E-01
HAPLN2	-0.09	6.64E-01	-0.20	3.22E-01
LILRB2	-0.07	7.38E-01	0.20	3.22E-01
MCC	-0.22	2.51E-01	-0.20	3.22E-01
MIR302C	0.07	7.18E-01	-0.20	3.22E-01
MYLK4	0.35	7.12E-02	-0.20	3.22E-01
PRRG4	0.39	4.23E-02	0.20	3.22E-01
RHEBL1	-0.09	6.38E-01	-0.20	3.22E-01
RNU6-223P	-0.05	8.00E-01	0.20	3.22E-01
RP11-1007J8.1	-0.02	9.24E-01	0.20	3.22E-01
RP11-208G20.2	-0.51	6.05E-03	-0.20	3.22E-01
RP11-649A18.12	0.15	4.45E-01	0.20	3.22E-01
RP11-774O3.3	0.33	9.04E-02	-0.20	3.22E-01
RPL12P4	0.05	7.85E-01	0.20	3.22E-01
RPL29P12	0.11	5.85E-01	-0.20	3.22E-01
S1PR2	0.28	1.44E-01	0.20	3.22E-01
ABCA13	0.04	8.22E-01	-0.20	3.22E-01
AC005540.3	0.01	9.59E-01	-0.20	3.22E-01

AC008991.1	-0.34	7.51E-02	-0.20	3.22E-01
BMP4	-0.18	3.70E-01	0.20	3.22E-01
C1orf74	0.01	9.42E-01	-0.20	3.22E-01
CCDC183-AS1	0.05	7.91E-01	0.20	3.22E-01
CTH	-0.18	3.61E-01	0.20	3.22E-01
FAM20A	0.19	3.41E-01	0.20	3.22E-01
FRMD4B	-0.12	5.53E-01	0.20	3.22E-01
GALR3	-0.10	6.06E-01	-0.20	3.22E-01
GCGR	0.08	6.85E-01	0.20	3.22E-01
LIG1	-0.08	6.88E-01	-0.20	3.22E-01
MED21	0.12	5.29E-01	0.20	3.22E-01
NDUF4F4P3	-0.06	7.44E-01	-0.20	3.22E-01
PPP2R2D	0.23	2.47E-01	-0.20	3.22E-01
PSPC1	0.21	2.94E-01	0.20	3.22E-01
RP11-119F19.4	-0.30	1.25E-01	-0.20	3.22E-01
RP11-162A12.3	0.13	5.19E-01	-0.20	3.22E-01
RP11-254I22.1	-0.23	2.47E-01	-0.20	3.22E-01
RP11-552F3.9	0.01	9.58E-01	0.20	3.22E-01
RP11-560J1.2	-0.13	5.02E-01	0.20	3.22E-01
RP11-631N16.2	0.26	1.75E-01	-0.20	3.22E-01
RP11-849F2.7	-0.04	8.37E-01	-0.20	3.22E-01
RP11-862L9.3	-0.14	4.87E-01	-0.20	3.22E-01
SERPINA3	0.28	1.46E-01	0.20	3.22E-01
SLC45A2	-0.21	2.78E-01	-0.20	3.22E-01
TGM5	-0.09	6.51E-01	0.20	3.22E-01
TLE2	0.04	8.54E-01	-0.20	3.22E-01
TNFAIP8L2	0.11	5.61E-01	0.20	3.22E-01
AARS	0.10	6.07E-01	0.20	3.23E-01
AC008440.10	-0.09	6.53E-01	-0.20	3.23E-01
ANG	0.05	7.93E-01	-0.20	3.23E-01
ANKMY1	-0.17	3.99E-01	-0.20	3.23E-01
DEPDC7	0.31	1.06E-01	0.20	3.23E-01
KCND3-IT1	0.05	7.91E-01	-0.20	3.23E-01
LINC00278	0.39	3.82E-02	0.20	3.23E-01
MIS18A-AS1	0.03	8.70E-01	-0.20	3.23E-01
NNAT	0.12	5.41E-01	-0.20	3.23E-01
P2RY4	-0.30	1.15E-01	-0.20	3.23E-01
RP11-139H14.5	-0.02	9.29E-01	-0.20	3.23E-01
RP11-162J8.3	0.06	7.72E-01	0.20	3.23E-01
RP11-923I11.4	-0.33	8.81E-02	0.20	3.23E-01
RP5-837M10.4	0.13	4.99E-01	-0.20	3.23E-01
SGCZ	0.18	3.63E-01	0.20	3.23E-01
TAB2	-0.15	4.50E-01	0.20	3.23E-01
TOM1L2	-0.08	7.04E-01	0.20	3.23E-01
TRAF5	-0.18	3.66E-01	-0.20	3.23E-01
AC074391.1	-0.09	6.49E-01	-0.20	3.24E-01
ATF7	-0.27	1.67E-01	0.20	3.24E-01

DNTTIP2	0.03	8.66E-01	-0.20	3.24E-01
MAMDC2-AS1	-0.24	2.25E-01	-0.20	3.24E-01
MIR5096	-0.06	7.80E-01	0.20	3.24E-01
MSANTD3	-0.02	9.35E-01	0.20	3.24E-01
MZT2A	0.17	3.91E-01	0.20	3.24E-01
OSBP	-0.08	6.94E-01	0.20	3.24E-01
PGBD1	-0.04	8.25E-01	0.20	3.24E-01
PTPN11	-0.03	8.65E-01	-0.20	3.24E-01
RN7SL867P	0.13	5.04E-01	0.20	3.24E-01
RP11-716H6.2	-0.11	5.94E-01	-0.20	3.24E-01
RPL12P25	-0.02	9.23E-01	-0.20	3.24E-01
RPS12P20	0.03	8.68E-01	0.20	3.24E-01
SLAMF6	0.17	3.82E-01	0.20	3.24E-01
SRCIN1	0.32	1.02E-01	-0.20	3.24E-01
TMA7	0.00	9.97E-01	-0.20	3.24E-01
EGR1	0.10	5.98E-01	0.20	3.25E-01
MEX3A	0.35	6.52E-02	0.20	3.25E-01
NCEH1	0.30	1.27E-01	0.20	3.25E-01
PET100	0.23	2.34E-01	0.20	3.25E-01
RP11-443F16.1	-0.31	1.12E-01	0.20	3.25E-01
SPINK6	-0.06	7.80E-01	0.20	3.25E-01
TIFAB	0.27	1.58E-01	0.20	3.25E-01
AC007557.2	-0.31	1.13E-01	-0.20	3.25E-01
APITD1	0.12	5.54E-01	-0.20	3.25E-01
PJA2	-0.05	7.93E-01	-0.20	3.25E-01
RP11-16F15.2	0.03	8.68E-01	-0.20	3.25E-01
RP11-430C7.2	0.08	6.75E-01	-0.20	3.25E-01
RP11-639E23.1	-0.17	3.76E-01	-0.20	3.25E-01
XLOC_008072	0.01	9.44E-01	-0.20	3.25E-01
ADO	0.24	2.20E-01	0.20	3.25E-01
AL513547.1	-0.30	1.19E-01	0.20	3.25E-01
G38775	0.15	4.49E-01	0.20	3.25E-01
KCTD9P5	-0.15	4.51E-01	0.20	3.25E-01
PCAT6	0.09	6.32E-01	0.20	3.25E-01
PYCR1	0.10	6.08E-01	0.20	3.25E-01
RP11-104L21.3	0.15	4.51E-01	0.20	3.25E-01
RP11-1348G14.5	-0.11	5.81E-01	0.20	3.25E-01
SLC41A1	0.40	3.40E-02	0.20	3.25E-01
AC004159.1	-0.17	3.76E-01	-0.20	3.25E-01
AC128709.4	-0.05	7.91E-01	-0.20	3.25E-01
COL5A1-AS1	0.11	5.64E-01	-0.20	3.25E-01
CWF19L2	0.16	4.10E-01	-0.20	3.25E-01
ELL3	-0.06	7.68E-01	-0.20	3.25E-01
KRT9	-0.05	7.84E-01	-0.20	3.25E-01
MBIP	-0.27	1.58E-01	-0.20	3.25E-01
PEBP1	0.10	6.14E-01	-0.20	3.25E-01
RP11-295I5.3	0.01	9.70E-01	-0.20	3.25E-01

RP11-342K6.2	-0.35	6.82E-02	-0.20	3.25E-01
RP11-687M24.8	-0.15	4.41E-01	-0.20	3.25E-01
RP5-991C6.4	-0.09	6.49E-01	-0.20	3.25E-01
RTKN2	0.29	1.36E-01	-0.20	3.25E-01
SLC25A36	-0.11	5.80E-01	-0.20	3.25E-01
TCEB3C	0.13	5.11E-01	-0.20	3.25E-01
TRIM9	-0.48	9.84E-03	-0.20	3.25E-01
CHD1	0.37	5.48E-02	-0.20	3.26E-01
CLDN18	-0.26	1.89E-01	-0.20	3.26E-01
CTA-444M12.3	-0.31	1.10E-01	-0.20	3.26E-01
CTD-3065J16.9	0.09	6.57E-01	0.20	3.26E-01
ECI2	-0.09	6.61E-01	-0.20	3.26E-01
ENGASE	-0.29	1.40E-01	0.20	3.26E-01
FAM13A	-0.34	7.32E-02	-0.20	3.26E-01
ISM1	-0.35	7.15E-02	-0.20	3.26E-01
MICU1	-0.10	6.21E-01	-0.20	3.26E-01
MYH15	0.07	7.20E-01	-0.20	3.26E-01
NOL8	-0.04	8.43E-01	-0.20	3.26E-01
RABGGTB	-0.12	5.37E-01	-0.20	3.26E-01
RAP2A	0.29	1.31E-01	0.20	3.26E-01
RNU1-73P	0.05	8.08E-01	-0.20	3.26E-01
RNU5B-1	0.14	4.72E-01	0.20	3.26E-01
RP11-324O2.3	-0.13	4.96E-01	-0.20	3.26E-01
RP11-80P20.3	-0.12	5.41E-01	-0.20	3.26E-01
RP13-270P17.2	-0.15	4.49E-01	0.20	3.26E-01
SNORA55	0.24	2.11E-01	0.20	3.26E-01
SPTLC3	-0.03	8.61E-01	-0.20	3.26E-01
TRIB2	0.19	3.33E-01	0.20	3.26E-01
WDR20	-0.17	3.80E-01	0.20	3.26E-01
XLOC_005339	-0.43	2.17E-02	-0.20	3.26E-01
Xbac-BPG154L12.	-0.30	1.15E-01	-0.20	3.26E-01
ZNF555	0.25	1.91E-01	0.20	3.26E-01
AC113189.5	-0.04	8.54E-01	0.20	3.27E-01
AC124944.3	0.01	9.70E-01	-0.20	3.27E-01
ADAMTS1	-0.05	7.92E-01	-0.20	3.27E-01
CEP350	-0.11	5.84E-01	-0.20	3.27E-01
CTD-2231E14.8	0.02	9.02E-01	-0.20	3.27E-01
DUSP1	-0.36	6.13E-02	-0.20	3.27E-01
FLJ41941	-0.19	3.41E-01	0.20	3.27E-01
FTL	0.04	8.59E-01	0.20	3.27E-01
GREB1L	-0.06	7.59E-01	-0.20	3.27E-01
HNRNPA1P35	0.06	7.59E-01	-0.20	3.27E-01
PPP1R8P1	-0.34	7.46E-02	-0.20	3.27E-01
RB1CC1	-0.20	2.97E-01	-0.20	3.27E-01
RN7SL566P	-0.12	5.43E-01	0.20	3.27E-01
RP11-118E18.2	0.00	9.94E-01	0.20	3.27E-01
RP11-157J24.2	0.22	2.53E-01	-0.20	3.27E-01

<b>RP11-77H9.2</b>	0.12	5.29E-01	-0.20	3.27E-01
5-Sep	-0.01	9.78E-01	0.20	3.27E-01
SLC12A3	0.16	4.15E-01	-0.20	3.27E-01
SNORD116	-0.23	2.45E-01	-0.20	3.27E-01
SNRK	-0.12	5.46E-01	-0.20	3.27E-01
WNK4	0.22	2.62E-01	-0.20	3.27E-01
<b>XLOC_005377</b>	-0.10	6.00E-01	0.20	3.27E-01
ZFP3	0.19	3.45E-01	-0.20	3.27E-01
ZNF890P	0.33	8.56E-02	0.20	3.27E-01
<b>AC004945.1</b>	-0.12	5.46E-01	-0.20	3.28E-01
CCDC144A	-0.18	3.52E-01	-0.20	3.28E-01
CFAP53	0.12	5.33E-01	-0.20	3.28E-01
CLDN4	-0.18	3.57E-01	-0.20	3.28E-01
DLEU2L	-0.07	7.38E-01	-0.20	3.28E-01
ENDOU	0.31	1.12E-01	-0.20	3.28E-01
FAM162B	0.05	7.87E-01	0.20	3.28E-01
ITCH-AS1	-0.22	2.59E-01	0.20	3.28E-01
<b>KB-1125A3.12</b>	-0.08	7.00E-01	-0.20	3.28E-01
MPRIPP1	-0.24	2.19E-01	-0.20	3.28E-01
MPZL3	0.12	5.29E-01	0.20	3.28E-01
PCDHB5	0.06	7.58E-01	-0.20	3.28E-01
PDE6D	0.05	7.96E-01	0.20	3.28E-01
<b>RP11-12O16.1</b>	-0.25	1.93E-01	-0.20	3.28E-01
<b>RP11-731D1.4</b>	-0.02	9.38E-01	-0.20	3.28E-01
<b>RP11-79N23.1</b>	-0.19	3.26E-01	-0.20	3.28E-01
<b>RP11-804H8.7</b>	0.25	2.03E-01	-0.20	3.28E-01
<b>RP11-894P9.2</b>	0.00	9.86E-01	0.20	3.28E-01
SYN2	-0.42	2.53E-02	-0.20	3.28E-01
CC2D2A	0.15	4.55E-01	-0.20	3.28E-01
<b>CTB-60B18.10</b>	0.00	9.83E-01	-0.20	3.28E-01
<b>CTD-3185P2.1</b>	0.36	6.33E-02	-0.20	3.28E-01
G8687	-0.05	8.04E-01	-0.20	3.28E-01
<b>RP11-162G10.1</b>	0.11	5.60E-01	-0.20	3.28E-01
SYCP2	0.08	6.68E-01	-0.20	3.28E-01
TMEM164	-0.07	7.35E-01	-0.20	3.28E-01
TTC25	-0.20	3.02E-01	-0.20	3.28E-01
TTPA	-0.09	6.67E-01	-0.20	3.28E-01
UPRT	-0.07	7.26E-01	-0.20	3.28E-01
<b>WHAMMP2</b>	0.20	3.14E-01	-0.20	3.28E-01
<b>AC069363.1</b>	0.12	5.31E-01	0.20	3.28E-01
CAPG	0.13	5.10E-01	0.20	3.28E-01
DACT2	0.11	5.80E-01	0.20	3.28E-01
LENG1	0.00	9.86E-01	0.20	3.28E-01
MIR589	-0.23	2.34E-01	0.20	3.28E-01
<b>RP13-977J11.2</b>	0.06	7.63E-01	0.20	3.28E-01
TRAF7	0.36	5.74E-02	0.20	3.28E-01
UNK	0.10	6.19E-01	0.20	3.28E-01

ABCE1	0.22	2.51E-01	-0.20	3.29E-01
ADGRL3	-0.15	4.54E-01	-0.20	3.29E-01
APLP2	0.36	5.96E-02	0.20	3.29E-01
BAIAP2L1	0.25	2.03E-01	-0.20	3.29E-01
CERS3-AS1	0.12	5.50E-01	-0.20	3.29E-01
CHRM3-AS2	0.36	6.07E-02	0.20	3.29E-01
ECM1	-0.10	6.23E-01	0.20	3.29E-01
EFNA3	0.07	7.10E-01	-0.20	3.29E-01
G8412	0.12	5.30E-01	0.20	3.29E-01
HLA-J	-0.03	8.65E-01	0.20	3.29E-01
MAPK8	0.27	1.60E-01	-0.20	3.29E-01
MIR320A	0.06	7.58E-01	-0.20	3.29E-01
NUB1	0.07	7.40E-01	0.20	3.29E-01
R3HDM1	0.06	7.62E-01	0.20	3.29E-01
RP11-101O6.2	0.13	5.16E-01	-0.20	3.29E-01
RP11-135F9.3	0.20	3.07E-01	-0.20	3.29E-01
RP3-522J7.6	0.04	8.57E-01	-0.20	3.29E-01
SHPRH	-0.15	4.31E-01	-0.20	3.29E-01
STXBP1	-0.07	7.10E-01	0.20	3.29E-01
SUPT7L	-0.12	5.27E-01	0.20	3.29E-01
TAS2R42	-0.13	5.19E-01	-0.20	3.29E-01
TBX5-AS1	-0.02	9.22E-01	-0.20	3.29E-01
XLOC_005087	-0.23	2.43E-01	-0.20	3.29E-01
AC017078.1	0.11	5.91E-01	0.19	3.30E-01
AC096775.2	0.06	7.59E-01	-0.19	3.30E-01
AFF2	0.19	3.27E-01	-0.19	3.30E-01
ATP1B1P1	0.25	2.02E-01	-0.19	3.30E-01
C12orf60	0.17	3.93E-01	-0.19	3.30E-01
CTD-2047H16.4	-0.24	2.09E-01	0.19	3.30E-01
DLG5-AS1	-0.14	4.69E-01	0.19	3.30E-01
EIF4B	0.06	7.67E-01	-0.19	3.30E-01
FOXD4L1	0.11	5.71E-01	-0.19	3.30E-01
G28632	0.07	7.20E-01	-0.19	3.30E-01
GABRP	-0.32	9.84E-02	-0.19	3.30E-01
IREB2	0.08	6.79E-01	-0.19	3.30E-01
MIR2116	-0.16	4.26E-01	-0.19	3.30E-01
RP11-196G11.4	0.03	8.82E-01	-0.19	3.30E-01
RP3-424M6.4	-0.28	1.53E-01	0.19	3.30E-01
RP4-621F18.2	0.04	8.55E-01	-0.19	3.30E-01
RP5-837J1.1	0.05	8.07E-01	-0.19	3.30E-01
TMEM266	-0.01	9.57E-01	0.19	3.30E-01
TSC22D1-AS1	0.09	6.65E-01	-0.19	3.30E-01
ZNF763	0.00	9.98E-01	-0.19	3.30E-01
BBS5	-0.13	4.94E-01	-0.19	3.31E-01
C1orf100	-0.05	7.94E-01	-0.19	3.31E-01
CTD-3157E16.2	-0.21	2.95E-01	-0.19	3.31E-01
EMB	-0.26	1.79E-01	-0.19	3.31E-01



FAM229B	0.09	6.41E-01	-0.19	3.31E-01
FBXO48	0.23	2.45E-01	-0.19	3.31E-01
G18341	-0.16	4.21E-01	-0.19	3.31E-01
KLHDC8A	-0.28	1.45E-01	-0.19	3.31E-01
RNU6-360P	-0.37	5.38E-02	-0.19	3.31E-01
RP11-231C14.4	-0.03	8.73E-01	-0.19	3.31E-01
RP11-346J10.1	0.02	9.24E-01	-0.19	3.31E-01
RP4-630A11.3	0.05	8.10E-01	-0.19	3.31E-01
SLC1A2	0.16	4.29E-01	-0.19	3.31E-01
XLOC_001097	0.12	5.30E-01	-0.19	3.31E-01
ATP5G2P3	-0.19	3.37E-01	0.19	3.31E-01
ELF4	0.05	8.04E-01	0.19	3.31E-01
IPO8	0.09	6.50E-01	0.19	3.31E-01
NFU1	0.11	5.90E-01	0.19	3.31E-01
OSBPL10	0.02	9.03E-01	0.19	3.31E-01
RP11-346C16.1	0.18	3.55E-01	0.19	3.31E-01
STK25	0.01	9.60E-01	0.19	3.31E-01
VN1R80P	0.07	7.32E-01	0.19	3.31E-01
ZDHHC20P4	0.15	4.40E-01	0.19	3.31E-01
AP2S1	0.30	1.15E-01	0.19	3.32E-01
CTD-2553L13.5	0.14	4.84E-01	0.19	3.32E-01
DAW1	-0.21	2.73E-01	0.19	3.32E-01
DDX5	0.06	7.62E-01	-0.19	3.32E-01
GALNT6	0.31	1.08E-01	0.19	3.32E-01
HEXIM2	-0.09	6.52E-01	-0.19	3.32E-01
HMG2P28	-0.46	1.44E-02	-0.19	3.32E-01
LCE1E	0.22	2.52E-01	0.19	3.32E-01
NPTX1	-0.30	1.17E-01	0.19	3.32E-01
OGFRL1	0.35	7.08E-02	-0.19	3.32E-01
PCDHGC3	0.13	5.19E-01	0.19	3.32E-01
PCYOX1L	0.10	6.30E-01	0.19	3.32E-01
POPDC2	-0.14	4.69E-01	-0.19	3.32E-01
RBFOX2	-0.03	8.79E-01	-0.19	3.32E-01
RP11-298C2.1	-0.19	3.26E-01	0.19	3.32E-01
RP11-491H19.1	-0.40	3.65E-02	-0.19	3.32E-01
RPS25	0.16	4.30E-01	-0.19	3.32E-01
SDR9C7	0.29	1.30E-01	0.19	3.32E-01
SMG6-IT1	0.10	6.26E-01	-0.19	3.32E-01
STX10	0.16	4.24E-01	0.19	3.32E-01
TRBV29-1	0.03	8.62E-01	0.19	3.32E-01
AC069282.6	0.05	7.93E-01	-0.19	3.32E-01
AC097724.3	-0.27	1.69E-01	-0.19	3.32E-01
AP002381.2	-0.36	5.66E-02	0.19	3.32E-01
BOLL	-0.03	8.68E-01	-0.19	3.32E-01
CTB-191K22.6	0.14	4.66E-01	-0.19	3.32E-01
CTD-2020K17.1	0.08	6.70E-01	0.19	3.32E-01
CTD-2530N21.4	-0.25	2.07E-01	-0.19	3.32E-01

<b>CTD-3018O17.5</b>	-0.06	7.57E-01	-0.19	3.32E-01
<b>EEF1A1P4</b>	0.15	4.59E-01	-0.19	3.32E-01
<b>FAM160A2</b>	-0.22	2.53E-01	-0.19	3.32E-01
<b>HIP1R</b>	0.13	5.01E-01	0.19	3.32E-01
<b>IFITM9P</b>	-0.27	1.57E-01	-0.19	3.32E-01
<b>IGF2R</b>	-0.07	7.14E-01	0.19	3.32E-01
<b>LINC01235</b>	-0.21	2.87E-01	0.19	3.32E-01
<b>MMRN1</b>	0.07	7.14E-01	0.19	3.32E-01
<b>NT5CP1</b>	-0.17	3.87E-01	-0.19	3.32E-01
<b>OTUD5</b>	0.03	8.93E-01	0.19	3.32E-01
<b>OTX1</b>	0.07	7.36E-01	-0.19	3.32E-01
<b>PEX7</b>	-0.03	8.92E-01	-0.19	3.32E-01
<b>RASSF3</b>	0.10	5.96E-01	0.19	3.32E-01
<b>RNA5SP385</b>	0.22	2.65E-01	-0.19	3.32E-01
<b>RNU6-344P</b>	0.02	9.04E-01	0.19	3.32E-01
<b>RP11-169K17.2</b>	0.15	4.34E-01	0.19	3.32E-01
<b>RP11-384M15.3</b>	0.19	3.36E-01	-0.19	3.32E-01
<b>RP11-59H7.1</b>	0.29	1.31E-01	-0.19	3.32E-01
<b>RP11-728K20.2</b>	-0.10	5.97E-01	-0.19	3.32E-01
<b>RPL23AP86</b>	0.18	3.55E-01	0.19	3.32E-01
<b>RSPRY1</b>	0.22	2.56E-01	0.19	3.32E-01
<b>SLC7A13</b>	0.06	7.75E-01	0.19	3.32E-01
<b>SNX19</b>	0.05	7.99E-01	0.19	3.32E-01
<b>TMEM106B</b>	0.00	9.94E-01	-0.19	3.32E-01
<b>UTP23</b>	0.17	3.74E-01	-0.19	3.32E-01
<b>XLOC_008667</b>	-0.03	8.74E-01	0.19	3.32E-01
<b>ZDHHC12</b>	0.02	9.02E-01	0.19	3.32E-01
<b>AC073046.25</b>	0.10	6.27E-01	-0.19	3.33E-01
<b>AC108218.1</b>	-0.43	2.13E-02	0.19	3.33E-01
<b>C3orf80</b>	-0.09	6.34E-01	0.19	3.33E-01
<b>COX20</b>	0.05	7.97E-01	-0.19	3.33E-01
<b>DAGLB</b>	-0.12	5.41E-01	0.19	3.33E-01
<b>DIXDC1</b>	-0.40	3.29E-02	-0.19	3.33E-01
<b>DOCK10</b>	0.10	5.95E-01	0.19	3.33E-01
<b>FAM132B</b>	0.00	9.98E-01	-0.19	3.33E-01
<b>FAM189A1</b>	0.20	2.96E-01	-0.19	3.33E-01
<b>G36466</b>	0.25	1.97E-01	-0.19	3.33E-01
<b>GPR137C</b>	-0.01	9.66E-01	-0.19	3.33E-01
<b>GRIN2A</b>	0.10	6.10E-01	-0.19	3.33E-01
<b>HCG18</b>	0.01	9.60E-01	-0.19	3.33E-01
<b>LACE1</b>	-0.14	4.66E-01	0.19	3.33E-01
<b>MED15</b>	0.05	7.96E-01	0.19	3.33E-01
<b>NPR3</b>	-0.07	7.18E-01	-0.19	3.33E-01
<b>NYNRIN</b>	-0.04	8.38E-01	-0.19	3.33E-01
<b>PKMP3</b>	-0.15	4.42E-01	-0.19	3.33E-01
<b>PRSS30P</b>	0.01	9.66E-01	-0.19	3.33E-01
<b>SCAMP4</b>	0.26	1.75E-01	0.19	3.33E-01

SLC22A13	0.39	3.91E-02	0.19	3.33E-01
TNFRSF13C	-0.03	8.78E-01	0.19	3.33E-01
UTY	0.35	6.61E-02	0.19	3.33E-01
ZNF431	-0.23	2.45E-01	-0.19	3.33E-01
CSF1R	0.19	3.29E-01	0.19	3.34E-01
DDR1	0.18	3.57E-01	0.19	3.34E-01
G27754	-0.02	9.25E-01	0.19	3.34E-01
IER2	0.30	1.19E-01	0.19	3.34E-01
KDM2A	0.09	6.48E-01	0.19	3.34E-01
NRL	0.14	4.79E-01	0.19	3.34E-01
P3H1	-0.08	6.76E-01	0.19	3.34E-01
PMF1	0.07	7.37E-01	0.19	3.34E-01
RP11-356I18.1	0.15	4.45E-01	0.19	3.34E-01
SORD2P	-0.02	9.21E-01	0.19	3.34E-01
TREM2	0.19	3.22E-01	0.19	3.34E-01
ZFPL1	-0.13	5.10E-01	0.19	3.34E-01
AP000255.6	-0.02	9.08E-01	-0.19	3.34E-01
DPYSL2	-0.15	4.38E-01	-0.19	3.34E-01
GRTP1-AS1	0.17	3.90E-01	-0.19	3.34E-01
KCNQ4	-0.11	5.76E-01	-0.19	3.34E-01
MIR576	0.04	8.33E-01	-0.19	3.34E-01
RP1-149A16.17	-0.01	9.64E-01	-0.19	3.34E-01
RP11-546D6.3	-0.14	4.88E-01	-0.19	3.34E-01
RP11-703M24.5	0.00	9.89E-01	-0.19	3.34E-01
RP11-713N11.6	-0.32	9.93E-02	-0.19	3.34E-01
TDRD3	-0.13	5.12E-01	-0.19	3.34E-01
ZMPSTE24	0.13	4.95E-01	-0.19	3.34E-01
AP5B1	0.28	1.52E-01	0.19	3.35E-01
BZRAP1	-0.02	9.17E-01	-0.19	3.35E-01
CDC37L1	0.13	4.94E-01	-0.19	3.35E-01
CPB1	-0.07	7.38E-01	0.19	3.35E-01
CTD-2396E7.11	-0.21	2.76E-01	-0.19	3.35E-01
G26124	-0.12	5.53E-01	0.19	3.35E-01
GPX1	0.14	4.75E-01	0.19	3.35E-01
KLHL4	-0.04	8.48E-01	-0.19	3.35E-01
KRT18P61	0.04	8.52E-01	0.19	3.35E-01
LINC01158	-0.07	7.15E-01	0.19	3.35E-01
NEK11	-0.35	6.64E-02	0.19	3.35E-01
PLCH1	-0.20	2.98E-01	-0.19	3.35E-01
RP1-309F20.3	-0.19	3.31E-01	-0.19	3.35E-01
RP11-102M11.2	0.25	2.04E-01	-0.19	3.35E-01
RP11-1124B17.1	-0.27	1.66E-01	-0.19	3.35E-01
RP11-173A16.1	-0.23	2.35E-01	-0.19	3.35E-01
RP11-180P8.4	0.20	3.12E-01	-0.19	3.35E-01
RP11-211G3.2	-0.03	8.76E-01	0.19	3.35E-01
RP11-336A10.4	-0.25	1.97E-01	0.19	3.35E-01
RP11-474B12.1	-0.03	8.92E-01	0.19	3.35E-01

SCAND1	0.24	2.24E-01	0.19	3.35E-01
SDC1	0.02	9.00E-01	-0.19	3.35E-01
SIRT6	0.26	1.76E-01	0.19	3.35E-01
SNX29P1	-0.42	2.68E-02	-0.19	3.35E-01
XLOC_002545	0.35	7.15E-02	-0.19	3.35E-01
ZFP69	0.23	2.38E-01	0.19	3.35E-01
AC005775.2	-0.18	3.69E-01	-0.19	3.35E-01
AC008171.1	0.09	6.47E-01	0.19	3.35E-01
CD248	-0.28	1.46E-01	0.19	3.35E-01
ELF2	-0.27	1.72E-01	-0.19	3.35E-01
EMC9	-0.01	9.70E-01	0.19	3.35E-01
EPHA10	0.00	9.98E-01	0.19	3.35E-01
HP	0.00	9.99E-01	-0.19	3.35E-01
HPD	0.35	6.48E-02	0.19	3.35E-01
HSD17B11	-0.05	8.19E-01	0.19	3.35E-01
IGFL3	-0.02	9.35E-01	-0.19	3.35E-01
KATNBL1P3	-0.05	7.84E-01	-0.19	3.35E-01
KCTD11	-0.13	5.15E-01	0.19	3.35E-01
LIMA1	0.31	1.05E-01	0.19	3.35E-01
NCAPGP1	-0.17	3.82E-01	-0.19	3.35E-01
PELO	-0.01	9.77E-01	-0.19	3.35E-01
PIK3R6	0.07	7.18E-01	-0.19	3.35E-01
RNF138	0.18	3.62E-01	-0.19	3.35E-01
RNU1-100P	-0.20	3.07E-01	-0.19	3.35E-01
RP11-182J1.12	-0.06	7.64E-01	0.19	3.35E-01
RP11-316K19.3	-0.11	5.73E-01	-0.19	3.35E-01
RP11-58H15.3	-0.40	3.45E-02	-0.19	3.35E-01
RP11-775B15.2	-0.31	1.14E-01	-0.19	3.35E-01
RP11-90B9.2	0.11	5.93E-01	-0.19	3.35E-01
XLOC_005479	-0.31	1.11E-01	-0.19	3.35E-01
XLOC_010945	0.08	6.73E-01	0.19	3.35E-01
AC005152.3	0.06	7.49E-01	-0.19	3.36E-01
CHKB-AS1	-0.05	8.07E-01	0.19	3.36E-01
GPC2	-0.23	2.48E-01	-0.19	3.36E-01
HTATSF1	0.06	7.59E-01	-0.19	3.36E-01
LYPD6B	-0.44	1.82E-02	-0.19	3.36E-01
MLXIPL	-0.26	1.88E-01	-0.19	3.36E-01
NBPF11	-0.12	5.37E-01	-0.19	3.36E-01
NCF2	0.19	3.35E-01	0.19	3.36E-01
NDUFA8	0.02	9.04E-01	0.19	3.36E-01
PACSIN2	-0.17	3.74E-01	-0.19	3.36E-01
RNU6-198P	0.10	6.11E-01	-0.19	3.36E-01
RP11-497H16.4	-0.06	7.81E-01	-0.19	3.36E-01
SH2B3	0.10	6.11E-01	0.19	3.36E-01
SLC15A4	0.32	9.78E-02	0.19	3.36E-01
TRIM31-AS1	-0.18	3.62E-01	-0.19	3.36E-01
TRO	-0.21	2.92E-01	-0.19	3.36E-01

<b>TROVE2</b>	0.08	6.94E-01	-0.19	3.36E-01
<b>AC091729.8</b>	-0.05	8.13E-01	-0.19	3.37E-01
<b>AC093642.3</b>	0.23	2.45E-01	-0.19	3.37E-01
<b>CENPK</b>	0.02	9.12E-01	-0.19	3.37E-01
<b>DUSP12</b>	-0.01	9.57E-01	-0.19	3.37E-01
<b>GLUD1</b>	-0.13	5.04E-01	-0.19	3.37E-01
<b>MIR4292</b>	-0.02	9.22E-01	-0.19	3.37E-01
<b>OSBPL1A</b>	-0.18	3.64E-01	-0.19	3.37E-01
<b>RAB32</b>	-0.02	9.37E-01	-0.19	3.37E-01
<b>RBMXP4</b>	-0.11	5.64E-01	-0.19	3.37E-01
<b>CCR1</b>	0.10	6.03E-01	0.19	3.37E-01
<b>MIR3619</b>	-0.03	8.94E-01	0.19	3.37E-01
<b>OCIAD1-AS1</b>	-0.31	1.04E-01	0.19	3.37E-01
<b>RP11-328J14.1</b>	0.37	5.27E-02	0.19	3.37E-01
<b>SUCNR1</b>	0.19	3.43E-01	0.19	3.37E-01
<b>SUV420H1</b>	0.09	6.45E-01	0.19	3.37E-01
<b>ALPL</b>	0.08	7.02E-01	0.19	3.38E-01
<b>C9orf153</b>	-0.09	6.54E-01	-0.19	3.38E-01
<b>CFAP69</b>	-0.40	3.67E-02	-0.19	3.38E-01
<b>DEFB4A</b>	0.17	3.83E-01	0.19	3.38E-01
<b>GDNF-AS1</b>	-0.14	4.81E-01	-0.19	3.38E-01
<b>KRT14</b>	-0.06	7.45E-01	0.19	3.38E-01
<b>LPGAT1</b>	0.02	9.24E-01	-0.19	3.38E-01
<b>PIGT</b>	-0.13	5.07E-01	0.19	3.38E-01
<b>PIP5K1P1</b>	-0.09	6.50E-01	-0.19	3.38E-01
<b>RNU6-748P</b>	-0.37	5.35E-02	0.19	3.38E-01
<b>RP11-394I13.2</b>	-0.04	8.57E-01	-0.19	3.38E-01
<b>RP11-394O2.3</b>	0.08	6.86E-01	0.19	3.38E-01
<b>RP11-677I18.3</b>	0.25	1.93E-01	-0.19	3.38E-01
<b>RP11-723O4.2</b>	0.12	5.33E-01	0.19	3.38E-01
<b>RP11-795F19.5</b>	0.42	2.73E-02	-0.19	3.38E-01
<b>TCEAL3-AS1</b>	-0.08	6.72E-01	-0.19	3.38E-01
<b>ZNF75A</b>	0.10	6.31E-01	-0.19	3.38E-01
<b>ADAM12</b>	0.13	5.04E-01	0.19	3.39E-01
<b>ADAMTS15</b>	-0.10	5.96E-01	0.19	3.39E-01
<b>AF064858.10</b>	-0.12	5.55E-01	-0.19	3.39E-01
<b>COLEC11</b>	-0.09	6.48E-01	0.19	3.39E-01
<b>DCAF7</b>	0.08	6.78E-01	0.19	3.39E-01
<b>DKFZP434L187</b>	-0.27	1.59E-01	0.19	3.39E-01
<b>DOCK6</b>	0.03	8.65E-01	0.19	3.39E-01
<b>ENO3</b>	-0.20	3.20E-01	-0.19	3.39E-01
<b>FAM3C2</b>	-0.12	5.33E-01	-0.19	3.39E-01
<b>GAP43</b>	-0.48	9.75E-03	-0.19	3.39E-01
<b>HIATL2</b>	-0.22	2.51E-01	-0.19	3.39E-01
<b>HSD3BP5</b>	0.04	8.48E-01	0.19	3.39E-01
<b>LRRC25</b>	0.01	9.65E-01	0.19	3.39E-01
<b>NAA10</b>	0.21	2.81E-01	0.19	3.39E-01

NAIF1	0.07	7.16E-01	0.19	3.39E-01
PRSS50	0.27	1.70E-01	-0.19	3.39E-01
RP1-224A6.9	0.09	6.65E-01	-0.19	3.39E-01
RP11-138I17.1	-0.02	9.00E-01	-0.19	3.39E-01
RP11-158M2.4	0.33	8.87E-02	0.19	3.39E-01
RP11-234B24.2	-0.02	9.12E-01	0.19	3.39E-01
RP11-404P21.5	0.02	9.06E-01	-0.19	3.39E-01
RP11-467J12.4	-0.36	6.35E-02	-0.19	3.39E-01
RRAGB	-0.19	3.41E-01	-0.19	3.39E-01
SLC41A2	0.35	6.98E-02	-0.19	3.39E-01
SNRPGP4	0.06	7.72E-01	-0.19	3.39E-01
SPRR2G	0.11	5.62E-01	0.19	3.39E-01
VNN1	0.39	4.03E-02	0.19	3.39E-01
Z83851.4	0.31	1.05E-01	0.19	3.39E-01
ZNF678	0.04	8.45E-01	-0.19	3.39E-01
AC018892.9	0.19	3.30E-01	-0.19	3.39E-01
AC090625.1	0.01	9.59E-01	-0.19	3.39E-01
AC117395.1	0.02	9.11E-01	0.19	3.39E-01
ADCK3	-0.09	6.32E-01	-0.19	3.39E-01
AL365202.1	0.02	9.32E-01	-0.19	3.39E-01
COX18	0.31	1.07E-01	0.19	3.39E-01
HLA-DRB5	0.00	9.99E-01	0.19	3.39E-01
ILF3	0.08	6.80E-01	0.19	3.39E-01
LHFPL3-AS2	-0.30	1.16E-01	-0.19	3.39E-01
LINC00896	0.02	9.29E-01	-0.19	3.39E-01
MIR652	-0.08	6.70E-01	-0.19	3.39E-01
RAB19	-0.05	7.95E-01	-0.19	3.39E-01
RP11-274B21.9	0.26	1.74E-01	-0.19	3.39E-01
RP11-407N17.5	0.49	7.91E-03	0.19	3.39E-01
RP11-672L10.6	-0.22	2.64E-01	-0.19	3.39E-01
RPL17P11	-0.05	8.18E-01	-0.19	3.39E-01
SCARNA6	-0.30	1.15E-01	0.19	3.39E-01
SHTN1	-0.13	5.05E-01	-0.19	3.39E-01
SKIL	0.26	1.83E-01	0.19	3.39E-01
SLC45A1	-0.12	5.54E-01	0.19	3.39E-01
TMC5	0.37	5.14E-02	0.19	3.39E-01
TRGC2	0.20	2.96E-01	-0.19	3.39E-01
TUBBP1	-0.15	4.44E-01	-0.19	3.39E-01
ZMYND12	-0.16	4.08E-01	0.19	3.39E-01
G2196	-0.15	4.31E-01	0.19	3.40E-01
G35951	-0.34	8.08E-02	0.19	3.40E-01
RP11-124N2.1	0.24	2.18E-01	0.19	3.40E-01
RP11-359K18.4	-0.04	8.21E-01	0.19	3.40E-01
RP11-830F9.7	0.35	6.57E-02	0.19	3.40E-01
TNPO1P2	0.13	5.10E-01	0.19	3.40E-01
AC093788.1	0.20	2.97E-01	-0.19	3.40E-01
AC108676.1	0.04	8.56E-01	-0.19	3.40E-01

AVL9	0.38	4.64E-02	-0.19	3.40E-01
C20orf202	0.10	6.27E-01	-0.19	3.40E-01
DTWD2	0.27	1.57E-01	-0.19	3.40E-01
ERV3-1	0.35	6.66E-02	-0.19	3.40E-01
G2899	-0.13	5.08E-01	-0.19	3.40E-01
ILF2P1	0.17	4.00E-01	-0.19	3.40E-01
LTK	0.06	7.57E-01	-0.19	3.40E-01
MIS18BP1	0.09	6.67E-01	-0.19	3.40E-01
PNMT	-0.02	9.33E-01	-0.19	3.40E-01
RP11-272L14.2	-0.39	3.92E-02	-0.19	3.40E-01
RP11-428F8.2	0.10	6.00E-01	-0.19	3.40E-01
SS18L1	0.05	7.89E-01	-0.19	3.40E-01
UGT1A6	-0.16	4.09E-01	-0.19	3.40E-01
USP46	0.26	1.90E-01	-0.19	3.40E-01
AC013410.1	0.03	8.81E-01	-0.19	3.41E-01
AL121893.1	-0.29	1.41E-01	0.19	3.41E-01
AP3D1	0.26	1.90E-01	0.19	3.41E-01
CORO6	-0.17	3.73E-01	0.19	3.41E-01
ELF3	0.08	6.85E-01	0.19	3.41E-01
G26828	-0.16	4.30E-01	0.19	3.41E-01
HIST1H4PS1	0.25	2.08E-01	-0.19	3.41E-01
MAP3K19	-0.29	1.33E-01	-0.19	3.41E-01
MDN1	-0.20	3.18E-01	-0.19	3.41E-01
MIR647	0.11	5.81E-01	0.19	3.41E-01
NDUFS2	0.22	2.68E-01	0.19	3.41E-01
NUDT22	0.08	6.99E-01	0.19	3.41E-01
RBM5	-0.25	1.92E-01	0.19	3.41E-01
RBM7	0.19	3.34E-01	0.19	3.41E-01
RP1-122P22.2	-0.11	5.75E-01	0.19	3.41E-01
RP11-428O18.6	0.08	6.80E-01	-0.19	3.41E-01
RP11-504P24.3	-0.05	8.07E-01	-0.19	3.41E-01
RP11-61L23.2	0.22	2.50E-01	0.19	3.41E-01
RP11-66N24.7	-0.33	8.45E-02	-0.19	3.41E-01
RPIA	-0.17	3.87E-01	0.19	3.41E-01
RPS15AP1	-0.39	3.82E-02	-0.19	3.41E-01
SCO1	0.27	1.65E-01	-0.19	3.41E-01
SDCCAG3	0.17	3.97E-01	0.19	3.41E-01
TNF	0.23	2.48E-01	0.19	3.41E-01
AC009229.5	-0.11	5.76E-01	-0.19	3.42E-01
APBA2	-0.27	1.68E-01	-0.19	3.42E-01
ATG16L1	-0.28	1.47E-01	-0.19	3.42E-01
B4GALT1	0.30	1.15E-01	0.19	3.42E-01
C10orf113	-0.08	6.89E-01	-0.19	3.42E-01
CA14	-0.42	2.42E-02	-0.19	3.42E-01
KIAA1919	0.10	6.21E-01	0.19	3.42E-01
LINC00243	0.20	2.97E-01	-0.19	3.42E-01
MIR570	0.17	3.97E-01	-0.19	3.42E-01

NAB1	-0.10	6.03E-01	-0.19	3.42E-01
NARFL	0.19	3.22E-01	0.19	3.42E-01
RAPGEF4-AS1	0.03	8.66E-01	-0.19	3.42E-01
RN7SL328P	-0.09	6.50E-01	-0.19	3.42E-01
RNU4-48P	-0.06	7.68E-01	-0.19	3.42E-01
RNU6-213P	0.07	7.24E-01	0.19	3.42E-01
SLC25A26	-0.05	7.83E-01	0.19	3.42E-01
SPATA18	-0.09	6.41E-01	-0.19	3.42E-01
STRBP	-0.20	3.11E-01	-0.19	3.42E-01
ZNF638	-0.25	1.94E-01	-0.19	3.42E-01
ZNF75BP	-0.22	2.62E-01	-0.19	3.42E-01
AC006126.3	-0.13	5.13E-01	0.19	3.43E-01
AL050316.1	-0.10	6.10E-01	-0.19	3.43E-01
ATP11B	0.20	3.20E-01	0.19	3.43E-01
BORA	-0.18	3.47E-01	0.19	3.43E-01
C19orf67	0.16	4.27E-01	0.19	3.43E-01
CITED4	0.16	4.24E-01	0.19	3.43E-01
FNBP1L	0.00	9.94E-01	-0.19	3.43E-01
GNRH1	-0.13	4.93E-01	-0.19	3.43E-01
GSTM3P2	0.11	5.78E-01	0.19	3.43E-01
HCG14	0.01	9.79E-01	-0.19	3.43E-01
HHIP	-0.32	9.93E-02	-0.19	3.43E-01
IGF1	0.08	6.84E-01	0.19	3.43E-01
KB-1836B5.1	0.18	3.50E-01	-0.19	3.43E-01
KLKP1	0.11	5.66E-01	-0.19	3.43E-01
PDPK2P	-0.01	9.44E-01	0.19	3.43E-01
PLSCR4	0.11	5.66E-01	0.19	3.43E-01
PRPF18	-0.10	6.09E-01	-0.19	3.43E-01
RNU2-22P	0.15	4.48E-01	-0.19	3.43E-01
RNU6-1231P	-0.05	8.19E-01	0.19	3.43E-01
RP11-295G24.5	-0.08	6.90E-01	0.19	3.43E-01
RP11-303E16.2	0.22	2.59E-01	-0.19	3.43E-01
RP11-333A23.4	0.14	4.79E-01	-0.19	3.43E-01
RP11-592P9.3	-0.28	1.46E-01	0.19	3.43E-01
RP11-676J12.4	-0.04	8.53E-01	-0.19	3.43E-01
RP4-604K5.3	0.01	9.67E-01	0.19	3.43E-01
SCGB2B2	0.25	1.91E-01	-0.19	3.43E-01
SENP7	-0.25	2.01E-01	-0.19	3.43E-01
SLFN12	0.18	3.52E-01	0.19	3.43E-01
SPRR4	0.12	5.49E-01	-0.19	3.43E-01
TSKU	0.14	4.67E-01	0.19	3.43E-01
XLOC_000647	0.34	7.74E-02	0.19	3.43E-01
AC015987.1	0.15	4.39E-01	-0.19	3.43E-01
ADAM8	0.24	2.24E-01	0.19	3.43E-01
AQP7P1	-0.09	6.56E-01	-0.19	3.43E-01
BCL6	0.20	3.15E-01	0.19	3.43E-01
CCNYL1	-0.03	8.80E-01	0.19	3.43E-01



CEP120	0.12	5.47E-01	-0.19	3.43E-01
CTD-2184D3.5	-0.11	5.85E-01	-0.19	3.43E-01
GADD45B	-0.10	5.99E-01	0.19	3.43E-01
GNAL	-0.44	2.04E-02	-0.19	3.43E-01
LINC01144	0.38	4.83E-02	0.19	3.43E-01
LINC01305	0.04	8.26E-01	0.19	3.43E-01
MIR580	-0.16	4.26E-01	-0.19	3.43E-01
NEK4P1	0.06	7.55E-01	0.19	3.43E-01
POSTN	-0.36	5.64E-02	0.19	3.43E-01
RN7SL684P	-0.13	5.25E-01	-0.19	3.43E-01
RP1-102K2.9	-0.16	4.26E-01	0.19	3.43E-01
RP11-165D6.1	-0.20	3.03E-01	-0.19	3.43E-01
RP11-174G6.1	-0.30	1.21E-01	-0.19	3.43E-01
RP11-389C8.2	0.21	2.95E-01	0.19	3.43E-01
RP11-656D10.6	0.10	6.02E-01	0.19	3.43E-01
RPL35AP31	-0.14	4.76E-01	0.19	3.43E-01
RPS4XP6	0.14	4.92E-01	-0.19	3.43E-01
SLC44A2	0.03	8.67E-01	0.19	3.43E-01
ZNF860	0.07	7.27E-01	0.19	3.43E-01
CASC15	-0.43	2.14E-02	-0.19	3.44E-01
CDKN2AIP	0.04	8.46E-01	0.19	3.44E-01
CTC-232P5.4	0.29	1.36E-01	-0.19	3.44E-01
DPP10-AS1	-0.11	5.91E-01	-0.19	3.44E-01
DVL3	0.06	7.64E-01	0.19	3.44E-01
GTSF1	0.20	3.01E-01	-0.19	3.44E-01
HIRIP3	-0.03	8.67E-01	0.19	3.44E-01
HSPB9	-0.18	3.52E-01	0.19	3.44E-01
IGBP1P3	-0.15	4.47E-01	-0.19	3.44E-01
ING4	-0.05	8.14E-01	0.19	3.44E-01
MARK1	0.13	4.93E-01	0.19	3.44E-01
MIR1284	-0.18	3.52E-01	-0.19	3.44E-01
MIR4664	0.05	8.14E-01	0.19	3.44E-01
NFAM1	0.18	3.65E-01	0.19	3.44E-01
NPM1P25	0.08	6.85E-01	0.19	3.44E-01
PRR13P5	-0.14	4.73E-01	0.19	3.44E-01
RAB26	-0.07	7.18E-01	-0.19	3.44E-01
RN7SL331P	-0.58	1.10E-03	-0.19	3.44E-01
RNU6-1294P	0.00	9.86E-01	-0.19	3.44E-01
RP11-121A14.3	0.31	1.12E-01	0.19	3.44E-01
RP11-697H9.5	0.12	5.42E-01	-0.19	3.44E-01
RP11-876N24.3	-0.08	6.81E-01	0.19	3.44E-01
RP5-915N17.11	0.10	6.01E-01	-0.19	3.44E-01
SLC25A46	0.04	8.58E-01	-0.19	3.44E-01
TMSB4XP4	-0.17	3.76E-01	-0.19	3.44E-01
TUBB2B	-0.23	2.44E-01	-0.19	3.44E-01
XLOC_004203	0.15	4.48E-01	-0.19	3.44E-01
AC007386.4	-0.42	2.76E-02	-0.19	3.45E-01

AL355794.1	0.01	9.47E-01	-0.19	3.45E-01
CTD-2194D22.4	0.23	2.40E-01	-0.19	3.45E-01
DNAH10	-0.09	6.41E-01	-0.19	3.45E-01
EFCAB11	0.03	8.69E-01	-0.19	3.45E-01
HNRNPA1P71	-0.29	1.41E-01	-0.19	3.45E-01
RN7SL350P	0.19	3.36E-01	-0.19	3.45E-01
RNF150	-0.36	6.22E-02	-0.19	3.45E-01
RP1-300G12.2	0.00	9.82E-01	-0.19	3.45E-01
RP11-167N5.5	-0.14	4.88E-01	-0.19	3.45E-01
RP11-331F9.3	0.02	9.13E-01	-0.19	3.45E-01
RP11-76C10.4	0.10	6.29E-01	-0.19	3.45E-01
RP4-714D9.5	0.17	3.78E-01	-0.19	3.45E-01
AC112229.1	-0.03	8.92E-01	0.19	3.45E-01
CD2	0.19	3.20E-01	0.19	3.45E-01
CDH1	0.14	4.66E-01	0.19	3.45E-01
ERVMER34-1	0.18	3.52E-01	0.19	3.45E-01
ITPRIP	0.15	4.33E-01	0.19	3.45E-01
LDHC	0.07	7.35E-01	0.19	3.45E-01
PITPNB	0.05	7.97E-01	0.19	3.45E-01
PRND	0.11	5.61E-01	0.19	3.45E-01
RN7SL648P	0.06	7.55E-01	0.19	3.45E-01
RP11-650L12.2	0.07	7.16E-01	0.19	3.45E-01
RPL23AP65	0.14	4.62E-01	0.19	3.45E-01
WDR38	0.17	3.93E-01	0.19	3.45E-01
AC066692.3	-0.14	4.65E-01	0.19	3.46E-01
AP1AR	0.11	5.68E-01	-0.19	3.46E-01
CIZ1	0.06	7.75E-01	0.19	3.46E-01
CREBBP	-0.06	7.80E-01	0.19	3.46E-01
CRY1	-0.03	8.87E-01	-0.19	3.46E-01
CYP3A7	-0.03	8.78E-01	0.19	3.46E-01
CYTH4	0.00	9.96E-01	0.19	3.46E-01
DIRC2	0.34	7.82E-02	0.19	3.46E-01
FAM86EP	0.23	2.49E-01	-0.19	3.46E-01
GDF15	-0.05	8.00E-01	0.19	3.46E-01
HNRNPD	-0.07	7.14E-01	-0.19	3.46E-01
KIF20A	0.10	6.27E-01	0.19	3.46E-01
MADCAM1	-0.36	6.05E-02	-0.19	3.46E-01
NAB2	-0.01	9.53E-01	-0.19	3.46E-01
PCMTD1	-0.11	5.73E-01	-0.19	3.46E-01
PDE7A	0.13	4.96E-01	0.19	3.46E-01
PIK3AP1	0.11	5.71E-01	0.19	3.46E-01
PREX2	-0.52	4.75E-03	-0.19	3.46E-01
PSPC1P1	0.41	3.01E-02	0.19	3.46E-01
RHOBTB2	-0.19	3.30E-01	-0.19	3.46E-01
RNU6-945P	-0.17	4.00E-01	0.19	3.46E-01
RP1-80N2.3	0.22	2.59E-01	0.19	3.46E-01
RP11-1012A1.10	-0.07	7.28E-01	-0.19	3.46E-01

RP11-200A1.1	0.11	5.71E-01	0.19	3.46E-01
RP11-552F3.12	-0.01	9.43E-01	0.19	3.46E-01
RP11-57A19.2	0.11	5.66E-01	0.19	3.46E-01
RP11-62C3.8	-0.32	1.02E-01	-0.19	3.46E-01
RP11-845M18.6	-0.36	6.15E-02	0.19	3.46E-01
SNCA	-0.30	1.23E-01	-0.19	3.46E-01
TMEM129	0.25	1.98E-01	0.19	3.46E-01
TMEM185B	0.30	1.19E-01	0.19	3.46E-01
ZNF630-AS1	-0.19	3.25E-01	0.19	3.46E-01
AC073343.13	-0.24	2.10E-01	-0.19	3.47E-01
CTD-3051D23.1	-0.25	1.91E-01	-0.19	3.47E-01
GNAI1	0.00	9.88E-01	-0.19	3.47E-01
LSM6	0.18	3.66E-01	-0.19	3.47E-01
NDN	-0.01	9.48E-01	-0.19	3.47E-01
RP11-324L17.1	-0.10	6.06E-01	-0.19	3.47E-01
RP11-90J7.3	0.24	2.16E-01	-0.19	3.47E-01
UTP18	0.17	3.93E-01	-0.19	3.47E-01
AC007312.3	-0.13	5.18E-01	0.19	3.47E-01
APEX1	0.09	6.38E-01	0.19	3.47E-01
CD209	0.11	5.61E-01	0.19	3.47E-01
CTC-507E2.2	-0.15	4.57E-01	0.19	3.47E-01
DOCK11	0.15	4.33E-01	0.19	3.47E-01
FAAP100	0.18	3.66E-01	0.19	3.47E-01
G42800	-0.09	6.53E-01	0.19	3.47E-01
HDAC1	0.42	2.74E-02	0.19	3.47E-01
HEG1	-0.20	3.04E-01	0.19	3.47E-01
HHIPL2	-0.07	7.15E-01	0.19	3.47E-01
JAK3	0.10	6.17E-01	0.19	3.47E-01
PRKCSH	0.14	4.79E-01	0.19	3.47E-01
RP11-145A3.1	-0.17	3.91E-01	0.19	3.47E-01
RP11-255E6.5	-0.33	8.16E-02	0.19	3.47E-01
RP11-339N8.1	0.08	6.74E-01	0.19	3.47E-01
RP11-7F17.7	0.07	7.35E-01	0.19	3.47E-01
TC2N	0.64	2.58E-04	0.19	3.47E-01
AC006028.11	-0.35	6.48E-02	0.19	3.47E-01
AL591069.1	0.10	5.98E-01	-0.19	3.47E-01
ALG1L13P	-0.06	7.51E-01	-0.19	3.47E-01
AP006621.9	-0.22	2.51E-01	-0.19	3.47E-01
CKMT1A	-0.11	5.60E-01	0.19	3.47E-01
COMMD7	0.09	6.60E-01	0.19	3.47E-01
FMO9P	0.16	4.08E-01	0.19	3.47E-01
HOXB3	-0.03	8.82E-01	0.19	3.47E-01
KRT38	0.15	4.54E-01	0.19	3.47E-01
LINC-PINT	-0.46	1.46E-02	-0.19	3.47E-01
MYCBP2-AS2	0.17	3.77E-01	-0.19	3.47E-01
MYNN	-0.24	2.27E-01	-0.19	3.47E-01
NKAIN4	-0.12	5.28E-01	-0.19	3.47E-01

PHKA1	0.02	9.02E-01	0.19	3.47E-01
PLEK	0.09	6.39E-01	0.19	3.47E-01
RP11-111F5.2	-0.10	6.22E-01	0.19	3.47E-01
RP11-320N21.2	0.19	3.24E-01	0.19	3.47E-01
RP11-490E15.2	-0.12	5.32E-01	-0.19	3.47E-01
RP11-575F12.3	0.12	5.45E-01	-0.19	3.47E-01
SCARNA13	0.10	6.14E-01	0.19	3.47E-01
SNORD88A	0.08	6.71E-01	0.19	3.47E-01
TAF4B	-0.02	9.15E-01	-0.19	3.47E-01
U73166.2	-0.27	1.68E-01	-0.19	3.47E-01
UBA52P5	0.14	4.81E-01	0.19	3.47E-01
WASF3-AS1	0.06	7.51E-01	-0.19	3.47E-01
ZNF143	0.07	7.20E-01	0.19	3.47E-01
CTD-2192J16.21	0.09	6.58E-01	0.19	3.48E-01
DLX2	-0.01	9.67E-01	0.19	3.48E-01
EIF2AK3	0.15	4.38E-01	-0.19	3.48E-01
FKBP1AP2	0.08	6.82E-01	-0.19	3.48E-01
GRIFIN	0.04	8.40E-01	-0.19	3.48E-01
HAGHL	-0.33	8.29E-02	-0.19	3.48E-01
HELLPAR	-0.05	8.05E-01	-0.19	3.48E-01
HUNK	-0.28	1.50E-01	-0.19	3.48E-01
LINC00894	-0.13	5.03E-01	-0.19	3.48E-01
MEF2C-AS1	-0.22	2.52E-01	-0.19	3.48E-01
RENBP	-0.10	6.02E-01	0.19	3.48E-01
RP1-265C24.5	0.15	4.57E-01	0.19	3.48E-01
RP11-176H8.1	-0.14	4.66E-01	-0.19	3.48E-01
RP11-325L12.5	0.23	2.38E-01	-0.19	3.48E-01
RP11-448A19.1	-0.05	7.93E-01	-0.19	3.48E-01
RP4-665N4.8	0.10	6.02E-01	-0.19	3.48E-01
SNHG5	-0.06	7.77E-01	0.19	3.48E-01
STK33	0.19	3.46E-01	-0.19	3.48E-01
TTLL9	-0.07	7.38E-01	-0.19	3.48E-01
XLOC_001242	-0.03	8.67E-01	-0.19	3.48E-01
XLOC_007276	0.11	5.94E-01	-0.19	3.48E-01
YBEY	-0.04	8.52E-01	0.19	3.48E-01
ZFP69B	0.08	6.87E-01	0.19	3.48E-01
AC004980.7	-0.01	9.49E-01	-0.19	3.49E-01
AP3M2	-0.12	5.41E-01	-0.19	3.49E-01
CKAP2L	-0.03	8.97E-01	0.19	3.49E-01
CTD-3224K15.3	0.29	1.36E-01	0.19	3.49E-01
DYNC2H1	-0.20	3.05E-01	-0.19	3.49E-01
GLB1L2	-0.14	4.86E-01	0.19	3.49E-01
H1FO	0.01	9.42E-01	0.19	3.49E-01
HENMT1	-0.04	8.33E-01	0.19	3.49E-01
HIAT1	0.13	5.25E-01	-0.19	3.49E-01
MANEAL	-0.20	2.98E-01	0.19	3.49E-01
MIR4451	-0.09	6.55E-01	-0.19	3.49E-01

<b>NBR1</b>	-0.13	5.01E-01	0.19	3.49E-01
<b>NKX3-1</b>	0.41	3.13E-02	-0.19	3.49E-01
<b>POLR3DP1</b>	0.09	6.44E-01	-0.19	3.49E-01
<b>PRX</b>	0.10	5.97E-01	0.19	3.49E-01
<b>RP11-108K3.5</b>	-0.31	1.06E-01	0.19	3.49E-01
<b>RP11-287J9.1</b>	-0.29	1.36E-01	0.19	3.49E-01
<b>RP11-332O19.2</b>	-0.13	4.93E-01	-0.19	3.49E-01
<b>RP11-424M21.1</b>	-0.29	1.28E-01	0.19	3.49E-01
<b>RP11-603B24.1</b>	0.18	3.64E-01	0.19	3.49E-01
<b>RP11-757O6.6</b>	-0.38	4.39E-02	-0.19	3.49E-01
<b>RP11-796A5.3</b>	-0.34	7.37E-02	-0.19	3.49E-01
<b>RPL3P4</b>	-0.18	3.56E-01	0.19	3.49E-01
<b>VCPKMT</b>	0.07	7.38E-01	-0.19	3.49E-01
<b>WFDC12</b>	0.09	6.61E-01	0.19	3.49E-01
<b>ZNF660</b>	0.06	7.77E-01	-0.19	3.49E-01
<b>AC005363.11</b>	-0.45	1.57E-02	-0.19	3.50E-01
<b>ATP2A1</b>	-0.22	2.55E-01	-0.19	3.50E-01
<b>COL6A1</b>	-0.10	6.04E-01	0.19	3.50E-01
<b>CTB-58E17.5</b>	-0.09	6.39E-01	0.19	3.50E-01
<b>DNAJC30</b>	0.21	2.87E-01	0.19	3.50E-01
<b>DRAP1</b>	-0.05	7.98E-01	-0.19	3.50E-01
<b>FOXN2</b>	0.12	5.58E-01	-0.19	3.50E-01
<b>HTRA2</b>	0.19	3.41E-01	0.19	3.50E-01
<b>KB-1410C5.1</b>	-0.05	7.91E-01	-0.19	3.50E-01
<b>MIR4520A</b>	-0.32	1.01E-01	-0.19	3.50E-01
<b>NCOR2</b>	-0.11	5.86E-01	0.19	3.50E-01
<b>PGM5P4</b>	0.02	9.26E-01	-0.19	3.50E-01
<b>PIP4K2B</b>	0.20	3.00E-01	0.19	3.50E-01
<b>PLA2G4E</b>	0.21	2.83E-01	0.19	3.50E-01
<b>RN7SL181P</b>	-0.10	6.00E-01	-0.19	3.50E-01
<b>RNF40</b>	0.24	2.11E-01	0.19	3.50E-01
<b>RNU6-1157P</b>	-0.15	4.34E-01	0.19	3.50E-01
<b>RNU6-216P</b>	0.07	7.38E-01	-0.19	3.50E-01
<b>RP11-123C21.3</b>	0.29	1.34E-01	0.19	3.50E-01
<b>RP11-468E2.10</b>	0.05	7.87E-01	-0.19	3.50E-01
<b>RP11-701H24.3</b>	0.10	6.21E-01	-0.19	3.50E-01
<b>TIPIN</b>	0.15	4.39E-01	-0.19	3.50E-01
<b>ZNF410</b>	0.23	2.40E-01	-0.19	3.50E-01
<b>FGGY</b>	0.16	4.24E-01	-0.19	3.51E-01
<b>FUBP1</b>	0.05	8.08E-01	-0.19	3.51E-01
<b>LINC01468</b>	-0.08	6.97E-01	-0.19	3.51E-01
<b>MIR558</b>	-0.15	4.36E-01	-0.19	3.51E-01
<b>MOCS2</b>	0.19	3.45E-01	-0.19	3.51E-01
<b>PHACTR2</b>	0.03	8.88E-01	-0.19	3.51E-01
<b>PSCA</b>	0.02	9.24E-01	-0.19	3.51E-01
<b>RANBP2</b>	0.02	9.32E-01	-0.19	3.51E-01
<b>RAPGEF6</b>	-0.01	9.57E-01	-0.19	3.51E-01

<b>RP11-354P11.3</b>	0.19	3.41E-01	-0.19	3.51E-01
<b>RP11-403I13.4</b>	-0.14	4.91E-01	-0.19	3.51E-01
<b>ZNF578</b>	-0.35	6.94E-02	-0.19	3.51E-01
<b>AP000962.1</b>	-0.13	5.09E-01	0.19	3.51E-01
<b>AP001056.1</b>	0.06	7.70E-01	0.19	3.51E-01
<b>CDIPT</b>	0.00	9.86E-01	0.19	3.51E-01
<b>GSTA8P</b>	0.00	9.92E-01	0.19	3.51E-01
<b>RAC3</b>	-0.06	7.50E-01	0.19	3.51E-01
<b>RP11-477G18.2</b>	0.00	9.99E-01	0.19	3.51E-01
<b>TNFSF8</b>	-0.09	6.53E-01	0.19	3.51E-01
<b>USP43</b>	0.25	2.03E-01	0.19	3.51E-01
<b>WWP2</b>	0.08	6.92E-01	0.19	3.51E-01
<b>AC091132.1</b>	-0.08	6.91E-01	0.19	3.51E-01
<b>AC128709.3</b>	0.09	6.40E-01	0.19	3.51E-01
<b>AP001062.7</b>	-0.19	3.32E-01	-0.19	3.51E-01
<b>BAHD1</b>	0.11	5.92E-01	0.19	3.51E-01
<b>DNAJC16</b>	0.13	4.97E-01	0.19	3.51E-01
<b>EIF4BP6</b>	-0.08	6.75E-01	-0.19	3.51E-01
<b>FAAP24</b>	0.16	4.12E-01	0.19	3.51E-01
<b>LMF2</b>	0.06	7.45E-01	0.19	3.51E-01
<b>MTPAP</b>	0.08	6.77E-01	-0.19	3.51E-01
<b>NPPA-AS1</b>	-0.19	3.31E-01	-0.19	3.51E-01
<b>OPN3</b>	-0.20	2.97E-01	-0.19	3.51E-01
<b>P2RX7</b>	-0.13	5.00E-01	-0.19	3.51E-01
<b>RBBP8P1</b>	0.19	3.24E-01	0.19	3.51E-01
<b>RP1-59D14.5</b>	0.00	1.00E+00	-0.19	3.51E-01
<b>RP11-10C8.2</b>	-0.01	9.75E-01	-0.19	3.51E-01
<b>RP11-304F15.4</b>	0.08	6.90E-01	-0.19	3.51E-01
<b>RPL28</b>	0.11	5.81E-01	0.19	3.51E-01
<b>SLC25A17</b>	-0.01	9.42E-01	-0.19	3.51E-01
<b>SNORD38</b>	-0.09	6.35E-01	0.19	3.51E-01
<b>ST13P15</b>	0.16	4.13E-01	-0.19	3.51E-01
<b>TNFRSF9</b>	0.36	5.64E-02	0.19	3.51E-01
<b>USB1</b>	0.13	5.10E-01	0.19	3.51E-01
<b>XLOC_007629</b>	-0.14	4.86E-01	-0.19	3.51E-01
<b>XLOC_009475</b>	0.20	3.03E-01	0.19	3.51E-01
<b>XLOC_012002</b>	-0.03	8.76E-01	-0.19	3.51E-01
<b>ZNF365</b>	0.11	5.82E-01	0.19	3.51E-01
<b>ARHGAP26-AS1</b>	-0.11	5.86E-01	-0.19	3.52E-01
<b>C1GALT1P1</b>	-0.23	2.32E-01	-0.19	3.52E-01
<b>C20orf195</b>	0.20	3.00E-01	0.19	3.52E-01
<b>CAPN7</b>	-0.17	3.83E-01	-0.19	3.52E-01
<b>COX7A2P1</b>	0.19	3.31E-01	0.19	3.52E-01
<b>CTD-2024I7.18</b>	0.33	9.01E-02	0.19	3.52E-01
<b>FRMPD4</b>	-0.01	9.46E-01	0.19	3.52E-01
<b>GHRLOS</b>	0.12	5.47E-01	-0.19	3.52E-01
<b>LSM14B</b>	-0.01	9.51E-01	0.19	3.52E-01

MEPCE	0.41	2.92E-02	0.19	3.52E-01
MUC4	0.20	3.14E-01	-0.19	3.52E-01
NDFIP2	0.00	9.80E-01	-0.19	3.52E-01
NIPSNAP3A	-0.09	6.39E-01	-0.19	3.52E-01
RAB25	0.33	9.12E-02	0.19	3.52E-01
RPL21P132	-0.07	7.27E-01	-0.19	3.52E-01
RPL23AP82	-0.34	7.77E-02	-0.19	3.52E-01
SETP21	0.08	6.98E-01	0.19	3.52E-01
SLC36A2	-0.21	2.82E-01	-0.19	3.52E-01
TMIGD2	0.08	6.80E-01	-0.19	3.52E-01
TRAPPC2	-0.24	2.15E-01	-0.19	3.52E-01
XLOC_007096	0.47	1.09E-02	0.19	3.52E-01
ARRDC3	-0.01	9.43E-01	0.19	3.53E-01
CCHCR1	0.01	9.66E-01	0.19	3.53E-01
CTD-2154B17.2	0.21	2.94E-01	0.19	3.53E-01
EMC6	0.23	2.33E-01	0.19	3.53E-01
NINJ2	0.19	3.40E-01	0.19	3.53E-01
POMT2	-0.17	3.82E-01	0.19	3.53E-01
RNU4-59P	0.10	6.04E-01	-0.19	3.53E-01
RP11-138P22.1	0.15	4.36E-01	-0.19	3.53E-01
RP13-225O21.5	0.19	3.22E-01	-0.19	3.53E-01
RP5-1085F17.3	0.03	8.83E-01	-0.19	3.53E-01
SHB	0.20	2.98E-01	0.19	3.53E-01
UMODL1	0.03	8.86E-01	0.19	3.53E-01
ZNF185	0.11	5.67E-01	-0.19	3.53E-01
BATF3	-0.12	5.36E-01	0.19	3.54E-01
BDKRB2	0.02	9.25E-01	0.19	3.54E-01
BHLHB9	-0.21	2.80E-01	0.19	3.54E-01
CCDC8	-0.20	3.06E-01	0.19	3.54E-01
GALNT7	-0.17	4.01E-01	0.19	3.54E-01
OGFOD2	-0.02	9.17E-01	0.19	3.54E-01
PRRX2-AS1	-0.11	5.85E-01	0.19	3.54E-01
PTP4A3	0.16	4.19E-01	0.19	3.54E-01
RELB	0.09	6.34E-01	0.19	3.54E-01
RP11-478C1.7	0.06	7.73E-01	0.19	3.54E-01
SLC25A1	0.25	1.95E-01	0.19	3.54E-01
TMPRSS11A	0.26	1.87E-01	0.19	3.54E-01
ZNF703	-0.20	3.18E-01	0.19	3.54E-01
C11orf63	-0.04	8.57E-01	-0.19	3.54E-01
C1orf53	-0.15	4.42E-01	-0.19	3.54E-01
CHKA	-0.30	1.17E-01	-0.19	3.54E-01
ESM1	0.17	3.96E-01	-0.19	3.54E-01
G41882	-0.22	2.67E-01	-0.19	3.54E-01
HSP90AA2P	-0.27	1.71E-01	-0.19	3.54E-01
MRPS9	-0.06	7.69E-01	-0.19	3.54E-01
PROC	-0.25	2.08E-01	-0.19	3.54E-01
PSMA3-AS1	-0.28	1.46E-01	-0.19	3.54E-01

<b>RN7SL805P</b>	0.15	4.36E-01	-0.19	3.54E-01
<b>RP11-133N21.10</b>	-0.33	8.21E-02	-0.19	3.54E-01
<b>RP11-412D9.4</b>	0.31	1.13E-01	-0.19	3.54E-01
<b>RP11-640L9.1</b>	0.19	3.26E-01	-0.19	3.54E-01
<b>RP5-1165K10.2</b>	-0.16	4.26E-01	-0.19	3.54E-01
<b>TBX3</b>	-0.16	4.26E-01	-0.19	3.54E-01
<b>ZNF100</b>	-0.02	9.08E-01	-0.19	3.54E-01
<b>ZNF451</b>	0.21	2.73E-01	-0.19	3.54E-01
<b>AC004538.3</b>	-0.04	8.50E-01	0.19	3.55E-01
<b>AC006947.1</b>	-0.09	6.66E-01	0.19	3.55E-01
<b>ANKDD1B</b>	-0.28	1.54E-01	-0.19	3.55E-01
<b>ATHL1</b>	-0.03	8.82E-01	-0.19	3.55E-01
<b>CERS2</b>	0.05	8.07E-01	0.19	3.55E-01
<b>CRIP2</b>	-0.27	1.70E-01	-0.19	3.55E-01
<b>CTB-152G17.6</b>	0.05	8.02E-01	-0.19	3.55E-01
<b>CYP4A22-AS1</b>	-0.08	6.89E-01	0.19	3.55E-01
<b>G34552</b>	-0.22	2.66E-01	0.19	3.55E-01
<b>GPR146</b>	-0.53	3.87E-03	0.19	3.55E-01
<b>HHIPL1</b>	0.17	3.81E-01	0.19	3.55E-01
<b>LAG3</b>	0.02	9.18E-01	0.19	3.55E-01
<b>LMCD1</b>	-0.34	7.39E-02	-0.19	3.55E-01
<b>MBD6</b>	-0.14	4.73E-01	0.19	3.55E-01
<b>MESDC1</b>	0.39	4.28E-02	0.19	3.55E-01
<b>NUDT16</b>	0.02	9.10E-01	0.19	3.55E-01
<b>PSMG4</b>	-0.12	5.37E-01	-0.19	3.55E-01
<b>RGS13</b>	-0.14	4.66E-01	-0.19	3.55E-01
<b>RNU7-18P</b>	0.13	5.26E-01	-0.19	3.55E-01
<b>RP11-131K5.2</b>	-0.26	1.77E-01	0.19	3.55E-01
<b>RP11-478C6.5</b>	-0.13	5.18E-01	-0.19	3.55E-01
<b>RP11-521B24.4</b>	0.14	4.91E-01	0.19	3.55E-01
<b>RP11-799D4.4</b>	0.17	3.93E-01	0.19	3.55E-01
<b>SLC35B2</b>	0.21	2.84E-01	0.19	3.55E-01
<b>SNORA47</b>	0.02	9.32E-01	0.19	3.55E-01
<b>TMEM52</b>	-0.08	7.03E-01	-0.19	3.55E-01
<b>TPCN1</b>	-0.09	6.58E-01	0.19	3.55E-01
<b>TRAPPC6B</b>	0.50	6.68E-03	0.19	3.55E-01
<b>ARMS2</b>	-0.08	6.68E-01	0.19	3.55E-01
<b>C16orf59</b>	0.03	8.63E-01	0.19	3.55E-01
<b>C18orf65</b>	0.28	1.51E-01	0.19	3.55E-01
<b>COQ4</b>	0.26	1.77E-01	0.19	3.55E-01
<b>DCX</b>	-0.38	4.64E-02	-0.19	3.55E-01
<b>DOCK3</b>	-0.02	9.10E-01	-0.19	3.55E-01
<b>FAM195B</b>	-0.01	9.63E-01	0.19	3.55E-01
<b>G22304</b>	0.01	9.59E-01	-0.19	3.55E-01
<b>GFPT1</b>	-0.05	8.19E-01	-0.19	3.55E-01
<b>GGT8P</b>	-0.01	9.66E-01	-0.19	3.55E-01
<b>GPR85</b>	-0.11	5.74E-01	-0.19	3.55E-01



LONP2	0.11	5.66E-01	-0.19	3.55E-01
LRTM1	0.45	1.70E-02	0.19	3.55E-01
MIR3936	-0.01	9.59E-01	-0.19	3.55E-01
MTND1P3	-0.11	5.71E-01	-0.19	3.55E-01
PLCB2	-0.12	5.29E-01	0.19	3.55E-01
PLOD1	0.01	9.50E-01	0.19	3.55E-01
PPP1R26-AS1	-0.11	5.77E-01	0.19	3.55E-01
RCSD1	0.03	8.61E-01	0.19	3.55E-01
RNA5SP227	0.12	5.59E-01	0.19	3.55E-01
RP11-158I9.8	-0.04	8.29E-01	-0.19	3.55E-01
RP11-170K4.2	-0.11	5.60E-01	-0.19	3.55E-01
RP11-258F22.2	-0.14	4.72E-01	-0.19	3.55E-01
RP11-290D2.5	-0.27	1.72E-01	0.19	3.55E-01
RP11-307L14.1	0.12	5.37E-01	-0.19	3.55E-01
RP11-760L24.1	-0.27	1.59E-01	0.19	3.55E-01
RP11-970I2.6	-0.21	2.87E-01	-0.19	3.55E-01
RP5-903G2.2	-0.02	9.16E-01	0.19	3.55E-01
TICRR	-0.01	9.72E-01	0.19	3.55E-01
ZBTB12	0.31	1.11E-01	0.19	3.55E-01
ACACA	-0.04	8.24E-01	0.18	3.56E-01
ARNTL2	0.20	3.14E-01	0.18	3.56E-01
ASB4	0.16	4.16E-01	0.18	3.56E-01
COG1	-0.33	8.70E-02	0.18	3.56E-01
ELP3	0.24	2.26E-01	0.18	3.56E-01
HLA-DPB1	0.09	6.52E-01	0.18	3.56E-01
IQGAP2	0.31	1.10E-01	0.18	3.56E-01
RP11-5P18.1	-0.24	2.19E-01	0.18	3.56E-01
TCEB2	0.09	6.61E-01	0.18	3.56E-01
AC104772.1	-0.14	4.87E-01	-0.18	3.56E-01
AGXT	-0.14	4.72E-01	-0.18	3.56E-01
ANKRD33B	-0.41	3.19E-02	-0.18	3.56E-01
CTC-303L1.1	-0.09	6.52E-01	-0.18	3.56E-01
CYP2B7P	0.02	9.00E-01	-0.18	3.56E-01
FRG1BP	0.13	5.00E-01	-0.18	3.56E-01
LINC01356	-0.14	4.65E-01	-0.18	3.56E-01
RNU6-1267P	-0.21	2.83E-01	-0.18	3.56E-01
RP11-127B20.3	0.13	5.17E-01	-0.18	3.56E-01
RP11-131K5.1	0.24	2.20E-01	-0.18	3.56E-01
RP11-173G21.1	-0.34	8.10E-02	-0.18	3.56E-01
RP11-669C19.1	0.13	4.95E-01	-0.18	3.56E-01
RP11-96H17.1	-0.24	2.22E-01	-0.18	3.56E-01
RPS20	0.24	2.11E-01	-0.18	3.56E-01
RPS7	0.13	5.06E-01	-0.18	3.56E-01
SENP3	0.02	9.05E-01	-0.18	3.56E-01
TESK1	-0.20	3.11E-01	-0.18	3.56E-01
XLOC_006578	-0.24	2.25E-01	-0.18	3.56E-01
AC090696.2	-0.01	9.46E-01	-0.18	3.57E-01

AC096772.6	-0.19	3.21E-01	-0.18	3.57E-01
CTD-2124B8.2	0.13	5.09E-01	-0.18	3.57E-01
CTD-2199O4.6	-0.03	8.92E-01	-0.18	3.57E-01
DBF4	0.02	9.26E-01	-0.18	3.57E-01
DBP	-0.19	3.26E-01	-0.18	3.57E-01
G33445	0.34	8.05E-02	-0.18	3.57E-01
GSTO2	-0.28	1.55E-01	-0.18	3.57E-01
LINC01354	-0.02	9.34E-01	-0.18	3.57E-01
MTRR	0.27	1.57E-01	-0.18	3.57E-01
NUP153	0.15	4.57E-01	-0.18	3.57E-01
PMPCB	-0.11	5.71E-01	-0.18	3.57E-01
RP11-15F12.3	-0.08	6.96E-01	-0.18	3.57E-01
RP11-634H22.1	0.09	6.58E-01	-0.18	3.57E-01
RP11-69L16.5	-0.15	4.41E-01	-0.18	3.57E-01
RP11-95P13.1	-0.24	2.12E-01	-0.18	3.57E-01
RP3-495K2.2	-0.14	4.72E-01	-0.18	3.57E-01
TET2-AS1	-0.19	3.43E-01	-0.18	3.57E-01
AC005522.7	0.05	8.05E-01	0.18	3.57E-01
ALKBH4	0.21	2.75E-01	0.18	3.57E-01
BET1L	0.15	4.44E-01	0.18	3.57E-01
CDK10	0.02	9.11E-01	0.18	3.57E-01
CTD-3252C9.2	0.19	3.24E-01	0.18	3.57E-01
FAM131B	0.11	5.61E-01	0.18	3.57E-01
IQSEC3	-0.23	2.49E-01	0.18	3.57E-01
ITGA2B	-0.37	5.27E-02	0.18	3.57E-01
MAPK3	0.07	7.39E-01	0.18	3.57E-01
NDEL1	0.00	9.89E-01	0.18	3.57E-01
PACS2	0.30	1.25E-01	0.18	3.57E-01
PLEKHF1	-0.12	5.47E-01	0.18	3.57E-01
RP11-1396O13.1	0.03	8.64E-01	0.18	3.57E-01
SLC1A3	0.42	2.77E-02	0.18	3.57E-01
ALDH6A1	0.12	5.57E-01	-0.18	3.58E-01
CCDC158	-0.02	9.32E-01	-0.18	3.58E-01
CSNK2A2	-0.04	8.33E-01	0.18	3.58E-01
CTC-329D1.2	-0.17	3.87E-01	-0.18	3.58E-01
EBF3	-0.25	2.06E-01	0.18	3.58E-01
FAM220A	-0.02	9.27E-01	0.18	3.58E-01
FZD7	-0.16	4.03E-01	-0.18	3.58E-01
HNRNPC	0.20	3.14E-01	-0.18	3.58E-01
MT-ATP6	0.19	3.44E-01	0.18	3.58E-01
NANOG	0.04	8.26E-01	-0.18	3.58E-01
OR7E28P	0.15	4.31E-01	0.18	3.58E-01
P2RY13	0.09	6.35E-01	-0.18	3.58E-01
PCK1	0.35	7.17E-02	0.18	3.58E-01
POU2AF1	0.40	3.60E-02	0.18	3.58E-01
RAD9B	0.00	1.00E+00	-0.18	3.58E-01
RALGPS2	0.24	2.18E-01	0.18	3.58E-01

<b>RNF180</b>	-0.11	5.68E-01	-0.18	3.58E-01
<b>ROCK2</b>	-0.07	7.33E-01	-0.18	3.58E-01
<b>RP1-315G1.1</b>	0.11	5.80E-01	0.18	3.58E-01
<b>RP11-710C12.1</b>	-0.15	4.61E-01	-0.18	3.58E-01
<b>RP11-737O24.2</b>	0.03	8.91E-01	0.18	3.58E-01
<b>SCAF4</b>	-0.01	9.47E-01	0.18	3.58E-01
<b>SIGLEC6</b>	0.01	9.77E-01	0.18	3.58E-01
<b>AC002044.1</b>	-0.16	4.27E-01	0.18	3.59E-01
<b>C12orf56</b>	0.24	2.13E-01	0.18	3.59E-01
<b>CFAP52</b>	0.49	8.07E-03	0.18	3.59E-01
<b>CHEK2</b>	0.07	7.36E-01	0.18	3.59E-01
<b>DAP3P1</b>	-0.37	5.42E-02	-0.18	3.59E-01
<b>FAM229A</b>	-0.28	1.51E-01	-0.18	3.59E-01
<b>FNBP1P1</b>	-0.10	6.23E-01	0.18	3.59E-01
<b>G25497</b>	0.07	7.31E-01	-0.18	3.59E-01
<b>G26059</b>	-0.04	8.49E-01	-0.18	3.59E-01
<b>G5552</b>	0.08	6.99E-01	0.18	3.59E-01
<b>GMCL1</b>	0.25	2.04E-01	0.18	3.59E-01
<b>HOXA11</b>	-0.07	7.21E-01	0.18	3.59E-01
<b>LRRC3</b>	0.23	2.35E-01	0.18	3.59E-01
<b>MIR624</b>	-0.30	1.25E-01	-0.18	3.59E-01
<b>NHLH1</b>	0.18	3.49E-01	-0.18	3.59E-01
<b>PHF20</b>	0.06	7.78E-01	0.18	3.59E-01
<b>PLB1</b>	0.13	5.17E-01	0.18	3.59E-01
<b>RN7SL812P</b>	-0.10	5.96E-01	0.18	3.59E-01
<b>RP1-74B13.2</b>	-0.22	2.52E-01	-0.18	3.59E-01
<b>RP11-1252I4.2</b>	0.16	4.16E-01	0.18	3.59E-01
<b>RP11-139H15.7</b>	-0.03	8.92E-01	-0.18	3.59E-01
<b>RP11-39E3.3</b>	-0.06	7.64E-01	-0.18	3.59E-01
<b>RP11-613C6.2</b>	-0.06	7.63E-01	-0.18	3.59E-01
<b>RP4-651E10.4</b>	-0.10	6.29E-01	-0.18	3.59E-01
<b>RSPH10B</b>	0.03	8.92E-01	-0.18	3.59E-01
<b>SYT17</b>	0.00	9.94E-01	0.18	3.59E-01
<b>THAP7-AS1</b>	0.21	2.87E-01	0.18	3.59E-01
<b>TOR1B</b>	0.18	3.60E-01	0.18	3.59E-01
<b>VN1R107P</b>	-0.08	7.04E-01	-0.18	3.59E-01
<b>VWA5A</b>	-0.04	8.37E-01	0.18	3.59E-01
<b>ZNF462</b>	0.01	9.64E-01	0.18	3.59E-01
<b>ZNF83</b>	-0.04	8.51E-01	-0.18	3.59E-01
<b>ABHD17C</b>	0.15	4.47E-01	0.18	3.59E-01
<b>AC010884.1</b>	-0.09	6.43E-01	-0.18	3.59E-01
<b>AIFM1</b>	0.25	1.93E-01	0.18	3.59E-01
<b>ANOS1</b>	0.09	6.32E-01	0.18	3.59E-01
<b>CTD-2215E18.1</b>	-0.20	3.09E-01	-0.18	3.59E-01
<b>DNER</b>	-0.12	5.41E-01	0.18	3.59E-01
<b>G15458</b>	-0.14	4.80E-01	-0.18	3.59E-01
<b>G36419</b>	-0.06	7.66E-01	-0.18	3.59E-01

HABP2	0.36	6.15E-02	0.18	3.59E-01
HIST1H4K	-0.10	6.19E-01	0.18	3.59E-01
HNRNPA3P6	0.11	5.81E-01	0.18	3.59E-01
KCNS1	0.02	9.35E-01	0.18	3.59E-01
LSM5	0.09	6.43E-01	-0.18	3.59E-01
MRPS18B	0.04	8.44E-01	0.18	3.59E-01
MYC	0.38	4.46E-02	0.18	3.59E-01
PTRHD1	-0.01	9.59E-01	0.18	3.59E-01
RP11-10K16.1	-0.23	2.29E-01	-0.18	3.59E-01
RP11-205A8.4	-0.01	9.77E-01	-0.18	3.59E-01
RP11-355F16.1	-0.08	6.73E-01	-0.18	3.59E-01
RP11-568J23.4	-0.12	5.29E-01	-0.18	3.59E-01
RP11-946P6.6	0.02	9.15E-01	-0.18	3.59E-01
RP4-677H15.4	-0.07	7.30E-01	-0.18	3.59E-01
SCGB3A1	-0.04	8.27E-01	0.18	3.59E-01
STK11IP	-0.07	7.07E-01	0.18	3.59E-01
TNFSF4	-0.40	3.51E-02	0.18	3.59E-01
TTLL12	0.08	6.88E-01	0.18	3.59E-01
UBB	0.07	7.14E-01	0.18	3.59E-01
VTCN1	-0.11	5.61E-01	-0.18	3.59E-01
YY1	-0.11	5.62E-01	-0.18	3.59E-01
ZNF300P1	0.13	5.22E-01	-0.18	3.59E-01
C11orf58	0.11	5.74E-01	-0.18	3.60E-01
CSNK2A1	0.17	3.99E-01	-0.18	3.60E-01
CST6	-0.04	8.52E-01	-0.18	3.60E-01
CTD-2336O2.3	0.18	3.65E-01	-0.18	3.60E-01
FAF1	0.10	6.28E-01	-0.18	3.60E-01
FGF22	-0.15	4.55E-01	-0.18	3.60E-01
G11043	-0.29	1.28E-01	-0.18	3.60E-01
G25511	0.20	3.02E-01	-0.18	3.60E-01
HIVEP2	-0.01	9.63E-01	-0.18	3.60E-01
HNRNPCP6	-0.01	9.74E-01	-0.18	3.60E-01
HS3ST3B1	0.23	2.32E-01	0.18	3.60E-01
LCAT	0.06	7.53E-01	0.18	3.60E-01
LSM3	-0.11	5.90E-01	-0.18	3.60E-01
PROCR	0.20	2.97E-01	0.18	3.60E-01
PTPN2P2	-0.16	4.07E-01	-0.18	3.60E-01
RP11-115D19.4	-0.33	9.04E-02	-0.18	3.60E-01
RP11-1252D15.1	-0.13	5.01E-01	0.18	3.60E-01
RP11-195E2.1	-0.35	6.70E-02	0.18	3.60E-01
RP11-332M2.1	0.04	8.57E-01	0.18	3.60E-01
RP11-525A16.4	-0.19	3.34E-01	0.18	3.60E-01
RP3-465N24.6	-0.37	5.20E-02	-0.18	3.60E-01
RP5-1033H22.2	-0.38	4.78E-02	-0.18	3.60E-01
SBF1	0.14	4.74E-01	0.18	3.60E-01
SH3BGRL	0.19	3.43E-01	0.18	3.60E-01
SNORA70G	-0.04	8.44E-01	0.18	3.60E-01

SPATA6L	0.18	3.53E-01	-0.18	3.60E-01
SUMO1P3	0.01	9.65E-01	0.18	3.60E-01
SUMO2P8	-0.03	8.85E-01	-0.18	3.60E-01
TBC1D25	0.15	4.54E-01	0.18	3.60E-01
TMEM179B	0.13	5.10E-01	0.18	3.60E-01
USP32P3	0.13	5.09E-01	-0.18	3.60E-01
ZNF506	-0.14	4.72E-01	-0.18	3.60E-01
AC007279.2	-0.20	2.97E-01	0.18	3.61E-01
AF186192.5	0.32	9.62E-02	0.18	3.61E-01
CD207	0.11	5.62E-01	-0.18	3.61E-01
CTB-49A3.4	-0.34	7.61E-02	0.18	3.61E-01
CTC-550B14.6	-0.11	5.66E-01	-0.18	3.61E-01
CTD-2516F10.4	0.05	7.91E-01	0.18	3.61E-01
EGR4	0.11	5.64E-01	0.18	3.61E-01
GS1-590J6.3	-0.06	7.71E-01	-0.18	3.61E-01
HM13	0.38	4.92E-02	0.18	3.61E-01
MTND5P15	0.00	9.94E-01	-0.18	3.61E-01
PDXK	0.13	5.26E-01	0.18	3.61E-01
RP11-37C7.3	0.11	5.61E-01	-0.18	3.61E-01
RP11-395C3.1	0.19	3.45E-01	-0.18	3.61E-01
RP11-403A21.3	-0.16	4.24E-01	-0.18	3.61E-01
RP11-417L19.2	0.16	4.24E-01	-0.18	3.61E-01
RP3-508I15.10	0.05	8.03E-01	-0.18	3.61E-01
TMEM8B	-0.24	2.14E-01	-0.18	3.61E-01
TTC21B-AS1	-0.03	8.81E-01	-0.18	3.61E-01
AC006019.4	0.05	7.83E-01	-0.18	3.62E-01
CRHR1-IT1	-0.05	8.18E-01	-0.18	3.62E-01
CTD-2600H12.2	-0.29	1.36E-01	-0.18	3.62E-01
FBXW8	-0.15	4.59E-01	0.18	3.62E-01
G10989	0.02	9.04E-01	0.18	3.62E-01
HRH1	-0.09	6.40E-01	0.18	3.62E-01
IFT88	-0.29	1.28E-01	-0.18	3.62E-01
KRT73-AS1	-0.33	8.64E-02	-0.18	3.62E-01
MIR1273C	0.07	7.31E-01	0.18	3.62E-01
NUDT14	0.21	2.82E-01	0.18	3.62E-01
PBLD	-0.03	8.62E-01	0.18	3.62E-01
PMM2	0.24	2.11E-01	0.18	3.62E-01
RP11-1055B8.4	-0.30	1.16E-01	-0.18	3.62E-01
RP11-274B21.1	-0.01	9.49E-01	-0.18	3.62E-01
RP11-354M20.3	0.14	4.72E-01	-0.18	3.62E-01
RP11-367N14.3	-0.08	6.88E-01	-0.18	3.62E-01
RP11-466F5.8	0.20	3.17E-01	-0.18	3.62E-01
RP11-54A4.2	-0.14	4.86E-01	0.18	3.62E-01
SLED1	0.03	8.69E-01	0.18	3.62E-01
TP53	0.09	6.53E-01	0.18	3.62E-01
USP17L2	0.07	7.30E-01	-0.18	3.62E-01
XPNPEP3	-0.07	7.16E-01	0.18	3.62E-01

<b>AC073130.3</b>	0.23	2.48E-01	0.18	3.63E-01
<b>AC106053.1</b>	-0.17	3.87E-01	0.18	3.63E-01
<b>C17orf80</b>	0.13	5.15E-01	0.18	3.63E-01
<b>CHMP4B</b>	0.06	7.79E-01	0.18	3.63E-01
<b>FAM109B</b>	0.23	2.37E-01	0.18	3.63E-01
<b>GBP4</b>	0.26	1.87E-01	0.18	3.63E-01
<b>MICALL1</b>	0.40	3.66E-02	0.18	3.63E-01
<b>MIR3153</b>	-0.14	4.67E-01	0.18	3.63E-01
<b>PPP2R5D</b>	-0.07	7.41E-01	0.18	3.63E-01
<b>RP11-291B21.2</b>	0.25	2.08E-01	0.18	3.63E-01
<b>RP4-758J18.13</b>	0.09	6.48E-01	0.18	3.63E-01
<b>RP5-1065J22.8</b>	0.50	6.89E-03	0.18	3.63E-01
<b>SLFN11</b>	-0.14	4.70E-01	0.18	3.63E-01
<b>SNORD3B-2</b>	0.02	9.09E-01	0.18	3.63E-01
<b>SYNE4</b>	0.12	5.57E-01	0.18	3.63E-01
<b>AC007392.3</b>	0.01	9.56E-01	-0.18	3.63E-01
<b>ANKRD1</b>	0.03	8.82E-01	-0.18	3.63E-01
<b>C1orf146</b>	0.03	8.85E-01	-0.18	3.63E-01
<b>CARD19</b>	-0.03	8.90E-01	-0.18	3.63E-01
<b>G23532</b>	-0.03	8.95E-01	-0.18	3.63E-01
<b>HMG1</b>	0.00	9.86E-01	-0.18	3.63E-01
<b>MIR3128</b>	-0.06	7.78E-01	-0.18	3.63E-01
<b>MIR920</b>	-0.22	2.58E-01	-0.18	3.63E-01
<b>MYO15B</b>	-0.10	6.30E-01	-0.18	3.63E-01
<b>PNLIPRP3</b>	0.52	4.99E-03	-0.18	3.63E-01
<b>PTGFR</b>	-0.22	2.52E-01	-0.18	3.63E-01
<b>TMED8</b>	0.30	1.23E-01	-0.18	3.63E-01
<b>UBE2G2</b>	-0.23	2.36E-01	-0.18	3.63E-01
<b>ZNF764</b>	-0.18	3.69E-01	-0.18	3.63E-01
<b>AC010642.2</b>	0.11	5.68E-01	-0.18	3.63E-01
<b>CTD-2540L5.9</b>	-0.23	2.48E-01	-0.18	3.63E-01
<b>G26553</b>	-0.04	8.39E-01	-0.18	3.63E-01
<b>LINC01621</b>	-0.17	3.86E-01	-0.18	3.63E-01
<b>MIR4637</b>	0.13	5.10E-01	-0.18	3.63E-01
<b>MROH2A</b>	0.07	7.42E-01	-0.18	3.63E-01
<b>MSI2</b>	0.28	1.43E-01	-0.18	3.63E-01
<b>NMU</b>	-0.19	3.28E-01	-0.18	3.63E-01
<b>RNU6-786P</b>	0.08	6.83E-01	-0.18	3.63E-01
<b>RP11-108P20.2</b>	-0.35	6.84E-02	-0.18	3.63E-01
<b>RP11-574K11.29</b>	-0.04	8.53E-01	-0.18	3.63E-01
<b>RP11-649A18.4</b>	0.12	5.48E-01	-0.18	3.63E-01
<b>RP11-925D8.3</b>	-0.08	6.68E-01	-0.18	3.63E-01
<b>SEPHS1P1</b>	-0.49	7.71E-03	-0.18	3.63E-01
<b>XLOC_011550</b>	-0.02	9.20E-01	-0.18	3.63E-01
<b>AC141928.1</b>	-0.17	3.79E-01	0.18	3.63E-01
<b>ADRA1D</b>	0.05	8.13E-01	0.18	3.63E-01
<b>IL20</b>	0.13	5.06E-01	0.18	3.63E-01

<b>RNU6-769P</b>	-0.07	7.21E-01	0.18	3.63E-01
<b>RP11-77P16.4</b>	0.14	4.80E-01	0.18	3.63E-01
<b>SRP68</b>	0.20	3.02E-01	0.18	3.63E-01
<b>STAT3</b>	0.22	2.62E-01	0.18	3.63E-01
<b>TAF3</b>	-0.38	4.51E-02	0.18	3.63E-01
<b>AC138969.4</b>	-0.04	8.44E-01	-0.18	3.64E-01
<b>ALS2CL</b>	-0.24	2.28E-01	-0.18	3.64E-01
<b>ARMC8</b>	0.07	7.24E-01	-0.18	3.64E-01
<b>C12orf43</b>	0.16	4.21E-01	0.18	3.64E-01
<b>C14orf119</b>	0.10	6.07E-01	0.18	3.64E-01
<b>CFAP70</b>	0.01	9.45E-01	-0.18	3.64E-01
<b>CTD-2017C7.1</b>	-0.25	2.02E-01	-0.18	3.64E-01
<b>DTD2</b>	0.12	5.28E-01	0.18	3.64E-01
<b>FAM83A-AS1</b>	0.32	9.18E-02	0.18	3.64E-01
<b>FBXL7</b>	-0.31	1.14E-01	-0.18	3.64E-01
<b>FCGR2A</b>	0.16	4.06E-01	0.18	3.64E-01
<b>FLT1</b>	0.05	7.99E-01	-0.18	3.64E-01
<b>FNDC4</b>	-0.03	8.82E-01	-0.18	3.64E-01
<b>GLTSCR1L</b>	-0.09	6.61E-01	0.18	3.64E-01
<b>HSPA4L</b>	0.11	5.88E-01	-0.18	3.64E-01
<b>ISLR</b>	-0.35	6.48E-02	0.18	3.64E-01
<b>KRT10</b>	-0.01	9.47E-01	0.18	3.64E-01
<b>MIR548AA1</b>	-0.13	5.07E-01	-0.18	3.64E-01
<b>RP11-142M10.2</b>	0.23	2.43E-01	-0.18	3.64E-01
<b>RP11-315I20.1</b>	-0.30	1.24E-01	0.18	3.64E-01
<b>RP5-1074L1.1</b>	-0.11	5.62E-01	0.18	3.64E-01
<b>SAMM50</b>	0.15	4.45E-01	0.18	3.64E-01
<b>SOCS4</b>	0.17	3.80E-01	-0.18	3.64E-01
<b>TARBP2</b>	0.10	6.02E-01	0.18	3.64E-01
<b>TNFRSF14</b>	-0.07	7.21E-01	0.18	3.64E-01
<b>WAC-AS1</b>	0.38	4.90E-02	0.18	3.64E-01
<b>XLOC_006132</b>	0.14	4.66E-01	0.18	3.64E-01
<b>ZNF273</b>	0.05	8.04E-01	-0.18	3.64E-01
<b>ACTR3C</b>	-0.01	9.49E-01	0.18	3.65E-01
<b>AL391994.1</b>	0.19	3.34E-01	0.18	3.65E-01
<b>BRCA2</b>	0.04	8.35E-01	-0.18	3.65E-01
<b>CASC1</b>	-0.10	5.95E-01	-0.18	3.65E-01
<b>CD28</b>	0.05	7.82E-01	0.18	3.65E-01
<b>CTD-2095E4.4</b>	-0.01	9.50E-01	-0.18	3.65E-01
<b>DQX1</b>	-0.09	6.39E-01	0.18	3.65E-01
<b>DUSP14</b>	0.07	7.21E-01	0.18	3.65E-01
<b>FOLH1</b>	0.22	2.53E-01	0.18	3.65E-01
<b>GJB7</b>	-0.34	7.59E-02	-0.18	3.65E-01
<b>HOTAIR</b>	0.14	4.71E-01	0.18	3.65E-01
<b>KIAA0586</b>	0.09	6.62E-01	0.18	3.65E-01
<b>KLC2</b>	0.27	1.71E-01	0.18	3.65E-01
<b>MIR3681HG</b>	-0.10	5.99E-01	0.18	3.65E-01

<b>NFE2L3</b>	0.28	1.50E-01	0.18	3.65E-01
<b>RNU6-407P</b>	0.21	2.81E-01	-0.18	3.65E-01
<b>RNU7-75P</b>	-0.12	5.56E-01	-0.18	3.65E-01
<b>RP11-17P16.1</b>	-0.02	9.24E-01	0.18	3.65E-01
<b>RP11-545G3.1</b>	-0.12	5.58E-01	-0.18	3.65E-01
<b>RPS12P27</b>	-0.04	8.25E-01	-0.18	3.65E-01
<b>SAXO1</b>	0.10	6.01E-01	-0.18	3.65E-01
<b>SCP2</b>	-0.06	7.51E-01	-0.18	3.65E-01
<b>STARD3NL</b>	0.23	2.32E-01	-0.18	3.65E-01
<b>TONSL-AS1</b>	0.41	3.17E-02	-0.18	3.65E-01
<b>WFDC3</b>	-0.34	8.02E-02	-0.18	3.65E-01
<b>ZNF280D</b>	-0.42	2.42E-02	-0.18	3.65E-01
<b>ABCC3</b>	-0.22	2.63E-01	-0.18	3.66E-01
<b>ADCYAP1</b>	0.28	1.47E-01	0.18	3.66E-01
<b>ANKMY2</b>	0.26	1.78E-01	0.18	3.66E-01
<b>ATP5J2-PTCD1</b>	-0.24	2.27E-01	0.18	3.66E-01
<b>CD300E</b>	0.04	8.45E-01	0.18	3.66E-01
<b>CITF22-92A6.2</b>	0.21	2.73E-01	0.18	3.66E-01
<b>FAM102B</b>	0.09	6.36E-01	-0.18	3.66E-01
<b>G22509</b>	-0.07	7.15E-01	0.18	3.66E-01
<b>G34302</b>	-0.01	9.46E-01	0.18	3.66E-01
<b>NDUFS7</b>	0.19	3.22E-01	0.18	3.66E-01
<b>PNPLA2</b>	0.05	7.84E-01	0.18	3.66E-01
<b>PRKCDBP</b>	-0.28	1.44E-01	0.18	3.66E-01
<b>RN7SL787P</b>	-0.28	1.46E-01	-0.18	3.66E-01
<b>RP1-283E3.4</b>	-0.50	6.86E-03	-0.18	3.66E-01
<b>RP11-1055B8.10</b>	0.05	8.18E-01	-0.18	3.66E-01
<b>RP11-286H14.8</b>	-0.04	8.43E-01	-0.18	3.66E-01
<b>RP11-35G9.3</b>	0.18	3.50E-01	0.18	3.66E-01
<b>RP11-452L6.6</b>	-0.02	9.06E-01	-0.18	3.66E-01
<b>RP11-532F6.4</b>	-0.07	7.16E-01	-0.18	3.66E-01
<b>RP11-705O1.8</b>	0.15	4.43E-01	-0.18	3.66E-01
<b>SNORA15</b>	-0.14	4.65E-01	0.18	3.66E-01
<b>SNORA49</b>	-0.11	5.74E-01	0.18	3.66E-01
<b>STIM2</b>	0.19	3.44E-01	0.18	3.66E-01
<b>TMEM45B</b>	0.38	4.33E-02	0.18	3.66E-01
<b>TP53I13</b>	0.14	4.83E-01	0.18	3.66E-01
<b>VPS53</b>	0.02	9.02E-01	0.18	3.66E-01
<b>XLOC_008674</b>	-0.04	8.26E-01	-0.18	3.66E-01
<b>Z69666.2</b>	-0.22	2.68E-01	0.18	3.66E-01
<b>ZFYVE1</b>	-0.10	5.97E-01	0.18	3.66E-01
<b>AC017083.2</b>	0.10	6.28E-01	-0.18	3.67E-01
<b>AC137932.4</b>	-0.12	5.38E-01	-0.18	3.67E-01
<b>ACTG2</b>	0.10	6.26E-01	0.18	3.67E-01
<b>ASB8</b>	-0.20	3.08E-01	0.18	3.67E-01
<b>ATP5S</b>	-0.33	8.37E-02	-0.18	3.67E-01
<b>CKMT1B</b>	0.33	8.16E-02	0.18	3.67E-01



<b>CTA-243E7.2</b>	0.05	8.15E-01	-0.18	3.67E-01
<b>CYSRT1</b>	0.11	5.85E-01	0.18	3.67E-01
<b>DHX36</b>	0.16	4.23E-01	-0.18	3.67E-01
<b>DLST</b>	0.17	3.98E-01	0.18	3.67E-01
<b>ECH1</b>	0.43	2.21E-02	0.18	3.67E-01
<b>ENTPD1</b>	0.11	5.60E-01	0.18	3.67E-01
<b>FICD</b>	-0.20	3.17E-01	-0.18	3.67E-01
<b>G35259</b>	-0.18	3.60E-01	-0.18	3.67E-01
<b>HMOX2</b>	0.29	1.30E-01	0.18	3.67E-01
<b>INO80B</b>	0.13	5.04E-01	-0.18	3.67E-01
<b>KIF18B</b>	0.13	5.19E-01	0.18	3.67E-01
<b>LINC00592</b>	-0.01	9.42E-01	0.18	3.67E-01
<b>PSENE1</b>	0.05	8.10E-01	-0.18	3.67E-01
<b>RP11-110I1.14</b>	0.19	3.34E-01	-0.18	3.67E-01
<b>RP4-584D14.6</b>	0.09	6.42E-01	0.18	3.67E-01
<b>RUFY1</b>	0.01	9.79E-01	0.18	3.67E-01
<b>SEPT7P3</b>	-0.10	6.05E-01	-0.18	3.67E-01
<b>SLBP</b>	-0.07	7.18E-01	-0.18	3.67E-01
<b>USP2</b>	0.10	6.15E-01	0.18	3.67E-01
<b>WDFY2</b>	0.02	9.23E-01	0.18	3.67E-01
<b>ADAM22</b>	-0.03	8.83E-01	-0.18	3.68E-01
<b>CAMKV</b>	-0.20	3.07E-01	-0.18	3.68E-01
<b>CDKN2C</b>	0.10	6.02E-01	0.18	3.68E-01
<b>CHCHD4P2</b>	-0.21	2.89E-01	-0.18	3.68E-01
<b>CTD-2325P2.3</b>	-0.04	8.52E-01	0.18	3.68E-01
<b>ENOX1-AS1</b>	-0.12	5.29E-01	0.18	3.68E-01
<b>FAM208A</b>	-0.01	9.66E-01	0.18	3.68E-01
<b>FLJ13224</b>	-0.05	7.87E-01	-0.18	3.68E-01
<b>GPC4</b>	-0.27	1.72E-01	-0.18	3.68E-01
<b>LRR6</b>	-0.09	6.33E-01	-0.18	3.68E-01
<b>MAN2B2</b>	-0.40	3.72E-02	0.18	3.68E-01
<b>MON2</b>	0.05	8.08E-01	-0.18	3.68E-01
<b>NUBP2</b>	0.17	3.90E-01	0.18	3.68E-01
<b>PRSS22</b>	0.10	6.11E-01	0.18	3.68E-01
<b>QPCT</b>	0.00	9.98E-01	-0.18	3.68E-01
<b>RNF24</b>	0.02	9.28E-01	-0.18	3.68E-01
<b>RP11-128A17.2</b>	0.16	4.25E-01	-0.18	3.68E-01
<b>RP11-170L3.4</b>	-0.13	5.10E-01	0.18	3.68E-01
<b>RP11-379H18.1</b>	0.08	7.00E-01	0.18	3.68E-01
<b>RP11-401L13.7</b>	-0.06	7.50E-01	0.18	3.68E-01
<b>RP11-45A17.2</b>	-0.20	3.10E-01	0.18	3.68E-01
<b>RP11-527J8.1</b>	0.08	6.86E-01	-0.18	3.68E-01
<b>RP11-723D22.2</b>	-0.20	3.01E-01	-0.18	3.68E-01
<b>SEC11C</b>	0.03	8.99E-01	-0.18	3.68E-01
<b>TMEM75</b>	-0.01	9.43E-01	-0.18	3.68E-01
<b>ZSCAN31</b>	0.14	4.91E-01	0.18	3.68E-01
<b>AC009404.2</b>	-0.13	5.19E-01	-0.18	3.68E-01

<b>AC114765.1</b>	0.08	6.78E-01	0.18	3.68E-01
<b>ATG9B</b>	0.11	5.79E-01	0.18	3.68E-01
<b>CDK2</b>	-0.29	1.30E-01	-0.18	3.68E-01
<b>CFTR</b>	-0.02	9.35E-01	-0.18	3.68E-01
<b>EZH1</b>	-0.07	7.41E-01	0.18	3.68E-01
<b>FABP4</b>	0.15	4.48E-01	-0.18	3.68E-01
<b>FAM166A</b>	-0.05	8.09E-01	-0.18	3.68E-01
<b>FTLP8</b>	-0.14	4.84E-01	-0.18	3.68E-01
<b>GRIP2</b>	0.37	5.40E-02	0.18	3.68E-01
<b>KB-1471A8.1</b>	0.12	5.27E-01	0.18	3.68E-01
<b>LINC00426</b>	0.29	1.36E-01	0.18	3.68E-01
<b>MRAP2</b>	0.32	9.93E-02	0.18	3.68E-01
<b>NANOGP2</b>	-0.18	3.48E-01	0.18	3.68E-01
<b>OR7E108P</b>	0.30	1.18E-01	0.18	3.68E-01
<b>PCDHB16</b>	-0.23	2.32E-01	-0.18	3.68E-01
<b>RNF181</b>	0.16	4.10E-01	0.18	3.68E-01
<b>RNF7</b>	0.09	6.58E-01	0.18	3.68E-01
<b>RNU4-30P</b>	-0.24	2.25E-01	0.18	3.68E-01
<b>RP11-169K17.4</b>	0.24	2.14E-01	-0.18	3.68E-01
<b>RP11-284J1.1</b>	-0.51	5.35E-03	-0.18	3.68E-01
<b>RP11-460N20.7</b>	0.03	8.91E-01	-0.18	3.68E-01
<b>RP11-493E3.1</b>	-0.09	6.48E-01	-0.18	3.68E-01
<b>RPL26P9</b>	-0.16	4.15E-01	0.18	3.68E-01
<b>TTYH2</b>	-0.38	4.57E-02	0.18	3.68E-01
<b>ZRANB2</b>	-0.23	2.35E-01	-0.18	3.68E-01
<b>CTD-2287O16.1</b>	0.03	8.86E-01	0.18	3.69E-01
<b>CYB5R3</b>	-0.13	4.95E-01	0.18	3.69E-01
<b>CYP4F22</b>	0.27	1.67E-01	0.18	3.69E-01
<b>G25248</b>	0.13	5.01E-01	0.18	3.69E-01
<b>IL25</b>	0.09	6.34E-01	0.18	3.69E-01
<b>LUCAT1</b>	0.11	5.73E-01	0.18	3.69E-01
<b>RP11-360O19.5</b>	-0.16	4.29E-01	0.18	3.69E-01
<b>RPA1</b>	0.03	8.88E-01	0.18	3.69E-01
<b>SYVN1</b>	0.06	7.44E-01	0.18	3.69E-01
<b>UBASH3A</b>	0.37	5.48E-02	0.18	3.69E-01
<b>AC011999.1</b>	-0.04	8.51E-01	-0.18	3.69E-01
<b>AL133243.1</b>	-0.21	2.95E-01	-0.18	3.69E-01
<b>ARHGAP39</b>	0.04	8.57E-01	-0.18	3.69E-01
<b>CEP170</b>	-0.23	2.40E-01	-0.18	3.69E-01
<b>CTD-2203K17.1</b>	-0.13	5.19E-01	-0.18	3.69E-01
<b>HCFC2</b>	-0.04	8.48E-01	-0.18	3.69E-01
<b>LINC01298</b>	-0.20	2.98E-01	-0.18	3.69E-01
<b>NUFIP2</b>	0.36	6.37E-02	-0.18	3.69E-01
<b>RP11-162A12.4</b>	0.23	2.32E-01	-0.18	3.69E-01
<b>RP11-255P5.2</b>	-0.06	7.64E-01	-0.18	3.69E-01
<b>RP11-395I6.3</b>	-0.01	9.79E-01	-0.18	3.69E-01
<b>RP11-680F20.6</b>	-0.04	8.30E-01	-0.18	3.69E-01

SLC25A34	-0.02	9.14E-01	-0.18	3.69E-01
ZFR2	-0.37	5.42E-02	-0.18	3.69E-01
AC114812.10	-0.20	3.04E-01	-0.18	3.70E-01
AP1M2	0.22	2.59E-01	0.18	3.70E-01
ATP6V1G1P4	0.00	9.92E-01	-0.18	3.70E-01
CCL7	0.16	4.24E-01	0.18	3.70E-01
CRYM	-0.23	2.35E-01	-0.18	3.70E-01
CTB-78O21.1	-0.13	4.95E-01	-0.18	3.70E-01
CTD-3032J10.4	-0.20	3.07E-01	-0.18	3.70E-01
FCRL6	-0.05	7.82E-01	-0.18	3.70E-01
FHOD3	-0.55	2.62E-03	-0.18	3.70E-01
ITGA11	-0.19	3.36E-01	0.18	3.70E-01
KLHL14	-0.34	7.49E-02	-0.18	3.70E-01
KRT1	-0.08	6.90E-01	0.18	3.70E-01
KRTDAP	0.21	2.76E-01	0.18	3.70E-01
MT-CO1	0.33	8.48E-02	0.18	3.70E-01
PAIP2	0.00	9.91E-01	0.18	3.70E-01
RP11-1149O23.2	0.25	1.93E-01	-0.18	3.70E-01
RP11-323I15.3	-0.11	5.63E-01	0.18	3.70E-01
RP11-757G1.6	0.10	5.95E-01	-0.18	3.70E-01
RPL35A	0.13	5.24E-01	-0.18	3.70E-01
TATDN2P1	-0.01	9.44E-01	-0.18	3.70E-01
TM4SF18	0.04	8.57E-01	0.18	3.70E-01
TRAV38-2DV8	-0.17	3.82E-01	0.18	3.70E-01
U82695.9	-0.04	8.38E-01	-0.18	3.70E-01
UBE2Z	0.05	8.09E-01	0.18	3.70E-01
VRK3	-0.07	7.09E-01	0.18	3.70E-01
ZNF598	0.31	1.05E-01	0.18	3.70E-01
AC017006.2	0.11	5.85E-01	0.18	3.71E-01
C15orf52	-0.06	7.66E-01	0.18	3.71E-01
CBX3P7	-0.07	7.30E-01	-0.18	3.71E-01
CENPJ	-0.06	7.73E-01	-0.18	3.71E-01
CTB-105N12.2	0.17	3.82E-01	0.18	3.71E-01
CTD-2623N2.3	0.24	2.26E-01	-0.18	3.71E-01
FAM83C-AS1	-0.16	4.20E-01	-0.18	3.71E-01
FER1L4	-0.11	5.63E-01	-0.18	3.71E-01
GIT2	0.15	4.38E-01	0.18	3.71E-01
HMGB1P8	-0.10	6.09E-01	-0.18	3.71E-01
NONOP2	0.04	8.22E-01	-0.18	3.71E-01
NT5E	-0.39	4.03E-02	-0.18	3.71E-01
PCDHB7	0.31	1.06E-01	-0.18	3.71E-01
RN7SKP71	-0.06	7.60E-01	0.18	3.71E-01
RP11-1094M14.8	0.05	8.13E-01	0.18	3.71E-01
RP11-16C1.1	-0.47	1.24E-02	0.18	3.71E-01
RP4-756H11.5	-0.27	1.66E-01	-0.18	3.71E-01
SAMSN1	0.14	4.63E-01	0.18	3.71E-01
SETDB2	-0.12	5.35E-01	-0.18	3.71E-01

SHKBP1	0.15	4.38E-01	0.18	3.71E-01
SLC35F4	0.07	7.25E-01	-0.18	3.71E-01
SMUG1	0.26	1.82E-01	0.18	3.71E-01
SOST	0.50	7.07E-03	0.18	3.71E-01
TMPRSS11F	0.11	5.71E-01	-0.18	3.71E-01
TTC14	-0.24	2.14E-01	-0.18	3.71E-01
VIL1	0.06	7.49E-01	-0.18	3.71E-01
XLOC_000992	-0.01	9.78E-01	-0.18	3.71E-01
KXbac-B444P24.14	-0.01	9.70E-01	-0.18	3.71E-01
YRDCP1	-0.21	2.78E-01	0.18	3.71E-01
A2M	-0.17	3.79E-01	0.18	3.72E-01
A3GALT2	-0.14	4.72E-01	-0.18	3.72E-01
AC079250.1	-0.13	5.21E-01	0.18	3.72E-01
AC083900.1	-0.07	7.35E-01	0.18	3.72E-01
AC096558.1	-0.18	3.46E-01	-0.18	3.72E-01
CCDC24	-0.19	3.33E-01	-0.18	3.72E-01
CDR2L	-0.01	9.55E-01	0.18	3.72E-01
CFAP73	-0.09	6.36E-01	-0.18	3.72E-01
EGLN3P1	-0.20	2.98E-01	-0.18	3.72E-01
FGR	0.23	2.47E-01	0.18	3.72E-01
FOXC2	-0.16	4.16E-01	0.18	3.72E-01
GAPDHP33	-0.20	3.10E-01	-0.18	3.72E-01
GSK3A	0.11	5.65E-01	0.18	3.72E-01
IGLV5-52	-0.24	2.26E-01	-0.18	3.72E-01
LIMCH1	0.07	7.24E-01	0.18	3.72E-01
LMAN2L	0.04	8.21E-01	0.18	3.72E-01
MEIS3	-0.39	3.77E-02	0.18	3.72E-01
MYO1D	0.10	6.15E-01	0.18	3.72E-01
NUDT4	0.41	3.08E-02	0.18	3.72E-01
PJA1	0.15	4.44E-01	0.18	3.72E-01
POU2F2	0.10	6.18E-01	0.18	3.72E-01
RAB20	0.03	8.99E-01	0.18	3.72E-01
RNLS	-0.06	7.69E-01	-0.18	3.72E-01
RP1-225E12.2	-0.45	1.62E-02	-0.18	3.72E-01
RP11-210N13.1	-0.06	7.64E-01	-0.18	3.72E-01
RP11-32P22.1	0.07	7.14E-01	-0.18	3.72E-01
RP11-358B23.1	-0.43	2.14E-02	0.18	3.72E-01
RP11-427P5.3	0.00	9.83E-01	-0.18	3.72E-01
RP11-540O11.7	0.08	6.82E-01	0.18	3.72E-01
RP11-57H14.3	-0.01	9.53E-01	0.18	3.72E-01
RPS3AP35	-0.08	6.79E-01	-0.18	3.72E-01
RPTOR	-0.17	3.91E-01	0.18	3.72E-01
SNORA11	0.00	9.93E-01	0.18	3.72E-01
SPDEF	-0.17	3.77E-01	-0.18	3.72E-01
WRNIP1	0.09	6.47E-01	-0.18	3.72E-01
XLOC_014386	0.01	9.49E-01	-0.18	3.72E-01
ARHGEF11	0.14	4.75E-01	0.18	3.73E-01

<b>CTC-336P14.1</b>	-0.35	6.91E-02	0.18	3.73E-01
<b>CTD-2619J13.14</b>	0.00	9.92E-01	0.18	3.73E-01
<b>ELN</b>	-0.04	8.33E-01	-0.18	3.73E-01
<b>FAM90A1</b>	-0.26	1.80E-01	-0.18	3.73E-01
<b>FOXI3</b>	-0.28	1.46E-01	0.18	3.73E-01
<b>KLK13</b>	0.01	9.47E-01	0.18	3.73E-01
<b>LINC01013</b>	0.16	4.24E-01	-0.18	3.73E-01
<b>LINC01537</b>	-0.08	6.76E-01	0.18	3.73E-01
<b>MYBPC2</b>	-0.04	8.35E-01	0.18	3.73E-01
<b>PIK3CG</b>	0.18	3.66E-01	0.18	3.73E-01
<b>POLR2K</b>	-0.14	4.73E-01	-0.18	3.73E-01
<b>PTPN5</b>	-0.17	4.01E-01	0.18	3.73E-01
<b>RNU2-38P</b>	-0.09	6.43E-01	-0.18	3.73E-01
<b>RP11-111K18.2</b>	0.18	3.55E-01	-0.18	3.73E-01
<b>RP11-333J10.2</b>	-0.03	8.91E-01	-0.18	3.73E-01
<b>RP11-706O15.5</b>	0.29	1.33E-01	-0.18	3.73E-01
<b>RP11-884K10.7</b>	0.26	1.90E-01	0.18	3.73E-01
<b>SMPD2</b>	-0.13	5.04E-01	0.18	3.73E-01
<b>TAS2R14</b>	0.32	1.02E-01	-0.18	3.73E-01
<b>AC003075.4</b>	-0.09	6.48E-01	-0.18	3.73E-01
<b>AMMECR1</b>	0.25	2.09E-01	0.18	3.73E-01
<b>BACH1-IT3</b>	0.00	9.85E-01	-0.18	3.73E-01
<b>C8orf4</b>	-0.47	1.08E-02	-0.18	3.73E-01
<b>CHD7</b>	0.02	9.17E-01	0.18	3.73E-01
<b>CYP51A1P2</b>	0.01	9.58E-01	0.18	3.73E-01
<b>DSC3</b>	0.10	6.13E-01	0.18	3.73E-01
<b>GOLT1A</b>	0.09	6.59E-01	-0.18	3.73E-01
<b>HIPK4</b>	-0.01	9.59E-01	0.18	3.73E-01
<b>IMPA2</b>	0.26	1.73E-01	0.18	3.73E-01
<b>LDHAL6FP</b>	-0.04	8.36E-01	-0.18	3.73E-01
<b>LINC01612</b>	-0.20	3.05E-01	-0.18	3.73E-01
<b>MX2</b>	0.34	7.44E-02	0.18	3.73E-01
<b>NFRKB</b>	0.29	1.40E-01	0.18	3.73E-01
<b>PROCA1</b>	-0.47	1.21E-02	-0.18	3.73E-01
<b>RMND1</b>	-0.02	9.31E-01	0.18	3.73E-01
<b>RNU6-137P</b>	-0.13	4.98E-01	-0.18	3.73E-01
<b>RP11-295K2.3</b>	0.06	7.77E-01	-0.18	3.73E-01
<b>RP11-299J3.6</b>	0.11	5.64E-01	-0.18	3.73E-01
<b>RP11-31H5.2</b>	-0.08	6.73E-01	-0.18	3.73E-01
<b>RP11-428J1.5</b>	0.08	6.91E-01	0.18	3.73E-01
<b>RPSAP8</b>	-0.26	1.78E-01	0.18	3.73E-01
<b>RWDD1</b>	-0.09	6.57E-01	-0.18	3.73E-01
<b>SFXN2</b>	0.36	5.96E-02	0.18	3.73E-01
<b>AC017028.1</b>	-0.10	6.25E-01	0.18	3.74E-01
<b>AL121652.1</b>	0.15	4.59E-01	-0.18	3.74E-01
<b>ALDOA</b>	0.26	1.85E-01	0.18	3.74E-01
<b>AP4E1</b>	0.14	4.76E-01	0.18	3.74E-01

BBIP1	-0.27	1.69E-01	-0.18	3.74E-01
BCKDHB	-0.01	9.74E-01	-0.18	3.74E-01
CDCA8	0.23	2.43E-01	0.18	3.74E-01
CLDN12	0.22	2.59E-01	0.18	3.74E-01
CTA-280A3.2	-0.20	3.11E-01	-0.18	3.74E-01
MED11	0.21	2.87E-01	0.18	3.74E-01
NAV3	0.16	4.30E-01	0.18	3.74E-01
PLEKHB2	0.15	4.54E-01	-0.18	3.74E-01
RNF166	0.02	9.22E-01	0.18	3.74E-01
RP11-130L8.3	0.03	8.70E-01	-0.18	3.74E-01
RP11-282K24.3	-0.05	8.00E-01	-0.18	3.74E-01
RP11-428P16.3	-0.25	1.94E-01	-0.18	3.74E-01
RP11-490G8.1	0.34	7.89E-02	-0.18	3.74E-01
RP11-545E17.3	-0.13	4.96E-01	0.18	3.74E-01
TNKS2-AS1	0.08	6.95E-01	-0.18	3.74E-01
XLOC_007420	-0.29	1.31E-01	-0.18	3.74E-01
ZBTB7A	0.06	7.64E-01	0.18	3.74E-01
ZNF302	-0.02	9.10E-01	-0.18	3.74E-01
AADAC	-0.25	2.06E-01	-0.18	3.75E-01
AL669831.1	-0.30	1.25E-01	-0.18	3.75E-01
CCAR2	-0.06	7.47E-01	0.18	3.75E-01
CCDC58	0.04	8.49E-01	-0.18	3.75E-01
CNOT6	0.03	8.83E-01	0.18	3.75E-01
CTC-510F12.2	0.12	5.29E-01	0.18	3.75E-01
CTD-2216M2.1	-0.17	4.00E-01	-0.18	3.75E-01
CTD-2647E9.3	-0.12	5.36E-01	0.18	3.75E-01
ENPP7P10	-0.33	8.24E-02	-0.18	3.75E-01
EQTN	0.05	7.95E-01	-0.18	3.75E-01
GNG12-AS1	-0.24	2.11E-01	-0.18	3.75E-01
HRASLS	-0.11	5.71E-01	-0.18	3.75E-01
KIAA0319	-0.20	2.96E-01	-0.18	3.75E-01
MAD1L1	0.22	2.51E-01	0.18	3.75E-01
MIR3175	0.04	8.36E-01	-0.18	3.75E-01
NRM	-0.11	5.82E-01	0.18	3.75E-01
OR5P4P	0.08	6.75E-01	-0.18	3.75E-01
RGS10	0.11	5.82E-01	-0.18	3.75E-01
RNU6-975P	0.06	7.58E-01	-0.18	3.75E-01
RNU6ATAC24P	0.03	8.98E-01	0.18	3.75E-01
RP1-5O6.4	-0.07	7.24E-01	0.18	3.75E-01
RP11-354M1.2	0.41	3.03E-02	0.18	3.75E-01
RP11-392O18.2	0.21	2.94E-01	-0.18	3.75E-01
RP11-403E24.1	-0.16	4.08E-01	-0.18	3.75E-01
RP11-91J19.3	0.09	6.38E-01	-0.18	3.75E-01
SAP30L	-0.25	2.07E-01	-0.18	3.75E-01
SCOC	0.15	4.49E-01	-0.18	3.75E-01
TMEM106A	-0.29	1.34E-01	0.18	3.75E-01
TOR3A	0.16	4.30E-01	0.18	3.75E-01

ANKLE1	0.06	7.51E-01	0.18	3.76E-01
CTD-2020K17.3	-0.15	4.31E-01	0.18	3.76E-01
DNAJB6	0.23	2.43E-01	0.18	3.76E-01
IGHMBP2	-0.10	6.30E-01	0.18	3.76E-01
KRBA1	0.20	3.11E-01	0.18	3.76E-01
KRT84	0.18	3.66E-01	0.18	3.76E-01
MAPKAPK2	0.26	1.89E-01	0.18	3.76E-01
POLE4	0.19	3.41E-01	0.18	3.76E-01
PSME2	0.13	4.95E-01	0.18	3.76E-01
RP11-14I17.2	-0.09	6.64E-01	0.18	3.76E-01
ST8SIA4	0.08	6.97E-01	0.18	3.76E-01
CCDC50	-0.19	3.37E-01	-0.18	3.76E-01
CH17-431G21.1	-0.04	8.40E-01	-0.18	3.76E-01
CTD-2116N17.1	0.00	9.82E-01	-0.18	3.76E-01
CYP2C9	-0.05	8.14E-01	-0.18	3.76E-01
FAM133CP	-0.27	1.61E-01	-0.18	3.76E-01
GRK7	-0.09	6.49E-01	-0.18	3.76E-01
LATS2	-0.44	2.05E-02	-0.18	3.76E-01
MANEA	-0.01	9.58E-01	-0.18	3.76E-01
NUP155	0.09	6.64E-01	-0.18	3.76E-01
PCDHGA7	-0.36	6.28E-02	-0.18	3.76E-01
PDE6G	0.08	7.03E-01	-0.18	3.76E-01
RP11-109N23.5	0.29	1.32E-01	-0.18	3.76E-01
RP11-49I11.1	0.14	4.66E-01	-0.18	3.76E-01
RP11-515O17.3	-0.11	5.91E-01	-0.18	3.76E-01
RP11-56M3.1	-0.03	8.99E-01	-0.18	3.76E-01
RP11-888D10.4	-0.36	5.68E-02	-0.18	3.76E-01
SNHG22	0.04	8.21E-01	-0.18	3.76E-01
UBE2Q2L	-0.24	2.09E-01	-0.18	3.76E-01
Z73979.1	-0.21	2.91E-01	-0.18	3.76E-01
AC092652.1	-0.06	7.77E-01	-0.18	3.77E-01
AL161450.1	-0.39	4.25E-02	0.18	3.77E-01
ALG1L12P	0.02	9.33E-01	-0.18	3.77E-01
CCDC57	-0.25	2.02E-01	-0.18	3.77E-01
CDC42EP4	0.06	7.66E-01	0.18	3.77E-01
DNAAF1	-0.12	5.57E-01	-0.18	3.77E-01
ERVK3-1	-0.11	5.89E-01	-0.18	3.77E-01
FAM214A	0.35	7.20E-02	0.18	3.77E-01
FAM45A	0.22	2.56E-01	0.18	3.77E-01
GP6	-0.33	8.59E-02	-0.18	3.77E-01
GTF2I	0.14	4.64E-01	0.18	3.77E-01
HMGB3P32	-0.17	3.84E-01	0.18	3.77E-01
HOOK3	-0.01	9.69E-01	-0.18	3.77E-01
IKBKB	-0.03	8.79E-01	0.18	3.77E-01
MRPL53	0.17	3.85E-01	0.18	3.77E-01
NOA1	0.13	5.20E-01	0.18	3.77E-01
PMS2P4	0.10	6.24E-01	-0.18	3.77E-01

PRRT3	-0.02	9.24E-01	-0.18	3.77E-01
PSD	-0.20	3.02E-01	0.18	3.77E-01
RCAN2	-0.54	2.77E-03	-0.18	3.77E-01
RNU6-128P	-0.13	5.14E-01	-0.18	3.77E-01
RP11-2H3.6	-0.06	7.66E-01	-0.18	3.77E-01
RP11-352M15.1	-0.29	1.35E-01	-0.18	3.77E-01
RP11-367G18.2	0.39	3.82E-02	0.18	3.77E-01
RP11-3D4.3	-0.47	1.14E-02	-0.18	3.77E-01
RP11-45M22.2	-0.17	3.74E-01	-0.18	3.77E-01
SERPING1	-0.16	4.25E-01	0.18	3.77E-01
ARSH	0.07	7.06E-01	0.18	3.78E-01
CCDC69	0.51	5.65E-03	0.18	3.78E-01
CCNO	0.21	2.95E-01	0.18	3.78E-01
CRMP1	-0.17	3.96E-01	0.18	3.78E-01
ETV3	0.05	8.02E-01	0.18	3.78E-01
FLVCR1-AS1	-0.17	3.96E-01	0.18	3.78E-01
G20695	0.12	5.40E-01	0.18	3.78E-01
HIF1AN	-0.30	1.27E-01	0.18	3.78E-01
IGHE	-0.20	3.02E-01	0.18	3.78E-01
KRT18P62	0.05	7.97E-01	0.18	3.78E-01
PRSS3	0.32	9.90E-02	0.18	3.78E-01
RHBDF1	0.07	7.33E-01	0.18	3.78E-01
SNRPGP5	0.20	2.98E-01	0.18	3.78E-01
WBP5	0.09	6.57E-01	0.18	3.78E-01
AC118754.4	0.21	2.83E-01	-0.18	3.78E-01
B4GALNT1	0.11	5.85E-01	-0.18	3.78E-01
JADE1	-0.10	6.16E-01	-0.18	3.78E-01
LINC00462	0.16	4.04E-01	-0.18	3.78E-01
MIR5692A1	0.10	6.26E-01	-0.18	3.78E-01
NIP7P3	-0.17	4.01E-01	-0.18	3.78E-01
PPFIA3	-0.07	7.41E-01	-0.18	3.78E-01
RLIMP1	-0.11	5.86E-01	-0.18	3.78E-01
RP11-194N12.2	-0.15	4.39E-01	-0.18	3.78E-01
SP1	-0.16	4.11E-01	-0.18	3.78E-01
TSNAX	0.31	1.07E-01	-0.18	3.78E-01
ZNF577	-0.09	6.53E-01	-0.18	3.78E-01
AC139887.4	0.14	4.92E-01	-0.18	3.78E-01
AP000438.2	-0.13	5.17E-01	-0.18	3.78E-01
APOBEC3H	-0.11	5.81E-01	0.18	3.78E-01
C5orf45	-0.31	1.13E-01	-0.18	3.78E-01
CTD-2007L18.5	0.09	6.39E-01	-0.18	3.78E-01
DEFB103A	0.14	4.72E-01	0.18	3.78E-01
GPC1	0.03	8.94E-01	-0.18	3.78E-01
LARP7	0.14	4.63E-01	-0.18	3.78E-01
MIR133A1HG	-0.07	7.21E-01	-0.18	3.78E-01
MOV10L1	-0.20	3.00E-01	-0.18	3.78E-01
NT5M	0.25	2.01E-01	-0.18	3.78E-01



<b>RN7SL555P</b>	-0.03	8.95E-01	-0.18	3.78E-01
<b>RP1-101D8.1</b>	-0.18	3.52E-01	0.18	3.78E-01
<b>RP11-46H11.11</b>	-0.29	1.31E-01	-0.18	3.78E-01
<b>SPRED1</b>	0.09	6.38E-01	-0.18	3.78E-01
<b>TPM2</b>	0.07	7.23E-01	0.18	3.78E-01
<b>TTLL11</b>	-0.09	6.43E-01	-0.18	3.78E-01
<b>UGGT2</b>	-0.17	3.90E-01	-0.18	3.78E-01
<b>ZBED5</b>	-0.06	7.80E-01	-0.18	3.78E-01
<b>AC010900.2</b>	-0.22	2.57E-01	0.18	3.79E-01
<b>AL139318.1</b>	-0.05	7.85E-01	0.18	3.79E-01
<b>BTD</b>	0.03	8.92E-01	0.18	3.79E-01
<b>CXCR6</b>	0.07	7.39E-01	0.18	3.79E-01
<b>FAM98A</b>	0.06	7.43E-01	0.18	3.79E-01
<b>MRPS27</b>	0.10	6.09E-01	0.18	3.79E-01
<b>SEC13P1</b>	-0.10	6.08E-01	0.18	3.79E-01
<b>AP001625.6</b>	0.03	8.87E-01	-0.18	3.79E-01
<b>BCCIP</b>	0.05	7.99E-01	-0.18	3.79E-01
<b>BMS1P7</b>	0.08	6.80E-01	-0.18	3.79E-01
<b>CFAP44</b>	0.05	8.19E-01	-0.18	3.79E-01
<b>FGF14-AS1</b>	0.24	2.20E-01	-0.18	3.79E-01
<b>G30412</b>	-0.14	4.85E-01	-0.18	3.79E-01
<b>HSPA13</b>	0.04	8.48E-01	-0.18	3.79E-01
<b>IGBP1-AS1</b>	-0.03	8.98E-01	-0.18	3.79E-01
<b>MRPS35</b>	0.01	9.66E-01	-0.18	3.79E-01
<b>RP11-197M22.2</b>	-0.32	1.01E-01	-0.18	3.79E-01
<b>RP11-286E11.1</b>	0.01	9.71E-01	-0.18	3.79E-01
<b>RP11-714G18.1</b>	-0.29	1.32E-01	-0.18	3.79E-01
<b>RP11-791G15.2</b>	-0.21	2.91E-01	-0.18	3.79E-01
<b>SLC8A1-AS1</b>	-0.11	5.92E-01	-0.18	3.79E-01
<b>SNORD116-15</b>	0.12	5.48E-01	-0.18	3.79E-01
<b>SPIDR</b>	0.12	5.52E-01	-0.18	3.79E-01
<b>ZNF326</b>	-0.03	8.81E-01	-0.18	3.79E-01
<b>AC007557.3</b>	-0.26	1.87E-01	-0.18	3.80E-01
<b>AC009061.1</b>	0.07	7.25E-01	-0.18	3.80E-01
<b>AL050321.1</b>	0.21	2.75E-01	-0.18	3.80E-01
<b>ARHGAP19</b>	0.02	9.24E-01	-0.18	3.80E-01
<b>CKS1B</b>	-0.05	8.03E-01	-0.18	3.80E-01
<b>CPNE9</b>	-0.11	5.67E-01	-0.18	3.80E-01
<b>MIR193A</b>	0.20	3.09E-01	-0.18	3.80E-01
<b>RAI2</b>	-0.38	4.56E-02	-0.18	3.80E-01
<b>RIMKLBP1</b>	-0.16	4.07E-01	-0.18	3.80E-01
<b>RNGTTP1</b>	-0.10	6.06E-01	-0.18	3.80E-01
<b>RP11-707G18.1</b>	-0.23	2.29E-01	-0.18	3.80E-01
<b>THAP9</b>	0.11	5.61E-01	-0.18	3.80E-01
<b>AKR7A2</b>	-0.10	6.25E-01	0.18	3.80E-01
<b>AQP1</b>	-0.24	2.14E-01	0.18	3.80E-01
<b>DCAF5</b>	-0.30	1.24E-01	0.18	3.80E-01

FAM155B	-0.21	2.75E-01	0.18	3.80E-01
GUSBP1	-0.05	7.92E-01	0.18	3.80E-01
LINC01395	0.19	3.28E-01	0.18	3.80E-01
LMX1A	-0.15	4.34E-01	0.18	3.80E-01
NLRP7	0.12	5.52E-01	0.18	3.80E-01
NOSIP	0.17	3.86E-01	0.18	3.80E-01
RP11-91H12.4	0.01	9.66E-01	0.18	3.80E-01
TSPEAR	-0.09	6.34E-01	0.18	3.80E-01
ZAP70	0.10	6.22E-01	0.18	3.80E-01
AC007285.6	0.02	9.13E-01	0.18	3.81E-01
AC011294.3	0.03	8.98E-01	0.18	3.81E-01
AP000908.1	0.02	9.12E-01	-0.18	3.81E-01
CFDP1	-0.16	4.04E-01	-0.18	3.81E-01
COBLL1	0.26	1.79E-01	-0.18	3.81E-01
FGFBP1	0.13	5.00E-01	-0.18	3.81E-01
GNPAT	-0.08	6.68E-01	-0.18	3.81E-01
GOLGA8VP	0.12	5.34E-01	0.18	3.81E-01
GOLPH3L	0.36	6.26E-02	0.18	3.81E-01
HDHD3	0.04	8.32E-01	0.18	3.81E-01
HERC2P4	-0.04	8.40E-01	0.18	3.81E-01
IL12B	0.22	2.53E-01	0.18	3.81E-01
LRRC18	-0.43	2.26E-02	0.18	3.81E-01
NUP188	-0.01	9.57E-01	0.18	3.81E-01
OR13D3P	-0.02	9.03E-01	-0.18	3.81E-01
POLR2J2	0.18	3.48E-01	0.18	3.81E-01
PRB3	0.13	5.19E-01	-0.18	3.81E-01
RP11-195F19.30	0.00	9.99E-01	-0.18	3.81E-01
RP11-305K5.1	-0.05	8.05E-01	-0.18	3.81E-01
RP11-474D14.2	0.01	9.69E-01	-0.18	3.81E-01
RP11-589B3.6	0.26	1.87E-01	-0.18	3.81E-01
SFMBT1	0.00	9.90E-01	-0.18	3.81E-01
TAF6L	-0.10	6.30E-01	0.18	3.81E-01
TPO	0.10	6.30E-01	0.18	3.81E-01
TSGA10	-0.05	8.16E-01	-0.18	3.81E-01
AC114494.1	-0.32	9.74E-02	0.18	3.82E-01
ADAMTS16	-0.17	4.01E-01	0.18	3.82E-01
BISPR	0.12	5.35E-01	0.18	3.82E-01
CALU	-0.14	4.83E-01	-0.18	3.82E-01
CTC-550B14.7	-0.11	5.70E-01	-0.18	3.82E-01
CTD-2525I3.5	-0.16	4.11E-01	-0.18	3.82E-01
FMNL2	0.14	4.87E-01	0.18	3.82E-01
G264	-0.04	8.55E-01	-0.18	3.82E-01
HCFC1	0.08	6.73E-01	0.18	3.82E-01
LRRC37A17P	-0.17	3.90E-01	-0.18	3.82E-01
LYRM5	-0.03	8.85E-01	0.18	3.82E-01
MPP6	0.01	9.71E-01	-0.18	3.82E-01
PLIN3	0.05	7.95E-01	0.18	3.82E-01

RP1-241P17.4	-0.11	5.83E-01	-0.18	3.82E-01
RP11-138H8.2	-0.17	3.83E-01	-0.18	3.82E-01
RP11-367O10.1	-0.34	7.89E-02	-0.18	3.82E-01
RP11-48G14.3	-0.21	2.72E-01	0.18	3.82E-01
RP11-630A13.4	-0.43	2.16E-02	-0.18	3.82E-01
RP11-654A16.1	-0.30	1.15E-01	0.18	3.82E-01
RPL21P136	-0.08	6.94E-01	0.18	3.82E-01
SLCO4C1	0.15	4.34E-01	-0.18	3.82E-01
SNAI1	0.01	9.74E-01	0.18	3.82E-01
AC007875.2	0.12	5.38E-01	-0.18	3.83E-01
AC144530.1	0.19	3.24E-01	-0.18	3.83E-01
ATP6V1G2	0.33	8.87E-02	-0.18	3.83E-01
ATXN7L1	-0.16	4.20E-01	0.18	3.83E-01
BEND5	-0.01	9.59E-01	0.18	3.83E-01
CTD-2281E23.1	-0.30	1.17E-01	0.18	3.83E-01
FCER1G	0.12	5.53E-01	0.18	3.83E-01
GNL2P1	-0.07	7.40E-01	-0.18	3.83E-01
HMGB3P9	0.14	4.69E-01	-0.18	3.83E-01
HSD17B1	0.19	3.21E-01	0.18	3.83E-01
IL10RB	0.14	4.66E-01	0.18	3.83E-01
LINC01301	-0.11	5.87E-01	-0.18	3.83E-01
LINC01497	0.03	8.74E-01	0.18	3.83E-01
MOGAT1	0.19	3.23E-01	-0.18	3.83E-01
NBPF12	-0.07	7.14E-01	-0.18	3.83E-01
NUPR1	0.01	9.49E-01	0.18	3.83E-01
PRMT6	0.28	1.47E-01	-0.18	3.83E-01
PTK2B	0.37	5.46E-02	-0.18	3.83E-01
RP11-467H10.1	-0.52	4.75E-03	-0.18	3.83E-01
RP11-494O16.4	-0.08	6.83E-01	-0.18	3.83E-01
TMEM88B	-0.17	3.81E-01	-0.18	3.83E-01
TRIL	0.17	3.75E-01	-0.18	3.83E-01
XLOC_010389	-0.01	9.51E-01	0.18	3.83E-01
ASB9	-0.38	4.54E-02	-0.17	3.83E-01
BRD9	0.05	8.01E-01	-0.17	3.83E-01
FCAR	0.02	9.11E-01	-0.17	3.83E-01
G25345	-0.09	6.64E-01	-0.17	3.83E-01
LINC01001	0.21	2.82E-01	-0.17	3.83E-01
MZT1	0.18	3.59E-01	-0.17	3.83E-01
RP11-74E22.6	-0.21	2.82E-01	-0.17	3.83E-01
RP11-983P16.4	0.18	3.49E-01	-0.17	3.83E-01
ST6GAL2	0.03	8.92E-01	-0.17	3.83E-01
ZNF44	-0.27	1.58E-01	-0.17	3.83E-01
ARHGEF19	0.39	4.21E-02	0.17	3.83E-01
GPSM3	-0.01	9.66E-01	0.17	3.83E-01
MT-TP	0.19	3.34E-01	0.17	3.83E-01
PEG13	0.26	1.82E-01	0.17	3.83E-01
RIOK3	0.09	6.64E-01	0.17	3.83E-01

RP11-264J4.8	0.34	7.84E-02	0.17	3.83E-01
RP11-499E18.1	-0.08	7.02E-01	0.17	3.83E-01
RP11-554A11.9	0.08	7.03E-01	0.17	3.83E-01
RPL6P27	0.00	9.96E-01	0.17	3.83E-01
RPS5P2	-0.28	1.42E-01	0.17	3.83E-01
SCG2	0.00	9.90E-01	0.17	3.83E-01
XKR5	0.38	4.42E-02	0.17	3.83E-01
AL136419.6	-0.04	8.58E-01	-0.17	3.84E-01
ANKRD33B-AS1	-0.33	8.59E-02	-0.17	3.84E-01
ANKRD61	-0.39	4.18E-02	-0.17	3.84E-01
ARAP2	-0.12	5.41E-01	0.17	3.84E-01
ATF1	0.19	3.22E-01	-0.17	3.84E-01
CNTROB	-0.03	8.79E-01	0.17	3.84E-01
CTB-51J22.1	-0.28	1.51E-01	-0.17	3.84E-01
CTD-2340D6.2	-0.32	9.90E-02	0.17	3.84E-01
FBXW11	0.33	9.07E-02	0.17	3.84E-01
G18713	0.34	7.61E-02	0.17	3.84E-01
G35130	0.16	4.04E-01	-0.17	3.84E-01
G41741	-0.14	4.88E-01	0.17	3.84E-01
KRT8P15	-0.16	4.25E-01	-0.17	3.84E-01
LGI1	-0.22	2.55E-01	-0.17	3.84E-01
LLOXNC01-116E7.2	-0.24	2.13E-01	-0.17	3.84E-01
PTDSS2	-0.22	2.53E-01	0.17	3.84E-01
QRSL1P3	-0.16	4.29E-01	-0.17	3.84E-01
RAC1P2	-0.17	3.94E-01	0.17	3.84E-01
RP1-193H18.2	0.00	1.00E+00	0.17	3.84E-01
RP11-1250I15.3	0.16	4.15E-01	-0.17	3.84E-01
RP11-178C3.6	-0.16	4.24E-01	-0.17	3.84E-01
RP11-242P2.1	-0.12	5.38E-01	-0.17	3.84E-01
RP11-375H19.2	-0.04	8.39E-01	-0.17	3.84E-01
RP11-809N8.6	-0.17	3.74E-01	0.17	3.84E-01
RPL9P30	0.05	7.95E-01	-0.17	3.84E-01
SLC25A27	-0.22	2.62E-01	-0.17	3.84E-01
TAS2R13	0.19	3.26E-01	-0.17	3.84E-01
TOB1	0.04	8.44E-01	0.17	3.84E-01
XLOC_012707	-0.19	3.23E-01	-0.17	3.84E-01
ZNF493	-0.04	8.24E-01	-0.17	3.84E-01
AKR1C3	0.01	9.57E-01	-0.17	3.85E-01
AL353791.1	-0.21	2.78E-01	0.17	3.85E-01
ALPK3	-0.15	4.44E-01	0.17	3.85E-01
AP000476.1	0.26	1.76E-01	0.17	3.85E-01
BARHL1	-0.10	6.02E-01	0.17	3.85E-01
BBS1	0.17	3.79E-01	-0.17	3.85E-01
BCL2L14	0.32	9.33E-02	0.17	3.85E-01
C10orf12	0.06	7.76E-01	-0.17	3.85E-01
CSTB	0.19	3.45E-01	0.17	3.85E-01
CYP2D7	-0.03	8.89E-01	-0.17	3.85E-01

GLRX2	0.08	6.70E-01	-0.17	3.85E-01
KLHL18	0.32	1.01E-01	0.17	3.85E-01
LONP1	0.16	4.10E-01	0.17	3.85E-01
LRRN1	-0.36	6.01E-02	-0.17	3.85E-01
MTND2P11	-0.32	9.50E-02	-0.17	3.85E-01
NEDD1	0.00	9.89E-01	-0.17	3.85E-01
OLIG3	-0.21	2.95E-01	-0.17	3.85E-01
PCDH10	-0.11	5.76E-01	-0.17	3.85E-01
PEF1	0.37	5.56E-02	0.17	3.85E-01
PHPT1	-0.18	3.53E-01	0.17	3.85E-01
PLCB3	0.11	5.89E-01	0.17	3.85E-01
RASGRP1	0.08	6.79E-01	0.17	3.85E-01
RN7SL2	0.05	8.00E-01	0.17	3.85E-01
RNU6-1147P	-0.23	2.37E-01	-0.17	3.85E-01
RP1-122P22.4	0.04	8.30E-01	0.17	3.85E-01
RP11-327F22.4	0.10	6.19E-01	0.17	3.85E-01
RP11-37L2.1	-0.20	3.00E-01	-0.17	3.85E-01
RP11-380J14.1	-0.08	6.77E-01	0.17	3.85E-01
RP11-434P11.2	-0.22	2.64E-01	-0.17	3.85E-01
RP11-481J13.1	-0.05	8.10E-01	0.17	3.85E-01
RP11-513G19.1	-0.28	1.43E-01	-0.17	3.85E-01
RP11-6E9.4	-0.16	4.29E-01	0.17	3.85E-01
RP11-804H8.6	-0.22	2.64E-01	-0.17	3.85E-01
RP11-886P16.6	0.05	7.84E-01	0.17	3.85E-01
RPL23AP32	-0.14	4.78E-01	-0.17	3.85E-01
RPS15AP24	0.10	6.31E-01	0.17	3.85E-01
TAF1A	0.02	9.10E-01	-0.17	3.85E-01
TMEM126A	0.17	3.80E-01	-0.17	3.85E-01
XLOC_008033	-0.04	8.41E-01	-0.17	3.85E-01
ANXA2P1	-0.17	3.91E-01	-0.17	3.86E-01
ATOX1	0.27	1.60E-01	0.17	3.86E-01
ATP4A	0.16	4.13E-01	-0.17	3.86E-01
ATP6AP1	0.29	1.34E-01	0.17	3.86E-01
B3GALT5	-0.39	3.85E-02	-0.17	3.86E-01
CHD1L	0.19	3.30E-01	-0.17	3.86E-01
CTA-113A6.1	-0.06	7.51E-01	0.17	3.86E-01
DYNLL1	-0.06	7.77E-01	0.17	3.86E-01
FHL1	-0.40	3.67E-02	-0.17	3.86E-01
G26894	-0.12	5.55E-01	0.17	3.86E-01
GIPR	-0.15	4.51E-01	0.17	3.86E-01
HAGLR	-0.30	1.19E-01	0.17	3.86E-01
HDAC3	0.04	8.25E-01	0.17	3.86E-01
HNRNPLL	-0.01	9.64E-01	-0.17	3.86E-01
IL17REL	-0.33	8.53E-02	0.17	3.86E-01
LINC01287	-0.23	2.35E-01	-0.17	3.86E-01
LINC01504	0.05	7.96E-01	0.17	3.86E-01
NPTN	0.00	9.85E-01	-0.17	3.86E-01

<b>OR7E128P</b>	0.07	7.16E-01	0.17	3.86E-01
<b>RP1-267L14.6</b>	-0.48	8.97E-03	-0.17	3.86E-01
<b>RP11-60A8.1</b>	-0.13	5.10E-01	-0.17	3.86E-01
<b>RP11-673C5.1</b>	-0.08	6.93E-01	-0.17	3.86E-01
<b>RPS16P5</b>	-0.09	6.48E-01	0.17	3.86E-01
<b>SAR1B</b>	0.01	9.46E-01	-0.17	3.86E-01
<b>TF</b>	0.40	3.75E-02	-0.17	3.86E-01
<b>ZNF572</b>	-0.02	9.00E-01	-0.17	3.86E-01
<b>ACE2</b>	0.26	1.86E-01	0.17	3.87E-01
<b>ATAD1</b>	0.15	4.49E-01	-0.17	3.87E-01
<b>B3GNT3</b>	0.02	9.33E-01	0.17	3.87E-01
<b>CTB-60B18.12</b>	-0.06	7.52E-01	-0.17	3.87E-01
<b>KRT27</b>	-0.07	7.33E-01	0.17	3.87E-01
<b>PI4KB</b>	0.47	1.19E-02	0.17	3.87E-01
<b>RP11-230C9.4</b>	-0.11	5.92E-01	0.17	3.87E-01
<b>RP11-354P11.8</b>	0.20	3.11E-01	-0.17	3.87E-01
<b>RP11-484L8.1</b>	0.10	6.00E-01	0.17	3.87E-01
<b>RP3-417G15.1</b>	0.05	7.86E-01	0.17	3.87E-01
<b>SERP2</b>	-0.25	1.98E-01	0.17	3.87E-01
<b>SGOL2</b>	0.12	5.53E-01	0.17	3.87E-01
<b>SH2D6</b>	0.20	2.97E-01	-0.17	3.87E-01
<b>TMEM236</b>	-0.04	8.33E-01	-0.17	3.87E-01
<b>TRGV7</b>	0.14	4.63E-01	0.17	3.87E-01
<b>ZNF430</b>	-0.28	1.51E-01	-0.17	3.87E-01
<b>ZRANB3</b>	0.36	6.09E-02	-0.17	3.87E-01
<b>AC008268.1</b>	-0.01	9.70E-01	-0.17	3.88E-01
<b>AC138647.1</b>	0.02	9.12E-01	-0.17	3.88E-01
<b>G40138</b>	0.01	9.59E-01	-0.17	3.88E-01
<b>GLDN</b>	-0.17	3.73E-01	-0.17	3.88E-01
<b>LANCL2</b>	0.19	3.32E-01	-0.17	3.88E-01
<b>LINC00906</b>	-0.39	4.20E-02	-0.17	3.88E-01
<b>PDE6A</b>	0.26	1.78E-01	-0.17	3.88E-01
<b>RFTN2</b>	-0.19	3.44E-01	-0.17	3.88E-01
<b>RP1-78O14.1</b>	0.10	6.03E-01	-0.17	3.88E-01
<b>RP11-159F24.3</b>	-0.21	2.79E-01	-0.17	3.88E-01
<b>RP11-204P2.3</b>	-0.11	5.66E-01	-0.17	3.88E-01
<b>SMAD9</b>	0.03	8.97E-01	-0.17	3.88E-01
<b>SNORA59A</b>	-0.23	2.48E-01	-0.17	3.88E-01
<b>SRSF11</b>	-0.16	4.24E-01	-0.17	3.88E-01
<b>XLOC_006931</b>	0.09	6.50E-01	-0.17	3.88E-01
<b>AHR</b>	0.18	3.71E-01	0.17	3.88E-01
<b>ARID1A</b>	-0.09	6.61E-01	0.17	3.88E-01
<b>CD247</b>	0.39	4.01E-02	0.17	3.88E-01
<b>COL4A2</b>	0.03	8.99E-01	0.17	3.88E-01
<b>CTD-3092A11.2</b>	-0.14	4.67E-01	0.17	3.88E-01
<b>DICER1-AS1</b>	0.11	5.92E-01	0.17	3.88E-01
<b>FREM3</b>	-0.31	1.03E-01	0.17	3.88E-01

G24100	-0.50	6.34E-03	0.17	3.88E-01
LINGO3	-0.37	5.25E-02	0.17	3.88E-01
MRPL49	0.25	2.08E-01	0.17	3.88E-01
NINL	0.08	6.74E-01	0.17	3.88E-01
RNU6-942P	-0.10	6.28E-01	0.17	3.88E-01
RP11-129B9.1	-0.15	4.46E-01	0.17	3.88E-01
RRBP1	0.16	4.29E-01	0.17	3.88E-01
ZMYND10	-0.12	5.30E-01	0.17	3.88E-01
AC107079.1	-0.28	1.56E-01	0.17	3.89E-01
ANGPTL2	-0.24	2.22E-01	0.17	3.89E-01
BMP8A	0.05	8.12E-01	0.17	3.89E-01
C12orf54	0.05	8.00E-01	0.17	3.89E-01
C17orf53	0.18	3.63E-01	-0.17	3.89E-01
CA9	0.01	9.69E-01	-0.17	3.89E-01
CRYBB1	-0.07	7.14E-01	0.17	3.89E-01
CTA-29F11.1	-0.14	4.93E-01	-0.17	3.89E-01
CTD-2536I1.2	0.10	6.18E-01	0.17	3.89E-01
CTD-3032J10.2	-0.17	3.91E-01	0.17	3.89E-01
CTD-3220F14.3	0.05	7.94E-01	0.17	3.89E-01
CXCR1	-0.12	5.45E-01	-0.17	3.89E-01
G32125	-0.04	8.59E-01	0.17	3.89E-01
KLLN	0.38	4.89E-02	0.17	3.89E-01
MINOS1	0.13	5.05E-01	0.17	3.89E-01
NTHL1	0.45	1.71E-02	0.17	3.89E-01
PHLDB1	-0.10	6.22E-01	0.17	3.89E-01
RP11-305L7.7	-0.21	2.83E-01	-0.17	3.89E-01
RP2	0.21	2.86E-01	-0.17	3.89E-01
SLC18B1	0.44	2.02E-02	0.17	3.89E-01
SLC35G6	-0.13	5.02E-01	0.17	3.89E-01
TOX	0.09	6.35E-01	0.17	3.89E-01
XLOC_004201	0.00	9.87E-01	0.17	3.89E-01
bP-2171C21.4	-0.09	6.32E-01	-0.17	3.89E-01
ANGPTL1	-0.27	1.63E-01	-0.17	3.89E-01
ANKRD10	-0.42	2.74E-02	-0.17	3.89E-01
CALN1	-0.18	3.60E-01	-0.17	3.89E-01
CNDP2	0.28	1.55E-01	0.17	3.89E-01
DKFZP434A062	0.14	4.71E-01	0.17	3.89E-01
DMKN	-0.04	8.50E-01	0.17	3.89E-01
HNRNPR	0.09	6.47E-01	-0.17	3.89E-01
HSPB2	0.13	4.95E-01	-0.17	3.89E-01
PDLIM3	-0.14	4.67E-01	-0.17	3.89E-01
PIGG	-0.02	9.00E-01	-0.17	3.89E-01
RP11-444D3.1	0.04	8.26E-01	-0.17	3.89E-01
RP11-522I20.3	-0.14	4.81E-01	0.17	3.89E-01
SRD5A3	0.30	1.21E-01	0.17	3.89E-01
TM4SF19	0.25	2.09E-01	0.17	3.89E-01
TNIK	0.03	8.80E-01	0.17	3.89E-01

ZNF17	0.07	7.05E-01	-0.17	3.89E-01
AC016738.4	-0.13	4.99E-01	-0.17	3.90E-01
APOD	-0.16	4.29E-01	-0.17	3.90E-01
ATP2C2	0.02	9.00E-01	-0.17	3.90E-01
BMS1P1	0.05	8.05E-01	-0.17	3.90E-01
CBX6	-0.10	6.07E-01	-0.17	3.90E-01
G34276	-0.40	3.59E-02	-0.17	3.90E-01
1-Mar	-0.07	7.38E-01	-0.17	3.90E-01
MIR3657	0.22	2.71E-01	-0.17	3.90E-01
RAD51AP2	0.28	1.52E-01	-0.17	3.90E-01
RGMB-AS1	0.16	4.12E-01	-0.17	3.90E-01
RP11-178H8.7	0.10	5.98E-01	-0.17	3.90E-01
RP11-196E1.3	-0.08	7.03E-01	-0.17	3.90E-01
RP11-252C15.1	-0.22	2.53E-01	-0.17	3.90E-01
RP11-348N5.7	-0.29	1.31E-01	-0.17	3.90E-01
RP11-460N11.2	-0.22	2.61E-01	-0.17	3.90E-01
SERHL2	0.00	9.91E-01	-0.17	3.90E-01
TMEM240	-0.26	1.74E-01	-0.17	3.90E-01
FTSJ3	0.12	5.37E-01	0.17	3.90E-01
INIP	0.23	2.44E-01	0.17	3.90E-01
ITM2C	0.05	7.84E-01	0.17	3.90E-01
ITSN1	-0.38	4.64E-02	0.17	3.90E-01
METTL20	0.01	9.64E-01	0.17	3.90E-01
NTN4	-0.03	8.63E-01	0.17	3.90E-01
PDCL	0.02	9.20E-01	0.17	3.90E-01
RP11-204C16.4	-0.06	7.79E-01	0.17	3.90E-01
RP11-731D1.1	0.09	6.63E-01	0.17	3.90E-01
SLC34A1	0.15	4.41E-01	0.17	3.90E-01
SMARCD2	0.15	4.33E-01	0.17	3.90E-01
SNX18P12	-0.01	9.58E-01	0.17	3.90E-01
WFDC5	0.38	4.61E-02	0.17	3.90E-01
DBI	0.07	7.37E-01	0.17	3.91E-01
ICAM3	-0.25	1.98E-01	0.17	3.91E-01
PTTG3P	0.06	7.70E-01	0.17	3.91E-01
RP11-6N17.4	0.18	3.61E-01	0.17	3.91E-01
SLC44A1	0.00	9.98E-01	0.17	3.91E-01
TBC1D20	0.12	5.45E-01	0.17	3.91E-01
AP001189.4	-0.04	8.42E-01	-0.17	3.91E-01
DDX26B	-0.05	8.00E-01	-0.17	3.91E-01
DZIP1L	-0.42	2.53E-02	-0.17	3.91E-01
MEF2C	-0.31	1.07E-01	-0.17	3.91E-01
MPPED2	-0.39	3.80E-02	-0.17	3.91E-01
RASSF8-AS1	-0.45	1.65E-02	-0.17	3.91E-01
RNF139-AS1	0.07	7.10E-01	-0.17	3.91E-01
RP11-358D17.2	0.00	9.90E-01	-0.17	3.91E-01
RP11-78I14.1	-0.03	8.62E-01	-0.17	3.91E-01
ZNF14	0.02	9.13E-01	-0.17	3.91E-01



AC083822.2	-0.24	2.13E-01	-0.17	3.92E-01
CCKBR	0.00	9.89E-01	-0.17	3.92E-01
CTD-2325P2.4	-0.05	8.12E-01	-0.17	3.92E-01
CTD-2647L4.1	-0.03	8.75E-01	0.17	3.92E-01
FOCAD	-0.07	7.22E-01	-0.17	3.92E-01
G22924	-0.32	1.00E-01	-0.17	3.92E-01
G4674	0.14	4.93E-01	0.17	3.92E-01
MEG8	-0.20	2.96E-01	-0.17	3.92E-01
NLRP9	-0.24	2.14E-01	-0.17	3.92E-01
RNU6-1095P	0.31	1.08E-01	-0.17	3.92E-01
RNU6-418P	-0.25	1.94E-01	-0.17	3.92E-01
RP1-69D17.4	-0.09	6.53E-01	0.17	3.92E-01
RP11-1102P22.2	0.16	4.06E-01	-0.17	3.92E-01
RP11-256K9.1	0.05	8.01E-01	0.17	3.92E-01
RP11-307E17.8	-0.08	6.94E-01	-0.17	3.92E-01
RP11-546O6.4	0.09	6.32E-01	0.17	3.92E-01
RP11-574K11.8	-0.09	6.45E-01	0.17	3.92E-01
RP11-61F12.1	0.01	9.51E-01	0.17	3.92E-01
RP11-738E22.3	-0.01	9.77E-01	0.17	3.92E-01
SH3BP5-AS1	-0.22	2.67E-01	-0.17	3.92E-01
SLC11A1	-0.17	3.78E-01	0.17	3.92E-01
SLC25A16	0.01	9.50E-01	-0.17	3.92E-01
TLCD2	-0.03	8.79E-01	0.17	3.92E-01
AC006946.12	0.04	8.58E-01	-0.17	3.93E-01
AC073641.2	-0.08	6.76E-01	-0.17	3.93E-01
AC084809.2	0.09	6.63E-01	-0.17	3.93E-01
COG2	0.11	5.84E-01	-0.17	3.93E-01
GSTM1	0.21	2.80E-01	-0.17	3.93E-01
MRGPRF-AS1	-0.29	1.33E-01	-0.17	3.93E-01
NFXL1	0.00	9.93E-01	-0.17	3.93E-01
NR4A2	-0.15	4.49E-01	-0.17	3.93E-01
RN7SL268P	-0.15	4.41E-01	-0.17	3.93E-01
RP11-15A1.2	0.44	1.99E-02	-0.17	3.93E-01
RP11-430B1.2	0.17	3.96E-01	-0.17	3.93E-01
RP11-756H20.1	0.17	4.00E-01	-0.17	3.93E-01
RP11-98D18.1	-0.13	5.01E-01	-0.17	3.93E-01
TIAM1	-0.16	4.17E-01	-0.17	3.93E-01
TRGV4	0.43	2.25E-02	-0.17	3.93E-01
VPS4B	0.15	4.48E-01	-0.17	3.93E-01
Z83826.1	-0.05	8.07E-01	-0.17	3.93E-01
ZBTB18	-0.20	3.14E-01	-0.17	3.93E-01
ACBD6	0.08	6.73E-01	0.17	3.93E-01
AUH	-0.01	9.75E-01	0.17	3.93E-01
CAMKMT	-0.15	4.49E-01	0.17	3.93E-01
CD163	0.06	7.77E-01	0.17	3.93E-01
ELMO1	0.09	6.38E-01	0.17	3.93E-01
LINC00299	0.19	3.24E-01	0.17	3.93E-01

MOB3B	0.15	4.34E-01	0.17	3.93E-01
MSLN	-0.11	5.85E-01	0.17	3.93E-01
MTAP	0.21	2.85E-01	0.17	3.93E-01
OVOL3	-0.12	5.33E-01	0.17	3.93E-01
RLTPR	-0.05	7.99E-01	0.17	3.93E-01
RN7SL15P	-0.04	8.59E-01	0.17	3.93E-01
RN7SL459P	-0.42	2.44E-02	0.17	3.93E-01
RP4-718D20.3	0.12	5.29E-01	0.17	3.93E-01
SMPDL3A	0.06	7.51E-01	0.17	3.93E-01
ABHD16A	-0.41	3.02E-02	-0.17	3.94E-01
AC092431.3	-0.25	2.08E-01	-0.17	3.94E-01
B3GNT2	0.06	7.63E-01	0.17	3.94E-01
CCDC74A	-0.13	5.04E-01	-0.17	3.94E-01
CTD-2012K14.2	-0.17	4.01E-01	0.17	3.94E-01
DHRS11	0.03	8.78E-01	-0.17	3.94E-01
DNM1P46	-0.18	3.70E-01	-0.17	3.94E-01
EFHC2	-0.15	4.55E-01	-0.17	3.94E-01
FBXL15	-0.03	8.68E-01	0.17	3.94E-01
FBXL22	0.30	1.22E-01	0.17	3.94E-01
FBXO8	-0.09	6.52E-01	-0.17	3.94E-01
GAD1	-0.14	4.79E-01	-0.17	3.94E-01
IL11RA	-0.24	2.13E-01	-0.17	3.94E-01
KIF21B	0.28	1.43E-01	0.17	3.94E-01
NOTCH2NL	-0.16	4.14E-01	-0.17	3.94E-01
NUDT7	0.21	2.83E-01	0.17	3.94E-01
PNCK	-0.03	8.61E-01	0.17	3.94E-01
RASA4DP	-0.08	6.93E-01	-0.17	3.94E-01
RP11-116K4.1	-0.16	4.16E-01	-0.17	3.94E-01
RP11-196B3.1	-0.26	1.73E-01	-0.17	3.94E-01
RP11-351I24.1	-0.14	4.67E-01	0.17	3.94E-01
RP11-390P2.2	-0.21	2.93E-01	-0.17	3.94E-01
RP11-482L11.1	-0.02	9.35E-01	-0.17	3.94E-01
SLC6A20	0.03	8.77E-01	-0.17	3.94E-01
SOD2	0.24	2.11E-01	0.17	3.94E-01
SUPT16H	-0.05	7.88E-01	-0.17	3.94E-01
SYNE1-AS1	-0.54	2.75E-03	-0.17	3.94E-01
TMEM55B	0.10	6.07E-01	-0.17	3.94E-01
UCP3	0.19	3.21E-01	-0.17	3.94E-01
VAPB	-0.39	3.85E-02	0.17	3.94E-01
XLOC_007240	0.01	9.76E-01	-0.17	3.94E-01
ZNF561-AS1	-0.05	7.93E-01	0.17	3.94E-01
ARHGAP33	-0.13	5.06E-01	-0.17	3.95E-01
ATP6V1E2	-0.34	7.61E-02	-0.17	3.95E-01
C15orf61	0.23	2.36E-01	-0.17	3.95E-01
DYRK4	0.15	4.53E-01	0.17	3.95E-01
EEF1B2P6	0.09	6.36E-01	0.17	3.95E-01
FAH	-0.21	2.80E-01	0.17	3.95E-01

FAM60A	0.23	2.31E-01	-0.17	3.95E-01
G9217	-0.20	3.04E-01	-0.17	3.95E-01
GTF2H2B	-0.32	9.93E-02	0.17	3.95E-01
HIST4H4	0.21	2.95E-01	0.17	3.95E-01
JAKMIP2	-0.19	3.36E-01	-0.17	3.95E-01
PCYT2	0.16	4.27E-01	0.17	3.95E-01
PDE4DIP	-0.17	4.00E-01	-0.17	3.95E-01
PDPR	-0.04	8.48E-01	0.17	3.95E-01
PTGR1	0.18	3.53E-01	0.17	3.95E-01
QSER1	0.14	4.93E-01	-0.17	3.95E-01
RNMTL1	0.27	1.65E-01	0.17	3.95E-01
RP11-27G24.3	-0.07	7.17E-01	-0.17	3.95E-01
RP11-343H19.1	-0.09	6.33E-01	-0.17	3.95E-01
RP11-4B16.3	0.30	1.20E-01	0.17	3.95E-01
RP4-635A23.6	0.19	3.20E-01	-0.17	3.95E-01
RP5-875H18.4	-0.05	7.98E-01	-0.17	3.95E-01
SDHAF4	0.05	8.05E-01	-0.17	3.95E-01
SEC23A	-0.08	6.96E-01	-0.17	3.95E-01
TMEM107	-0.14	4.92E-01	0.17	3.95E-01
UBL7	0.00	9.85E-01	0.17	3.95E-01
USP49	-0.16	4.12E-01	-0.17	3.95E-01
XLOC_009342	-0.01	9.50E-01	-0.17	3.95E-01
XLOC_013995	0.01	9.59E-01	0.17	3.95E-01
ZC3H7A	-0.01	9.51E-01	0.17	3.95E-01
AP2M1	0.15	4.37E-01	0.17	3.95E-01
ASH1L-AS1	-0.14	4.92E-01	0.17	3.95E-01
BRD7P4	-0.18	3.47E-01	-0.17	3.95E-01
CBWD6	0.04	8.28E-01	-0.17	3.95E-01
CCDC153	-0.02	9.15E-01	0.17	3.95E-01
CEBPB-AS1	-0.13	5.23E-01	-0.17	3.95E-01
CNN2	0.33	8.42E-02	0.17	3.95E-01
CRYBA1	-0.16	4.04E-01	-0.17	3.95E-01
H3F3B	0.05	8.04E-01	-0.17	3.95E-01
HORMAD1	-0.31	1.12E-01	0.17	3.95E-01
IL18	-0.08	6.70E-01	-0.17	3.95E-01
KIF1BP	0.27	1.73E-01	0.17	3.95E-01
KLHL35	-0.04	8.51E-01	0.17	3.95E-01
KNSTRN	0.08	6.88E-01	0.17	3.95E-01
METTL4	0.11	5.63E-01	-0.17	3.95E-01
MPG	0.28	1.46E-01	0.17	3.95E-01
PIAS1	-0.11	5.82E-01	-0.17	3.95E-01
RIPK1	0.08	6.94E-01	0.17	3.95E-01
RNF216-IT1	0.23	2.34E-01	-0.17	3.95E-01
RP11-111H13.1	0.08	6.91E-01	-0.17	3.95E-01
RP11-236F9.2	-0.03	8.61E-01	0.17	3.95E-01
RP11-396C23.4	-0.01	9.57E-01	-0.17	3.95E-01
RP4-669P10.20	-0.26	1.79E-01	-0.17	3.95E-01

SPDYE16	-0.11	5.62E-01	-0.17	3.95E-01
STAT1	0.31	1.03E-01	0.17	3.95E-01
XLOC_007860	-0.17	3.98E-01	-0.17	3.95E-01
AC093495.4	-0.08	6.77E-01	-0.17	3.96E-01
AF127577.13	0.14	4.93E-01	-0.17	3.96E-01
APEX2	0.27	1.71E-01	0.17	3.96E-01
BMS1P4	-0.02	9.33E-01	-0.17	3.96E-01
CTD-2008L17.1	0.00	1.00E+00	0.17	3.96E-01
CTD-2515H24.4	0.02	9.05E-01	-0.17	3.96E-01
CTD-2527I21.14	-0.04	8.58E-01	-0.17	3.96E-01
DVL2	-0.24	2.11E-01	0.17	3.96E-01
G34275	-0.04	8.24E-01	-0.17	3.96E-01
GOLGB1	-0.20	3.08E-01	-0.17	3.96E-01
MIR4804	0.00	1.00E+00	-0.17	3.96E-01
MTO1	0.16	4.04E-01	0.17	3.96E-01
ODC1	-0.10	6.24E-01	-0.17	3.96E-01
PCBP2-OT1	-0.01	9.53E-01	-0.17	3.96E-01
RP11-155L15.1	0.18	3.71E-01	0.17	3.96E-01
RP11-219B4.7	-0.15	4.54E-01	-0.17	3.96E-01
RP11-95J11.1	0.00	9.98E-01	-0.17	3.96E-01
RP13-452N2.1	0.44	1.96E-02	-0.17	3.96E-01
RP5-907C10.3	0.16	4.10E-01	-0.17	3.96E-01
RTKN	0.03	8.67E-01	0.17	3.96E-01
SUPT5H	0.05	8.13E-01	0.17	3.96E-01
TPRG1-AS2	-0.37	5.21E-02	-0.17	3.96E-01
UBE4A	0.11	5.86E-01	-0.17	3.96E-01
XCR1	0.15	4.43E-01	0.17	3.96E-01
XLOC_013962	0.01	9.76E-01	0.17	3.96E-01
AC021188.4	-0.09	6.53E-01	0.17	3.97E-01
CD1E	0.14	4.87E-01	0.17	3.97E-01
CH17-353B19.1	0.26	1.85E-01	0.17	3.97E-01
COL8A2	-0.03	8.95E-01	0.17	3.97E-01
CYCSP34	0.03	8.90E-01	-0.17	3.97E-01
DNTTIP1	-0.06	7.62E-01	0.17	3.97E-01
GPR89B	-0.03	8.93E-01	-0.17	3.97E-01
JOSD2	0.19	3.39E-01	0.17	3.97E-01
LINC00857	-0.29	1.37E-01	-0.17	3.97E-01
MRVI1	0.06	7.81E-01	0.17	3.97E-01
MTATP6P15	-0.15	4.60E-01	-0.17	3.97E-01
OPHN1	-0.34	7.46E-02	-0.17	3.97E-01
OR5C1	-0.04	8.25E-01	-0.17	3.97E-01
RAB30-AS1	0.01	9.76E-01	0.17	3.97E-01
RNU6-387P	0.20	2.98E-01	0.17	3.97E-01
RP11-532F6.2	-0.15	4.60E-01	-0.17	3.97E-01
RP11-567M16.5	0.13	4.95E-01	0.17	3.97E-01
RP11-981G7.1	-0.21	2.84E-01	-0.17	3.97E-01
RP5-994D16.9	-0.10	6.30E-01	0.17	3.97E-01

SAMHD1	0.14	4.79E-01	0.17	3.97E-01
SCN11A	0.08	6.90E-01	-0.17	3.97E-01
SIK3	-0.45	1.72E-02	-0.17	3.97E-01
SLF1	0.10	5.97E-01	-0.17	3.97E-01
SLX4IP	0.03	8.82E-01	0.17	3.97E-01
SYNCRIP	0.05	7.85E-01	-0.17	3.97E-01
TMEM200A	-0.39	3.98E-02	-0.17	3.97E-01
TPH1	-0.12	5.56E-01	-0.17	3.97E-01
ANKEF1	0.41	3.03E-02	0.17	3.98E-01
AP000473.5	-0.14	4.85E-01	-0.17	3.98E-01
ARHGGEF28	-0.36	5.94E-02	-0.17	3.98E-01
ASAH1	-0.11	5.82E-01	-0.17	3.98E-01
C19orf47	-0.05	7.96E-01	0.17	3.98E-01
C1QBPP2	-0.18	3.64E-01	-0.17	3.98E-01
CACUL1	0.29	1.29E-01	0.17	3.98E-01
CLEC4GP1	-0.01	9.68E-01	0.17	3.98E-01
CNTN3	-0.21	2.87E-01	-0.17	3.98E-01
CTA-972D3.2	-0.07	7.41E-01	-0.17	3.98E-01
CTAGE15	0.20	2.98E-01	-0.17	3.98E-01
CTD-2010I16.1	-0.04	8.31E-01	-0.17	3.98E-01
CTD-2146O16.1	-0.05	8.18E-01	-0.17	3.98E-01
ECT2	0.08	6.90E-01	-0.17	3.98E-01
ENDOD1	-0.04	8.49E-01	0.17	3.98E-01
FGFR4	0.03	8.65E-01	-0.17	3.98E-01
FRG2JP	0.04	8.37E-01	-0.17	3.98E-01
GTF2H3	0.18	3.70E-01	-0.17	3.98E-01
POU5F1P6	-0.13	4.94E-01	-0.17	3.98E-01
RASA1	0.24	2.19E-01	-0.17	3.98E-01
RDH11	0.17	3.84E-01	0.17	3.98E-01
RELT	0.06	7.68E-01	0.17	3.98E-01
RP11-530C5.4	-0.35	6.39E-02	-0.17	3.98E-01
RP11-63G10.3	-0.18	3.53E-01	-0.17	3.98E-01
RP11-680F20.5	-0.14	4.68E-01	-0.17	3.98E-01
RP11-723O4.6	0.06	7.79E-01	0.17	3.98E-01
RP11-73M18.6	0.13	5.01E-01	-0.17	3.98E-01
RPP14	0.35	6.50E-02	-0.17	3.98E-01
SNORA46	0.25	2.08E-01	0.17	3.98E-01
SYAP1	-0.11	5.77E-01	-0.17	3.98E-01
SYCN	0.00	9.92E-01	-0.17	3.98E-01
TMOD3	0.17	3.74E-01	-0.17	3.98E-01
UFSP2	0.17	3.99E-01	-0.17	3.98E-01
ZNF473	0.10	6.19E-01	0.17	3.98E-01
AC013267.1	0.23	2.40E-01	0.17	3.99E-01
AL365502.1	-0.23	2.48E-01	-0.17	3.99E-01
CCDC78	-0.25	1.95E-01	-0.17	3.99E-01
CR1	0.00	9.96E-01	0.17	3.99E-01
CTA-797E19.2	0.16	4.08E-01	-0.17	3.99E-01

HSPE1P2	0.20	3.03E-01	-0.17	3.99E-01
KIF17	-0.05	8.07E-01	0.17	3.99E-01
LHFPL1	0.02	9.12E-01	0.17	3.99E-01
LINC01535	0.12	5.31E-01	0.17	3.99E-01
NLN	-0.01	9.43E-01	-0.17	3.99E-01
NPLOC4	0.16	4.22E-01	0.17	3.99E-01
PRSS56	0.12	5.47E-01	-0.17	3.99E-01
RP11-1085N6.2	0.04	8.36E-01	-0.17	3.99E-01
RP11-114M5.1	-0.19	3.37E-01	-0.17	3.99E-01
RP11-28B23.1	-0.18	3.70E-01	-0.17	3.99E-01
RP11-342K2.1	0.14	4.83E-01	-0.17	3.99E-01
RP11-709D24.8	0.01	9.40E-01	-0.17	3.99E-01
RP11-799B12.2	-0.21	2.91E-01	0.17	3.99E-01
RP11-87H9.5	-0.39	4.29E-02	-0.17	3.99E-01
SLC6A13	0.19	3.44E-01	-0.17	3.99E-01
SVIL	-0.09	6.62E-01	-0.17	3.99E-01
WISP1	-0.11	5.71E-01	0.17	3.99E-01
XLOC_005569	0.08	6.76E-01	-0.17	3.99E-01
XLOC_014038	-0.02	9.11E-01	-0.17	3.99E-01
ZNF718	0.19	3.23E-01	0.17	3.99E-01
AKT3-IT1	0.09	6.56E-01	0.17	4.00E-01
CHD4	-0.23	2.39E-01	0.17	4.00E-01
KIAA0100	0.27	1.59E-01	0.17	4.00E-01
PRDM8	0.11	5.83E-01	0.17	4.00E-01
RANBP9	0.17	3.97E-01	0.17	4.00E-01
RP11-310E22.4	-0.21	2.93E-01	0.17	4.00E-01
SRGN	0.08	6.80E-01	0.17	4.00E-01
TFEB	0.19	3.40E-01	0.17	4.00E-01
WNT10B	-0.11	5.74E-01	0.17	4.00E-01
ZNF521	-0.20	3.00E-01	0.17	4.00E-01
AC063976.7	0.10	5.95E-01	-0.17	4.00E-01
AMD1P1	-0.27	1.59E-01	-0.17	4.00E-01
GUCY1A2	-0.09	6.62E-01	-0.17	4.00E-01
HSD17B8	0.02	9.18E-01	-0.17	4.00E-01
IL22RA2	0.40	3.58E-02	-0.17	4.00E-01
LRR1	0.20	3.13E-01	-0.17	4.00E-01
MIR429	-0.21	2.80E-01	-0.17	4.00E-01
PROX2	-0.23	2.32E-01	-0.17	4.00E-01
RP11-793H13.11	0.01	9.67E-01	-0.17	4.00E-01
SYTL3	0.46	1.43E-02	-0.17	4.00E-01
ZNF548	0.08	6.90E-01	-0.17	4.00E-01
AC007193.6	0.12	5.38E-01	-0.17	4.01E-01
AC024937.6	-0.32	9.21E-02	-0.17	4.01E-01
ADAMTS7P4	-0.02	9.02E-01	0.17	4.01E-01
AP000560.3	-0.10	6.10E-01	-0.17	4.01E-01
B3GAT1	-0.04	8.59E-01	0.17	4.01E-01
CD81-AS1	-0.53	3.68E-03	-0.17	4.01E-01

<b>CTC-523E23.3</b>	0.44	1.98E-02	-0.17	4.01E-01
<b>FBXO32</b>	-0.20	3.05E-01	-0.17	4.01E-01
<b>G34192</b>	0.15	4.46E-01	-0.17	4.01E-01
<b>G5617</b>	-0.17	3.90E-01	-0.17	4.01E-01
<b>GOLT1B</b>	0.06	7.46E-01	-0.17	4.01E-01
<b>HIF1A</b>	0.33	8.42E-02	0.17	4.01E-01
<b>HMG3</b>	-0.01	9.59E-01	-0.17	4.01E-01
<b>KCNK6</b>	0.02	9.33E-01	0.17	4.01E-01
<b>KRT80</b>	0.35	6.59E-02	0.17	4.01E-01
<b>LRRIQ1</b>	-0.24	2.11E-01	0.17	4.01E-01
<b>MAGT1</b>	0.19	3.28E-01	-0.17	4.01E-01
<b>MZF1-AS1</b>	-0.21	2.91E-01	-0.17	4.01E-01
<b>PIGH</b>	-0.27	1.72E-01	0.17	4.01E-01
<b>RP11-434H6.6</b>	0.50	6.86E-03	0.17	4.01E-01
<b>RP11-769O8.1</b>	-0.16	4.06E-01	-0.17	4.01E-01
<b>RP4-625H18.2</b>	-0.10	6.00E-01	-0.17	4.01E-01
<b>RP6-65G23.3</b>	0.20	3.07E-01	0.17	4.01E-01
<b>TRIB1</b>	-0.04	8.38E-01	0.17	4.01E-01
<b>URB1</b>	0.17	3.85E-01	0.17	4.01E-01
<b>VWA8</b>	-0.16	4.17E-01	-0.17	4.01E-01
<b>ZDHHC21</b>	0.26	1.83E-01	0.17	4.01E-01
<b>AC107983.4</b>	0.31	1.14E-01	-0.17	4.01E-01
<b>APBB3</b>	-0.01	9.65E-01	0.17	4.01E-01
<b>BLOC1S2</b>	0.21	2.91E-01	0.17	4.01E-01
<b>CALM3</b>	0.05	8.01E-01	0.17	4.01E-01
<b>CD5</b>	0.25	2.00E-01	0.17	4.01E-01
<b>CTD-2331H12.7</b>	0.04	8.43E-01	-0.17	4.01E-01
<b>CTD-2340D6.1</b>	-0.11	5.68E-01	-0.17	4.01E-01
<b>G43442</b>	0.15	4.48E-01	-0.17	4.01E-01
<b>IQGAP3</b>	-0.02	9.37E-01	-0.17	4.01E-01
<b>KRTAP10-2</b>	0.05	7.94E-01	0.17	4.01E-01
<b>PDE4D</b>	0.06	7.66E-01	-0.17	4.01E-01
<b>PITPNC1</b>	0.19	3.29E-01	0.17	4.01E-01
<b>RAB5CP2</b>	-0.40	3.43E-02	-0.17	4.01E-01
<b>RGMA</b>	-0.22	2.63E-01	0.17	4.01E-01
<b>RHBDL3</b>	-0.12	5.54E-01	-0.17	4.01E-01
<b>RNU4-51P</b>	0.02	9.05E-01	-0.17	4.01E-01
<b>RP11-1110J8.1</b>	-0.23	2.31E-01	-0.17	4.01E-01
<b>RP11-445N18.7</b>	0.12	5.36E-01	-0.17	4.01E-01
<b>RP11-678G14.3</b>	-0.17	3.89E-01	-0.17	4.01E-01
<b>RP11-799M12.2</b>	-0.07	7.40E-01	0.17	4.01E-01
<b>RP3-449M8.6</b>	-0.23	2.45E-01	0.17	4.01E-01
<b>RPSAP12</b>	0.01	9.40E-01	-0.17	4.01E-01
<b>SCOC-AS1</b>	-0.24	2.24E-01	-0.17	4.01E-01
<b>TAP2</b>	0.28	1.46E-01	0.17	4.01E-01
<b>TMTC3</b>	0.09	6.49E-01	0.17	4.01E-01
<b>TSGA10IP</b>	-0.33	9.09E-02	-0.17	4.01E-01

<b>XLOC_001913</b>	0.02	9.11E-01	0.17	4.01E-01
<b>XLOC_005247</b>	-0.08	6.95E-01	0.17	4.01E-01
<b>AC011738.4</b>	-0.06	7.43E-01	0.17	4.02E-01
<b>AC022400.1</b>	0.11	5.73E-01	-0.17	4.02E-01
<b>ANO9</b>	-0.11	5.72E-01	-0.17	4.02E-01
<b>ARL14EP</b>	0.06	7.57E-01	-0.17	4.02E-01
<b>C8orf22</b>	-0.21	2.72E-01	0.17	4.02E-01
<b>CELSR3-AS1</b>	0.17	3.87E-01	0.17	4.02E-01
<b>COL7A1</b>	0.05	8.14E-01	0.17	4.02E-01
<b>COQ10A</b>	-0.06	7.70E-01	-0.17	4.02E-01
<b>DECR1</b>	0.12	5.35E-01	-0.17	4.02E-01
<b>DKK1</b>	0.08	6.94E-01	-0.17	4.02E-01
<b>ERO1B</b>	-0.01	9.54E-01	-0.17	4.02E-01
<b>G16043</b>	-0.12	5.52E-01	0.17	4.02E-01
<b>G39661</b>	-0.19	3.36E-01	-0.17	4.02E-01
<b>G8340</b>	-0.09	6.65E-01	-0.17	4.02E-01
<b>GPR1</b>	0.29	1.40E-01	0.17	4.02E-01
<b>HAUS6</b>	0.16	4.28E-01	-0.17	4.02E-01
<b>HTR2A</b>	0.09	6.34E-01	0.17	4.02E-01
<b>IGFBP5</b>	-0.18	3.64E-01	0.17	4.02E-01
<b>INAFM2</b>	0.05	8.05E-01	0.17	4.02E-01
<b>KRT43P</b>	-0.30	1.27E-01	-0.17	4.02E-01
<b>MEGF6</b>	-0.21	2.87E-01	-0.17	4.02E-01
<b>MFSD11</b>	0.13	5.12E-01	0.17	4.02E-01
<b>POM121B</b>	-0.03	8.70E-01	-0.17	4.02E-01
<b>RP11-307P5.1</b>	-0.18	3.53E-01	0.17	4.02E-01
<b>RP11-313D6.3</b>	-0.23	2.32E-01	-0.17	4.02E-01
<b>RP11-416A14.1</b>	-0.13	5.20E-01	-0.17	4.02E-01
<b>RP5-1037N22.2</b>	0.09	6.32E-01	-0.17	4.02E-01
<b>RP5-1132H15.3</b>	-0.13	5.05E-01	-0.17	4.02E-01
<b>RP5-1171I10.5</b>	0.06	7.72E-01	0.17	4.02E-01
<b>SDHAF1</b>	0.14	4.92E-01	-0.17	4.02E-01
<b>TCEAL8</b>	-0.02	9.11E-01	-0.17	4.02E-01
<b>TEX29</b>	0.08	6.99E-01	-0.17	4.02E-01
<b>TSPYL6</b>	-0.07	7.28E-01	-0.17	4.02E-01
<b>XLOC_012841</b>	-0.16	4.23E-01	-0.17	4.02E-01
<b>ZNF106</b>	-0.13	5.17E-01	-0.17	4.02E-01
<b>ZNF534</b>	-0.15	4.44E-01	-0.17	4.02E-01
<b>ABI3BP</b>	-0.41	3.15E-02	-0.17	4.03E-01
<b>APP</b>	0.04	8.36E-01	0.17	4.03E-01
<b>CSTA</b>	0.19	3.32E-01	0.17	4.03E-01
<b>CTD-2337I7.1</b>	0.04	8.40E-01	0.17	4.03E-01
<b>CXCR4</b>	0.44	1.82E-02	0.17	4.03E-01
<b>HCG16</b>	0.07	7.38E-01	-0.17	4.03E-01
<b>MALL</b>	0.27	1.67E-01	0.17	4.03E-01
<b>NME8</b>	0.06	7.69E-01	-0.17	4.03E-01
<b>PEX12</b>	0.05	7.91E-01	-0.17	4.03E-01



RP11-113A11.1	-0.04	8.42E-01	-0.17	4.03E-01
RP11-180M15.6	-0.20	3.12E-01	-0.17	4.03E-01
RP11-332H18.7	0.28	1.42E-01	0.17	4.03E-01
RP11-338K17.6	0.20	3.17E-01	-0.17	4.03E-01
RP11-686G8.2	-0.13	5.08E-01	0.17	4.03E-01
RP11-792A8.3	-0.05	8.14E-01	-0.17	4.03E-01
SEC24B	-0.10	6.05E-01	-0.17	4.03E-01
TADA2B	0.17	3.76E-01	0.17	4.03E-01
TMLHE-AS1	-0.45	1.55E-02	-0.17	4.03E-01
BACE2	-0.28	1.48E-01	-0.17	4.04E-01
C2CD5	-0.10	6.04E-01	-0.17	4.04E-01
CTD-2647L4.4	-0.13	5.25E-01	-0.17	4.04E-01
FLJ31104	0.16	4.24E-01	-0.17	4.04E-01
G30853	-0.31	1.12E-01	-0.17	4.04E-01
HNRNPH3	-0.31	1.08E-01	-0.17	4.04E-01
MDFIC	-0.16	4.15E-01	-0.17	4.04E-01
NCAPH2	0.03	8.94E-01	-0.17	4.04E-01
PDCD10	-0.03	8.78E-01	-0.17	4.04E-01
RHEBP3	-0.11	5.72E-01	-0.17	4.04E-01
RP1-168L15.6	0.05	8.19E-01	-0.17	4.04E-01
RP1-278O22.2	-0.23	2.33E-01	-0.17	4.04E-01
RP11-356K23.2	-0.50	6.75E-03	-0.17	4.04E-01
RP11-430H12.2	-0.29	1.42E-01	-0.17	4.04E-01
SEPW1	-0.25	2.06E-01	-0.17	4.04E-01
SFRP5	-0.21	2.90E-01	-0.17	4.04E-01
SNORD53	-0.16	4.16E-01	-0.17	4.04E-01
XIAP	0.24	2.27E-01	-0.17	4.04E-01
AC010886.2	-0.27	1.64E-01	0.17	4.04E-01
AC114296.1	-0.21	2.86E-01	0.17	4.04E-01
ACPP	0.22	2.63E-01	0.17	4.04E-01
BTBD6	0.13	5.15E-01	0.17	4.04E-01
GLMN	0.29	1.37E-01	0.17	4.04E-01
PRCC	0.15	4.49E-01	0.17	4.04E-01
PSEN2	-0.11	5.92E-01	0.17	4.04E-01
RHOF	-0.10	6.13E-01	0.17	4.04E-01
RP11-429D19.1	0.21	2.73E-01	0.17	4.04E-01
RP3-521E19.3	-0.28	1.43E-01	0.17	4.04E-01
RPS28P7	-0.26	1.79E-01	0.17	4.04E-01
TMEM25	-0.19	3.22E-01	0.17	4.04E-01
UNC5B	0.39	3.98E-02	0.17	4.04E-01
VCAM1	-0.05	8.10E-01	0.17	4.04E-01
ZAN	0.02	9.16E-01	0.17	4.04E-01
ATP6V0E2	0.18	3.63E-01	-0.17	4.05E-01
CD244	0.43	2.16E-02	0.17	4.05E-01
DCDC1	-0.04	8.30E-01	-0.17	4.05E-01
ELP2	-0.11	5.93E-01	-0.17	4.05E-01
HMGB1P5	-0.03	8.78E-01	-0.17	4.05E-01

KIAA0125	0.36	6.35E-02	-0.17	4.05E-01
LIN37	-0.26	1.78E-01	-0.17	4.05E-01
LY6K	0.17	3.85E-01	0.17	4.05E-01
MMS19	-0.02	9.35E-01	0.17	4.05E-01
MRC1	0.18	3.72E-01	0.17	4.05E-01
PRPS2	0.02	9.02E-01	-0.17	4.05E-01
PTPN9	0.00	9.86E-01	0.17	4.05E-01
PYGM	0.03	8.86E-01	-0.17	4.05E-01
RP11-14I17.3	-0.15	4.53E-01	-0.17	4.05E-01
RP11-211G23.2	-0.11	5.69E-01	-0.17	4.05E-01
RP11-599B13.7	0.31	1.10E-01	-0.17	4.05E-01
RPL5P18	-0.35	7.12E-02	0.17	4.05E-01
SNORD111	0.17	3.83E-01	-0.17	4.05E-01
SRRM1	-0.18	3.62E-01	-0.17	4.05E-01
STAG3L2	-0.22	2.67E-01	-0.17	4.05E-01
STARD7	0.17	3.88E-01	-0.17	4.05E-01
TRAJ12	0.08	6.90E-01	-0.17	4.05E-01
TRIM22	0.34	7.97E-02	0.17	4.05E-01
ZKSCAN4	-0.05	8.08E-01	-0.17	4.05E-01
ATP6V0A4	-0.04	8.31E-01	-0.17	4.06E-01
BHLHE40-AS1	0.01	9.79E-01	0.17	4.06E-01
CDC27	0.17	4.00E-01	0.17	4.06E-01
COX7A1	-0.19	3.39E-01	-0.17	4.06E-01
CTD-2012K14.7	0.02	9.15E-01	-0.17	4.06E-01
DNAJC9-AS1	-0.17	3.99E-01	0.17	4.06E-01
FAM72C	-0.05	7.91E-01	-0.17	4.06E-01
GJB5	-0.17	3.83E-01	-0.17	4.06E-01
HLA-DOB	0.06	7.50E-01	0.17	4.06E-01
MANSC1	0.38	4.44E-02	0.17	4.06E-01
QARS	0.03	8.87E-01	0.17	4.06E-01
RP11-254F19.2	-0.07	7.29E-01	0.17	4.06E-01
RP11-44N11.3	0.19	3.22E-01	0.17	4.06E-01
RP11-619A14.3	0.05	8.18E-01	0.17	4.06E-01
RP11-61E11.2	-0.09	6.57E-01	-0.17	4.06E-01
TMEM184B	0.36	5.78E-02	0.17	4.06E-01
WDR36	0.25	2.02E-01	-0.17	4.06E-01
CLN5	0.14	4.86E-01	-0.17	4.07E-01
LDHAP3	0.15	4.60E-01	-0.17	4.07E-01
RP11-17P16.2	0.02	9.17E-01	-0.17	4.07E-01
RP11-578O24.2	0.35	6.64E-02	-0.17	4.07E-01
RP11-83M16.3	-0.08	6.98E-01	-0.17	4.07E-01
RP11-97C16.1	-0.04	8.32E-01	-0.17	4.07E-01
RP4-671O14.6	-0.22	2.60E-01	-0.17	4.07E-01
SLC27A6	0.05	7.86E-01	-0.17	4.07E-01
XLOC_014272	0.01	9.54E-01	-0.17	4.07E-01
ARFGAP1	-0.12	5.46E-01	0.17	4.07E-01
CFB	0.11	5.92E-01	0.17	4.07E-01

ERC2	0.26	1.87E-01	0.17	4.07E-01
PRDX5	0.08	6.85E-01	0.17	4.07E-01
RP11-554D15.3	-0.29	1.34E-01	0.17	4.07E-01
RP11-715J22.4	-0.03	8.82E-01	0.17	4.07E-01
RP11-823P9.3	-0.36	5.80E-02	0.17	4.07E-01
SLC25A10	0.44	2.04E-02	0.17	4.07E-01
TBC1D10B	0.36	5.92E-02	0.17	4.07E-01
WSCD2	0.03	8.90E-01	0.17	4.07E-01
XLOC_010336	-0.16	4.14E-01	0.17	4.07E-01
AC004510.3	-0.23	2.45E-01	-0.17	4.07E-01
AC011239.2	0.19	3.39E-01	-0.17	4.07E-01
AC025918.2	-0.20	3.15E-01	-0.17	4.07E-01
BEST3	0.21	2.80E-01	-0.17	4.07E-01
CDYL	-0.07	7.37E-01	0.17	4.07E-01
CTD-2376I4.2	-0.07	7.11E-01	0.17	4.07E-01
FAM69C	-0.24	2.27E-01	-0.17	4.07E-01
GCLM	0.37	4.98E-02	-0.17	4.07E-01
HDGF	0.16	4.12E-01	-0.17	4.07E-01
KBTBD7	0.01	9.67E-01	0.17	4.07E-01
KCNK2	-0.01	9.63E-01	-0.17	4.07E-01
KLHL12	0.14	4.89E-01	0.17	4.07E-01
LINC01560	-0.08	6.74E-01	0.17	4.07E-01
PREPL	-0.18	3.53E-01	-0.17	4.07E-01
PRPF39	-0.10	6.03E-01	-0.17	4.07E-01
PVRL3-AS1	-0.14	4.73E-01	-0.17	4.07E-01
RBM39	-0.10	5.95E-01	-0.17	4.07E-01
RNU2-25P	-0.17	3.86E-01	-0.17	4.07E-01
RP11-262H14.5	0.18	3.53E-01	0.17	4.07E-01
RP11-30B1.1	-0.39	4.10E-02	-0.17	4.07E-01
RP11-352D13.6	0.06	7.48E-01	0.17	4.07E-01
RP11-519G16.5	0.14	4.64E-01	0.17	4.07E-01
RP5-994D16.3	-0.06	7.55E-01	-0.17	4.07E-01
SERTAD2	-0.37	5.44E-02	-0.17	4.07E-01
SPAG17	0.30	1.15E-01	-0.17	4.07E-01
TSPAN31	0.26	1.78E-01	0.17	4.07E-01
ZNF79	0.17	3.82E-01	0.17	4.07E-01
AC023271.1	0.05	8.19E-01	-0.17	4.08E-01
AP000648.5	-0.16	4.22E-01	-0.17	4.08E-01
AP3S2	-0.07	7.19E-01	0.17	4.08E-01
CBLN4	0.01	9.59E-01	-0.17	4.08E-01
CLIC1	-0.08	6.73E-01	-0.17	4.08E-01
DPH5	-0.02	9.23E-01	0.17	4.08E-01
FUT6	0.16	4.24E-01	-0.17	4.08E-01
HNRNP1P1	-0.32	9.81E-02	-0.17	4.08E-01
KIF9	-0.15	4.31E-01	-0.17	4.08E-01
LINC00623	-0.24	2.10E-01	0.17	4.08E-01
MTF2	0.06	7.50E-01	-0.17	4.08E-01

NCSTN	0.05	8.11E-01	0.17	4.08E-01
NPDC1	0.13	5.13E-01	-0.17	4.08E-01
PAQR8	-0.21	2.91E-01	-0.17	4.08E-01
PFN1P1	0.09	6.40E-01	0.17	4.08E-01
PPP6R2	0.05	8.14E-01	0.17	4.08E-01
RAC1	0.13	5.11E-01	0.17	4.08E-01
RAP1AP	-0.08	7.03E-01	-0.17	4.08E-01
RAPH1	-0.10	6.29E-01	-0.17	4.08E-01
RP11-16P20.3	0.00	9.80E-01	-0.17	4.08E-01
RP11-173P15.7	0.35	6.77E-02	-0.17	4.08E-01
RP11-272L13.4	0.05	7.91E-01	0.17	4.08E-01
RP11-462D18.2	-0.21	2.85E-01	0.17	4.08E-01
RP11-498C9.4	-0.11	5.72E-01	-0.17	4.08E-01
RP11-64B16.2	-0.09	6.43E-01	-0.17	4.08E-01
RP11-802O23.4	-0.07	7.26E-01	0.17	4.08E-01
RP11-809N15.2	0.07	7.38E-01	-0.17	4.08E-01
RPL12P29	-0.04	8.49E-01	-0.17	4.08E-01
RPL17P40	0.03	8.70E-01	0.17	4.08E-01
RPS3P2	-0.16	4.10E-01	0.17	4.08E-01
SLC35A1	0.08	6.94E-01	-0.17	4.08E-01
SNHG14	-0.17	3.74E-01	-0.17	4.08E-01
SNORD41	0.07	7.31E-01	-0.17	4.08E-01
TUBG1	0.24	2.19E-01	0.17	4.08E-01
WI2-87327B8.2	-0.05	8.10E-01	0.17	4.08E-01
AC007563.5	-0.19	3.40E-01	-0.17	4.09E-01
AC008280.1	-0.16	4.25E-01	-0.17	4.09E-01
ARL6	0.03	8.73E-01	-0.17	4.09E-01
CREB5	-0.40	3.60E-02	-0.17	4.09E-01
CTA-253N17.1	-0.01	9.45E-01	0.17	4.09E-01
CTD-2158P22.1	0.46	1.37E-02	0.17	4.09E-01
CTD-2571L23.8	0.31	1.03E-01	-0.17	4.09E-01
DDX19B	0.16	4.16E-01	-0.17	4.09E-01
DNAJC15	0.12	5.52E-01	0.17	4.09E-01
GPRC5C	-0.04	8.29E-01	0.17	4.09E-01
HSPA2	0.01	9.79E-01	-0.17	4.09E-01
NR2F2	-0.24	2.22E-01	0.17	4.09E-01
PRR9	0.28	1.44E-01	0.17	4.09E-01
RN7SKP69	0.30	1.23E-01	-0.17	4.09E-01
RNH1	-0.01	9.44E-01	0.17	4.09E-01
RNU7-91P	-0.16	4.07E-01	-0.17	4.09E-01
RP11-155D18.13	0.17	3.96E-01	0.17	4.09E-01
RP11-227L6.1	-0.11	5.70E-01	0.17	4.09E-01
RP11-554A11.4	0.06	7.62E-01	0.17	4.09E-01
TRIM33	0.07	7.18E-01	-0.17	4.09E-01
TXNDC17	0.21	2.78E-01	0.17	4.09E-01
ZNF669	-0.03	8.69E-01	-0.17	4.09E-01
AP000662.4	-0.16	4.21E-01	0.17	4.10E-01

ATF2	0.14	4.91E-01	0.17	4.10E-01
C3orf20	-0.22	2.59E-01	-0.17	4.10E-01
CASP1P2	0.28	1.56E-01	-0.17	4.10E-01
CUEDC1	-0.21	2.95E-01	0.17	4.10E-01
ECHDC1	0.27	1.63E-01	0.17	4.10E-01
IGF2BP2	-0.32	9.50E-02	-0.17	4.10E-01
IL31RA	-0.07	7.19E-01	-0.17	4.10E-01
KB-1572G7.3	0.22	2.71E-01	0.17	4.10E-01
LAMP1	0.20	3.17E-01	0.17	4.10E-01
MAL2	0.01	9.69E-01	-0.17	4.10E-01
MIR1537	0.06	7.51E-01	-0.17	4.10E-01
NGRN	-0.12	5.28E-01	-0.17	4.10E-01
ORMDL3	-0.11	5.85E-01	0.17	4.10E-01
PBX2P1	-0.28	1.42E-01	0.17	4.10E-01
PEBP1P2	-0.14	4.72E-01	0.17	4.10E-01
PIK3R3	0.18	3.52E-01	0.17	4.10E-01
RAB28P2	-0.04	8.27E-01	-0.17	4.10E-01
RNU6-199P	0.17	3.73E-01	0.17	4.10E-01
RP11-383J24.2	0.07	7.10E-01	-0.17	4.10E-01
RP11-390K5.1	-0.08	6.83E-01	-0.17	4.10E-01
RP11-517O13.3	-0.25	2.06E-01	-0.17	4.10E-01
RP11-528A10.1	-0.14	4.79E-01	0.17	4.10E-01
RP11-565J7.1	-0.20	3.09E-01	-0.17	4.10E-01
RP11-64D24.2	0.17	3.85E-01	-0.17	4.10E-01
RP5-1092A3.4	-0.35	7.17E-02	0.17	4.10E-01
RP5-850O15.3	-0.15	4.44E-01	-0.17	4.10E-01
SDHC	0.18	3.66E-01	0.17	4.10E-01
XBP1P1	-0.19	3.20E-01	-0.17	4.10E-01
ZNF667-AS1	-0.18	3.69E-01	-0.17	4.10E-01
ACADM	0.21	2.92E-01	-0.16	4.11E-01
AL031594.1	-0.32	1.02E-01	-0.16	4.11E-01
CARS	0.10	6.31E-01	0.16	4.11E-01
CKAP4	0.38	4.73E-02	0.16	4.11E-01
CYP2B6	-0.15	4.49E-01	-0.16	4.11E-01
G27544	0.27	1.60E-01	0.16	4.11E-01
G7666	-0.06	7.72E-01	-0.16	4.11E-01
GID8	0.22	2.55E-01	0.16	4.11E-01
MIR545	0.17	3.74E-01	-0.16	4.11E-01
NOP2	0.15	4.54E-01	0.16	4.11E-01
OS9	0.03	8.95E-01	0.16	4.11E-01
PPP1R14D	0.15	4.45E-01	-0.16	4.11E-01
PTER	-0.02	9.31E-01	0.16	4.11E-01
RN7SL821P	0.00	9.86E-01	-0.16	4.11E-01
RNU6-733P	0.14	4.82E-01	-0.16	4.11E-01
RP11-154D6.1	-0.03	8.79E-01	-0.16	4.11E-01
RP11-66B24.9	0.13	5.00E-01	0.16	4.11E-01
RP11-671J11.5	0.06	7.43E-01	-0.16	4.11E-01

RP11-760H22.2	0.09	6.36E-01	0.16	4.11E-01
RP3-471C18.2	0.21	2.87E-01	-0.16	4.11E-01
RP5-981O7.2	-0.11	5.87E-01	-0.16	4.11E-01
TDRD7	0.20	2.96E-01	0.16	4.11E-01
TPTE2P5	-0.15	4.44E-01	-0.16	4.11E-01
TRIM41	-0.04	8.25E-01	0.16	4.11E-01
WBSCR17	-0.07	7.06E-01	0.16	4.11E-01
XLOC_002897	-0.35	6.52E-02	-0.16	4.11E-01
XLOC_014276	-0.07	7.21E-01	-0.16	4.11E-01
ZNF212	-0.04	8.35E-01	0.16	4.11E-01
ZNF586	0.11	5.77E-01	0.16	4.11E-01
AC009495.3	0.20	3.20E-01	-0.16	4.12E-01
CKM	0.34	7.54E-02	-0.16	4.12E-01
CTA-268H5.12	-0.17	3.82E-01	-0.16	4.12E-01
EGLN3	0.13	5.03E-01	0.16	4.12E-01
FBXO42	0.04	8.22E-01	0.16	4.12E-01
GLB1L	0.12	5.36E-01	0.16	4.12E-01
ING3	-0.07	7.15E-01	-0.16	4.12E-01
LIMD2	0.28	1.53E-01	0.16	4.12E-01
NUCB1	0.25	2.05E-01	0.16	4.12E-01
PSMB8	0.07	7.38E-01	0.16	4.12E-01
RAG1	0.31	1.07E-01	0.16	4.12E-01
RARRES2	0.02	9.02E-01	-0.16	4.12E-01
RNA5SP233	0.05	8.18E-01	-0.16	4.12E-01
RP11-718B12.2	-0.01	9.42E-01	-0.16	4.12E-01
RP11-848P1.5	-0.11	5.60E-01	-0.16	4.12E-01
RPL13AP7	0.15	4.61E-01	0.16	4.12E-01
SMARCAD1	0.08	6.79E-01	0.16	4.12E-01
TMED5	0.16	4.26E-01	-0.16	4.12E-01
ZNF701	0.16	4.12E-01	-0.16	4.12E-01
ZYX	0.13	5.21E-01	0.16	4.12E-01
AP000688.1	0.49	8.44E-03	-0.16	4.13E-01
ART5	-0.12	5.36E-01	-0.16	4.13E-01
CRIPAK	0.07	7.07E-01	0.16	4.13E-01
EPHA8	0.25	2.02E-01	0.16	4.13E-01
FIBCD1	-0.11	5.74E-01	0.16	4.13E-01
LINC00174	-0.28	1.48E-01	0.16	4.13E-01
NR2C2	-0.05	8.14E-01	-0.16	4.13E-01
NSL1	0.06	7.66E-01	0.16	4.13E-01
NUDT2	0.21	2.72E-01	0.16	4.13E-01
PAXIP1	0.03	8.97E-01	-0.16	4.13E-01
RP11-259O2.1	-0.27	1.63E-01	-0.16	4.13E-01
RP11-378A13.1	-0.15	4.60E-01	0.16	4.13E-01
RP11-539E19.2	-0.22	2.68E-01	0.16	4.13E-01
RP11-713M15.1	-0.25	2.04E-01	-0.16	4.13E-01
TMEM256-PLSCR3	0.39	4.23E-02	0.16	4.13E-01
CHPF2	0.14	4.64E-01	0.16	4.14E-01

<b>CTC-325H20.8</b>	-0.18	3.64E-01	-0.16	4.14E-01
<b>CTD-2293H3.2</b>	-0.15	4.49E-01	-0.16	4.14E-01
<b>DNAJB4</b>	-0.20	3.00E-01	-0.16	4.14E-01
<b>KB-1991G8.1</b>	-0.29	1.29E-01	-0.16	4.14E-01
<b>LPXN</b>	0.21	2.76E-01	0.16	4.14E-01
<b>MIR23B</b>	-0.04	8.28E-01	0.16	4.14E-01
<b>RN7SL138P</b>	0.08	6.96E-01	0.16	4.14E-01
<b>RP11-111F16.2</b>	-0.17	3.81E-01	-0.16	4.14E-01
<b>RP11-1129I3.1</b>	-0.19	3.37E-01	-0.16	4.14E-01
<b>RP11-454F8.2</b>	-0.11	5.90E-01	-0.16	4.14E-01
<b>RP11-572O6.1</b>	0.07	7.28E-01	-0.16	4.14E-01
<b>RP11-62F24.1</b>	0.06	7.43E-01	0.16	4.14E-01
<b>RP11-731J8.1</b>	0.02	9.03E-01	-0.16	4.14E-01
<b>RP3-395M20.8</b>	0.08	6.74E-01	0.16	4.14E-01
<b>SCARNA8</b>	-0.06	7.54E-01	0.16	4.14E-01
<b>SFR1P1</b>	-0.26	1.75E-01	-0.16	4.14E-01
<b>SLC16A2</b>	-0.13	4.97E-01	-0.16	4.14E-01
<b>SZRD1</b>	0.15	4.42E-01	0.16	4.14E-01
<b>TCP10L</b>	0.05	8.03E-01	0.16	4.14E-01
<b>UTS2B</b>	-0.29	1.30E-01	0.16	4.14E-01
<b>AC142472.6</b>	-0.03	8.77E-01	-0.16	4.15E-01
<b>ADGRF3</b>	0.21	2.94E-01	-0.16	4.15E-01
<b>ALKBH3-AS1</b>	-0.20	3.12E-01	-0.16	4.15E-01
<b>CLEC1A</b>	0.11	5.63E-01	0.16	4.15E-01
<b>CTC-429P9.2</b>	0.03	8.68E-01	-0.16	4.15E-01
<b>FSCN1</b>	0.13	5.09E-01	0.16	4.15E-01
<b>HDAC5</b>	-0.20	3.07E-01	0.16	4.15E-01
<b>KB-1458E12.1</b>	-0.12	5.47E-01	-0.16	4.15E-01
<b>KCNMB3</b>	-0.24	2.21E-01	0.16	4.15E-01
<b>LINC01547</b>	0.19	3.23E-01	0.16	4.15E-01
<b>LIPA</b>	0.38	4.92E-02	0.16	4.15E-01
<b>MMEL1</b>	0.40	3.45E-02	-0.16	4.15E-01
<b>PCDH12</b>	0.28	1.48E-01	-0.16	4.15E-01
<b>RNA5SP492</b>	0.01	9.70E-01	-0.16	4.15E-01
<b>RP11-166D19.1</b>	-0.10	6.20E-01	-0.16	4.15E-01
<b>RP11-415F23.3</b>	0.08	6.96E-01	-0.16	4.15E-01
<b>RP11-488P3.1</b>	-0.11	5.93E-01	-0.16	4.15E-01
<b>RP11-85I17.2</b>	-0.01	9.54E-01	-0.16	4.15E-01
<b>RP4-800J21.3</b>	0.06	7.46E-01	0.16	4.15E-01
<b>RPL7AP30</b>	-0.18	3.52E-01	0.16	4.15E-01
<b>SNORA51</b>	0.03	8.62E-01	0.16	4.15E-01
<b>AC068580.5</b>	-0.14	4.92E-01	-0.16	4.15E-01
<b>ACSS1</b>	-0.20	3.00E-01	0.16	4.15E-01
<b>ADAM17</b>	0.29	1.36E-01	0.16	4.15E-01
<b>CTD-2201I18.1</b>	0.00	9.83E-01	-0.16	4.15E-01
<b>CTXN1</b>	-0.05	8.10E-01	0.16	4.15E-01
<b>GCNT7</b>	-0.19	3.36E-01	0.16	4.15E-01

<b>GFI1B</b>	-0.23	2.47E-01	-0.16	4.15E-01
<b>GIPC2</b>	-0.29	1.38E-01	-0.16	4.15E-01
<b>GTF2IP4</b>	0.22	2.51E-01	-0.16	4.15E-01
<b>LCE2C</b>	0.01	9.43E-01	0.16	4.15E-01
<b>LIMS1-AS1</b>	0.03	8.63E-01	-0.16	4.15E-01
<b>MIR200B</b>	-0.06	7.69E-01	-0.16	4.15E-01
<b>NFKBIZ</b>	0.28	1.43E-01	0.16	4.15E-01
<b>PDE4B</b>	-0.15	4.37E-01	0.16	4.15E-01
<b>PITPNM2</b>	-0.06	7.47E-01	-0.16	4.15E-01
<b>PSMD4</b>	0.07	7.15E-01	0.16	4.15E-01
<b>RNA5SP44</b>	0.17	3.86E-01	-0.16	4.15E-01
<b>RP1-137K2.2</b>	-0.08	6.99E-01	0.16	4.15E-01
<b>RP11-113K21.1</b>	0.05	8.15E-01	0.16	4.15E-01
<b>RP11-145E17.2</b>	-0.03	8.80E-01	-0.16	4.15E-01
<b>RP11-154D17.1</b>	-0.45	1.65E-02	0.16	4.15E-01
<b>RP11-245J9.5</b>	-0.02	9.12E-01	-0.16	4.15E-01
<b>RP11-458J1.1</b>	0.53	3.72E-03	0.16	4.15E-01
<b>RP11-863K10.4</b>	-0.02	9.06E-01	0.16	4.15E-01
<b>RP13-1056D16.2</b>	-0.15	4.56E-01	-0.16	4.15E-01
<b>RP3-497J21.1</b>	0.08	6.92E-01	0.16	4.15E-01
<b>RPL18AP3</b>	0.24	2.14E-01	0.16	4.15E-01
<b>SLC7A4</b>	0.07	7.42E-01	-0.16	4.15E-01
<b>SMCO1</b>	0.28	1.42E-01	0.16	4.15E-01
<b>TBC1D9</b>	0.17	3.93E-01	0.16	4.15E-01
<b>XLOC_008613</b>	0.05	8.10E-01	-0.16	4.15E-01
<b>ZC3H3</b>	0.21	2.89E-01	0.16	4.15E-01
<b>ZNF263</b>	0.11	5.71E-01	-0.16	4.15E-01
<b>ADRB1</b>	-0.07	7.38E-01	-0.16	4.16E-01
<b>APOA1BP</b>	0.09	6.61E-01	0.16	4.16E-01
<b>CTB-147N14.6</b>	-0.16	4.27E-01	0.16	4.16E-01
<b>DHDH</b>	-0.16	4.14E-01	0.16	4.16E-01
<b>EFCAB14-AS1</b>	0.01	9.46E-01	-0.16	4.16E-01
<b>G36480</b>	-0.07	7.18E-01	0.16	4.16E-01
<b>KB-1562D12.1</b>	0.10	5.96E-01	-0.16	4.16E-01
<b>MINOS1P2</b>	-0.26	1.73E-01	-0.16	4.16E-01
<b>MIR616</b>	-0.07	7.28E-01	0.16	4.16E-01
<b>PLEKHN1</b>	-0.19	3.32E-01	0.16	4.16E-01
<b>PPP1R1B</b>	-0.24	2.22E-01	-0.16	4.16E-01
<b>RAD51D</b>	-0.05	8.02E-01	0.16	4.16E-01
<b>RN7SL329P</b>	0.05	7.85E-01	0.16	4.16E-01
<b>RNF224</b>	0.08	6.89E-01	-0.16	4.16E-01
<b>RP1-12G14.6</b>	-0.35	7.10E-02	-0.16	4.16E-01
<b>RP11-131N11.4</b>	0.21	2.75E-01	0.16	4.16E-01
<b>RP11-195C7.1</b>	-0.01	9.74E-01	-0.16	4.16E-01
<b>RP11-263K19.4</b>	-0.27	1.64E-01	-0.16	4.16E-01
<b>RP11-327P2.5</b>	0.01	9.47E-01	-0.16	4.16E-01
<b>RP11-345P4.9</b>	-0.13	5.07E-01	0.16	4.16E-01



<b>RP11-442J21.2</b>	0.21	2.82E-01	0.16	4.16E-01
<b>SLC25A20</b>	0.17	3.95E-01	-0.16	4.16E-01
<b>SLC4A7</b>	0.23	2.43E-01	0.16	4.16E-01
<b>SNX33</b>	0.07	7.18E-01	0.16	4.16E-01
<b>SOX9-AS1</b>	-0.22	2.61E-01	-0.16	4.16E-01
<b>SPCS2P4</b>	-0.45	1.70E-02	-0.16	4.16E-01
<b>TRIP12</b>	0.26	1.73E-01	0.16	4.16E-01
<b>UBA2</b>	0.04	8.31E-01	-0.16	4.16E-01
<b>WDR86</b>	-0.02	9.00E-01	0.16	4.16E-01
<b>WSB2</b>	0.10	6.28E-01	0.16	4.16E-01
<b>XLOC_009911</b>	-0.08	6.75E-01	0.16	4.16E-01
<b>CPZ</b>	-0.34	7.32E-02	-0.16	4.17E-01
<b>GJC2</b>	-0.08	6.71E-01	-0.16	4.17E-01
<b>GLDCP1</b>	0.36	6.15E-02	-0.16	4.17E-01
<b>KCNJ1</b>	0.07	7.31E-01	-0.16	4.17E-01
<b>MIR933</b>	-0.10	6.11E-01	-0.16	4.17E-01
<b>RP11-276H1.2</b>	-0.14	4.62E-01	-0.16	4.17E-01
<b>TMEM168</b>	0.09	6.50E-01	-0.16	4.17E-01
<b>ZBTB8A</b>	-0.12	5.48E-01	-0.16	4.17E-01
<b>AHCYL1</b>	0.10	6.02E-01	0.16	4.17E-01
<b>C1orf101</b>	0.21	2.95E-01	0.16	4.17E-01
<b>CITED2</b>	0.11	5.66E-01	0.16	4.17E-01
<b>DUSP22</b>	0.00	9.86E-01	0.16	4.17E-01
<b>FIGNL2</b>	0.24	2.10E-01	0.16	4.17E-01
<b>FRAT1</b>	0.05	8.11E-01	0.16	4.17E-01
<b>G4303</b>	0.21	2.80E-01	0.16	4.17E-01
<b>HRC</b>	0.06	7.79E-01	0.16	4.17E-01
<b>KDM5B</b>	0.06	7.58E-01	0.16	4.17E-01
<b>MIR590</b>	-0.05	8.02E-01	0.16	4.17E-01
<b>MRPS14</b>	-0.07	7.29E-01	0.16	4.17E-01
<b>MTF1</b>	0.26	1.73E-01	0.16	4.17E-01
<b>RNU5B-2P</b>	0.11	5.89E-01	0.16	4.17E-01
<b>RP11-174F8.1</b>	0.08	6.97E-01	0.16	4.17E-01
<b>RP11-253E3.1</b>	-0.01	9.46E-01	0.16	4.17E-01
<b>RP11-350N15.4</b>	-0.01	9.61E-01	0.16	4.17E-01
<b>RP11-486G15.2</b>	0.25	1.96E-01	0.16	4.17E-01
<b>SH3BGRL3</b>	0.12	5.43E-01	0.16	4.17E-01
<b>STK11</b>	0.36	5.82E-02	0.16	4.17E-01
<b>TRAJ21</b>	0.07	7.07E-01	0.16	4.17E-01
<b>WWC2-AS1</b>	-0.02	9.11E-01	0.16	4.17E-01
<b>AC010761.13</b>	0.08	6.78E-01	-0.16	4.18E-01
<b>AC067960.1</b>	0.08	6.96E-01	0.16	4.18E-01
<b>ACSS3</b>	-0.24	2.21E-01	-0.16	4.18E-01
<b>C9orf69</b>	0.08	6.80E-01	0.16	4.18E-01
<b>CAPN10</b>	-0.11	5.89E-01	-0.16	4.18E-01
<b>CLEC4D</b>	0.20	3.10E-01	0.16	4.18E-01
<b>CTB-33O18.1</b>	0.06	7.78E-01	-0.16	4.18E-01

<b>CTC-327F10.4</b>	-0.20	2.97E-01	-0.16	4.18E-01
<b>CTDP1</b>	-0.05	7.83E-01	-0.16	4.18E-01
<b>EMILIN2</b>	-0.07	7.33E-01	0.16	4.18E-01
<b>EPHB4</b>	0.42	2.74E-02	0.16	4.18E-01
<b>ERF</b>	0.03	8.76E-01	0.16	4.18E-01
<b>G3694</b>	0.05	8.00E-01	-0.16	4.18E-01
<b>HAMP</b>	-0.16	4.24E-01	0.16	4.18E-01
<b>KIAA1211</b>	-0.13	5.04E-01	-0.16	4.18E-01
<b>MLEC</b>	-0.08	7.02E-01	-0.16	4.18E-01
<b>MPHOSPH6</b>	0.37	5.50E-02	0.16	4.18E-01
<b>MRO</b>	0.05	7.91E-01	-0.16	4.18E-01
<b>NRG2</b>	0.38	4.83E-02	0.16	4.18E-01
<b>NTNG2</b>	-0.04	8.26E-01	0.16	4.18E-01
<b>PI16</b>	-0.18	3.58E-01	-0.16	4.18E-01
<b>RP11-303G3.6</b>	-0.23	2.40E-01	-0.16	4.18E-01
<b>RP11-381K20.2</b>	0.14	4.93E-01	-0.16	4.18E-01
<b>RP11-455I9.1</b>	0.23	2.46E-01	0.16	4.18E-01
<b>RP3-412A9.17</b>	0.02	9.32E-01	-0.16	4.18E-01
<b>SRM</b>	0.17	3.96E-01	0.16	4.18E-01
<b>TFPI</b>	0.07	7.16E-01	0.16	4.18E-01
<b>TMEM255B</b>	-0.14	4.65E-01	0.16	4.18E-01
<b>AC007461.2</b>	-0.51	5.71E-03	-0.16	4.19E-01
<b>CA15P1</b>	-0.08	7.02E-01	-0.16	4.19E-01
<b>CCDC115</b>	0.24	2.18E-01	0.16	4.19E-01
<b>CTB-35F21.1</b>	-0.30	1.24E-01	-0.16	4.19E-01
<b>DFNB31</b>	-0.06	7.60E-01	-0.16	4.19E-01
<b>FOXA1</b>	-0.25	2.00E-01	-0.16	4.19E-01
<b>GABRA3</b>	0.06	7.71E-01	0.16	4.19E-01
<b>GJA3</b>	0.27	1.62E-01	0.16	4.19E-01
<b>H19</b>	-0.43	2.26E-02	-0.16	4.19E-01
<b>JPH4</b>	-0.10	6.00E-01	-0.16	4.19E-01
<b>LEO1</b>	0.36	6.18E-02	-0.16	4.19E-01
<b>LINC01376</b>	-0.48	9.65E-03	-0.16	4.19E-01
<b>LYPLAL1</b>	0.12	5.33E-01	-0.16	4.19E-01
<b>MBTPS1</b>	-0.07	7.27E-01	0.16	4.19E-01
<b>MIR3164</b>	0.06	7.71E-01	0.16	4.19E-01
<b>MPPED1</b>	0.14	4.92E-01	-0.16	4.19E-01
<b>PCBP3</b>	0.17	3.75E-01	0.16	4.19E-01
<b>ROPN1L</b>	0.01	9.59E-01	0.16	4.19E-01
<b>RP11-140K17.3</b>	-0.17	3.73E-01	0.16	4.19E-01
<b>SCN7A</b>	-0.40	3.36E-02	-0.16	4.19E-01
<b>SEMA3A</b>	-0.03	8.95E-01	-0.16	4.19E-01
<b>SOAT2</b>	0.28	1.42E-01	-0.16	4.19E-01
<b>SYF2P2</b>	0.02	9.12E-01	-0.16	4.19E-01
<b>ZNF35</b>	0.24	2.14E-01	-0.16	4.19E-01
<b>ZNF747</b>	0.27	1.66E-01	0.16	4.19E-01
<b>AC078852.2</b>	-0.32	9.93E-02	-0.16	4.20E-01

AC079354.6	0.02	9.20E-01	-0.16	4.20E-01
ACTG1P10	0.01	9.59E-01	-0.16	4.20E-01
ARSD	-0.10	6.09E-01	0.16	4.20E-01
ATP13A3	0.02	9.26E-01	-0.16	4.20E-01
CD6	0.35	6.84E-02	0.16	4.20E-01
COPZ2	-0.14	4.69E-01	0.16	4.20E-01
CYGB	-0.28	1.42E-01	-0.16	4.20E-01
DEFB108B	-0.02	9.34E-01	0.16	4.20E-01
FAM110B	-0.35	6.94E-02	0.16	4.20E-01
FAM186B	-0.07	7.22E-01	-0.16	4.20E-01
G24466	-0.17	3.78E-01	-0.16	4.20E-01
GLE1	0.07	7.39E-01	0.16	4.20E-01
GPR75	0.23	2.47E-01	-0.16	4.20E-01
HMGCS1	0.29	1.36E-01	-0.16	4.20E-01
LINC00886	-0.17	3.76E-01	-0.16	4.20E-01
MRPS5	0.20	3.11E-01	0.16	4.20E-01
NEB	-0.18	3.50E-01	-0.16	4.20E-01
POR	0.26	1.86E-01	0.16	4.20E-01
RNU6-79P	-0.12	5.29E-01	0.16	4.20E-01
RP1-20B11.2	-0.08	6.82E-01	-0.16	4.20E-01
RP11-248J18.2	-0.05	7.88E-01	-0.16	4.20E-01
RP11-403B2.6	0.19	3.36E-01	-0.16	4.20E-01
RP13-270P17.1	0.07	7.31E-01	0.16	4.20E-01
SDCBPP1	-0.25	2.02E-01	-0.16	4.20E-01
SNRPGP15	0.13	5.23E-01	0.16	4.20E-01
Xyac-YX65C7_A.2	-0.28	1.43E-01	0.16	4.20E-01
YPEL5	0.04	8.48E-01	0.16	4.20E-01
ZNF250	-0.09	6.33E-01	-0.16	4.20E-01
ZNF428	0.15	4.56E-01	0.16	4.20E-01
AC073254.1	-0.41	3.01E-02	-0.16	4.21E-01
ACSM5	0.09	6.37E-01	0.16	4.21E-01
ASB15	-0.22	2.66E-01	0.16	4.21E-01
C6orf58	0.08	6.72E-01	0.16	4.21E-01
CYP46A1	0.16	4.16E-01	0.16	4.21E-01
DDC	0.26	1.78E-01	-0.16	4.21E-01
DENND2D	0.05	8.18E-01	0.16	4.21E-01
GPR141	0.24	2.22E-01	0.16	4.21E-01
IGF1R	-0.20	3.00E-01	-0.16	4.21E-01
ISCA1	0.00	9.99E-01	-0.16	4.21E-01
KIF13B	0.01	9.47E-01	-0.16	4.21E-01
MIR5091	-0.22	2.69E-01	0.16	4.21E-01
OXA1L	-0.07	7.30E-01	0.16	4.21E-01
PPP2R1A	0.25	2.06E-01	0.16	4.21E-01
PSEN1	0.13	5.04E-01	0.16	4.21E-01
RHEBP2	0.25	2.04E-01	0.16	4.21E-01
RP11-188C12.2	0.03	8.75E-01	0.16	4.21E-01
RP11-253A20.1	0.03	8.77E-01	-0.16	4.21E-01

<b>RP11-641D5.2</b>	0.05	8.07E-01	0.16	4.21E-01
<b>RP11-693J15.5</b>	0.15	4.50E-01	0.16	4.21E-01
<b>SDHA</b>	0.07	7.32E-01	0.16	4.21E-01
<b>SLC2A3P4</b>	0.10	5.95E-01	-0.16	4.21E-01
<b>SPAG5-AS1</b>	-0.13	5.17E-01	-0.16	4.21E-01
<b>TTC8</b>	-0.10	6.27E-01	0.16	4.21E-01
<b>UBE2F</b>	0.53	3.39E-03	0.16	4.21E-01
<b>UBE2Q1</b>	0.01	9.79E-01	0.16	4.21E-01
<b>USP3-AS1</b>	-0.05	7.97E-01	-0.16	4.21E-01
<b>WIPF1</b>	0.05	8.16E-01	0.16	4.21E-01
<b>ZNF266</b>	-0.19	3.39E-01	-0.16	4.21E-01
<b>ACOT4</b>	0.11	5.85E-01	-0.16	4.22E-01
<b>ADCY1</b>	-0.28	1.44E-01	0.16	4.22E-01
<b>ARHGAP29</b>	-0.04	8.36E-01	0.16	4.22E-01
<b>HMGB1P10</b>	-0.09	6.40E-01	-0.16	4.22E-01
<b>KIF20B</b>	0.13	5.14E-01	0.16	4.22E-01
<b>LHX4</b>	-0.06	7.49E-01	-0.16	4.22E-01
<b>LPP-AS1</b>	-0.06	7.67E-01	0.16	4.22E-01
<b>MPHOSPH9</b>	0.10	6.06E-01	-0.16	4.22E-01
<b>MYCT1</b>	-0.20	3.01E-01	0.16	4.22E-01
<b>NGDN</b>	0.05	7.84E-01	-0.16	4.22E-01
<b>OLFML2A</b>	-0.02	9.04E-01	0.16	4.22E-01
<b>PHF14</b>	0.02	9.02E-01	-0.16	4.22E-01
<b>PSMD9</b>	0.08	6.75E-01	0.16	4.22E-01
<b>RNU6-633P</b>	0.08	6.89E-01	-0.16	4.22E-01
<b>RP11-110G21.2</b>	-0.11	5.66E-01	-0.16	4.22E-01
<b>RP11-156P1.3</b>	0.03	8.99E-01	-0.16	4.22E-01
<b>RP11-666A8.9</b>	0.05	8.17E-01	-0.16	4.22E-01
<b>RP11-74J13.9</b>	-0.16	4.06E-01	-0.16	4.22E-01
<b>RP3-520B18.1</b>	0.08	6.99E-01	-0.16	4.22E-01
<b>SDK1</b>	-0.03	8.66E-01	0.16	4.22E-01
<b>TNFAIP1</b>	0.17	3.94E-01	0.16	4.22E-01
<b>UBXN6</b>	-0.06	7.60E-01	0.16	4.22E-01
<b>AC016907.3</b>	-0.04	8.43E-01	0.16	4.23E-01
<b>ANXA6</b>	-0.02	9.17E-01	0.16	4.23E-01
<b>ARRDC5</b>	0.39	4.23E-02	0.16	4.23E-01
<b>JAKMIP1</b>	0.09	6.67E-01	0.16	4.23E-01
<b>LINC00162</b>	0.16	4.16E-01	0.16	4.23E-01
<b>NT5C</b>	0.06	7.43E-01	0.16	4.23E-01
<b>OR7A5</b>	-0.49	7.67E-03	0.16	4.23E-01
<b>RP11-46I1.2</b>	0.05	7.92E-01	0.16	4.23E-01
<b>RP11-603K19.1</b>	-0.07	7.30E-01	0.16	4.23E-01
<b>SRA1</b>	0.05	8.14E-01	0.16	4.23E-01
<b>SWI5</b>	0.20	3.08E-01	0.16	4.23E-01
<b>THAP4</b>	0.07	7.32E-01	0.16	4.23E-01
<b>ZNF512</b>	-0.29	1.30E-01	0.16	4.23E-01
<b>ABHD13</b>	-0.03	8.95E-01	-0.16	4.23E-01

AC006019.3	0.20	3.15E-01	-0.16	4.23E-01
ANGPTL5	-0.24	2.14E-01	-0.16	4.23E-01
CD55	-0.09	6.43E-01	-0.16	4.23E-01
CTD-2260A17.1	-0.06	7.60E-01	-0.16	4.23E-01
CTD-2517O10.6	-0.10	6.26E-01	-0.16	4.23E-01
EMC3-AS1	0.04	8.23E-01	-0.16	4.23E-01
FBXL16	-0.23	2.46E-01	-0.16	4.23E-01
GRHL1	0.11	5.86E-01	-0.16	4.23E-01
HEATR4	0.19	3.28E-01	-0.16	4.23E-01
KIF5B	-0.09	6.62E-01	-0.16	4.23E-01
RP11-893F2.18	-0.10	6.02E-01	-0.16	4.23E-01
RP11-97O12.7	-0.07	7.05E-01	-0.16	4.23E-01
SNORD71	0.27	1.72E-01	-0.16	4.23E-01
SNORD91B	-0.05	8.09E-01	-0.16	4.23E-01
STK26	0.08	6.96E-01	-0.16	4.23E-01
XLOC_014103	-0.23	2.34E-01	-0.16	4.23E-01
XLOC_014288	-0.31	1.11E-01	-0.16	4.23E-01
ZDHHC2	-0.24	2.27E-01	-0.16	4.23E-01
ABCA10	-0.21	2.83E-01	-0.16	4.23E-01
AC000003.2	0.14	4.82E-01	-0.16	4.23E-01
AC009950.2	0.13	5.21E-01	0.16	4.23E-01
ATG4B	0.10	6.15E-01	0.16	4.23E-01
C2orf73	0.09	6.36E-01	-0.16	4.23E-01
CDK13	0.03	8.90E-01	-0.16	4.23E-01
COMMD1	-0.03	8.79E-01	0.16	4.23E-01
CTB-3M24.3	-0.09	6.56E-01	0.16	4.23E-01
CTD-2310F14.1	0.23	2.37E-01	-0.16	4.23E-01
CTU2	0.11	5.66E-01	0.16	4.23E-01
EFCAB8	-0.02	9.31E-01	-0.16	4.23E-01
EFHD2	0.28	1.56E-01	0.16	4.23E-01
FILIP1	-0.05	8.05E-01	0.16	4.23E-01
G35531	-0.55	2.50E-03	0.16	4.23E-01
HIGD1A	0.40	3.69E-02	0.16	4.23E-01
ICOSLG	-0.26	1.89E-01	-0.16	4.23E-01
IFT43	-0.07	7.28E-01	-0.16	4.23E-01
IGF2	-0.14	4.76E-01	0.16	4.23E-01
METTL6	-0.09	6.44E-01	0.16	4.23E-01
RALGAPA1P	-0.25	2.06E-01	-0.16	4.23E-01
RP11-108L7.15	0.00	9.83E-01	-0.16	4.23E-01
RP11-155N3.4	0.13	5.25E-01	0.16	4.23E-01
RP11-293M10.1	-0.12	5.45E-01	-0.16	4.23E-01
RP11-395L14.18	0.05	8.15E-01	-0.16	4.23E-01
RPL30P2	-0.41	3.15E-02	-0.16	4.23E-01
SORBS3	-0.23	2.32E-01	0.16	4.23E-01
SPINK5	0.10	6.01E-01	-0.16	4.23E-01
TCF7L1-IT1	-0.45	1.50E-02	0.16	4.23E-01
TNXA	-0.41	2.96E-02	-0.16	4.23E-01

WISP3	-0.30	1.18E-01	0.16	4.23E-01
ZNF683	-0.05	7.99E-01	0.16	4.23E-01
ZNF791	-0.10	6.27E-01	-0.16	4.23E-01
ASAP3	-0.14	4.89E-01	0.16	4.24E-01
BOLA1	-0.03	8.97E-01	0.16	4.24E-01
CASP12	-0.30	1.22E-01	-0.16	4.24E-01
CIDEA	0.05	8.02E-01	-0.16	4.24E-01
CLIP1-AS1	-0.22	2.59E-01	-0.16	4.24E-01
CPT2	0.35	6.77E-02	0.16	4.24E-01
G25515	-0.36	6.33E-02	0.16	4.24E-01
G35913	0.18	3.51E-01	-0.16	4.24E-01
JUP	0.25	1.91E-01	0.16	4.24E-01
MLPH	-0.41	3.18E-02	-0.16	4.24E-01
MYPN	0.16	4.03E-01	0.16	4.24E-01
N4BP2L1	-0.11	5.89E-01	-0.16	4.24E-01
PSME1	0.24	2.20E-01	0.16	4.24E-01
RP11-314A20.1	0.16	4.04E-01	-0.16	4.24E-01
RP11-316M21.6	-0.01	9.65E-01	-0.16	4.24E-01
RP11-367H5.8	-0.03	8.78E-01	0.16	4.24E-01
RP11-680F20.9	-0.22	2.71E-01	-0.16	4.24E-01
RP11-693N9.2	-0.23	2.38E-01	-0.16	4.24E-01
RPL36AP41	-0.11	5.82E-01	-0.16	4.24E-01
VPS16	0.00	9.94E-01	0.16	4.24E-01
Z95704.5	-0.16	4.02E-01	0.16	4.24E-01
ZHX2	-0.18	3.63E-01	0.16	4.24E-01
ZNF582-AS1	-0.19	3.39E-01	-0.16	4.24E-01
AC017104.2	0.06	7.54E-01	0.16	4.25E-01
AL590431.1	-0.01	9.53E-01	-0.16	4.25E-01
AP4S1	-0.08	6.80E-01	-0.16	4.25E-01
CTD-2066L21.1	-0.03	8.87E-01	-0.16	4.25E-01
EARS2	0.19	3.42E-01	0.16	4.25E-01
ISM1-AS1	-0.20	3.09E-01	-0.16	4.25E-01
NIM1K	-0.18	3.53E-01	-0.16	4.25E-01
PAMR1	-0.34	7.32E-02	-0.16	4.25E-01
PLCG1-AS1	0.13	5.20E-01	-0.16	4.25E-01
RP11-737O24.3	0.10	6.25E-01	-0.16	4.25E-01
SNORD116-14	0.23	2.33E-01	-0.16	4.25E-01
SUGT1	-0.20	3.08E-01	-0.16	4.25E-01
TFPI2	-0.07	7.28E-01	-0.16	4.25E-01
TMEM191A	0.04	8.26E-01	0.16	4.25E-01
TSTD1	-0.06	7.73E-01	0.16	4.25E-01
XLOC_002952	-0.31	1.09E-01	-0.16	4.25E-01
XLOC_013981	-0.16	4.28E-01	-0.16	4.25E-01
ZDBF2	0.20	3.02E-01	-0.16	4.25E-01
ZNF385C	0.12	5.37E-01	0.16	4.25E-01
AC079807.2	-0.29	1.42E-01	0.16	4.26E-01
DHDDS	0.20	3.16E-01	0.16	4.26E-01

IMMTP1	-0.04	8.25E-01	0.16	4.26E-01
ITPA	0.19	3.45E-01	0.16	4.26E-01
RNU7-196P	-0.17	3.83E-01	0.16	4.26E-01
RP11-775L16.1	-0.04	8.37E-01	0.16	4.26E-01
RP11-90L1.8	0.26	1.78E-01	0.16	4.26E-01
TLR3	0.19	3.26E-01	0.16	4.26E-01
CTD-2224J9.8	-0.33	8.32E-02	-0.16	4.26E-01
IRF2BP1	0.20	3.11E-01	-0.16	4.26E-01
LSM3P2	-0.25	2.04E-01	-0.16	4.26E-01
PIK3C2G	-0.07	7.09E-01	-0.16	4.26E-01
RP11-317F20.3	-0.23	2.36E-01	-0.16	4.26E-01
RP11-49I11.4	-0.30	1.16E-01	-0.16	4.26E-01
RP13-36G14.3	0.06	7.54E-01	-0.16	4.26E-01
RPL12P44	-0.26	1.81E-01	-0.16	4.26E-01
RPL5P32	-0.16	4.14E-01	-0.16	4.26E-01
RUNDC3A-AS1	0.05	7.96E-01	-0.16	4.26E-01
SNORD112	0.23	2.36E-01	-0.16	4.26E-01
SPATA6	-0.21	2.91E-01	-0.16	4.26E-01
TPP2	-0.14	4.86E-01	-0.16	4.26E-01
VWDE	-0.05	7.89E-01	-0.16	4.26E-01
ZGLP1	-0.29	1.39E-01	-0.16	4.26E-01
AHRR	-0.10	6.14E-01	-0.16	4.27E-01
AKR1B10P1	0.06	7.54E-01	-0.16	4.27E-01
ARGFXP2	-0.26	1.81E-01	-0.16	4.27E-01
ATP2C1	-0.02	9.13E-01	0.16	4.27E-01
DBN1	-0.17	3.76E-01	0.16	4.27E-01
FDFT1	0.18	3.51E-01	0.16	4.27E-01
FLI1	0.00	9.82E-01	0.16	4.27E-01
LCE2D	0.06	7.68E-01	0.16	4.27E-01
LHB	0.17	4.00E-01	0.16	4.27E-01
LINC00674	-0.18	3.49E-01	-0.16	4.27E-01
LSM10	-0.04	8.50E-01	0.16	4.27E-01
PAK3	-0.09	6.35E-01	-0.16	4.27E-01
PCDHGA4	-0.16	4.27E-01	-0.16	4.27E-01
PIGL	-0.11	5.90E-01	-0.16	4.27E-01
PPP2R1B	0.15	4.40E-01	-0.16	4.27E-01
REEP3	0.10	6.17E-01	-0.16	4.27E-01
RP11-1197K16.2	0.09	6.58E-01	-0.16	4.27E-01
RP11-275I4.2	0.36	6.20E-02	0.16	4.27E-01
RP11-356K23.1	-0.29	1.41E-01	-0.16	4.27E-01
RP11-77G23.2	-0.32	9.50E-02	-0.16	4.27E-01
RP3-391O22.3	-0.21	2.91E-01	-0.16	4.27E-01
SP140	0.05	7.89E-01	0.16	4.27E-01
TMEM150C	0.05	7.89E-01	0.16	4.27E-01
AC007327.5	0.30	1.17E-01	-0.16	4.28E-01
AF038458.3	-0.09	6.64E-01	0.16	4.28E-01
ATP5F1P5	-0.13	5.02E-01	0.16	4.28E-01

C10orf111	0.02	9.17E-01	-0.16	4.28E-01
CTA-276F8.1	-0.33	8.90E-02	-0.16	4.28E-01
DPEP1	0.25	1.98E-01	0.16	4.28E-01
EXOSC3P1	-0.12	5.44E-01	-0.16	4.28E-01
FAM167A-AS1	0.00	9.89E-01	-0.16	4.28E-01
FANCC	-0.35	7.03E-02	-0.16	4.28E-01
LCE4A	-0.07	7.21E-01	0.16	4.28E-01
LL21NC02-1C16.2	0.05	7.84E-01	0.16	4.28E-01
LRIG2	-0.07	7.05E-01	-0.16	4.28E-01
MEX3B	-0.01	9.46E-01	-0.16	4.28E-01
RBL2	-0.22	2.50E-01	0.16	4.28E-01
RN7SKP97	-0.11	5.87E-01	-0.16	4.28E-01
RNU6-130P	0.32	9.99E-02	0.16	4.28E-01
RP11-16L14.2	-0.22	2.55E-01	-0.16	4.28E-01
RP11-266K22.2	0.03	8.85E-01	-0.16	4.28E-01
RP11-29G8.3	-0.08	6.83E-01	-0.16	4.28E-01
RP11-561O23.9	-0.11	5.88E-01	0.16	4.28E-01
RP5-1073F15.1	0.06	7.47E-01	0.16	4.28E-01
RP6-42F4.1	-0.10	6.12E-01	-0.16	4.28E-01
SDF2	0.07	7.27E-01	0.16	4.28E-01
SEC14L3	-0.07	7.05E-01	-0.16	4.28E-01
SF3B1	0.02	9.15E-01	-0.16	4.28E-01
SPDYA	-0.07	7.40E-01	-0.16	4.28E-01
TPGS1	0.01	9.58E-01	0.16	4.28E-01
TRRAP	-0.11	5.61E-01	-0.16	4.28E-01
AC018878.3	0.14	4.72E-01	-0.16	4.29E-01
CTB-174D11.1	-0.04	8.32E-01	-0.16	4.29E-01
CTC-370J7.1	-0.12	5.33E-01	0.16	4.29E-01
CTD-2313N18.7	0.24	2.13E-01	-0.16	4.29E-01
CTD-2326C4.1	0.13	5.13E-01	-0.16	4.29E-01
EIF5AL1	0.03	8.86E-01	0.16	4.29E-01
ENTPD3	0.05	8.12E-01	-0.16	4.29E-01
ERCC8	0.29	1.28E-01	0.16	4.29E-01
FKBP11	0.21	2.77E-01	0.16	4.29E-01
GOLGA8I	-0.15	4.59E-01	-0.16	4.29E-01
KIF15	-0.06	7.49E-01	-0.16	4.29E-01
KLHL13	-0.33	8.84E-02	0.16	4.29E-01
LINC00484	0.00	9.88E-01	0.16	4.29E-01
MYO3B	-0.26	1.75E-01	-0.16	4.29E-01
PRIM1	0.11	5.60E-01	0.16	4.29E-01
RNA5SP379	0.16	4.13E-01	0.16	4.29E-01
RNU7-108P	-0.24	2.10E-01	-0.16	4.29E-01
RP11-289A15.1	-0.38	4.71E-02	-0.16	4.29E-01
RP11-343H5.4	-0.29	1.36E-01	-0.16	4.29E-01
RP11-478C6.2	0.05	8.08E-01	-0.16	4.29E-01
RP11-490M8.1	-0.02	9.39E-01	-0.16	4.29E-01
RP11-662B19.2	-0.07	7.42E-01	0.16	4.29E-01



RP11-734K23.9	0.02	9.32E-01	-0.16	4.29E-01
RP3-449O17.1	-0.15	4.50E-01	0.16	4.29E-01
RP5-1116H23.3	-0.23	2.41E-01	-0.16	4.29E-01
RPL23AP23	0.06	7.44E-01	0.16	4.29E-01
SCHLAP1	0.09	6.37E-01	-0.16	4.29E-01
SETD2	-0.12	5.27E-01	-0.16	4.29E-01
SUMO2P14	0.12	5.57E-01	-0.16	4.29E-01
TBC1D12	-0.08	6.78E-01	0.16	4.29E-01
THSD4	0.17	3.84E-01	0.16	4.29E-01
VEGFC	0.22	2.66E-01	0.16	4.29E-01
XXbac-BPG27H4.8	-0.01	9.46E-01	0.16	4.29E-01
AF131215.4	-0.19	3.31E-01	-0.16	4.30E-01
AL359832.1	0.01	9.57E-01	-0.16	4.30E-01
ARHGEF15	-0.33	8.26E-02	0.16	4.30E-01
BHMT	-0.10	6.17E-01	-0.16	4.30E-01
CAMK2N2	0.35	6.57E-02	0.16	4.30E-01
CTC-444N24.7	0.09	6.55E-01	-0.16	4.30E-01
CTD-2054N24.2	-0.09	6.63E-01	-0.16	4.30E-01
CTD-2175A23.1	-0.04	8.32E-01	0.16	4.30E-01
GSTA1	0.11	5.87E-01	-0.16	4.30E-01
ITPKB-AS1	-0.04	8.43E-01	-0.16	4.30E-01
JAGN1	0.11	5.64E-01	0.16	4.30E-01
MDFI	0.24	2.23E-01	0.16	4.30E-01
MIR1249	-0.25	2.00E-01	0.16	4.30E-01
NR2F1	-0.02	9.14E-01	0.16	4.30E-01
PDCL3P4	-0.42	2.59E-02	-0.16	4.30E-01
PROK2	-0.15	4.49E-01	0.16	4.30E-01
RN7SKP219	-0.15	4.58E-01	-0.16	4.30E-01
RP1-63M2.7	-0.28	1.52E-01	-0.16	4.30E-01
RP11-181K3.4	-0.10	6.23E-01	-0.16	4.30E-01
RP11-452F19.3	-0.17	3.88E-01	-0.16	4.30E-01
RP11-463I20.3	-0.29	1.34E-01	0.16	4.30E-01
RP3-508I15.19	0.20	3.02E-01	0.16	4.30E-01
SCGB2A1	-0.09	6.33E-01	-0.16	4.30E-01
SETD8	0.32	9.90E-02	0.16	4.30E-01
SOX2-OT	0.15	4.34E-01	-0.16	4.30E-01
SYDE1	-0.10	6.17E-01	0.16	4.30E-01
AK3	0.27	1.73E-01	-0.16	4.31E-01
ARHGAP18	0.25	2.02E-01	0.16	4.31E-01
FAM95C	-0.16	4.03E-01	-0.16	4.31E-01
G31047	-0.04	8.48E-01	-0.16	4.31E-01
GAB3	0.10	6.12E-01	0.16	4.31E-01
IGLV2-14	0.02	9.29E-01	0.16	4.31E-01
7-Mar	0.28	1.45E-01	0.16	4.31E-01
NPIP11	0.11	5.92E-01	-0.16	4.31E-01
PCDHA4	-0.32	9.42E-02	0.16	4.31E-01
PLCG2	0.18	3.53E-01	0.16	4.31E-01

PPIAP6	-0.13	5.05E-01	0.16	4.31E-01
PSTPIP1	0.29	1.28E-01	0.16	4.31E-01
RNF6	0.17	3.89E-01	-0.16	4.31E-01
RP11-11C20.3	-0.22	2.51E-01	-0.16	4.31E-01
RP11-171I2.3	0.02	9.09E-01	-0.16	4.31E-01
SARM1	-0.43	2.34E-02	-0.16	4.31E-01
TDO2	-0.13	5.03E-01	-0.16	4.31E-01
ZFP41	-0.20	3.00E-01	0.16	4.31E-01
ZNF331	0.08	6.78E-01	-0.16	4.31E-01
ASS1	0.07	7.32E-01	-0.16	4.31E-01
C10orf71	-0.12	5.38E-01	-0.16	4.31E-01
GLT8D2	-0.14	4.65E-01	-0.16	4.31E-01
MEX3D	0.00	9.99E-01	-0.16	4.31E-01
MIR4755	0.07	7.05E-01	-0.16	4.31E-01
RP11-1086F11.1	-0.22	2.52E-01	-0.16	4.31E-01
RP11-347C12.1	-0.01	9.63E-01	-0.16	4.31E-01
RP11-454F8.4	0.10	6.20E-01	-0.16	4.31E-01
SLC25A32	0.25	2.09E-01	-0.16	4.31E-01
SNRPB2	-0.06	7.78E-01	-0.16	4.31E-01
TRAPPC5	-0.03	8.87E-01	-0.16	4.31E-01
TRMO	0.03	8.77E-01	-0.16	4.31E-01
UQCC1	0.23	2.34E-01	-0.16	4.31E-01
ZNF304	0.01	9.74E-01	-0.16	4.31E-01
ADD1	0.19	3.40E-01	0.16	4.31E-01
C17orf58	0.02	9.11E-01	0.16	4.31E-01
CTD-2583A14.8	0.02	9.13E-01	0.16	4.31E-01
GALNS	0.22	2.71E-01	0.16	4.31E-01
HOXA5	-0.04	8.38E-01	0.16	4.31E-01
MPZL1	0.37	5.40E-02	0.16	4.31E-01
NCOA5	-0.11	5.74E-01	0.16	4.31E-01
NDUFAF3	0.07	7.05E-01	0.16	4.31E-01
RNA5SP219	-0.13	4.98E-01	0.16	4.31E-01
RP11-147L13.13	-0.15	4.39E-01	0.16	4.31E-01
RP11-803D5.1	-0.16	4.20E-01	0.16	4.31E-01
SNHG18	-0.04	8.25E-01	0.16	4.31E-01
AC005534.6	-0.02	9.18E-01	-0.16	4.32E-01
AC098823.3	-0.11	5.67E-01	-0.16	4.32E-01
CLCN4	-0.22	2.66E-01	-0.16	4.32E-01
FZD5	0.27	1.66E-01	0.16	4.32E-01
HIST2H2BD	-0.50	6.96E-03	0.16	4.32E-01
HJURP	0.07	7.11E-01	0.16	4.32E-01
KRR1P1	0.17	3.74E-01	-0.16	4.32E-01
LTV1	0.04	8.26E-01	-0.16	4.32E-01
MIR563	0.09	6.36E-01	-0.16	4.32E-01
MRPL43	0.04	8.59E-01	0.16	4.32E-01
MT-TH	0.13	5.17E-01	0.16	4.32E-01
NPM1P30	-0.09	6.53E-01	-0.16	4.32E-01

<b>RNU6-943P</b>	-0.05	7.98E-01	-0.16	4.32E-01
<b>RP11-114F3.2</b>	-0.15	4.52E-01	-0.16	4.32E-01
<b>RP11-293G6__A.2</b>	-0.38	4.89E-02	-0.16	4.32E-01
<b>RP11-344B2.3</b>	-0.19	3.34E-01	-0.16	4.32E-01
<b>RP11-390E23.6</b>	0.23	2.41E-01	0.16	4.32E-01
<b>RP11-400F19.12</b>	0.24	2.12E-01	-0.16	4.32E-01
<b>RP11-462P6.1</b>	-0.06	7.51E-01	0.16	4.32E-01
<b>RP11-536C5.7</b>	-0.05	7.88E-01	-0.16	4.32E-01
<b>RP11-68I3.5</b>	-0.16	4.14E-01	-0.16	4.32E-01
<b>RPS8</b>	0.11	5.70E-01	-0.16	4.32E-01
<b>SNAPC3</b>	0.10	6.16E-01	-0.16	4.32E-01
<b>SPATA17</b>	-0.17	3.79E-01	-0.16	4.32E-01
<b>STRA6</b>	-0.01	9.78E-01	-0.16	4.32E-01
<b>TMEM220-AS1</b>	0.03	8.95E-01	-0.16	4.32E-01
<b>TUBA8</b>	-0.10	6.16E-01	-0.16	4.32E-01
<b>USP50</b>	-0.05	8.18E-01	-0.16	4.32E-01
<b>XLOC_012579</b>	-0.23	2.29E-01	-0.16	4.32E-01
<b>ZNF385D</b>	-0.12	5.54E-01	-0.16	4.32E-01
<b>ZNF585B</b>	0.19	3.41E-01	-0.16	4.32E-01
<b>APOBEC3B</b>	-0.13	5.12E-01	-0.16	4.33E-01
<b>BMI1</b>	-0.01	9.53E-01	-0.16	4.33E-01
<b>CLYBL-AS2</b>	-0.21	2.80E-01	-0.16	4.33E-01
<b>FAM87A</b>	0.11	5.92E-01	-0.16	4.33E-01
<b>MFSD7</b>	-0.08	6.71E-01	-0.16	4.33E-01
<b>N4BP3</b>	-0.13	5.19E-01	-0.16	4.33E-01
<b>PCDHAC2</b>	-0.05	7.87E-01	-0.16	4.33E-01
<b>PMP2</b>	-0.01	9.44E-01	-0.16	4.33E-01
<b>RP11-218E20.5</b>	0.21	2.76E-01	-0.16	4.33E-01
<b>RP11-47F1.1</b>	0.04	8.37E-01	-0.16	4.33E-01
<b>RP11-546J1.1</b>	0.09	6.43E-01	-0.16	4.33E-01
<b>RP11-70P17.1</b>	0.02	9.23E-01	-0.16	4.33E-01
<b>TCAF1</b>	0.08	6.89E-01	-0.16	4.33E-01
<b>CGREF1</b>	0.22	2.50E-01	0.16	4.33E-01
<b>CHGA</b>	-0.01	9.48E-01	0.16	4.33E-01
<b>IQCH-AS1</b>	0.23	2.43E-01	0.16	4.33E-01
<b>KCNJ8</b>	0.02	9.08E-01	0.16	4.33E-01
<b>NDUFS5P1</b>	-0.20	3.15E-01	0.16	4.33E-01
<b>PLCXD3</b>	-0.12	5.59E-01	0.16	4.33E-01
<b>RP11-104L21.2</b>	-0.05	7.86E-01	0.16	4.33E-01
<b>RP11-185E12.2</b>	-0.29	1.33E-01	0.16	4.33E-01
<b>RP11-8L18.2</b>	-0.43	2.26E-02	0.16	4.33E-01
<b>S100A11</b>	0.12	5.32E-01	0.16	4.33E-01
<b>SEMA7A</b>	0.28	1.51E-01	0.16	4.33E-01
<b>TPST2</b>	-0.13	5.08E-01	0.16	4.33E-01
<b>AL022344.7</b>	0.25	2.02E-01	-0.16	4.34E-01
<b>EFCAB7</b>	-0.10	6.11E-01	-0.16	4.34E-01
<b>FLJ37035</b>	-0.19	3.41E-01	-0.16	4.34E-01

KATNAL2	-0.02	9.03E-01	-0.16	4.34E-01
OR7E121P	0.41	3.23E-02	-0.16	4.34E-01
PILRB	0.13	5.04E-01	-0.16	4.34E-01
RP11-329J18.4	0.23	2.43E-01	-0.16	4.34E-01
RP11-762I7.5	0.19	3.44E-01	-0.16	4.34E-01
SMURF1	-0.21	2.87E-01	-0.16	4.34E-01
SNORD113	-0.18	3.62E-01	-0.16	4.34E-01
ABCB5	0.00	9.81E-01	0.16	4.34E-01
AC007238.1	-0.18	3.60E-01	0.16	4.34E-01
OXSM	0.14	4.83E-01	0.16	4.34E-01
PC	0.17	3.98E-01	0.16	4.34E-01
POLR2G	0.06	7.63E-01	0.16	4.34E-01
RBM10	-0.06	7.54E-01	0.16	4.34E-01
RP11-391M20.1	-0.28	1.55E-01	0.16	4.34E-01
S100P	0.19	3.22E-01	0.16	4.34E-01
STRN3	0.35	6.46E-02	0.16	4.34E-01
TECRP1	-0.08	6.69E-01	0.16	4.34E-01
VPREB3	-0.18	3.58E-01	0.16	4.34E-01
AC093818.1	0.26	1.83E-01	0.16	4.35E-01
C16orf45	0.10	6.25E-01	0.16	4.35E-01
CDK20	0.18	3.70E-01	0.16	4.35E-01
COLCA2	0.12	5.57E-01	0.16	4.35E-01
CRYL1	0.41	3.24E-02	0.16	4.35E-01
FAM117B	0.08	7.04E-01	0.16	4.35E-01
G10617	-0.23	2.34E-01	-0.16	4.35E-01
GRIA2	-0.09	6.63E-01	-0.16	4.35E-01
HNRNPCP1	0.29	1.31E-01	0.16	4.35E-01
LRRC75B	0.06	7.69E-01	0.16	4.35E-01
PLEKHA2	0.26	1.74E-01	0.16	4.35E-01
PRKACA	0.31	1.09E-01	0.16	4.35E-01
PTPN2P1	-0.13	5.26E-01	0.16	4.35E-01
RNF122	0.22	2.57E-01	0.16	4.35E-01
RP11-12D24.6	-0.27	1.60E-01	-0.16	4.35E-01
RP11-44F21.4	0.13	5.23E-01	0.16	4.35E-01
RP11-457M11.5	-0.04	8.32E-01	-0.16	4.35E-01
RP11-481F24.3	-0.14	4.86E-01	-0.16	4.35E-01
RP11-708B6.2	-0.09	6.62E-01	-0.16	4.35E-01
RP11-764K9.1	0.13	5.02E-01	-0.16	4.35E-01
TSPEAR-AS2	-0.12	5.32E-01	0.16	4.35E-01
AC016735.1	-0.16	4.21E-01	-0.16	4.36E-01
ARHGEF9-IT1	-0.08	6.83E-01	0.16	4.36E-01
ATL1	-0.35	6.73E-02	-0.16	4.36E-01
ATXN1L	0.02	9.10E-01	0.16	4.36E-01
C4orf45	-0.09	6.54E-01	0.16	4.36E-01
CDR1	-0.16	4.08E-01	-0.16	4.36E-01
CH17-373J23.1	-0.13	4.94E-01	0.16	4.36E-01
CRB2	-0.25	2.08E-01	-0.16	4.36E-01

<b>CTD-2521M24.6</b>	0.12	5.55E-01	-0.16	4.36E-01
<b>DTNB</b>	0.20	2.99E-01	0.16	4.36E-01
<b>EMILIN3</b>	0.12	5.30E-01	-0.16	4.36E-01
<b>FAM81B</b>	-0.26	1.88E-01	-0.16	4.36E-01
<b>G19654</b>	0.18	3.68E-01	0.16	4.36E-01
<b>GK-AS1</b>	0.44	1.89E-02	-0.16	4.36E-01
<b>HMG20B</b>	-0.02	9.39E-01	-0.16	4.36E-01
<b>KCTD9</b>	0.19	3.36E-01	-0.16	4.36E-01
<b>MDM2</b>	0.38	4.68E-02	-0.16	4.36E-01
<b>MGAT2</b>	0.25	1.93E-01	-0.16	4.36E-01
<b>PQLC3</b>	-0.10	6.07E-01	0.16	4.36E-01
<b>PXMP2</b>	-0.09	6.44E-01	0.16	4.36E-01
<b>RP11-136H19.1</b>	0.22	2.71E-01	0.16	4.36E-01
<b>RP11-214N15.5</b>	0.10	6.19E-01	-0.16	4.36E-01
<b>RP11-480C16.1</b>	-0.33	8.34E-02	-0.16	4.36E-01
<b>RP11-562A8.4</b>	0.19	3.42E-01	-0.16	4.36E-01
<b>RP3-468O1.6</b>	-0.03	8.76E-01	-0.16	4.36E-01
<b>SAC3D1</b>	-0.01	9.64E-01	0.16	4.36E-01
<b>SOX4</b>	0.13	5.20E-01	-0.16	4.36E-01
<b>STAM-AS1</b>	0.10	6.02E-01	-0.16	4.36E-01
<b>TMEM169</b>	0.03	8.64E-01	-0.16	4.36E-01
<b>VAR52</b>	0.11	5.91E-01	0.16	4.36E-01
<b>WDR97</b>	0.21	2.73E-01	-0.16	4.36E-01
<b>C4orf32</b>	-0.09	6.47E-01	-0.16	4.37E-01
<b>CTA-246H3.8</b>	0.01	9.79E-01	-0.16	4.37E-01
<b>CTA-941F9.10</b>	-0.01	9.70E-01	-0.16	4.37E-01
<b>CTD-2561J22.5</b>	-0.08	6.79E-01	-0.16	4.37E-01
<b>DCK</b>	0.05	8.16E-01	-0.16	4.37E-01
<b>GALNT16</b>	-0.37	5.58E-02	-0.16	4.37E-01
<b>MDGA1</b>	0.41	2.91E-02	-0.16	4.37E-01
<b>PPP1R1C</b>	0.10	5.97E-01	-0.16	4.37E-01
<b>RNF141</b>	0.06	7.72E-01	-0.16	4.37E-01
<b>RP11-20I23.8</b>	-0.24	2.14E-01	-0.16	4.37E-01
<b>RP11-568K15.2</b>	-0.18	3.70E-01	-0.16	4.37E-01
<b>RP11-640N20.4</b>	0.14	4.65E-01	-0.16	4.37E-01
<b>SYT1</b>	-0.01	9.60E-01	-0.16	4.37E-01
<b>TPRKB</b>	0.12	5.39E-01	-0.16	4.37E-01
<b>C7orf61</b>	-0.08	6.68E-01	0.16	4.37E-01
<b>IL2RB</b>	0.07	7.20E-01	0.16	4.37E-01
<b>NEK2</b>	0.20	3.02E-01	0.16	4.37E-01
<b>PSMD5</b>	0.05	7.88E-01	0.16	4.37E-01
<b>RN7SL574P</b>	-0.07	7.09E-01	0.16	4.37E-01
<b>RP11-466A19.8</b>	-0.10	5.97E-01	0.16	4.37E-01
<b>SLC35B4</b>	0.29	1.40E-01	0.16	4.37E-01
<b>SLC38A5</b>	-0.02	9.36E-01	0.16	4.37E-01
<b>WWTR1-IT1</b>	-0.29	1.35E-01	0.16	4.37E-01
<b>ADH6</b>	-0.46	1.33E-02	-0.16	4.38E-01

ANXA2P2	-0.12	5.39E-01	0.16	4.38E-01
BBS9	-0.17	4.00E-01	-0.16	4.38E-01
CROCCP3	-0.09	6.54E-01	-0.16	4.38E-01
CTD-2337A12.1	0.07	7.11E-01	-0.16	4.38E-01
CTD-2583A14.11	0.36	5.64E-02	0.16	4.38E-01
DGKG	0.12	5.53E-01	0.16	4.38E-01
DOCK9-AS2	0.07	7.40E-01	0.16	4.38E-01
DOPEY2	0.08	6.97E-01	0.16	4.38E-01
GLG1	0.16	4.03E-01	0.16	4.38E-01
LAMC1	-0.12	5.36E-01	-0.16	4.38E-01
MRPL4	0.18	3.67E-01	0.16	4.38E-01
MRPS6	0.13	5.20E-01	0.16	4.38E-01
NLRC3	0.15	4.34E-01	0.16	4.38E-01
PRR15	0.38	4.80E-02	-0.16	4.38E-01
RAET1G	0.35	6.50E-02	0.16	4.38E-01
RFFL	0.03	8.86E-01	0.16	4.38E-01
RP11-561N12.1	0.10	6.03E-01	-0.16	4.38E-01
RP11-930O11.1	-0.23	2.44E-01	-0.16	4.38E-01
RP13-15M17.1	0.30	1.20E-01	0.16	4.38E-01
TAF1B	0.31	1.05E-01	-0.16	4.38E-01
TBCE	-0.01	9.49E-01	-0.16	4.38E-01
THBS1	-0.06	7.64E-01	0.16	4.38E-01
AC000120.7	-0.04	8.50E-01	-0.16	4.39E-01
AC001226.7	-0.13	4.99E-01	0.16	4.39E-01
ARAF	0.35	6.77E-02	0.16	4.39E-01
CAPN3	-0.32	9.84E-02	-0.16	4.39E-01
EGFL7	-0.19	3.44E-01	-0.16	4.39E-01
FN1	-0.40	3.47E-02	-0.16	4.39E-01
KANSL1L	-0.36	6.09E-02	-0.16	4.39E-01
LINC00657	0.00	9.94E-01	-0.16	4.39E-01
MSH4	-0.30	1.16E-01	-0.16	4.39E-01
NAT8L	-0.39	4.15E-02	-0.16	4.39E-01
POC1A	0.05	7.85E-01	0.16	4.39E-01
PSMF1	0.07	7.40E-01	0.16	4.39E-01
PUSL1	-0.02	9.22E-01	0.16	4.39E-01
RBFOX3	-0.23	2.29E-01	0.16	4.39E-01
RN7SL113P	-0.39	4.20E-02	0.16	4.39E-01
RP11-338E21.2	0.07	7.19E-01	0.16	4.39E-01
RP11-383C5.5	0.13	5.10E-01	-0.16	4.39E-01
RP11-401P9.1	-0.34	7.46E-02	-0.16	4.39E-01
RP11-455G16.1	0.30	1.18E-01	-0.16	4.39E-01
RP11-55L3.1	0.17	3.78E-01	-0.16	4.39E-01
RP11-6L6.4	-0.26	1.89E-01	-0.16	4.39E-01
RP11-757F18.3	-0.10	6.01E-01	0.16	4.39E-01
RP11-761I4.4	0.24	2.20E-01	0.16	4.39E-01
RP11-855O10.2	0.21	2.75E-01	-0.16	4.39E-01
RP11-981P6.1	0.05	8.04E-01	-0.16	4.39E-01

RPS10	0.18	3.62E-01	-0.16	4.39E-01
RPS2P44	0.07	7.16E-01	0.16	4.39E-01
SPDYE5	-0.23	2.44E-01	-0.16	4.39E-01
XLOC_004195	0.11	5.82E-01	0.16	4.39E-01
XYLT1	0.31	1.10E-01	-0.16	4.39E-01
AC005392.13	0.45	1.51E-02	-0.16	4.40E-01
AC010877.1	0.30	1.23E-01	0.16	4.40E-01
AC074289.1	-0.45	1.63E-02	-0.16	4.40E-01
APOL4	0.08	6.81E-01	0.16	4.40E-01
BTBD19	-0.02	9.22E-01	0.16	4.40E-01
CD320	0.08	7.01E-01	0.16	4.40E-01
CREB3	-0.15	4.48E-01	0.16	4.40E-01
CTC-436P18.1	-0.04	8.28E-01	-0.16	4.40E-01
CTD-2231E14.2	-0.38	4.49E-02	0.16	4.40E-01
CTD-3193K9.1	-0.04	8.29E-01	-0.16	4.40E-01
HAAO	-0.21	2.80E-01	-0.16	4.40E-01
IGSF9	-0.01	9.61E-01	0.16	4.40E-01
LCT	0.29	1.41E-01	-0.16	4.40E-01
MRPL33	0.04	8.43E-01	-0.16	4.40E-01
NDUFA5P2	0.05	8.19E-01	0.16	4.40E-01
PLCZ1	-0.29	1.29E-01	-0.16	4.40E-01
RNU6-1033P	-0.22	2.70E-01	-0.16	4.40E-01
RP11-392A14.8	-0.07	7.24E-01	-0.16	4.40E-01
RP11-618M23.5	0.02	9.38E-01	-0.16	4.40E-01
RP11-6O2.3	-0.22	2.66E-01	0.16	4.40E-01
RP11-80I15.4	0.05	7.95E-01	-0.16	4.40E-01
RP13-216E22.4	-0.01	9.75E-01	-0.16	4.40E-01
RP3-405J10.2	0.10	6.18E-01	0.16	4.40E-01
RP5-892K4.1	0.06	7.79E-01	-0.16	4.40E-01
RPL23AP83	-0.04	8.41E-01	0.16	4.40E-01
RPS17	0.12	5.32E-01	0.16	4.40E-01
RSF1-IT1	-0.42	2.54E-02	-0.16	4.40E-01
SCN5A	-0.19	3.22E-01	-0.16	4.40E-01
SEMA3C	0.08	6.93E-01	0.16	4.40E-01
TCEA1P4	0.20	3.10E-01	-0.16	4.40E-01
UBE2V2P3	0.08	6.79E-01	0.16	4.40E-01
XLOC_007698	-0.28	1.51E-01	-0.16	4.40E-01
XLOC_014378	-0.01	9.68E-01	-0.16	4.40E-01
AC069257.6	0.08	6.87E-01	0.15	4.41E-01
EIF2B4	0.07	7.06E-01	0.15	4.41E-01
FMO6P	-0.05	8.10E-01	0.15	4.41E-01
G32068	-0.12	5.46E-01	0.15	4.41E-01
LINC01271	0.04	8.53E-01	0.15	4.41E-01
MIR301A	0.07	7.37E-01	0.15	4.41E-01
RP11-22B10.3	-0.18	3.55E-01	0.15	4.41E-01
ZNF714	-0.09	6.41E-01	0.15	4.41E-01
ZNF878	-0.01	9.61E-01	0.15	4.41E-01

AC105461.1	-0.03	8.86E-01	-0.15	4.41E-01
ALG1L10P	0.11	5.75E-01	-0.15	4.41E-01
BEND7P1	-0.25	2.05E-01	-0.15	4.41E-01
DSTYK	-0.15	4.40E-01	-0.15	4.41E-01
FSTL3	-0.26	1.79E-01	-0.15	4.41E-01
LMBRD1	-0.03	8.91E-01	-0.15	4.41E-01
MAPK15	-0.17	3.98E-01	-0.15	4.41E-01
P3H2-AS1	-0.11	5.78E-01	-0.15	4.41E-01
PDIA2	-0.05	8.08E-01	-0.15	4.41E-01
RN7SKP70	0.17	3.76E-01	-0.15	4.41E-01
RP11-407N17.4	-0.20	3.11E-01	-0.15	4.41E-01
RP11-481H12.1	-0.05	7.84E-01	-0.15	4.41E-01
RP11-763F8.1	-0.09	6.38E-01	-0.15	4.41E-01
RP11-90E5.1	0.04	8.45E-01	-0.15	4.41E-01
TMEM5	-0.04	8.28E-01	-0.15	4.41E-01
ZNF329	-0.20	3.07E-01	-0.15	4.41E-01
5S_rRNA	-0.04	8.49E-01	-0.15	4.41E-01
ABT1	-0.06	7.63E-01	-0.15	4.41E-01
CCL20	0.31	1.11E-01	0.15	4.41E-01
CCNB2	0.18	3.57E-01	0.15	4.41E-01
CTC-350I8.1	-0.05	7.94E-01	-0.15	4.41E-01
DEFB109P1B	-0.01	9.55E-01	0.15	4.41E-01
FLNB-AS1	0.01	9.55E-01	-0.15	4.41E-01
GPRC5D	0.24	2.25E-01	-0.15	4.41E-01
GUSBP3	0.03	8.91E-01	0.15	4.41E-01
KAT6A	-0.26	1.85E-01	-0.15	4.41E-01
1-Mar	-0.04	8.58E-01	-0.15	4.41E-01
MIR1245A	-0.15	4.54E-01	-0.15	4.41E-01
NME9	-0.16	4.15E-01	-0.15	4.41E-01
RNU6-69P	-0.08	6.82E-01	-0.15	4.41E-01
RP11-359E3.4	-0.11	5.74E-01	-0.15	4.41E-01
RP11-424G14.1	0.41	3.10E-02	0.15	4.41E-01
RP11-447H19.3	0.00	9.97E-01	-0.15	4.41E-01
RP3-405J10.3	0.14	4.65E-01	0.15	4.41E-01
RPL12	0.26	1.79E-01	-0.15	4.41E-01
SUB1P1	0.13	5.16E-01	-0.15	4.41E-01
TGFA-IT1	-0.39	4.26E-02	0.15	4.41E-01
VPS25	0.20	2.99E-01	0.15	4.41E-01
WDR63	-0.23	2.34E-01	-0.15	4.41E-01
ZSCAN12P1	-0.30	1.27E-01	0.15	4.41E-01
AC078883.4	0.22	2.55E-01	0.15	4.42E-01
KIAA1107	-0.04	8.51E-01	0.15	4.42E-01
MIR619	0.18	3.57E-01	0.15	4.42E-01
ORMDL2	0.02	9.13E-01	0.15	4.42E-01
PEX11B	0.05	8.04E-01	0.15	4.42E-01
PRRX1	-0.19	3.22E-01	0.15	4.42E-01
RGS5	0.13	5.16E-01	0.15	4.42E-01



<b>RNF165</b>	0.14	4.74E-01	0.15	4.42E-01
<b>RNVU1-20</b>	0.16	4.28E-01	0.15	4.42E-01
<b>RP11-680G24.4</b>	0.17	3.98E-01	0.15	4.42E-01
<b>RP4-529N6.2</b>	0.51	5.21E-03	0.15	4.42E-01
<b>ZNF511</b>	-0.05	8.04E-01	0.15	4.42E-01
<b>AC002064.5</b>	-0.42	2.45E-02	-0.15	4.42E-01
<b>ASS1P12</b>	0.03	8.63E-01	-0.15	4.42E-01
<b>C8orf74</b>	0.00	9.91E-01	-0.15	4.42E-01
<b>DDX20</b>	0.22	2.65E-01	-0.15	4.42E-01
<b>DLX1</b>	0.09	6.40E-01	-0.15	4.42E-01
<b>LRRTM2</b>	-0.19	3.21E-01	-0.15	4.42E-01
<b>MRS2</b>	0.31	1.13E-01	-0.15	4.42E-01
<b>RNU6-238P</b>	0.09	6.41E-01	-0.15	4.42E-01
<b>RP1-152L7.5</b>	-0.21	2.82E-01	-0.15	4.42E-01
<b>RP11-3304.1</b>	-0.10	6.23E-01	-0.15	4.42E-01
<b>RP11-343L5.2</b>	-0.28	1.53E-01	-0.15	4.42E-01
<b>RP11-701H24.4</b>	0.17	3.85E-01	-0.15	4.42E-01
<b>RP11-75C10.6</b>	0.09	6.37E-01	-0.15	4.42E-01
<b>RP11-88E10.4</b>	0.20	3.01E-01	-0.15	4.42E-01
<b>RP5-1050D4.4</b>	0.08	6.68E-01	-0.15	4.42E-01
<b>RPL36A</b>	-0.11	5.62E-01	-0.15	4.42E-01
<b>WNT9A</b>	-0.30	1.25E-01	-0.15	4.42E-01
<b>hsa-mir-150</b>	0.04	8.45E-01	-0.15	4.42E-01
<b>ACAP1</b>	-0.03	8.80E-01	0.15	4.43E-01
<b>ARL10</b>	0.03	8.74E-01	0.15	4.43E-01
<b>BZW2</b>	0.29	1.31E-01	-0.15	4.43E-01
<b>CTB-73N10.1</b>	-0.17	3.90E-01	-0.15	4.43E-01
<b>FYTTD1</b>	-0.01	9.50E-01	-0.15	4.43E-01
<b>HOXA13</b>	-0.13	5.00E-01	0.15	4.43E-01
<b>KIAA1468</b>	0.02	9.05E-01	-0.15	4.43E-01
<b>KLHL28</b>	-0.11	5.64E-01	-0.15	4.43E-01
<b>LLNLR-470E3.1</b>	-0.14	4.72E-01	0.15	4.43E-01
<b>MIR4480</b>	-0.09	6.46E-01	0.15	4.43E-01
<b>NDUFA9</b>	0.08	6.73E-01	-0.15	4.43E-01
<b>NR1I3</b>	-0.16	4.24E-01	-0.15	4.43E-01
<b>NSF</b>	0.21	2.80E-01	0.15	4.43E-01
<b>RGL2</b>	0.10	6.15E-01	0.15	4.43E-01
<b>RHBDL2</b>	-0.20	3.19E-01	0.15	4.43E-01
<b>RP11-310J24.3</b>	-0.02	9.09E-01	0.15	4.43E-01
<b>RP11-326I11.3</b>	0.40	3.28E-02	0.15	4.43E-01
<b>RP11-351J23.1</b>	-0.09	6.44E-01	0.15	4.43E-01
<b>RP11-399K21.12</b>	0.06	7.73E-01	-0.15	4.43E-01
<b>RP11-775D22.2</b>	0.06	7.79E-01	-0.15	4.43E-01
<b>RPL29P14</b>	-0.01	9.78E-01	0.15	4.43E-01
<b>SHANK1</b>	-0.17	3.95E-01	-0.15	4.43E-01
<b>SLC5A6</b>	0.28	1.48E-01	0.15	4.43E-01
<b>SOX1</b>	-0.15	4.45E-01	-0.15	4.43E-01

TECRL	0.26	1.90E-01	-0.15	4.43E-01
TFCP2	0.01	9.46E-01	0.15	4.43E-01
THEM5	-0.16	4.02E-01	0.15	4.43E-01
WBP1LP2	0.16	4.04E-01	0.15	4.43E-01
C14orf159	0.26	1.78E-01	0.15	4.44E-01
CHADL	-0.10	6.22E-01	-0.15	4.44E-01
CLPTM1	0.34	7.77E-02	0.15	4.44E-01
COL4A6	0.15	4.54E-01	0.15	4.44E-01
CRTAM	0.22	2.54E-01	0.15	4.44E-01
CTC-268N12.2	-0.11	5.93E-01	0.15	4.44E-01
CTD-3195I5.3	0.17	3.95E-01	-0.15	4.44E-01
IDI1	0.21	2.85E-01	-0.15	4.44E-01
MIR1254-1	0.18	3.55E-01	-0.15	4.44E-01
MIR5690	-0.23	2.50E-01	0.15	4.44E-01
MXI1	-0.01	9.47E-01	0.15	4.44E-01
PIK3R1	0.15	4.51E-01	0.15	4.44E-01
PIM3	-0.16	4.08E-01	-0.15	4.44E-01
RHOG	0.27	1.59E-01	0.15	4.44E-01
RP11-32B5.7	-0.11	5.71E-01	-0.15	4.44E-01
RP11-462G2.1	0.26	1.82E-01	-0.15	4.44E-01
RP11-483I13.6	0.34	7.24E-02	0.15	4.44E-01
RP11-505P4.7	-0.01	9.51E-01	-0.15	4.44E-01
RP11-512F24.1	0.16	4.24E-01	0.15	4.44E-01
RP5-1180D12.1	0.13	5.12E-01	0.15	4.44E-01
RP5-894A10.6	0.04	8.28E-01	-0.15	4.44E-01
SNF8	0.01	9.42E-01	-0.15	4.44E-01
SPTBN4	-0.10	6.17E-01	-0.15	4.44E-01
TTF2	0.00	9.93E-01	-0.15	4.44E-01
TUBB3	-0.05	7.88E-01	0.15	4.44E-01
UBE2C	0.21	2.91E-01	0.15	4.44E-01
USP15	-0.11	5.82E-01	-0.15	4.44E-01
ZKSCAN3	-0.02	9.06E-01	0.15	4.44E-01
ZNRF3	-0.11	5.92E-01	-0.15	4.44E-01
AACS	0.06	7.62E-01	-0.15	4.45E-01
ADH1B	-0.06	7.69E-01	-0.15	4.45E-01
CAPRIN1	0.18	3.55E-01	0.15	4.45E-01
CDH5	-0.15	4.53E-01	0.15	4.45E-01
CENPL	0.10	6.18E-01	-0.15	4.45E-01
CTD-2553L13.9	-0.19	3.44E-01	0.15	4.45E-01
DDX18P5	-0.33	8.78E-02	-0.15	4.45E-01
EMG1	0.02	9.37E-01	0.15	4.45E-01
ENPP2	-0.37	5.33E-02	-0.15	4.45E-01
GEMIN8	-0.54	2.78E-03	-0.15	4.45E-01
GTF2IRD2	-0.13	4.97E-01	-0.15	4.45E-01
HMGCL	0.22	2.68E-01	0.15	4.45E-01
IL1B	0.27	1.62E-01	0.15	4.45E-01
ITGB6	0.29	1.42E-01	0.15	4.45E-01

KDM5C	-0.13	5.02E-01	-0.15	4.45E-01
LGI4	-0.40	3.39E-02	-0.15	4.45E-01
LMAN1	0.18	3.53E-01	-0.15	4.45E-01
NPIPA1	-0.09	6.49E-01	-0.15	4.45E-01
NRN1	0.06	7.55E-01	0.15	4.45E-01
PITPNM3	-0.04	8.37E-01	0.15	4.45E-01
POLR1A	0.26	1.85E-01	0.15	4.45E-01
RASA4	-0.06	7.80E-01	-0.15	4.45E-01
RNU6-314P	0.22	2.70E-01	-0.15	4.45E-01
RP11-452L6.5	0.22	2.70E-01	0.15	4.45E-01
RP11-49C9.2	0.02	9.06E-01	-0.15	4.45E-01
RP11-570G20.1	-0.18	3.56E-01	-0.15	4.45E-01
RP11-638I2.2	0.09	6.63E-01	0.15	4.45E-01
RP11-96D1.8	-0.27	1.68E-01	-0.15	4.45E-01
SPATA25	0.01	9.61E-01	-0.15	4.45E-01
SPTSSA	0.22	2.59E-01	0.15	4.45E-01
TFRC	0.25	1.92E-01	-0.15	4.45E-01
TMEM38B	-0.01	9.70E-01	-0.15	4.45E-01
XLOC_005513	-0.03	8.93E-01	-0.15	4.45E-01
ABCC8	-0.21	2.92E-01	-0.15	4.46E-01
ASCC2	0.05	7.83E-01	0.15	4.46E-01
CCDC39	-0.27	1.68E-01	-0.15	4.46E-01
CFLAR-AS1	0.18	3.68E-01	-0.15	4.46E-01
CHCHD6	0.10	6.12E-01	0.15	4.46E-01
COPS6	0.17	3.92E-01	0.15	4.46E-01
CTB-66B24.1	-0.05	8.03E-01	-0.15	4.46E-01
DIO1	-0.02	9.15E-01	0.15	4.46E-01
DRD1	-0.37	4.98E-02	-0.15	4.46E-01
FITM1	0.02	9.06E-01	0.15	4.46E-01
FLT3	0.04	8.54E-01	0.15	4.46E-01
GLRX3P2	-0.05	8.16E-01	-0.15	4.46E-01
GMPPA	0.05	7.84E-01	0.15	4.46E-01
GTF2F1	0.22	2.59E-01	0.15	4.46E-01
LAIR2	0.12	5.52E-01	0.15	4.46E-01
P4HB	0.37	5.33E-02	0.15	4.46E-01
PHC3	0.02	9.32E-01	-0.15	4.46E-01
PSTK	-0.23	2.46E-01	-0.15	4.46E-01
RNU6-435P	-0.23	2.35E-01	-0.15	4.46E-01
RP1-40G4P.1	0.25	2.08E-01	0.15	4.46E-01
RP11-1000B6.8	-0.02	9.00E-01	0.15	4.46E-01
RP11-175K6.2	-0.01	9.49E-01	0.15	4.46E-01
RP11-21C4.1	0.08	6.98E-01	0.15	4.46E-01
RP11-66N11.8	-0.32	1.01E-01	0.15	4.46E-01
RP11-6L6.2	-0.35	6.73E-02	-0.15	4.46E-01
RSRC1	0.18	3.68E-01	-0.15	4.46E-01
WIPF3	-0.01	9.63E-01	0.15	4.46E-01
XLOC_002997	-0.09	6.40E-01	-0.15	4.46E-01

AC000123.4	-0.10	6.03E-01	-0.15	4.47E-01
AC008592.4	-0.03	8.88E-01	0.15	4.47E-01
AC078899.1	-0.24	2.11E-01	-0.15	4.47E-01
ACO2	0.13	5.07E-01	0.15	4.47E-01
ADD3	0.01	9.74E-01	-0.15	4.47E-01
BRWD1-IT2	0.26	1.77E-01	0.15	4.47E-01
CCL4	0.29	1.30E-01	0.15	4.47E-01
CTD-2192J16.11	-0.20	3.07E-01	0.15	4.47E-01
CXCL8	0.03	8.95E-01	0.15	4.47E-01
CYP3A4	0.02	9.35E-01	-0.15	4.47E-01
DDX12P	-0.25	1.92E-01	-0.15	4.47E-01
FIP1L1	0.20	3.06E-01	0.15	4.47E-01
G10661	0.31	1.14E-01	0.15	4.47E-01
G26815	-0.05	7.95E-01	0.15	4.47E-01
GLMP	-0.03	8.79E-01	0.15	4.47E-01
GLYATL2	0.09	6.38E-01	0.15	4.47E-01
HERC2	-0.12	5.54E-01	0.15	4.47E-01
KB-1460A1.2	-0.27	1.64E-01	-0.15	4.47E-01
LA16c-321D4.2	0.16	4.16E-01	0.15	4.47E-01
LLOXNC01-7P3.1	-0.06	7.64E-01	-0.15	4.47E-01
PDP2	0.21	2.85E-01	0.15	4.47E-01
PLA2G12A	-0.10	6.08E-01	0.15	4.47E-01
PNKD	-0.02	9.01E-01	0.15	4.47E-01
RP1-178F10.1	-0.34	7.92E-02	0.15	4.47E-01
RP11-184J23.2	0.26	1.82E-01	-0.15	4.47E-01
RP11-220C2.1	0.05	8.16E-01	-0.15	4.47E-01
RP11-44F14.9	-0.01	9.56E-01	0.15	4.47E-01
RP11-56H7.2	-0.30	1.21E-01	-0.15	4.47E-01
STK16	0.23	2.30E-01	0.15	4.47E-01
TAGAP	0.02	9.37E-01	-0.15	4.47E-01
TCAP	-0.12	5.34E-01	-0.15	4.47E-01
UBE2Q2	0.17	3.99E-01	0.15	4.47E-01
ZSCAN21	-0.04	8.22E-01	0.15	4.47E-01
A1BG-AS1	0.06	7.61E-01	0.15	4.48E-01
ABCA4	-0.20	3.20E-01	-0.15	4.48E-01
AC002519.8	-0.31	1.10E-01	-0.15	4.48E-01
AL023807.1	-0.14	4.79E-01	0.15	4.48E-01
AL356741.1	0.06	7.57E-01	0.15	4.48E-01
B4GAT1	0.17	3.92E-01	-0.15	4.48E-01
CD80	-0.02	9.24E-01	0.15	4.48E-01
CDC42P6	0.40	3.29E-02	0.15	4.48E-01
CTA-276F8.2	-0.05	8.10E-01	-0.15	4.48E-01
FKBP9	-0.05	8.13E-01	0.15	4.48E-01
FNDC5	0.18	3.72E-01	-0.15	4.48E-01
G5901	0.00	9.94E-01	0.15	4.48E-01
HIST3H2BB	-0.17	3.90E-01	-0.15	4.48E-01
KCTD17	-0.02	9.22E-01	-0.15	4.48E-01

LILRB1	0.13	5.19E-01	0.15	4.48E-01
MARVELD3	0.23	2.37E-01	0.15	4.48E-01
MBOAT4	-0.29	1.35E-01	0.15	4.48E-01
MCCC2	0.14	4.79E-01	0.15	4.48E-01
MIR194-1	-0.25	2.06E-01	-0.15	4.48E-01
MIR3671	-0.27	1.65E-01	-0.15	4.48E-01
NAP1L4	0.07	7.33E-01	0.15	4.48E-01
P2RY14	-0.04	8.54E-01	-0.15	4.48E-01
PPIEL	0.05	7.88E-01	-0.15	4.48E-01
PRKCA-AS1	0.03	8.90E-01	-0.15	4.48E-01
PRR16	-0.15	4.56E-01	0.15	4.48E-01
PSMA6	0.14	4.80E-01	0.15	4.48E-01
RP11-589P10.5	-0.17	3.81E-01	0.15	4.48E-01
RP11-632F7.3	0.39	3.86E-02	-0.15	4.48E-01
SGTB	0.02	9.09E-01	-0.15	4.48E-01
TMBIM4	0.17	3.74E-01	-0.15	4.48E-01
XLOC_007993	-0.36	5.64E-02	-0.15	4.48E-01
ZEB1-AS1	0.10	6.10E-01	-0.15	4.48E-01
ZGPAT	-0.13	5.01E-01	0.15	4.48E-01
ZNF229	0.09	6.36E-01	-0.15	4.48E-01
APTX	-0.13	5.09E-01	0.15	4.49E-01
CCBL2	0.04	8.42E-01	0.15	4.49E-01
CLIC6	-0.01	9.66E-01	0.15	4.49E-01
GALNT2	-0.10	6.31E-01	0.15	4.49E-01
GDI1	-0.02	9.16E-01	0.15	4.49E-01
MICALL2	-0.07	7.22E-01	0.15	4.49E-01
NUDT3	0.27	1.70E-01	0.15	4.49E-01
RP11-396C23.2	-0.12	5.43E-01	0.15	4.49E-01
RP11-529G21.2	0.47	1.10E-02	0.15	4.49E-01
SGMS1	0.08	6.79E-01	0.15	4.49E-01
TMEM176A	0.05	7.82E-01	0.15	4.49E-01
TRIM27	0.39	4.20E-02	0.15	4.49E-01
ABCA8	-0.13	5.01E-01	-0.15	4.49E-01
AIMP1P1	-0.17	3.79E-01	-0.15	4.49E-01
CACYBPP1	0.13	4.99E-01	-0.15	4.49E-01
GOT2P3	0.07	7.37E-01	-0.15	4.49E-01
ING2	-0.29	1.39E-01	-0.15	4.49E-01
KCNH5	0.05	8.05E-01	-0.15	4.49E-01
MED6	0.09	6.51E-01	-0.15	4.49E-01
OR5BK1P	-0.37	5.29E-02	-0.15	4.49E-01
RNY4P4	0.29	1.28E-01	-0.15	4.49E-01
RP11-1394O16.1	-0.07	7.29E-01	-0.15	4.49E-01
RP11-543N12.1	-0.09	6.47E-01	-0.15	4.49E-01
RP11-757C15.4	-0.18	3.63E-01	-0.15	4.49E-01
RP5-837J1.6	0.04	8.32E-01	-0.15	4.49E-01
RP5-901A4.1	-0.09	6.53E-01	-0.15	4.49E-01
SCGB1D2	-0.17	3.76E-01	-0.15	4.49E-01

TBX10	0.39	3.97E-02	-0.15	4.49E-01
ASB3	-0.40	3.69E-02	0.15	4.50E-01
CTC-510F12.4	0.26	1.87E-01	0.15	4.50E-01
EIF4A1P10	0.01	9.72E-01	0.15	4.50E-01
EMX2OS	-0.34	7.61E-02	-0.15	4.50E-01
G18287	-0.19	3.35E-01	-0.15	4.50E-01
ITGB3BP	-0.15	4.32E-01	-0.15	4.50E-01
.L22NC03-75H12.2	0.04	8.55E-01	-0.15	4.50E-01
LRRC69	0.09	6.61E-01	-0.15	4.50E-01
PTPRO	0.39	3.80E-02	0.15	4.50E-01
PTTG1IP	0.10	6.10E-01	0.15	4.50E-01
QRFP	0.29	1.33E-01	0.15	4.50E-01
RP1-128O3.6	0.17	3.85E-01	-0.15	4.50E-01
RP11-15F12.6	-0.16	4.26E-01	0.15	4.50E-01
RPS4XP5	-0.02	9.34E-01	-0.15	4.50E-01
SBNO1	0.07	7.05E-01	-0.15	4.50E-01
TGFB2-AS1	-0.22	2.62E-01	-0.15	4.50E-01
TRAPPC10	-0.05	7.96E-01	0.15	4.50E-01
USP21	-0.17	3.90E-01	-0.15	4.50E-01
ZNF844	0.07	7.33E-01	-0.15	4.50E-01
AE000661.37	0.32	9.15E-02	-0.15	4.51E-01
AIMP1	0.06	7.52E-01	-0.15	4.51E-01
CALCOCO2	-0.02	9.03E-01	0.15	4.51E-01
COL28A1	-0.38	4.47E-02	-0.15	4.51E-01
CTC-344H19.4	0.00	9.96E-01	-0.15	4.51E-01
GS1-124K5.11	-0.04	8.26E-01	-0.15	4.51E-01
HMG3-AS1	-0.25	2.04E-01	-0.15	4.51E-01
IFT57	0.15	4.60E-01	-0.15	4.51E-01
LINC00235	0.12	5.32E-01	-0.15	4.51E-01
LINC00996	-0.01	9.65E-01	-0.15	4.51E-01
MIR4312	0.29	1.30E-01	-0.15	4.51E-01
MNAT1	0.17	4.01E-01	-0.15	4.51E-01
PHC1	0.11	5.78E-01	0.15	4.51E-01
PPIF	0.34	7.66E-02	0.15	4.51E-01
RP1-267L14.3	-0.01	9.42E-01	-0.15	4.51E-01
RP11-126F18.2	0.01	9.43E-01	-0.15	4.51E-01
RP11-326G21.1	-0.29	1.34E-01	-0.15	4.51E-01
RP11-330H6.6	0.18	3.59E-01	0.15	4.51E-01
RP11-347I19.8	-0.18	3.68E-01	0.15	4.51E-01
RP11-654A16.3	0.01	9.65E-01	0.15	4.51E-01
RP11-73M18.8	-0.03	8.65E-01	0.15	4.51E-01
SYNPO2L	0.08	6.76E-01	-0.15	4.51E-01
TMPOP2	0.33	8.78E-02	-0.15	4.51E-01
AATBC	-0.10	6.00E-01	-0.15	4.52E-01
AC017002.2	-0.08	6.71E-01	0.15	4.52E-01
ANK3	0.18	3.65E-01	-0.15	4.52E-01
APOB	-0.36	6.07E-02	-0.15	4.52E-01

ASNA1	0.05	7.95E-01	0.15	4.52E-01
BANF1P3	-0.16	4.02E-01	0.15	4.52E-01
BNIP3P16	-0.13	5.00E-01	-0.15	4.52E-01
DPP10	0.02	9.36E-01	-0.15	4.52E-01
G30851	0.12	5.29E-01	0.15	4.52E-01
KCND3-AS1	0.15	4.60E-01	0.15	4.52E-01
KIAA1524	0.07	7.41E-01	-0.15	4.52E-01
LINC01588	0.02	9.22E-01	-0.15	4.52E-01
METRN	-0.28	1.49E-01	-0.15	4.52E-01
RNU2-28P	0.02	9.23E-01	-0.15	4.52E-01
RP11-329J18.3	-0.01	9.44E-01	0.15	4.52E-01
RP11-395A13.2	0.05	7.99E-01	0.15	4.52E-01
RP11-448G4.4	0.20	2.99E-01	-0.15	4.52E-01
RP11-44B19.1	-0.22	2.53E-01	-0.15	4.52E-01
RP11-56B16.2	-0.14	4.72E-01	-0.15	4.52E-01
RP3-337H4.6	0.32	9.65E-02	-0.15	4.52E-01
RP3-510O8.4	0.12	5.32E-01	0.15	4.52E-01
RP4-681N20.5	0.01	9.49E-01	-0.15	4.52E-01
ZSCAN1	0.04	8.59E-01	-0.15	4.52E-01
AC016734.2	0.64	2.18E-04	-0.15	4.53E-01
AC078852.1	0.19	3.28E-01	-0.15	4.53E-01
AIF1	0.02	9.08E-01	0.15	4.53E-01
AL591893.1	-0.10	6.31E-01	0.15	4.53E-01
AP001172.2	-0.26	1.87E-01	0.15	4.53E-01
C21orf62-AS1	-0.08	6.80E-01	-0.15	4.53E-01
C9orf142	0.00	9.88E-01	0.15	4.53E-01
CCND2	0.08	6.86E-01	0.15	4.53E-01
CTD-2554C21.2	0.07	7.09E-01	-0.15	4.53E-01
DR1	0.11	5.63E-01	-0.15	4.53E-01
FAM132A	-0.07	7.23E-01	-0.15	4.53E-01
FBXL18	0.29	1.33E-01	0.15	4.53E-01
FTLP6	-0.12	5.49E-01	0.15	4.53E-01
G26248	-0.26	1.89E-01	-0.15	4.53E-01
HIBADH	0.05	8.14E-01	-0.15	4.53E-01
KB-208E9.1	0.14	4.90E-01	0.15	4.53E-01
NUAK1	0.16	4.12E-01	0.15	4.53E-01
OSMR-AS1	0.00	9.88E-01	0.15	4.53E-01
PLCE1	-0.26	1.82E-01	-0.15	4.53E-01
RNU6-514P	-0.04	8.58E-01	0.15	4.53E-01
RP11-216B9.8	0.10	6.27E-01	-0.15	4.53E-01
RP11-432I13.6	0.03	8.63E-01	0.15	4.53E-01
RP11-616M22.7	-0.28	1.44E-01	-0.15	4.53E-01
RP3-388M5.9	-0.21	2.74E-01	-0.15	4.53E-01
RP4-535B20.1	0.02	9.09E-01	0.15	4.53E-01
TKFC	0.18	3.67E-01	0.15	4.53E-01
AC073850.6	0.10	6.01E-01	0.15	4.53E-01
AC083862.6	-0.12	5.51E-01	0.15	4.53E-01

ACER2	-0.21	2.73E-01	-0.15	4.53E-01
BEST1	-0.07	7.11E-01	-0.15	4.53E-01
BMS1P20	0.46	1.44E-02	-0.15	4.53E-01
C9orf43	0.25	1.95E-01	0.15	4.53E-01
CTC-360J11.4	0.08	7.01E-01	-0.15	4.53E-01
ICE1	0.04	8.27E-01	-0.15	4.53E-01
IL17F	0.00	9.80E-01	-0.15	4.53E-01
KMT2C	-0.16	4.27E-01	-0.15	4.53E-01
LYG1	0.19	3.39E-01	-0.15	4.53E-01
MIR4706	0.12	5.35E-01	-0.15	4.53E-01
MOB4	0.20	3.04E-01	-0.15	4.53E-01
MT-ND3	0.23	2.31E-01	0.15	4.53E-01
NEK1	-0.08	6.77E-01	-0.15	4.53E-01
PKIG	-0.03	8.88E-01	0.15	4.53E-01
PLA2G3	0.25	2.09E-01	0.15	4.53E-01
PSMA1	0.05	8.12E-01	-0.15	4.53E-01
RGS16	-0.11	5.84E-01	0.15	4.53E-01
RNA5SP123	0.01	9.63E-01	-0.15	4.53E-01
RP11-1182P23.5	-0.15	4.49E-01	-0.15	4.53E-01
RP11-20I20.4	-0.47	1.25E-02	-0.15	4.53E-01
RP11-254B13.4	-0.26	1.76E-01	-0.15	4.53E-01
RP11-30K9.6	0.32	1.01E-01	0.15	4.53E-01
RP11-394O4.5	-0.14	4.86E-01	0.15	4.53E-01
RP11-474L23.3	-0.15	4.35E-01	-0.15	4.53E-01
RP11-484D2.5	-0.06	7.63E-01	-0.15	4.53E-01
RPAP2	0.46	1.32E-02	0.15	4.53E-01
SCARF1	0.08	6.71E-01	0.15	4.53E-01
SNORD82	-0.14	4.90E-01	-0.15	4.53E-01
ACVRL1	-0.05	7.89E-01	0.15	4.54E-01
C5orf30	0.13	5.15E-01	-0.15	4.54E-01
CALML3-AS1	-0.19	3.34E-01	-0.15	4.54E-01
CTC-244M17.1	-0.09	6.36E-01	-0.15	4.54E-01
KATNA1	0.10	6.09E-01	0.15	4.54E-01
LINC01515	-0.32	1.02E-01	-0.15	4.54E-01
MT-CO2	0.21	2.87E-01	0.15	4.54E-01
MTNR1B	0.17	3.91E-01	0.15	4.54E-01
NAP1L6	0.05	8.01E-01	-0.15	4.54E-01
NBPF1	0.24	2.13E-01	0.15	4.54E-01
RNU4ATAC16P	0.11	5.69E-01	-0.15	4.54E-01
RP11-263K4.1	0.14	4.67E-01	-0.15	4.54E-01
RP11-353N14.5	-0.06	7.65E-01	-0.15	4.54E-01
RP11-378G13.2	0.09	6.63E-01	0.15	4.54E-01
RP11-613M10.9	0.18	3.60E-01	0.15	4.54E-01
RP11-65E22.2	-0.16	4.20E-01	-0.15	4.54E-01
RP11-789C17.3	-0.31	1.14E-01	-0.15	4.54E-01
RP11-93B14.6	-0.10	6.05E-01	0.15	4.54E-01
RP3-325F22.5	0.31	1.05E-01	0.15	4.54E-01



RPS3AP34	-0.39	4.04E-02	-0.15	4.54E-01
SEC23IP	0.13	5.21E-01	0.15	4.54E-01
SFT2D2	0.18	3.63E-01	-0.15	4.54E-01
SGK2	0.05	8.07E-01	-0.15	4.54E-01
SNORD116-13	0.05	7.89E-01	0.15	4.54E-01
TIAF1	-0.15	4.47E-01	-0.15	4.54E-01
TP53TG5	-0.01	9.61E-01	0.15	4.54E-01
XLOC_009782	-0.12	5.41E-01	-0.15	4.54E-01
XLOC_010364	0.02	9.33E-01	0.15	4.54E-01
AC073635.5	-0.04	8.31E-01	-0.15	4.55E-01
C1QTNF3	-0.34	7.59E-02	0.15	4.55E-01
CD69	0.10	6.06E-01	0.15	4.55E-01
DUTP1	-0.28	1.43E-01	-0.15	4.55E-01
GDF11	-0.18	3.69E-01	-0.15	4.55E-01
HCFC1-AS1	0.01	9.51E-01	-0.15	4.55E-01
MAP1LC3B	0.00	9.97E-01	0.15	4.55E-01
MBD5	0.04	8.21E-01	-0.15	4.55E-01
NCKAP1	0.04	8.56E-01	-0.15	4.55E-01
ORC2	0.23	2.43E-01	0.15	4.55E-01
PRELID1P1	0.11	5.79E-01	-0.15	4.55E-01
RN7SL473P	-0.18	3.47E-01	-0.15	4.55E-01
RP11-106M7.1	0.14	4.66E-01	0.15	4.55E-01
RP11-129K12.1	-0.20	3.17E-01	0.15	4.55E-01
RP11-196G11.3	-0.03	8.68E-01	0.15	4.55E-01
RP11-463I20.2	-0.20	3.02E-01	-0.15	4.55E-01
RP11-464F9.20	0.09	6.43E-01	0.15	4.55E-01
RP11-509J21.2	0.26	1.90E-01	-0.15	4.55E-01
RPL21P65	0.03	8.88E-01	0.15	4.55E-01
STEAP2	-0.02	9.09E-01	-0.15	4.55E-01
TMEM255A	-0.25	1.93E-01	-0.15	4.55E-01
TRIO	-0.01	9.47E-01	-0.15	4.55E-01
ULK4	-0.20	3.20E-01	-0.15	4.55E-01
ZNF536	-0.01	9.40E-01	-0.15	4.55E-01
ZNF813	-0.15	4.39E-01	-0.15	4.55E-01
ZNF846	0.23	2.33E-01	0.15	4.55E-01
AC118278.1	-0.20	2.97E-01	-0.15	4.56E-01
AK4P1	-0.21	2.76E-01	0.15	4.56E-01
ATRN	0.03	8.71E-01	0.15	4.56E-01
CASP1	0.16	4.15E-01	0.15	4.56E-01
CTD-2616J11.10	0.42	2.73E-02	-0.15	4.56E-01
CTD-2636A23.2	-0.19	3.22E-01	-0.15	4.56E-01
HNRNPMP1	-0.15	4.38E-01	-0.15	4.56E-01
HOXD13	0.00	1.00E+00	-0.15	4.56E-01
HSP90AB4P	0.13	5.17E-01	-0.15	4.56E-01
LINC01100	0.01	9.59E-01	-0.15	4.56E-01
NANS	0.27	1.65E-01	0.15	4.56E-01
NPC2	0.18	3.69E-01	0.15	4.56E-01

<b>NRON</b>	0.09	6.34E-01	-0.15	4.56E-01
<b>NUDT15</b>	0.21	2.76E-01	-0.15	4.56E-01
<b>OSR1</b>	-0.26	1.82E-01	-0.15	4.56E-01
<b>PPHLN1</b>	0.07	7.12E-01	-0.15	4.56E-01
<b>RND3</b>	-0.04	8.21E-01	0.15	4.56E-01
<b>RNU1-11P</b>	-0.03	8.94E-01	0.15	4.56E-01
<b>RP11-108K14.12</b>	0.20	3.01E-01	0.15	4.56E-01
<b>RP11-117L5.1</b>	0.21	2.82E-01	0.15	4.56E-01
<b>RP11-158M2.3</b>	0.32	1.01E-01	-0.15	4.56E-01
<b>RP11-384F7.2</b>	0.13	4.97E-01	0.15	4.56E-01
<b>RP11-84A14.4</b>	0.31	1.14E-01	-0.15	4.56E-01
<b>RPA4</b>	-0.09	6.50E-01	0.15	4.56E-01
<b>SELL</b>	0.08	6.83E-01	0.15	4.56E-01
<b>SLC27A4</b>	0.29	1.32E-01	0.15	4.56E-01
<b>TMEM160</b>	-0.05	8.13E-01	0.15	4.56E-01
<b>UGCG</b>	0.28	1.50E-01	0.15	4.56E-01
<b>VSIG2</b>	0.14	4.69E-01	-0.15	4.56E-01
<b>ZC3H11A</b>	-0.06	7.81E-01	-0.15	4.56E-01
<b>AC009542.2</b>	-0.31	1.11E-01	-0.15	4.57E-01
<b>AC011385.1</b>	0.26	1.85E-01	0.15	4.57E-01
<b>AL592284.1</b>	0.48	9.94E-03	0.15	4.57E-01
<b>BTBD3</b>	0.33	8.29E-02	0.15	4.57E-01
<b>CCDC150P1</b>	0.03	8.93E-01	-0.15	4.57E-01
<b>CCR3</b>	0.01	9.54E-01	-0.15	4.57E-01
<b>CTD-2545H1.2</b>	0.09	6.62E-01	-0.15	4.57E-01
<b>CTD-2653D5.1</b>	0.10	6.15E-01	0.15	4.57E-01
<b>DDI2</b>	0.21	2.93E-01	0.15	4.57E-01
<b>G15373</b>	-0.12	5.54E-01	-0.15	4.57E-01
<b>G31554</b>	0.35	6.73E-02	0.15	4.57E-01
<b>GBE1</b>	0.12	5.28E-01	-0.15	4.57E-01
<b>MIR219-1</b>	-0.14	4.71E-01	-0.15	4.57E-01
<b>NASP</b>	-0.04	8.52E-01	-0.15	4.57E-01
<b>OR6L2P</b>	-0.14	4.81E-01	-0.15	4.57E-01
<b>OTOP1</b>	-0.14	4.84E-01	-0.15	4.57E-01
<b>PQLC1</b>	-0.06	7.71E-01	0.15	4.57E-01
<b>RFC3</b>	0.24	2.16E-01	-0.15	4.57E-01
<b>RP11-10C24.1</b>	0.15	4.60E-01	0.15	4.57E-01
<b>RP11-1275H24.3</b>	0.27	1.64E-01	-0.15	4.57E-01
<b>RP11-142L16.2</b>	0.01	9.43E-01	-0.15	4.57E-01
<b>RP11-21A7A.4</b>	-0.48	1.00E-02	0.15	4.57E-01
<b>RP11-337A23.5</b>	0.26	1.78E-01	-0.15	4.57E-01
<b>RP11-365O16.3</b>	-0.10	6.03E-01	-0.15	4.57E-01
<b>RP11-405M12.4</b>	0.19	3.26E-01	0.15	4.57E-01
<b>RP11-972P1.10</b>	0.03	8.74E-01	-0.15	4.57E-01
<b>SARS2</b>	-0.08	6.85E-01	0.15	4.57E-01
<b>SERPINA10</b>	-0.35	6.41E-02	-0.15	4.57E-01
<b>SNAPIN</b>	-0.05	7.93E-01	0.15	4.57E-01

UBN1	0.09	6.50E-01	0.15	4.57E-01
USP30	0.02	9.01E-01	-0.15	4.57E-01
ZC3H12C	0.12	5.43E-01	0.15	4.57E-01
AC005754.8	0.34	7.59E-02	-0.15	4.58E-01
AL096677.1	-0.08	6.70E-01	-0.15	4.58E-01
C8orf89	-0.05	8.09E-01	-0.15	4.58E-01
COA6	0.01	9.78E-01	-0.15	4.58E-01
DCTN4	0.19	3.32E-01	0.15	4.58E-01
ESRRA	0.26	1.88E-01	0.15	4.58E-01
FOLH1B	0.02	9.02E-01	0.15	4.58E-01
G4024	0.31	1.11E-01	0.15	4.58E-01
GRIA3	-0.21	2.81E-01	-0.15	4.58E-01
GTF3C1	-0.18	3.53E-01	-0.15	4.58E-01
IL17RC	-0.01	9.42E-01	0.15	4.58E-01
KIF26A	-0.23	2.34E-01	-0.15	4.58E-01
POU5F1P4	-0.19	3.30E-01	-0.15	4.58E-01
PYGL	0.18	3.53E-01	0.15	4.58E-01
RALB	0.28	1.45E-01	0.15	4.58E-01
RN7SKP179	0.06	7.72E-01	-0.15	4.58E-01
RN7SL838P	-0.15	4.53E-01	-0.15	4.58E-01
RNU6-1045P	0.03	8.79E-01	-0.15	4.58E-01
RP11-141C7.4	0.11	5.66E-01	0.15	4.58E-01
RP11-167P11.2	0.08	6.94E-01	0.15	4.58E-01
RP11-21L23.3	0.23	2.36E-01	0.15	4.58E-01
RP11-292F22.5	-0.04	8.51E-01	-0.15	4.58E-01
RP11-400L8.2	-0.09	6.55E-01	-0.15	4.58E-01
RP11-495K9.5	0.19	3.39E-01	-0.15	4.58E-01
RP11-569A2.2	-0.17	3.80E-01	0.15	4.58E-01
RP11-64D24.4	-0.05	7.94E-01	-0.15	4.58E-01
RP11-770G2.2	-0.18	3.69E-01	-0.15	4.58E-01
RP11-845C23.2	-0.31	1.03E-01	-0.15	4.58E-01
RP11-89N17.4	-0.46	1.40E-02	0.15	4.58E-01
SNCA-AS1	-0.15	4.49E-01	-0.15	4.58E-01
SUCLG2-AS1	-0.02	9.24E-01	-0.15	4.58E-01
SURF1	-0.15	4.53E-01	0.15	4.58E-01
UACA	-0.31	1.08E-01	0.15	4.58E-01
XRCC1	-0.30	1.27E-01	0.15	4.58E-01
ZFAND2B	0.03	8.82E-01	0.15	4.58E-01
ZNF70	0.18	3.47E-01	0.15	4.58E-01
AC010999.1	0.00	9.83E-01	-0.15	4.59E-01
AMZ2	0.08	6.78E-01	0.15	4.59E-01
ATG2B	-0.10	6.22E-01	-0.15	4.59E-01
B2M	0.11	5.80E-01	0.15	4.59E-01
CTD-2201E9.4	-0.15	4.34E-01	0.15	4.59E-01
EXD3	-0.01	9.65E-01	0.15	4.59E-01
FAM218A	-0.34	7.61E-02	-0.15	4.59E-01
GPR87	0.40	3.58E-02	0.15	4.59E-01

H2AFV	0.15	4.52E-01	-0.15	4.59E-01
KRT222	-0.40	3.29E-02	-0.15	4.59E-01
LEPR	-0.26	1.81E-01	-0.15	4.59E-01
MPND	-0.11	5.92E-01	0.15	4.59E-01
NDUFAF4	0.33	8.92E-02	-0.15	4.59E-01
PADI3	-0.33	8.34E-02	0.15	4.59E-01
PASK	-0.20	3.20E-01	-0.15	4.59E-01
PGLS	0.21	2.91E-01	0.15	4.59E-01
RABIF	0.04	8.51E-01	0.15	4.59E-01
RN7SL512P	-0.17	3.93E-01	-0.15	4.59E-01
RP11-2711.4	0.12	5.30E-01	0.15	4.59E-01
RP11-455F5.4	-0.09	6.43E-01	-0.15	4.59E-01
RP11-455J20.3	-0.15	4.36E-01	-0.15	4.59E-01
TMEM2	0.19	3.31E-01	-0.15	4.59E-01
VLDLR-AS1	-0.11	5.86E-01	-0.15	4.59E-01
ZBTB20-AS1	0.08	7.00E-01	-0.15	4.59E-01
ADAL	0.12	5.59E-01	0.15	4.60E-01
C1orf111	-0.15	4.34E-01	-0.15	4.60E-01
CTD-2201E9.1	0.04	8.52E-01	-0.15	4.60E-01
DAAM1	0.02	9.02E-01	-0.15	4.60E-01
DUTP2	-0.21	2.73E-01	-0.15	4.60E-01
FGF2	-0.13	5.01E-01	-0.15	4.60E-01
G16011	0.06	7.64E-01	-0.15	4.60E-01
GRK4	0.30	1.16E-01	0.15	4.60E-01
KIAA0355	-0.10	6.01E-01	0.15	4.60E-01
KRT8	-0.18	3.63E-01	-0.15	4.60E-01
LRP1	-0.21	2.73E-01	0.15	4.60E-01
LSR	0.25	2.07E-01	0.15	4.60E-01
MOBP	-0.20	3.18E-01	-0.15	4.60E-01
MRPL35P3	0.10	6.12E-01	0.15	4.60E-01
NOL11	0.13	5.10E-01	-0.15	4.60E-01
PGAP3	0.14	4.79E-01	0.15	4.60E-01
PHF3	-0.17	3.83E-01	-0.15	4.60E-01
PNMA2	0.05	8.02E-01	0.15	4.60E-01
RAB5A	0.31	1.12E-01	0.15	4.60E-01
RAPGEF1	0.13	4.95E-01	0.15	4.60E-01
RNU6-1050P	-0.12	5.35E-01	-0.15	4.60E-01
RP11-181K12.1	0.13	5.19E-01	0.15	4.60E-01
RP11-381E24.4	-0.06	7.50E-01	0.15	4.60E-01
RP11-47J17.3	-0.34	7.61E-02	-0.15	4.60E-01
RP4-678D15.1	0.28	1.52E-01	-0.15	4.60E-01
SERBP1P3	-0.17	3.81E-01	-0.15	4.60E-01
SLURP1	0.09	6.36E-01	0.15	4.60E-01
SNORD116-19	-0.06	7.47E-01	-0.15	4.60E-01
TRAF1	0.42	2.59E-02	0.15	4.60E-01
XXbac-B444P24.8	0.20	2.97E-01	0.15	4.60E-01
ZBTB20-AS2	-0.12	5.55E-01	-0.15	4.60E-01

ZCCHC9	0.07	7.17E-01	0.15	4.60E-01
ZNF843	-0.03	8.66E-01	0.15	4.60E-01
AC004156.3	-0.01	9.57E-01	0.15	4.61E-01
CHSY1	-0.16	4.16E-01	0.15	4.61E-01
CLDN11	-0.12	5.33E-01	0.15	4.61E-01
CRTC3-AS1	0.05	7.87E-01	-0.15	4.61E-01
CTD-3096M3.2	-0.13	5.04E-01	0.15	4.61E-01
CTD-3131K8.2	-0.25	1.93E-01	-0.15	4.61E-01
H2AFZP1	0.08	6.98E-01	-0.15	4.61E-01
IVL	0.29	1.37E-01	0.15	4.61E-01
KRTAP11-1	-0.20	3.09E-01	-0.15	4.61E-01
LA16c-380H5.1	-0.32	9.53E-02	0.15	4.61E-01
LINC00877	-0.05	7.96E-01	-0.15	4.61E-01
LINC01270	-0.13	5.06E-01	-0.15	4.61E-01
LYSMD3	0.12	5.41E-01	0.15	4.61E-01
LYST-AS1	-0.14	4.71E-01	-0.15	4.61E-01
MTERF3	0.19	3.24E-01	0.15	4.61E-01
PLXNB1	-0.04	8.32E-01	0.15	4.61E-01
RN7SKP26	-0.09	6.39E-01	0.15	4.61E-01
RNU6-122P	0.19	3.23E-01	0.15	4.61E-01
RP11-1055B8.3	-0.62	4.16E-04	-0.15	4.61E-01
RP11-111F5.8	-0.05	7.95E-01	-0.15	4.61E-01
RP11-166P13.4	0.05	7.88E-01	-0.15	4.61E-01
RP11-263C24.3	-0.16	4.08E-01	-0.15	4.61E-01
RP11-356I2.4	-0.39	4.06E-02	-0.15	4.61E-01
RP11-434D2.11	-0.09	6.55E-01	0.15	4.61E-01
RP11-455F5.3	0.43	2.10E-02	-0.15	4.61E-01
RP11-46D1.2	-0.06	7.60E-01	0.15	4.61E-01
RP11-894J14.2	0.00	9.89E-01	0.15	4.61E-01
RP13-923O23.6	-0.21	2.82E-01	0.15	4.61E-01
RP4-575N6.4	0.09	6.56E-01	-0.15	4.61E-01
RPSAP41	-0.19	3.33E-01	0.15	4.61E-01
SOX18	-0.22	2.59E-01	0.15	4.61E-01
ST18	0.02	9.16E-01	-0.15	4.61E-01
TP53INP2	0.14	4.80E-01	0.15	4.61E-01
TRAF3IP3	-0.07	7.40E-01	-0.15	4.61E-01
XLOC_011152	0.06	7.76E-01	0.15	4.61E-01
XLOC_011448	-0.24	2.18E-01	0.15	4.61E-01
ZC3HAV1L	0.16	4.29E-01	0.15	4.61E-01
ANKRD24	-0.35	6.61E-02	-0.15	4.62E-01
COX6CP1	0.18	3.52E-01	0.15	4.62E-01
CTC-338M12.6	-0.04	8.28E-01	-0.15	4.62E-01
FSD2	0.04	8.54E-01	-0.15	4.62E-01
G26757	0.04	8.33E-01	-0.15	4.62E-01
G32126	-0.28	1.55E-01	-0.15	4.62E-01
HSPA7	0.13	5.19E-01	0.15	4.62E-01
ITM2B	0.15	4.39E-01	0.15	4.62E-01

MMP1	-0.06	7.68E-01	0.15	4.62E-01
RAB23	-0.01	9.75E-01	0.15	4.62E-01
RNU6-580P	-0.09	6.40E-01	0.15	4.62E-01
RNU6-882P	-0.33	9.04E-02	-0.15	4.62E-01
RP4-778K6.3	0.04	8.52E-01	-0.15	4.62E-01
SRSF6	-0.05	7.93E-01	-0.15	4.62E-01
SRSF9	0.05	8.12E-01	0.15	4.62E-01
SUMO1	-0.12	5.31E-01	-0.15	4.62E-01
TGM2	0.18	3.60E-01	-0.15	4.62E-01
AC000123.2	0.00	9.93E-01	-0.15	4.63E-01
ACVR1C	-0.18	3.49E-01	0.15	4.63E-01
AKAP7	0.26	1.84E-01	-0.15	4.63E-01
BX322557.10	0.04	8.52E-01	-0.15	4.63E-01
C19orf80	-0.14	4.63E-01	0.15	4.63E-01
C2orf61	-0.05	7.83E-01	-0.15	4.63E-01
CALCB	0.10	6.00E-01	-0.15	4.63E-01
COPS8	-0.21	2.76E-01	-0.15	4.63E-01
CTD-2554C21.1	-0.11	5.65E-01	-0.15	4.63E-01
FAM196B	0.15	4.34E-01	-0.15	4.63E-01
FBLN1	-0.23	2.33E-01	-0.15	4.63E-01
FECH	0.14	4.70E-01	-0.15	4.63E-01
HNRNPA1P33	0.06	7.59E-01	-0.15	4.63E-01
KCND1	-0.40	3.70E-02	0.15	4.63E-01
KRAS	-0.01	9.44E-01	-0.15	4.63E-01
LRRFIP1P1	-0.23	2.29E-01	0.15	4.63E-01
RBP2	-0.13	5.00E-01	-0.15	4.63E-01
RP11-182N22.8	-0.08	7.00E-01	0.15	4.63E-01
RP5-1052I5.2	0.14	4.68E-01	-0.15	4.63E-01
SAMD11	-0.14	4.86E-01	0.15	4.63E-01
SPG11	-0.10	6.28E-01	-0.15	4.63E-01
SPRR2D	0.21	2.91E-01	0.15	4.63E-01
TRIM48	-0.13	5.06E-01	-0.15	4.63E-01
TRUB1	0.29	1.40E-01	0.15	4.63E-01
YRDC	0.06	7.79E-01	-0.15	4.63E-01
ZNRF2P3	-0.22	2.68E-01	0.15	4.63E-01
AC097721.1	0.01	9.78E-01	0.15	4.64E-01
ARL4D	0.00	9.82E-01	0.15	4.64E-01
CARNS1	-0.14	4.83E-01	-0.15	4.64E-01
CD58	0.14	4.84E-01	-0.15	4.64E-01
CTC-425O23.5	-0.01	9.79E-01	-0.15	4.64E-01
IGBP1P1	-0.29	1.32E-01	-0.15	4.64E-01
LINC01023	0.09	6.43E-01	-0.15	4.64E-01
MED13L	-0.24	2.26E-01	-0.15	4.64E-01
MIRLET7G	0.49	7.52E-03	-0.15	4.64E-01
MTIF3	0.06	7.59E-01	0.15	4.64E-01
NNMT	-0.18	3.48E-01	-0.15	4.64E-01
OR7E39P	-0.05	7.82E-01	0.15	4.64E-01

<b>RN7SL12P</b>	-0.49	8.28E-03	-0.15	4.64E-01
<b>RN7SL80P</b>	0.45	1.66E-02	0.15	4.64E-01
<b>RP11-133N21.7</b>	-0.07	7.26E-01	-0.15	4.64E-01
<b>RP11-705O24.1</b>	0.16	4.10E-01	-0.15	4.64E-01
<b>RP3-337H4.8</b>	0.06	7.51E-01	0.15	4.64E-01
<b>RP3-508I15.20</b>	-0.14	4.81E-01	0.15	4.64E-01
<b>SNORD8</b>	-0.05	8.11E-01	0.15	4.64E-01
<b>SPRR2E</b>	0.17	3.82E-01	0.15	4.64E-01
<b>TPT1</b>	0.21	2.79E-01	0.15	4.64E-01
<b>UGT1A5</b>	-0.25	1.94E-01	-0.15	4.64E-01
<b>WDR75</b>	0.20	3.19E-01	-0.15	4.64E-01
<b>XLOC_008855</b>	-0.34	7.72E-02	-0.15	4.64E-01
<b>ZNF841</b>	-0.35	7.03E-02	-0.15	4.64E-01
<b>ADIPOR1</b>	0.13	4.94E-01	0.15	4.65E-01
<b>AF213884.3</b>	-0.30	1.27E-01	0.15	4.65E-01
<b>CTD-3014M21.1</b>	-0.02	9.05E-01	0.15	4.65E-01
<b>CYP3A5</b>	-0.21	2.77E-01	-0.15	4.65E-01
<b>CYP4F23P</b>	0.06	7.51E-01	-0.15	4.65E-01
<b>ERHP2</b>	0.13	4.99E-01	0.15	4.65E-01
<b>GS1-54N10.1</b>	0.10	6.29E-01	0.15	4.65E-01
<b>H3F3AP4</b>	-0.13	5.21E-01	-0.15	4.65E-01
<b>IQCJ-SCHIP1-AS1</b>	-0.07	7.38E-01	0.15	4.65E-01
<b>LINC01012</b>	0.02	9.02E-01	0.15	4.65E-01
<b>LLPHP2</b>	0.06	7.72E-01	-0.15	4.65E-01
<b>MAPK13</b>	0.15	4.47E-01	0.15	4.65E-01
<b>MIR17HG</b>	0.21	2.87E-01	-0.15	4.65E-01
<b>MTMR12</b>	-0.06	7.48E-01	-0.15	4.65E-01
<b>NSRP1</b>	-0.11	5.86E-01	0.15	4.65E-01
<b>OMA1</b>	0.02	9.37E-01	0.15	4.65E-01
<b>PDCD6IP</b>	0.06	7.67E-01	-0.15	4.65E-01
<b>RNU6-167P</b>	0.07	7.22E-01	-0.15	4.65E-01
<b>RNU6-850P</b>	-0.01	9.79E-01	-0.15	4.65E-01
<b>RP11-295D4.4</b>	0.05	7.89E-01	0.15	4.65E-01
<b>RP11-398C13.6</b>	-0.26	1.81E-01	-0.15	4.65E-01
<b>RP11-529A4.7</b>	0.39	4.28E-02	-0.15	4.65E-01
<b>RP11-793H13.10</b>	0.12	5.51E-01	-0.15	4.65E-01
<b>RP4-697P8.3</b>	-0.29	1.29E-01	-0.15	4.65E-01
<b>SEPT14P4</b>	-0.26	1.77E-01	-0.15	4.65E-01
<b>SKA2</b>	0.09	6.47E-01	0.15	4.65E-01
<b>SLC46A1</b>	0.00	9.81E-01	-0.15	4.65E-01
<b>ZNF3</b>	0.14	4.85E-01	-0.15	4.65E-01
<b>AC084219.4</b>	0.08	6.93E-01	-0.15	4.66E-01
<b>AC090286.4</b>	-0.08	7.02E-01	-0.15	4.66E-01
<b>AC114730.11</b>	-0.12	5.42E-01	-0.15	4.66E-01
<b>CENPV</b>	0.03	8.83E-01	-0.15	4.66E-01
<b>CNTD1</b>	0.00	1.00E+00	-0.15	4.66E-01
<b>CTB-20D2.1</b>	-0.01	9.49E-01	-0.15	4.66E-01

<b>CTB-96E2.6</b>	0.08	6.75E-01	-0.15	4.66E-01
<b>CYP2A6</b>	0.25	2.00E-01	-0.15	4.66E-01
<b>ENTPD1-AS1</b>	0.02	9.23E-01	-0.15	4.66E-01
<b>GPRASP1</b>	-0.06	7.43E-01	-0.15	4.66E-01
<b>MEGF11</b>	-0.15	4.56E-01	-0.15	4.66E-01
<b>NFIB</b>	-0.36	6.03E-02	-0.15	4.66E-01
<b>PKI55</b>	0.28	1.53E-01	-0.15	4.66E-01
<b>POU3F3</b>	-0.26	1.86E-01	-0.15	4.66E-01
<b>RNF5P1</b>	-0.16	4.11E-01	-0.15	4.66E-01
<b>RP11-115N4.1</b>	-0.17	4.00E-01	-0.15	4.66E-01
<b>RP11-132M7.3</b>	-0.27	1.62E-01	-0.15	4.66E-01
<b>RP11-30K9.5</b>	-0.25	2.06E-01	-0.15	4.66E-01
<b>RP11-488L18.3</b>	0.06	7.60E-01	-0.15	4.66E-01
<b>UPB1</b>	-0.04	8.38E-01	-0.15	4.66E-01
<b>CCNE1</b>	0.15	4.54E-01	0.15	4.66E-01
<b>CXCL11</b>	0.07	7.41E-01	0.15	4.66E-01
<b>EIF3J-AS1</b>	-0.21	2.75E-01	0.15	4.66E-01
<b>G26252</b>	0.09	6.49E-01	0.15	4.66E-01
<b>KRT18P59</b>	0.06	7.51E-01	0.15	4.66E-01
<b>LPCAT2</b>	0.08	6.92E-01	0.15	4.66E-01
<b>MIF-AS1</b>	-0.28	1.51E-01	0.15	4.66E-01
<b>RP11-10A14.5</b>	0.11	5.61E-01	0.15	4.66E-01
<b>RP11-348B17.1</b>	-0.44	1.94E-02	0.15	4.66E-01
<b>SCARB2</b>	0.33	8.21E-02	0.15	4.66E-01
<b>SNORD46</b>	0.07	7.18E-01	0.15	4.66E-01
<b>TATDN2P2</b>	0.18	3.51E-01	0.15	4.66E-01
<b>TMPO-AS1</b>	-0.16	4.06E-01	0.15	4.66E-01
<b>ZBED8</b>	-0.09	6.54E-01	0.15	4.66E-01
<b>ABHD14B</b>	0.11	5.66E-01	0.15	4.67E-01
<b>AC005042.5</b>	0.01	9.61E-01	-0.15	4.67E-01
<b>CD34</b>	-0.15	4.44E-01	0.15	4.67E-01
<b>DBF4B</b>	0.04	8.38E-01	0.15	4.67E-01
<b>FUT9</b>	-0.04	8.59E-01	-0.15	4.67E-01
<b>G10019</b>	0.12	5.36E-01	-0.15	4.67E-01
<b>G10021</b>	0.27	1.59E-01	-0.15	4.67E-01
<b>G12194</b>	0.00	9.83E-01	-0.15	4.67E-01
<b>G17366</b>	-0.03	8.74E-01	-0.15	4.67E-01
<b>HEATR9</b>	-0.22	2.57E-01	-0.15	4.67E-01
<b>IGHV3-48</b>	0.38	4.62E-02	0.15	4.67E-01
<b>IL36RN</b>	0.27	1.72E-01	0.15	4.67E-01
<b>KRT71</b>	-0.06	7.65E-01	0.15	4.67E-01
<b>KSR2</b>	0.37	5.14E-02	-0.15	4.67E-01
<b>LILRA4</b>	0.19	3.36E-01	0.15	4.67E-01
<b>MCCC1</b>	0.01	9.42E-01	0.15	4.67E-01
<b>MXRA8</b>	-0.27	1.70E-01	0.15	4.67E-01
<b>PDE12</b>	0.30	1.20E-01	-0.15	4.67E-01
<b>PLEKHG4</b>	0.34	7.59E-02	0.15	4.67E-01



PTBP2	-0.15	4.33E-01	-0.15	4.67E-01
RAD21	0.02	9.06E-01	0.15	4.67E-01
RAP1GAP2	0.22	2.67E-01	0.15	4.67E-01
RARG	0.25	1.92E-01	-0.15	4.67E-01
RNF11	0.38	4.41E-02	0.15	4.67E-01
RP11-247I13.3	-0.01	9.53E-01	0.15	4.67E-01
RP11-350J20.12	0.10	6.11E-01	0.15	4.67E-01
RP11-36I17.2	-0.31	1.10E-01	0.15	4.67E-01
RP11-537H15.3	0.15	4.45E-01	-0.15	4.67E-01
RP11-759A24.1	-0.01	9.77E-01	0.15	4.67E-01
SARAF	-0.03	8.65E-01	-0.15	4.67E-01
SEMA5A	-0.11	5.90E-01	-0.15	4.67E-01
SHFM1	-0.05	7.97E-01	0.15	4.67E-01
ST3GAL3	-0.07	7.25E-01	0.15	4.67E-01
VIPR2	-0.03	8.82E-01	0.15	4.67E-01
VWA9	0.08	6.81E-01	0.15	4.67E-01
WDR90	-0.13	5.15E-01	-0.15	4.67E-01
bP-21264C1.1	-0.05	7.89E-01	0.15	4.67E-01
ADGRL4	-0.32	9.99E-02	-0.15	4.67E-01
AP000654.4	-0.18	3.67E-01	0.15	4.67E-01
CD300LG	-0.10	6.15E-01	0.15	4.67E-01
CDSN	0.42	2.71E-02	0.15	4.67E-01
CYTH2	-0.23	2.49E-01	0.15	4.67E-01
DTX2P1	-0.18	3.66E-01	0.15	4.67E-01
E4F1	-0.07	7.26E-01	-0.15	4.67E-01
FCER1A	0.16	4.06E-01	-0.15	4.67E-01
G30965	-0.17	3.79E-01	-0.15	4.67E-01
G31765	-0.27	1.67E-01	-0.15	4.67E-01
IER5	0.30	1.17E-01	0.15	4.67E-01
NAIP	0.11	5.82E-01	0.15	4.67E-01
NRG3	-0.21	2.80E-01	-0.15	4.67E-01
OAZ1	0.13	4.94E-01	0.15	4.67E-01
RP11-1079K10.3	-0.15	4.59E-01	-0.15	4.67E-01
RP11-166B2.5	0.35	7.12E-02	-0.15	4.67E-01
RP11-225N10.1	0.09	6.64E-01	0.15	4.67E-01
RP11-365O16.5	0.06	7.64E-01	-0.15	4.67E-01
RP11-540A21.2	-0.02	9.37E-01	-0.15	4.67E-01
RP11-54O7.17	0.02	9.36E-01	0.15	4.67E-01
RP11-798G7.7	-0.16	4.29E-01	-0.15	4.67E-01
SETD7	0.08	6.74E-01	-0.15	4.67E-01
SLC6A2	-0.07	7.33E-01	-0.15	4.67E-01
TPI1	0.20	2.97E-01	0.15	4.67E-01
WEE2-AS1	0.26	1.85E-01	0.15	4.67E-01
YBX1P6	-0.02	9.13E-01	0.15	4.67E-01
Z83844.1	0.12	5.52E-01	-0.15	4.67E-01
ZMAT5	0.10	6.27E-01	0.15	4.67E-01
ZNF849P	0.20	3.14E-01	0.15	4.67E-01

AL138498.1	-0.07	7.24E-01	-0.15	4.68E-01
CTD-3076O17.2	-0.02	9.20E-01	-0.15	4.68E-01
DDAH2	-0.15	4.37E-01	-0.15	4.68E-01
DHX38	-0.16	4.04E-01	0.15	4.68E-01
ESYT2	-0.10	6.18E-01	-0.15	4.68E-01
FBXL20	-0.02	9.17E-01	0.15	4.68E-01
G39828	-0.40	3.43E-02	0.15	4.68E-01
G7052	0.10	5.99E-01	-0.15	4.68E-01
GRIN3B	0.01	9.47E-01	0.15	4.68E-01
MAP3K8	-0.29	1.33E-01	-0.15	4.68E-01
MOCOS	-0.04	8.50E-01	-0.15	4.68E-01
NALCN	-0.25	2.06E-01	0.15	4.68E-01
NCOA7-AS1	-0.20	2.98E-01	-0.15	4.68E-01
NHEJ1	0.34	7.69E-02	-0.15	4.68E-01
RAB27B	0.18	3.68E-01	-0.15	4.68E-01
RNU6-1171P	0.19	3.21E-01	-0.15	4.68E-01
RNU7-119P	-0.27	1.72E-01	-0.15	4.68E-01
RNU7-123P	0.23	2.37E-01	-0.15	4.68E-01
RP1-288H2.2	-0.35	6.98E-02	-0.15	4.68E-01
RP1-317E23.3	-0.29	1.33E-01	0.15	4.68E-01
RP1-86D1.5	0.12	5.46E-01	0.15	4.68E-01
RP11-204K16.1	-0.03	8.83E-01	0.15	4.68E-01
RP11-401N16.2	-0.05	7.99E-01	0.15	4.68E-01
RP11-403I13.7	0.25	1.92E-01	-0.15	4.68E-01
RP11-91P24.1	-0.09	6.44E-01	0.15	4.68E-01
RPL23AP77	-0.05	7.97E-01	0.15	4.68E-01
RSPH6A	0.15	4.61E-01	0.15	4.68E-01
SIGLEC17P	0.13	5.04E-01	-0.15	4.68E-01
SPINT4	-0.03	8.62E-01	0.15	4.68E-01
TBC1D7	-0.22	2.63E-01	0.15	4.68E-01
TRGV9	0.11	5.93E-01	0.15	4.68E-01
TRIM36	0.35	6.61E-02	-0.15	4.68E-01
UNC119	-0.01	9.56E-01	0.15	4.68E-01
XLOC_000852	0.07	7.19E-01	0.15	4.68E-01
AC073569.1	-0.13	5.04E-01	-0.15	4.69E-01
AC092964.1	-0.44	1.89E-02	-0.15	4.69E-01
CMPK1	0.15	4.31E-01	-0.15	4.69E-01
DMRT2	0.23	2.44E-01	-0.15	4.69E-01
DSCAS	0.10	6.25E-01	-0.15	4.69E-01
FAM66B	0.23	2.35E-01	-0.15	4.69E-01
G24850	0.04	8.36E-01	-0.15	4.69E-01
IL7	0.07	7.20E-01	-0.15	4.69E-01
KHDRBS3	0.12	5.30E-01	-0.15	4.69E-01
MAZ	0.03	8.65E-01	0.15	4.69E-01
MEOX2	-0.39	4.10E-02	0.15	4.69E-01
MIR4512	0.00	9.90E-01	-0.15	4.69E-01
NFKBIA	0.14	4.78E-01	0.15	4.69E-01

PHF5A	0.04	8.38E-01	-0.15	4.69E-01
RNU6-574P	-0.11	5.82E-01	-0.15	4.69E-01
RP11-176H8.3	0.20	3.16E-01	0.15	4.69E-01
RP11-182L21.5	-0.16	4.19E-01	-0.15	4.69E-01
RP11-266L9.8	-0.17	3.96E-01	0.15	4.69E-01
RP11-503N18.5	0.06	7.70E-01	-0.15	4.69E-01
RP11-718B12.5	-0.16	4.12E-01	0.15	4.69E-01
SERPINB9	0.23	2.48E-01	0.15	4.69E-01
SPOP	-0.04	8.45E-01	0.15	4.69E-01
SUMO2	0.14	4.66E-01	-0.15	4.69E-01
UGT8	-0.19	3.31E-01	-0.15	4.69E-01
AL049758.2	-0.11	5.87E-01	0.15	4.70E-01
ARG2	0.19	3.32E-01	0.15	4.70E-01
C9orf170	-0.32	9.99E-02	0.15	4.70E-01
CBLC	0.27	1.59E-01	0.15	4.70E-01
HDAC8	0.24	2.17E-01	0.15	4.70E-01
LENG8-AS1	0.28	1.48E-01	0.15	4.70E-01
LINC01564	0.13	5.14E-01	0.15	4.70E-01
MTHFD1P1	-0.06	7.57E-01	0.15	4.70E-01
RP11-147L13.15	-0.04	8.28E-01	0.15	4.70E-01
RP11-699L21.1	-0.13	5.00E-01	0.15	4.70E-01
TUFT1	-0.20	3.20E-01	0.15	4.70E-01
TUG1	-0.14	4.81E-01	0.15	4.70E-01
VNN3	0.27	1.67E-01	0.15	4.70E-01
AC006461.2	0.27	1.68E-01	-0.15	4.70E-01
AC108456.1	-0.42	2.60E-02	-0.15	4.70E-01
AP000640.10	0.11	5.62E-01	-0.15	4.70E-01
CPLX1	-0.04	8.52E-01	-0.15	4.70E-01
CTB-31N19.3	-0.24	2.10E-01	-0.15	4.70E-01
RANBP6	-0.01	9.67E-01	-0.15	4.70E-01
RNU6-1141P	-0.06	7.73E-01	-0.15	4.70E-01
RP11-122C5.2	-0.26	1.77E-01	-0.15	4.70E-01
RP11-379J5.5	0.04	8.52E-01	-0.15	4.70E-01
RP11-490K7.4	-0.10	5.97E-01	-0.15	4.70E-01
RP11-77P6.2	0.04	8.27E-01	-0.15	4.70E-01
RP11-863P13.6	0.18	3.60E-01	-0.15	4.70E-01
RP11-96C23.14	0.18	3.52E-01	-0.15	4.70E-01
RPP21	-0.12	5.41E-01	-0.15	4.70E-01
RPSAP70	-0.42	2.53E-02	-0.15	4.70E-01
USP17L4	-0.10	6.25E-01	-0.15	4.70E-01
XLOC_010144	-0.16	4.09E-01	-0.15	4.70E-01
ALDH1L1	-0.14	4.66E-01	-0.14	4.71E-01
C14orf105	-0.14	4.90E-01	-0.14	4.71E-01
CH507-42P11.7	-0.08	6.96E-01	-0.14	4.71E-01
CTD-2353F22.1	-0.09	6.59E-01	-0.14	4.71E-01
DNAJC19P7	-0.01	9.79E-01	-0.14	4.71E-01
EPDR1	-0.27	1.58E-01	-0.14	4.71E-01

EYS	-0.17	3.91E-01	-0.14	4.71E-01
PATL2	-0.18	3.58E-01	-0.14	4.71E-01
PDGFB	-0.17	3.96E-01	-0.14	4.71E-01
PSMD10P1	-0.04	8.46E-01	-0.14	4.71E-01
RAB40B	-0.12	5.44E-01	-0.14	4.71E-01
RNU6-74P	-0.01	9.51E-01	-0.14	4.71E-01
RP11-35J10.6	-0.16	4.06E-01	-0.14	4.71E-01
RP11-503E24.2	0.16	4.30E-01	-0.14	4.71E-01
RP11-673F18.1	0.04	8.53E-01	-0.14	4.71E-01
RP11-864I4.4	-0.18	3.69E-01	-0.14	4.71E-01
SLC27A5	-0.07	7.30E-01	-0.14	4.71E-01
TVP23B	0.16	4.12E-01	-0.14	4.71E-01
ZNF37BP	-0.27	1.71E-01	-0.14	4.71E-01
AC090616.2	-0.06	7.65E-01	0.14	4.71E-01
ACTC1	0.12	5.48E-01	0.14	4.71E-01
C22orf39	-0.29	1.29E-01	0.14	4.71E-01
COX7CP1	-0.16	4.03E-01	0.14	4.71E-01
GCDH	0.31	1.04E-01	0.14	4.71E-01
HIST2H2AA4	-0.04	8.50E-01	0.14	4.71E-01
KLHL2P1	-0.20	3.01E-01	0.14	4.71E-01
LGALS1	-0.21	2.95E-01	0.14	4.71E-01
LMO2	0.25	1.93E-01	0.14	4.71E-01
PTGER3	0.15	4.58E-01	0.14	4.71E-01
RNFT2	0.12	5.33E-01	0.14	4.71E-01
RNU6-1053P	-0.12	5.53E-01	0.14	4.71E-01
SNX6	0.20	3.08E-01	0.14	4.71E-01
SYNGAP1	0.13	5.07E-01	0.14	4.71E-01
ABCC11	-0.11	5.86E-01	-0.14	4.72E-01
AC079610.1	0.03	8.77E-01	-0.14	4.72E-01
AC093627.9	0.17	3.79E-01	0.14	4.72E-01
ACVR1B	-0.09	6.54E-01	0.14	4.72E-01
AGMO	0.12	5.35E-01	0.14	4.72E-01
B3GALNT1P1	0.34	7.79E-02	-0.14	4.72E-01
CCNH	0.14	4.65E-01	-0.14	4.72E-01
CRNN	-0.02	9.03E-01	-0.14	4.72E-01
CTB-31O20.8	0.05	8.14E-01	0.14	4.72E-01
CTD-2269F5.1	-0.39	3.97E-02	-0.14	4.72E-01
CTGLF12P	-0.11	5.84E-01	-0.14	4.72E-01
DBF4P1	0.03	8.61E-01	-0.14	4.72E-01
EZR	-0.25	2.04E-01	-0.14	4.72E-01
FPGT-TNNI3K	-0.03	8.79E-01	-0.14	4.72E-01
HSD17B1P1	0.32	9.84E-02	-0.14	4.72E-01
LY86-AS1	0.20	2.98E-01	-0.14	4.72E-01
MAP7D2	0.37	5.58E-02	0.14	4.72E-01
NAT6	0.20	3.02E-01	0.14	4.72E-01
NCOA4	0.04	8.30E-01	-0.14	4.72E-01
NUTM2B	0.18	3.47E-01	-0.14	4.72E-01

PDZD3	-0.35	6.91E-02	-0.14	4.72E-01
PRKRIRP7	0.31	1.10E-01	-0.14	4.72E-01
RAB3IL1	-0.18	3.57E-01	-0.14	4.72E-01
RCC2P4	0.11	5.70E-01	-0.14	4.72E-01
RN7SKP150	-0.18	3.57E-01	0.14	4.72E-01
RN7SL45P	-0.13	4.94E-01	0.14	4.72E-01
RN7SL81P	-0.27	1.67E-01	0.14	4.72E-01
RP11-280K24.4	0.02	9.17E-01	-0.14	4.72E-01
RP11-351M16.4	0.14	4.76E-01	0.14	4.72E-01
RP11-420A6.2	-0.03	8.86E-01	-0.14	4.72E-01
RP11-454L9.2	-0.63	3.00E-04	-0.14	4.72E-01
RP11-70D24.3	0.32	9.36E-02	-0.14	4.72E-01
THBD	0.38	4.78E-02	0.14	4.72E-01
TRAJ29	0.23	2.29E-01	-0.14	4.72E-01
UBN2	-0.29	1.33E-01	-0.14	4.72E-01
ZNF525	-0.20	2.97E-01	-0.14	4.72E-01
AC011752.1	0.00	9.91E-01	-0.14	4.73E-01
ACP6	-0.07	7.14E-01	-0.14	4.73E-01
ACTN4	0.07	7.35E-01	-0.14	4.73E-01
AF196970.3	0.02	9.34E-01	-0.14	4.73E-01
DLG1	-0.04	8.29E-01	-0.14	4.73E-01
GGTA1P	0.21	2.85E-01	0.14	4.73E-01
KRTAP16-1	-0.09	6.39E-01	0.14	4.73E-01
NF1	-0.15	4.54E-01	-0.14	4.73E-01
RC3H1-IT1	-0.17	3.78E-01	-0.14	4.73E-01
RP11-521L9.2	0.05	8.10E-01	0.14	4.73E-01
RP13-216E22.5	0.16	4.24E-01	-0.14	4.73E-01
RP3-525L6.2	-0.11	5.71E-01	0.14	4.73E-01
RP5-1107A17.3	-0.23	2.29E-01	0.14	4.73E-01
SMIM1	0.09	6.54E-01	0.14	4.73E-01
STPG1	0.31	1.14E-01	-0.14	4.73E-01
TMEM182	0.25	1.96E-01	0.14	4.73E-01
XLOC_001065	-0.10	6.17E-01	0.14	4.73E-01
YWHAZP3	-0.15	4.45E-01	0.14	4.73E-01
ATP5H	0.01	9.51E-01	0.14	4.74E-01
C17orf96	0.12	5.38E-01	0.14	4.74E-01
C6orf1	-0.01	9.77E-01	0.14	4.74E-01
KEAP1	0.08	6.69E-01	0.14	4.74E-01
RP11-1055B8.9	-0.06	7.46E-01	0.14	4.74E-01
RP11-192N10.2	0.11	5.85E-01	0.14	4.74E-01
RP11-713P17.5	-0.12	5.55E-01	0.14	4.74E-01
RP11-88H9.2	0.31	1.09E-01	0.14	4.74E-01
SNW1	0.02	9.37E-01	0.14	4.74E-01
SYNGR2	0.19	3.36E-01	0.14	4.74E-01
TUT1	0.05	7.87E-01	0.14	4.74E-01
ZBTB8OSP1	-0.21	2.76E-01	0.14	4.74E-01
AC004837.5	0.06	7.72E-01	-0.14	4.74E-01

AC026271.5	-0.04	8.30E-01	-0.14	4.74E-01
BBS2	-0.25	2.07E-01	-0.14	4.74E-01
EIF1P6	0.27	1.68E-01	-0.14	4.74E-01
FBXL3	-0.12	5.52E-01	-0.14	4.74E-01
GK-IT1	0.04	8.52E-01	-0.14	4.74E-01
HMG1P2	-0.12	5.56E-01	-0.14	4.74E-01
MTMR8	-0.12	5.49E-01	-0.14	4.74E-01
MXD3	0.04	8.31E-01	-0.14	4.74E-01
RP11-17E4.1	-0.13	5.12E-01	-0.14	4.74E-01
XLOC_004069	-0.07	7.23E-01	-0.14	4.74E-01
AC069154.4	0.17	3.96E-01	-0.14	4.75E-01
AC083899.3	0.04	8.59E-01	-0.14	4.75E-01
AL035610.2	-0.11	5.81E-01	-0.14	4.75E-01
C16orf72	0.30	1.18E-01	0.14	4.75E-01
CAPZA2	0.04	8.57E-01	-0.14	4.75E-01
CCDC74B	0.18	3.62E-01	-0.14	4.75E-01
KCTD14	0.04	8.45E-01	-0.14	4.75E-01
LRPAP1	0.18	3.66E-01	0.14	4.75E-01
MLLT10P1	0.16	4.13E-01	-0.14	4.75E-01
MOCS1	0.14	4.68E-01	0.14	4.75E-01
NKAPP1	-0.23	2.50E-01	-0.14	4.75E-01
PPM1D	0.24	2.24E-01	0.14	4.75E-01
RNF212B	-0.09	6.35E-01	-0.14	4.75E-01
ROGDI	0.14	4.84E-01	0.14	4.75E-01
RP11-144G7.2	-0.29	1.40E-01	0.14	4.75E-01
RP11-245C17.2	-0.03	8.95E-01	0.14	4.75E-01
RP11-342M21.2	-0.13	5.20E-01	0.14	4.75E-01
RP11-567M16.2	-0.20	3.01E-01	0.14	4.75E-01
RP5-1142J19.2	0.14	4.91E-01	-0.14	4.75E-01
SCAMP1-AS1	0.05	8.08E-01	0.14	4.75E-01
XLOC_007942	-0.25	2.07E-01	-0.14	4.75E-01
XLOC_013263	-0.17	3.79E-01	-0.14	4.75E-01
ZNF713	-0.01	9.51E-01	-0.14	4.75E-01
AC147651.4	0.23	2.31E-01	-0.14	4.76E-01
CCDC124	0.03	8.62E-01	0.14	4.76E-01
CTB-113P19.5	-0.10	5.95E-01	0.14	4.76E-01
CTD-2270P14.1	-0.12	5.30E-01	-0.14	4.76E-01
CUEDC2	-0.09	6.63E-01	0.14	4.76E-01
DUSP23	-0.06	7.45E-01	0.14	4.76E-01
GSC	0.59	9.64E-04	0.14	4.76E-01
LCE3C	0.23	2.32E-01	0.14	4.76E-01
LRRC75A	0.10	6.11E-01	-0.14	4.76E-01
LYRM2	0.14	4.79E-01	0.14	4.76E-01
MLH3	0.16	4.26E-01	0.14	4.76E-01
MLX	0.25	1.96E-01	0.14	4.76E-01
OFD1P17	-0.18	3.46E-01	-0.14	4.76E-01
PPIAP30	-0.08	7.00E-01	-0.14	4.76E-01

PURA	-0.14	4.87E-01	-0.14	4.76E-01
RP11-196B3.3	0.03	8.77E-01	-0.14	4.76E-01
RP11-346D14.1	-0.40	3.39E-02	-0.14	4.76E-01
RP11-448G15.3	-0.01	9.69E-01	-0.14	4.76E-01
RP11-461L13.5	-0.07	7.24E-01	0.14	4.76E-01
RP11-4B16.4	-0.01	9.78E-01	0.14	4.76E-01
RP11-736K20.5	-0.33	9.12E-02	-0.14	4.76E-01
RP11-824M15.3	-0.05	7.94E-01	-0.14	4.76E-01
RP5-968J1.1	0.12	5.48E-01	0.14	4.76E-01
RPL7P18	0.25	2.08E-01	0.14	4.76E-01
RPL7P26	-0.16	4.14E-01	0.14	4.76E-01
STPG2	-0.17	3.75E-01	0.14	4.76E-01
TBCK	-0.04	8.57E-01	-0.14	4.76E-01
TLR6	0.04	8.40E-01	0.14	4.76E-01
TNNI1	0.09	6.36E-01	0.14	4.76E-01
VPS37D	0.14	4.88E-01	0.14	4.76E-01
AC008065.1	0.12	5.28E-01	-0.14	4.77E-01
ACVR2A	0.29	1.33E-01	-0.14	4.77E-01
BNIPL	-0.07	7.20E-01	0.14	4.77E-01
C9orf139	-0.03	8.83E-01	0.14	4.77E-01
CECR5	0.04	8.57E-01	0.14	4.77E-01
CEP85	0.04	8.28E-01	-0.14	4.77E-01
CNIH3	-0.08	7.00E-01	0.14	4.77E-01
CTB-134H23.2	0.13	5.09E-01	0.14	4.77E-01
CYB5R4	0.08	6.99E-01	0.14	4.77E-01
EFHB	0.27	1.61E-01	0.14	4.77E-01
EIF4HP2	-0.19	3.26E-01	-0.14	4.77E-01
G31401	-0.30	1.25E-01	-0.14	4.77E-01
MIR3193	0.18	3.69E-01	0.14	4.77E-01
NUDT5	0.16	4.04E-01	0.14	4.77E-01
PAPOLB	-0.20	3.01E-01	0.14	4.77E-01
PPM1B	0.10	6.22E-01	-0.14	4.77E-01
RDH12	0.42	2.56E-02	0.14	4.77E-01
RNF19A	-0.12	5.35E-01	0.14	4.77E-01
RP11-196G11.2	-0.01	9.56E-01	-0.14	4.77E-01
RP11-30K9.1	-0.17	3.74E-01	-0.14	4.77E-01
RP11-342K6.3	0.00	9.90E-01	-0.14	4.77E-01
RP11-44F14.1	0.00	9.87E-01	-0.14	4.77E-01
RP11-632K20.7	-0.02	9.23E-01	-0.14	4.77E-01
SAMD1	0.33	8.34E-02	0.14	4.77E-01
SCARNA21	0.12	5.43E-01	0.14	4.77E-01
TBC1D19	-0.35	6.50E-02	-0.14	4.77E-01
TMEM53	-0.01	9.45E-01	0.14	4.77E-01
TTN-AS1	0.08	6.87E-01	-0.14	4.77E-01
UBL4A	-0.04	8.43E-01	0.14	4.77E-01
UTP15	0.02	9.33E-01	-0.14	4.77E-01
VMAC	-0.03	8.98E-01	0.14	4.77E-01

<b>ALOX12P2</b>	-0.05	7.92E-01	-0.14	4.78E-01
<b>ANKRD37</b>	-0.05	8.14E-01	-0.14	4.78E-01
<b>ASAP1</b>	0.04	8.53E-01	0.14	4.78E-01
<b>CCL8</b>	0.16	4.02E-01	0.14	4.78E-01
<b>CD14</b>	0.08	6.92E-01	0.14	4.78E-01
<b>CNOT2</b>	0.01	9.74E-01	-0.14	4.78E-01
<b>COQ2</b>	0.01	9.76E-01	-0.14	4.78E-01
<b>CPA5</b>	-0.08	6.73E-01	0.14	4.78E-01
<b>CTD-2215L10.1</b>	0.23	2.41E-01	0.14	4.78E-01
<b>HS6ST1</b>	0.23	2.44E-01	0.14	4.78E-01
<b>KIF25</b>	0.04	8.57E-01	0.14	4.78E-01
<b>LMBR1L</b>	0.15	4.55E-01	0.14	4.78E-01
<b>POLI</b>	-0.04	8.52E-01	-0.14	4.78E-01
<b>RN7SL364P</b>	-0.16	4.14E-01	0.14	4.78E-01
<b>RN7SL67P</b>	-0.27	1.66E-01	0.14	4.78E-01
<b>RP11-293A21.2</b>	0.03	8.78E-01	0.14	4.78E-01
<b>RP11-361H10.3</b>	0.19	3.35E-01	-0.14	4.78E-01
<b>RP11-415J8.7</b>	0.08	6.76E-01	0.14	4.78E-01
<b>RP11-464D20.2</b>	0.08	6.87E-01	0.14	4.78E-01
<b>RP11-502M1.2</b>	-0.09	6.62E-01	0.14	4.78E-01
<b>RP11-52J3.3</b>	0.10	6.22E-01	-0.14	4.78E-01
<b>RP11-544A12.8</b>	-0.07	7.39E-01	-0.14	4.78E-01
<b>RP11-655M14.13</b>	-0.13	5.21E-01	-0.14	4.78E-01
<b>RP4-803J11.2</b>	0.05	7.95E-01	-0.14	4.78E-01
<b>RP5-979D14.1</b>	-0.09	6.65E-01	0.14	4.78E-01
<b>RPL3P2</b>	-0.41	2.88E-02	0.14	4.78E-01
<b>SCML2</b>	0.16	4.05E-01	-0.14	4.78E-01
<b>SECISBP2L</b>	0.22	2.70E-01	-0.14	4.78E-01
<b>SETD6</b>	-0.11	5.60E-01	0.14	4.78E-01
<b>SLC22A4</b>	0.20	2.97E-01	-0.14	4.78E-01
<b>SPEG</b>	0.04	8.28E-01	0.14	4.78E-01
<b>XKR4</b>	-0.42	2.74E-02	-0.14	4.78E-01
<b>AC015849.16</b>	0.00	9.97E-01	0.14	4.79E-01
<b>AC020550.7</b>	0.46	1.47E-02	-0.14	4.79E-01
<b>AC115522.3</b>	0.10	6.19E-01	0.14	4.79E-01
<b>AC140061.12</b>	-0.05	7.91E-01	0.14	4.79E-01
<b>AGAP6</b>	-0.22	2.67E-01	-0.14	4.79E-01
<b>ARL6IP5</b>	-0.05	7.92E-01	-0.14	4.79E-01
<b>C15orf57</b>	0.12	5.43E-01	0.14	4.79E-01
<b>CTD-2583P5.1</b>	0.01	9.54E-01	0.14	4.79E-01
<b>DCLK3</b>	-0.27	1.69E-01	0.14	4.79E-01
<b>DGKZP1</b>	0.06	7.58E-01	0.14	4.79E-01
<b>FXR2</b>	0.14	4.73E-01	-0.14	4.79E-01
<b>G2592</b>	0.01	9.63E-01	-0.14	4.79E-01
<b>G42437</b>	-0.04	8.24E-01	-0.14	4.79E-01
<b>KCTD15</b>	0.11	5.75E-01	0.14	4.79E-01
<b>KRT8P38</b>	0.12	5.44E-01	-0.14	4.79E-01



MIF	-0.53	3.57E-03	0.14	4.79E-01
MIR3138	-0.05	8.16E-01	0.14	4.79E-01
PARPBP	0.11	5.85E-01	-0.14	4.79E-01
PSMD2	0.05	7.87E-01	0.14	4.79E-01
PTPN14	-0.09	6.46E-01	-0.14	4.79E-01
RP11-112J1.1	-0.10	6.14E-01	0.14	4.79E-01
RP11-166O4.6	0.01	9.67E-01	-0.14	4.79E-01
RP11-320N21.1	0.16	4.09E-01	-0.14	4.79E-01
RP11-324F21.1	-0.03	8.81E-01	-0.14	4.79E-01
RP11-60C6.8	-0.01	9.40E-01	0.14	4.79E-01
SF3A1	-0.21	2.76E-01	0.14	4.79E-01
SLC20A2	0.07	7.32E-01	-0.14	4.79E-01
SUGT1P3	0.04	8.38E-01	-0.14	4.79E-01
TSPAN4	-0.07	7.05E-01	0.14	4.79E-01
XLOC_010005	-0.14	4.66E-01	0.14	4.79E-01
XLOC_011005	-0.21	2.76E-01	-0.14	4.79E-01
ZBTB47	0.07	7.15E-01	0.14	4.79E-01
AC004257.1	-0.26	1.76E-01	0.14	4.80E-01
ACOT13	0.25	2.09E-01	0.14	4.80E-01
C1orf21	-0.23	2.31E-01	-0.14	4.80E-01
C1orf61	0.28	1.44E-01	0.14	4.80E-01
CTB-55O6.10	-0.25	1.93E-01	-0.14	4.80E-01
DPCD	-0.08	6.96E-01	0.14	4.80E-01
E2F1	-0.13	5.23E-01	-0.14	4.80E-01
EBAG9P1	-0.18	3.49E-01	-0.14	4.80E-01
EEF1A1P12	0.23	2.37E-01	0.14	4.80E-01
EIF4E3	-0.44	2.03E-02	-0.14	4.80E-01
FRS3	-0.14	4.74E-01	0.14	4.80E-01
GABRG3	-0.12	5.50E-01	0.14	4.80E-01
GS1-24F4.2	0.04	8.50E-01	-0.14	4.80E-01
HAP1	0.07	7.25E-01	-0.14	4.80E-01
IMPDH1	0.00	9.89E-01	0.14	4.80E-01
KIF19	-0.04	8.36E-01	-0.14	4.80E-01
LINC00342	-0.31	1.09E-01	-0.14	4.80E-01
MGAM2	-0.14	4.86E-01	-0.14	4.80E-01
NR2F6	0.06	7.70E-01	0.14	4.80E-01
PAK6	0.34	7.32E-02	0.14	4.80E-01
PHYHD1	-0.23	2.50E-01	-0.14	4.80E-01
PLAC4	-0.31	1.14E-01	-0.14	4.80E-01
PNO1	0.15	4.36E-01	-0.14	4.80E-01
RAMP2-AS1	0.11	5.65E-01	-0.14	4.80E-01
RNU6-1215P	0.01	9.59E-01	-0.14	4.80E-01
ROBO3	-0.17	3.93E-01	-0.14	4.80E-01
RP11-214O1.2	0.00	9.85E-01	0.14	4.80E-01
RP11-262A16.1	0.24	2.25E-01	0.14	4.80E-01
RP11-269G24.4	-0.29	1.41E-01	-0.14	4.80E-01
RP11-731D1.3	-0.03	8.92E-01	0.14	4.80E-01

RP11-776H12.1	0.08	6.95E-01	0.14	4.80E-01
RP11-800A18.4	0.15	4.54E-01	-0.14	4.80E-01
XLOC_001907	-0.10	6.22E-01	-0.14	4.80E-01
ZFP64	-0.10	6.14E-01	0.14	4.80E-01
ZNF30	0.08	6.69E-01	-0.14	4.80E-01
AL353671.4	0.30	1.18E-01	-0.14	4.81E-01
CDRT1	0.02	9.15E-01	-0.14	4.81E-01
FAM212B	0.49	7.79E-03	-0.14	4.81E-01
G13446	0.01	9.59E-01	-0.14	4.81E-01
G9105	0.18	3.49E-01	0.14	4.81E-01
GALR2	0.18	3.55E-01	0.14	4.81E-01
HLA-L	0.10	5.98E-01	0.14	4.81E-01
HSPB3	-0.14	4.81E-01	0.14	4.81E-01
IPO4	0.12	5.27E-01	-0.14	4.81E-01
LRR8A	0.25	1.98E-01	0.14	4.81E-01
MAMDC4	-0.22	2.54E-01	-0.14	4.81E-01
MTCYBP18	0.05	8.01E-01	-0.14	4.81E-01
RNF170	0.22	2.66E-01	0.14	4.81E-01
RNU6-1127P	-0.19	3.31E-01	0.14	4.81E-01
RNU6-377P	0.03	8.63E-01	-0.14	4.81E-01
RP11-333J10.3	-0.06	7.64E-01	-0.14	4.81E-01
RP11-428J1.4	0.00	9.85E-01	0.14	4.81E-01
RP4-639F20.1	-0.02	9.24E-01	-0.14	4.81E-01
TBCAP3	0.01	9.78E-01	0.14	4.81E-01
UBQLN1	0.07	7.35E-01	-0.14	4.81E-01
ZKSCAN7	0.08	6.88E-01	0.14	4.81E-01
AC009303.3	-0.12	5.31E-01	0.14	4.82E-01
ACAN	0.15	4.60E-01	0.14	4.82E-01
BAX	0.23	2.41E-01	0.14	4.82E-01
C11orf94	0.17	4.01E-01	-0.14	4.82E-01
CRYGS	-0.11	5.87E-01	-0.14	4.82E-01
CTD-2313J17.1	-0.08	6.72E-01	0.14	4.82E-01
DDX6	0.05	7.98E-01	0.14	4.82E-01
EPHA3	-0.24	2.18E-01	0.14	4.82E-01
FBXO38	-0.04	8.25E-01	-0.14	4.82E-01
G32334	-0.09	6.56E-01	-0.14	4.82E-01
GUCY2D	-0.32	9.81E-02	0.14	4.82E-01
KLHDC3	0.02	9.29E-01	0.14	4.82E-01
MTG1	-0.02	9.31E-01	0.14	4.82E-01
NDRG2	0.33	8.29E-02	0.14	4.82E-01
NIP7	0.19	3.22E-01	-0.14	4.82E-01
NR2E1	-0.14	4.86E-01	0.14	4.82E-01
PROX1	0.20	3.09E-01	0.14	4.82E-01
RAD52	-0.08	6.72E-01	0.14	4.82E-01
RP11-255H23.5	-0.26	1.74E-01	-0.14	4.82E-01
RP11-259O2.3	-0.14	4.93E-01	-0.14	4.82E-01
RP11-517C16.2	-0.17	4.01E-01	0.14	4.82E-01

THBS4	0.08	6.76E-01	0.14	4.82E-01
TMEM92	0.38	4.74E-02	0.14	4.82E-01
ZEB2-AS1	-0.40	3.45E-02	-0.14	4.82E-01
ATP5D	0.17	3.73E-01	0.14	4.83E-01
CEBPZOS	-0.05	7.88E-01	0.14	4.83E-01
ETFDH	0.01	9.40E-01	0.14	4.83E-01
KLK7	0.10	6.08E-01	0.14	4.83E-01
NDUFC1	0.13	5.09E-01	0.14	4.83E-01
PYM1	0.32	9.33E-02	0.14	4.83E-01
RP11-526D8.11	-0.11	5.89E-01	0.14	4.83E-01
RP11-540O11.6	0.01	9.65E-01	0.14	4.83E-01
RP11-867G23.8	0.15	4.59E-01	0.14	4.83E-01
RPL7P19	-0.11	5.82E-01	0.14	4.83E-01
TGM3	0.27	1.62E-01	0.14	4.83E-01
TRBV5-1	0.07	7.06E-01	0.14	4.83E-01
XLOC_002840	-0.22	2.71E-01	0.14	4.83E-01
XLOC_004122	0.04	8.32E-01	0.14	4.83E-01
AC004851.1	-0.11	5.84E-01	-0.14	4.83E-01
AC072062.3	0.01	9.44E-01	-0.14	4.83E-01
CES4A	-0.25	1.92E-01	-0.14	4.83E-01
ESF1	-0.04	8.38E-01	-0.14	4.83E-01
KB-1410C5.3	0.23	2.42E-01	-0.14	4.83E-01
LFNG	0.34	7.61E-02	-0.14	4.83E-01
PPA1	0.01	9.65E-01	-0.14	4.83E-01
RP11-329B9.4	-0.14	4.71E-01	-0.14	4.83E-01
RPS4X	-0.19	3.29E-01	-0.14	4.83E-01
THCAT158	0.04	8.32E-01	-0.14	4.83E-01
TMEM136	-0.24	2.23E-01	-0.14	4.83E-01
TMEM27	0.12	5.32E-01	-0.14	4.83E-01
AL441988.1	-0.07	7.09E-01	-0.14	4.84E-01
BUD13P1	0.01	9.46E-01	-0.14	4.84E-01
CDS2	-0.11	5.82E-01	-0.14	4.84E-01
CTD-2194D22.3	-0.09	6.42E-01	-0.14	4.84E-01
G13124	0.28	1.53E-01	-0.14	4.84E-01
GSR	0.24	2.15E-01	-0.14	4.84E-01
MIR374B	0.31	1.03E-01	-0.14	4.84E-01
PRELID1P4	-0.23	2.47E-01	-0.14	4.84E-01
PSMG2	0.11	5.88E-01	-0.14	4.84E-01
RP1-7G5.6	-0.28	1.56E-01	-0.14	4.84E-01
RP11-51B23.3	0.03	8.61E-01	-0.14	4.84E-01
RP11-702L15.4	0.16	4.03E-01	-0.14	4.84E-01
RP3-425C14.5	-0.03	8.87E-01	-0.14	4.84E-01
SUSD4	0.23	2.47E-01	-0.14	4.84E-01
TBC1D4	0.01	9.63E-01	-0.14	4.84E-01
AC016738.3	-0.15	4.53E-01	0.14	4.84E-01
ARSF	0.17	3.91E-01	0.14	4.84E-01
CMTM3	-0.02	9.36E-01	0.14	4.84E-01

DCAF6	0.26	1.90E-01	0.14	4.84E-01
DNAH5	0.14	4.88E-01	0.14	4.84E-01
DNPEP	0.11	5.63E-01	0.14	4.84E-01
EGLN1	0.22	2.50E-01	0.14	4.84E-01
FUS	-0.22	2.67E-01	0.14	4.84E-01
GPRIN1	-0.09	6.35E-01	0.14	4.84E-01
IFIT5	0.32	1.02E-01	0.14	4.84E-01
MCOLN2	0.06	7.50E-01	0.14	4.84E-01
OCIAD2	0.03	8.75E-01	0.14	4.84E-01
RNA5SP179	-0.16	4.06E-01	0.14	4.84E-01
RNF43	-0.08	6.90E-01	0.14	4.84E-01
RP1-302G2.5	0.10	6.01E-01	0.14	4.84E-01
RP11-556H2.3	0.15	4.56E-01	0.14	4.84E-01
RP11-890B15.2	0.17	3.99E-01	0.14	4.84E-01
TRAPPC12	-0.04	8.42E-01	0.14	4.84E-01
XLOC_007955	-0.17	3.73E-01	0.14	4.84E-01
AC137932.6	-0.01	9.47E-01	-0.14	4.85E-01
AVPR2	-0.35	6.50E-02	0.14	4.85E-01
CTB-37A13.1	0.12	5.38E-01	0.14	4.85E-01
DSCAML1	0.23	2.43E-01	0.14	4.85E-01
G16904	-0.11	5.94E-01	-0.14	4.85E-01
GABARAP	-0.13	5.19E-01	0.14	4.85E-01
GJB3	-0.13	4.99E-01	-0.14	4.85E-01
GVQW2	-0.15	4.38E-01	-0.14	4.85E-01
HTATIP2	0.06	7.52E-01	0.14	4.85E-01
KB-1410C5.2	-0.02	9.04E-01	-0.14	4.85E-01
KB-1907C4.2	-0.03	8.93E-01	0.14	4.85E-01
LINC00202-1	0.09	6.63E-01	-0.14	4.85E-01
LYN	0.20	2.98E-01	0.14	4.85E-01
MRPL50	0.11	5.68E-01	-0.14	4.85E-01
NPM2	-0.04	8.51E-01	0.14	4.85E-01
PHBP7	-0.04	8.27E-01	-0.14	4.85E-01
PRKAR1A	0.24	2.11E-01	-0.14	4.85E-01
PTPN1	0.31	1.10E-01	-0.14	4.85E-01
RAB6B	-0.14	4.63E-01	0.14	4.85E-01
RN7SKP296	-0.01	9.61E-01	-0.14	4.85E-01
RNU4-24P	0.30	1.19E-01	-0.14	4.85E-01
RNU6-571P	0.11	5.78E-01	-0.14	4.85E-01
RNU7-107P	-0.38	4.39E-02	0.14	4.85E-01
RNU7-41P	-0.03	8.97E-01	-0.14	4.85E-01
RP1-102E24.10	-0.38	4.64E-02	0.14	4.85E-01
RP11-523O18.5	-0.34	7.46E-02	0.14	4.85E-01
RP11-707G14.8	-0.04	8.38E-01	-0.14	4.85E-01
RP11-745A24.1	-0.09	6.45E-01	-0.14	4.85E-01
RP4-635A23.3	-0.16	4.27E-01	0.14	4.85E-01
RP4-765C7.2	-0.26	1.78E-01	-0.14	4.85E-01
RSAD2	0.34	7.95E-02	0.14	4.85E-01

SARDH	0.05	8.14E-01	0.14	4.85E-01
SELO	0.05	8.05E-01	0.14	4.85E-01
STAU2	0.24	2.15E-01	0.14	4.85E-01
TMEM80	-0.42	2.62E-02	-0.14	4.85E-01
TUBGCP5	0.20	3.16E-01	0.14	4.85E-01
ZNF57	-0.26	1.75E-01	-0.14	4.85E-01
FBXO44	-0.02	9.16E-01	0.14	4.86E-01
MAN1A1	-0.03	8.77E-01	0.14	4.86E-01
MAT2A	-0.02	9.08E-01	0.14	4.86E-01
PHTF1	-0.22	2.63E-01	0.14	4.86E-01
RP11-214F16.8	-0.12	5.30E-01	0.14	4.86E-01
RP11-43N5.1	-0.23	2.35E-01	0.14	4.86E-01
SMPD1	0.25	1.95E-01	0.14	4.86E-01
TRAPPC1	0.12	5.52E-01	0.14	4.86E-01
AC093616.4	-0.36	5.80E-02	-0.14	4.86E-01
CCBE1	-0.32	9.96E-02	-0.14	4.86E-01
CSRNP2	0.02	9.00E-01	-0.14	4.86E-01
CTD-2553L13.7	-0.08	6.91E-01	-0.14	4.86E-01
CWC15	-0.05	8.02E-01	-0.14	4.86E-01
FAM35CP	-0.35	6.87E-02	-0.14	4.86E-01
FKBP1C	0.07	7.21E-01	-0.14	4.86E-01
G40303	0.13	5.14E-01	-0.14	4.86E-01
HSPE1P18	-0.04	8.43E-01	-0.14	4.86E-01
KDM7A	0.30	1.20E-01	-0.14	4.86E-01
LYRM7	-0.10	6.04E-01	-0.14	4.86E-01
RP11-123O10.4	0.00	9.83E-01	-0.14	4.86E-01
RP11-346E8.1	-0.12	5.45E-01	-0.14	4.86E-01
RP11-396F22.1	-0.37	5.03E-02	-0.14	4.86E-01
RP6-74O6.6	-0.17	4.01E-01	-0.14	4.86E-01
SDHAP3	0.09	6.50E-01	-0.14	4.86E-01
SMIM4	0.06	7.67E-01	-0.14	4.86E-01
ALKBH7	0.02	9.36E-01	0.14	4.86E-01
C14orf93	0.11	5.76E-01	0.14	4.86E-01
CXCL10	0.14	4.73E-01	0.14	4.86E-01
ESPNL	0.55	2.37E-03	0.14	4.86E-01
G37296	0.16	4.10E-01	0.14	4.86E-01
HOXA11-AS	-0.14	4.89E-01	0.14	4.86E-01
MMP10	0.10	6.08E-01	0.14	4.86E-01
OR7E126P	-0.26	1.88E-01	0.14	4.86E-01
RN7SL263P	-0.12	5.31E-01	0.14	4.86E-01
SERTAD4-AS1	-0.20	3.00E-01	0.14	4.86E-01
SSSCA1-AS1	0.41	3.14E-02	0.14	4.86E-01
TMEM44	0.05	8.03E-01	0.14	4.86E-01
XLOC_013124	0.30	1.25E-01	0.14	4.86E-01
ALG9	-0.03	8.80E-01	-0.14	4.86E-01
BNC2	0.17	3.73E-01	-0.14	4.86E-01
CA6	0.05	8.13E-01	-0.14	4.86E-01

<b>FBLN7</b>	-0.24	2.23E-01	-0.14	4.86E-01
<b>G3630</b>	-0.12	5.53E-01	-0.14	4.86E-01
<b>HNRNPLP1</b>	-0.35	7.15E-02	-0.14	4.86E-01
<b>MINCR</b>	-0.04	8.23E-01	-0.14	4.86E-01
<b>MIR3682</b>	-0.10	6.28E-01	-0.14	4.86E-01
<b>N4BP2L2-IT2</b>	-0.22	2.59E-01	-0.14	4.86E-01
<b>PCBP3-OT1</b>	0.27	1.59E-01	-0.14	4.86E-01
<b>RN7SL412P</b>	0.00	9.85E-01	-0.14	4.86E-01
<b>RN7SL543P</b>	-0.31	1.04E-01	-0.14	4.86E-01
<b>RP11-20B24.6</b>	-0.40	3.55E-02	-0.14	4.86E-01
<b>RP11-467L19.14</b>	-0.17	3.78E-01	-0.14	4.86E-01
<b>RP11-501J20.5</b>	-0.30	1.18E-01	-0.14	4.86E-01
<b>RP4-742J24.2</b>	0.07	7.24E-01	-0.14	4.86E-01
<b>SCLT1</b>	0.04	8.55E-01	-0.14	4.86E-01
<b>SLK</b>	-0.05	7.83E-01	-0.14	4.86E-01
<b>SRSF2</b>	0.18	3.71E-01	-0.14	4.86E-01
<b>ZNF485</b>	0.18	3.62E-01	-0.14	4.86E-01
<b>AC091153.4</b>	-0.32	9.47E-02	0.14	4.87E-01
<b>ASB1</b>	0.09	6.55E-01	-0.14	4.87E-01
<b>BCL2L12</b>	0.07	7.11E-01	0.14	4.87E-01
<b>DCDC2</b>	0.01	9.53E-01	0.14	4.87E-01
<b>H6PD</b>	0.20	2.98E-01	0.14	4.87E-01
<b>MIB1</b>	0.00	9.98E-01	-0.14	4.87E-01
<b>MIR3145</b>	0.24	2.15E-01	-0.14	4.87E-01
<b>NPEPPS</b>	-0.08	6.81E-01	0.14	4.87E-01
<b>PRKAB2</b>	-0.19	3.29E-01	-0.14	4.87E-01
<b>PUS1</b>	0.15	4.33E-01	0.14	4.87E-01
<b>RERG-AS1</b>	-0.23	2.33E-01	-0.14	4.87E-01
<b>RN7SL615P</b>	0.28	1.49E-01	0.14	4.87E-01
<b>RP11-212I21.4</b>	-0.04	8.46E-01	-0.14	4.87E-01
<b>RP11-438F14.10</b>	0.01	9.66E-01	-0.14	4.87E-01
<b>RP11-535A19.1</b>	0.07	7.11E-01	-0.14	4.87E-01
<b>RP11-661A12.9</b>	-0.23	2.34E-01	-0.14	4.87E-01
<b>RP4-800G7.2</b>	0.12	5.57E-01	-0.14	4.87E-01
<b>RP5-1021I20.2</b>	-0.22	2.52E-01	-0.14	4.87E-01
<b>SUMO2P16</b>	-0.18	3.48E-01	-0.14	4.87E-01
<b>ZC3H18</b>	-0.05	8.14E-01	0.14	4.87E-01
<b>ZFP91</b>	0.15	4.50E-01	-0.14	4.87E-01
<b>AC017074.2</b>	0.09	6.67E-01	-0.14	4.88E-01
<b>AFG3L1P</b>	-0.20	3.05E-01	-0.14	4.88E-01
<b>ANKRD20A14P</b>	0.26	1.76E-01	-0.14	4.88E-01
<b>FAM90A25P</b>	-0.02	9.00E-01	-0.14	4.88E-01
<b>FTH1P25</b>	-0.09	6.39E-01	-0.14	4.88E-01
<b>GNB5</b>	0.18	3.72E-01	0.14	4.88E-01
<b>HNRNPA0</b>	0.34	8.13E-02	0.14	4.88E-01
<b>ING1</b>	-0.10	5.96E-01	-0.14	4.88E-01
<b>MYRIP</b>	-0.36	6.33E-02	0.14	4.88E-01

<b>RP1-80N2.4</b>	-0.18	3.68E-01	-0.14	4.88E-01
<b>RP11-151A6.4</b>	-0.13	5.15E-01	0.14	4.88E-01
<b>RP11-164P12.5</b>	0.14	4.69E-01	0.14	4.88E-01
<b>RP11-477E3.2</b>	0.30	1.17E-01	-0.14	4.88E-01
<b>RPL23AP70</b>	0.11	5.87E-01	0.14	4.88E-01
<b>SH2D1B</b>	0.02	9.39E-01	-0.14	4.88E-01
<b>SLC36A1</b>	0.19	3.46E-01	0.14	4.88E-01
<b>TIMM8B</b>	0.16	4.30E-01	0.14	4.88E-01
<b>TLR4</b>	-0.09	6.65E-01	0.14	4.88E-01
<b>XLOC_012945</b>	-0.13	5.12E-01	-0.14	4.88E-01
<b>ACSS2</b>	-0.01	9.42E-01	-0.14	4.89E-01
<b>BDH2</b>	-0.26	1.88E-01	-0.14	4.89E-01
<b>BTNL8</b>	0.09	6.52E-01	-0.14	4.89E-01
<b>CTD-2233K9.1</b>	0.19	3.36E-01	-0.14	4.89E-01
<b>CTD-2600O9.2</b>	-0.36	6.15E-02	-0.14	4.89E-01
<b>DERL3</b>	-0.02	9.36E-01	-0.14	4.89E-01
<b>GNL3</b>	0.14	4.65E-01	-0.14	4.89E-01
<b>GRM3</b>	-0.26	1.73E-01	-0.14	4.89E-01
<b>KRT8P36</b>	-0.06	7.48E-01	-0.14	4.89E-01
<b>NCKAP5L</b>	0.00	9.81E-01	-0.14	4.89E-01
<b>OR52I1</b>	0.28	1.51E-01	-0.14	4.89E-01
<b>PPP3CB-AS1</b>	-0.31	1.04E-01	-0.14	4.89E-01
<b>RP11-126O1.5</b>	-0.06	7.59E-01	-0.14	4.89E-01
<b>RP11-136F16.1</b>	-0.24	2.09E-01	-0.14	4.89E-01
<b>RP11-152F13.7</b>	-0.14	4.72E-01	-0.14	4.89E-01
<b>RP11-359I18.5</b>	0.12	5.48E-01	-0.14	4.89E-01
<b>RP11-466F5.4</b>	0.10	5.96E-01	-0.14	4.89E-01
<b>RP11-894J14.5</b>	-0.02	9.32E-01	-0.14	4.89E-01
<b>RP11-96D1.10</b>	-0.34	7.32E-02	-0.14	4.89E-01
<b>RP5-1063M23.1</b>	-0.08	7.00E-01	-0.14	4.89E-01
<b>ST8SIA6</b>	0.04	8.37E-01	-0.14	4.89E-01
<b>ZNF32-AS2</b>	-0.08	6.85E-01	-0.14	4.89E-01
<b>ATPIF1</b>	0.00	9.94E-01	0.14	4.89E-01
<b>B3GNT5</b>	0.13	5.19E-01	0.14	4.89E-01
<b>CTB-161M19.4</b>	-0.01	9.50E-01	0.14	4.89E-01
<b>DNAJB2</b>	-0.20	3.15E-01	0.14	4.89E-01
<b>FAM53A</b>	0.00	9.91E-01	0.14	4.89E-01
<b>IGHV3-74</b>	0.28	1.42E-01	0.14	4.89E-01
<b>MIR4252</b>	-0.03	8.64E-01	0.14	4.89E-01
<b>NTN1</b>	-0.19	3.37E-01	0.14	4.89E-01
<b>PHF23</b>	0.16	4.09E-01	0.14	4.89E-01
<b>PIAS3</b>	-0.03	8.73E-01	0.14	4.89E-01
<b>RP11-146I2.1</b>	-0.13	5.23E-01	0.14	4.89E-01
<b>RP11-567P17.2</b>	0.16	4.27E-01	0.14	4.89E-01
<b>XLOC_008357</b>	-0.17	3.86E-01	0.14	4.89E-01
<b>Xbac-BPG249D20.</b>	-0.08	6.87E-01	0.14	4.89E-01
<b>AC006273.5</b>	-0.07	7.16E-01	-0.14	4.90E-01

CCDC144CP	-0.01	9.77E-01	0.14	4.90E-01
CPEB2-AS1	0.00	9.85E-01	-0.14	4.90E-01
CXCL13	0.13	5.23E-01	0.14	4.90E-01
DESI1	0.15	4.61E-01	0.14	4.90E-01
EIF2S1	0.19	3.26E-01	-0.14	4.90E-01
HBP1	-0.09	6.47E-01	0.14	4.90E-01
HMGB1P3	-0.20	3.09E-01	-0.14	4.90E-01
LINC00893	-0.17	3.76E-01	-0.14	4.90E-01
LINC00959	0.25	1.96E-01	0.14	4.90E-01
LRRC42	-0.04	8.55E-01	-0.14	4.90E-01
MIR3143	0.06	7.71E-01	-0.14	4.90E-01
MTND2P2	-0.22	2.68E-01	-0.14	4.90E-01
PHLDA3	0.22	2.53E-01	0.14	4.90E-01
PIBF1	-0.01	9.55E-01	-0.14	4.90E-01
PRKRIP1	-0.25	2.06E-01	0.14	4.90E-01
PUM1	0.09	6.62E-01	0.14	4.90E-01
RN7SL833P	0.35	6.48E-02	-0.14	4.90E-01
RNU6-773P	-0.27	1.61E-01	-0.14	4.90E-01
RP11-201O14.2	0.10	6.15E-01	0.14	4.90E-01
RP11-266N13.2	-0.13	5.17E-01	-0.14	4.90E-01
RP11-318K15.2	0.09	6.39E-01	0.14	4.90E-01
RP11-613M5.2	-0.07	7.38E-01	-0.14	4.90E-01
RP11-730A19.5	0.07	7.26E-01	-0.14	4.90E-01
RP11-747H7.1	-0.14	4.66E-01	-0.14	4.90E-01
RP11-83B20.5	-0.27	1.69E-01	-0.14	4.90E-01
RP5-1061H20.4	-0.17	3.97E-01	0.14	4.90E-01
SNAP47	0.07	7.17E-01	0.14	4.90E-01
SRGAP2C	-0.19	3.29E-01	0.14	4.90E-01
SYCP3	-0.05	8.19E-01	-0.14	4.90E-01
TTC27	0.07	7.19E-01	-0.14	4.90E-01
ZNF320	-0.06	7.43E-01	-0.14	4.90E-01
ZNF454	-0.05	7.87E-01	0.14	4.90E-01
AC097382.5	0.16	4.18E-01	0.14	4.91E-01
AC108059.4	0.04	8.24E-01	0.14	4.91E-01
AL133243.3	-0.32	9.59E-02	0.14	4.91E-01
AMZ1	0.16	4.06E-01	0.14	4.91E-01
ANKRD20A19P	-0.25	1.92E-01	-0.14	4.91E-01
ASB7	0.16	4.06E-01	0.14	4.91E-01
DPP9	-0.04	8.45E-01	0.14	4.91E-01
EIF3KP1	-0.03	8.79E-01	-0.14	4.91E-01
EVI2A	0.34	7.89E-02	0.14	4.91E-01
FBXO5	0.08	6.79E-01	-0.14	4.91E-01
FSIP1	-0.24	2.26E-01	-0.14	4.91E-01
GFM1	0.20	3.02E-01	-0.14	4.91E-01
LSS	-0.08	6.73E-01	-0.14	4.91E-01
MLST8	0.06	7.59E-01	0.14	4.91E-01
MT-RNR2	0.37	5.29E-02	0.14	4.91E-01



MTNR1A	0.25	1.98E-01	0.14	4.91E-01
NAALADL2	-0.23	2.30E-01	-0.14	4.91E-01
RAB34	0.09	6.41E-01	0.14	4.91E-01
REEP2	-0.04	8.55E-01	-0.14	4.91E-01
RP11-247113.11	0.01	9.71E-01	-0.14	4.91E-01
SNORD3B-1	0.09	6.57E-01	0.14	4.91E-01
VWC2L	-0.32	9.30E-02	-0.14	4.91E-01
XLOC_005053	0.19	3.38E-01	-0.14	4.91E-01
ZNF664	0.25	1.94E-01	0.14	4.91E-01
ZNF746	-0.08	6.89E-01	0.14	4.91E-01
AP000437.3	-0.23	2.38E-01	0.14	4.92E-01
CIRBP	0.09	6.36E-01	0.14	4.92E-01
CTC-391G2.1	0.12	5.43E-01	0.14	4.92E-01
CYP17A1	-0.29	1.34E-01	0.14	4.92E-01
DHX35	0.03	8.61E-01	0.14	4.92E-01
DNAJB12	0.28	1.42E-01	0.14	4.92E-01
MAL	-0.01	9.56E-01	0.14	4.92E-01
MED28	0.02	9.09E-01	0.14	4.92E-01
RN7SL671P	0.29	1.35E-01	0.14	4.92E-01
RP1-159A19.3	-0.08	7.00E-01	0.14	4.92E-01
RP11-321N4.4	0.07	7.18E-01	0.14	4.92E-01
THEM4	0.14	4.65E-01	0.14	4.92E-01
TMEM229A	0.09	6.37E-01	0.14	4.92E-01
G12797	0.28	1.48E-01	-0.14	4.92E-01
MEIS1-AS2	0.17	4.01E-01	-0.14	4.92E-01
MOCS3	0.16	4.20E-01	-0.14	4.92E-01
NOVA1	-0.30	1.24E-01	-0.14	4.92E-01
ODF2L	-0.13	5.11E-01	-0.14	4.92E-01
RASL10A	0.11	5.64E-01	-0.14	4.92E-01
RBM22P2	-0.10	6.28E-01	-0.14	4.92E-01
STX2	-0.07	7.38E-01	-0.14	4.92E-01
TMPPE	0.02	9.18E-01	-0.14	4.92E-01
CCDC7	0.00	9.99E-01	-0.14	4.93E-01
CPNE3	-0.08	6.96E-01	-0.14	4.93E-01
CTD-2196E14.6	0.09	6.40E-01	-0.14	4.93E-01
CTD-2286N8.1	-0.05	7.97E-01	-0.14	4.93E-01
ETS1	0.19	3.20E-01	0.14	4.93E-01
FAAH2	0.13	5.25E-01	0.14	4.93E-01
G25988	-0.02	9.01E-01	-0.14	4.93E-01
G5664	0.23	2.43E-01	-0.14	4.93E-01
LINC01465	0.06	7.53E-01	-0.14	4.93E-01
LYPD2	-0.08	6.87E-01	0.14	4.93E-01
MRPL57P8	0.27	1.69E-01	-0.14	4.93E-01
PCNXL2	-0.08	6.69E-01	-0.14	4.93E-01
PHF20L1	0.22	2.60E-01	-0.14	4.93E-01
PNISR	-0.23	2.31E-01	-0.14	4.93E-01
PPP2R3C	-0.05	8.11E-01	0.14	4.93E-01

<b>RP11-481C4.2</b>	-0.13	4.96E-01	-0.14	4.93E-01
<b>RP11-482M8.1</b>	-0.05	7.87E-01	0.14	4.93E-01
<b>RP11-49K24.3</b>	0.13	5.26E-01	-0.14	4.93E-01
<b>RP11-588G21.2</b>	0.19	3.39E-01	0.14	4.93E-01
<b>RP11-75A9.3</b>	-0.04	8.36E-01	-0.14	4.93E-01
<b>RP3-512B11.3</b>	-0.02	9.08E-01	0.14	4.93E-01
<b>RP4-564F22.7</b>	0.16	4.24E-01	-0.14	4.93E-01
<b>SLC6A17</b>	-0.58	1.19E-03	-0.14	4.93E-01
<b>SLC9A7</b>	0.19	3.38E-01	0.14	4.93E-01
<b>SNORA7</b>	-0.17	3.95E-01	-0.14	4.93E-01
<b>SPATA21</b>	-0.07	7.28E-01	0.14	4.93E-01
<b>TSC2</b>	-0.07	7.14E-01	0.14	4.93E-01
<b>AC007191.4</b>	0.05	8.13E-01	-0.14	4.94E-01
<b>ACSF2</b>	-0.10	5.97E-01	-0.14	4.94E-01
<b>MASP2</b>	-0.22	2.56E-01	-0.14	4.94E-01
<b>MTRF1LP1</b>	-0.01	9.53E-01	-0.14	4.94E-01
<b>NRDE2</b>	0.10	6.10E-01	-0.14	4.94E-01
<b>RNU6-1161P</b>	0.19	3.24E-01	-0.14	4.94E-01
<b>RP1-102E24.6</b>	-0.05	8.16E-01	-0.14	4.94E-01
<b>RP11-15B17.4</b>	-0.34	7.84E-02	-0.14	4.94E-01
<b>RP11-286N3.2</b>	-0.08	6.94E-01	-0.14	4.94E-01
<b>RP11-305O6.4</b>	-0.06	7.70E-01	-0.14	4.94E-01
<b>RP11-787D18.2</b>	-0.04	8.46E-01	-0.14	4.94E-01
<b>SELK</b>	0.02	9.31E-01	-0.14	4.94E-01
<b>ZBTB41</b>	-0.02	9.37E-01	-0.14	4.94E-01
<b>CD52</b>	-0.19	3.20E-01	0.14	4.94E-01
<b>CLDND1</b>	0.11	5.70E-01	0.14	4.94E-01
<b>CMP21-97G8.1</b>	0.12	5.27E-01	0.14	4.94E-01
<b>COL6A4P2</b>	0.07	7.32E-01	0.14	4.94E-01
<b>COX4I1</b>	-0.01	9.60E-01	0.14	4.94E-01
<b>HMG2P30</b>	0.14	4.85E-01	0.14	4.94E-01
<b>INTS7</b>	0.07	7.15E-01	0.14	4.94E-01
<b>MEOX1</b>	0.06	7.81E-01	0.14	4.94E-01
<b>MPST</b>	0.07	7.27E-01	0.14	4.94E-01
<b>PHACTR4</b>	0.04	8.32E-01	0.14	4.94E-01
<b>RET</b>	0.05	8.09E-01	0.14	4.94E-01
<b>RP11-382A20.7</b>	-0.20	3.09E-01	0.14	4.94E-01
<b>RP11-466A19.6</b>	-0.05	8.04E-01	0.14	4.94E-01
<b>RP4-612B15.3</b>	0.07	7.19E-01	0.14	4.94E-01
<b>SH2B1</b>	-0.13	5.26E-01	0.14	4.94E-01
<b>TEP1</b>	-0.13	5.00E-01	0.14	4.94E-01
<b>ZNF267</b>	-0.13	5.08E-01	0.14	4.94E-01
<b>AC002551.1</b>	-0.18	3.52E-01	-0.14	4.95E-01
<b>AC004158.3</b>	-0.19	3.37E-01	-0.14	4.95E-01
<b>AC019070.1</b>	-0.05	8.05E-01	-0.14	4.95E-01
<b>AC068620.1</b>	0.09	6.55E-01	-0.14	4.95E-01
<b>ACTG1P1</b>	-0.36	5.86E-02	-0.14	4.95E-01

CD1D	0.23	2.33E-01	-0.14	4.95E-01
CDRT4	-0.44	1.84E-02	-0.14	4.95E-01
DEFB109P3	-0.10	6.13E-01	-0.14	4.95E-01
FAM21FP	-0.26	1.84E-01	-0.14	4.95E-01
FAXDC2	0.42	2.65E-02	-0.14	4.95E-01
FNBP4	0.04	8.31E-01	-0.14	4.95E-01
G26573	-0.11	5.90E-01	-0.14	4.95E-01
H3F3C	0.11	5.69E-01	-0.14	4.95E-01
KRT7	-0.21	2.93E-01	-0.14	4.95E-01
LRTOMT	0.01	9.49E-01	-0.14	4.95E-01
NR4A1	-0.19	3.30E-01	-0.14	4.95E-01
PLA2G5	0.18	3.50E-01	-0.14	4.95E-01
RNU6-522P	-0.08	6.92E-01	-0.14	4.95E-01
RNU6-724P	0.06	7.63E-01	-0.14	4.95E-01
RP1-117O3.2	-0.23	2.47E-01	-0.14	4.95E-01
RP11-292B8.1	-0.39	4.00E-02	-0.14	4.95E-01
RP11-478C1.8	-0.36	6.09E-02	-0.14	4.95E-01
RP4-791M13.5	0.01	9.74E-01	-0.14	4.95E-01
SLC4A9	0.18	3.61E-01	-0.14	4.95E-01
TSPAN6	0.15	4.48E-01	-0.14	4.95E-01
ATXN2L	0.03	8.90E-01	0.14	4.95E-01
CMC2	0.10	6.29E-01	0.14	4.95E-01
EEPDI	0.10	6.12E-01	0.14	4.95E-01
FAM161B	0.21	2.91E-01	0.14	4.95E-01
GATA3-AS1	-0.48	9.61E-03	0.14	4.95E-01
MSTO1	0.03	8.68E-01	0.14	4.95E-01
RP11-752G15.10	0.32	9.81E-02	0.14	4.95E-01
RP3-404F18.5	0.39	3.76E-02	0.14	4.95E-01
RPL26P35	0.43	2.32E-02	0.14	4.95E-01
TM9SF4	0.11	5.84E-01	0.14	4.95E-01
UBE2L6	0.25	2.07E-01	0.14	4.95E-01
AGAP8	0.08	6.82E-01	-0.14	4.96E-01
ALOX12P1	-0.23	2.35E-01	0.14	4.96E-01
CCNL1	0.00	9.92E-01	-0.14	4.96E-01
CDKN1B	-0.19	3.44E-01	-0.14	4.96E-01
CLUH	0.19	3.39E-01	0.14	4.96E-01
CTC-448F2.6	-0.09	6.47E-01	-0.14	4.96E-01
G43235	-0.06	7.75E-01	-0.14	4.96E-01
GP5	0.32	9.18E-02	0.14	4.96E-01
HGS	0.15	4.60E-01	0.14	4.96E-01
HMCN2	0.00	9.82E-01	0.14	4.96E-01
KIAA1551	0.23	2.50E-01	0.14	4.96E-01
LINC00092	-0.21	2.83E-01	0.14	4.96E-01
MICAL1	-0.12	5.41E-01	0.14	4.96E-01
MRPS23	0.04	8.25E-01	-0.14	4.96E-01
MTSS1L	-0.19	3.43E-01	0.14	4.96E-01
NANP	0.30	1.16E-01	-0.14	4.96E-01

PPIC	0.14	4.62E-01	0.14	4.96E-01
RBBP5	0.31	1.12E-01	-0.14	4.96E-01
RNA5SP210	-0.10	6.31E-01	-0.14	4.96E-01
RNU2-63P	0.06	7.64E-01	0.14	4.96E-01
RNU6-606P	0.08	6.97E-01	0.14	4.96E-01
RP11-173A16.2	0.13	5.12E-01	-0.14	4.96E-01
RP11-206L10.9	-0.01	9.40E-01	-0.14	4.96E-01
RP11-303E16.5	0.09	6.35E-01	-0.14	4.96E-01
RP11-322E11.3	0.21	2.80E-01	0.14	4.96E-01
RP11-399J13.2	-0.12	5.40E-01	-0.14	4.96E-01
RP11-782C8.2	-0.14	4.64E-01	0.14	4.96E-01
RTN4R	-0.03	8.64E-01	-0.14	4.96E-01
SDSL	0.00	9.86E-01	-0.14	4.96E-01
SEPSECS	-0.17	3.91E-01	-0.14	4.96E-01
SEPT7P9	-0.28	1.44E-01	-0.14	4.96E-01
ST6GALNAC4	0.35	6.98E-02	0.14	4.96E-01
TADA3	0.29	1.32E-01	0.14	4.96E-01
UAP1	0.15	4.60E-01	0.14	4.96E-01
URM1	0.10	6.10E-01	0.14	4.96E-01
ZNF501	-0.09	6.65E-01	-0.14	4.96E-01
AC009299.2	0.13	5.00E-01	-0.14	4.97E-01
AF131215.2	-0.06	7.60E-01	-0.14	4.97E-01
AMER2	-0.17	3.87E-01	-0.14	4.97E-01
AREG	0.07	7.24E-01	-0.14	4.97E-01
C17orf51	0.04	8.24E-01	0.14	4.97E-01
CACTIN	-0.25	1.99E-01	0.14	4.97E-01
CHIC2	0.25	2.03E-01	0.14	4.97E-01
CTC-308K20.3	0.05	8.08E-01	0.14	4.97E-01
CTC-457L16.1	0.01	9.42E-01	-0.14	4.97E-01
EPN2	-0.40	3.58E-02	-0.14	4.97E-01
ERGIC3	0.09	6.59E-01	0.14	4.97E-01
FN3KRP	-0.13	5.00E-01	0.14	4.97E-01
G RTP1	0.02	9.14E-01	-0.14	4.97E-01
LINC01189	-0.04	8.40E-01	0.14	4.97E-01
LN X1-AS1	0.11	5.65E-01	-0.14	4.97E-01
LTBP3	-0.14	4.62E-01	-0.14	4.97E-01
NANO GNB P3	-0.11	5.61E-01	0.14	4.97E-01
NKILA	0.33	8.78E-02	-0.14	4.97E-01
RN7SL688P	-0.04	8.43E-01	0.14	4.97E-01
RP1-45I4.3	0.31	1.11E-01	-0.14	4.97E-01
RP11-323I15.2	-0.09	6.66E-01	0.14	4.97E-01
RP11-330L19.1	-0.19	3.44E-01	-0.14	4.97E-01
RP11-404P21.3	0.07	7.33E-01	-0.14	4.97E-01
RP11-567F11.2	-0.13	5.01E-01	-0.14	4.97E-01
RP11-667M19.9	0.01	9.61E-01	0.14	4.97E-01
RPL21P119	0.12	5.57E-01	-0.14	4.97E-01
RPRD2	-0.14	4.81E-01	0.14	4.97E-01

SGK494	-0.14	4.69E-01	-0.14	4.97E-01
SHARPIN	0.33	8.70E-02	0.14	4.97E-01
SNORD38A	0.01	9.61E-01	-0.14	4.97E-01
TMEM97	0.00	9.85E-01	-0.14	4.97E-01
WAPL	-0.17	4.01E-01	-0.14	4.97E-01
XLOC_004915	-0.24	2.11E-01	0.14	4.97E-01
XLOC_005041	-0.35	6.68E-02	-0.14	4.97E-01
ZNF259P1	-0.25	2.03E-01	-0.14	4.97E-01
AC104451.2	-0.19	3.27E-01	-0.14	4.98E-01
AIRN	-0.03	8.81E-01	-0.14	4.98E-01
AKR7A3	-0.15	4.56E-01	-0.14	4.98E-01
DDX11	0.30	1.23E-01	-0.14	4.98E-01
G39379	-0.11	5.71E-01	-0.14	4.98E-01
HEATR6	0.08	6.94E-01	0.14	4.98E-01
INO80D	0.15	4.52E-01	-0.14	4.98E-01
ITPR1	0.47	1.08E-02	0.14	4.98E-01
LCNL1	-0.28	1.44E-01	-0.14	4.98E-01
LINC01543	-0.21	2.88E-01	-0.14	4.98E-01
MIR193BHG	-0.37	5.58E-02	-0.14	4.98E-01
NOL6	0.26	1.73E-01	0.14	4.98E-01
PCDHGB3	-0.20	3.05E-01	-0.14	4.98E-01
PIGR	-0.08	6.86E-01	-0.14	4.98E-01
PKN1	-0.20	3.17E-01	0.14	4.98E-01
RP11-1113L8.1	0.07	7.28E-01	-0.14	4.98E-01
RP11-242D8.2	-0.02	9.04E-01	-0.14	4.98E-01
RP11-44I10.3	-0.06	7.45E-01	-0.14	4.98E-01
RP5-1028L10.1	0.12	5.51E-01	0.14	4.98E-01
RPS19BP1	0.08	6.99E-01	0.14	4.98E-01
SLC14A1	0.38	4.73E-02	-0.14	4.98E-01
SMARCD3	0.34	7.56E-02	0.14	4.98E-01
SNORD104	0.05	8.04E-01	-0.14	4.98E-01
STS	-0.11	5.84E-01	0.14	4.98E-01
TMEM177	0.01	9.48E-01	0.14	4.98E-01
TPM3P1	-0.05	7.84E-01	-0.14	4.98E-01
TRBV30	-0.44	2.04E-02	-0.14	4.98E-01
TRIM40	0.00	9.98E-01	-0.14	4.98E-01
WWC1	-0.11	5.92E-01	-0.14	4.98E-01
AAED1	0.01	9.63E-01	0.14	4.99E-01
AC004490.1	0.06	7.59E-01	0.14	4.99E-01
AC008073.7	-0.38	4.61E-02	-0.14	4.99E-01
ADRA1B	-0.13	5.17E-01	0.14	4.99E-01
BCL7A	-0.32	9.93E-02	-0.14	4.99E-01
CCDC116	-0.08	6.82E-01	-0.14	4.99E-01
CES1P1	-0.20	3.17E-01	-0.14	4.99E-01
CFH	-0.08	6.97E-01	-0.14	4.99E-01
COQ7	0.45	1.74E-02	0.14	4.99E-01
CTD-2353F22.2	0.23	2.34E-01	-0.14	4.99E-01

EEF2	0.13	5.19E-01	0.14	4.99E-01
FAM32A	0.08	6.68E-01	0.14	4.99E-01
G41275	-0.18	3.47E-01	-0.14	4.99E-01
GGN	-0.28	1.43E-01	0.14	4.99E-01
HCG20	-0.32	9.96E-02	-0.14	4.99E-01
HEXA	0.04	8.45E-01	0.14	4.99E-01
HLCS-IT1	-0.14	4.91E-01	-0.14	4.99E-01
IL27	-0.43	2.34E-02	-0.14	4.99E-01
LPIN2	0.34	7.89E-02	0.14	4.99E-01
MECP2	0.10	6.25E-01	-0.14	4.99E-01
NSUN7	0.05	8.07E-01	-0.14	4.99E-01
PAPOLG	0.10	6.11E-01	0.14	4.99E-01
PCDHA10	0.01	9.76E-01	-0.14	4.99E-01
PCYT1A	0.14	4.90E-01	-0.14	4.99E-01
PLCD4	0.17	3.75E-01	0.14	4.99E-01
PPBP	-0.18	3.66E-01	-0.14	4.99E-01
PRR34-AS1	-0.09	6.55E-01	0.14	4.99E-01
RNU2-7P	-0.20	3.14E-01	-0.14	4.99E-01
RP11-28H5.2	0.28	1.44E-01	-0.14	4.99E-01
RP11-352B15.2	-0.38	4.31E-02	-0.14	4.99E-01
RP11-407H12.8	-0.34	7.66E-02	-0.14	4.99E-01
RP11-470B22.1	0.19	3.32E-01	0.14	4.99E-01
RUNX2	-0.02	9.36E-01	0.14	4.99E-01
SMG1P2	-0.02	9.35E-01	-0.14	4.99E-01
TAS1R3	-0.03	8.83E-01	-0.14	4.99E-01
TSEN2	0.08	6.69E-01	0.14	4.99E-01
UCKL1	-0.19	3.41E-01	0.14	4.99E-01
AC020629.1	-0.19	3.43E-01	0.14	5.00E-01
AC138783.12	0.05	7.84E-01	-0.14	5.00E-01
AF131215.6	-0.10	6.18E-01	-0.14	5.00E-01
ALAS1	0.31	1.11E-01	0.14	5.00E-01
C19orf73	0.22	2.63E-01	0.14	5.00E-01
C20orf196	0.04	8.58E-01	0.14	5.00E-01
CASP2	-0.11	5.67E-01	0.14	5.00E-01
CCDC25	0.04	8.46E-01	0.14	5.00E-01
CLN6	0.05	8.14E-01	0.14	5.00E-01
CTD-3222D19.9	0.06	7.69E-01	-0.14	5.00E-01
DRGX	-0.37	5.50E-02	-0.14	5.00E-01
DSCR9	0.45	1.74E-02	-0.14	5.00E-01
EEF1A2	0.11	5.84E-01	0.14	5.00E-01
EVL	-0.05	8.15E-01	0.14	5.00E-01
FAAP20	0.17	3.98E-01	0.14	5.00E-01
FAHD1	0.22	2.51E-01	0.14	5.00E-01
GBAS	0.19	3.34E-01	0.14	5.00E-01
GBP5	0.23	2.35E-01	0.14	5.00E-01
GIN1	0.01	9.59E-01	0.14	5.00E-01
GTF2IP7	-0.13	5.21E-01	-0.14	5.00E-01

<b>GUCA1A</b>	-0.37	5.23E-02	0.14	5.00E-01
<b>HLF</b>	-0.04	8.22E-01	-0.14	5.00E-01
<b>KCTD19</b>	-0.03	8.94E-01	-0.14	5.00E-01
<b>LBX2-AS1</b>	0.01	9.44E-01	0.14	5.00E-01
<b>LINC00565</b>	0.18	3.57E-01	-0.14	5.00E-01
<b>MST1</b>	0.07	7.14E-01	-0.14	5.00E-01
<b>NOC4L</b>	0.12	5.33E-01	0.14	5.00E-01
<b>RNU6-824P</b>	-0.15	4.57E-01	-0.14	5.00E-01
<b>RP11-110I1.13</b>	0.19	3.24E-01	-0.14	5.00E-01
<b>RP11-111M22.3</b>	0.06	7.72E-01	0.14	5.00E-01
<b>RP11-12J10.3</b>	-0.35	6.68E-02	-0.14	5.00E-01
<b>RP11-18B3.2</b>	0.10	6.30E-01	-0.14	5.00E-01
<b>RP11-192H23.4</b>	-0.20	3.17E-01	-0.14	5.00E-01
<b>RP11-286N22.8</b>	-0.25	1.94E-01	-0.14	5.00E-01
<b>RP11-295H24.3</b>	0.05	7.84E-01	-0.14	5.00E-01
<b>RP11-356O9.1</b>	-0.25	1.93E-01	0.14	5.00E-01
<b>RP11-481A20.11</b>	-0.46	1.40E-02	-0.14	5.00E-01
<b>RP11-647K16.1</b>	0.05	8.07E-01	-0.14	5.00E-01
<b>RP4-635E18.8</b>	0.00	9.92E-01	-0.14	5.00E-01
<b>SLC25A25-AS1</b>	0.13	5.05E-01	-0.14	5.00E-01
<b>SLC6A14</b>	0.28	1.54E-01	-0.14	5.00E-01
<b>SNHG24</b>	-0.09	6.60E-01	0.14	5.00E-01
<b>VAMP2</b>	-0.11	5.61E-01	-0.14	5.00E-01
<b>XLOC_011772</b>	0.22	2.56E-01	0.14	5.00E-01
<b>XLOC_013463</b>	-0.12	5.30E-01	-0.14	5.00E-01
<b>ZNF639</b>	0.11	5.93E-01	-0.14	5.00E-01
<b>ZSWIM1</b>	0.55	2.18E-03	0.14	5.00E-01
<b>hsa-mir-3149</b>	-0.21	2.89E-01	0.14	5.00E-01
<b>CBL</b>	0.14	4.69E-01	0.14	5.01E-01
<b>CCS</b>	0.05	8.01E-01	0.14	5.01E-01
<b>FLJ31356</b>	0.01	9.74E-01	0.14	5.01E-01
<b>G25302</b>	-0.12	5.46E-01	-0.14	5.01E-01
<b>G34279</b>	0.23	2.48E-01	-0.14	5.01E-01
<b>G36288</b>	-0.06	7.62E-01	-0.14	5.01E-01
<b>HTR7P1</b>	-0.10	6.03E-01	0.14	5.01E-01
<b>MACF1</b>	-0.15	4.35E-01	-0.14	5.01E-01
<b>MIR1285-1</b>	-0.21	2.95E-01	-0.14	5.01E-01
<b>MIR3174</b>	0.07	7.37E-01	-0.14	5.01E-01
<b>OPA3</b>	0.32	9.45E-02	0.14	5.01E-01
<b>PARVG</b>	0.46	1.40E-02	0.14	5.01E-01
<b>PHF12</b>	-0.15	4.48E-01	0.14	5.01E-01
<b>POLDIP3</b>	0.12	5.56E-01	0.14	5.01E-01
<b>PREB</b>	0.10	6.25E-01	0.14	5.01E-01
<b>RNPEP</b>	0.16	4.08E-01	0.14	5.01E-01
<b>RP11-192M23.1</b>	-0.12	5.28E-01	-0.14	5.01E-01
<b>RP11-203I2.1</b>	-0.32	9.47E-02	0.14	5.01E-01
<b>RP11-20B7.1</b>	0.25	1.93E-01	-0.14	5.01E-01

RP11-77K12.9	-0.08	6.84E-01	-0.14	5.01E-01
RP11-799B12.1	0.17	3.92E-01	-0.14	5.01E-01
RPL5P4	-0.24	2.22E-01	-0.14	5.01E-01
SCARNA9	-0.15	4.57E-01	-0.14	5.01E-01
SLC39A8	0.03	8.89E-01	-0.14	5.01E-01
SNORD56	0.00	9.97E-01	-0.14	5.01E-01
SPCS3	0.13	5.07E-01	-0.14	5.01E-01
STXBP5	0.00	9.83E-01	0.14	5.01E-01
TMEM87A	-0.02	9.34E-01	0.14	5.01E-01
TRIM52-AS1	0.03	8.83E-01	-0.14	5.01E-01
UGP2	0.19	3.29E-01	0.14	5.01E-01
ZEB1	-0.06	7.65E-01	0.14	5.01E-01
ZNF324	0.17	3.92E-01	-0.14	5.01E-01
ZNF551	0.11	5.77E-01	-0.14	5.01E-01
AC016700.6	0.08	6.69E-01	0.14	5.02E-01
AC118344.1	-0.26	1.83E-01	0.14	5.02E-01
AHSP	0.25	1.95E-01	-0.14	5.02E-01
AP001469.7	0.09	6.62E-01	-0.14	5.02E-01
ASTL	-0.19	3.32E-01	-0.14	5.02E-01
C10orf128	-0.28	1.48E-01	0.14	5.02E-01
C22orf31	-0.30	1.26E-01	-0.14	5.02E-01
CORO2B	-0.43	2.39E-02	-0.14	5.02E-01
EEF1A1P10	0.27	1.64E-01	-0.14	5.02E-01
EIF4A1P8	-0.15	4.36E-01	0.14	5.02E-01
EIF4EBP2	0.11	5.73E-01	-0.14	5.02E-01
FAHD2CP	-0.21	2.78E-01	-0.14	5.02E-01
GPI	0.20	3.16E-01	0.14	5.02E-01
IFITM4P	-0.21	2.76E-01	-0.14	5.02E-01
KTN1	-0.11	5.72E-01	0.14	5.02E-01
MDM4	-0.18	3.57E-01	-0.14	5.02E-01
MRPL55	-0.13	5.12E-01	0.14	5.02E-01
MYO5B	-0.03	8.94E-01	-0.14	5.02E-01
PDK2	0.05	7.89E-01	0.14	5.02E-01
RNU6ATAC39P	-0.13	5.21E-01	-0.14	5.02E-01
RP11-107F6.3	-0.02	9.25E-01	0.14	5.02E-01
RP11-203L2.3	-0.24	2.13E-01	-0.14	5.02E-01
RP11-573M3.2	-0.23	2.37E-01	-0.14	5.02E-01
RP11-711K1.8	-0.10	5.98E-01	-0.14	5.02E-01
SMG1P6	0.27	1.69E-01	-0.14	5.02E-01
SPAG4	0.08	7.01E-01	-0.14	5.02E-01
SPRYD7	0.36	6.37E-02	-0.14	5.02E-01
STX17	-0.19	3.44E-01	0.14	5.02E-01
SUV39H1	0.16	4.26E-01	0.14	5.02E-01
UGT1A4	0.07	7.23E-01	-0.14	5.02E-01
WNT5B	0.07	7.14E-01	0.14	5.02E-01
ZNF671	0.14	4.79E-01	0.14	5.02E-01
AC005255.3	-0.03	8.66E-01	0.13	5.03E-01



AC006277.3	0.22	2.54E-01	-0.13	5.03E-01
AC011747.4	0.07	7.06E-01	0.13	5.03E-01
ACHE	-0.11	5.76E-01	-0.13	5.03E-01
ACTA2-AS1	-0.05	8.14E-01	-0.13	5.03E-01
CTD-2341M24.1	-0.01	9.61E-01	0.13	5.03E-01
DHCR7	0.31	1.08E-01	0.13	5.03E-01
DMGDH	-0.07	7.37E-01	-0.13	5.03E-01
DSE	0.08	7.01E-01	0.13	5.03E-01
ELAVL4	0.27	1.64E-01	-0.13	5.03E-01
ENPP4	-0.12	5.37E-01	-0.13	5.03E-01
FKBP15	-0.12	5.29E-01	0.13	5.03E-01
KIRREL3	0.10	6.29E-01	-0.13	5.03E-01
MEG9	-0.23	2.32E-01	0.13	5.03E-01
MRPL10	0.14	4.91E-01	0.13	5.03E-01
RP11-286O18.1	-0.28	1.51E-01	0.13	5.03E-01
RP11-299J3.8	-0.30	1.22E-01	-0.13	5.03E-01
RP11-72I8.1	-0.41	3.08E-02	-0.13	5.03E-01
SAT2	0.11	5.68E-01	0.13	5.03E-01
SLC13A5	0.24	2.26E-01	-0.13	5.03E-01
TIMM10B	0.12	5.32E-01	0.13	5.03E-01
TMED3	0.03	8.92E-01	0.13	5.03E-01
YTHDC2	0.19	3.31E-01	-0.13	5.03E-01
ZNF25	0.03	8.86E-01	-0.13	5.03E-01
AC007405.6	0.09	6.64E-01	-0.13	5.04E-01
AC016831.6	-0.22	2.59E-01	-0.13	5.04E-01
ADAMTSL5	-0.04	8.44E-01	-0.13	5.04E-01
CBX4	-0.20	3.02E-01	-0.13	5.04E-01
CCZ1	-0.01	9.42E-01	-0.13	5.04E-01
DDX18P1	0.04	8.43E-01	-0.13	5.04E-01
EXD2	0.05	8.08E-01	-0.13	5.04E-01
FAM150B	0.28	1.44E-01	-0.13	5.04E-01
FAS	-0.01	9.66E-01	-0.13	5.04E-01
KLHDC9	0.17	3.84E-01	-0.13	5.04E-01
KRT33A	-0.30	1.25E-01	0.13	5.04E-01
LINC00969	-0.01	9.43E-01	-0.13	5.04E-01
MMP2	-0.18	3.69E-01	0.13	5.04E-01
NUP50-AS1	-0.14	4.77E-01	-0.13	5.04E-01
PAFAH1B1	0.05	8.14E-01	-0.13	5.04E-01
PCDHB8	0.18	3.58E-01	-0.13	5.04E-01
RP11-18M17.1	-0.11	5.63E-01	-0.13	5.04E-01
RP11-216B9.9	0.09	6.53E-01	-0.13	5.04E-01
RP11-76C10.3	0.08	6.93E-01	-0.13	5.04E-01
RP11-802D6.1	-0.25	1.93E-01	0.13	5.04E-01
RP11-861A13.3	0.03	8.65E-01	0.13	5.04E-01
RP11-977G19.11	-0.13	5.17E-01	0.13	5.04E-01
RP5-867C24.5	0.05	8.08E-01	-0.13	5.04E-01
SLC2A2	-0.27	1.63E-01	-0.13	5.04E-01

TGFBR3L	0.21	2.93E-01	0.13	5.04E-01
TSPO	0.12	5.56E-01	0.13	5.04E-01
TUSC1	0.11	5.60E-01	0.13	5.04E-01
AC006077.4	-0.02	9.09E-01	0.13	5.05E-01
ACOX2	-0.25	2.05E-01	-0.13	5.05E-01
ACTG1P14	0.01	9.69E-01	-0.13	5.05E-01
ADAP2	0.16	4.29E-01	0.13	5.05E-01
CYP2E1	0.13	5.10E-01	0.13	5.05E-01
CYSLTR1	-0.21	2.89E-01	-0.13	5.05E-01
FBN1	-0.21	2.93E-01	0.13	5.05E-01
G11279	0.23	2.35E-01	0.13	5.05E-01
G35422	0.28	1.56E-01	-0.13	5.05E-01
HLA-DRB1	0.05	7.85E-01	0.13	5.05E-01
HLA-F-AS1	-0.12	5.49E-01	0.13	5.05E-01
IGBP1	-0.10	6.01E-01	0.13	5.05E-01
LINC00598	-0.30	1.20E-01	0.13	5.05E-01
MCTP2	-0.03	8.88E-01	-0.13	5.05E-01
MOXD1	0.21	2.89E-01	0.13	5.05E-01
NCMAP	-0.13	5.10E-01	-0.13	5.05E-01
NEK8	-0.10	6.16E-01	0.13	5.05E-01
OR2I1P	-0.03	8.69E-01	0.13	5.05E-01
RCBTB1	-0.22	2.62E-01	-0.13	5.05E-01
RN7SL500P	0.02	9.34E-01	0.13	5.05E-01
RP1-41C23.4	-0.12	5.40E-01	-0.13	5.05E-01
RP11-394B2.5	0.07	7.12E-01	-0.13	5.05E-01
RP11-610J23.1	0.08	6.85E-01	0.13	5.05E-01
SLC38A2	0.23	2.41E-01	0.13	5.05E-01
VN1R83P	-0.06	7.78E-01	-0.13	5.05E-01
XLOC_011151	-0.15	4.58E-01	0.13	5.05E-01
ZFP36L1	-0.30	1.23E-01	0.13	5.05E-01
ZYG11A	-0.08	6.94E-01	-0.13	5.05E-01
AC007277.3	-0.12	5.42E-01	-0.13	5.06E-01
AC007750.5	-0.19	3.42E-01	0.13	5.06E-01
AC012501.3	-0.17	3.96E-01	0.13	5.06E-01
ATP8B2	-0.17	3.82E-01	-0.13	5.06E-01
BMF	0.02	9.10E-01	0.13	5.06E-01
CDC42P5	0.02	9.39E-01	0.13	5.06E-01
CPXM2	-0.40	3.37E-02	0.13	5.06E-01
CXorf56	0.19	3.28E-01	-0.13	5.06E-01
ENPP7P4	-0.02	9.02E-01	-0.13	5.06E-01
EXOSC9	0.19	3.20E-01	-0.13	5.06E-01
HEBP2	0.02	9.32E-01	-0.13	5.06E-01
HMGB1P19	-0.08	6.82E-01	-0.13	5.06E-01
NDUFS8	0.19	3.44E-01	0.13	5.06E-01
NLGN3	-0.27	1.69E-01	-0.13	5.06E-01
PROZ	0.19	3.31E-01	-0.13	5.06E-01
RP1-140J1.4	-0.13	4.95E-01	-0.13	5.06E-01

<b>RP11-285G1.9</b>	0.03	8.70E-01	-0.13	5.06E-01
<b>RP11-849I19.2</b>	0.08	6.92E-01	-0.13	5.06E-01
<b>RP4-734G22.3</b>	-0.09	6.46E-01	-0.13	5.06E-01
<b>SCGB1B2P</b>	-0.43	2.34E-02	-0.13	5.06E-01
<b>SETMAR</b>	-0.05	8.07E-01	-0.13	5.06E-01
<b>SF3B2</b>	0.14	4.73E-01	-0.13	5.06E-01
<b>TACC2</b>	-0.08	6.84E-01	-0.13	5.06E-01
<b>TIMM21</b>	0.06	7.60E-01	-0.13	5.06E-01
<b>TIMP2</b>	-0.18	3.67E-01	0.13	5.06E-01
<b>TMEM257</b>	-0.19	3.30E-01	-0.13	5.06E-01
<b>Z97634.3</b>	-0.28	1.51E-01	-0.13	5.06E-01
<b>CLEC4E</b>	0.18	3.57E-01	0.13	5.07E-01
<b>CTD-2302E22.4</b>	-0.21	2.86E-01	0.13	5.07E-01
<b>CYLD</b>	0.15	4.39E-01	0.13	5.07E-01
<b>DDX10</b>	0.12	5.50E-01	0.13	5.07E-01
<b>KRT81</b>	-0.08	6.74E-01	0.13	5.07E-01
<b>PDGFA</b>	-0.13	5.26E-01	0.13	5.07E-01
<b>RP11-755F10.1</b>	-0.15	4.41E-01	0.13	5.07E-01
<b>AC018804.6</b>	0.06	7.49E-01	-0.13	5.07E-01
<b>AL132709.8</b>	-0.05	8.12E-01	-0.13	5.07E-01
<b>CTD-3088G3.8</b>	-0.21	2.81E-01	-0.13	5.07E-01
<b>DIMT1</b>	0.36	6.35E-02	-0.13	5.07E-01
<b>GTPBP10</b>	0.07	7.22E-01	-0.13	5.07E-01
<b>HNRNPH1</b>	-0.05	7.91E-01	-0.13	5.07E-01
<b>KRT128P</b>	-0.19	3.26E-01	-0.13	5.07E-01
<b>LRRC17</b>	-0.24	2.27E-01	-0.13	5.07E-01
<b>RAB2A</b>	0.15	4.43E-01	-0.13	5.07E-01
<b>RP11-268J15.5</b>	0.05	8.00E-01	-0.13	5.07E-01
<b>RP11-560O20.1</b>	0.07	7.13E-01	-0.13	5.07E-01
<b>RP11-60A14.1</b>	-0.30	1.15E-01	-0.13	5.07E-01
<b>RPS15AP10</b>	-0.15	4.50E-01	-0.13	5.07E-01
<b>ACTR3</b>	0.19	3.37E-01	-0.13	5.08E-01
<b>AFMID</b>	0.03	8.78E-01	0.13	5.08E-01
<b>BMS1P8</b>	0.05	8.18E-01	0.13	5.08E-01
<b>CA5BP1</b>	-0.08	6.89E-01	-0.13	5.08E-01
<b>CCL21</b>	-0.06	7.53E-01	0.13	5.08E-01
<b>CTD-2095E4.3</b>	-0.20	3.02E-01	0.13	5.08E-01
<b>CTD-2302E22.6</b>	0.06	7.72E-01	0.13	5.08E-01
<b>CTD-2357A8.2</b>	-0.10	6.26E-01	0.13	5.08E-01
<b>DUSP8</b>	0.36	6.24E-02	0.13	5.08E-01
<b>ERICH1-AS1</b>	0.17	3.74E-01	0.13	5.08E-01
<b>F2R</b>	-0.26	1.84E-01	-0.13	5.08E-01
<b>FAM25A</b>	0.27	1.63E-01	0.13	5.08E-01
<b>G41064</b>	-0.21	2.91E-01	-0.13	5.08E-01
<b>HCK</b>	0.26	1.88E-01	0.13	5.08E-01
<b>KB-1836B5.4</b>	-0.17	3.91E-01	0.13	5.08E-01
<b>KLK6</b>	0.22	2.51E-01	0.13	5.08E-01

L1TD1	-0.22	2.57E-01	0.13	5.08E-01
LAD1	0.28	1.50E-01	0.13	5.08E-01
MIR1296	0.32	9.53E-02	-0.13	5.08E-01
MIR181B2	0.01	9.70E-01	-0.13	5.08E-01
NABP2	-0.04	8.53E-01	0.13	5.08E-01
PCGF1	-0.04	8.23E-01	0.13	5.08E-01
RASEF	-0.03	8.80E-01	-0.13	5.08E-01
RBM22	0.31	1.08E-01	0.13	5.08E-01
RHBDD1	0.25	1.96E-01	0.13	5.08E-01
RNY4P19	-0.23	2.43E-01	0.13	5.08E-01
RP11-197N18.8	-0.27	1.63E-01	-0.13	5.08E-01
RP11-413M3.4	0.02	9.39E-01	-0.13	5.08E-01
RP11-429G19.3	0.19	3.35E-01	0.13	5.08E-01
RP11-798G7.6	-0.04	8.49E-01	-0.13	5.08E-01
RP13-578N3.3	-0.16	4.20E-01	0.13	5.08E-01
RPL39P26	0.04	8.54E-01	-0.13	5.08E-01
SIRPB2	0.10	6.06E-01	0.13	5.08E-01
SLC33A1	0.04	8.39E-01	-0.13	5.08E-01
SMO	-0.07	7.16E-01	-0.13	5.08E-01
SNORD69	0.23	2.48E-01	-0.13	5.08E-01
SYNJ2	0.00	9.94E-01	0.13	5.08E-01
TP53INP1	0.35	6.82E-02	0.13	5.08E-01
XLOC_005332	-0.26	1.81E-01	-0.13	5.08E-01
ZNF366	0.30	1.18E-01	0.13	5.08E-01
AF127936.7	0.45	1.51E-02	0.13	5.09E-01
C15ORF31	-0.15	4.47E-01	0.13	5.09E-01
HIST1H2BC	-0.11	5.70E-01	0.13	5.09E-01
MIR4677	-0.02	9.32E-01	0.13	5.09E-01
RP11-349F21.2	0.12	5.37E-01	0.13	5.09E-01
RP11-367B6.2	0.12	5.54E-01	0.13	5.09E-01
RP11-670E13.3	-0.11	5.68E-01	0.13	5.09E-01
SNX9	0.11	5.73E-01	0.13	5.09E-01
SPDYE21P	-0.12	5.46E-01	0.13	5.09E-01
ANKRD36C	-0.45	1.53E-02	-0.13	5.09E-01
ATE1	0.18	3.72E-01	-0.13	5.09E-01
ATP6V0CP1	-0.03	8.87E-01	-0.13	5.09E-01
DDX11L10	-0.20	3.17E-01	-0.13	5.09E-01
FSIP2	-0.27	1.68E-01	-0.13	5.09E-01
G12891	-0.23	2.47E-01	-0.13	5.09E-01
PFN1P8	-0.04	8.30E-01	-0.13	5.09E-01
PGAP1	-0.03	8.87E-01	-0.13	5.09E-01
RN7SKP180	0.13	4.95E-01	-0.13	5.09E-01
RP11-677N16.1	0.05	7.91E-01	-0.13	5.09E-01
RP3-323N1.2	-0.12	5.45E-01	-0.13	5.09E-01
RP5-991G20.1	0.04	8.32E-01	-0.13	5.09E-01
SCN2B	0.44	1.89E-02	-0.13	5.09E-01
ST7-AS2	-0.11	5.81E-01	-0.13	5.09E-01

TRAPPC8	0.06	7.60E-01	-0.13	5.09E-01
TUSC3	0.13	5.04E-01	-0.13	5.09E-01
XPO1	0.02	9.28E-01	-0.13	5.09E-01
ZNF652	-0.28	1.42E-01	-0.13	5.09E-01
ATP5G2	0.00	9.82E-01	0.13	5.10E-01
BAK1P1	0.23	2.47E-01	0.13	5.10E-01
DNAH9	0.05	8.03E-01	0.13	5.10E-01
DPYSL4	0.03	8.64E-01	0.13	5.10E-01
FAM46B	0.02	9.27E-01	0.13	5.10E-01
MAP4K1	0.18	3.65E-01	0.13	5.10E-01
MIR579	-0.11	5.68E-01	0.13	5.10E-01
PIGC	0.09	6.40E-01	0.13	5.10E-01
PTPRE	0.45	1.52E-02	0.13	5.10E-01
RP11-112L18.1	-0.24	2.09E-01	0.13	5.10E-01
RP11-632C17__A.1	0.08	6.84E-01	0.13	5.10E-01
RP11-667F14.1	-0.02	9.08E-01	0.13	5.10E-01
RP11-94C24.6	-0.23	2.40E-01	0.13	5.10E-01
RP5-1007F24.1	-0.08	6.92E-01	0.13	5.10E-01
SERPINB1	0.13	5.07E-01	0.13	5.10E-01
SLC31A2	-0.05	7.89E-01	0.13	5.10E-01
SLC50A1	-0.17	3.98E-01	0.13	5.10E-01
TRAPPC2L	-0.13	5.20E-01	0.13	5.10E-01
ADAMTS9-AS2	0.02	9.36E-01	-0.13	5.10E-01
HDX	-0.22	2.58E-01	-0.13	5.10E-01
HOXB-AS2	0.01	9.50E-01	-0.13	5.10E-01
LRAT	-0.57	1.66E-03	-0.13	5.10E-01
RAB5CP1	-0.03	8.75E-01	-0.13	5.10E-01
RN7SL192P	-0.08	6.85E-01	-0.13	5.10E-01
RP11-191L9.4	-0.21	2.78E-01	-0.13	5.10E-01
RP11-727F15.9	-0.10	5.98E-01	-0.13	5.10E-01
SLC7A14	0.10	5.99E-01	-0.13	5.10E-01
TAF7	-0.08	6.69E-01	-0.13	5.10E-01
TRPC5	0.04	8.31E-01	-0.13	5.10E-01
CEND1	-0.27	1.58E-01	-0.13	5.11E-01
COL9A1	-0.19	3.41E-01	-0.13	5.11E-01
CPNE8	-0.25	2.05E-01	-0.13	5.11E-01
CTD-2540F13.2	0.06	7.75E-01	-0.13	5.11E-01
DDX21	0.14	4.88E-01	-0.13	5.11E-01
GLYATL1P1	0.02	9.05E-01	-0.13	5.11E-01
HERC2P9	-0.25	1.98E-01	-0.13	5.11E-01
MIR3192	0.13	4.99E-01	-0.13	5.11E-01
NDUFAF7	0.12	5.44E-01	-0.13	5.11E-01
NUTM2A	-0.30	1.18E-01	-0.13	5.11E-01
OR7E11P	-0.10	6.30E-01	-0.13	5.11E-01
RP11-42O15.3	-0.05	8.14E-01	-0.13	5.11E-01
RP11-484O2.1	-0.13	5.01E-01	-0.13	5.11E-01
RP11-525G13.2	-0.21	2.85E-01	-0.13	5.11E-01

<b>RP11-797H7.5</b>	-0.08	7.00E-01	-0.13	5.11E-01
<b>SPINK4</b>	0.03	8.86E-01	-0.13	5.11E-01
<b>STX18</b>	0.02	9.08E-01	-0.13	5.11E-01
<b>TET1</b>	-0.01	9.79E-01	-0.13	5.11E-01
<b>TLL2</b>	-0.02	9.08E-01	-0.13	5.11E-01
<b>ATG4D</b>	0.20	3.05E-01	0.13	5.11E-01
<b>CTD-2314G24.2</b>	-0.18	3.63E-01	0.13	5.11E-01
<b>KCTD10</b>	0.22	2.66E-01	0.13	5.11E-01
<b>LRRK1</b>	-0.07	7.31E-01	0.13	5.11E-01
<b>NXPE4</b>	-0.17	3.90E-01	0.13	5.11E-01
<b>RP11-667M19.4</b>	0.16	4.15E-01	0.13	5.11E-01
<b>RP13-188A5.1</b>	0.34	8.00E-02	0.13	5.11E-01
<b>RPS11P6</b>	0.44	1.80E-02	0.13	5.11E-01
<b>SAP130</b>	-0.13	5.24E-01	0.13	5.11E-01
<b>SH2D3A</b>	0.19	3.37E-01	0.13	5.11E-01
<b>TMEM253</b>	-0.06	7.63E-01	0.13	5.11E-01
<b>ZNF69</b>	-0.16	4.20E-01	0.13	5.11E-01
<b>ANKDD1A</b>	-0.11	5.79E-01	0.13	5.12E-01
<b>C7orf50</b>	0.03	8.65E-01	-0.13	5.12E-01
<b>CALML6</b>	0.26	1.82E-01	0.13	5.12E-01
<b>CD300A</b>	0.18	3.62E-01	0.13	5.12E-01
<b>CDA</b>	0.08	6.78E-01	0.13	5.12E-01
<b>CTD-2256P15.2</b>	0.00	9.81E-01	0.13	5.12E-01
<b>KDM4B</b>	0.03	8.91E-01	-0.13	5.12E-01
<b>KRT26</b>	-0.15	4.45E-01	0.13	5.12E-01
<b>LINC00115</b>	-0.08	6.77E-01	-0.13	5.12E-01
<b>NDUFA6-AS1</b>	0.05	8.13E-01	-0.13	5.12E-01
<b>OR7E83P</b>	-0.10	6.11E-01	-0.13	5.12E-01
<b>RNU4-25P</b>	-0.12	5.49E-01	0.13	5.12E-01
<b>RP11-1017G21.4</b>	-0.05	8.01E-01	0.13	5.12E-01
<b>RP11-115D19.3</b>	-0.15	4.43E-01	-0.13	5.12E-01
<b>RP11-20I23.13</b>	-0.26	1.79E-01	-0.13	5.12E-01
<b>RP11-345J18.2</b>	-0.09	6.67E-01	-0.13	5.12E-01
<b>RP11-429J17.5</b>	-0.09	6.45E-01	-0.13	5.12E-01
<b>RP13-735L24.1</b>	-0.40	3.32E-02	-0.13	5.12E-01
<b>SH3D19</b>	-0.10	6.16E-01	-0.13	5.12E-01
<b>SREK1IP1</b>	0.04	8.48E-01	0.13	5.12E-01
<b>TMEM191B</b>	-0.09	6.49E-01	0.13	5.12E-01
<b>TMEM258</b>	-0.13	5.09E-01	0.13	5.12E-01
<b>TSSC1</b>	0.39	3.98E-02	0.13	5.12E-01
<b>WTAP</b>	0.25	1.93E-01	0.13	5.12E-01
<b>BCL11B</b>	0.03	8.80E-01	0.13	5.13E-01
<b>HIST1H4H</b>	-0.09	6.44E-01	0.13	5.13E-01
<b>ID2</b>	0.08	6.69E-01	0.13	5.13E-01
<b>LGALS7</b>	0.11	5.89E-01	0.13	5.13E-01
<b>MAMLD1</b>	-0.08	7.02E-01	0.13	5.13E-01
<b>MPDU1</b>	0.26	1.78E-01	0.13	5.13E-01

<b>NMB</b>	0.06	7.69E-01	0.13	5.13E-01
<b>NUBP1</b>	0.18	3.58E-01	0.13	5.13E-01
<b>PGLYRP2</b>	0.22	2.70E-01	0.13	5.13E-01
<b>RNU6-936P</b>	0.05	7.99E-01	0.13	5.13E-01
<b>RP11-363J20.1</b>	0.32	9.47E-02	0.13	5.13E-01
<b>RP11-96O20.5</b>	0.10	6.15E-01	0.13	5.13E-01
<b>SEMA6A</b>	-0.12	5.46E-01	0.13	5.13E-01
<b>SNORD45</b>	-0.33	8.51E-02	0.13	5.13E-01
<b>TTC38</b>	0.27	1.60E-01	0.13	5.13E-01
<b>UBE2R2</b>	0.03	8.70E-01	0.13	5.13E-01
<b>CTD-2318O12.1</b>	-0.06	7.58E-01	-0.13	5.13E-01
<b>ENPP5</b>	-0.22	2.65E-01	-0.13	5.13E-01
<b>GPAT2</b>	0.27	1.69E-01	-0.13	5.13E-01
<b>MIR2052HG</b>	0.00	9.96E-01	-0.13	5.13E-01
<b>NCOA1</b>	-0.04	8.54E-01	-0.13	5.13E-01
<b>OR8R1P</b>	0.12	5.30E-01	-0.13	5.13E-01
<b>PKD1P5</b>	-0.16	4.30E-01	-0.13	5.13E-01
<b>PNPLA8</b>	0.14	4.87E-01	-0.13	5.13E-01
<b>RAB11FIP1P1</b>	-0.16	4.17E-01	-0.13	5.13E-01
<b>RP1-292L20.3</b>	-0.16	4.23E-01	-0.13	5.13E-01
<b>RP11-178L8.7</b>	0.19	3.44E-01	-0.13	5.13E-01
<b>RP11-488C13.6</b>	-0.14	4.68E-01	-0.13	5.13E-01
<b>RP3-415N12.1</b>	0.26	1.76E-01	-0.13	5.13E-01
<b>SRRM2</b>	-0.07	7.39E-01	-0.13	5.13E-01
<b>ZNF629</b>	-0.01	9.54E-01	-0.13	5.13E-01
<b>AOC1</b>	0.07	7.22E-01	-0.13	5.14E-01
<b>CDC42P1</b>	0.12	5.37E-01	-0.13	5.14E-01
<b>G28650</b>	-0.16	4.21E-01	-0.13	5.14E-01
<b>PIGB</b>	0.16	4.29E-01	-0.13	5.14E-01
<b>RNF157</b>	0.24	2.23E-01	-0.13	5.14E-01
<b>RP11-399C16.3</b>	0.04	8.24E-01	-0.13	5.14E-01
<b>RP11-557C18.3</b>	-0.01	9.46E-01	-0.13	5.14E-01
<b>RP11-872J21.5</b>	-0.04	8.27E-01	-0.13	5.14E-01
<b>RP3-398G3.5</b>	-0.32	9.59E-02	-0.13	5.14E-01
<b>RP5-1139B12.2</b>	0.04	8.32E-01	-0.13	5.14E-01
<b>SDHCP3</b>	0.22	2.56E-01	-0.13	5.14E-01
<b>TMED6</b>	0.16	4.24E-01	-0.13	5.14E-01
<b>WDR11</b>	0.13	5.06E-01	-0.13	5.14E-01
<b>AC074212.6</b>	0.08	6.84E-01	0.13	5.14E-01
<b>BRK1</b>	0.06	7.55E-01	0.13	5.14E-01
<b>CD177</b>	0.18	3.56E-01	0.13	5.14E-01
<b>CHRNB1</b>	0.07	7.12E-01	0.13	5.14E-01
<b>CTDNBP1</b>	-0.14	4.87E-01	0.13	5.14E-01
<b>CYP4F11</b>	0.13	5.19E-01	0.13	5.14E-01
<b>F12</b>	0.26	1.80E-01	0.13	5.14E-01
<b>FOXI2</b>	-0.27	1.63E-01	0.13	5.14E-01
<b>JMJD6</b>	0.29	1.34E-01	0.13	5.14E-01

LINS1	0.01	9.77E-01	0.13	5.14E-01
MIR25	-0.37	5.42E-02	0.13	5.14E-01
MTCO2P2	-0.01	9.77E-01	0.13	5.14E-01
NT5C3B	-0.05	8.02E-01	0.13	5.14E-01
PKD1L2	-0.05	7.88E-01	0.13	5.14E-01
RNA5SP256	0.05	8.12E-01	0.13	5.14E-01
ZMYM5	0.22	2.58E-01	0.13	5.14E-01
ZNF32	0.18	3.54E-01	0.13	5.14E-01
AC004053.1	-0.19	3.24E-01	-0.13	5.15E-01
AF064858.8	-0.16	4.09E-01	-0.13	5.15E-01
CCDC129	0.12	5.53E-01	-0.13	5.15E-01
CH507-42P11.3	-0.10	6.29E-01	0.13	5.15E-01
CTC-321K16.1	-0.24	2.09E-01	-0.13	5.15E-01
CTD-2015B23.2	-0.23	2.29E-01	0.13	5.15E-01
EFHD1	-0.04	8.39E-01	0.13	5.15E-01
ERGIC1	0.05	8.04E-01	0.13	5.15E-01
FAM103A2P	-0.04	8.48E-01	0.13	5.15E-01
FAM135B	0.04	8.48E-01	0.13	5.15E-01
KCTD6	0.05	7.91E-01	-0.13	5.15E-01
PDZD4	0.16	4.30E-01	0.13	5.15E-01
PRKAR1B	0.43	2.21E-02	0.13	5.15E-01
RNU6-875P	-0.05	7.85E-01	-0.13	5.15E-01
RP11-248J18.3	-0.11	5.63E-01	-0.13	5.15E-01
RP11-314N13.3	-0.25	2.05E-01	-0.13	5.15E-01
RP11-465B22.8	-0.21	2.82E-01	-0.13	5.15E-01
RP11-676M6.1	0.21	2.95E-01	0.13	5.15E-01
RP11-700H6.4	0.19	3.43E-01	0.13	5.15E-01
RP11-7908.1	-0.23	2.47E-01	-0.13	5.15E-01
RP11-958N24.1	-0.21	2.83E-01	-0.13	5.15E-01
SERPINF1	0.09	6.33E-01	0.13	5.15E-01
SLC25A24	0.16	4.20E-01	-0.13	5.15E-01
SMC3	-0.04	8.22E-01	-0.13	5.15E-01
TAF1	-0.19	3.45E-01	-0.13	5.15E-01
TMEM147-AS1	-0.10	5.96E-01	-0.13	5.15E-01
UBE2L5P	-0.09	6.66E-01	0.13	5.15E-01
ZNF702P	0.00	9.96E-01	-0.13	5.15E-01
ABLIM2	-0.22	2.52E-01	0.13	5.16E-01
AC013429.5	-0.09	6.52E-01	-0.13	5.16E-01
CHP1	0.32	1.01E-01	0.13	5.16E-01
CSE1L	0.07	7.19E-01	-0.13	5.16E-01
CTD-3220F14.2	0.08	7.00E-01	-0.13	5.16E-01
LINC00412	-0.16	4.04E-01	-0.13	5.16E-01
LINC01353	0.35	7.08E-02	-0.13	5.16E-01
PNN	-0.06	7.62E-01	-0.13	5.16E-01
PPP5C	-0.03	8.73E-01	-0.13	5.16E-01
RBKS	-0.02	9.06E-01	0.13	5.16E-01
RN7SL864P	-0.07	7.31E-01	0.13	5.16E-01



RP1-60N8.1	-0.05	8.00E-01	-0.13	5.16E-01
RP11-680L20.1	-0.04	8.27E-01	0.13	5.16E-01
RP11-84D1.2	0.26	1.77E-01	0.13	5.16E-01
RP4-568F9.6	-0.04	8.38E-01	-0.13	5.16E-01
RP5-1101C3.1	-0.23	2.45E-01	0.13	5.16E-01
RRNAD1	-0.03	8.69E-01	0.13	5.16E-01
SORCS3	-0.21	2.83E-01	0.13	5.16E-01
SRSF3	0.11	5.92E-01	-0.13	5.16E-01
TPD52L2	0.16	4.04E-01	0.13	5.16E-01
VEZT	0.06	7.75E-01	0.13	5.16E-01
AC005534.8	-0.24	2.16E-01	0.13	5.17E-01
CTD-2236F14.1	0.39	4.28E-02	0.13	5.17E-01
CTHRC1	-0.04	8.24E-01	0.13	5.17E-01
EBP	0.18	3.71E-01	0.13	5.17E-01
FAM41C	0.39	3.98E-02	-0.13	5.17E-01
G32993	0.01	9.68E-01	-0.13	5.17E-01
GZMB	0.20	2.96E-01	0.13	5.17E-01
MAST1	0.02	9.21E-01	-0.13	5.17E-01
MCM4	0.10	6.03E-01	-0.13	5.17E-01
MEIS2	-0.09	6.54E-01	0.13	5.17E-01
PAFAH2	0.09	6.62E-01	0.13	5.17E-01
POLR2L	0.11	5.86E-01	0.13	5.17E-01
RP11-147G7.3	-0.06	7.77E-01	-0.13	5.17E-01
RP11-334C17.5	-0.09	6.32E-01	0.13	5.17E-01
RP11-532M24.1	-0.20	3.15E-01	-0.13	5.17E-01
RP11-54G14.1	0.10	6.12E-01	0.13	5.17E-01
RP11-557J10.3	-0.07	7.30E-01	-0.13	5.17E-01
RPL23AP81	0.09	6.45E-01	-0.13	5.17E-01
RPS14P8	-0.29	1.31E-01	-0.13	5.17E-01
RPS6KA1	0.21	2.75E-01	0.13	5.17E-01
RRAGC	0.06	7.46E-01	0.13	5.17E-01
TCTE1	0.04	8.41E-01	-0.13	5.17E-01
TLR7	0.02	9.03E-01	0.13	5.17E-01
TMEM18	0.09	6.55E-01	-0.13	5.17E-01
TTI1	-0.04	8.49E-01	0.13	5.17E-01
USO1	-0.02	9.16E-01	-0.13	5.17E-01
G35954	-0.03	8.68E-01	-0.13	5.18E-01
LINC00667	0.07	7.24E-01	-0.13	5.18E-01
METTL24	-0.31	1.03E-01	-0.13	5.18E-01
RN7SL413P	-0.16	4.04E-01	-0.13	5.18E-01
RP11-231E4.5	0.00	9.85E-01	-0.13	5.18E-01
RP11-319E16.2	-0.05	7.95E-01	-0.13	5.18E-01
RP11-347I19.7	0.05	8.13E-01	-0.13	5.18E-01
RP11-426J5.1	-0.06	7.53E-01	-0.13	5.18E-01
RP11-742D12.2	-0.24	2.09E-01	-0.13	5.18E-01
RP11-74D7.1	0.08	7.03E-01	-0.13	5.18E-01
RP4-669P10.19	-0.24	2.14E-01	-0.13	5.18E-01

<b>RP4-704D21.2</b>	-0.01	9.67E-01	-0.13	5.18E-01
<b>RSPH4A</b>	-0.10	5.99E-01	-0.13	5.18E-01
<b>SDC2</b>	-0.35	7.01E-02	-0.13	5.18E-01
<b>SGPL1</b>	0.16	4.30E-01	-0.13	5.18E-01
<b>SSB</b>	-0.01	9.72E-01	-0.13	5.18E-01
<b>CD226</b>	0.24	2.13E-01	0.13	5.18E-01
<b>CEBPA-AS1</b>	-0.16	4.27E-01	0.13	5.18E-01
<b>HOXD9</b>	-0.13	5.06E-01	0.13	5.18E-01
<b>ISCA2</b>	0.21	2.82E-01	0.13	5.18E-01
<b>NELFA</b>	0.39	4.26E-02	0.13	5.18E-01
<b>OXCT1-AS1</b>	0.08	6.70E-01	0.13	5.18E-01
<b>PIAS4</b>	0.08	7.00E-01	0.13	5.18E-01
<b>PODXL</b>	-0.25	1.91E-01	0.13	5.18E-01
<b>PRF1</b>	0.28	1.46E-01	0.13	5.18E-01
<b>PRUNE2</b>	-0.29	1.30E-01	0.13	5.18E-01
<b>RN7SL239P</b>	-0.20	3.00E-01	0.13	5.18E-01
<b>RP11-285F7.2</b>	0.11	5.82E-01	0.13	5.18E-01
<b>RP11-428L9.2</b>	-0.02	9.00E-01	0.13	5.18E-01
<b>RP11-796E2.4</b>	0.14	4.79E-01	0.13	5.18E-01
<b>RP11-95I16.4</b>	0.00	9.83E-01	0.13	5.18E-01
<b>TARSL2</b>	0.11	5.87E-01	0.13	5.18E-01
<b>TOMM22P2</b>	0.36	5.84E-02	0.13	5.18E-01
<b>TVP23CP2</b>	-0.02	9.35E-01	0.13	5.18E-01
<b>USHBP1</b>	0.18	3.49E-01	0.13	5.18E-01
<b>AC017101.10</b>	-0.32	9.93E-02	-0.13	5.19E-01
<b>AC110299.5</b>	-0.11	5.76E-01	-0.13	5.19E-01
<b>C6orf89</b>	0.06	7.66E-01	-0.13	5.19E-01
<b>CENPQ</b>	0.16	4.13E-01	0.13	5.19E-01
<b>CHRNA7</b>	-0.07	7.28E-01	-0.13	5.19E-01
<b>CTD-2329K10.1</b>	0.20	3.11E-01	0.13	5.19E-01
<b>DEDD</b>	0.13	5.02E-01	0.13	5.19E-01
<b>G3BP1</b>	0.27	1.67E-01	-0.13	5.19E-01
<b>LA16c-358B7.3</b>	-0.18	3.70E-01	0.13	5.19E-01
<b>LINC00476</b>	0.11	5.65E-01	-0.13	5.19E-01
<b>LINGO1</b>	-0.21	2.88E-01	0.13	5.19E-01
<b>NDUFV2</b>	-0.13	4.97E-01	-0.13	5.19E-01
<b>RAB3A</b>	0.06	7.70E-01	0.13	5.19E-01
<b>RIMS4</b>	0.08	6.90E-01	-0.13	5.19E-01
<b>RNU6-877P</b>	0.11	5.67E-01	0.13	5.19E-01
<b>RP11-1293J14.1</b>	-0.13	4.98E-01	0.13	5.19E-01
<b>RP11-298I3.3</b>	-0.04	8.53E-01	-0.13	5.19E-01
<b>RP11-332H14.1</b>	0.25	2.01E-01	-0.13	5.19E-01
<b>RP11-394B2.7</b>	0.26	1.84E-01	-0.13	5.19E-01
<b>RP11-726G1.1</b>	-0.27	1.59E-01	-0.13	5.19E-01
<b>RP11-95O2.5</b>	-0.09	6.55E-01	0.13	5.19E-01
<b>RPL32P3</b>	-0.35	6.57E-02	-0.13	5.19E-01
<b>SLC44A3</b>	-0.16	4.08E-01	0.13	5.19E-01

WNT11	0.06	7.45E-01	-0.13	5.19E-01
XLOC_001066	-0.08	6.82E-01	0.13	5.19E-01
ZBTB4	0.07	7.27E-01	-0.13	5.19E-01
ZNF324B	0.23	2.36E-01	0.13	5.19E-01
AC092155.4	-0.04	8.49E-01	0.13	5.20E-01
C11orf95	0.01	9.67E-01	0.13	5.20E-01
CPNE5	-0.14	4.87E-01	0.13	5.20E-01
CTD-2562J15.4	0.36	5.82E-02	-0.13	5.20E-01
FAM131C	-0.11	5.80E-01	0.13	5.20E-01
GGT3P	-0.16	4.24E-01	-0.13	5.20E-01
GGT6	-0.07	7.31E-01	-0.13	5.20E-01
GS1-114I9.3	0.17	3.92E-01	-0.13	5.20E-01
KRT25	-0.07	7.05E-01	0.13	5.20E-01
LRIF1	0.29	1.40E-01	-0.13	5.20E-01
MICE	-0.11	5.87E-01	-0.13	5.20E-01
PCMTD2	0.05	7.93E-01	0.13	5.20E-01
PDXDC2P	-0.22	2.67E-01	-0.13	5.20E-01
RNA5SP354	-0.20	3.15E-01	0.13	5.20E-01
RP1-39G22.7	-0.06	7.75E-01	-0.13	5.20E-01
RP11-108M9.4	-0.03	8.94E-01	-0.13	5.20E-01
RP11-318C2.1	-0.13	5.04E-01	0.13	5.20E-01
RP11-813P10.1	-0.12	5.36E-01	-0.13	5.20E-01
RPL9P16	-0.05	7.96E-01	0.13	5.20E-01
RRN3P3	0.04	8.28E-01	-0.13	5.20E-01
SERINC3	0.00	9.96E-01	0.13	5.20E-01
SP4	0.03	8.71E-01	0.13	5.20E-01
TMEM40	0.30	1.22E-01	0.13	5.20E-01
WDR49	0.03	8.66E-01	-0.13	5.20E-01
ZNF691	0.29	1.33E-01	0.13	5.20E-01
AC007362.3	-0.06	7.66E-01	0.13	5.21E-01
C3orf36	-0.14	4.67E-01	0.13	5.21E-01
CSRNP1	0.02	9.09E-01	0.13	5.21E-01
CTD-2301A4.3	-0.05	7.99E-01	-0.13	5.21E-01
CUBNP2	0.35	6.50E-02	0.13	5.21E-01
DHRS7	0.11	5.71E-01	0.13	5.21E-01
G31689	-0.03	8.75E-01	-0.13	5.21E-01
GS1-124K5.4	0.03	8.98E-01	0.13	5.21E-01
GSTM2	0.01	9.58E-01	-0.13	5.21E-01
HCG25	0.01	9.71E-01	0.13	5.21E-01
IL23A	0.38	4.44E-02	0.13	5.21E-01
KLHDC10	0.11	5.79E-01	-0.13	5.21E-01
LINC00578	0.34	7.29E-02	0.13	5.21E-01
LL09NC01-251B2.3	-0.17	3.97E-01	-0.13	5.21E-01
MT-TL1	0.28	1.53E-01	-0.13	5.21E-01
NDOR1	0.09	6.53E-01	0.13	5.21E-01
NRD1	-0.08	6.68E-01	-0.13	5.21E-01
PLOD3	-0.05	7.98E-01	-0.13	5.21E-01

RHPN2	-0.17	3.91E-01	-0.13	5.21E-01
RN7SKP23	-0.07	7.29E-01	-0.13	5.21E-01
RNU6-126P	0.13	4.99E-01	-0.13	5.21E-01
RNU6-476P	-0.09	6.33E-01	-0.13	5.21E-01
RP11-10J21.2	-0.27	1.71E-01	0.13	5.21E-01
RP11-12M5.4	-0.29	1.41E-01	-0.13	5.21E-01
RP11-16E23.3	0.24	2.27E-01	-0.13	5.21E-01
RP11-254F19.4	-0.09	6.38E-01	-0.13	5.21E-01
RP11-405L18.4	0.14	4.68E-01	0.13	5.21E-01
RP11-434E6.4	-0.17	3.93E-01	-0.13	5.21E-01
RP11-541M12.6	-0.09	6.35E-01	-0.13	5.21E-01
RP11-5C23.1	0.23	2.40E-01	-0.13	5.21E-01
RP4-566D2.1	-0.18	3.63E-01	-0.13	5.21E-01
RPL26L1	0.20	3.06E-01	0.13	5.21E-01
SBDS	0.03	8.83E-01	-0.13	5.21E-01
SERPINA9	0.19	3.35E-01	-0.13	5.21E-01
SFN	0.22	2.63E-01	0.13	5.21E-01
SMARCC1	-0.07	7.35E-01	-0.13	5.21E-01
SMG1P7	-0.05	7.92E-01	-0.13	5.21E-01
SPATA2L	0.08	6.85E-01	0.13	5.21E-01
SRFBP1	0.11	5.72E-01	-0.13	5.21E-01
TMEM198B	-0.34	7.64E-02	0.13	5.21E-01
UBE2CP1	-0.32	9.78E-02	-0.13	5.21E-01
UFL1-AS1	-0.04	8.24E-01	-0.13	5.21E-01
XXyac-YR38GF2.1	-0.17	4.00E-01	-0.13	5.21E-01
ZMYND15	0.01	9.47E-01	0.13	5.21E-01
ZNF768	0.02	9.29E-01	-0.13	5.21E-01
AOAH	-0.08	6.83E-01	0.13	5.22E-01
C2orf71	-0.16	4.30E-01	-0.13	5.22E-01
EFCAB2	0.12	5.59E-01	0.13	5.22E-01
EXOC4	-0.10	6.02E-01	0.13	5.22E-01
GFRA1	-0.17	3.91E-01	-0.13	5.22E-01
GTF2IRD1P1	0.12	5.52E-01	-0.13	5.22E-01
HGSNAT	-0.09	6.48E-01	0.13	5.22E-01
IDH1-AS1	0.11	5.62E-01	-0.13	5.22E-01
KATNBL1	-0.08	6.88E-01	-0.13	5.22E-01
KCNQ3	-0.30	1.15E-01	0.13	5.22E-01
LINC00504	-0.13	5.13E-01	-0.13	5.22E-01
LURAP1L-AS1	-0.27	1.60E-01	-0.13	5.22E-01
MT-ATP8	0.27	1.61E-01	0.13	5.22E-01
NPL	0.17	3.75E-01	0.13	5.22E-01
PPP2R5A	0.06	7.70E-01	-0.13	5.22E-01
PRPS1P2	-0.10	6.31E-01	-0.13	5.22E-01
RNVU1-15	0.07	7.18E-01	0.13	5.22E-01
RP11-297K8.2	0.02	9.28E-01	-0.13	5.22E-01
RP11-311H10.4	-0.03	8.93E-01	0.13	5.22E-01
RP11-406A9.2	0.07	7.32E-01	-0.13	5.22E-01

RP11-848P1.4	0.14	4.80E-01	-0.13	5.22E-01
RP4-604G5.3	-0.08	7.01E-01	-0.13	5.22E-01
RP4-710M16.2	-0.17	3.95E-01	0.13	5.22E-01
RP5-1056L3.3	-0.20	3.06E-01	-0.13	5.22E-01
SLC10A3	-0.07	7.35E-01	0.13	5.22E-01
SLC35E1	0.16	4.04E-01	0.13	5.22E-01
SYF2	-0.02	9.35E-01	0.13	5.22E-01
TMEM9B	0.21	2.72E-01	-0.13	5.22E-01
XLOC_001595	-0.02	9.28E-01	-0.13	5.22E-01
XLOC_003480	0.09	6.59E-01	0.13	5.22E-01
XLOC_013968	-0.18	3.64E-01	-0.13	5.22E-01
ZNF474	0.03	8.83E-01	0.13	5.22E-01
ABI1	0.03	8.92E-01	-0.13	5.23E-01
AC007899.3	-0.02	9.20E-01	-0.13	5.23E-01
AP000344.3	-0.11	5.87E-01	0.13	5.23E-01
C4orf33	0.13	5.09E-01	0.13	5.23E-01
CAGE1	-0.07	7.25E-01	-0.13	5.23E-01
CLDN2	-0.10	6.23E-01	-0.13	5.23E-01
COG7	0.00	9.89E-01	0.13	5.23E-01
CPTP	0.06	7.44E-01	0.13	5.23E-01
CTC-137K3.1	-0.25	1.97E-01	-0.13	5.23E-01
CTD-2017D11.1	-0.38	4.41E-02	-0.13	5.23E-01
DUSP19	0.01	9.67E-01	0.13	5.23E-01
G29896	-0.04	8.31E-01	0.13	5.23E-01
GFRA3	0.19	3.46E-01	0.13	5.23E-01
IFFO2	-0.17	3.77E-01	-0.13	5.23E-01
KCNB2	-0.25	2.07E-01	-0.13	5.23E-01
KIF6	-0.15	4.33E-01	-0.13	5.23E-01
LCMT1-AS2	-0.14	4.85E-01	-0.13	5.23E-01
LINC00963	0.12	5.47E-01	-0.13	5.23E-01
RNU6-969P	-0.11	5.71E-01	0.13	5.23E-01
RP11-212P7.1	-0.10	6.20E-01	-0.13	5.23E-01
RP11-79P5.9	-0.03	8.68E-01	-0.13	5.23E-01
RPL21P110	-0.28	1.42E-01	0.13	5.23E-01
RRAD	0.05	8.07E-01	0.13	5.23E-01
SPSB4	-0.01	9.57E-01	-0.13	5.23E-01
TRPV2	-0.07	7.27E-01	0.13	5.23E-01
ABCA6	-0.04	8.48E-01	0.13	5.24E-01
ADCY8	-0.11	5.65E-01	-0.13	5.24E-01
ARPC3P1	-0.03	8.64E-01	0.13	5.24E-01
ARPP19	0.18	3.63E-01	-0.13	5.24E-01
ATP5F1P1	-0.35	6.89E-02	0.13	5.24E-01
CDCA4P2	0.06	7.64E-01	-0.13	5.24E-01
CTC-471F3.5	-0.05	8.01E-01	-0.13	5.24E-01
CTD-2228K2.1	-0.11	5.66E-01	-0.13	5.24E-01
CTD-2270P14.5	-0.13	5.20E-01	0.13	5.24E-01
CTD-2287O16.4	0.32	1.00E-01	-0.13	5.24E-01

<b>CTD-2306A12.1</b>	-0.01	9.71E-01	-0.13	5.24E-01
<b>DCAF13</b>	0.12	5.29E-01	-0.13	5.24E-01
<b>FLRT1</b>	-0.18	3.60E-01	-0.13	5.24E-01
<b>G32308</b>	-0.06	7.44E-01	0.13	5.24E-01
<b>GLYR1</b>	0.16	4.28E-01	0.13	5.24E-01
<b>GRWD1</b>	0.22	2.56E-01	0.13	5.24E-01
<b>HLA-DPA1</b>	0.17	3.99E-01	0.13	5.24E-01
<b>HSD11B2</b>	0.03	8.85E-01	0.13	5.24E-01
<b>KCNJ10</b>	-0.07	7.13E-01	-0.13	5.24E-01
<b>LCP1</b>	0.19	3.43E-01	0.13	5.24E-01
<b>LINC00163</b>	-0.22	2.65E-01	-0.13	5.24E-01
<b>LINC00310</b>	-0.18	3.46E-01	0.13	5.24E-01
<b>LINC01562</b>	0.22	2.70E-01	0.13	5.24E-01
<b>LYPD3</b>	-0.03	8.99E-01	0.13	5.24E-01
<b>MRPS10P1</b>	-0.16	4.03E-01	-0.13	5.24E-01
<b>MTND4P15</b>	-0.12	5.35E-01	0.13	5.24E-01
<b>NOP56P1</b>	0.06	7.43E-01	0.13	5.24E-01
<b>PCYT1B</b>	-0.01	9.79E-01	-0.13	5.24E-01
<b>PICK1</b>	0.07	7.38E-01	0.13	5.24E-01
<b>PLAC8</b>	0.25	2.01E-01	0.13	5.24E-01
<b>PON1</b>	0.31	1.10E-01	-0.13	5.24E-01
<b>POU5F1P3</b>	0.03	8.61E-01	-0.13	5.24E-01
<b>PRKCE</b>	-0.01	9.57E-01	-0.13	5.24E-01
<b>RIMBP3</b>	-0.14	4.75E-01	0.13	5.24E-01
<b>RN7SKP151</b>	0.00	9.82E-01	0.13	5.24E-01
<b>RNU7-80P</b>	-0.16	4.28E-01	-0.13	5.24E-01
<b>RP11-309L24.4</b>	0.04	8.33E-01	0.13	5.24E-01
<b>RP11-359B12.2</b>	0.08	7.01E-01	-0.13	5.24E-01
<b>RP11-59H7.4</b>	0.14	4.72E-01	0.13	5.24E-01
<b>RPS4XP17</b>	-0.02	9.32E-01	-0.13	5.24E-01
<b>TMEM159</b>	0.04	8.25E-01	0.13	5.24E-01
<b>TXLNB</b>	0.13	4.97E-01	0.13	5.24E-01
<b>AC074338.4</b>	0.35	6.52E-02	0.13	5.25E-01
<b>BID</b>	0.44	2.04E-02	0.13	5.25E-01
<b>C15orf54</b>	-0.26	1.83E-01	0.13	5.25E-01
<b>COPS7A</b>	0.11	5.71E-01	0.13	5.25E-01
<b>CTC-563A5.2</b>	0.08	6.79E-01	0.13	5.25E-01
<b>RABL6</b>	0.08	6.68E-01	0.13	5.25E-01
<b>RASGEF1B</b>	0.07	7.13E-01	0.13	5.25E-01
<b>RP11-741G21.1</b>	0.02	9.05E-01	0.13	5.25E-01
<b>TRIM59</b>	0.25	2.08E-01	0.13	5.25E-01
<b>UFD1L</b>	0.04	8.51E-01	0.13	5.25E-01
<b>VOPP1</b>	0.17	3.90E-01	0.13	5.25E-01
<b>ZBTB42</b>	0.09	6.35E-01	0.13	5.25E-01
<b>CTD-2517M22.14</b>	-0.19	3.41E-01	-0.13	5.25E-01
<b>HNRNPA1P16</b>	-0.10	6.05E-01	-0.13	5.25E-01
<b>MRPL32</b>	0.18	3.47E-01	-0.13	5.25E-01

<b>MTCYBP23</b>	-0.24	2.15E-01	-0.13	5.25E-01
<b>PKD1P6</b>	-0.26	1.83E-01	-0.13	5.25E-01
<b>PLPPR4</b>	-0.40	3.33E-02	-0.13	5.25E-01
<b>RN7SL130P</b>	-0.17	3.74E-01	-0.13	5.25E-01
<b>RP11-417J8.6</b>	0.12	5.31E-01	-0.13	5.25E-01
<b>RP11-613C6.4</b>	-0.06	7.51E-01	-0.13	5.25E-01
<b>RP11-778O17.4</b>	-0.20	2.97E-01	-0.13	5.25E-01
<b>RP4-591B8.2</b>	0.23	2.45E-01	-0.13	5.25E-01
<b>RP4-728D4.3</b>	-0.08	6.83E-01	-0.13	5.25E-01
<b>UBE2CP2</b>	-0.28	1.43E-01	-0.13	5.25E-01
<b>UGT1A3</b>	0.27	1.67E-01	-0.13	5.25E-01
<b>ZNF350-AS1</b>	-0.44	1.84E-02	-0.13	5.25E-01
<b>AC002064.4</b>	-0.36	6.09E-02	-0.13	5.26E-01
<b>AC083843.1</b>	0.07	7.09E-01	-0.13	5.26E-01
<b>ADAM1B</b>	-0.17	3.96E-01	-0.13	5.26E-01
<b>AL133458.1</b>	0.11	5.80E-01	-0.13	5.26E-01
<b>AQP6</b>	-0.15	4.44E-01	0.13	5.26E-01
<b>CDV3</b>	0.14	4.85E-01	-0.13	5.26E-01
<b>CXorf40B</b>	0.22	2.54E-01	0.13	5.26E-01
<b>CYTH3</b>	-0.12	5.33E-01	-0.13	5.26E-01
<b>1-Dec</b>	0.02	9.05E-01	-0.13	5.26E-01
<b>G30728</b>	0.20	3.15E-01	0.13	5.26E-01
<b>GCA</b>	0.29	1.32E-01	-0.13	5.26E-01
<b>GMDS-AS1</b>	0.10	6.07E-01	0.13	5.26E-01
<b>GNS</b>	0.03	8.85E-01	0.13	5.26E-01
<b>LINC01625</b>	-0.02	9.38E-01	-0.13	5.26E-01
<b>OSBPL10-AS1</b>	-0.07	7.24E-01	-0.13	5.26E-01
<b>PGLYRP1</b>	0.36	6.26E-02	-0.13	5.26E-01
<b>PHLPP1</b>	-0.08	6.93E-01	-0.13	5.26E-01
<b>PWWP2B</b>	-0.12	5.58E-01	-0.13	5.26E-01
<b>RP11-191L9.5</b>	-0.08	6.71E-01	0.13	5.26E-01
<b>RP11-305M3.2</b>	-0.34	7.34E-02	-0.13	5.26E-01
<b>RP11-326K13.4</b>	0.13	5.24E-01	0.13	5.26E-01
<b>RP11-426K3.1</b>	0.24	2.15E-01	-0.13	5.26E-01
<b>RP11-598D12.4</b>	0.13	5.19E-01	0.13	5.26E-01
<b>RP11-668G10.2</b>	0.18	3.65E-01	-0.13	5.26E-01
<b>RP11-68I3.11</b>	0.25	2.00E-01	0.13	5.26E-01
<b>RP3-375P9.2</b>	-0.05	8.01E-01	-0.13	5.26E-01
<b>SACS-AS1</b>	0.27	1.69E-01	-0.13	5.26E-01
<b>SNX25P1</b>	0.15	4.34E-01	-0.13	5.26E-01
<b>SPAG9</b>	-0.09	6.54E-01	-0.13	5.26E-01
<b>TSPAN17</b>	0.33	8.32E-02	0.13	5.26E-01
<b>ZNF33A</b>	0.13	5.00E-01	-0.13	5.26E-01
<b>ZNF442</b>	0.06	7.77E-01	-0.13	5.26E-01
<b>ZNRF2</b>	-0.03	8.87E-01	-0.13	5.26E-01
<b>AGBL5</b>	-0.16	4.20E-01	0.13	5.27E-01
<b>AP000889.1</b>	0.04	8.26E-01	-0.13	5.27E-01

AP001046.5	0.02	9.22E-01	-0.13	5.27E-01
ASNSP1	-0.17	4.00E-01	-0.13	5.27E-01
BCL9L	0.07	7.36E-01	0.13	5.27E-01
BSPRY	-0.08	6.73E-01	-0.13	5.27E-01
C14orf169	0.14	4.72E-01	0.13	5.27E-01
C1QTNF4	0.13	5.20E-01	0.13	5.27E-01
CBX1P1	-0.03	8.85E-01	-0.13	5.27E-01
CECR7	-0.14	4.86E-01	0.13	5.27E-01
CENPN	0.15	4.47E-01	-0.13	5.27E-01
CTC-523E23.11	-0.15	4.35E-01	-0.13	5.27E-01
CTC-524C5.2	-0.05	7.89E-01	-0.13	5.27E-01
CTD-2017D11.2	-0.39	3.76E-02	-0.13	5.27E-01
DIS3	0.16	4.11E-01	0.13	5.27E-01
EDEM2	-0.09	6.35E-01	0.13	5.27E-01
KCNIP3	-0.16	4.22E-01	0.13	5.27E-01
KRTAP5-AS1	0.35	6.84E-02	-0.13	5.27E-01
LINC00933	0.25	1.91E-01	0.13	5.27E-01
MIR5188	0.18	3.66E-01	-0.13	5.27E-01
PCDHGA9	0.08	6.92E-01	-0.13	5.27E-01
RNF126	0.20	3.20E-01	-0.13	5.27E-01
RNU5E-1	0.02	9.00E-01	0.13	5.27E-01
RP11-361L15.5	-0.12	5.34E-01	0.13	5.27E-01
RP11-70C1.3	0.05	7.83E-01	0.13	5.27E-01
RP11-73O6.3	-0.04	8.29E-01	0.13	5.27E-01
RP4-673M15.1	-0.28	1.42E-01	-0.13	5.27E-01
SIX1	0.09	6.45E-01	0.13	5.27E-01
SUV420H2	-0.17	3.89E-01	-0.13	5.27E-01
TUBB1	-0.17	3.96E-01	0.13	5.27E-01
VPS29	-0.02	9.08E-01	-0.13	5.27E-01
BANP	0.03	8.92E-01	0.13	5.28E-01
CTD-2196E14.3	-0.11	5.71E-01	0.13	5.28E-01
G7527	-0.12	5.33E-01	-0.13	5.28E-01
GAPDHP2	-0.25	1.94E-01	0.13	5.28E-01
HLA-DRB6	0.14	4.87E-01	-0.13	5.28E-01
KIAA0391	-0.09	6.35E-01	-0.13	5.28E-01
LINC00680	-0.23	2.42E-01	-0.13	5.28E-01
LINC01341	0.22	2.70E-01	-0.13	5.28E-01
LINC01514	-0.22	2.51E-01	0.13	5.28E-01
LSM2	-0.02	9.11E-01	0.13	5.28E-01
MAF1	0.14	4.72E-01	0.13	5.28E-01
RN7SL373P	-0.02	9.26E-01	0.13	5.28E-01
RNU6-455P	-0.32	9.78E-02	0.13	5.28E-01
RP11-115J16.1	-0.22	2.57E-01	-0.13	5.28E-01
RP11-447H19.4	-0.06	7.80E-01	-0.13	5.28E-01
RP11-667M19.2	-0.14	4.87E-01	-0.13	5.28E-01
RP11-712L6.8	-0.22	2.71E-01	-0.13	5.28E-01
SERPINI1	-0.14	4.91E-01	-0.13	5.28E-01



SETX	0.06	7.60E-01	-0.13	5.28E-01
SNORA40	0.10	6.26E-01	-0.13	5.28E-01
SSR4P1	0.26	1.81E-01	-0.13	5.28E-01
STX3	0.10	6.31E-01	0.13	5.28E-01
TRAJ39	-0.41	2.86E-02	-0.13	5.28E-01
VPS18	0.24	2.14E-01	0.13	5.28E-01
ZNF672	0.32	9.96E-02	0.13	5.28E-01
ABCA11P	0.10	6.17E-01	-0.13	5.29E-01
AC092614.2	0.39	4.20E-02	0.13	5.29E-01
AC093375.1	0.00	9.98E-01	-0.13	5.29E-01
BTN3A2	0.23	2.30E-01	0.13	5.29E-01
DGCR9	-0.15	4.54E-01	-0.13	5.29E-01
G19624	-0.16	4.05E-01	0.13	5.29E-01
GYPA	-0.05	7.95E-01	-0.13	5.29E-01
IL1R2	-0.02	9.09E-01	0.13	5.29E-01
KRT82	0.14	4.63E-01	0.13	5.29E-01
LINC01140	-0.13	5.19E-01	-0.13	5.29E-01
MCUR1	0.09	6.50E-01	0.13	5.29E-01
MESTIT1	0.05	7.85E-01	-0.13	5.29E-01
MNDA	0.09	6.47E-01	-0.13	5.29E-01
MRPL19	0.25	2.03E-01	-0.13	5.29E-01
PLVAP	-0.08	6.76E-01	0.13	5.29E-01
POMT1	0.19	3.20E-01	0.13	5.29E-01
PPP1R14A	-0.28	1.50E-01	0.13	5.29E-01
RNU5E-2P	0.04	8.46E-01	-0.13	5.29E-01
RP11-108M9.5	-0.14	4.66E-01	-0.13	5.29E-01
RP11-10A14.4	-0.24	2.20E-01	-0.13	5.29E-01
RP11-355N15.1	0.06	7.51E-01	-0.13	5.29E-01
RP11-649G15.2	-0.04	8.56E-01	-0.13	5.29E-01
RP11-669E14.6	0.00	9.99E-01	0.13	5.29E-01
RP11-707O23.1	-0.07	7.27E-01	-0.13	5.29E-01
RP5-1021I20.5	0.10	6.14E-01	0.13	5.29E-01
RPL18AP2	-0.54	3.06E-03	-0.13	5.29E-01
S100G	-0.34	7.29E-02	0.13	5.29E-01
SCARNA7	-0.08	6.89E-01	-0.13	5.29E-01
SDCBP2-AS1	0.15	4.36E-01	-0.13	5.29E-01
STRA8	-0.13	5.11E-01	-0.13	5.29E-01
STX11	0.14	4.83E-01	0.13	5.29E-01
TMC2	0.25	2.06E-01	-0.13	5.29E-01
UTP20	0.06	7.46E-01	-0.13	5.29E-01
YPEL4	-0.24	2.20E-01	0.13	5.29E-01
AC010525.2	0.17	3.89E-01	-0.13	5.30E-01
AC068831.10	-0.02	9.04E-01	-0.13	5.30E-01
CLDN3	-0.22	2.56E-01	-0.13	5.30E-01
G29816	0.10	6.12E-01	-0.13	5.30E-01
GTF3C3	-0.07	7.14E-01	-0.13	5.30E-01
HSP90AA1	-0.17	3.92E-01	-0.13	5.30E-01

LINC00158	0.13	5.03E-01	-0.13	5.30E-01
LINC01314	-0.08	7.03E-01	-0.13	5.30E-01
MAK16	0.20	3.18E-01	-0.13	5.30E-01
PGM5P1	-0.14	4.66E-01	-0.13	5.30E-01
PRIMPOL	-0.03	8.88E-01	-0.13	5.30E-01
RP11-146F11.1	0.13	5.21E-01	-0.13	5.30E-01
RP11-397P13.6	-0.02	9.24E-01	-0.13	5.30E-01
RP11-506F3.1	-0.08	6.71E-01	-0.13	5.30E-01
RPL7AP11	0.00	9.87E-01	-0.13	5.30E-01
SNORD60	0.10	5.98E-01	-0.13	5.30E-01
XLOC_005347	0.36	5.64E-02	-0.13	5.30E-01
GRK6	0.03	8.80E-01	0.13	5.30E-01
LINC01482	0.09	6.44E-01	0.13	5.30E-01
MTOR	0.04	8.45E-01	0.13	5.30E-01
RP11-14C10.3	-0.09	6.65E-01	0.13	5.30E-01
RP11-757G14.3	-0.22	2.66E-01	0.13	5.30E-01
RP11-946L16.2	-0.15	4.59E-01	0.13	5.30E-01
SETP14	-0.16	4.12E-01	0.13	5.30E-01
TCEB1P31	0.02	9.34E-01	0.13	5.30E-01
TRGV2	0.14	4.71E-01	0.13	5.30E-01
UNC79	0.14	4.86E-01	0.13	5.30E-01
AKT1	0.17	3.99E-01	0.13	5.31E-01
AL356475.1	0.17	3.98E-01	0.13	5.31E-01
CTA-293F17.1	0.20	3.02E-01	0.13	5.31E-01
CTD-3092A11.1	-0.14	4.92E-01	0.13	5.31E-01
IFNAR1	0.31	1.13E-01	0.13	5.31E-01
KRTAP8-1	-0.04	8.39E-01	0.13	5.31E-01
NHSL2	-0.42	2.44E-02	0.13	5.31E-01
NLRP12	0.29	1.35E-01	0.13	5.31E-01
PABPC1	0.33	8.48E-02	0.13	5.31E-01
RNF10	0.21	2.87E-01	0.13	5.31E-01
RP11-325I22.3	0.05	8.14E-01	0.13	5.31E-01
RP11-55K22.2	-0.07	7.09E-01	0.13	5.31E-01
RP11-83N9.5	0.21	2.89E-01	0.13	5.31E-01
RP4-605O3.4	-0.32	9.99E-02	0.13	5.31E-01
SOX12	0.14	4.92E-01	0.13	5.31E-01
SURF4	0.10	5.97E-01	0.13	5.31E-01
TMEM51	-0.03	8.98E-01	0.13	5.31E-01
TUBB8P1	0.12	5.30E-01	0.13	5.31E-01
KCNMB2-AS1	0.23	2.50E-01	-0.13	5.31E-01
LRRC37A16P	-0.36	5.99E-02	-0.13	5.31E-01
NT5DC3	0.05	8.10E-01	-0.13	5.31E-01
RP1-102D24.5	-0.10	5.96E-01	-0.13	5.31E-01
RP11-12A16.3	-0.11	5.70E-01	-0.13	5.31E-01
RP11-135F9.4	0.12	5.57E-01	-0.13	5.31E-01
RP11-295P9.3	-0.17	3.93E-01	-0.13	5.31E-01
RP11-410L14.1	0.02	9.25E-01	-0.13	5.31E-01

RP4-680D5.2	0.08	7.01E-01	-0.13	5.31E-01
RPL21P5	0.00	9.87E-01	-0.13	5.31E-01
SLC9B2	0.13	5.15E-01	-0.13	5.31E-01
TNS2	-0.31	1.06E-01	-0.13	5.31E-01
VN1R21P	0.30	1.16E-01	-0.13	5.31E-01
ACTG1P18	-0.09	6.36E-01	-0.13	5.32E-01
ACTL10	0.12	5.54E-01	-0.13	5.32E-01
AL160175.1	-0.05	7.93E-01	-0.13	5.32E-01
ANKRD34A	0.31	1.06E-01	0.13	5.32E-01
ATP10B	0.24	2.16E-01	0.13	5.32E-01
C16orf95	-0.10	6.11E-01	0.13	5.32E-01
C22orf23	0.36	5.94E-02	0.13	5.32E-01
CH17-302M23.1	-0.13	5.17E-01	0.13	5.32E-01
CRHR1	-0.01	9.48E-01	-0.13	5.32E-01
CTC-558O2.2	-0.07	7.29E-01	-0.13	5.32E-01
CTD-2530H12.4	-0.05	8.03E-01	0.13	5.32E-01
CTDSPL	0.04	8.50E-01	0.13	5.32E-01
DDX50P1	-0.27	1.60E-01	-0.13	5.32E-01
EMP1	-0.06	7.63E-01	-0.13	5.32E-01
FBXL8	-0.01	9.61E-01	0.13	5.32E-01
G10656	0.31	1.11E-01	0.13	5.32E-01
G25499	-0.22	2.53E-01	-0.13	5.32E-01
GCC2-AS1	0.39	4.01E-02	0.13	5.32E-01
KRT12	0.11	5.83E-01	0.13	5.32E-01
LARP4	0.10	6.05E-01	-0.13	5.32E-01
MTCO3P12	0.11	5.83E-01	0.13	5.32E-01
MZF1	-0.23	2.30E-01	-0.13	5.32E-01
NRADDP	0.13	5.02E-01	-0.13	5.32E-01
PI4KAP2	-0.43	2.29E-02	-0.13	5.32E-01
PRR25	-0.11	5.77E-01	-0.13	5.32E-01
RNU7-40P	-0.37	5.01E-02	-0.13	5.32E-01
ROBO4	0.28	1.45E-01	0.13	5.32E-01
RP11-143K11.7	-0.20	3.09E-01	0.13	5.32E-01
RP11-16K12.2	0.22	2.56E-01	0.13	5.32E-01
RP11-90P5.5	-0.12	5.43E-01	0.13	5.32E-01
RP3-395C13.1	0.19	3.31E-01	-0.13	5.32E-01
RP5-1142A6.9	0.02	9.13E-01	-0.13	5.32E-01
SLC2A4	-0.12	5.56E-01	-0.13	5.32E-01
SPRY4-IT1	0.07	7.42E-01	0.13	5.32E-01
TAF6	0.17	3.81E-01	0.13	5.32E-01
TBCAP2	-0.08	6.91E-01	0.13	5.32E-01
TCEB1P19	-0.27	1.67E-01	-0.13	5.32E-01
TRMT2B-AS1	-0.09	6.60E-01	0.13	5.32E-01
TXLNG	-0.13	4.95E-01	-0.13	5.32E-01
VPS33A	0.18	3.46E-01	0.13	5.32E-01
ARMC10	-0.19	3.22E-01	-0.13	5.33E-01
C7orf26	-0.01	9.61E-01	0.13	5.33E-01

CAV1	-0.12	5.37E-01	-0.13	5.33E-01
CTD-2410N18.3	0.06	7.60E-01	0.13	5.33E-01
DDX59	-0.02	9.20E-01	0.13	5.33E-01
ELMOD1	-0.16	4.07E-01	-0.13	5.33E-01
ENOX2	0.05	8.03E-01	0.13	5.33E-01
FAM131A	-0.03	8.74E-01	-0.13	5.33E-01
FOXL1	-0.11	5.60E-01	-0.13	5.33E-01
G41367	0.00	9.91E-01	-0.13	5.33E-01
HRH4	-0.08	6.76E-01	-0.13	5.33E-01
JARID2	-0.10	6.26E-01	0.13	5.33E-01
LAMA2	-0.07	7.07E-01	0.13	5.33E-01
METTL21A	0.18	3.71E-01	-0.13	5.33E-01
MIR4766	-0.40	3.73E-02	0.13	5.33E-01
PCGF6	0.01	9.79E-01	0.13	5.33E-01
RDX	-0.17	3.91E-01	-0.13	5.33E-01
RP11-1021O19.2	0.05	8.15E-01	-0.13	5.33E-01
RP11-261C10.4	0.09	6.39E-01	-0.13	5.33E-01
RP11-488C13.1	0.14	4.67E-01	0.13	5.33E-01
RP11-83A24.2	-0.32	9.81E-02	-0.13	5.33E-01
RP11-87N24.1	0.18	3.61E-01	0.13	5.33E-01
RP5-967N21.7	0.07	7.22E-01	-0.13	5.33E-01
RPL6P2	-0.01	9.48E-01	-0.13	5.33E-01
SKP2	0.02	9.16E-01	0.13	5.33E-01
SNORD78	0.19	3.22E-01	-0.13	5.33E-01
SPATA1	-0.09	6.48E-01	-0.13	5.33E-01
THRB-AS1	-0.24	2.16E-01	0.13	5.33E-01
TRIM45	-0.17	3.76E-01	-0.13	5.33E-01
ZBTB22	0.18	3.47E-01	0.13	5.33E-01
AP004289.2	-0.14	4.78E-01	-0.13	5.34E-01
COL10A1	0.00	9.92E-01	-0.13	5.34E-01
CTD-2012K14.8	0.18	3.52E-01	-0.13	5.34E-01
CYP27A1	-0.25	2.04E-01	-0.13	5.34E-01
EIF5A2P1	-0.43	2.23E-02	-0.13	5.34E-01
G14029	-0.43	2.14E-02	-0.13	5.34E-01
G6008	-0.10	6.20E-01	-0.13	5.34E-01
GPR12	-0.04	8.49E-01	-0.13	5.34E-01
OR7A19P	-0.22	2.71E-01	-0.13	5.34E-01
OTOP3	-0.04	8.45E-01	-0.13	5.34E-01
RP11-131L23.1	0.11	5.73E-01	-0.13	5.34E-01
RP11-209D14.4	0.27	1.70E-01	-0.13	5.34E-01
RP11-359G22.4	0.21	2.87E-01	-0.13	5.34E-01
RP11-652L8.4	0.07	7.10E-01	-0.13	5.34E-01
RP11-781A6.1	-0.17	3.92E-01	-0.13	5.34E-01
UXT	0.04	8.25E-01	-0.13	5.34E-01
CAPN14	-0.02	9.36E-01	0.13	5.34E-01
DDX28	0.33	8.64E-02	0.13	5.34E-01
G555	0.09	6.34E-01	0.13	5.34E-01

<b>ITPKB-IT1</b>	-0.14	4.87E-01	0.13	5.34E-01
<b>NEURL1</b>	0.13	5.19E-01	0.13	5.34E-01
<b>RN7SL425P</b>	0.05	7.99E-01	0.13	5.34E-01
<b>RNU7-115P</b>	0.06	7.54E-01	0.13	5.34E-01
<b>RXRA</b>	0.13	5.14E-01	0.13	5.34E-01
<b>SYNRG</b>	-0.11	5.85E-01	0.13	5.34E-01
<b>TXNRD1</b>	0.52	4.37E-03	0.13	5.34E-01
<b>ZFYVE27</b>	0.20	3.02E-01	0.13	5.34E-01
<b>AP001205.1</b>	-0.11	5.67E-01	0.12	5.35E-01
<b>BCL9</b>	0.08	6.96E-01	0.12	5.35E-01
<b>DSCR3</b>	0.08	6.98E-01	0.12	5.35E-01
<b>FAM35DP</b>	-0.17	4.01E-01	-0.12	5.35E-01
<b>FAM46C</b>	0.17	4.00E-01	-0.12	5.35E-01
<b>FAM91A3P</b>	-0.22	2.56E-01	-0.12	5.35E-01
<b>HCG4B</b>	0.05	8.18E-01	0.12	5.35E-01
<b>KIN</b>	0.08	6.69E-01	-0.12	5.35E-01
<b>LAMA1</b>	-0.19	3.24E-01	-0.12	5.35E-01
<b>LAMTOR2</b>	-0.09	6.45E-01	0.12	5.35E-01
<b>NUP58</b>	0.20	2.98E-01	-0.12	5.35E-01
<b>RASA2-IT1</b>	0.01	9.75E-01	0.12	5.35E-01
<b>RN7SL182P</b>	-0.33	8.18E-02	0.12	5.35E-01
<b>RN7SL559P</b>	-0.28	1.53E-01	0.12	5.35E-01
<b>RNF113A</b>	-0.04	8.30E-01	0.12	5.35E-01
<b>RP11-15J10.1</b>	0.28	1.55E-01	-0.12	5.35E-01
<b>RP11-351O1.4</b>	-0.05	8.16E-01	-0.12	5.35E-01
<b>RP11-406H23.5</b>	0.01	9.78E-01	-0.12	5.35E-01
<b>RP11-74K11.2</b>	-0.20	3.13E-01	0.12	5.35E-01
<b>RP11-834C11.4</b>	-0.20	3.09E-01	0.12	5.35E-01
<b>RP11-857B24.5</b>	-0.10	6.02E-01	0.12	5.35E-01
<b>SH3BP1</b>	0.28	1.47E-01	0.12	5.35E-01
<b>SLC9A3R1</b>	0.06	7.49E-01	0.12	5.35E-01
<b>VPS54</b>	0.02	9.17E-01	-0.12	5.35E-01
<b>ZAR1</b>	0.08	6.94E-01	0.12	5.35E-01
<b>ZDHHC20</b>	0.07	7.38E-01	0.12	5.35E-01
<b>AC006195.2</b>	0.10	5.98E-01	0.12	5.36E-01
<b>AC083843.2</b>	-0.43	2.25E-02	-0.12	5.36E-01
<b>ANO7</b>	-0.17	3.93E-01	-0.12	5.36E-01
<b>ATG10-AS1</b>	-0.23	2.43E-01	-0.12	5.36E-01
<b>BBS12</b>	-0.04	8.44E-01	-0.12	5.36E-01
<b>COA5</b>	-0.21	2.78E-01	-0.12	5.36E-01
<b>CYCSP24</b>	-0.18	3.49E-01	-0.12	5.36E-01
<b>DCUN1D2</b>	0.05	7.94E-01	-0.12	5.36E-01
<b>FOSL1</b>	0.25	1.98E-01	0.12	5.36E-01
<b>HPSE</b>	0.28	1.46E-01	0.12	5.36E-01
<b>IGHV3-9</b>	0.37	5.25E-02	0.12	5.36E-01
<b>KCNAB3</b>	0.19	3.25E-01	-0.12	5.36E-01
<b>MEAF6</b>	0.01	9.63E-01	-0.12	5.36E-01

MYRFL	0.15	4.60E-01	0.12	5.36E-01
NHLRC1	0.21	2.75E-01	-0.12	5.36E-01
PKP2	-0.07	7.06E-01	-0.12	5.36E-01
RNU6-107P	0.08	6.86E-01	-0.12	5.36E-01
RP11-1096D5.2	-0.31	1.06E-01	-0.12	5.36E-01
RP11-21L23.4	-0.01	9.78E-01	-0.12	5.36E-01
RP11-243M5.2	-0.05	8.16E-01	-0.12	5.36E-01
RP11-635N19.2	-0.09	6.61E-01	-0.12	5.36E-01
RP11-691H4.4	-0.03	8.92E-01	0.12	5.36E-01
SLC22A18	-0.09	6.47E-01	-0.12	5.36E-01
SNORA66	0.03	8.94E-01	0.12	5.36E-01
TAS2R41	-0.18	3.63E-01	0.12	5.36E-01
TRBV4-2	0.32	9.36E-02	0.12	5.36E-01
AC006014.8	-0.19	3.45E-01	-0.12	5.37E-01
AC092301.3	-0.04	8.33E-01	-0.12	5.37E-01
CHRM4	-0.19	3.46E-01	-0.12	5.37E-01
CTA-14H9.5	0.00	9.99E-01	-0.12	5.37E-01
CTC-487M23.6	0.11	5.78E-01	-0.12	5.37E-01
CUBNP3	-0.05	8.19E-01	-0.12	5.37E-01
GOLGA2P5	-0.08	7.03E-01	-0.12	5.37E-01
HSPB11	0.05	7.83E-01	-0.12	5.37E-01
NBN	0.26	1.90E-01	-0.12	5.37E-01
RNU6-118P	0.30	1.16E-01	-0.12	5.37E-01
RNU6-202P	0.18	3.63E-01	-0.12	5.37E-01
RP11-313P13.5	0.06	7.81E-01	-0.12	5.37E-01
XLOC_008975	0.00	9.87E-01	-0.12	5.37E-01
XLOC_010475	-0.19	3.44E-01	-0.12	5.37E-01
ZNF93	0.03	8.62E-01	-0.12	5.37E-01
APTR	-0.09	6.44E-01	0.12	5.37E-01
DLX6	-0.14	4.84E-01	0.12	5.37E-01
G5553	0.02	9.34E-01	0.12	5.37E-01
PRELP	-0.33	8.62E-02	0.12	5.37E-01
RP11-265N7.2	0.05	7.97E-01	0.12	5.37E-01
RP11-492M23.2	-0.12	5.52E-01	0.12	5.37E-01
RP5-967N21.11	-0.20	3.10E-01	0.12	5.37E-01
SLC13A4	0.21	2.94E-01	0.12	5.37E-01
SNORD14E	0.46	1.39E-02	0.12	5.37E-01
XLOC_001062	0.39	3.80E-02	0.12	5.37E-01
AC002454.1	0.04	8.59E-01	-0.12	5.38E-01
AC007036.6	0.03	8.71E-01	0.12	5.38E-01
ACP1	0.10	6.20E-01	-0.12	5.38E-01
AP001046.6	-0.16	4.16E-01	-0.12	5.38E-01
C18orf21	0.08	6.78E-01	0.12	5.38E-01
C7orf43	0.19	3.46E-01	0.12	5.38E-01
CASKIN2	0.07	7.14E-01	0.12	5.38E-01
CCL22	0.06	7.80E-01	0.12	5.38E-01
FAM217A	-0.04	8.59E-01	-0.12	5.38E-01

<b>FRA10AC1</b>	-0.11	5.84E-01	-0.12	5.38E-01
<b>GTF2B</b>	0.13	5.15E-01	0.12	5.38E-01
<b>ILF2</b>	0.12	5.29E-01	-0.12	5.38E-01
<b>LINC01563</b>	-0.04	8.55E-01	0.12	5.38E-01
<b>MSX1</b>	-0.21	2.78E-01	0.12	5.38E-01
<b>NSMCE2</b>	-0.05	7.94E-01	-0.12	5.38E-01
<b>NTN5</b>	-0.03	8.99E-01	-0.12	5.38E-01
<b>PDGFRB</b>	-0.19	3.33E-01	0.12	5.38E-01
<b>RAB43P1</b>	-0.23	2.44E-01	0.12	5.38E-01
<b>RN7SL347P</b>	-0.03	8.88E-01	-0.12	5.38E-01
<b>RP11-758N13.1</b>	-0.05	8.00E-01	-0.12	5.38E-01
<b>RP11-83M16.6</b>	-0.22	2.59E-01	-0.12	5.38E-01
<b>RP3-395M20.3</b>	0.02	9.18E-01	-0.12	5.38E-01
<b>SLC4A2</b>	0.00	9.87E-01	0.12	5.38E-01
<b>TOPORS</b>	0.02	9.39E-01	-0.12	5.38E-01
<b>AC009299.1</b>	-0.31	1.05E-01	0.12	5.39E-01
<b>ALMS1-IT1</b>	-0.24	2.15E-01	-0.12	5.39E-01
<b>BTF3</b>	0.04	8.54E-01	0.12	5.39E-01
<b>C12orf76</b>	-0.14	4.70E-01	-0.12	5.39E-01
<b>C18orf25</b>	0.12	5.33E-01	-0.12	5.39E-01
<b>CDS1</b>	-0.04	8.59E-01	-0.12	5.39E-01
<b>CFAP43</b>	-0.33	8.32E-02	-0.12	5.39E-01
<b>CRYZ</b>	-0.11	5.91E-01	-0.12	5.39E-01
<b>FRMPD1</b>	-0.11	5.66E-01	0.12	5.39E-01
<b>G39546</b>	-0.45	1.53E-02	-0.12	5.39E-01
<b>HSPD1P10</b>	0.00	9.92E-01	-0.12	5.39E-01
<b>ITGA9-AS1</b>	-0.15	4.43E-01	-0.12	5.39E-01
<b>JCHAIN</b>	0.36	6.20E-02	0.12	5.39E-01
<b>KB-1205A7.2</b>	-0.19	3.21E-01	-0.12	5.39E-01
<b>LINC00638</b>	0.04	8.45E-01	0.12	5.39E-01
<b>MANBAL</b>	-0.12	5.31E-01	0.12	5.39E-01
<b>MIR4644</b>	-0.04	8.30E-01	-0.12	5.39E-01
<b>MIR936</b>	-0.12	5.48E-01	-0.12	5.39E-01
<b>PCSK7</b>	-0.19	3.37E-01	0.12	5.39E-01
<b>PPP1R3E</b>	-0.46	1.46E-02	-0.12	5.39E-01
<b>PRPH</b>	-0.15	4.34E-01	0.12	5.39E-01
<b>RN7SL535P</b>	0.39	4.25E-02	-0.12	5.39E-01
<b>RP11-222K16.1</b>	0.18	3.48E-01	0.12	5.39E-01
<b>RP11-309L24.10</b>	0.00	9.90E-01	-0.12	5.39E-01
<b>RP11-388C12.8</b>	-0.05	8.03E-01	-0.12	5.39E-01
<b>RP11-457M11.7</b>	-0.13	5.14E-01	-0.12	5.39E-01
<b>RP11-493G17.4</b>	-0.31	1.08E-01	-0.12	5.39E-01
<b>RP11-783K16.5</b>	0.25	1.99E-01	0.12	5.39E-01
<b>RRN3P1</b>	-0.22	2.59E-01	-0.12	5.39E-01
<b>RTCA</b>	0.25	1.93E-01	-0.12	5.39E-01
<b>SLC35C2</b>	0.22	2.50E-01	0.12	5.39E-01
<b>SPAST</b>	0.14	4.79E-01	-0.12	5.39E-01

SUN2	-0.03	8.79E-01	-0.12	5.39E-01
TMEM192	0.06	7.50E-01	-0.12	5.39E-01
TRPM3	0.00	9.87E-01	-0.12	5.39E-01
VIP	0.00	9.81E-01	0.12	5.39E-01
ZNF2	-0.10	6.08E-01	0.12	5.39E-01
ALKBH5	-0.02	9.21E-01	0.12	5.40E-01
AP000719.1	0.29	1.28E-01	-0.12	5.40E-01
CASK	0.19	3.43E-01	0.12	5.40E-01
CTC-459F4.6	0.22	2.71E-01	0.12	5.40E-01
CTD-2201G3.1	0.21	2.87E-01	-0.12	5.40E-01
CYCSP2	0.18	3.49E-01	0.12	5.40E-01
FLJ33360	-0.14	4.82E-01	0.12	5.40E-01
HNRNPA3P12	-0.18	3.53E-01	0.12	5.40E-01
LRRC1	0.15	4.60E-01	0.12	5.40E-01
MIR5010	-0.18	3.59E-01	-0.12	5.40E-01
POF1B	-0.20	3.11E-01	-0.12	5.40E-01
PRR7	-0.03	8.93E-01	-0.12	5.40E-01
PSMC5	0.18	3.47E-01	0.12	5.40E-01
RAET1L	0.23	2.45E-01	0.12	5.40E-01
RNU6-254P	0.16	4.24E-01	0.12	5.40E-01
RNU6-807P	-0.04	8.32E-01	-0.12	5.40E-01
RP1-253P7.4	0.09	6.44E-01	-0.12	5.40E-01
RP11-138A9.2	-0.13	5.01E-01	-0.12	5.40E-01
RP11-272D12.2	-0.20	3.15E-01	0.12	5.40E-01
RP11-51O6.1	-0.07	7.11E-01	0.12	5.40E-01
RPL21P44	0.05	8.03E-01	-0.12	5.40E-01
RPS10P18	-0.17	3.95E-01	0.12	5.40E-01
SLC34A2	-0.30	1.24E-01	-0.12	5.40E-01
STAU1	0.15	4.46E-01	0.12	5.40E-01
TECTA	0.09	6.63E-01	-0.12	5.40E-01
AC008746.5	-0.01	9.67E-01	0.12	5.41E-01
ALDH18A1	0.20	3.19E-01	-0.12	5.41E-01
ANP32AP1	-0.38	4.64E-02	-0.12	5.41E-01
ATRX	-0.10	6.03E-01	-0.12	5.41E-01
C9orf163	-0.01	9.74E-01	-0.12	5.41E-01
CD74	0.18	3.69E-01	0.12	5.41E-01
CDC5L	0.06	7.60E-01	-0.12	5.41E-01
CTC-359D24.3	0.13	5.00E-01	0.12	5.41E-01
CTD-2282P23.2	0.01	9.60E-01	0.12	5.41E-01
CTD-2529O21.1	0.27	1.72E-01	0.12	5.41E-01
ENTPD2	0.08	6.85E-01	-0.12	5.41E-01
FAM173B	0.02	9.13E-01	0.12	5.41E-01
G33960	-0.12	5.56E-01	-0.12	5.41E-01
GPRC5A	-0.45	1.68E-02	0.12	5.41E-01
INSM2	0.04	8.44E-01	0.12	5.41E-01
JAM3	-0.02	9.37E-01	-0.12	5.41E-01
KB-1448A5.1	0.05	8.01E-01	-0.12	5.41E-01



LYPD5	0.25	2.08E-01	0.12	5.41E-01
MAP1LC3A	0.01	9.44E-01	0.12	5.41E-01
MORF4L1P1	-0.20	3.20E-01	0.12	5.41E-01
OSBPL6	0.05	8.13E-01	-0.12	5.41E-01
PGAM4	-0.19	3.31E-01	-0.12	5.41E-01
PGLYRP3	0.18	3.50E-01	0.12	5.41E-01
PSMB5	0.12	5.54E-01	0.12	5.41E-01
RNU4-78P	0.03	8.95E-01	-0.12	5.41E-01
RP11-29H23.6	-0.02	9.26E-01	-0.12	5.41E-01
RP11-446H18.5	-0.19	3.39E-01	-0.12	5.41E-01
RP11-631M21.7	-0.15	4.49E-01	-0.12	5.41E-01
SEC24C	-0.03	8.79E-01	0.12	5.41E-01
SF3A2	-0.02	9.09E-01	0.12	5.41E-01
SF3B4	0.07	7.21E-01	0.12	5.41E-01
SLC30A7	0.34	7.92E-02	-0.12	5.41E-01
STAR	0.05	7.85E-01	-0.12	5.41E-01
TKT	0.14	4.78E-01	0.12	5.41E-01
TUBG1P	0.09	6.49E-01	-0.12	5.41E-01
VIM-AS1	-0.22	2.66E-01	0.12	5.41E-01
XLOC_002956	-0.30	1.17E-01	0.12	5.41E-01
ZNF222	-0.02	9.32E-01	0.12	5.41E-01
BCL2A1	0.00	9.93E-01	-0.12	5.42E-01
BRIX1	0.13	5.01E-01	-0.12	5.42E-01
CTD-2561B21.3	-0.01	9.63E-01	-0.12	5.42E-01
FAM196A	-0.13	5.11E-01	-0.12	5.42E-01
G30960	0.02	9.02E-01	-0.12	5.42E-01
PRRT1	-0.02	9.34E-01	-0.12	5.42E-01
R3HDM2	0.08	6.90E-01	-0.12	5.42E-01
RNU6-577P	0.02	9.08E-01	-0.12	5.42E-01
SDHCP2	0.02	9.14E-01	-0.12	5.42E-01
TFAP2A	-0.14	4.72E-01	-0.12	5.42E-01
TMEM161B-AS1	-0.21	2.79E-01	-0.12	5.42E-01
WHAMMP3	-0.24	2.22E-01	-0.12	5.42E-01
AC083949.1	0.16	4.24E-01	0.12	5.42E-01
CDIPT-AS1	0.08	6.98E-01	0.12	5.42E-01
CYP51A1P3	0.46	1.31E-02	0.12	5.42E-01
FAM86KP	-0.03	8.77E-01	0.12	5.42E-01
HLA-H	0.22	2.68E-01	0.12	5.42E-01
KITLG	-0.02	9.13E-01	0.12	5.42E-01
NONO	0.14	4.82E-01	0.12	5.42E-01
RP11-359E10.1	0.18	3.70E-01	0.12	5.42E-01
RP11-778D9.4	0.03	8.76E-01	0.12	5.42E-01
SALL2	0.09	6.67E-01	0.12	5.42E-01
TELO2	0.02	9.06E-01	0.12	5.42E-01
XLOC_012747	-0.18	3.62E-01	0.12	5.42E-01
XLOC_013958	0.29	1.29E-01	0.12	5.42E-01
AC114765.2	-0.17	3.83E-01	-0.12	5.43E-01

ATR	0.16	4.29E-01	-0.12	5.43E-01
C3orf35	-0.25	2.04E-01	-0.12	5.43E-01
DSTNP1	-0.03	8.66E-01	-0.12	5.43E-01
EDEM1	0.32	9.93E-02	0.12	5.43E-01
ERICH5	0.42	2.68E-02	-0.12	5.43E-01
G33057	-0.27	1.72E-01	0.12	5.43E-01
GPM6A	-0.28	1.55E-01	-0.12	5.43E-01
GSTO1	0.07	7.32E-01	0.12	5.43E-01
GTF2E1	0.20	3.04E-01	0.12	5.43E-01
H1FX-AS1	-0.15	4.40E-01	0.12	5.43E-01
H2AFZP6	0.03	8.91E-01	-0.12	5.43E-01
ITM2BP1	0.05	7.89E-01	0.12	5.43E-01
KRT73	-0.17	3.96E-01	-0.12	5.43E-01
LINC00486	0.19	3.39E-01	-0.12	5.43E-01
NOB1	-0.01	9.47E-01	0.12	5.43E-01
PADI2	0.22	2.68E-01	0.12	5.43E-01
RDH14	0.11	5.85E-01	-0.12	5.43E-01
RHBG	-0.01	9.45E-01	-0.12	5.43E-01
RP11-177N22.3	-0.05	8.18E-01	0.12	5.43E-01
RP11-178L8.9	-0.17	3.93E-01	0.12	5.43E-01
RP11-417L19.5	0.04	8.54E-01	-0.12	5.43E-01
RP11-44F14.6	-0.05	8.10E-01	-0.12	5.43E-01
RP11-498C9.12	0.06	7.60E-01	-0.12	5.43E-01
RP11-521I8.1	0.00	9.85E-01	-0.12	5.43E-01
RP11-715F3.2	0.12	5.50E-01	-0.12	5.43E-01
RPL36AP15	0.15	4.61E-01	0.12	5.43E-01
TOP3B	0.23	2.45E-01	-0.12	5.43E-01
USP47	0.27	1.63E-01	0.12	5.43E-01
ZNF544	0.07	7.06E-01	-0.12	5.43E-01
ZNF891	0.01	9.75E-01	-0.12	5.43E-01
AAMDC	-0.18	3.60E-01	0.12	5.44E-01
AC007879.1	-0.11	5.79E-01	0.12	5.44E-01
AC093642.1	-0.19	3.31E-01	-0.12	5.44E-01
BGLAP	-0.24	2.16E-01	-0.12	5.44E-01
C9orf147	-0.07	7.06E-01	-0.12	5.44E-01
CAD	-0.02	9.25E-01	0.12	5.44E-01
CASQ1	-0.09	6.44E-01	0.12	5.44E-01
COL27A1	-0.08	6.82E-01	0.12	5.44E-01
CTC-444N24.6	-0.29	1.36E-01	0.12	5.44E-01
CTD-2213F21.2	-0.12	5.36E-01	0.12	5.44E-01
G16361	-0.06	7.75E-01	0.12	5.44E-01
ICA1	-0.11	5.64E-01	0.12	5.44E-01
KIAA0556	-0.38	4.78E-02	0.12	5.44E-01
LITAF	0.02	9.16E-01	0.12	5.44E-01
LTA4H	0.10	6.13E-01	0.12	5.44E-01
LUC7L	-0.08	6.79E-01	-0.12	5.44E-01
MRFAP1	0.18	3.49E-01	0.12	5.44E-01

PEAK1	-0.21	2.80E-01	-0.12	5.44E-01
PFN4	0.12	5.55E-01	-0.12	5.44E-01
PIGO	0.14	4.72E-01	0.12	5.44E-01
PITRM1-AS1	0.10	6.09E-01	-0.12	5.44E-01
PLXNA3	0.04	8.27E-01	-0.12	5.44E-01
PPP4R3A	-0.11	5.71E-01	-0.12	5.44E-01
RNY4P25	0.04	8.41E-01	0.12	5.44E-01
RP11-128P10.1	-0.02	9.04E-01	-0.12	5.44E-01
RP11-135A1.2	-0.12	5.48E-01	0.12	5.44E-01
RP11-262H14.11	-0.27	1.66E-01	-0.12	5.44E-01
RP11-402P6.9	0.17	4.00E-01	0.12	5.44E-01
RP11-569A11.1	-0.03	8.69E-01	0.12	5.44E-01
RP11-973N13.4	-0.02	9.37E-01	-0.12	5.44E-01
RP4-647J21.1	-0.02	9.35E-01	0.12	5.44E-01
TMEM216	0.19	3.34E-01	-0.12	5.44E-01
TMEM254-AS1	0.12	5.40E-01	0.12	5.44E-01
ZNF354C	0.03	8.90E-01	-0.12	5.44E-01
ABCC5-AS1	-0.15	4.41E-01	-0.12	5.45E-01
ADNP-AS1	-0.12	5.50E-01	-0.12	5.45E-01
AKR1C2	-0.03	8.98E-01	-0.12	5.45E-01
CCDC64	-0.08	6.81E-01	-0.12	5.45E-01
CHD9	0.25	1.98E-01	-0.12	5.45E-01
DCST1	-0.05	7.94E-01	-0.12	5.45E-01
EMX2	-0.16	4.24E-01	-0.12	5.45E-01
FTLP3	0.08	6.82E-01	-0.12	5.45E-01
G21031	-0.01	9.72E-01	-0.12	5.45E-01
G35308	0.02	9.21E-01	-0.12	5.45E-01
KDM1B	-0.11	5.84E-01	-0.12	5.45E-01
LRRN2	-0.04	8.55E-01	-0.12	5.45E-01
MGAT3	0.03	8.61E-01	-0.12	5.45E-01
MYO1B	-0.03	8.80E-01	-0.12	5.45E-01
NFYC-AS1	-0.09	6.62E-01	-0.12	5.45E-01
NUDT1	0.10	5.97E-01	-0.12	5.45E-01
RGS7BP	0.04	8.53E-01	-0.12	5.45E-01
RP11-21M7.2	0.09	6.52E-01	-0.12	5.45E-01
RP11-407G23.7	0.03	8.98E-01	-0.12	5.45E-01
RP11-709A23.1	-0.30	1.24E-01	-0.12	5.45E-01
RP11-734K2.4	0.02	9.32E-01	-0.12	5.45E-01
RP11-817I4.2	0.28	1.44E-01	-0.12	5.45E-01
RP11-83M16.4	-0.15	4.54E-01	-0.12	5.45E-01
TGFBR3	-0.14	4.92E-01	-0.12	5.45E-01
TIMM44	0.18	3.63E-01	-0.12	5.45E-01
AC010468.1	0.18	3.46E-01	0.12	5.45E-01
ALG13-AS1	-0.23	2.41E-01	0.12	5.45E-01
CHST12	0.10	6.21E-01	0.12	5.45E-01
COG4	0.20	2.96E-01	0.12	5.45E-01
DSC1	-0.03	8.95E-01	0.12	5.45E-01

EIF2B2	0.34	8.13E-02	0.12	5.45E-01
FNDC8	0.06	7.58E-01	0.12	5.45E-01
GLUD2	-0.19	3.38E-01	0.12	5.45E-01
GNRHR2	-0.08	6.85E-01	0.12	5.45E-01
HNRNPA1P50	-0.20	3.00E-01	0.12	5.45E-01
IGHV3-23	0.30	1.22E-01	0.12	5.45E-01
KB-226F1.1	-0.18	3.66E-01	0.12	5.45E-01
MIR3177	0.21	2.78E-01	0.12	5.45E-01
MTMR14	0.03	8.71E-01	0.12	5.45E-01
NRIR	-0.05	8.14E-01	0.12	5.45E-01
NUDT8	0.17	3.79E-01	0.12	5.45E-01
RBM45	-0.20	3.06E-01	0.12	5.45E-01
RP11-174N3.4	0.23	2.45E-01	0.12	5.45E-01
RP11-404O13.5	-0.31	1.07E-01	0.12	5.45E-01
SEMA3G	-0.28	1.45E-01	0.12	5.45E-01
SOSTDC1	0.47	1.09E-02	0.12	5.45E-01
AC011498.1	-0.23	2.30E-01	0.12	5.46E-01
C10orf11	-0.41	3.13E-02	0.12	5.46E-01
C20orf203	-0.30	1.23E-01	-0.12	5.46E-01
CTD-2017C7.2	-0.12	5.31E-01	-0.12	5.46E-01
CYCSP10	0.09	6.57E-01	-0.12	5.46E-01
DUOXA2	-0.14	4.79E-01	0.12	5.46E-01
H2AFZ	0.08	6.96E-01	-0.12	5.46E-01
HEXIM1	0.01	9.59E-01	0.12	5.46E-01
IGLC7	0.37	5.25E-02	0.12	5.46E-01
LRRC46	-0.03	8.82E-01	-0.12	5.46E-01
MAFIP	-0.10	6.25E-01	0.12	5.46E-01
MIR3679	-0.03	8.62E-01	-0.12	5.46E-01
MOG	0.03	8.74E-01	0.12	5.46E-01
NDUFA3P2	-0.04	8.51E-01	-0.12	5.46E-01
NGFRAP1	0.17	3.87E-01	0.12	5.46E-01
OR5P1P	-0.29	1.36E-01	-0.12	5.46E-01
PARVB	-0.30	1.22E-01	-0.12	5.46E-01
PDCD6IPP2	-0.02	9.27E-01	0.12	5.46E-01
PLS3	-0.02	9.25E-01	-0.12	5.46E-01
PTTG4P	0.01	9.55E-01	0.12	5.46E-01
RP11-307P22.1	-0.14	4.72E-01	-0.12	5.46E-01
RP11-465B22.3	-0.12	5.37E-01	-0.12	5.46E-01
RP11-529H22.1	0.10	5.96E-01	-0.12	5.46E-01
RP11-85G20.2	-0.16	4.24E-01	0.12	5.46E-01
RP4-564F22.5	0.14	4.78E-01	-0.12	5.46E-01
SHISA7	-0.11	5.68E-01	-0.12	5.46E-01
UBL3	0.04	8.48E-01	-0.12	5.46E-01
ZNF29P	0.03	8.82E-01	0.12	5.46E-01
ZNF559	-0.10	6.07E-01	0.12	5.46E-01
AC019201.1	-0.15	4.59E-01	-0.12	5.47E-01
AC097493.1	-0.24	2.23E-01	-0.12	5.47E-01

<b>AC124997.1</b>	-0.04	8.31E-01	-0.12	5.47E-01
<b>ADGRE1</b>	-0.08	6.84E-01	0.12	5.47E-01
<b>ADIPOQ</b>	-0.19	3.45E-01	-0.12	5.47E-01
<b>C12orf45</b>	0.20	3.16E-01	-0.12	5.47E-01
<b>DNM3-IT1</b>	-0.15	4.43E-01	-0.12	5.47E-01
<b>DPP8</b>	0.04	8.53E-01	-0.12	5.47E-01
<b>DYNC1I2</b>	0.01	9.76E-01	0.12	5.47E-01
<b>GABRB3</b>	0.06	7.55E-01	0.12	5.47E-01
<b>GCNT1</b>	-0.03	8.70E-01	0.12	5.47E-01
<b>LINC01125</b>	-0.07	7.42E-01	-0.12	5.47E-01
<b>OR7E62P</b>	0.35	6.70E-02	0.12	5.47E-01
<b>PNPLA1</b>	-0.21	2.78E-01	0.12	5.47E-01
<b>PNPT1P1</b>	0.05	7.94E-01	-0.12	5.47E-01
<b>RBM23</b>	0.10	6.14E-01	0.12	5.47E-01
<b>RNU6-762P</b>	0.29	1.31E-01	-0.12	5.47E-01
<b>RP11-142C4.6</b>	-0.01	9.67E-01	0.12	5.47E-01
<b>RP11-254F7.2</b>	0.02	9.29E-01	-0.12	5.47E-01
<b>RP11-401L13.4</b>	0.10	6.28E-01	-0.12	5.47E-01
<b>RP11-439A17.7</b>	0.10	6.01E-01	0.12	5.47E-01
<b>RP11-879F14.3</b>	-0.08	7.00E-01	-0.12	5.47E-01
<b>RP4-545K15.5</b>	-0.08	6.77E-01	-0.12	5.47E-01
<b>SDR39U1</b>	-0.06	7.55E-01	0.12	5.47E-01
<b>TCTE3</b>	-0.06	7.64E-01	-0.12	5.47E-01
<b>TMEM110</b>	-0.02	9.15E-01	0.12	5.47E-01
<b>VWA8-AS1</b>	0.12	5.50E-01	-0.12	5.47E-01
<b>XLOC_002951</b>	-0.08	6.89E-01	-0.12	5.47E-01
<b>ZFP62</b>	0.13	5.07E-01	0.12	5.47E-01
<b>ZNF276</b>	-0.10	6.30E-01	-0.12	5.47E-01
<b>ZNF491</b>	0.17	3.88E-01	0.12	5.47E-01
<b>ZNF576</b>	0.27	1.72E-01	0.12	5.47E-01
<b>AC010127.3</b>	-0.13	5.10E-01	-0.12	5.48E-01
<b>ANKRD30BP3</b>	0.15	4.34E-01	-0.12	5.48E-01
<b>B3GLCT</b>	-0.02	9.31E-01	0.12	5.48E-01
<b>C6orf47</b>	0.09	6.63E-01	0.12	5.48E-01
<b>CFD</b>	-0.10	6.26E-01	-0.12	5.48E-01
<b>CLDN24</b>	-0.23	2.40E-01	-0.12	5.48E-01
<b>CYP4F26P</b>	-0.15	4.48E-01	-0.12	5.48E-01
<b>KANK2</b>	-0.28	1.56E-01	0.12	5.48E-01
<b>MED26</b>	-0.19	3.30E-01	0.12	5.48E-01
<b>NAALADL2-AS3</b>	-0.05	8.07E-01	0.12	5.48E-01
<b>OR5BA1P</b>	-0.25	2.02E-01	0.12	5.48E-01
<b>PODN</b>	-0.11	5.71E-01	0.12	5.48E-01
<b>RAPGEF4</b>	0.12	5.48E-01	-0.12	5.48E-01
<b>RNF167</b>	0.10	6.18E-01	0.12	5.48E-01
<b>RP11-280O24.3</b>	0.08	6.84E-01	0.12	5.48E-01
<b>RP11-423O2.2</b>	0.01	9.47E-01	0.12	5.48E-01
<b>RP11-507K2.2</b>	-0.18	3.60E-01	-0.12	5.48E-01

<b>RP11-76P2.4</b>	-0.26	1.80E-01	-0.12	5.48E-01
<b>SETD4</b>	0.05	8.02E-01	-0.12	5.48E-01
<b>SSXP10</b>	-0.04	8.45E-01	-0.12	5.48E-01
<b>VNN2</b>	0.09	6.53E-01	-0.12	5.48E-01
<b>XLOC_005550</b>	-0.15	4.51E-01	-0.12	5.48E-01
<b>ADM5</b>	0.05	8.14E-01	0.12	5.49E-01
<b>AGAP10</b>	-0.12	5.56E-01	-0.12	5.49E-01
<b>AJ003147.11</b>	0.02	9.36E-01	0.12	5.49E-01
<b>AL136115.1</b>	-0.03	8.86E-01	0.12	5.49E-01
<b>AP000807.2</b>	-0.03	8.88E-01	0.12	5.49E-01
<b>ATF7IP2</b>	0.06	7.58E-01	0.12	5.49E-01
<b>ATP8B3</b>	0.17	3.89E-01	0.12	5.49E-01
<b>BICD1</b>	-0.12	5.42E-01	-0.12	5.49E-01
<b>BUB1</b>	0.11	5.72E-01	0.12	5.49E-01
<b>CPO</b>	-0.02	9.04E-01	0.12	5.49E-01
<b>DNA2</b>	0.15	4.46E-01	-0.12	5.49E-01
<b>DNAJC14</b>	0.08	6.75E-01	0.12	5.49E-01
<b>FAM57B</b>	0.09	6.51E-01	-0.12	5.49E-01
<b>FAM71F2</b>	0.03	8.76E-01	-0.12	5.49E-01
<b>G27759</b>	0.14	4.83E-01	0.12	5.49E-01
<b>GABRR1</b>	0.24	2.27E-01	0.12	5.49E-01
<b>MAP2K2</b>	0.19	3.29E-01	0.12	5.49E-01
<b>OR10J2P</b>	-0.09	6.51E-01	-0.12	5.49E-01
<b>OSBPL5</b>	0.19	3.41E-01	0.12	5.49E-01
<b>POLR3H</b>	0.28	1.53E-01	0.12	5.49E-01
<b>PPFIA4</b>	-0.09	6.45E-01	0.12	5.49E-01
<b>PYDC1</b>	-0.09	6.34E-01	0.12	5.49E-01
<b>RP11-217B7.2</b>	0.24	2.13E-01	0.12	5.49E-01
<b>RP11-353K11.1</b>	-0.03	8.97E-01	-0.12	5.49E-01
<b>RP11-44F14.2</b>	0.11	5.76E-01	0.12	5.49E-01
<b>RP11-488I20.9</b>	0.12	5.52E-01	-0.12	5.49E-01
<b>RP11-648O15.2</b>	-0.23	2.47E-01	-0.12	5.49E-01
<b>RP4-706A16.3</b>	-0.30	1.22E-01	-0.12	5.49E-01
<b>SPRR1B</b>	0.09	6.33E-01	0.12	5.49E-01
<b>TAF5L</b>	0.18	3.55E-01	-0.12	5.49E-01
<b>TMEM50A</b>	0.12	5.49E-01	0.12	5.49E-01
<b>VPS36</b>	-0.04	8.50E-01	-0.12	5.49E-01
<b>AADACL2-AS1</b>	-0.23	2.50E-01	0.12	5.50E-01
<b>AC002310.14</b>	-0.41	2.97E-02	0.12	5.50E-01
<b>AC005488.11</b>	-0.12	5.46E-01	-0.12	5.50E-01
<b>AC005822.1</b>	-0.13	4.94E-01	0.12	5.50E-01
<b>AC019181.3</b>	0.11	5.67E-01	0.12	5.50E-01
<b>AC073063.10</b>	-0.05	7.91E-01	0.12	5.50E-01
<b>ACMSD</b>	-0.14	4.66E-01	-0.12	5.50E-01
<b>ACOT9</b>	-0.01	9.74E-01	-0.12	5.50E-01
<b>ANO10</b>	0.21	2.74E-01	0.12	5.50E-01
<b>CTB-102L5.8</b>	0.30	1.15E-01	-0.12	5.50E-01

<b>CTB-113I20.2</b>	-0.09	6.66E-01	0.12	5.50E-01
<b>CTD-2197I11.1</b>	0.18	3.61E-01	-0.12	5.50E-01
<b>CTD-2547G23.4</b>	0.05	8.12E-01	-0.12	5.50E-01
<b>DNMBP-AS1</b>	0.25	1.93E-01	-0.12	5.50E-01
<b>EPG5</b>	-0.08	6.80E-01	0.12	5.50E-01
<b>FBLN2</b>	-0.15	4.54E-01	0.12	5.50E-01
<b>FTH1P24</b>	-0.06	7.47E-01	-0.12	5.50E-01
<b>G35863</b>	0.25	2.04E-01	-0.12	5.50E-01
<b>G36839</b>	0.05	7.83E-01	-0.12	5.50E-01
<b>GLT8D1</b>	-0.07	7.16E-01	0.12	5.50E-01
<b>GS1-293C5.1</b>	0.00	9.86E-01	-0.12	5.50E-01
<b>H1FX</b>	-0.02	9.09E-01	0.12	5.50E-01
<b>IFITM2</b>	-0.21	2.73E-01	0.12	5.50E-01
<b>MAN2A2</b>	-0.28	1.43E-01	-0.12	5.50E-01
<b>MUC1</b>	0.19	3.39E-01	-0.12	5.50E-01
<b>NME7</b>	0.22	2.58E-01	-0.12	5.50E-01
<b>NPIP6</b>	-0.11	5.73E-01	-0.12	5.50E-01
<b>NTS</b>	-0.03	8.64E-01	-0.12	5.50E-01
<b>POLR1C</b>	0.25	1.93E-01	-0.12	5.50E-01
<b>RNU6-516P</b>	-0.09	6.65E-01	0.12	5.50E-01
<b>RP11-100G15.3</b>	-0.34	7.79E-02	0.12	5.50E-01
<b>RP11-119J18.1</b>	0.06	7.77E-01	-0.12	5.50E-01
<b>RP11-17M24.1</b>	-0.03	8.71E-01	0.12	5.50E-01
<b>RP11-507J18.5</b>	0.26	1.90E-01	-0.12	5.50E-01
<b>RP11-731C17.2</b>	0.09	6.58E-01	0.12	5.50E-01
<b>RP11-84C10.3</b>	-0.26	1.86E-01	-0.12	5.50E-01
<b>SHCBP1</b>	-0.06	7.69E-01	0.12	5.50E-01
<b>SPDYC</b>	-0.24	2.14E-01	-0.12	5.50E-01
<b>TACSTD2</b>	0.08	6.78E-01	-0.12	5.50E-01
<b>TDP1</b>	0.09	6.58E-01	-0.12	5.50E-01
<b>TENM4</b>	-0.09	6.33E-01	-0.12	5.50E-01
<b>XLOC_009503</b>	-0.14	4.66E-01	0.12	5.50E-01
<b>ZNF280A</b>	-0.23	2.33E-01	-0.12	5.50E-01
<b>AC005550.3</b>	-0.43	2.34E-02	-0.12	5.51E-01
<b>AC138744.2</b>	0.10	6.27E-01	-0.12	5.51E-01
<b>AP000487.4</b>	0.03	8.95E-01	-0.12	5.51E-01
<b>ARL8A</b>	-0.06	7.60E-01	-0.12	5.51E-01
<b>ASAH2B</b>	-0.03	8.71E-01	0.12	5.51E-01
<b>ATL2</b>	0.09	6.54E-01	-0.12	5.51E-01
<b>AZIN1-AS1</b>	-0.13	5.18E-01	0.12	5.51E-01
<b>B3GALT4</b>	-0.05	8.05E-01	0.12	5.51E-01
<b>BRAP</b>	-0.16	4.04E-01	0.12	5.51E-01
<b>CD9</b>	0.01	9.60E-01	0.12	5.51E-01
<b>CDC6</b>	-0.17	3.89E-01	-0.12	5.51E-01
<b>CRYBB3</b>	-0.01	9.53E-01	-0.12	5.51E-01
<b>DPY19L2</b>	-0.34	7.49E-02	-0.12	5.51E-01
<b>EHD4-AS1</b>	-0.16	4.23E-01	0.12	5.51E-01

<b>METTL23</b>	0.01	9.79E-01	0.12	5.51E-01
<b>MTND4P26</b>	0.08	6.97E-01	0.12	5.51E-01
<b>RIN1</b>	0.46	1.33E-02	0.12	5.51E-01
<b>RP1-292B18.3</b>	-0.27	1.66E-01	-0.12	5.51E-01
<b>RP11-10E18.7</b>	-0.13	5.00E-01	-0.12	5.51E-01
<b>RP11-169K16.8</b>	0.40	3.65E-02	-0.12	5.51E-01
<b>RP11-190D6.1</b>	0.33	8.34E-02	0.12	5.51E-01
<b>RP11-368N21.5</b>	-0.05	8.11E-01	-0.12	5.51E-01
<b>RP11-405O10.2</b>	0.12	5.47E-01	-0.12	5.51E-01
<b>RP11-686D22.4</b>	0.30	1.20E-01	-0.12	5.51E-01
<b>RP11-697N18.4</b>	0.07	7.40E-01	0.12	5.51E-01
<b>RP4-782L23.2</b>	0.10	6.13E-01	-0.12	5.51E-01
<b>SLC25A13</b>	0.18	3.49E-01	-0.12	5.51E-01
<b>TNFRSF10A</b>	0.25	1.92E-01	0.12	5.51E-01
<b>UROS</b>	-0.09	6.64E-01	0.12	5.51E-01
<b>VTN</b>	0.14	4.85E-01	-0.12	5.51E-01
<b>ANKRD20A11P</b>	-0.39	3.95E-02	-0.12	5.52E-01
<b>EXOSC8</b>	0.03	8.68E-01	-0.12	5.52E-01
<b>G35698</b>	-0.07	7.29E-01	-0.12	5.52E-01
<b>HOXA10</b>	-0.14	4.92E-01	-0.12	5.52E-01
<b>KCNN2</b>	-0.29	1.35E-01	-0.12	5.52E-01
<b>MIR4768</b>	-0.27	1.65E-01	-0.12	5.52E-01
<b>NUDT21</b>	0.03	8.91E-01	-0.12	5.52E-01
<b>RAVER2</b>	-0.14	4.76E-01	-0.12	5.52E-01
<b>RP11-522L3.5</b>	-0.11	5.86E-01	-0.12	5.52E-01
<b>RPS10P16</b>	-0.16	4.02E-01	-0.12	5.52E-01
<b>SNHG23</b>	-0.06	7.53E-01	-0.12	5.52E-01
<b>WDR44</b>	0.06	7.46E-01	-0.12	5.52E-01
<b>ZNF684</b>	-0.18	3.69E-01	-0.12	5.52E-01
<b>AL591025.1</b>	0.14	4.70E-01	0.12	5.52E-01
<b>BZW1P2</b>	0.11	5.86E-01	0.12	5.52E-01
<b>CTD-2382E5.2</b>	0.19	3.29E-01	0.12	5.52E-01
<b>FAR1-IT1</b>	0.09	6.35E-01	0.12	5.52E-01
<b>HMCES</b>	-0.21	2.81E-01	0.12	5.52E-01
<b>KCNK13</b>	0.36	5.90E-02	0.12	5.52E-01
<b>LRRC41</b>	0.28	1.47E-01	0.12	5.52E-01
<b>LSM12</b>	0.24	2.13E-01	0.12	5.52E-01
<b>PHF5CP</b>	0.06	7.68E-01	0.12	5.52E-01
<b>RCN1P2</b>	0.08	7.02E-01	0.12	5.52E-01
<b>RP11-627K11.6</b>	0.02	9.12E-01	0.12	5.52E-01
<b>RPS2P46</b>	-0.18	3.62E-01	0.12	5.52E-01
<b>SPDYE17</b>	-0.02	9.22E-01	0.12	5.52E-01
<b>STRA13</b>	-0.04	8.51E-01	0.12	5.52E-01
<b>TMCO6</b>	0.12	5.32E-01	0.12	5.52E-01
<b>UQCC3</b>	0.25	1.91E-01	0.12	5.52E-01
<b>USP46-AS1</b>	0.20	3.15E-01	0.12	5.52E-01
<b>CTB-131B5.5</b>	-0.15	4.47E-01	-0.12	5.53E-01



<b>CTD-3105H18.8</b>	-0.09	6.62E-01	-0.12	5.53E-01
<b>DDX46</b>	-0.12	5.29E-01	-0.12	5.53E-01
<b>MBTD1</b>	-0.12	5.29E-01	-0.12	5.53E-01
<b>MIR106B</b>	-0.16	4.14E-01	-0.12	5.53E-01
<b>PRR22</b>	-0.22	2.52E-01	-0.12	5.53E-01
<b>RN7SL517P</b>	-0.03	8.62E-01	-0.12	5.53E-01
<b>RP11-179B2.2</b>	0.16	4.11E-01	-0.12	5.53E-01
<b>RP11-295P9.2</b>	-0.21	2.85E-01	-0.12	5.53E-01
<b>RP3-329A5.8</b>	-0.39	4.10E-02	-0.12	5.53E-01
<b>TAS2R19</b>	0.18	3.49E-01	-0.12	5.53E-01
<b>AANAT</b>	0.11	5.71E-01	0.12	5.53E-01
<b>ALG1</b>	0.16	4.03E-01	0.12	5.53E-01
<b>C16orf96</b>	0.11	5.67E-01	0.12	5.53E-01
<b>CAHM</b>	0.48	1.03E-02	0.12	5.53E-01
<b>CTD-3032H12.2</b>	0.10	6.31E-01	0.12	5.53E-01
<b>DARS2</b>	0.10	6.28E-01	0.12	5.53E-01
<b>DDX60</b>	0.30	1.23E-01	0.12	5.53E-01
<b>GAS6-AS1</b>	0.17	3.77E-01	0.12	5.53E-01
<b>IGHV3-7</b>	0.28	1.51E-01	0.12	5.53E-01
<b>RP11-410L14.2</b>	-0.04	8.40E-01	0.12	5.53E-01
<b>RP11-417O11.5</b>	-0.07	7.12E-01	0.12	5.53E-01
<b>RP13-33H18.1</b>	-0.25	2.02E-01	0.12	5.53E-01
<b>RPL37</b>	0.11	5.85E-01	0.12	5.53E-01
<b>SCAMP2</b>	0.06	7.73E-01	0.12	5.53E-01
<b>SNORA65</b>	-0.10	6.12E-01	0.12	5.53E-01
<b>SNX7</b>	0.18	3.53E-01	0.12	5.53E-01
<b>SPRR2C</b>	0.16	4.08E-01	0.12	5.53E-01
<b>AC008937.2</b>	-0.06	7.49E-01	-0.12	5.54E-01
<b>AC079610.2</b>	-0.21	2.82E-01	-0.12	5.54E-01
<b>AGAP11</b>	-0.43	2.25E-02	-0.12	5.54E-01
<b>ALMS1</b>	-0.36	6.37E-02	-0.12	5.54E-01
<b>AP001877.1</b>	-0.04	8.53E-01	-0.12	5.54E-01
<b>CTC-453G23.7</b>	-0.20	3.09E-01	-0.12	5.54E-01
<b>DBNDD1</b>	0.02	9.21E-01	0.12	5.54E-01
<b>FCRL5</b>	0.34	7.34E-02	-0.12	5.54E-01
<b>GAPDHP58</b>	-0.02	9.23E-01	0.12	5.54E-01
<b>HAX1</b>	0.03	8.62E-01	-0.12	5.54E-01
<b>HDAC10</b>	-0.16	4.08E-01	0.12	5.54E-01
<b>HSPE1P27</b>	-0.07	7.30E-01	-0.12	5.54E-01
<b>IDI2-AS1</b>	0.06	7.75E-01	-0.12	5.54E-01
<b>MYLK-AS1</b>	0.17	3.84E-01	0.12	5.54E-01
<b>NTMT1</b>	0.12	5.27E-01	0.12	5.54E-01
<b>NUGGC</b>	0.04	8.49E-01	0.12	5.54E-01
<b>OBSL1</b>	-0.06	7.78E-01	0.12	5.54E-01
<b>PSMC1P7</b>	0.09	6.36E-01	-0.12	5.54E-01
<b>RAB11FIP3</b>	-0.07	7.27E-01	-0.12	5.54E-01
<b>RNU6-1289P</b>	-0.05	8.04E-01	0.12	5.54E-01

RP11-154B12.3	-0.38	4.62E-02	-0.12	5.54E-01
RP11-186B7.4	-0.02	9.17E-01	0.12	5.54E-01
RP11-321F8.4	0.20	3.02E-01	-0.12	5.54E-01
RP11-408P14.1	0.01	9.53E-01	0.12	5.54E-01
RP11-497H16.8	-0.23	2.41E-01	-0.12	5.54E-01
RP11-537A6.9	0.21	2.88E-01	-0.12	5.54E-01
RP11-65L3.3	0.26	1.84E-01	-0.12	5.54E-01
RP11-802E16.3	-0.19	3.28E-01	0.12	5.54E-01
RP11-93B14.9	-0.17	3.73E-01	0.12	5.54E-01
RP11-968A15.2	-0.03	8.66E-01	-0.12	5.54E-01
RP13-279N23.2	-0.38	4.59E-02	-0.12	5.54E-01
SNORD19B	-0.15	4.58E-01	0.12	5.54E-01
SORT1	0.11	5.93E-01	0.12	5.54E-01
USP48	-0.19	3.33E-01	0.12	5.54E-01
WARS2-IT1	-0.14	4.85E-01	-0.12	5.54E-01
ZNF16	-0.11	5.92E-01	0.12	5.54E-01
ZNF883	0.14	4.80E-01	0.12	5.54E-01
AC002059.10	0.03	8.67E-01	0.12	5.55E-01
AKAP17BP	0.07	7.38E-01	0.12	5.55E-01
AL596220.1	0.18	3.63E-01	0.12	5.55E-01
CCL19	-0.26	1.81E-01	0.12	5.55E-01
CD302	0.07	7.28E-01	-0.12	5.55E-01
CFLAR	0.10	6.29E-01	0.12	5.55E-01
CGNL1	-0.38	4.54E-02	-0.12	5.55E-01
CSRP1	0.16	4.28E-01	0.12	5.55E-01
CTD-3022L24.1	-0.09	6.65E-01	-0.12	5.55E-01
DNHD1	-0.04	8.51E-01	-0.12	5.55E-01
ENTPD7	0.12	5.54E-01	0.12	5.55E-01
GNPNAT1	0.18	3.52E-01	-0.12	5.55E-01
GS1-44D20.1	0.17	4.00E-01	0.12	5.55E-01
LINC00954	0.02	9.29E-01	-0.12	5.55E-01
LINC01153	-0.07	7.13E-01	-0.12	5.55E-01
LINC01160	0.02	9.09E-01	0.12	5.55E-01
LINC01402	-0.09	6.60E-01	0.12	5.55E-01
LYG2	-0.18	3.61E-01	-0.12	5.55E-01
MSL3	0.02	9.06E-01	0.12	5.55E-01
NUS1	0.14	4.70E-01	-0.12	5.55E-01
PLCXD2-AS1	0.03	8.97E-01	0.12	5.55E-01
PNMA6A	-0.20	3.11E-01	-0.12	5.55E-01
RN7SKP184	-0.33	8.62E-02	-0.12	5.55E-01
RNU7-113P	0.40	3.47E-02	-0.12	5.55E-01
RP11-295D4.1	0.06	7.62E-01	-0.12	5.55E-01
RP11-323C15.2	0.03	8.75E-01	0.12	5.55E-01
RP11-422P24.9	-0.16	4.26E-01	0.12	5.55E-01
RP11-717A5.1	-0.06	7.44E-01	-0.12	5.55E-01
RP11-91J19.2	-0.39	4.07E-02	-0.12	5.55E-01
TXNL4A	0.06	7.75E-01	-0.12	5.55E-01

TYW1	0.13	5.01E-01	0.12	5.55E-01
AC109631.1	-0.06	7.62E-01	-0.12	5.56E-01
C19orf71	-0.05	8.11E-01	-0.12	5.56E-01
COX17	0.14	4.63E-01	-0.12	5.56E-01
CSPG4P9	-0.05	7.95E-01	0.12	5.56E-01
CTBP1-AS	-0.06	7.51E-01	-0.12	5.56E-01
CYP39A1	-0.04	8.24E-01	0.12	5.56E-01
G480	0.18	3.61E-01	0.12	5.56E-01
HIPK1	0.03	8.74E-01	-0.12	5.56E-01
KCNN1	0.06	7.64E-01	0.12	5.56E-01
LRRC37A4P	0.22	2.53E-01	-0.12	5.56E-01
MAP1A	-0.29	1.32E-01	-0.12	5.56E-01
NHLRC3	0.17	3.76E-01	-0.12	5.56E-01
NUDT17	-0.09	6.46E-01	0.12	5.56E-01
RN7SKP253	0.03	8.67E-01	0.12	5.56E-01
RNASE2	0.00	9.88E-01	-0.12	5.56E-01
RP1-111B22.3	0.11	5.90E-01	0.12	5.56E-01
RP11-15B17.1	-0.20	3.02E-01	-0.12	5.56E-01
RP11-19G24.1	-0.04	8.42E-01	0.12	5.56E-01
RP11-235P11.1	-0.36	5.72E-02	-0.12	5.56E-01
RP11-414H17.5	-0.13	5.18E-01	-0.12	5.56E-01
RP11-4C20.4	-0.14	4.93E-01	0.12	5.56E-01
RP11-576C12.1	-0.03	8.68E-01	-0.12	5.56E-01
RP4-700A9.1	-0.14	4.91E-01	-0.12	5.56E-01
SCARF2	-0.13	4.98E-01	0.12	5.56E-01
9-Sep	0.05	8.16E-01	0.12	5.56E-01
SNAP29	0.18	3.60E-01	0.12	5.56E-01
STX16	-0.09	6.55E-01	0.12	5.56E-01
TNFSF11	-0.26	1.77E-01	0.12	5.56E-01
TRIP13	-0.01	9.59E-01	-0.12	5.56E-01
XLOC_001804	-0.12	5.46E-01	-0.12	5.56E-01
ZNF865	-0.11	5.78E-01	0.12	5.56E-01
ABCB7	-0.17	4.00E-01	-0.12	5.57E-01
AC003956.1	-0.29	1.40E-01	0.12	5.57E-01
AC004980.9	0.22	2.68E-01	-0.12	5.57E-01
AC034243.1	-0.38	4.46E-02	-0.12	5.57E-01
AC133528.2	0.27	1.66E-01	0.12	5.57E-01
CDK11A	-0.34	7.29E-02	-0.12	5.57E-01
CEP290	-0.22	2.65E-01	-0.12	5.57E-01
CTB-113P19.1	-0.10	6.15E-01	-0.12	5.57E-01
CTD-2319112.10	0.18	3.71E-01	0.12	5.57E-01
EEF1A1P19	-0.29	1.38E-01	-0.12	5.57E-01
G38630	0.04	8.32E-01	-0.12	5.57E-01
G7957	0.01	9.78E-01	-0.12	5.57E-01
MRPL50P2	0.11	5.84E-01	-0.12	5.57E-01
NOG	0.31	1.08E-01	0.12	5.57E-01
PRRC2C	-0.01	9.74E-01	0.12	5.57E-01

<b>RN7SL76P</b>	-0.08	6.99E-01	0.12	5.57E-01
<b>RP11-16E12.1</b>	-0.02	9.11E-01	0.12	5.57E-01
<b>RP11-197P3.5</b>	-0.12	5.51E-01	-0.12	5.57E-01
<b>RP11-226L15.1</b>	0.00	9.91E-01	-0.12	5.57E-01
<b>RP11-254I22.2</b>	-0.06	7.50E-01	0.12	5.57E-01
<b>TAOK3</b>	-0.19	3.40E-01	0.12	5.57E-01
<b>TBK1</b>	0.13	5.22E-01	-0.12	5.57E-01
<b>TP53BP1</b>	-0.12	5.35E-01	0.12	5.57E-01
<b>TRIM23</b>	0.28	1.56E-01	0.12	5.57E-01
<b>XLOC_008000</b>	-0.14	4.74E-01	0.12	5.57E-01
<b>XLOC_013952</b>	-0.17	3.96E-01	-0.12	5.57E-01
<b>ZNF500</b>	0.21	2.72E-01	0.12	5.57E-01
<b>ZNF608</b>	-0.25	2.07E-01	0.12	5.57E-01
<b>ANKS1B</b>	-0.07	7.36E-01	0.12	5.58E-01
<b>BTF3P12</b>	0.00	9.87E-01	-0.12	5.58E-01
<b>C20orf197</b>	-0.14	4.70E-01	-0.12	5.58E-01
<b>CCL5</b>	0.24	2.13E-01	0.12	5.58E-01
<b>CSTF1</b>	0.28	1.48E-01	0.12	5.58E-01
<b>CTC-379B2.4</b>	-0.09	6.42E-01	-0.12	5.58E-01
<b>CTD-2024I7.1</b>	-0.11	5.77E-01	-0.12	5.58E-01
<b>DCXR</b>	0.14	4.75E-01	0.12	5.58E-01
<b>ETF1</b>	0.17	3.76E-01	-0.12	5.58E-01
<b>GDAP1</b>	0.22	2.58E-01	-0.12	5.58E-01
<b>IL1R1</b>	0.31	1.10E-01	0.12	5.58E-01
<b>MFSD5</b>	-0.16	4.28E-01	-0.12	5.58E-01
<b>MYCBP2-AS1</b>	-0.11	5.93E-01	-0.12	5.58E-01
<b>PRB2</b>	-0.08	6.89E-01	0.12	5.58E-01
<b>PRR12</b>	-0.07	7.12E-01	0.12	5.58E-01
<b>PTDSS1</b>	-0.04	8.59E-01	-0.12	5.58E-01
<b>PTPMT1</b>	0.28	1.49E-01	0.12	5.58E-01
<b>RNU6ATAC18P</b>	-0.28	1.51E-01	0.12	5.58E-01
<b>RORB</b>	-0.16	4.24E-01	-0.12	5.58E-01
<b>RP11-435O5.2</b>	-0.17	3.93E-01	0.12	5.58E-01
<b>RP11-461A8.4</b>	0.27	1.62E-01	-0.12	5.58E-01
<b>RP11-542K23.9</b>	-0.07	7.33E-01	0.12	5.58E-01
<b>RP11-583F2.1</b>	-0.14	4.90E-01	-0.12	5.58E-01
<b>SH3PXD2B</b>	-0.08	6.81E-01	0.12	5.58E-01
<b>SIRT7</b>	-0.20	3.07E-01	0.12	5.58E-01
<b>SNORD19</b>	-0.13	4.98E-01	-0.12	5.58E-01
<b>SNX14</b>	-0.06	7.67E-01	-0.12	5.58E-01
<b>TMEM248</b>	0.21	2.76E-01	-0.12	5.58E-01
<b>UQCR10</b>	0.13	5.09E-01	0.12	5.58E-01
<b>AC009480.1</b>	0.14	4.62E-01	-0.12	5.59E-01
<b>C18orf8</b>	0.05	7.97E-01	-0.12	5.59E-01
<b>CCDC170</b>	0.12	5.39E-01	-0.12	5.59E-01
<b>CTD-2006C1.12</b>	0.11	5.60E-01	-0.12	5.59E-01
<b>G26812</b>	0.08	6.72E-01	-0.12	5.59E-01

LAPTM4B	0.13	5.21E-01	-0.12	5.59E-01
LIFR-AS1	-0.19	3.28E-01	-0.12	5.59E-01
LRRN3	-0.21	2.81E-01	-0.12	5.59E-01
PABPC4	0.08	6.84E-01	-0.12	5.59E-01
PCBP1-AS1	-0.24	2.10E-01	-0.12	5.59E-01
PDS5B	-0.08	7.01E-01	-0.12	5.59E-01
PGM2L1	-0.23	2.31E-01	-0.12	5.59E-01
PRICKLE2-AS2	-0.05	7.87E-01	-0.12	5.59E-01
PRSS51	-0.15	4.37E-01	-0.12	5.59E-01
RNU6-307P	0.19	3.25E-01	-0.12	5.59E-01
RP11-1102P22.1	0.17	3.89E-01	-0.12	5.59E-01
RP11-180P8.3	0.12	5.29E-01	-0.12	5.59E-01
RP11-55J15.2	-0.31	1.08E-01	-0.12	5.59E-01
RP11-676J12.9	0.12	5.43E-01	-0.12	5.59E-01
RP11-849F2.9	0.50	6.65E-03	-0.12	5.59E-01
USP6NL	0.14	4.81E-01	-0.12	5.59E-01
XLOC_007801	0.13	5.04E-01	-0.12	5.59E-01
XLOC_010266	-0.14	4.82E-01	-0.12	5.59E-01
ZBTB38	-0.11	5.75E-01	-0.12	5.59E-01
CEP170B	0.14	4.74E-01	0.12	5.59E-01
CLDN5	-0.26	1.80E-01	0.12	5.59E-01
DCLRE1A	0.16	4.12E-01	0.12	5.59E-01
DDT	-0.19	3.34E-01	0.12	5.59E-01
LAMP2	0.09	6.58E-01	0.12	5.59E-01
MFSD9	0.30	1.17E-01	0.12	5.59E-01
NCLN	0.22	2.59E-01	0.12	5.59E-01
RP11-285C1.2	0.21	2.93E-01	0.12	5.59E-01
RP11-4O1.2	0.31	1.14E-01	0.12	5.59E-01
ABCA9-AS1	0.24	2.19E-01	-0.12	5.60E-01
AC012314.19	-0.33	8.16E-02	-0.12	5.60E-01
AC013448.2	0.05	8.18E-01	-0.12	5.60E-01
ATP5J	0.08	6.88E-01	0.12	5.60E-01
AXL	-0.15	4.54E-01	0.12	5.60E-01
BAIAP2	0.01	9.50E-01	0.12	5.60E-01
CBX3P5	-0.18	3.54E-01	-0.12	5.60E-01
CTD-2248H3.1	-0.06	7.80E-01	-0.12	5.60E-01
EIF2B5	0.13	5.08E-01	0.12	5.60E-01
FOSL1P1	0.10	6.22E-01	0.12	5.60E-01
HIST1H1E	-0.11	5.73E-01	-0.12	5.60E-01
HIST2H4A	-0.10	5.97E-01	0.12	5.60E-01
HSPB1	0.06	7.68E-01	0.12	5.60E-01
KRT31	-0.34	7.49E-02	-0.12	5.60E-01
LOC100421166	-0.11	5.80E-01	0.12	5.60E-01
NBL1	-0.27	1.61E-01	0.12	5.60E-01
PCDHGB8P	-0.18	3.69E-01	-0.12	5.60E-01
PDE4C	0.09	6.49E-01	-0.12	5.60E-01
RFWD2	-0.09	6.55E-01	-0.12	5.60E-01

<b>RN7SL180P</b>	-0.18	3.70E-01	0.12	5.60E-01
<b>RP11-224O19.4</b>	0.06	7.48E-01	-0.12	5.60E-01
<b>RP11-230C9.2</b>	-0.18	3.57E-01	-0.12	5.60E-01
<b>RP11-314C16.1</b>	-0.12	5.50E-01	-0.12	5.60E-01
<b>RP11-397E7.4</b>	-0.18	3.71E-01	0.12	5.60E-01
<b>RP11-432B6.1</b>	-0.03	8.74E-01	-0.12	5.60E-01
<b>RP11-549J18.1</b>	-0.39	3.80E-02	-0.12	5.60E-01
<b>RP11-66D17.3</b>	0.19	3.35E-01	0.12	5.60E-01
<b>RP4-665J23.1</b>	-0.20	3.07E-01	-0.12	5.60E-01
<b>SP2-AS1</b>	-0.14	4.78E-01	-0.12	5.60E-01
<b>SPTSSB</b>	0.03	8.82E-01	0.12	5.60E-01
<b>ZNF780B</b>	0.09	6.61E-01	0.12	5.60E-01
<b>AC093267.1</b>	-0.16	4.04E-01	-0.12	5.61E-01
<b>CCDC134</b>	0.06	7.76E-01	0.12	5.61E-01
<b>COL18A1-AS2</b>	-0.27	1.57E-01	-0.12	5.61E-01
<b>CTD-2135D7.2</b>	-0.16	4.13E-01	-0.12	5.61E-01
<b>FRK</b>	0.40	3.40E-02	0.12	5.61E-01
<b>G21034</b>	-0.13	5.19E-01	-0.12	5.61E-01
<b>GALNT1</b>	0.25	1.93E-01	0.12	5.61E-01
<b>GRID2IP</b>	-0.10	6.07E-01	-0.12	5.61E-01
<b>GRM1</b>	-0.03	8.87E-01	-0.12	5.61E-01
<b>KIF3C</b>	-0.01	9.77E-01	-0.12	5.61E-01
<b>KLHDC4</b>	-0.02	9.15E-01	-0.12	5.61E-01
<b>KRTAP3-2</b>	-0.13	5.19E-01	0.12	5.61E-01
<b>L3MBTL2</b>	0.33	8.62E-02	-0.12	5.61E-01
<b>NPM1P29</b>	0.27	1.69E-01	-0.12	5.61E-01
<b>PGM1</b>	0.25	2.08E-01	0.12	5.61E-01
<b>PI3</b>	0.34	7.59E-02	0.12	5.61E-01
<b>PRC1-AS1</b>	-0.32	9.24E-02	-0.12	5.61E-01
<b>RN7SL674P</b>	-0.13	5.16E-01	0.12	5.61E-01
<b>RP11-212D19.5</b>	-0.10	6.03E-01	0.12	5.61E-01
<b>RP11-344N10.5</b>	-0.33	9.09E-02	-0.12	5.61E-01
<b>RP11-39M21.2</b>	-0.29	1.34E-01	-0.12	5.61E-01
<b>RP11-54I5.1</b>	-0.11	5.68E-01	-0.12	5.61E-01
<b>RP11-573G6.4</b>	0.24	2.27E-01	0.12	5.61E-01
<b>RP11-864J10.2</b>	-0.19	3.45E-01	0.12	5.61E-01
<b>RP11-96K19.5</b>	-0.03	8.73E-01	-0.12	5.61E-01
<b>RP13-228J13.8</b>	0.07	7.12E-01	0.12	5.61E-01
<b>RP5-1100E15.4</b>	-0.08	6.83E-01	0.12	5.61E-01
<b>RPLPOP6</b>	0.21	2.93E-01	0.12	5.61E-01
<b>SIAH1</b>	0.04	8.55E-01	0.12	5.61E-01
<b>SPIB</b>	0.23	2.29E-01	-0.12	5.61E-01
<b>ST13</b>	-0.04	8.41E-01	-0.12	5.61E-01
<b>STARD8</b>	-0.02	9.31E-01	0.12	5.61E-01
<b>TACC3</b>	0.05	8.18E-01	0.12	5.61E-01
<b>TRGV3</b>	0.26	1.90E-01	0.12	5.61E-01
<b>ZBTB2</b>	0.00	9.81E-01	-0.12	5.61E-01

ZNF22	-0.10	6.07E-01	-0.12	5.61E-01
CDK5RAP2	0.11	5.74E-01	0.12	5.62E-01
CLCN3P1	-0.27	1.67E-01	0.12	5.62E-01
CRLS1	0.00	1.00E+00	-0.12	5.62E-01
CTNNBIP1	0.03	8.78E-01	0.12	5.62E-01
DHX37	0.12	5.44E-01	0.12	5.62E-01
EFNA4	0.01	9.67E-01	-0.12	5.62E-01
EP300	-0.06	7.47E-01	0.12	5.62E-01
FAM50A	-0.03	8.63E-01	0.12	5.62E-01
FBXL14	0.00	1.00E+00	-0.12	5.62E-01
HECA	0.08	6.93E-01	0.12	5.62E-01
HSD17B12	0.33	8.56E-02	-0.12	5.62E-01
IDSP1	-0.17	3.91E-01	-0.12	5.62E-01
LGI2	-0.05	8.17E-01	0.12	5.62E-01
LINC00958	0.00	9.83E-01	0.12	5.62E-01
LINC01480	-0.33	8.32E-02	-0.12	5.62E-01
PARG	0.02	9.00E-01	-0.12	5.62E-01
PKNOX1	0.04	8.43E-01	0.12	5.62E-01
RNU6-1153P	-0.35	6.96E-02	-0.12	5.62E-01
RP11-106E7.1	0.01	9.50E-01	-0.12	5.62E-01
RP11-1078H9.5	0.05	8.11E-01	0.12	5.62E-01
RP11-166P13.3	-0.24	2.26E-01	-0.12	5.62E-01
RP11-422P24.11	-0.34	7.64E-02	-0.12	5.62E-01
RP11-545M17.2	-0.05	7.99E-01	-0.12	5.62E-01
RP11-635L1.3	-0.01	9.54E-01	-0.12	5.62E-01
RP11-90B9.3	0.16	4.08E-01	-0.12	5.62E-01
RP3-391O22.1	-0.13	4.99E-01	0.12	5.62E-01
SH3RF3	0.47	1.20E-02	0.12	5.62E-01
SPPL2A	0.31	1.06E-01	0.12	5.62E-01
STAM2	0.23	2.41E-01	0.12	5.62E-01
TMEM171	0.32	9.18E-02	-0.12	5.62E-01
TOR2A	-0.09	6.32E-01	-0.12	5.62E-01
TRAPPC2P1	0.32	1.02E-01	0.12	5.62E-01
TSEN15P2	0.07	7.41E-01	0.12	5.62E-01
TTC30B	0.10	6.29E-01	0.12	5.62E-01
XXbac-B461K10.4	-0.42	2.56E-02	-0.12	5.62E-01
ZNF137P	0.10	6.31E-01	-0.12	5.62E-01
AC008753.6	-0.28	1.51E-01	0.12	5.63E-01
AK5	0.03	8.66E-01	0.12	5.63E-01
ALKBH2	0.08	6.87E-01	-0.12	5.63E-01
ANKS4B	-0.28	1.46E-01	-0.12	5.63E-01
CBR1	0.22	2.55E-01	0.12	5.63E-01
CHD6	-0.18	3.50E-01	0.12	5.63E-01
CSNK1G3	0.16	4.16E-01	0.12	5.63E-01
EXTL3	0.26	1.83E-01	0.12	5.63E-01
HELZ	-0.06	7.66E-01	0.12	5.63E-01
HMGCR	0.14	4.92E-01	0.12	5.63E-01

HSPD1P6	-0.18	3.58E-01	-0.12	5.63E-01
KMT2B	-0.04	8.35E-01	0.12	5.63E-01
LMO3	0.04	8.28E-01	-0.12	5.63E-01
MANF	0.11	5.69E-01	0.12	5.63E-01
NOL9	0.09	6.60E-01	0.12	5.63E-01
PTPRZ1	-0.07	7.17E-01	-0.12	5.63E-01
PYROXD2	-0.18	3.46E-01	-0.12	5.63E-01
RABL3	0.28	1.43E-01	-0.12	5.63E-01
RN7SKP115	0.04	8.21E-01	-0.12	5.63E-01
RP11-121M22.1	-0.37	5.38E-02	0.12	5.63E-01
RP11-266J6.2	0.05	8.17E-01	-0.12	5.63E-01
RP11-286B14.1	-0.21	2.78E-01	0.12	5.63E-01
RP11-38H17.1	-0.24	2.21E-01	0.12	5.63E-01
RP11-392O17.1	0.15	4.34E-01	-0.12	5.63E-01
RP11-506O24.1	-0.13	4.97E-01	0.12	5.63E-01
SEPP1	0.12	5.37E-01	-0.12	5.63E-01
SGCD	-0.24	2.11E-01	-0.12	5.63E-01
TTC36	0.09	6.48E-01	0.12	5.63E-01
USH2A	-0.07	7.41E-01	-0.12	5.63E-01
XLOC_014403	0.06	7.49E-01	0.12	5.63E-01
ABCC9	-0.25	2.07E-01	-0.12	5.64E-01
AC010969.1	0.01	9.42E-01	-0.12	5.64E-01
AC016745.1	-0.37	4.94E-02	-0.12	5.64E-01
ADCYAP1R1	-0.09	6.35E-01	0.12	5.64E-01
ALG3	0.15	4.47E-01	0.12	5.64E-01
CHRNB2	0.00	9.83E-01	0.12	5.64E-01
CMTR2	0.26	1.75E-01	0.12	5.64E-01
CTD-2047H16.5	-0.01	9.71E-01	0.12	5.64E-01
CTD-2349P21.3	-0.23	2.49E-01	0.12	5.64E-01
DCAF4	-0.04	8.57E-01	-0.12	5.64E-01
FBXL2	-0.09	6.33E-01	-0.12	5.64E-01
IGKV1OR2-108	-0.05	8.18E-01	-0.12	5.64E-01
IGSF11	-0.39	4.09E-02	-0.12	5.64E-01
IMPDH2	0.11	5.64E-01	-0.12	5.64E-01
IRX5	0.40	3.75E-02	-0.12	5.64E-01
LARP1	0.10	6.14E-01	0.12	5.64E-01
LDLRAD2	-0.10	6.22E-01	-0.12	5.64E-01
LINC01184	0.08	6.69E-01	-0.12	5.64E-01
MRPL27	0.33	8.73E-02	0.12	5.64E-01
NMD3	0.08	7.00E-01	0.12	5.64E-01
PCDHGB6	0.11	5.61E-01	-0.12	5.64E-01
PRTFDC1	-0.05	7.84E-01	0.12	5.64E-01
RN7SL141P	0.27	1.57E-01	-0.12	5.64E-01
RP11-298E2.2	0.25	2.05E-01	-0.12	5.64E-01
RP11-484K9.4	0.19	3.44E-01	-0.12	5.64E-01
RP11-815I9.4	0.31	1.04E-01	0.12	5.64E-01
SAMD12-AS1	-0.21	2.77E-01	0.12	5.64E-01



TMED1	0.31	1.08E-01	0.12	5.64E-01
TOB1-AS1	0.10	6.22E-01	0.12	5.64E-01
ABCA2	-0.09	6.42E-01	-0.12	5.65E-01
ANLN	0.04	8.59E-01	-0.12	5.65E-01
AP000344.4	0.08	6.77E-01	0.12	5.65E-01
ARMC2	0.03	8.77E-01	-0.12	5.65E-01
BBOX1-AS1	0.29	1.30E-01	0.12	5.65E-01
BCL10	0.23	2.49E-01	0.12	5.65E-01
CDHR5	-0.07	7.09E-01	-0.12	5.65E-01
CTC-205M6.1	0.07	7.19E-01	-0.12	5.65E-01
DCTD	0.06	7.44E-01	0.12	5.65E-01
EIF4G3	-0.15	4.55E-01	0.12	5.65E-01
ELOVL6	0.08	6.72E-01	-0.12	5.65E-01
G36324	0.17	3.95E-01	0.12	5.65E-01
LINC00165	-0.17	3.78E-01	-0.12	5.65E-01
LUC7L3	-0.20	3.01E-01	-0.12	5.65E-01
MAPK1	0.03	8.94E-01	-0.12	5.65E-01
MEGF8	0.22	2.50E-01	0.12	5.65E-01
NTRK3	-0.05	7.86E-01	0.12	5.65E-01
PHKB	0.04	8.49E-01	-0.12	5.65E-01
PSMD6-AS2	-0.21	2.78E-01	-0.12	5.65E-01
RP11-100N21.1	-0.15	4.44E-01	-0.12	5.65E-01
RP11-115H18.1	0.00	9.88E-01	-0.12	5.65E-01
RP11-275I14.4	-0.17	3.89E-01	-0.12	5.65E-01
RP11-333E13.2	0.01	9.60E-01	0.12	5.65E-01
RP11-739N20.3	0.18	3.69E-01	-0.12	5.65E-01
RP11-864N7.2	0.10	6.10E-01	0.12	5.65E-01
RP11-96H19.1	-0.24	2.24E-01	-0.12	5.65E-01
RP5-890O3.9	0.23	2.38E-01	0.12	5.65E-01
RPL12P9	-0.10	6.02E-01	0.12	5.65E-01
SLC5A4	-0.34	7.92E-02	0.12	5.65E-01
TMEM230	0.24	2.15E-01	-0.12	5.65E-01
TRAJ18	-0.13	4.96E-01	-0.12	5.65E-01
WBSCR27	-0.10	6.16E-01	-0.12	5.65E-01
ZNF490	-0.07	7.24E-01	0.12	5.65E-01
C9	-0.30	1.18E-01	0.12	5.66E-01
CIRH1A	0.21	2.83E-01	0.12	5.66E-01
DDN	-0.04	8.35E-01	0.12	5.66E-01
LIG4	0.30	1.15E-01	0.12	5.66E-01
METTL5	0.01	9.59E-01	0.12	5.66E-01
RASGRP2	0.35	6.41E-02	0.12	5.66E-01
RP11-466H18.1	-0.23	2.30E-01	0.12	5.66E-01
SUCO	0.33	8.98E-02	0.12	5.66E-01
XLOC_012436	-0.07	7.41E-01	0.12	5.66E-01
KXbac-B476C20.11	-0.25	2.08E-01	0.12	5.66E-01
AC007365.1	-0.15	4.53E-01	-0.12	5.66E-01
AC091729.9	-0.12	5.27E-01	-0.12	5.66E-01

ATL3	-0.02	9.00E-01	-0.12	5.66E-01
ATM	-0.19	3.33E-01	-0.12	5.66E-01
ATP1A1-AS1	0.10	5.99E-01	-0.12	5.66E-01
CRYBB2P1	-0.07	7.14E-01	-0.12	5.66E-01
FAR1	0.13	5.01E-01	-0.12	5.66E-01
G42353	-0.10	6.24E-01	-0.12	5.66E-01
KCNA2	0.10	6.01E-01	-0.12	5.66E-01
MIR155HG	0.19	3.26E-01	-0.12	5.66E-01
OSBPL9P4	-0.15	4.60E-01	-0.12	5.66E-01
PHF1	-0.10	6.02E-01	-0.12	5.66E-01
RBL1	0.07	7.05E-01	-0.12	5.66E-01
RP11-330M19.1	-0.16	4.12E-01	-0.12	5.66E-01
UGT1A2P	-0.28	1.51E-01	-0.12	5.66E-01
XRCC6P2	0.20	3.15E-01	-0.12	5.66E-01
ZNF584	0.21	2.93E-01	-0.12	5.66E-01
AC020951.1	-0.10	5.99E-01	-0.12	5.67E-01
CACTIN-AS1	-0.28	1.46E-01	-0.12	5.67E-01
CEP95	-0.15	4.38E-01	-0.12	5.67E-01
MESTP1	-0.45	1.61E-02	-0.12	5.67E-01
MIR3648	0.08	6.91E-01	-0.12	5.67E-01
MYLK3	0.18	3.59E-01	-0.12	5.67E-01
NDUFAF6	0.18	3.66E-01	-0.12	5.67E-01
RN7SL434P	0.24	2.15E-01	-0.12	5.67E-01
RP11-1334A24.5	0.19	3.38E-01	-0.12	5.67E-01
RP11-214K3.21	-0.25	1.92E-01	-0.12	5.67E-01
RP11-455F5.6	0.26	1.77E-01	-0.12	5.67E-01
STKLD1	-0.28	1.54E-01	-0.12	5.67E-01
TMSB4X	-0.13	5.10E-01	-0.12	5.67E-01
XLOC_010292	-0.30	1.25E-01	-0.12	5.67E-01
ZNF48	0.14	4.72E-01	-0.12	5.67E-01
CNIH4	0.19	3.39E-01	0.12	5.67E-01
DDX52	0.27	1.66E-01	0.12	5.67E-01
FTH1P1	-0.08	6.97E-01	0.12	5.67E-01
KIAA0753	0.12	5.44E-01	0.12	5.67E-01
MFAP3	0.27	1.70E-01	0.12	5.67E-01
MYL12BP1	0.17	3.97E-01	0.12	5.67E-01
PKM	0.17	3.79E-01	0.12	5.67E-01
RP11-44F14.5	-0.11	5.60E-01	0.12	5.67E-01
RP11-829H16.5	0.03	8.87E-01	0.12	5.67E-01
ZFYVE26	0.07	7.33E-01	0.12	5.67E-01
AC018867.1	0.08	6.68E-01	-0.11	5.68E-01
ACTA1	0.14	4.70E-01	0.11	5.68E-01
AL158147.2	-0.20	3.18E-01	-0.11	5.68E-01
C9orf131	-0.05	7.84E-01	-0.11	5.68E-01
CASS4	0.13	4.96E-01	0.11	5.68E-01
CTC-471J1.9	-0.23	2.47E-01	0.11	5.68E-01
CTD-2376I4.1	0.17	3.94E-01	0.11	5.68E-01

<b>CTD-3032H12.1</b>	0.14	4.75E-01	0.11	5.68E-01
<b>DOK4</b>	0.08	6.87E-01	0.11	5.68E-01
<b>EEF1A1P30</b>	-0.18	3.58E-01	-0.11	5.68E-01
<b>FPGT</b>	0.06	7.46E-01	0.11	5.68E-01
<b>ICAM2</b>	-0.18	3.52E-01	0.11	5.68E-01
<b>LINC00173</b>	-0.14	4.68E-01	0.11	5.68E-01
<b>LINC01011</b>	-0.14	4.79E-01	0.11	5.68E-01
<b>PCDH11Y</b>	0.04	8.37E-01	0.11	5.68E-01
<b>PPP5D1</b>	0.09	6.50E-01	0.11	5.68E-01
<b>RERGL</b>	-0.22	2.54E-01	0.11	5.68E-01
<b>RNA5SP20</b>	-0.45	1.67E-02	-0.11	5.68E-01
<b>RP11-176D17.3</b>	-0.40	3.41E-02	-0.11	5.68E-01
<b>RP11-215P8.2</b>	-0.06	7.64E-01	-0.11	5.68E-01
<b>RP11-333E1.1</b>	-0.16	4.13E-01	-0.11	5.68E-01
<b>RP11-370I10.11</b>	-0.18	3.57E-01	-0.11	5.68E-01
<b>RP11-5N11.2</b>	-0.13	5.08E-01	-0.11	5.68E-01
<b>RP3-368A4.5</b>	-0.11	5.89E-01	0.11	5.68E-01
<b>SFR1</b>	0.16	4.28E-01	0.11	5.68E-01
<b>SKIDA1</b>	-0.03	8.90E-01	-0.11	5.68E-01
<b>SPG20-AS1</b>	0.45	1.72E-02	-0.11	5.68E-01
<b>SYPL1</b>	0.43	2.15E-02	0.11	5.68E-01
<b>TLL7-IT1</b>	-0.27	1.68E-01	0.11	5.68E-01
<b>USP8</b>	0.09	6.49E-01	0.11	5.68E-01
<b>AC091814.2</b>	-0.15	4.38E-01	0.11	5.69E-01
<b>AC109333.10</b>	0.03	8.66E-01	0.11	5.69E-01
<b>C3AR1</b>	0.04	8.32E-01	0.11	5.69E-01
<b>CTD-2363C16.1</b>	0.09	6.45E-01	0.11	5.69E-01
<b>DPAGT1</b>	0.10	5.95E-01	0.11	5.69E-01
<b>GAPLINC</b>	-0.06	7.62E-01	0.11	5.69E-01
<b>GPR107</b>	0.36	5.72E-02	0.11	5.69E-01
<b>KRT18P4</b>	-0.31	1.12E-01	0.11	5.69E-01
<b>LRRC23</b>	-0.06	7.72E-01	-0.11	5.69E-01
<b>MESDC2</b>	0.20	3.03E-01	0.11	5.69E-01
<b>MIR4258</b>	-0.27	1.62E-01	0.11	5.69E-01
<b>MRPL36</b>	-0.11	5.74E-01	0.11	5.69E-01
<b>MTCYBP21</b>	-0.20	3.17E-01	-0.11	5.69E-01
<b>POLR1D</b>	0.10	5.95E-01	0.11	5.69E-01
<b>RP11-30L3.2</b>	0.03	8.74E-01	-0.11	5.69E-01
<b>RP11-466F5.6</b>	-0.17	3.92E-01	-0.11	5.69E-01
<b>RP11-507E23.1</b>	0.04	8.44E-01	-0.11	5.69E-01
<b>RP11-535A19.2</b>	0.01	9.75E-01	-0.11	5.69E-01
<b>RP11-54H7.4</b>	0.08	6.71E-01	-0.11	5.69E-01
<b>RP11-651P23.4</b>	0.27	1.72E-01	0.11	5.69E-01
<b>RP11-807C20.2</b>	-0.31	1.06E-01	0.11	5.69E-01
<b>RPL12P11</b>	-0.08	6.83E-01	-0.11	5.69E-01
<b>SAMD13</b>	0.08	6.88E-01	0.11	5.69E-01
<b>SPINK9</b>	-0.05	7.88E-01	0.11	5.69E-01

TAF9BP1	-0.22	2.62E-01	0.11	5.69E-01
TMTC4	-0.02	9.15E-01	0.11	5.69E-01
TNFRSF21	0.19	3.45E-01	0.11	5.69E-01
TYSND1	0.04	8.46E-01	0.11	5.69E-01
VPS13C	-0.03	8.73E-01	-0.11	5.69E-01
ZNF622	0.05	8.07E-01	0.11	5.69E-01
ACYP2	0.13	5.14E-01	0.11	5.70E-01
ARRDC1-AS1	-0.09	6.36E-01	0.11	5.70E-01
ATP6V1F	0.15	4.55E-01	0.11	5.70E-01
BLNK	0.23	2.40E-01	0.11	5.70E-01
C6orf226	-0.20	3.05E-01	0.11	5.70E-01
CTC-250P20.1	0.03	8.94E-01	-0.11	5.70E-01
CTC-325H20.4	0.09	6.33E-01	-0.11	5.70E-01
CTD-2012K14.6	0.11	5.76E-01	-0.11	5.70E-01
CTD-2036P10.6	0.05	7.82E-01	-0.11	5.70E-01
CTD-2201E9.2	-0.15	4.57E-01	-0.11	5.70E-01
DEFB103B	-0.01	9.61E-01	0.11	5.70E-01
KCNV2	0.05	8.16E-01	-0.11	5.70E-01
MED16	0.29	1.38E-01	0.11	5.70E-01
MRPL34	0.04	8.25E-01	-0.11	5.70E-01
PAK1IP1	0.14	4.83E-01	-0.11	5.70E-01
RNU4-9P	-0.13	4.98E-01	0.11	5.70E-01
RNU6-188P	-0.09	6.67E-01	0.11	5.70E-01
RP11-158M2.5	0.02	9.08E-01	-0.11	5.70E-01
RP11-196G18.22	-0.06	7.79E-01	-0.11	5.70E-01
RP11-323I15.5	0.06	7.62E-01	-0.11	5.70E-01
RP11-351O1.3	-0.02	9.23E-01	-0.11	5.70E-01
RP11-372M18.2	0.12	5.56E-01	-0.11	5.70E-01
RP11-378E13.4	-0.29	1.39E-01	-0.11	5.70E-01
RP3-400B16.1	-0.07	7.16E-01	-0.11	5.70E-01
SIRT4	0.24	2.17E-01	-0.11	5.70E-01
SQLE	0.22	2.61E-01	0.11	5.70E-01
THOC3	0.20	2.99E-01	0.11	5.70E-01
XRN1	0.08	6.72E-01	-0.11	5.70E-01
YBX1P4	-0.30	1.21E-01	-0.11	5.70E-01
C6orf3	0.23	2.30E-01	0.11	5.72E-01
CCNK	-0.12	5.56E-01	-0.11	5.72E-01
COQ6	-0.28	1.44E-01	-0.11	5.72E-01
CTB-31O20.4	0.00	9.89E-01	-0.11	5.72E-01
CTC-559E9.6	-0.17	3.94E-01	-0.11	5.72E-01
G31400	0.03	8.89E-01	0.11	5.72E-01
G40079	-0.05	8.14E-01	-0.11	5.72E-01
GLTPD2	0.17	3.75E-01	0.11	5.72E-01
LINC00998	-0.17	3.96E-01	-0.11	5.72E-01
MAGI3	-0.19	3.44E-01	0.11	5.72E-01
OVCH1-AS1	0.03	8.77E-01	-0.11	5.72E-01
PCDHB6	-0.06	7.71E-01	-0.11	5.72E-01

<b>R3HDM4</b>	0.29	1.38E-01	0.11	5.72E-01
<b>RMDN2</b>	0.24	2.14E-01	0.11	5.72E-01
<b>RNASE4</b>	-0.34	7.72E-02	0.11	5.72E-01
<b>RNU6-151P</b>	-0.11	5.91E-01	0.11	5.72E-01
<b>RP11-119F7.5</b>	0.23	2.38E-01	0.11	5.72E-01
<b>RP11-173A6.2</b>	-0.29	1.34E-01	0.11	5.72E-01
<b>RP11-588L15.1</b>	0.00	9.86E-01	0.11	5.72E-01
<b>RP11-792A8.4</b>	0.09	6.63E-01	0.11	5.72E-01
<b>RP11-815J21.1</b>	-0.19	3.44E-01	-0.11	5.72E-01
<b>RP5-832C2.5</b>	-0.03	8.75E-01	-0.11	5.72E-01
<b>SIAH2-AS1</b>	-0.19	3.41E-01	-0.11	5.72E-01
<b>SLC22A23</b>	0.01	9.64E-01	0.11	5.72E-01
<b>SNX16</b>	0.01	9.57E-01	-0.11	5.72E-01
<b>TSFM</b>	0.16	4.16E-01	0.11	5.72E-01
<b>WDR26</b>	0.14	4.65E-01	0.11	5.72E-01
<b>AL157392.1</b>	-0.16	4.26E-01	0.11	5.73E-01
<b>C7orf71</b>	0.15	4.54E-01	-0.11	5.73E-01
<b>CFAP47</b>	0.00	9.83E-01	-0.11	5.73E-01
<b>DAB1</b>	-0.03	8.63E-01	-0.11	5.73E-01
<b>DAZAP2P1</b>	0.18	3.63E-01	-0.11	5.73E-01
<b>DDA1</b>	0.12	5.55E-01	0.11	5.73E-01
<b>DUXAP7</b>	-0.18	3.46E-01	-0.11	5.73E-01
<b>FAM182B</b>	0.14	4.81E-01	-0.11	5.73E-01
<b>G31829</b>	0.25	1.91E-01	0.11	5.73E-01
<b>GAK</b>	0.22	2.62E-01	0.11	5.73E-01
<b>GRIK3</b>	-0.39	4.14E-02	-0.11	5.73E-01
<b>ISG20L2</b>	0.24	2.10E-01	0.11	5.73E-01
<b>KB-1930G5.4</b>	-0.11	5.81E-01	0.11	5.73E-01
<b>KRTAP5-5</b>	0.14	4.65E-01	0.11	5.73E-01
<b>MAEA</b>	0.08	7.00E-01	0.11	5.73E-01
<b>PMVK</b>	-0.04	8.41E-01	0.11	5.73E-01
<b>RP1-145M24.1</b>	0.14	4.89E-01	-0.11	5.73E-01
<b>RP11-1070A24.1</b>	0.17	3.89E-01	0.11	5.73E-01
<b>RP11-37B2.1</b>	-0.30	1.22E-01	-0.11	5.73E-01
<b>RP11-426C22.4</b>	0.04	8.36E-01	-0.11	5.73E-01
<b>RP11-67L14.1</b>	0.25	1.98E-01	-0.11	5.73E-01
<b>RP4-800F24.1</b>	-0.33	8.67E-02	-0.11	5.73E-01
<b>RPL23AP40</b>	0.32	9.24E-02	-0.11	5.73E-01
<b>SAMD3</b>	-0.11	5.81E-01	-0.11	5.73E-01
<b>SEC14L5</b>	-0.09	6.56E-01	-0.11	5.73E-01
<b>SMIM6</b>	0.23	2.37E-01	-0.11	5.73E-01
<b>TRAM2-AS1</b>	-0.26	1.76E-01	-0.11	5.73E-01
<b>UPK3B</b>	-0.02	9.37E-01	-0.11	5.73E-01
<b>YBX1P3</b>	-0.43	2.28E-02	0.11	5.73E-01
<b>ZNF84</b>	-0.34	7.95E-02	-0.11	5.73E-01
<b>AC008269.2</b>	-0.30	1.16E-01	-0.11	5.74E-01
<b>AC104655.3</b>	-0.04	8.21E-01	0.11	5.74E-01

ACER1	0.00	9.91E-01	0.11	5.74E-01
ADAT2	0.08	6.91E-01	-0.11	5.74E-01
ANKRD36B	-0.41	2.82E-02	-0.11	5.74E-01
BOC	-0.12	5.57E-01	-0.11	5.74E-01
CDK14	-0.22	2.71E-01	-0.11	5.74E-01
CNN1	0.10	6.19E-01	0.11	5.74E-01
CTB-186G2.4	-0.20	3.13E-01	-0.11	5.74E-01
DAZAP2	0.17	3.86E-01	0.11	5.74E-01
ECSCR	-0.15	4.46E-01	-0.11	5.74E-01
ELFN1	0.01	9.76E-01	0.11	5.74E-01
G28383	0.26	1.85E-01	0.11	5.74E-01
GART	0.17	3.99E-01	0.11	5.74E-01
KIAA0040	-0.01	9.65E-01	0.11	5.74E-01
LAMP3	0.28	1.56E-01	0.11	5.74E-01
LCE1B	0.01	9.74E-01	0.11	5.74E-01
LINC00493	0.06	7.65E-01	-0.11	5.74E-01
LINC01250	-0.01	9.65E-01	0.11	5.74E-01
NUCB1-AS1	-0.08	6.71E-01	-0.11	5.74E-01
POLD1	-0.04	8.46E-01	0.11	5.74E-01
PRPF38B	0.01	9.40E-01	-0.11	5.74E-01
PTPRR	-0.22	2.69E-01	0.11	5.74E-01
PXT1	-0.15	4.34E-01	0.11	5.74E-01
RAP1GAP	0.21	2.88E-01	0.11	5.74E-01
RN7SL269P	-0.19	3.27E-01	-0.11	5.74E-01
RP11-23J9.5	-0.05	8.09E-01	-0.11	5.74E-01
RP11-267M23.6	-0.20	3.03E-01	-0.11	5.74E-01
RP11-479F13.1	0.09	6.38E-01	-0.11	5.74E-01
RP11-546K22.1	0.08	6.73E-01	-0.11	5.74E-01
RP11-592N21.1	-0.30	1.25E-01	-0.11	5.74E-01
RP11-671M22.4	0.04	8.42E-01	-0.11	5.74E-01
RP11-720N19.1	0.00	9.83E-01	0.11	5.74E-01
RP11-843B15.4	-0.06	7.60E-01	-0.11	5.74E-01
SLC4A10	0.22	2.66E-01	-0.11	5.74E-01
SLC9A9-AS1	-0.01	9.42E-01	0.11	5.74E-01
SUCLG1	0.17	3.79E-01	0.11	5.74E-01
TRIM66	-0.09	6.32E-01	-0.11	5.74E-01
TTN	0.00	9.91E-01	-0.11	5.74E-01
TYW3	0.25	2.09E-01	-0.11	5.74E-01
UFL1	0.03	8.99E-01	-0.11	5.74E-01
VPS26B	0.13	5.01E-01	-0.11	5.74E-01
VRK1	0.17	3.95E-01	-0.11	5.74E-01
BPNT1	0.16	4.24E-01	0.11	5.75E-01
CACNG8	-0.43	2.13E-02	-0.11	5.75E-01
CLDN20	-0.06	7.46E-01	-0.11	5.75E-01
COX14	0.27	1.58E-01	0.11	5.75E-01
CTD-2547H18.1	-0.07	7.41E-01	-0.11	5.75E-01
DHODH	0.06	7.59E-01	0.11	5.75E-01

DUTP7	0.22	2.54E-01	-0.11	5.75E-01
MBD1	0.10	6.25E-01	-0.11	5.75E-01
NFATC1	-0.18	3.59E-01	0.11	5.75E-01
P2RY11	0.20	3.06E-01	-0.11	5.75E-01
PAPPA	0.04	8.38E-01	0.11	5.75E-01
RAB44	-0.17	3.85E-01	-0.11	5.75E-01
RN7SL502P	-0.11	5.82E-01	-0.11	5.75E-01
RNU6-33P	-0.37	5.07E-02	0.11	5.75E-01
RNU7-28P	-0.14	4.82E-01	-0.11	5.75E-01
RP11-295G20.2	0.26	1.78E-01	0.11	5.75E-01
RP11-45P15.4	-0.02	9.36E-01	-0.11	5.75E-01
RP11-69H7.4	-0.02	9.00E-01	-0.11	5.75E-01
RP11-84D1.1	0.11	5.82E-01	-0.11	5.75E-01
RP4-565E6.1	-0.23	2.47E-01	0.11	5.75E-01
RP5-1050D4.5	0.21	2.75E-01	-0.11	5.75E-01
RRM2B	0.07	7.42E-01	0.11	5.75E-01
SCAMP3	0.09	6.33E-01	0.11	5.75E-01
SLC25A35	0.34	7.79E-02	-0.11	5.75E-01
SQRDL	0.22	2.60E-01	0.11	5.75E-01
TBC1D14	-0.08	6.94E-01	0.11	5.75E-01
ASB2	0.40	3.58E-02	0.11	5.76E-01
CCDC136	-0.19	3.46E-01	0.11	5.76E-01
CEACAM6	0.10	6.14E-01	-0.11	5.76E-01
CTB-39G8.3	0.12	5.54E-01	-0.11	5.76E-01
CYCSP29	0.05	8.13E-01	-0.11	5.76E-01
FAM64A	0.13	5.21E-01	0.11	5.76E-01
G22271	0.06	7.53E-01	-0.11	5.76E-01
GIMAP5	0.03	8.71E-01	-0.11	5.76E-01
GOLGA6A	0.27	1.64E-01	-0.11	5.76E-01
GPATCH2L	-0.05	7.84E-01	-0.11	5.76E-01
HIST2H2BA	0.03	8.71E-01	0.11	5.76E-01
HIVEP3	0.00	9.81E-01	0.11	5.76E-01
HPS4	-0.14	4.85E-01	-0.11	5.76E-01
LRR37A5P	-0.15	4.41E-01	-0.11	5.76E-01
LRRFIP1	0.07	7.23E-01	0.11	5.76E-01
MAP7D3	-0.14	4.77E-01	-0.11	5.76E-01
OBP2B	-0.09	6.42E-01	-0.11	5.76E-01
PRR13P2	-0.01	9.43E-01	0.11	5.76E-01
RABEP1	0.07	7.09E-01	0.11	5.76E-01
RP1-134O19.3	-0.14	4.66E-01	0.11	5.76E-01
RP11-1110F20.1	-0.25	1.97E-01	0.11	5.76E-01
RP11-1379J22.2	-0.15	4.49E-01	-0.11	5.76E-01
RP11-264L1.1	0.12	5.42E-01	0.11	5.76E-01
RP11-282E4.1	-0.27	1.63E-01	-0.11	5.76E-01
RP11-380O24.1	0.27	1.64E-01	0.11	5.76E-01
RP11-410D17.2	-0.03	8.85E-01	-0.11	5.76E-01
RP11-417J8.3	0.25	2.01E-01	-0.11	5.76E-01

<b>RP11-47122.1</b>	0.04	8.26E-01	-0.11	5.76E-01
<b>RP11-50D9.3</b>	-0.27	1.63E-01	-0.11	5.76E-01
<b>RP11-551L14.7</b>	0.05	7.89E-01	-0.11	5.76E-01
<b>SC5D</b>	0.27	1.71E-01	0.11	5.76E-01
<b>SFTPA1</b>	0.16	4.25E-01	0.11	5.76E-01
<b>SLC17A9</b>	0.03	8.71E-01	-0.11	5.76E-01
<b>SLC30A1</b>	0.22	2.54E-01	0.11	5.76E-01
<b>SPHK1</b>	0.16	4.16E-01	0.11	5.76E-01
<b>TNFRSF11B</b>	-0.21	2.75E-01	-0.11	5.76E-01
<b>UNC13B</b>	0.15	4.59E-01	0.11	5.76E-01
<b>WDR74</b>	0.06	7.61E-01	0.11	5.76E-01
<b>ZCCHC2</b>	-0.22	2.56E-01	-0.11	5.76E-01
<b>AC010976.2</b>	-0.04	8.25E-01	-0.11	5.77E-01
<b>AC015971.2</b>	0.11	5.63E-01	-0.11	5.77E-01
<b>AC018738.2</b>	-0.14	4.73E-01	-0.11	5.77E-01
<b>AC064875.2</b>	-0.06	7.68E-01	-0.11	5.77E-01
<b>ATP2B2</b>	-0.16	4.24E-01	-0.11	5.77E-01
<b>CH17-360D5.3</b>	-0.03	8.94E-01	-0.11	5.77E-01
<b>FNDC3A</b>	-0.10	6.27E-01	-0.11	5.77E-01
<b>LINC00539</b>	0.43	2.21E-02	-0.11	5.77E-01
<b>NAA30</b>	0.03	8.93E-01	-0.11	5.77E-01
<b>PKIA-AS1</b>	-0.20	3.15E-01	-0.11	5.77E-01
<b>PROSER2-AS1</b>	-0.15	4.40E-01	-0.11	5.77E-01
<b>RP11-1212A22.1</b>	-0.05	8.05E-01	-0.11	5.77E-01
<b>RP11-219B4.5</b>	0.08	6.79E-01	-0.11	5.77E-01
<b>RP3-395P12.2</b>	0.32	9.93E-02	-0.11	5.77E-01
<b>RP4-622L5.7</b>	-0.03	8.83E-01	-0.11	5.77E-01
<b>SLC16A1-AS1</b>	0.02	9.02E-01	-0.11	5.77E-01
<b>TMEM221</b>	0.29	1.33E-01	-0.11	5.77E-01
<b>ACOX1</b>	-0.02	9.34E-01	0.11	5.77E-01
<b>C1orf189</b>	0.01	9.55E-01	0.11	5.77E-01
<b>CLPP</b>	0.47	1.21E-02	0.11	5.77E-01
<b>CTD-2288F12.1</b>	0.18	3.69E-01	0.11	5.77E-01
<b>PHF7</b>	0.05	8.01E-01	0.11	5.77E-01
<b>RGAG1</b>	-0.26	1.88E-01	0.11	5.77E-01
<b>SELE</b>	0.01	9.76E-01	0.11	5.77E-01
<b>TINCR</b>	-0.17	3.74E-01	0.11	5.77E-01
<b>ARHGEF5</b>	0.01	9.75E-01	-0.11	5.78E-01
<b>ATP6V1G1P6</b>	0.09	6.62E-01	-0.11	5.78E-01
<b>CDCA2</b>	0.03	8.81E-01	0.11	5.78E-01
<b>CDK5</b>	0.27	1.72E-01	0.11	5.78E-01
<b>CHRNA3</b>	0.05	7.97E-01	0.11	5.78E-01
<b>CKB</b>	0.11	5.73E-01	0.11	5.78E-01
<b>ELOVL1</b>	0.22	2.61E-01	0.11	5.78E-01
<b>ESPN</b>	-0.09	6.33E-01	-0.11	5.78E-01
<b>FAM25BP</b>	0.36	6.07E-02	0.11	5.78E-01
<b>FBN2</b>	0.01	9.69E-01	0.11	5.78E-01



<b>GMPR</b>	-0.34	7.82E-02	-0.11	5.78E-01
<b>GUSBP9</b>	-0.07	7.30E-01	-0.11	5.78E-01
<b>KRTAP4-2</b>	-0.17	3.73E-01	0.11	5.78E-01
<b>KRTAP4-5</b>	-0.16	4.11E-01	-0.11	5.78E-01
<b>MIR200C</b>	0.23	2.33E-01	-0.11	5.78E-01
<b>NDUFB6</b>	0.09	6.42E-01	-0.11	5.78E-01
<b>PCCA-AS1</b>	-0.01	9.78E-01	0.11	5.78E-01
<b>POLR3E</b>	-0.09	6.33E-01	0.11	5.78E-01
<b>RN7SL683P</b>	0.07	7.30E-01	0.11	5.78E-01
<b>RP11-160A9.3</b>	-0.25	1.92E-01	-0.11	5.78E-01
<b>RP11-217B7.3</b>	-0.07	7.07E-01	0.11	5.78E-01
<b>RP11-219D15.3</b>	-0.06	7.61E-01	0.11	5.78E-01
<b>RP11-265N7.1</b>	-0.04	8.26E-01	-0.11	5.78E-01
<b>RP11-465N4.5</b>	-0.13	4.95E-01	-0.11	5.78E-01
<b>RP5-823G15.5</b>	-0.21	2.82E-01	-0.11	5.78E-01
<b>RPL21</b>	0.09	6.42E-01	-0.11	5.78E-01
<b>SHMT1P1</b>	-0.17	3.95E-01	-0.11	5.78E-01
<b>TRIP6</b>	0.19	3.26E-01	0.11	5.78E-01
<b>TUB</b>	-0.20	3.17E-01	-0.11	5.78E-01
<b>VCP</b>	0.14	4.82E-01	0.11	5.78E-01
<b>XLOC_001195</b>	-0.01	9.46E-01	0.11	5.78E-01
<b>XLOC_009592</b>	-0.19	3.20E-01	-0.11	5.78E-01
<b>YKT6</b>	0.24	2.13E-01	0.11	5.78E-01
<b>AC016292.3</b>	-0.20	3.05E-01	-0.11	5.79E-01
<b>AC069155.1</b>	0.02	9.03E-01	-0.11	5.79E-01
<b>ALOX12B</b>	0.14	4.79E-01	0.11	5.79E-01
<b>ALOX15B</b>	0.24	2.20E-01	-0.11	5.79E-01
<b>C2orf69</b>	0.17	3.88E-01	-0.11	5.79E-01
<b>CEBPB</b>	0.09	6.45E-01	-0.11	5.79E-01
<b>CMB9-22P13.2</b>	-0.07	7.40E-01	0.11	5.79E-01
<b>CTD-2516F10.2</b>	0.15	4.51E-01	0.11	5.79E-01
<b>CTD-3253I12.1</b>	-0.18	3.46E-01	-0.11	5.79E-01
<b>DAGLA</b>	-0.18	3.60E-01	0.11	5.79E-01
<b>IFT172</b>	-0.14	4.66E-01	-0.11	5.79E-01
<b>LCN12</b>	-0.32	9.71E-02	-0.11	5.79E-01
<b>MIR5190</b>	-0.31	1.09E-01	0.11	5.79E-01
<b>MSANTD2</b>	-0.07	7.27E-01	-0.11	5.79E-01
<b>PABPC3</b>	-0.24	2.22E-01	0.11	5.79E-01
<b>PARD3B</b>	-0.27	1.58E-01	-0.11	5.79E-01
<b>PCDHA13</b>	-0.27	1.70E-01	0.11	5.79E-01
<b>PGAP2</b>	0.19	3.27E-01	0.11	5.79E-01
<b>PHBP21</b>	0.23	2.44E-01	-0.11	5.79E-01
<b>PTGDS</b>	0.16	4.26E-01	0.11	5.79E-01
<b>RNU2-33P</b>	-0.21	2.80E-01	-0.11	5.79E-01
<b>RNU6-1146P</b>	-0.23	2.49E-01	-0.11	5.79E-01
<b>RP11-290F5.2</b>	0.17	3.96E-01	0.11	5.79E-01
<b>RP11-317P15.4</b>	0.21	2.75E-01	0.11	5.79E-01

RPS15	0.07	7.17E-01	0.11	5.79E-01
SLC16A12	0.14	4.70E-01	0.11	5.79E-01
SLC25A41	0.58	1.12E-03	0.11	5.79E-01
SNORA62	-0.14	4.82E-01	0.11	5.79E-01
TCTN1	-0.11	5.77E-01	-0.11	5.79E-01
TMSB10	-0.01	9.55E-01	0.11	5.79E-01
ZNF397	-0.14	4.72E-01	-0.11	5.79E-01
ABCG2	-0.29	1.42E-01	-0.11	5.80E-01
AC011475.1	-0.07	7.24E-01	-0.11	5.80E-01
MIR425	0.14	4.86E-01	-0.11	5.80E-01
MIR4305	-0.51	5.83E-03	-0.11	5.80E-01
NNT	-0.08	6.78E-01	-0.11	5.80E-01
RCVRN	-0.10	6.10E-01	-0.11	5.80E-01
RN7SKP30	-0.15	4.31E-01	-0.11	5.80E-01
RNF125	0.06	7.77E-01	-0.11	5.80E-01
RP1-136B1.1	-0.02	9.09E-01	-0.11	5.80E-01
SUB1P4	0.38	4.87E-02	-0.11	5.80E-01
TLK1	-0.13	4.93E-01	-0.11	5.80E-01
TOMM20	0.13	5.01E-01	-0.11	5.80E-01
WDFY3	-0.14	4.74E-01	-0.11	5.80E-01
XLOC_000152	-0.28	1.44E-01	-0.11	5.80E-01
CTC-498J12.3	-0.11	5.75E-01	0.11	5.80E-01
FRMD7	0.19	3.29E-01	0.11	5.80E-01
GPAA1	0.18	3.67E-01	0.11	5.80E-01
KRTAP2-4	-0.21	2.85E-01	0.11	5.80E-01
LRCH4	-0.06	7.49E-01	0.11	5.80E-01
MICAL2	0.11	5.85E-01	0.11	5.80E-01
PPID	-0.11	5.90E-01	0.11	5.80E-01
RP11-178L8.3	0.04	8.55E-01	0.11	5.80E-01
RP11-293K19.1	0.20	2.97E-01	0.11	5.80E-01
RP11-299G20.2	0.13	5.16E-01	0.11	5.80E-01
SCYL1	0.01	9.56E-01	0.11	5.80E-01
SNORD56B	-0.12	5.29E-01	0.11	5.80E-01
TMEM41A	0.22	2.65E-01	0.11	5.80E-01
TOMM7	0.05	7.87E-01	0.11	5.80E-01
TRIM7	0.03	8.66E-01	0.11	5.80E-01
AC003989.3	0.03	8.71E-01	-0.11	5.81E-01
AGA	0.25	1.99E-01	0.11	5.81E-01
AGT	-0.53	3.39E-03	-0.11	5.81E-01
AL359922.1	-0.18	3.51E-01	0.11	5.81E-01
CAMK1	-0.04	8.51E-01	0.11	5.81E-01
CCDC186	0.00	9.94E-01	-0.11	5.81E-01
CHST11	0.38	4.54E-02	0.11	5.81E-01
CTC-260F20.3	0.13	5.07E-01	-0.11	5.81E-01
CTD-3214H19.6	-0.33	8.81E-02	0.11	5.81E-01
FBXO41	0.11	5.67E-01	0.11	5.81E-01
G12586	0.17	3.80E-01	0.11	5.81E-01

HOMER1	0.44	1.81E-02	0.11	5.81E-01
HOXB1	0.06	7.60E-01	0.11	5.81E-01
HOXC-AS3	-0.21	2.81E-01	-0.11	5.81E-01
LELP1	-0.13	5.17E-01	0.11	5.81E-01
MARCKSL1P1	0.10	5.96E-01	-0.11	5.81E-01
MIR3941	-0.33	9.04E-02	0.11	5.81E-01
MYLK2	-0.01	9.60E-01	-0.11	5.81E-01
NDFIP1P1	-0.04	8.38E-01	0.11	5.81E-01
NPIP5	0.13	5.06E-01	-0.11	5.81E-01
PARP6	-0.02	9.33E-01	0.11	5.81E-01
PLA2G4C	-0.25	2.04E-01	-0.11	5.81E-01
PPP6R1	0.13	5.04E-01	0.11	5.81E-01
RN7SL452P	-0.05	7.83E-01	-0.11	5.81E-01
RP11-116O18.3	0.20	3.11E-01	-0.11	5.81E-01
RP11-144O23.22	-0.01	9.49E-01	-0.11	5.81E-01
RP11-355O1.7	-0.19	3.33E-01	-0.11	5.81E-01
RP11-85I21.1	0.02	9.15E-01	0.11	5.81E-01
RP13-104F24.2	0.04	8.45E-01	-0.11	5.81E-01
RP4-740C4.5	0.09	6.40E-01	0.11	5.81E-01
RPL3P6	0.31	1.09E-01	0.11	5.81E-01
RPS3AP44	-0.29	1.32E-01	-0.11	5.81E-01
SYS1	-0.04	8.29E-01	0.11	5.81E-01
TCEB3	0.29	1.37E-01	-0.11	5.81E-01
TCF12	-0.13	5.19E-01	-0.11	5.81E-01
TMCC3	-0.02	9.11E-01	0.11	5.81E-01
TMEM246	0.28	1.53E-01	-0.11	5.81E-01
TNNI3	-0.01	9.75E-01	-0.11	5.81E-01
TRPC6	0.02	9.15E-01	-0.11	5.81E-01
ZBTB44	0.07	7.27E-01	-0.11	5.81E-01
AC015815.6	-0.09	6.59E-01	0.11	5.82E-01
ADRM1	0.22	2.62E-01	0.11	5.82E-01
CHERP	0.23	2.45E-01	0.11	5.82E-01
CTD-2256P15.1	0.13	5.19E-01	-0.11	5.82E-01
CTD-2262B20.1	-0.27	1.66E-01	-0.11	5.82E-01
FAM198B	-0.09	6.43E-01	0.11	5.82E-01
G36482	-0.11	5.69E-01	-0.11	5.82E-01
GFPT2	0.19	3.42E-01	0.11	5.82E-01
ISL1	-0.10	6.19E-01	0.11	5.82E-01
KRT28	-0.14	4.72E-01	0.11	5.82E-01
MMP21	0.25	1.98E-01	-0.11	5.82E-01
POU2F1	0.23	2.38E-01	-0.11	5.82E-01
RP1-164F3.8	0.04	8.26E-01	-0.11	5.82E-01
RP11-114F3.5	0.03	8.85E-01	-0.11	5.82E-01
RP11-291L19.1	-0.15	4.34E-01	-0.11	5.82E-01
RP11-710E1.2	-0.20	3.15E-01	-0.11	5.82E-01
RP11-94C24.8	0.20	3.09E-01	0.11	5.82E-01
RP13-131K19.6	-0.49	7.60E-03	-0.11	5.82E-01

RPL22L1	0.21	2.78E-01	-0.11	5.82E-01
SERTM1	-0.09	6.37E-01	-0.11	5.82E-01
SMYD3-IT1	0.17	3.73E-01	0.11	5.82E-01
SNORA4	-0.09	6.55E-01	-0.11	5.82E-01
TEK	-0.19	3.38E-01	-0.11	5.82E-01
WDFY1	0.21	2.83E-01	-0.11	5.82E-01
XLOC_006932	0.13	5.18E-01	0.11	5.82E-01
ZFYVE9	0.12	5.45E-01	-0.11	5.82E-01
AC009303.1	-0.17	3.92E-01	-0.11	5.83E-01
ACADVL	0.17	3.76E-01	0.11	5.83E-01
BRWD1	-0.02	9.20E-01	-0.11	5.83E-01
CMTM1	0.05	7.98E-01	0.11	5.83E-01
COA3	0.15	4.35E-01	0.11	5.83E-01
EPC2	-0.10	6.17E-01	0.11	5.83E-01
FARSA-AS1	-0.13	5.10E-01	0.11	5.83E-01
GCHFR	0.00	9.93E-01	0.11	5.83E-01
IPO7	0.05	8.07E-01	-0.11	5.83E-01
ITGB1BP2	-0.28	1.43E-01	-0.11	5.83E-01
KLRG2	-0.13	4.98E-01	-0.11	5.83E-01
MTND1P11	-0.01	9.54E-01	-0.11	5.83E-01
NMRK1	-0.09	6.42E-01	0.11	5.83E-01
PALM2	0.14	4.90E-01	-0.11	5.83E-01
PDGFRA	-0.16	4.16E-01	-0.11	5.83E-01
REEP1	0.07	7.19E-01	0.11	5.83E-01
RP11-135J2.3	0.19	3.23E-01	-0.11	5.83E-01
RP4-714D9.4	-0.01	9.63E-01	-0.11	5.83E-01
RPL31P7	0.06	7.75E-01	-0.11	5.83E-01
SMU1	0.19	3.23E-01	-0.11	5.83E-01
XLOC_005254	-0.03	8.71E-01	-0.11	5.83E-01
XLOC_007617	0.02	9.16E-01	-0.11	5.83E-01
AF001548.5	0.23	2.32E-01	0.11	5.84E-01
G39784	0.30	1.18E-01	0.11	5.84E-01
GDNF	0.05	7.83E-01	0.11	5.84E-01
GRPEL2-AS1	0.06	7.63E-01	0.11	5.84E-01
HRASLS5	-0.21	2.77E-01	0.11	5.84E-01
ISY1	0.19	3.24E-01	0.11	5.84E-01
LA16c-429E7.1	0.04	8.46E-01	0.11	5.84E-01
MIR645	-0.07	7.41E-01	0.11	5.84E-01
NIPAL3	0.20	3.15E-01	0.11	5.84E-01
RBMX2P3	-0.09	6.67E-01	0.11	5.84E-01
RP11-15A1.9	-0.06	7.66E-01	0.11	5.84E-01
RP11-512N4.2	-0.03	8.77E-01	0.11	5.84E-01
RP11-540O11.4	0.07	7.39E-01	0.11	5.84E-01
RP5-1039K5.12	0.16	4.11E-01	0.11	5.84E-01
RPS27P16	-0.25	1.92E-01	0.11	5.84E-01
CPEB2	-0.05	8.16E-01	-0.11	5.84E-01
IFNLR1	0.14	4.73E-01	-0.11	5.84E-01

LA16c-OS12.2	0.00	9.80E-01	-0.11	5.84E-01
MARK2P17	0.06	7.62E-01	-0.11	5.84E-01
PCDHGC4	0.05	8.12E-01	-0.11	5.84E-01
PQLC2L	-0.60	8.17E-04	-0.11	5.84E-01
RNU7-109P	0.10	6.11E-01	-0.11	5.84E-01
RP11-165N19.2	-0.10	6.02E-01	-0.11	5.84E-01
RP11-2H8.4	-0.01	9.79E-01	-0.11	5.84E-01
RP11-648L3.2	-0.31	1.07E-01	-0.11	5.84E-01
SNAP25	0.09	6.66E-01	-0.11	5.84E-01
ADRBK1	0.25	1.93E-01	0.11	5.85E-01
ATG14	-0.26	1.80E-01	-0.11	5.85E-01
BTBD10P2	0.17	3.75E-01	-0.11	5.85E-01
BTLA	0.08	6.86E-01	0.11	5.85E-01
C1QBP	0.06	7.53E-01	-0.11	5.85E-01
CASC2	-0.06	7.55E-01	-0.11	5.85E-01
CD300LF	0.03	8.83E-01	-0.11	5.85E-01
CDKN2B-AS1	-0.24	2.20E-01	0.11	5.85E-01
CPA3	0.13	5.15E-01	0.11	5.85E-01
CPSF4L	-0.23	2.29E-01	-0.11	5.85E-01
CTC-529P8.1	-0.04	8.54E-01	-0.11	5.85E-01
DNMT3A	-0.02	9.23E-01	0.11	5.85E-01
EIF2AK1	0.00	9.87E-01	0.11	5.85E-01
EXOSC4	0.10	6.20E-01	0.11	5.85E-01
FAT4	-0.27	1.67E-01	0.11	5.85E-01
G38514	0.16	4.19E-01	-0.11	5.85E-01
HSF2BP	0.19	3.29E-01	-0.11	5.85E-01
HTR4	-0.03	8.63E-01	0.11	5.85E-01
KATNB1	0.27	1.70E-01	0.11	5.85E-01
KCNK1	-0.10	6.13E-01	-0.11	5.85E-01
KLHL6	0.39	4.04E-02	0.11	5.85E-01
LINC00472	-0.03	8.80E-01	-0.11	5.85E-01
LINC00887	-0.18	3.57E-01	0.11	5.85E-01
LMTK2	0.16	4.13E-01	0.11	5.85E-01
MBD3	0.19	3.29E-01	0.11	5.85E-01
MCF2L2	-0.10	6.18E-01	-0.11	5.85E-01
PTPN12	-0.02	9.39E-01	-0.11	5.85E-01
RNU6-583P	0.08	7.03E-01	-0.11	5.85E-01
RP11-435O5.7	-0.13	4.96E-01	0.11	5.85E-01
RP11-588H23.3	-0.10	6.07E-01	-0.11	5.85E-01
RP11-775J23.2	-0.01	9.58E-01	0.11	5.85E-01
RP11-7M10.2	0.24	2.19E-01	0.11	5.85E-01
RPUSD4	-0.06	7.43E-01	0.11	5.85E-01
ABHD17A	0.11	5.60E-01	0.11	5.86E-01
ANKZF1	-0.14	4.73E-01	0.11	5.86E-01
ARHGAP31	-0.06	7.52E-01	0.11	5.86E-01
ATRAID	-0.02	9.26E-01	0.11	5.86E-01
GADL1	-0.05	7.89E-01	0.11	5.86E-01

<b>GATA2-AS1</b>	0.30	1.25E-01	0.11	5.86E-01
<b>HMGN1P7</b>	-0.35	6.77E-02	0.11	5.86E-01
<b>HNRNPA1P59</b>	-0.14	4.77E-01	0.11	5.86E-01
<b>HOXC11</b>	0.07	7.10E-01	0.11	5.86E-01
<b>LY9</b>	0.25	2.00E-01	0.11	5.86E-01
<b>MREG</b>	0.16	4.22E-01	0.11	5.86E-01
<b>NFX1</b>	-0.01	9.58E-01	0.11	5.86E-01
<b>RNU6-883P</b>	0.11	5.71E-01	0.11	5.86E-01
<b>RP11-620J15.1</b>	-0.15	4.39E-01	0.11	5.86E-01
<b>UBLCP1</b>	0.37	5.40E-02	0.11	5.86E-01
<b>ZNF337-AS1</b>	-0.03	8.98E-01	0.11	5.86E-01
<b>ANKRD22</b>	0.25	2.07E-01	-0.11	5.86E-01
<b>C9orf24</b>	-0.29	1.37E-01	-0.11	5.86E-01
<b>CHKB</b>	-0.13	5.03E-01	-0.11	5.86E-01
<b>FLJ12825</b>	0.08	7.03E-01	-0.11	5.86E-01
<b>G19302</b>	-0.02	9.29E-01	-0.11	5.86E-01
<b>GALC</b>	0.20	3.00E-01	-0.11	5.86E-01
<b>GGA3</b>	-0.06	7.45E-01	-0.11	5.86E-01
<b>KCTD13</b>	0.16	4.16E-01	-0.11	5.86E-01
<b>LIME1</b>	0.09	6.48E-01	-0.11	5.86E-01
<b>LINC00470</b>	-0.14	4.65E-01	-0.11	5.86E-01
<b>PLPPR3</b>	-0.08	6.74E-01	-0.11	5.86E-01
<b>RAD23B</b>	-0.02	9.38E-01	-0.11	5.86E-01
<b>RNU6-588P</b>	0.03	8.88E-01	-0.11	5.86E-01
<b>RP11-45A16.4</b>	-0.11	5.68E-01	-0.11	5.86E-01
<b>RP11-572P18.1</b>	0.20	3.10E-01	-0.11	5.86E-01
<b>SLC25A33</b>	0.21	2.76E-01	-0.11	5.86E-01
<b>SLFNL1-AS1</b>	0.03	8.93E-01	-0.11	5.86E-01
<b>TAPT1</b>	0.00	9.80E-01	-0.11	5.86E-01
<b>TRPC2</b>	-0.09	6.49E-01	-0.11	5.86E-01
<b>XLOC_006311</b>	-0.02	9.27E-01	-0.11	5.86E-01
<b>ABO</b>	-0.59	8.40E-04	0.11	5.87E-01
<b>AC007773.2</b>	0.42	2.45E-02	0.11	5.87E-01
<b>AC009518.8</b>	-0.24	2.20E-01	0.11	5.87E-01
<b>AC092687.3</b>	0.10	6.30E-01	-0.11	5.87E-01
<b>ANXA8</b>	0.13	5.09E-01	-0.11	5.87E-01
<b>AP001925.1</b>	-0.13	5.11E-01	0.11	5.87E-01
<b>CAMP</b>	0.11	5.82E-01	0.11	5.87E-01
<b>CMIP</b>	0.19	3.33E-01	0.11	5.87E-01
<b>DMC1</b>	-0.25	1.92E-01	0.11	5.87E-01
<b>ELK3</b>	0.26	1.82E-01	0.11	5.87E-01
<b>ENO1</b>	0.00	9.96E-01	0.11	5.87E-01
<b>ERC1</b>	-0.26	1.89E-01	0.11	5.87E-01
<b>GS1-57L11.1</b>	0.07	7.25E-01	-0.11	5.87E-01
<b>LA16c-329F2.1</b>	-0.17	3.96E-01	0.11	5.87E-01
<b>MYB-AS1</b>	-0.24	2.14E-01	-0.11	5.87E-01
<b>MYOZ3</b>	0.14	4.79E-01	0.11	5.87E-01

NDUFA1	0.15	4.47E-01	0.11	5.87E-01
NME5	-0.13	4.97E-01	-0.11	5.87E-01
OPTC	-0.03	8.92E-01	-0.11	5.87E-01
OR52W1	-0.16	4.18E-01	0.11	5.87E-01
PDS5A	0.11	5.70E-01	-0.11	5.87E-01
PPP1R2	0.29	1.28E-01	0.11	5.87E-01
PRDX4	0.18	3.63E-01	-0.11	5.87E-01
PRKDC	-0.05	8.13E-01	-0.11	5.87E-01
PTCHD3	0.21	2.89E-01	0.11	5.87E-01
RP11-388K2.1	-0.02	9.31E-01	0.11	5.87E-01
RP11-93I21.3	-0.21	2.88E-01	-0.11	5.87E-01
SIRPG-AS1	-0.36	6.24E-02	0.11	5.87E-01
SMN1	0.19	3.30E-01	-0.11	5.87E-01
TMEM158	0.23	2.33E-01	-0.11	5.87E-01
TMEM238	0.02	9.21E-01	0.11	5.87E-01
VPS13B	-0.18	3.66E-01	-0.11	5.87E-01
ZBTB34	-0.26	1.75E-01	0.11	5.87E-01
ZMIZ1-AS1	0.04	8.53E-01	-0.11	5.87E-01
ZNF689	0.10	6.31E-01	-0.11	5.87E-01
A2ML1-AS1	0.30	1.26E-01	0.11	5.88E-01
ABCA17P	0.36	5.64E-02	0.11	5.88E-01
AC005562.1	0.25	1.93E-01	-0.11	5.88E-01
AC009005.2	-0.09	6.65E-01	0.11	5.88E-01
ADPGK	0.00	9.82E-01	-0.11	5.88E-01
C2orf70	-0.07	7.24E-01	-0.11	5.88E-01
CCNA1	-0.04	8.50E-01	-0.11	5.88E-01
COX6A1	0.11	5.80E-01	0.11	5.88E-01
DNAJC1	-0.13	5.21E-01	-0.11	5.88E-01
EAPP	0.16	4.16E-01	0.11	5.88E-01
FAM133DP	-0.30	1.22E-01	-0.11	5.88E-01
GPR18	0.13	5.15E-01	-0.11	5.88E-01
HEPH	-0.18	3.69E-01	-0.11	5.88E-01
INTS2	0.22	2.63E-01	-0.11	5.88E-01
LRP4-AS1	-0.15	4.49E-01	0.11	5.88E-01
MIR3973	-0.21	2.89E-01	-0.11	5.88E-01
NHEG1	-0.06	7.70E-01	-0.11	5.88E-01
RNU6-531P	0.12	5.55E-01	-0.11	5.88E-01
RNU6-960P	0.18	3.69E-01	-0.11	5.88E-01
RP11-159N11.4	-0.04	8.57E-01	-0.11	5.88E-01
RP11-873E20.1	0.04	8.50E-01	0.11	5.88E-01
RP11-890B15.3	-0.08	6.72E-01	-0.11	5.88E-01
SERINC1	-0.13	5.00E-01	-0.11	5.88E-01
SLC5A1	0.00	9.96E-01	0.11	5.88E-01
SNHG19	0.07	7.09E-01	0.11	5.88E-01
G3L5P-PVRIG2P-P	0.02	9.39E-01	0.11	5.88E-01
STAP1	0.21	2.87E-01	0.11	5.88E-01
TBX1	0.06	7.59E-01	-0.11	5.88E-01

TRA2A	-0.11	5.69E-01	0.11	5.88E-01
TSPAN7	-0.06	7.64E-01	-0.11	5.88E-01
XLOC_003397	-0.08	7.02E-01	-0.11	5.88E-01
ZPLD1	0.15	4.55E-01	0.11	5.88E-01
AC090427.1	0.07	7.30E-01	-0.11	5.89E-01
AC092484.1	-0.04	8.29E-01	-0.11	5.89E-01
ACTR3BP4	0.00	9.98E-01	0.11	5.89E-01
ATXN7L3B	0.10	6.31E-01	-0.11	5.89E-01
CAMTA2	0.00	9.88E-01	0.11	5.89E-01
CTD-2231E14.5	-0.41	2.98E-02	0.11	5.89E-01
CTSF	-0.24	2.11E-01	-0.11	5.89E-01
CYP2R1	-0.06	7.63E-01	-0.11	5.89E-01
GAPDHP1	0.20	3.04E-01	0.11	5.89E-01
GLRA1	-0.10	6.14E-01	-0.11	5.89E-01
GPD2	-0.23	2.32E-01	-0.11	5.89E-01
HMG2P38	0.03	8.82E-01	0.11	5.89E-01
HSPA9	0.16	4.13E-01	-0.11	5.89E-01
INVS	-0.18	3.71E-01	0.11	5.89E-01
KLRB1	0.29	1.39E-01	-0.11	5.89E-01
LINC01004	0.06	7.61E-01	-0.11	5.89E-01
PCDHA6	-0.13	5.09E-01	-0.11	5.89E-01
PCNPP1	0.16	4.04E-01	0.11	5.89E-01
PCOLCE-AS1	-0.17	3.78E-01	0.11	5.89E-01
PTGES	0.07	7.32E-01	0.11	5.89E-01
RP1-124C6.1	0.01	9.47E-01	-0.11	5.89E-01
RP11-44F14.10	0.01	9.78E-01	-0.11	5.89E-01
RP11-47L3.1	-0.18	3.58E-01	0.11	5.89E-01
RP11-539I5.1	-0.23	2.43E-01	0.11	5.89E-01
RP11-815J4.6	-0.04	8.57E-01	0.11	5.89E-01
TPST1	0.20	3.14E-01	0.11	5.89E-01
ZNF541	-0.06	7.60E-01	0.11	5.89E-01
AC069513.4	0.07	7.37E-01	0.11	5.90E-01
CERS1	-0.24	2.15E-01	0.11	5.90E-01
EEF1A1P25	-0.23	2.32E-01	0.11	5.90E-01
FLJ16779	0.05	7.96E-01	0.11	5.90E-01
G36840	-0.05	7.89E-01	0.11	5.90E-01
GADD45GIP1	0.09	6.44E-01	0.11	5.90E-01
HOXB-AS3	0.05	7.87E-01	0.11	5.90E-01
KRTAP3-3	-0.09	6.49E-01	0.11	5.90E-01
LYZ	0.22	2.57E-01	0.11	5.90E-01
NPIP3	-0.28	1.56E-01	0.11	5.90E-01
RP11-1348G14.1	-0.19	3.44E-01	0.11	5.90E-01
RP11-141M1.3	-0.01	9.45E-01	0.11	5.90E-01
RP11-380I10.2	-0.12	5.42E-01	0.11	5.90E-01
RP11-6N17.3	-0.31	1.10E-01	0.11	5.90E-01
RPS10P14	-0.42	2.47E-02	0.11	5.90E-01
RPS16	0.07	7.09E-01	0.11	5.90E-01



<b>SSUH2</b>	-0.03	8.87E-01	0.11	5.90E-01
<b>AC010967.2</b>	-0.23	2.39E-01	-0.11	5.90E-01
<b>AC073052.1</b>	0.03	8.64E-01	-0.11	5.90E-01
<b>B3GALT6</b>	0.23	2.40E-01	-0.11	5.90E-01
<b>C1orf131</b>	0.22	2.60E-01	-0.11	5.90E-01
<b>C2orf66</b>	-0.14	4.65E-01	-0.11	5.90E-01
<b>CC2D2B</b>	-0.25	2.06E-01	-0.11	5.90E-01
<b>EFNB3</b>	0.27	1.73E-01	-0.11	5.90E-01
<b>EPHB1</b>	0.12	5.51E-01	-0.11	5.90E-01
<b>EXTL3-AS1</b>	0.11	5.85E-01	-0.11	5.90E-01
<b>G40027</b>	-0.02	9.05E-01	-0.11	5.90E-01
<b>GGPS1</b>	0.01	9.50E-01	-0.11	5.90E-01
<b>KLF2</b>	-0.40	3.73E-02	-0.11	5.90E-01
<b>LRRC27</b>	0.13	5.23E-01	-0.11	5.90E-01
<b>PCDHB3</b>	0.10	5.95E-01	-0.11	5.90E-01
<b>RP11-187C18.3</b>	0.02	9.39E-01	-0.11	5.90E-01
<b>RP11-298D21.3</b>	0.02	9.33E-01	-0.11	5.90E-01
<b>RP11-6J24.3</b>	0.22	2.59E-01	-0.11	5.90E-01
<b>RP4-681L3.2</b>	0.33	8.18E-02	-0.11	5.90E-01
<b>SLC5A11</b>	-0.01	9.74E-01	-0.11	5.90E-01
<b>SNORD103B</b>	-0.10	6.29E-01	-0.11	5.90E-01
<b>SOX9</b>	0.24	2.11E-01	-0.11	5.90E-01
<b>STK17A</b>	0.15	4.37E-01	-0.11	5.90E-01
<b>TRAJ20</b>	0.05	8.12E-01	-0.11	5.90E-01
<b>VWA3A</b>	-0.15	4.51E-01	-0.11	5.90E-01
<b>AC064852.4</b>	-0.08	6.98E-01	0.11	5.91E-01
<b>AC093690.1</b>	0.21	2.83E-01	0.11	5.91E-01
<b>CDC42SE2</b>	0.21	2.77E-01	0.11	5.91E-01
<b>CRTAP</b>	-0.09	6.66E-01	0.11	5.91E-01
<b>EXOC2</b>	0.10	6.03E-01	0.11	5.91E-01
<b>HMBOX1-IT1</b>	-0.25	1.94E-01	0.11	5.91E-01
<b>HMG2P46</b>	-0.28	1.48E-01	0.11	5.91E-01
<b>HNRNPUL2</b>	-0.04	8.25E-01	0.11	5.91E-01
<b>IFT22</b>	-0.09	6.66E-01	0.11	5.91E-01
<b>KCNK5</b>	0.26	1.74E-01	0.11	5.91E-01
<b>RASSF2</b>	0.28	1.45E-01	0.11	5.91E-01
<b>RBM41</b>	0.02	9.36E-01	0.11	5.91E-01
<b>RN7SL788P</b>	-0.13	5.11E-01	0.11	5.91E-01
<b>RP11-30J20.1</b>	0.19	3.43E-01	0.11	5.91E-01
<b>RP11-326I19.2</b>	0.11	5.78E-01	0.11	5.91E-01
<b>RP11-575A19.2</b>	0.18	3.66E-01	0.11	5.91E-01
<b>AC011247.3</b>	-0.11	5.72E-01	-0.11	5.91E-01
<b>AP001462.6</b>	-0.15	4.56E-01	-0.11	5.91E-01
<b>ARHGEF9</b>	0.25	2.02E-01	-0.11	5.91E-01
<b>ARL4AP1</b>	0.11	5.85E-01	-0.11	5.91E-01
<b>CHRNA1</b>	0.14	4.92E-01	-0.11	5.91E-01
<b>CRTC3</b>	0.03	8.85E-01	-0.11	5.91E-01

HMG2	0.04	8.41E-01	-0.11	5.91E-01
LDB2	-0.05	8.19E-01	-0.11	5.91E-01
LINC00113	0.24	2.26E-01	-0.11	5.91E-01
PAFAH1B2	0.15	4.56E-01	-0.11	5.91E-01
PAICS	0.06	7.59E-01	-0.11	5.91E-01
RP11-1074O12.1	-0.13	4.98E-01	-0.11	5.91E-01
RP11-17G12.2	0.16	4.16E-01	-0.11	5.91E-01
RP11-264B17.2	-0.06	7.71E-01	-0.11	5.91E-01
RP11-493P1.2	0.14	4.78E-01	-0.11	5.91E-01
RP11-68I3.4	-0.13	5.18E-01	-0.11	5.91E-01
RP4-583P15.16	0.21	2.82E-01	-0.11	5.91E-01
SEMA3E	-0.11	5.66E-01	-0.11	5.91E-01
SIAH3	-0.50	6.34E-03	-0.11	5.91E-01
TRIM72	0.00	9.94E-01	-0.11	5.91E-01
VIM	-0.24	2.17E-01	-0.11	5.91E-01
ZNF174	0.14	4.77E-01	-0.11	5.91E-01
AC090571.1	-0.32	1.01E-01	0.11	5.92E-01
AC093166.4	-0.32	9.42E-02	-0.11	5.92E-01
AC104438.1	-0.15	4.60E-01	0.11	5.92E-01
ALYREF	-0.03	8.86E-01	-0.11	5.92E-01
AP000356.1	0.18	3.59E-01	-0.11	5.92E-01
ASCL4	0.00	9.82E-01	-0.11	5.92E-01
C10orf25	0.22	2.62E-01	0.11	5.92E-01
CAP2	-0.10	6.30E-01	0.11	5.92E-01
DLG4	-0.17	3.76E-01	0.11	5.92E-01
EEF1A1P6	-0.20	3.05E-01	0.11	5.92E-01
EFEMP1	-0.20	3.05E-01	-0.11	5.92E-01
FAM178B	-0.23	2.34E-01	-0.11	5.92E-01
FRMD6	0.14	4.75E-01	0.11	5.92E-01
GABRE	0.08	6.73E-01	-0.11	5.92E-01
HSPA8P3	-0.05	8.03E-01	0.11	5.92E-01
LCE1C	0.01	9.55E-01	0.11	5.92E-01
MAMDC2	-0.39	4.00E-02	0.11	5.92E-01
MED12	-0.18	3.47E-01	0.11	5.92E-01
MGA	0.03	8.98E-01	0.11	5.92E-01
MIR3142HG	0.37	5.08E-02	0.11	5.92E-01
PRRT2	-0.03	8.92E-01	0.11	5.92E-01
RP11-251G23.2	-0.06	7.67E-01	0.11	5.92E-01
RP11-395I14.2	-0.20	3.02E-01	0.11	5.92E-01
RP11-96C23.10	-0.05	7.94E-01	0.11	5.92E-01
RP3-509L4.3	-0.12	5.50E-01	-0.11	5.92E-01
RPE	-0.03	8.70E-01	-0.11	5.92E-01
RPL13A	0.21	2.75E-01	0.11	5.92E-01
RPL13AP20	0.07	7.32E-01	0.11	5.92E-01
RPL23AP35	-0.11	5.60E-01	0.11	5.92E-01
SATB1-AS1	0.38	4.85E-02	0.11	5.92E-01
SMG8	0.17	4.01E-01	-0.11	5.92E-01

<b>SOGA1</b>	-0.04	8.45E-01	0.11	5.92E-01
<b>SPSB1</b>	-0.18	3.54E-01	0.11	5.92E-01
<b>TAS2R63P</b>	-0.07	7.31E-01	-0.11	5.92E-01
<b>WDR19</b>	-0.29	1.32E-01	-0.11	5.92E-01
<b>ZNF112</b>	-0.07	7.12E-01	-0.11	5.92E-01
<b>ZNF398</b>	0.16	4.05E-01	0.11	5.92E-01
<b>ADAMTS13</b>	0.17	3.90E-01	0.11	5.93E-01
<b>CASC4</b>	-0.03	8.91E-01	0.11	5.93E-01
<b>CDC20</b>	0.08	6.81E-01	0.11	5.93E-01
<b>CTB-50L17.14</b>	0.24	2.11E-01	0.11	5.93E-01
<b>DDRGK1</b>	0.10	6.20E-01	0.11	5.93E-01
<b>GNA15</b>	0.30	1.19E-01	0.11	5.93E-01
<b>LINC01137</b>	0.09	6.53E-01	0.11	5.93E-01
<b>OSCP1</b>	-0.23	2.46E-01	0.11	5.93E-01
<b>PHLDB2</b>	0.04	8.56E-01	0.11	5.93E-01
<b>PINX1</b>	0.28	1.42E-01	0.11	5.93E-01
<b>PREP</b>	0.27	1.65E-01	0.11	5.93E-01
<b>RP1-101K10.6</b>	-0.16	4.24E-01	0.11	5.93E-01
<b>SLC2A1-AS1</b>	0.14	4.79E-01	0.11	5.93E-01
<b>TIMM8AP1</b>	-0.33	8.59E-02	0.11	5.93E-01
<b>TRIM3</b>	-0.21	2.93E-01	0.11	5.93E-01
<b>ZFAND2A</b>	-0.22	2.66E-01	0.11	5.93E-01
<b>AC007271.3</b>	-0.06	7.46E-01	-0.11	5.93E-01
<b>CCNB2P1</b>	-0.18	3.57E-01	-0.11	5.93E-01
<b>CNOT10</b>	-0.03	8.80E-01	-0.11	5.93E-01
<b>CPNE6</b>	0.36	5.64E-02	-0.11	5.93E-01
<b>CSMD1</b>	-0.13	5.09E-01	-0.11	5.93E-01
<b>GLT1D1</b>	0.32	1.01E-01	-0.11	5.93E-01
<b>IQGAP1</b>	-0.23	2.45E-01	-0.11	5.93E-01
<b>LRP1-AS</b>	0.06	7.67E-01	-0.11	5.93E-01
<b>MUC12</b>	-0.10	6.04E-01	-0.11	5.93E-01
<b>RNF139</b>	0.09	6.39E-01	-0.11	5.93E-01
<b>RP11-154H23.3</b>	-0.02	9.32E-01	-0.11	5.93E-01
<b>RP11-179A7.2</b>	-0.14	4.77E-01	-0.11	5.93E-01
<b>RP11-227D13.4</b>	0.15	4.50E-01	-0.11	5.93E-01
<b>RP11-25B7.1</b>	0.11	5.81E-01	-0.11	5.93E-01
<b>RP11-331F4.5</b>	0.09	6.36E-01	-0.11	5.93E-01
<b>RP11-596C23.2</b>	0.20	3.13E-01	-0.11	5.93E-01
<b>RP11-756P10.3</b>	0.23	2.35E-01	-0.11	5.93E-01
<b>SNRK-AS1</b>	0.08	6.93E-01	-0.11	5.93E-01
<b>TCTEX1D4</b>	-0.14	4.63E-01	-0.11	5.93E-01
<b>TM4SF1</b>	0.08	6.85E-01	-0.11	5.93E-01
<b>ACVR2B-AS1</b>	-0.14	4.80E-01	-0.11	5.95E-01
<b>AP001619.2</b>	0.13	4.93E-01	0.11	5.95E-01
<b>ATP5L2</b>	-0.09	6.59E-01	-0.11	5.95E-01
<b>AZIN2</b>	0.20	3.02E-01	0.11	5.95E-01
<b>BBS10</b>	-0.05	8.17E-01	0.11	5.95E-01

<b>CTC-277H1.7</b>	-0.17	4.00E-01	-0.11	5.95E-01
<b>DEK</b>	-0.02	9.27E-01	-0.11	5.95E-01
<b>G19311</b>	-0.35	6.91E-02	0.11	5.95E-01
<b>HIST1H2BH</b>	0.03	8.83E-01	0.11	5.95E-01
<b>IL17B</b>	0.17	3.93E-01	-0.11	5.95E-01
<b>MEGF9</b>	-0.11	5.71E-01	-0.11	5.95E-01
<b>MTND5P1</b>	-0.28	1.42E-01	-0.11	5.95E-01
<b>MVB12A</b>	0.19	3.21E-01	0.11	5.95E-01
<b>NDUFA3P1</b>	-0.11	5.76E-01	0.11	5.95E-01
<b>NR6A1</b>	-0.12	5.45E-01	-0.11	5.95E-01
<b>OIT3</b>	0.05	8.16E-01	0.11	5.95E-01
<b>POU4F1</b>	-0.01	9.65E-01	0.11	5.95E-01
<b>PTAFR</b>	0.21	2.91E-01	0.11	5.95E-01
<b>RASL12</b>	0.11	5.88E-01	0.11	5.95E-01
<b>RNU2-69P</b>	-0.03	8.88E-01	0.11	5.95E-01
<b>RP11-141O11.2</b>	-0.18	3.57E-01	-0.11	5.95E-01
<b>RP11-195C7.3</b>	0.12	5.37E-01	-0.11	5.95E-01
<b>RP11-211N8.6</b>	-0.20	2.97E-01	-0.11	5.95E-01
<b>RP11-661A12.12</b>	-0.03	8.82E-01	0.11	5.95E-01
<b>RP11-678G15.1</b>	-0.06	7.44E-01	-0.11	5.95E-01
<b>RP13-487P22.1</b>	0.06	7.55E-01	-0.11	5.95E-01
<b>RPS15AP36</b>	0.19	3.45E-01	-0.11	5.95E-01
<b>TBC1D15</b>	-0.27	1.59E-01	-0.11	5.95E-01
<b>TPTE2P3</b>	-0.03	8.76E-01	-0.11	5.95E-01
<b>YIF1B</b>	0.11	5.76E-01	0.11	5.95E-01
<b>AC079630.4</b>	0.10	6.15E-01	-0.11	5.96E-01
<b>AC092291.2</b>	-0.06	7.60E-01	-0.11	5.96E-01
<b>AC144449.1</b>	-0.07	7.23E-01	0.11	5.96E-01
<b>AL163193.1</b>	-0.37	5.12E-02	0.11	5.96E-01
<b>C9orf38</b>	-0.13	5.23E-01	-0.11	5.96E-01
<b>CCNL2P1</b>	-0.19	3.36E-01	-0.11	5.96E-01
<b>CTD-2302E22.5</b>	0.13	4.99E-01	-0.11	5.96E-01
<b>DNPH1</b>	0.02	9.05E-01	0.11	5.96E-01
<b>ETF1P1</b>	-0.24	2.13E-01	-0.11	5.96E-01
<b>FAIM</b>	0.15	4.39E-01	-0.11	5.96E-01
<b>GHET1</b>	-0.01	9.68E-01	-0.11	5.96E-01
<b>GPT</b>	-0.18	3.61E-01	-0.11	5.96E-01
<b>HBA2</b>	0.01	9.79E-01	-0.11	5.96E-01
<b>HIST1H4B</b>	-0.14	4.72E-01	0.11	5.96E-01
<b>HOXA-AS3</b>	-0.09	6.62E-01	0.11	5.96E-01
<b>HSPD1P1</b>	0.08	7.01E-01	-0.11	5.96E-01
<b>LA16c-361A3.3</b>	0.03	8.83E-01	-0.11	5.96E-01
<b>MATN1</b>	0.04	8.27E-01	0.11	5.96E-01
<b>MCM10</b>	0.08	6.85E-01	-0.11	5.96E-01
<b>MIR4737</b>	-0.34	7.51E-02	-0.11	5.96E-01
<b>PARN</b>	-0.08	6.74E-01	0.11	5.96E-01
<b>PRPF4</b>	-0.01	9.50E-01	-0.11	5.96E-01

<b>RN7SL600P</b>	-0.49	8.24E-03	-0.11	5.96E-01
<b>RNU6-1142P</b>	0.21	2.95E-01	-0.11	5.96E-01
<b>RP11-135N5.3</b>	-0.11	5.71E-01	-0.11	5.96E-01
<b>RP11-314C9.1</b>	-0.14	4.90E-01	0.11	5.96E-01
<b>RP11-39E3.4</b>	-0.11	5.93E-01	0.11	5.96E-01
<b>RP11-74C1.4</b>	-0.38	4.92E-02	-0.11	5.96E-01
<b>RP11-950C14.7</b>	0.09	6.66E-01	-0.11	5.96E-01
<b>RPL12P13</b>	-0.14	4.75E-01	-0.11	5.96E-01
<b>RPSAP16</b>	-0.04	8.45E-01	0.11	5.96E-01
<b>SETP10</b>	0.12	5.40E-01	0.11	5.96E-01
<b>ST13P11</b>	-0.12	5.31E-01	0.11	5.96E-01
<b>TRMT10C</b>	0.15	4.50E-01	-0.11	5.96E-01
<b>UNC119B</b>	0.19	3.20E-01	0.11	5.96E-01
<b>UPF3BP3</b>	0.03	8.78E-01	-0.11	5.96E-01
<b>ZACN</b>	-0.16	4.27E-01	-0.11	5.96E-01
<b>ZNF322</b>	0.05	7.97E-01	-0.11	5.96E-01
<b>ACOT1</b>	0.33	8.59E-02	-0.11	5.97E-01
<b>CTRC</b>	-0.18	3.72E-01	-0.11	5.97E-01
<b>EPPK1</b>	-0.25	2.01E-01	-0.11	5.97E-01
<b>FAM204BP</b>	0.00	9.92E-01	-0.11	5.97E-01
<b>G3383</b>	-0.19	3.27E-01	-0.11	5.97E-01
<b>KIRREL-IT1</b>	0.03	8.70E-01	-0.11	5.97E-01
<b>LRP2</b>	-0.06	7.63E-01	-0.11	5.97E-01
<b>MRPS24</b>	-0.05	8.19E-01	-0.11	5.97E-01
<b>RNU6-644P</b>	0.06	7.58E-01	-0.11	5.97E-01
<b>RP11-296P7.4</b>	-0.13	5.19E-01	-0.11	5.97E-01
<b>RP11-553D4.2</b>	-0.10	6.19E-01	-0.11	5.97E-01
<b>RP11-798G7.8</b>	-0.14	4.85E-01	-0.11	5.97E-01
<b>RP11-87C12.2</b>	-0.26	1.85E-01	-0.11	5.97E-01
<b>RP11-902B17.1</b>	-0.38	4.73E-02	-0.11	5.97E-01
<b>SNORA57</b>	0.02	9.09E-01	-0.11	5.97E-01
<b>TACR2</b>	-0.29	1.37E-01	-0.11	5.97E-01
<b>A2ML1</b>	0.34	8.00E-02	0.11	5.97E-01
<b>AC073621.2</b>	0.28	1.52E-01	0.11	5.97E-01
<b>ARL2</b>	0.04	8.44E-01	0.11	5.97E-01
<b>BLOC1S1</b>	-0.04	8.51E-01	0.11	5.97E-01
<b>BLVRA</b>	-0.12	5.28E-01	0.11	5.97E-01
<b>COPG1</b>	0.04	8.39E-01	0.11	5.97E-01
<b>EIF5AP3</b>	-0.04	8.24E-01	0.11	5.97E-01
<b>FBXL4</b>	-0.10	6.17E-01	0.11	5.97E-01
<b>HAUS4</b>	0.26	1.73E-01	0.11	5.97E-01
<b>METTL7A</b>	0.25	2.04E-01	0.11	5.97E-01
<b>PPP1CB</b>	0.17	3.79E-01	0.11	5.97E-01
<b>PTPN23</b>	-0.25	1.93E-01	0.11	5.97E-01
<b>STMN2</b>	-0.18	3.65E-01	0.11	5.97E-01
<b>VN2R10P</b>	-0.19	3.43E-01	0.11	5.97E-01
<b>ABAT</b>	-0.05	7.84E-01	0.11	5.98E-01

<b>AC004951.5</b>	0.15	4.50E-01	0.11	5.98E-01
<b>C8orf31</b>	-0.17	3.82E-01	-0.11	5.98E-01
<b>CCNY</b>	-0.06	7.67E-01	-0.11	5.98E-01
<b>CTB-129O4.1</b>	-0.07	7.22E-01	0.11	5.98E-01
<b>DNASE2</b>	0.05	8.04E-01	0.11	5.98E-01
<b>ETNK1</b>	0.15	4.39E-01	-0.11	5.98E-01
<b>G28051</b>	0.14	4.71E-01	0.11	5.98E-01
<b>GS1-259H13.2</b>	-0.10	6.07E-01	-0.11	5.98E-01
<b>HBB</b>	0.02	9.27E-01	-0.11	5.98E-01
<b>LRRC37A7P</b>	-0.44	1.86E-02	-0.11	5.98E-01
<b>METTL1</b>	0.08	6.80E-01	0.11	5.98E-01
<b>MSH2</b>	-0.19	3.41E-01	-0.11	5.98E-01
<b>MYOM1</b>	-0.07	7.33E-01	0.11	5.98E-01
<b>PGM3</b>	-0.11	5.71E-01	-0.11	5.98E-01
<b>PPP1R2P3</b>	-0.20	3.06E-01	0.11	5.98E-01
<b>RP11-120J1.1</b>	0.02	9.14E-01	0.11	5.98E-01
<b>RP11-386I14.3</b>	-0.32	9.93E-02	-0.11	5.98E-01
<b>RP11-438L7.3</b>	0.02	9.32E-01	0.11	5.98E-01
<b>SRP54</b>	0.15	4.57E-01	-0.11	5.98E-01
<b>ST20-AS1</b>	-0.28	1.44E-01	0.11	5.98E-01
<b>WASH2P</b>	-0.32	9.81E-02	-0.11	5.98E-01
<b>ZBTB20-AS3</b>	0.06	7.79E-01	-0.11	5.98E-01
<b>ZNF335</b>	0.00	9.80E-01	0.11	5.98E-01
<b>AC011431.1</b>	-0.15	4.54E-01	0.11	5.99E-01
<b>ARPC3</b>	0.29	1.32E-01	0.11	5.99E-01
<b>ASB13</b>	0.26	1.89E-01	0.11	5.99E-01
<b>C17orf50</b>	-0.06	7.61E-01	0.11	5.99E-01
<b>ENTPD3-AS1</b>	0.27	1.63E-01	0.11	5.99E-01
<b>ETV4</b>	0.15	4.58E-01	0.11	5.99E-01
<b>FXNP2</b>	-0.28	1.48E-01	0.11	5.99E-01
<b>HPDL</b>	0.10	6.16E-01	0.11	5.99E-01
<b>LUZP1</b>	0.16	4.23E-01	0.11	5.99E-01
<b>MIEN1</b>	0.26	1.83E-01	0.11	5.99E-01
<b>NDUFB3</b>	0.04	8.32E-01	0.11	5.99E-01
<b>PHF19</b>	0.04	8.25E-01	0.11	5.99E-01
<b>PIK3CB</b>	0.00	9.88E-01	0.11	5.99E-01
<b>RPL7P23</b>	-0.10	6.25E-01	0.11	5.99E-01
<b>SIRPA</b>	0.20	3.01E-01	0.11	5.99E-01
<b>STUB1</b>	0.11	5.91E-01	0.11	5.99E-01
<b>TCEB2P4</b>	-0.03	8.95E-01	0.11	5.99E-01
<b>TIMP1</b>	-0.29	1.31E-01	0.11	5.99E-01
<b>TTC39A</b>	0.08	6.83E-01	0.11	5.99E-01
<b>WDR82P2</b>	-0.17	3.73E-01	0.11	5.99E-01
<b>AC016712.2</b>	0.13	5.15E-01	-0.11	5.99E-01
<b>ATP6V1B1</b>	-0.19	3.24E-01	-0.11	5.99E-01
<b>CLDND2</b>	-0.10	6.20E-01	-0.11	5.99E-01
<b>CTA-390C10.10</b>	-0.14	4.86E-01	-0.11	5.99E-01

<b>CTD-2349P21.10</b>	0.10	6.04E-01	-0.11	5.99E-01
<b>DTYMK</b>	0.06	7.46E-01	-0.11	5.99E-01
<b>EID2B</b>	-0.17	3.93E-01	-0.11	5.99E-01
<b>ERVH48-1</b>	-0.29	1.31E-01	-0.11	5.99E-01
<b>G23133</b>	-0.11	5.70E-01	-0.11	5.99E-01
<b>G41968</b>	-0.10	6.16E-01	-0.11	5.99E-01
<b>GSTT2</b>	-0.05	7.83E-01	-0.11	5.99E-01
<b>LINC01352</b>	0.13	5.21E-01	-0.11	5.99E-01
<b>MAPK8IP3</b>	-0.07	7.19E-01	-0.11	5.99E-01
<b>MRPL35P2</b>	-0.25	1.98E-01	-0.11	5.99E-01
<b>NAP1L4P1</b>	0.23	2.34E-01	-0.11	5.99E-01
<b>PPIAP22</b>	0.15	4.44E-01	-0.11	5.99E-01
<b>RN7SL653P</b>	0.38	4.36E-02	-0.11	5.99E-01
<b>RP11-875O11.1</b>	0.22	2.63E-01	-0.11	5.99E-01
<b>RPL7L1P3</b>	0.30	1.19E-01	-0.11	5.99E-01
<b>SEC22B</b>	0.18	3.55E-01	-0.11	5.99E-01
<b>SKI</b>	-0.26	1.83E-01	-0.11	5.99E-01
<b>TFP1</b>	-0.20	3.06E-01	-0.11	5.99E-01
<b>AC016629.3</b>	0.00	9.90E-01	-0.11	6.00E-01
<b>AC097658.1</b>	-0.18	3.52E-01	0.11	6.00E-01
<b>AGER</b>	-0.21	2.81E-01	-0.11	6.00E-01
<b>AL591479.1</b>	0.12	5.47E-01	0.11	6.00E-01
<b>APPBP2</b>	0.22	2.54E-01	0.11	6.00E-01
<b>ARIH1</b>	0.12	5.42E-01	-0.11	6.00E-01
<b>ARL8B</b>	0.10	6.17E-01	0.11	6.00E-01
<b>CCDC154</b>	-0.08	6.78E-01	-0.11	6.00E-01
<b>CLDN7</b>	0.38	4.73E-02	0.11	6.00E-01
<b>COLGALT2</b>	0.02	9.03E-01	0.11	6.00E-01
<b>CTC-303L1.2</b>	0.11	5.90E-01	-0.11	6.00E-01
<b>CTD-2370N5.3</b>	0.18	3.62E-01	0.11	6.00E-01
<b>EPHA7</b>	0.14	4.72E-01	0.11	6.00E-01
<b>EPRS</b>	0.15	4.44E-01	-0.11	6.00E-01
<b>FXVD7</b>	0.06	7.47E-01	0.11	6.00E-01
<b>G19262</b>	-0.01	9.76E-01	-0.11	6.00E-01
<b>G8321</b>	0.21	2.82E-01	0.11	6.00E-01
<b>HNRNPA1P54</b>	0.02	9.27E-01	-0.11	6.00E-01
<b>KCTD20</b>	-0.21	2.82E-01	-0.11	6.00E-01
<b>MCMBP</b>	0.13	5.01E-01	-0.11	6.00E-01
<b>MIR548U</b>	-0.19	3.20E-01	-0.11	6.00E-01
<b>MYADML</b>	-0.34	7.61E-02	0.11	6.00E-01
<b>PITRM1</b>	0.08	7.01E-01	0.11	6.00E-01
<b>RN7SKP40</b>	-0.20	3.05E-01	-0.11	6.00E-01
<b>RP11-307C19.1</b>	-0.17	3.81E-01	-0.11	6.00E-01
<b>RP11-46H11.12</b>	-0.01	9.45E-01	0.11	6.00E-01
<b>RP11-677M14.5</b>	-0.02	9.37E-01	-0.11	6.00E-01
<b>RP11-973D8.5</b>	0.11	5.78E-01	0.11	6.00E-01
<b>RP4-744I24.4</b>	0.01	9.50E-01	-0.11	6.00E-01

RP5-951N9.1	-0.07	7.25E-01	-0.11	6.00E-01
TMEM128	0.12	5.30E-01	-0.11	6.00E-01
AC106900.6	-0.28	1.53E-01	-0.11	6.01E-01
BIRC5	0.10	6.04E-01	0.11	6.01E-01
BMS1	0.16	4.06E-01	-0.11	6.01E-01
C15orf53	0.00	9.89E-01	0.11	6.01E-01
COA7	0.13	5.10E-01	-0.11	6.01E-01
CTD-237103.3	-0.12	5.54E-01	-0.11	6.01E-01
CTD-3018017.6	-0.19	3.34E-01	0.11	6.01E-01
FAM90A20P	-0.08	6.97E-01	-0.11	6.01E-01
G41381	0.32	9.30E-02	0.11	6.01E-01
GCC1	0.10	6.13E-01	0.11	6.01E-01
GLYATL1	0.22	2.59E-01	0.11	6.01E-01
HPGD	-0.09	6.49E-01	0.11	6.01E-01
KIAA0226L	0.08	7.01E-01	0.11	6.01E-01
LINC00989	-0.04	8.38E-01	0.11	6.01E-01
LINC01089	-0.08	6.76E-01	-0.11	6.01E-01
MBD2	-0.03	8.65E-01	-0.11	6.01E-01
MKL1	-0.10	6.30E-01	0.11	6.01E-01
NEU1	0.02	9.24E-01	0.11	6.01E-01
NPM1P19	0.09	6.48E-01	0.11	6.01E-01
PMS2P2	-0.05	7.99E-01	0.11	6.01E-01
RIBC1	0.15	4.32E-01	-0.11	6.01E-01
RIC8B	0.13	4.96E-01	-0.11	6.01E-01
RNY4P17	-0.25	2.03E-01	-0.11	6.01E-01
RP1-140K8.5	-0.04	8.23E-01	0.11	6.01E-01
RP11-454K7.3	-0.02	9.15E-01	-0.11	6.01E-01
RP11-46J23.1	-0.29	1.32E-01	0.11	6.01E-01
RP11-679B19.1	-0.14	4.65E-01	0.11	6.01E-01
RP11-697H9.2	-0.11	5.76E-01	-0.11	6.01E-01
RP4-669H2.1	-0.28	1.53E-01	-0.11	6.01E-01
RP5-940J5.6	-0.10	6.02E-01	-0.11	6.01E-01
RPL7P52	0.00	9.83E-01	-0.11	6.01E-01
RSL24D1P8	0.43	2.15E-02	-0.11	6.01E-01
SETD5	-0.03	8.63E-01	0.11	6.01E-01
SHQ1	0.16	4.28E-01	0.11	6.01E-01
SLC30A8	-0.41	2.99E-02	0.11	6.01E-01
SNORD125	0.39	3.97E-02	0.11	6.01E-01
SNTB2	0.14	4.78E-01	0.11	6.01E-01
TRPV1	0.04	8.26E-01	-0.11	6.01E-01
U91328.2	-0.04	8.43E-01	0.11	6.01E-01
VEPH1	-0.19	3.29E-01	0.11	6.01E-01
XLOC_007894	-0.40	3.56E-02	-0.11	6.01E-01
ZNF516	-0.03	8.90E-01	0.11	6.01E-01
ADAM15	0.00	9.88E-01	0.11	6.02E-01
ADTRP	0.11	5.81E-01	-0.11	6.02E-01
AGAP4	0.17	4.00E-01	0.11	6.02E-01



AKR1C1	-0.09	6.62E-01	-0.11	6.02E-01
BNIP3P40	-0.07	7.22E-01	-0.11	6.02E-01
CAV2	0.04	8.46E-01	-0.11	6.02E-01
CBWD5	-0.49	8.44E-03	0.11	6.02E-01
CEP112	-0.34	7.24E-02	-0.11	6.02E-01
GDPD5	-0.03	8.76E-01	0.11	6.02E-01
MIR22HG	0.06	7.54E-01	-0.11	6.02E-01
OR5E1P	-0.30	1.25E-01	-0.11	6.02E-01
PDSS1	0.28	1.44E-01	0.11	6.02E-01
PLIN2	0.14	4.68E-01	-0.11	6.02E-01
RAX	-0.26	1.90E-01	-0.11	6.02E-01
RMRPP4	0.10	6.03E-01	0.11	6.02E-01
RP11-384K6.6	0.03	8.89E-01	-0.11	6.02E-01
RP11-511I11.1	-0.07	7.11E-01	0.11	6.02E-01
RP11-530N7.2	0.07	7.37E-01	-0.11	6.02E-01
RP11-553K8.5	-0.22	2.69E-01	0.11	6.02E-01
RP11-596C23.6	-0.22	2.65E-01	0.11	6.02E-01
RP11-7F17.8	0.04	8.58E-01	-0.11	6.02E-01
RP11-83A16.1	-0.51	5.29E-03	0.11	6.02E-01
RP13-631K18.2	0.14	4.68E-01	0.11	6.02E-01
RP4-530I15.9	-0.25	1.99E-01	-0.11	6.02E-01
RP4-798A10.2	0.02	9.20E-01	-0.11	6.02E-01
RPL7P7	-0.25	2.06E-01	0.11	6.02E-01
SLC2A10	-0.16	4.08E-01	0.11	6.02E-01
SLC38A9	0.24	2.10E-01	-0.11	6.02E-01
SLC3A1	-0.12	5.27E-01	-0.11	6.02E-01
SLC9A9-AS2	-0.19	3.41E-01	0.11	6.02E-01
SPDYE12P	-0.15	4.60E-01	-0.11	6.02E-01
SYPL2	-0.29	1.40E-01	-0.11	6.02E-01
TOP1MT	0.16	4.02E-01	0.11	6.02E-01
TRPS1	-0.06	7.46E-01	-0.11	6.02E-01
TTC41P	0.02	9.01E-01	-0.11	6.02E-01
XLOC_011615	-0.44	1.92E-02	-0.11	6.02E-01
Z98941.1	-0.27	1.58E-01	0.11	6.02E-01
ZNF181	0.20	3.06E-01	-0.11	6.02E-01
AP000892.6	-0.22	2.65E-01	-0.10	6.03E-01
AP003041.2	0.15	4.53E-01	0.10	6.03E-01
ARL17B	-0.20	3.11E-01	-0.10	6.03E-01
ATXN7L3	0.28	1.47E-01	0.10	6.03E-01
CP	-0.05	8.08E-01	-0.10	6.03E-01
DOLK	0.21	2.93E-01	0.10	6.03E-01
EBI3	0.55	2.69E-03	0.10	6.03E-01
F11R	0.26	1.76E-01	0.10	6.03E-01
FAM19A5	-0.20	3.11E-01	-0.10	6.03E-01
G38764	0.05	7.87E-01	0.10	6.03E-01
GCLC	-0.17	3.96E-01	-0.10	6.03E-01
GTF2IP5	0.11	5.72E-01	-0.10	6.03E-01

<b>HSD52</b>	-0.06	7.53E-01	-0.10	6.03E-01
<b>KRT8P39</b>	-0.11	5.78E-01	0.10	6.03E-01
<b>NBPF10</b>	-0.20	2.97E-01	-0.10	6.03E-01
<b>RN7SL552P</b>	-0.17	4.01E-01	-0.10	6.03E-01
<b>RNF38</b>	-0.24	2.21E-01	-0.10	6.03E-01
<b>RNU6-190P</b>	-0.01	9.43E-01	0.10	6.03E-01
<b>RP11-317G6.1</b>	-0.17	3.79E-01	-0.10	6.03E-01
<b>RP11-330C7.3</b>	0.18	3.53E-01	-0.10	6.03E-01
<b>RP11-649E7.8</b>	-0.26	1.89E-01	0.10	6.03E-01
<b>RP11-766H1.1</b>	-0.19	3.43E-01	0.10	6.03E-01
<b>RP5-1007H16.1</b>	0.07	7.17E-01	-0.10	6.03E-01
<b>RPL7AP66</b>	0.16	4.08E-01	-0.10	6.03E-01
<b>RRN3P2</b>	-0.01	9.61E-01	-0.10	6.03E-01
<b>RSP04</b>	0.03	8.85E-01	-0.10	6.03E-01
<b>SDE2</b>	0.10	6.05E-01	-0.10	6.03E-01
<b>SERF1B</b>	-0.15	4.32E-01	-0.10	6.03E-01
<b>SLC10A4</b>	-0.15	4.60E-01	-0.10	6.03E-01
<b>SLC47A1P1</b>	0.05	7.82E-01	-0.10	6.03E-01
<b>SUPT16HP1</b>	-0.20	3.09E-01	0.10	6.03E-01
<b>TBX15</b>	-0.21	2.85E-01	-0.10	6.03E-01
<b>UBE2D3P3</b>	0.17	3.89E-01	0.10	6.03E-01
<b>VAMP4</b>	-0.25	1.97E-01	-0.10	6.03E-01
<b>AC002117.1</b>	0.43	2.27E-02	-0.10	6.04E-01
<b>AC016735.2</b>	-0.19	3.20E-01	-0.10	6.04E-01
<b>C16orf91</b>	0.13	5.01E-01	-0.10	6.04E-01
<b>CHMP1A</b>	-0.04	8.36E-01	0.10	6.04E-01
<b>CMTM5</b>	0.07	7.32E-01	0.10	6.04E-01
<b>CTB-187L3.1</b>	-0.04	8.32E-01	0.10	6.04E-01
<b>CTB-3M24.2</b>	0.01	9.76E-01	-0.10	6.04E-01
<b>DNAJC22</b>	-0.07	7.36E-01	-0.10	6.04E-01
<b>EDF1</b>	0.11	5.78E-01	0.10	6.04E-01
<b>ERAP1</b>	0.17	3.82E-01	0.10	6.04E-01
<b>FAM177B</b>	0.12	5.29E-01	0.10	6.04E-01
<b>FLNA</b>	0.01	9.76E-01	0.10	6.04E-01
<b>FOXO4</b>	-0.06	7.73E-01	0.10	6.04E-01
<b>FTH1P3</b>	-0.28	1.55E-01	-0.10	6.04E-01
<b>FTO</b>	-0.30	1.17E-01	0.10	6.04E-01
<b>H2AFY</b>	0.34	7.42E-02	0.10	6.04E-01
<b>IFI27L2</b>	0.30	1.24E-01	0.10	6.04E-01
<b>IL33</b>	0.20	3.14E-01	0.10	6.04E-01
<b>PDSS2</b>	-0.04	8.23E-01	0.10	6.04E-01
<b>PRRG3</b>	-0.11	5.88E-01	-0.10	6.04E-01
<b>RNU7-163P</b>	-0.02	9.20E-01	0.10	6.04E-01
<b>RP11-295B17.6</b>	-0.38	4.47E-02	0.10	6.04E-01
<b>RP11-342K6.1</b>	0.03	8.61E-01	-0.10	6.04E-01
<b>RP11-343C2.10</b>	0.26	1.80E-01	0.10	6.04E-01
<b>RP11-353N4.2</b>	0.19	3.39E-01	0.10	6.04E-01

RP11-368I7.4	-0.13	5.04E-01	-0.10	6.04E-01
RP11-732M18.4	-0.30	1.27E-01	-0.10	6.04E-01
RP11-843P14.1	-0.21	2.94E-01	0.10	6.04E-01
SELM	-0.17	3.99E-01	-0.10	6.04E-01
SRP19	0.04	8.37E-01	-0.10	6.04E-01
ST8SIA1	0.04	8.56E-01	0.10	6.04E-01
TMEM246-AS1	-0.08	6.98E-01	-0.10	6.04E-01
UBE4B	-0.27	1.61E-01	0.10	6.04E-01
ZNF559-ZNF177	0.16	4.03E-01	-0.10	6.04E-01
ACTG1P20	-0.18	3.72E-01	-0.10	6.05E-01
ADPGK-AS1	0.42	2.50E-02	0.10	6.05E-01
ANKHD1	-0.13	5.10E-01	-0.10	6.05E-01
C1orf122	0.16	4.25E-01	-0.10	6.05E-01
CFAP46	0.02	9.36E-01	-0.10	6.05E-01
CHRNA2	0.04	8.44E-01	-0.10	6.05E-01
CNIH2	-0.16	4.27E-01	-0.10	6.05E-01
COLGALT1	0.15	4.44E-01	0.10	6.05E-01
CTB-1144G6.6	0.13	5.00E-01	-0.10	6.05E-01
CTD-2008P7.9	-0.07	7.10E-01	-0.10	6.05E-01
CTD-2384B9.1	0.03	8.61E-01	0.10	6.05E-01
DND1P1	-0.08	6.68E-01	-0.10	6.05E-01
FCGR2B	0.10	6.18E-01	0.10	6.05E-01
G23688	-0.19	3.32E-01	-0.10	6.05E-01
GULP1	-0.12	5.31E-01	-0.10	6.05E-01
HBG2	-0.32	9.78E-02	0.10	6.05E-01
HOXA9	0.03	8.92E-01	0.10	6.05E-01
KRT8P46	0.30	1.26E-01	-0.10	6.05E-01
MAN2C1	-0.05	8.09E-01	-0.10	6.05E-01
MAP2K1	0.20	3.07E-01	0.10	6.05E-01
4-Mar	-0.10	6.28E-01	-0.10	6.05E-01
MAU2	0.21	2.89E-01	0.10	6.05E-01
NDST2	0.19	3.20E-01	0.10	6.05E-01
P2RX6	0.05	7.92E-01	-0.10	6.05E-01
RHNO1	0.34	7.87E-02	0.10	6.05E-01
RP11-101E7.2	-0.24	2.15E-01	-0.10	6.05E-01
RP11-122C5.3	-0.17	3.94E-01	0.10	6.05E-01
RP11-166B2.3	0.17	3.82E-01	0.10	6.05E-01
RP11-286E11.2	0.12	5.31E-01	0.10	6.05E-01
RP11-569G9.7	-0.15	4.46E-01	0.10	6.05E-01
SLC25A39P1	0.18	3.65E-01	-0.10	6.05E-01
STAMBP	0.22	2.56E-01	-0.10	6.05E-01
TJP1	-0.04	8.24E-01	0.10	6.05E-01
UBXN4	0.11	5.91E-01	-0.10	6.05E-01
WHAMM	-0.04	8.24E-01	0.10	6.05E-01
XPO6	0.20	3.09E-01	0.10	6.05E-01
YTHDF2	0.27	1.60E-01	0.10	6.05E-01
AC002542.2	0.02	9.28E-01	0.10	6.06E-01

AC009961.5	-0.18	3.66E-01	-0.10	6.06E-01
AC012363.7	-0.01	9.67E-01	0.10	6.06E-01
AF121897.4	0.16	4.15E-01	-0.10	6.06E-01
BCL2L2-PABPN1	-0.03	8.89E-01	-0.10	6.06E-01
CRK	0.20	3.09E-01	0.10	6.06E-01
CX3CR1	0.38	4.81E-02	0.10	6.06E-01
DUSP15	-0.05	7.88E-01	-0.10	6.06E-01
ENTPD6	-0.09	6.42E-01	0.10	6.06E-01
ERCC4	0.09	6.57E-01	-0.10	6.06E-01
FAM104A	0.08	6.79E-01	0.10	6.06E-01
FBXO7	-0.01	9.58E-01	-0.10	6.06E-01
GCM2	-0.20	2.97E-01	-0.10	6.06E-01
GTPBP8	-0.06	7.78E-01	-0.10	6.06E-01
ITGAV	0.21	2.73E-01	0.10	6.06E-01
KCNMA1	-0.08	6.95E-01	0.10	6.06E-01
LDB1	-0.18	3.55E-01	0.10	6.06E-01
LEMD3	0.13	5.08E-01	-0.10	6.06E-01
LGALS4	-0.31	1.04E-01	-0.10	6.06E-01
LINC00337	0.05	7.92E-01	-0.10	6.06E-01
LINC00942	-0.22	2.57E-01	-0.10	6.06E-01
ME3	-0.02	9.02E-01	-0.10	6.06E-01
MIR26A1	0.09	6.44E-01	-0.10	6.06E-01
NRIP2	-0.32	9.62E-02	-0.10	6.06E-01
PPIB	0.23	2.33E-01	0.10	6.06E-01
RP11-613F22.6	0.11	5.84E-01	-0.10	6.06E-01
RP11-65L3.2	0.00	9.91E-01	-0.10	6.06E-01
RP11-696N14.1	0.09	6.63E-01	-0.10	6.06E-01
RP11-95I19.2	0.14	4.86E-01	-0.10	6.06E-01
RP3-418A9.3	-0.46	1.43E-02	0.10	6.06E-01
RPS19	0.37	5.01E-02	-0.10	6.06E-01
SNX17	0.20	3.03E-01	0.10	6.06E-01
TOMM70A	0.24	2.20E-01	-0.10	6.06E-01
ZBTB8OS	-0.01	9.74E-01	0.10	6.06E-01
ZNF204P	-0.05	7.95E-01	-0.10	6.06E-01
AC023137.2	-0.21	2.93E-01	-0.10	6.07E-01
AC069547.2	-0.14	4.65E-01	-0.10	6.07E-01
ACTG1P17	-0.21	2.72E-01	0.10	6.07E-01
ADAM20P1	0.03	8.91E-01	-0.10	6.07E-01
ADAM32	0.12	5.27E-01	0.10	6.07E-01
ATXN10	0.05	7.82E-01	0.10	6.07E-01
C6orf52	-0.28	1.56E-01	0.10	6.07E-01
CHID1	0.25	2.05E-01	0.10	6.07E-01
CHODL-AS1	-0.17	3.73E-01	-0.10	6.07E-01
COL9A2	0.12	5.29E-01	-0.10	6.07E-01
CTB-171A8.1	0.28	1.56E-01	-0.10	6.07E-01
DAAM2	-0.35	6.91E-02	0.10	6.07E-01
DUSP8P5	0.04	8.22E-01	0.10	6.07E-01

EIF4H	-0.02	9.17E-01	0.10	6.07E-01
FLJ30679	-0.05	7.84E-01	0.10	6.07E-01
GALT	-0.11	5.84E-01	0.10	6.07E-01
GTF2IRD1	0.00	9.83E-01	0.10	6.07E-01
HERC2P2	-0.02	9.04E-01	0.10	6.07E-01
HIST2H3C	-0.19	3.26E-01	0.10	6.07E-01
LINC00114	0.21	2.82E-01	0.10	6.07E-01
LRIG1	-0.02	9.32E-01	-0.10	6.07E-01
RAB40C	-0.07	7.19E-01	-0.10	6.07E-01
RHOQP3	-0.02	9.23E-01	0.10	6.07E-01
RIMS2	0.02	9.31E-01	0.10	6.07E-01
RNU6-787P	0.00	9.89E-01	-0.10	6.07E-01
RP11-102G14.1	0.04	8.21E-01	-0.10	6.07E-01
RP11-20G13.3	-0.19	3.25E-01	-0.10	6.07E-01
RP11-521I2.3	-0.23	2.34E-01	-0.10	6.07E-01
RP11-849H4.2	-0.28	1.48E-01	0.10	6.07E-01
RP11-861E21.2	0.20	3.19E-01	-0.10	6.07E-01
RP11-88G17.6	-0.19	3.25E-01	0.10	6.07E-01
RP3-388M5.8	-0.40	3.53E-02	0.10	6.07E-01
RPL21P28	0.07	7.22E-01	-0.10	6.07E-01
S100A16	0.13	5.09E-01	0.10	6.07E-01
SLC22A5	-0.01	9.75E-01	-0.10	6.07E-01
SP2	-0.17	3.87E-01	0.10	6.07E-01
SWAP70	-0.13	5.02E-01	-0.10	6.07E-01
SYT16	0.02	9.06E-01	0.10	6.07E-01
SYT6	-0.41	3.18E-02	-0.10	6.07E-01
TIMM8A	0.21	2.92E-01	0.10	6.07E-01
TRNT1	0.04	8.37E-01	-0.10	6.07E-01
ULK2	-0.02	9.11E-01	0.10	6.07E-01
XLOC_010693	0.02	9.02E-01	0.10	6.07E-01
ZNF142	0.19	3.39E-01	0.10	6.07E-01
ZNF232	0.13	5.14E-01	0.10	6.07E-01
ZNF37A	0.18	3.60E-01	-0.10	6.07E-01
BCL2L2	-0.04	8.31E-01	0.10	6.08E-01
BTG2	0.05	8.08E-01	0.10	6.08E-01
CTD-2002J20.1	0.35	7.15E-02	0.10	6.08E-01
CUTA	0.00	9.82E-01	0.10	6.08E-01
DYNLRB1	0.00	9.98E-01	0.10	6.08E-01
EPHX1	-0.03	8.67E-01	0.10	6.08E-01
FAM69B	-0.11	5.90E-01	0.10	6.08E-01
FUT8	-0.03	8.66E-01	0.10	6.08E-01
POGZ	-0.17	3.75E-01	0.10	6.08E-01
RPS3AP29	-0.09	6.40E-01	0.10	6.08E-01
SLC39A9	0.27	1.67E-01	0.10	6.08E-01
TBXA2R	-0.01	9.63E-01	0.10	6.08E-01
THRB	0.05	8.15E-01	0.10	6.08E-01
TMEM178A	-0.29	1.31E-01	0.10	6.08E-01

ZNF8	0.04	8.24E-01	0.10	6.08E-01
ENHO	-0.18	3.57E-01	-0.10	6.08E-01
G12735	-0.22	2.66E-01	-0.10	6.08E-01
G32324	-0.08	6.95E-01	-0.10	6.08E-01
LINC01311	0.07	7.42E-01	-0.10	6.08E-01
MIR593	-0.02	9.39E-01	-0.10	6.08E-01
RP1	0.02	9.01E-01	-0.10	6.08E-01
RP11-643A5.3	-0.23	2.32E-01	-0.10	6.08E-01
RP11-81M19.3	-0.07	7.15E-01	-0.10	6.08E-01
RP11-84A19.4	0.15	4.45E-01	-0.10	6.08E-01
SNCB	0.00	9.87E-01	-0.10	6.08E-01
TIAL1	-0.10	6.26E-01	-0.10	6.08E-01
TOMM34	0.20	3.08E-01	-0.10	6.08E-01
ZNF207	0.18	3.56E-01	-0.10	6.08E-01
AP000347.4	0.06	7.73E-01	0.10	6.09E-01
CA8	-0.31	1.08E-01	0.10	6.09E-01
DCTN5	0.07	7.09E-01	0.10	6.09E-01
DENND1B	-0.01	9.58E-01	0.10	6.09E-01
DSG1-AS1	-0.04	8.30E-01	-0.10	6.09E-01
IQCJ-SCHIP1	0.08	6.76E-01	0.10	6.09E-01
JMJD8	-0.03	8.94E-01	0.10	6.09E-01
KCTD5	0.23	2.30E-01	0.10	6.09E-01
KIZ-AS1	-0.15	4.41E-01	-0.10	6.09E-01
MCF2	-0.10	6.31E-01	-0.10	6.09E-01
MT-TY	0.31	1.14E-01	-0.10	6.09E-01
NIPA2	0.32	9.90E-02	-0.10	6.09E-01
NT5DC1	0.29	1.36E-01	0.10	6.09E-01
RAX2	0.12	5.38E-01	-0.10	6.09E-01
RP11-1149M10.2	0.15	4.36E-01	0.10	6.09E-01
RP11-202G18.1	-0.02	9.01E-01	0.10	6.09E-01
RP11-345J4.5	-0.17	3.79E-01	0.10	6.09E-01
RP11-700H6.1	-0.03	8.63E-01	0.10	6.09E-01
RP11-82K18.2	-0.35	7.12E-02	-0.10	6.09E-01
RP3-508I15.22	0.18	3.48E-01	-0.10	6.09E-01
RP4-675C20.4	-0.25	1.93E-01	-0.10	6.09E-01
RPL7	0.08	6.91E-01	-0.10	6.09E-01
SH3YL1	-0.17	3.91E-01	-0.10	6.09E-01
SIGMAR1	0.14	4.90E-01	0.10	6.09E-01
SMIM10L2B	-0.33	8.29E-02	-0.10	6.09E-01
TMCO3	-0.01	9.67E-01	0.10	6.09E-01
TPMT	0.15	4.43E-01	0.10	6.09E-01
USP32	0.13	5.01E-01	0.10	6.09E-01
VTI1B	-0.15	4.52E-01	0.10	6.09E-01
XLOC_010952	-0.03	8.98E-01	0.10	6.09E-01
AC004540.4	0.02	9.15E-01	0.10	6.10E-01
CEACAM3	-0.14	4.69E-01	0.10	6.10E-01
COL13A1	-0.20	2.98E-01	0.10	6.10E-01

FARSA	0.27	1.72E-01	0.10	6.10E-01
HPCA	0.10	6.18E-01	0.10	6.10E-01
LCE2B	0.05	8.05E-01	0.10	6.10E-01
PIGF	0.15	4.36E-01	0.10	6.10E-01
RP1-142L7.8	-0.08	7.01E-01	0.10	6.10E-01
RP1-228P16.7	-0.06	7.62E-01	0.10	6.10E-01
RP11-219B4.6	-0.26	1.78E-01	0.10	6.10E-01
RP11-229D13.3	-0.27	1.71E-01	0.10	6.10E-01
RP11-474P2.7	-0.12	5.46E-01	0.10	6.10E-01
RP13-884E18.4	0.04	8.25E-01	0.10	6.10E-01
RPL18A	0.16	4.11E-01	0.10	6.10E-01
SIRT1	0.28	1.43E-01	0.10	6.10E-01
Z83001.1	0.02	9.38E-01	0.10	6.10E-01
AC018742.1	-0.05	8.16E-01	-0.10	6.10E-01
ADGRB2	-0.25	2.06E-01	-0.10	6.10E-01
ASRGL1	-0.07	7.41E-01	-0.10	6.10E-01
BCRP3	0.32	9.93E-02	-0.10	6.10E-01
CTC-575I10.1	-0.20	2.97E-01	-0.10	6.10E-01
CUTC	0.27	1.69E-01	-0.10	6.10E-01
EGLN2	0.16	4.09E-01	-0.10	6.10E-01
EIF4BP5	-0.09	6.58E-01	-0.10	6.10E-01
FAM27A	-0.11	5.83E-01	-0.10	6.10E-01
IBA57-AS1	-0.31	1.12E-01	-0.10	6.10E-01
KANSL1-AS1	-0.08	6.82E-01	-0.10	6.10E-01
LINC00960	-0.21	2.73E-01	-0.10	6.10E-01
LINC01619	-0.01	9.68E-01	-0.10	6.10E-01
RBPJL	-0.08	6.91E-01	-0.10	6.10E-01
RNU1-16P	-0.17	3.90E-01	-0.10	6.10E-01
RNU6-595P	0.15	4.33E-01	-0.10	6.10E-01
RP11-352G18.2	-0.06	7.81E-01	-0.10	6.10E-01
RP11-505K9.4	0.30	1.18E-01	-0.10	6.10E-01
RP11-594N15.3	-0.32	9.36E-02	-0.10	6.10E-01
RP5-1163L11.2	0.21	2.89E-01	-0.10	6.10E-01
TTC6	-0.17	3.76E-01	-0.10	6.10E-01
AC007249.3	-0.22	2.63E-01	-0.10	6.12E-01
AC058791.1	0.11	5.87E-01	-0.10	6.12E-01
AC092835.2	0.21	2.95E-01	-0.10	6.12E-01
AURKAPS1	-0.05	8.07E-01	-0.10	6.12E-01
C6orf183	-0.06	7.78E-01	-0.10	6.12E-01
CHUK	0.12	5.35E-01	-0.10	6.12E-01
DPM2	0.23	2.47E-01	0.10	6.12E-01
EIF3M	0.07	7.15E-01	-0.10	6.12E-01
ELOVL4	0.15	4.56E-01	0.10	6.12E-01
FAM177A1	0.03	8.95E-01	-0.10	6.12E-01
FAM49A	0.05	8.03E-01	-0.10	6.12E-01
FASTKD2	0.12	5.44E-01	-0.10	6.12E-01
FXR1	-0.18	3.71E-01	0.10	6.12E-01

G1561	-0.20	3.15E-01	-0.10	6.12E-01
G29539	-0.04	8.48E-01	0.10	6.12E-01
HADH	0.36	6.01E-02	-0.10	6.12E-01
HTR2B	-0.27	1.72E-01	-0.10	6.12E-01
ICOS	0.18	3.71E-01	0.10	6.12E-01
IPO5	0.01	9.70E-01	-0.10	6.12E-01
IQSEC2	-0.05	8.07E-01	0.10	6.12E-01
ITGAE	0.02	9.00E-01	0.10	6.12E-01
LINC00323	-0.26	1.76E-01	-0.10	6.12E-01
LINC01473	0.04	8.54E-01	-0.10	6.12E-01
LINC01554	0.15	4.55E-01	0.10	6.12E-01
MIR663AHG	0.44	1.96E-02	-0.10	6.12E-01
NDUF4F4P1	-0.34	7.89E-02	-0.10	6.12E-01
PRNCR1	0.21	2.90E-01	-0.10	6.12E-01
QDPR	-0.07	7.36E-01	0.10	6.12E-01
RNA5SP159	-0.10	6.00E-01	-0.10	6.12E-01
RP11-474O21.5	0.04	8.24E-01	0.10	6.12E-01
RP11-486A14.1	0.18	3.60E-01	-0.10	6.12E-01
RP11-556H2.2	-0.12	5.44E-01	0.10	6.12E-01
RP11-561O23.8	-0.01	9.76E-01	0.10	6.12E-01
RP11-641D5.1	-0.13	5.04E-01	0.10	6.12E-01
RP11-667K14.9	0.15	4.61E-01	-0.10	6.12E-01
RP11-697N18.2	-0.07	7.28E-01	-0.10	6.12E-01
RP11-752D24.2	-0.12	5.34E-01	-0.10	6.12E-01
RP4-550H1.4	0.15	4.49E-01	0.10	6.12E-01
SBSPON	-0.14	4.93E-01	-0.10	6.12E-01
SEC22A	-0.04	8.45E-01	-0.10	6.12E-01
SLC51B	0.19	3.39E-01	-0.10	6.12E-01
SMCO2	0.25	1.97E-01	0.10	6.12E-01
TROAP	0.12	5.35E-01	0.10	6.12E-01
WIZ	0.36	6.30E-02	0.10	6.12E-01
XLOC_000625	-0.27	1.65E-01	-0.10	6.12E-01
XLOC_008522	-0.07	7.27E-01	0.10	6.12E-01
ZC3H15	0.19	3.40E-01	0.10	6.12E-01
ZNF341-AS1	-0.39	3.86E-02	-0.10	6.12E-01
AL132868.1	0.00	9.92E-01	-0.10	6.13E-01
EIF3B	0.16	4.06E-01	-0.10	6.13E-01
FBXL13	-0.17	3.75E-01	-0.10	6.13E-01
G39663	-0.23	2.48E-01	-0.10	6.13E-01
MAN2A1	-0.03	8.82E-01	-0.10	6.13E-01
MDC1	-0.32	1.02E-01	-0.10	6.13E-01
REPS2	-0.20	3.16E-01	-0.10	6.13E-01
RP11-252A24.2	-0.19	3.39E-01	-0.10	6.13E-01
RP11-867G23.1	0.11	5.70E-01	-0.10	6.13E-01
SCART1	-0.10	6.28E-01	-0.10	6.13E-01
TSSC4	0.00	9.98E-01	-0.10	6.13E-01
UBE2L4	0.22	2.56E-01	-0.10	6.13E-01



WDR87	0.19	3.33E-01	-0.10	6.13E-01
XLOC_002066	0.23	2.34E-01	-0.10	6.13E-01
XLOC_005046	-0.17	3.78E-01	-0.10	6.13E-01
AC004637.1	0.05	7.96E-01	0.10	6.13E-01
GS1-393G12.12	0.04	8.31E-01	0.10	6.13E-01
HLA-W	-0.13	5.19E-01	0.10	6.13E-01
MED14	0.03	8.76E-01	0.10	6.13E-01
MOAP1	-0.02	9.14E-01	0.10	6.13E-01
MTCO1P28	-0.15	4.57E-01	0.10	6.13E-01
MTX1	-0.04	8.43E-01	0.10	6.13E-01
PPP1CA	-0.02	9.12E-01	0.10	6.13E-01
RN7SL698P	-0.02	9.15E-01	0.10	6.13E-01
RNU6-1226P	-0.38	4.71E-02	0.10	6.13E-01
ROCK1	0.05	8.16E-01	0.10	6.13E-01
RP4-800M22.1	-0.02	9.01E-01	0.10	6.13E-01
SENP3-EIF4A1	0.06	7.58E-01	0.10	6.13E-01
SLC6A1	0.50	6.61E-03	0.10	6.13E-01
AC093157.1	0.09	6.55E-01	-0.10	6.14E-01
ACAP2	-0.06	7.62E-01	-0.10	6.14E-01
ACVR2B	0.18	3.70E-01	-0.10	6.14E-01
ADCK5	-0.13	5.19E-01	0.10	6.14E-01
CCDC47	0.22	2.71E-01	0.10	6.14E-01
CDKN2D	0.05	8.18E-01	0.10	6.14E-01
CNTRF-AS1	-0.05	8.17E-01	-0.10	6.14E-01
CSGALNACT2	0.03	8.64E-01	-0.10	6.14E-01
ETV1	0.29	1.36E-01	0.10	6.14E-01
FAM198A	0.00	9.81E-01	-0.10	6.14E-01
FOXP4-AS1	0.00	9.81E-01	-0.10	6.14E-01
KIAA1147	-0.08	6.88E-01	-0.10	6.14E-01
MED31	-0.06	7.59E-01	-0.10	6.14E-01
NUTM2A-AS1	0.07	7.42E-01	-0.10	6.14E-01
POLR2F	-0.03	8.89E-01	-0.10	6.14E-01
RAD51-AS1	-0.16	4.19E-01	-0.10	6.14E-01
RP11-1114A5.4	0.30	1.19E-01	-0.10	6.14E-01
RP11-175K6.1	0.13	5.22E-01	0.10	6.14E-01
RP11-215P8.3	0.32	9.53E-02	-0.10	6.14E-01
RP11-709A23.2	-0.04	8.21E-01	-0.10	6.14E-01
RP11-884K10.6	-0.09	6.58E-01	0.10	6.14E-01
RP3-395M20.9	-0.06	7.69E-01	0.10	6.14E-01
RP5-1174J21.2	-0.17	3.79E-01	0.10	6.14E-01
SEL1L	-0.04	8.37E-01	-0.10	6.14E-01
SLC2A3	0.01	9.63E-01	0.10	6.14E-01
SNRPD1	0.09	6.50E-01	-0.10	6.14E-01
STEAP3-AS1	0.40	3.49E-02	0.10	6.14E-01
TCEA1P2	0.11	5.78E-01	0.10	6.14E-01
UBE3B	-0.28	1.48E-01	0.10	6.14E-01
UQCRHL	0.13	5.03E-01	0.10	6.14E-01

VPS33B	0.06	7.78E-01	0.10	6.14E-01
XLOC_007868	-0.04	8.24E-01	0.10	6.14E-01
Z95704.1	-0.21	2.78E-01	-0.10	6.14E-01
ZNF28	0.08	6.92E-01	-0.10	6.14E-01
ACSL3	0.16	4.28E-01	-0.10	6.15E-01
CCDC117	0.01	9.72E-01	0.10	6.15E-01
CCDC130	0.11	5.65E-01	0.10	6.15E-01
CTC-241N9.1	-0.26	1.83E-01	0.10	6.15E-01
DOCK9	0.11	5.67E-01	0.10	6.15E-01
ESR1	-0.05	7.85E-01	-0.10	6.15E-01
FBXO30	0.18	3.72E-01	0.10	6.15E-01
FETUB	0.16	4.02E-01	-0.10	6.15E-01
G35671	-0.17	3.86E-01	-0.10	6.15E-01
G39039	0.09	6.40E-01	-0.10	6.15E-01
GYG2P1	0.32	9.65E-02	0.10	6.15E-01
IDUA	-0.06	7.73E-01	-0.10	6.15E-01
IGHEP1	-0.16	4.08E-01	-0.10	6.15E-01
IL1A	0.06	7.55E-01	-0.10	6.15E-01
KCNH2	0.12	5.29E-01	-0.10	6.15E-01
MLF2	0.25	1.98E-01	0.10	6.15E-01
MT1H	-0.04	8.30E-01	-0.10	6.15E-01
NBPF20	0.00	9.99E-01	-0.10	6.15E-01
NLRP1	0.16	4.08E-01	0.10	6.15E-01
PCTP	-0.04	8.45E-01	-0.10	6.15E-01
RAD51AP1P1	0.05	7.83E-01	-0.10	6.15E-01
RNU1-28P	-0.09	6.35E-01	-0.10	6.15E-01
RNU6-1297P	0.15	4.41E-01	-0.10	6.15E-01
RP11-218M22.1	0.00	9.97E-01	-0.10	6.15E-01
RP11-526I2.5	0.03	8.70E-01	0.10	6.15E-01
RP11-661A12.5	-0.17	4.01E-01	0.10	6.15E-01
RP11-677M14.6	0.09	6.47E-01	0.10	6.15E-01
RP11-734K21.2	-0.31	1.11E-01	-0.10	6.15E-01
RP11-77O7.1	0.12	5.46E-01	0.10	6.15E-01
RP11-79M19.2	-0.10	6.25E-01	-0.10	6.15E-01
RP11-968O1.5	0.31	1.07E-01	0.10	6.15E-01
RP11-9E17.1	0.15	4.34E-01	-0.10	6.15E-01
RPS4XP1	-0.25	1.93E-01	-0.10	6.15E-01
SNORA3	0.03	8.92E-01	0.10	6.15E-01
SP5	0.11	5.70E-01	0.10	6.15E-01
TCF19	0.09	6.59E-01	-0.10	6.15E-01
TFIP11	-0.03	8.66E-01	-0.10	6.15E-01
TRAV8-2	0.26	1.85E-01	0.10	6.15E-01
TSR2	0.07	7.25E-01	0.10	6.15E-01
UBA3	-0.04	8.32E-01	-0.10	6.15E-01
ABTB2	0.05	7.86E-01	-0.10	6.16E-01
AC018462.2	-0.30	1.20E-01	-0.10	6.16E-01
ATG3	-0.01	9.53E-01	-0.10	6.16E-01

<b>C19orf18</b>	-0.14	4.66E-01	-0.10	6.16E-01
<b>CTB-147C22.9</b>	0.09	6.38E-01	-0.10	6.16E-01
<b>GAPDHP47</b>	-0.18	3.55E-01	-0.10	6.16E-01
<b>KRT17P1</b>	-0.01	9.69E-01	-0.10	6.16E-01
<b>RP11-278C7.5</b>	-0.05	8.12E-01	-0.10	6.16E-01
<b>RP11-557H15.4</b>	-0.23	2.46E-01	-0.10	6.16E-01
<b>RP3-406A7.5</b>	0.42	2.64E-02	-0.10	6.16E-01
<b>SCLY</b>	0.17	3.86E-01	-0.10	6.16E-01
<b>TNFAIP8L3</b>	-0.17	3.87E-01	-0.10	6.16E-01
<b>ZBTB43</b>	-0.26	1.84E-01	-0.10	6.16E-01
<b>ZNF277</b>	0.09	6.61E-01	-0.10	6.16E-01
<b>AP3S1</b>	-0.05	7.97E-01	0.10	6.16E-01
<b>C19orf52</b>	0.17	3.86E-01	0.10	6.16E-01
<b>CTBP2</b>	-0.03	8.62E-01	0.10	6.16E-01
<b>EIF4A1P11</b>	0.20	2.96E-01	0.10	6.16E-01
<b>HOXA6</b>	0.12	5.33E-01	0.10	6.16E-01
<b>ICK</b>	0.24	2.14E-01	0.10	6.16E-01
<b>INPPL1</b>	-0.16	4.07E-01	0.10	6.16E-01
<b>LINC00473</b>	-0.25	1.95E-01	0.10	6.16E-01
<b>LINC00491</b>	0.17	3.73E-01	0.10	6.16E-01
<b>MIR5692C2</b>	-0.29	1.36E-01	0.10	6.16E-01
<b>MRPS18AP1</b>	0.05	7.94E-01	0.10	6.16E-01
<b>PIK3C2B</b>	-0.12	5.57E-01	0.10	6.16E-01
<b>RNU6-1214P</b>	-0.28	1.53E-01	0.10	6.16E-01
<b>RP11-154P18.2</b>	-0.38	4.71E-02	0.10	6.16E-01
<b>RP11-243E13.2</b>	-0.24	2.18E-01	0.10	6.16E-01
<b>RP11-284N8.3</b>	0.39	4.29E-02	0.10	6.16E-01
<b>RP11-460I13.6</b>	0.14	4.86E-01	0.10	6.16E-01
<b>RPL3L</b>	0.13	5.12E-01	0.10	6.16E-01
<b>RPS4XP16</b>	0.26	1.75E-01	0.10	6.16E-01
<b>SCARNA14</b>	0.39	3.77E-02	0.10	6.16E-01
<b>SGTA</b>	0.30	1.16E-01	0.10	6.16E-01
<b>TEKT1</b>	-0.01	9.60E-01	0.10	6.16E-01
<b>TTYH1</b>	0.03	8.63E-01	0.10	6.16E-01
<b>VPS52</b>	-0.14	4.90E-01	0.10	6.16E-01
<b>VSTM2L</b>	-0.24	2.12E-01	0.10	6.16E-01
<b>BMS1P9</b>	-0.33	8.40E-02	-0.10	6.17E-01
<b>CCDC107</b>	-0.02	9.10E-01	-0.10	6.17E-01
<b>COPB1</b>	0.07	7.23E-01	-0.10	6.17E-01
<b>CTB-147C22.6</b>	0.05	8.19E-01	-0.10	6.17E-01
<b>CTD-2501E16.2</b>	-0.40	3.53E-02	-0.10	6.17E-01
<b>ERVMER61-1</b>	0.05	7.87E-01	-0.10	6.17E-01
<b>EXOG</b>	0.13	4.94E-01	0.10	6.17E-01
<b>FBLIM1</b>	0.22	2.64E-01	0.10	6.17E-01
<b>G33828</b>	0.24	2.27E-01	-0.10	6.17E-01
<b>INF2</b>	-0.28	1.55E-01	0.10	6.17E-01
<b>LA16c-325D7.1</b>	0.26	1.83E-01	0.10	6.17E-01

LA16c-360A4.1	-0.32	9.99E-02	0.10	6.17E-01
NUAK2	-0.16	4.24E-01	-0.10	6.17E-01
PLEKHF2	-0.03	8.83E-01	-0.10	6.17E-01
POLR2E	0.09	6.57E-01	0.10	6.17E-01
PTMAP1	-0.16	4.26E-01	0.10	6.17E-01
RP11-165J3.6	0.29	1.30E-01	-0.10	6.17E-01
RP11-261B23.1	0.01	9.60E-01	-0.10	6.17E-01
RP11-295P9.6	0.19	3.26E-01	0.10	6.17E-01
RP11-402G3.5	-0.05	7.94E-01	0.10	6.17E-01
RP11-436M15.1	0.00	9.81E-01	-0.10	6.17E-01
RP11-479I16.2	-0.04	8.39E-01	-0.10	6.17E-01
RP11-840I19.3	-0.21	2.75E-01	-0.10	6.17E-01
RP13-977J11.6	-0.02	9.11E-01	0.10	6.17E-01
RPS20P22	-0.12	5.58E-01	0.10	6.17E-01
RSU1	0.34	7.46E-02	-0.10	6.17E-01
SNORA25	0.36	6.07E-02	-0.10	6.17E-01
TBX19	-0.28	1.51E-01	0.10	6.17E-01
TRAJ6	-0.16	4.24E-01	-0.10	6.17E-01
USP38	0.23	2.48E-01	0.10	6.17E-01
VILL	-0.20	3.17E-01	-0.10	6.17E-01
WASF3	-0.09	6.67E-01	-0.10	6.17E-01
WBP11	0.15	4.53E-01	-0.10	6.17E-01
XLOC_005563	0.17	3.91E-01	-0.10	6.17E-01
XLOC_011789	-0.48	9.42E-03	-0.10	6.17E-01
ACBD3	-0.05	7.83E-01	-0.10	6.18E-01
BTRC	0.11	5.60E-01	0.10	6.18E-01
CAB39P1	0.13	5.14E-01	-0.10	6.18E-01
CDC20P1	0.15	4.54E-01	0.10	6.18E-01
CHTOP	0.10	6.26E-01	0.10	6.18E-01
DOHH	0.17	3.81E-01	-0.10	6.18E-01
FLG	-0.23	2.40E-01	-0.10	6.18E-01
GABBR1	-0.02	9.26E-01	-0.10	6.18E-01
JHDM1D-AS1	0.28	1.56E-01	0.10	6.18E-01
NPTXR	-0.14	4.72E-01	-0.10	6.18E-01
PLK4	-0.14	4.89E-01	-0.10	6.18E-01
RN7SL230P	-0.24	2.13E-01	-0.10	6.18E-01
RNF114	0.14	4.72E-01	0.10	6.18E-01
RP1-102G20.5	-0.18	3.52E-01	-0.10	6.18E-01
RP11-199F11.2	-0.12	5.50E-01	0.10	6.18E-01
RP11-340C20.3	0.03	8.86E-01	-0.10	6.18E-01
RP11-408A13.3	-0.10	6.29E-01	-0.10	6.18E-01
RP11-445L13_B.3	0.10	6.10E-01	0.10	6.18E-01
RP11-50C13.1	0.21	2.80E-01	-0.10	6.18E-01
RP11-74J13.8	0.00	9.98E-01	-0.10	6.18E-01
RP6-109B7.5	-0.03	8.85E-01	-0.10	6.18E-01
RPS7P3	-0.15	4.38E-01	-0.10	6.18E-01
S100A3	0.03	8.66E-01	-0.10	6.18E-01

SET	0.07	7.24E-01	-0.10	6.18E-01
TEX38	0.01	9.69E-01	-0.10	6.18E-01
TGFBI	-0.05	7.86E-01	-0.10	6.18E-01
TRNAI6	0.01	9.74E-01	0.10	6.18E-01
TSPAN32	-0.12	5.41E-01	0.10	6.18E-01
UBXN8	0.29	1.35E-01	0.10	6.18E-01
USP16	0.04	8.43E-01	-0.10	6.18E-01
XLOC_002561	-0.20	3.14E-01	0.10	6.18E-01
XLOC_007767	0.03	8.64E-01	0.10	6.18E-01
CCNB1	0.21	2.78E-01	0.10	6.19E-01
CLEC3A	0.08	6.75E-01	0.10	6.19E-01
CNNM2	-0.22	2.53E-01	-0.10	6.19E-01
CTD-2026K11.4	0.01	9.43E-01	-0.10	6.19E-01
CTD-2506J14.1	0.25	2.02E-01	0.10	6.19E-01
CTD-2623N2.5	-0.02	9.17E-01	-0.10	6.19E-01
DIAPH3	0.07	7.09E-01	-0.10	6.19E-01
DNAJC21	0.06	7.81E-01	-0.10	6.19E-01
FAM127B	0.12	5.28E-01	0.10	6.19E-01
FAM66C	-0.51	5.62E-03	-0.10	6.19E-01
G34274	-0.22	2.54E-01	-0.10	6.19E-01
GPR173	-0.25	2.08E-01	-0.10	6.19E-01
HBD	0.02	9.36E-01	-0.10	6.19E-01
KDM2B	-0.18	3.48E-01	-0.10	6.19E-01
MID1IP1-AS1	0.12	5.50E-01	0.10	6.19E-01
MIR1200	-0.17	3.85E-01	-0.10	6.19E-01
MPP5	0.22	2.71E-01	0.10	6.19E-01
NPHP3	0.12	5.42E-01	-0.10	6.19E-01
PAIP1P1	-0.31	1.06E-01	-0.10	6.19E-01
PAM16	0.08	6.70E-01	0.10	6.19E-01
PCDHGA5	-0.05	7.98E-01	0.10	6.19E-01
RGS22	-0.12	5.28E-01	-0.10	6.19E-01
RP11-115D19.1	-0.05	8.04E-01	0.10	6.19E-01
RP11-536O18.1	-0.09	6.41E-01	-0.10	6.19E-01
RP11-553A21.3	-0.03	8.66E-01	-0.10	6.19E-01
RP5-1107A17.2	-0.03	8.76E-01	0.10	6.19E-01
RPL23AP36	0.15	4.32E-01	-0.10	6.19E-01
RPL4P4	0.08	6.74E-01	0.10	6.19E-01
RPL5	0.03	8.73E-01	-0.10	6.19E-01
SLC35E2B	0.37	4.94E-02	0.10	6.19E-01
TJP2	0.09	6.60E-01	0.10	6.19E-01
USPL1	-0.11	5.94E-01	-0.10	6.19E-01
ZNF32-AS1	0.22	2.56E-01	-0.10	6.19E-01
AC004840.8	0.15	4.48E-01	0.10	6.20E-01
AC092669.3	-0.25	2.01E-01	-0.10	6.20E-01
ACTN1	0.15	4.56E-01	0.10	6.20E-01
BAIAP3	0.16	4.27E-01	-0.10	6.20E-01
CABLES2	0.05	7.94E-01	-0.10	6.20E-01

<b>CEACAMP10</b>	0.18	3.61E-01	0.10	6.20E-01
<b>CTTNBP2</b>	-0.29	1.39E-01	0.10	6.20E-01
<b>DDX18</b>	0.04	8.55E-01	-0.10	6.20E-01
<b>DENND2C</b>	-0.02	9.39E-01	-0.10	6.20E-01
<b>DERL1</b>	0.09	6.44E-01	0.10	6.20E-01
<b>FCF1</b>	0.16	4.06E-01	0.10	6.20E-01
<b>GABRB1</b>	-0.31	1.11E-01	-0.10	6.20E-01
<b>GNB2L1</b>	0.08	6.86E-01	0.10	6.20E-01
<b>HAUS6P3</b>	0.06	7.67E-01	-0.10	6.20E-01
<b>MCL1</b>	0.34	7.39E-02	0.10	6.20E-01
<b>NCBP2-AS1</b>	0.09	6.43E-01	-0.10	6.20E-01
<b>PTS</b>	0.14	4.79E-01	-0.10	6.20E-01
<b>PYHIN1</b>	0.43	2.30E-02	0.10	6.20E-01
<b>RN7SL775P</b>	0.17	3.93E-01	-0.10	6.20E-01
<b>RNF115</b>	0.04	8.41E-01	0.10	6.20E-01
<b>RNU6-268P</b>	-0.41	2.84E-02	0.10	6.20E-01
<b>RNU6-548P</b>	0.08	6.94E-01	0.10	6.20E-01
<b>RP11-274B21.2</b>	-0.22	2.51E-01	-0.10	6.20E-01
<b>RP11-33E12.2</b>	0.00	9.94E-01	-0.10	6.20E-01
<b>RP11-386I23.1</b>	0.03	8.94E-01	0.10	6.20E-01
<b>RP11-477J21.6</b>	-0.23	2.30E-01	-0.10	6.20E-01
<b>RP11-516C1.1</b>	0.35	6.73E-02	0.10	6.20E-01
<b>RP11-550I24.2</b>	-0.12	5.42E-01	-0.10	6.20E-01
<b>RP11-574F11.3</b>	-0.19	3.46E-01	0.10	6.20E-01
<b>RP11-800A18.3</b>	-0.26	1.87E-01	-0.10	6.20E-01
<b>RP3-467K16.4</b>	0.18	3.59E-01	0.10	6.20E-01
<b>RTCA-AS1</b>	-0.22	2.68E-01	-0.10	6.20E-01
<b>SLAIN2</b>	0.05	8.10E-01	-0.10	6.20E-01
<b>SLC22A1</b>	-0.20	3.07E-01	-0.10	6.20E-01
<b>STK10</b>	-0.06	7.54E-01	0.10	6.20E-01
<b>TWIST2</b>	-0.27	1.71E-01	-0.10	6.20E-01
<b>VPS37B</b>	0.28	1.51E-01	0.10	6.20E-01
<b>AC055764.1</b>	0.01	9.43E-01	0.10	6.21E-01
<b>ALDH5A1</b>	0.32	9.59E-02	0.10	6.21E-01
<b>ATPAF2</b>	0.09	6.37E-01	-0.10	6.21E-01
<b>BCS1L</b>	-0.09	6.48E-01	0.10	6.21E-01
<b>BIRC3</b>	0.14	4.76E-01	0.10	6.21E-01
<b>C14orf142</b>	0.07	7.37E-01	0.10	6.21E-01
<b>C2CD4C</b>	-0.05	8.01E-01	-0.10	6.21E-01
<b>CHMP2A</b>	-0.07	7.30E-01	0.10	6.21E-01
<b>CNN2P1</b>	-0.17	3.96E-01	-0.10	6.21E-01
<b>DZIP3</b>	-0.09	6.32E-01	-0.10	6.21E-01
<b>FAM219A</b>	-0.03	8.85E-01	0.10	6.21E-01
<b>G34382</b>	-0.19	3.32E-01	-0.10	6.21E-01
<b>KCNH4</b>	0.00	9.87E-01	0.10	6.21E-01
<b>LINC01115</b>	-0.05	8.04E-01	-0.10	6.21E-01
<b>MIR26A2</b>	0.06	7.54E-01	-0.10	6.21E-01

MIR3162	-0.24	2.28E-01	-0.10	6.21E-01
MZB1	0.22	2.71E-01	0.10	6.21E-01
NBPF9	-0.09	6.34E-01	-0.10	6.21E-01
NPR1	-0.25	1.91E-01	0.10	6.21E-01
PIKFYVE	-0.14	4.88E-01	-0.10	6.21E-01
PTGS1	0.15	4.31E-01	-0.10	6.21E-01
RAPGEF3	-0.06	7.67E-01	-0.10	6.21E-01
RP11-115D19.2	0.01	9.60E-01	-0.10	6.21E-01
RP11-138B9.1	0.11	5.80E-01	-0.10	6.21E-01
RP11-405F3.5	0.02	9.27E-01	0.10	6.21E-01
RP11-467L13.5	-0.26	1.76E-01	0.10	6.21E-01
RP11-47G11.2	0.14	4.81E-01	-0.10	6.21E-01
RP3-425C14.6	-0.39	4.04E-02	-0.10	6.21E-01
RPL36AP43	-0.34	8.05E-02	0.10	6.21E-01
SH3BP5L	0.11	5.63E-01	0.10	6.21E-01
SLC25A36P1	0.25	1.92E-01	-0.10	6.21E-01
SLCO4A1-AS1	-0.38	4.49E-02	-0.10	6.21E-01
SPEN	0.02	9.17E-01	-0.10	6.21E-01
TIMMDC1	0.27	1.63E-01	0.10	6.21E-01
TMCC1-AS1	0.41	3.07E-02	0.10	6.21E-01
ZBTB25	0.10	6.27E-01	0.10	6.21E-01
ZFC3H1	-0.30	1.24E-01	0.10	6.21E-01
ABRACL	0.06	7.45E-01	-0.10	6.22E-01
AC006026.13	-0.13	5.26E-01	-0.10	6.22E-01
AC025335.1	-0.20	3.04E-01	-0.10	6.22E-01
AC092620.2	-0.36	5.88E-02	-0.10	6.22E-01
ACY1	0.45	1.53E-02	0.10	6.22E-01
ATXN1	0.08	7.04E-01	0.10	6.22E-01
C16orf58	-0.01	9.46E-01	0.10	6.22E-01
CCR7	0.16	4.20E-01	0.10	6.22E-01
CIR1	-0.01	9.47E-01	0.10	6.22E-01
DMPK	-0.08	6.74E-01	0.10	6.22E-01
DNAH1	-0.16	4.12E-01	-0.10	6.22E-01
DYNLT1	0.30	1.24E-01	0.10	6.22E-01
ETS2	-0.09	6.40E-01	0.10	6.22E-01
MIR3126	0.17	3.96E-01	0.10	6.22E-01
MIR5706	-0.18	3.70E-01	-0.10	6.22E-01
NKG7	0.19	3.44E-01	0.10	6.22E-01
PIN4P1	-0.18	3.49E-01	0.10	6.22E-01
PSME3	0.18	3.68E-01	0.10	6.22E-01
REXO2	0.09	6.64E-01	0.10	6.22E-01
RP1-153G14.4	0.13	5.23E-01	-0.10	6.22E-01
RP1-168P16.2	0.45	1.62E-02	0.10	6.22E-01
RP11-299P2.2	-0.09	6.50E-01	-0.10	6.22E-01
RP11-353N4.4	-0.12	5.38E-01	0.10	6.22E-01
RP11-371A22.1	-0.08	6.77E-01	0.10	6.22E-01
RP11-66B24.4	0.12	5.47E-01	0.10	6.22E-01

<b>RP4-545L17.11</b>	0.02	9.09E-01	0.10	6.22E-01
<b>RPL24P8</b>	0.14	4.79E-01	-0.10	6.22E-01
<b>RSL1D1</b>	0.04	8.21E-01	-0.10	6.22E-01
<b>SCN3A</b>	0.01	9.55E-01	0.10	6.22E-01
<b>SERPINB9P1</b>	0.12	5.33E-01	-0.10	6.22E-01
<b>SLC6A16</b>	0.16	4.03E-01	-0.10	6.22E-01
<b>TAS2R5</b>	-0.33	9.07E-02	-0.10	6.22E-01
<b>TRAF3IP2</b>	0.12	5.42E-01	0.10	6.22E-01
<b>VTRNA1-3</b>	0.04	8.23E-01	0.10	6.22E-01
<b>YTHDF1</b>	0.15	4.43E-01	0.10	6.22E-01
<b>YWHAB</b>	-0.02	9.13E-01	-0.10	6.22E-01
<b>Z97351.1</b>	-0.07	7.37E-01	-0.10	6.22E-01
<b>ZCCHC7</b>	-0.20	3.15E-01	-0.10	6.22E-01
<b>ZNF234</b>	0.17	3.92E-01	-0.10	6.22E-01
<b>AC005042.2</b>	-0.14	4.67E-01	0.10	6.23E-01
<b>AC105316.1</b>	-0.04	8.55E-01	0.10	6.23E-01
<b>AC105381.1</b>	0.29	1.36E-01	0.10	6.23E-01
<b>AC140479.1</b>	-0.11	5.86E-01	0.10	6.23E-01
<b>AGO2</b>	0.03	8.68E-01	-0.10	6.23E-01
<b>ARSK</b>	0.08	6.84E-01	-0.10	6.23E-01
<b>CHMP7</b>	0.03	8.85E-01	-0.10	6.23E-01
<b>CTD-2541J13.1</b>	0.02	9.39E-01	-0.10	6.23E-01
<b>CTGLF11P</b>	0.08	6.71E-01	-0.10	6.23E-01
<b>IPO11</b>	-0.02	9.32E-01	-0.10	6.23E-01
<b>JRKL</b>	0.06	7.66E-01	0.10	6.23E-01
<b>LINC00327</b>	-0.09	6.39E-01	-0.10	6.23E-01
<b>LINC01359</b>	-0.20	3.19E-01	-0.10	6.23E-01
<b>MFSD1</b>	0.24	2.22E-01	0.10	6.23E-01
<b>MIR421</b>	0.13	5.26E-01	0.10	6.23E-01
<b>OR2A3P</b>	-0.14	4.86E-01	0.10	6.23E-01
<b>RNA5SP297</b>	-0.22	2.63E-01	-0.10	6.23E-01
<b>RNF144B</b>	0.04	8.42E-01	0.10	6.23E-01
<b>RP1-97G4.1</b>	0.06	7.51E-01	-0.10	6.23E-01
<b>RP11-144F15.1</b>	-0.03	8.89E-01	-0.10	6.23E-01
<b>RP11-162G10.5</b>	-0.13	5.01E-01	-0.10	6.23E-01
<b>RP11-404P21.6</b>	-0.08	6.75E-01	0.10	6.23E-01
<b>RP11-712P20.2</b>	0.07	7.19E-01	-0.10	6.23E-01
<b>RP11-734K21.5</b>	-0.12	5.32E-01	-0.10	6.23E-01
<b>RTCB</b>	0.19	3.42E-01	0.10	6.23E-01
<b>SERPINB5</b>	-0.19	3.24E-01	-0.10	6.23E-01
<b>SOS2</b>	0.10	6.20E-01	-0.10	6.23E-01
<b>STMND1</b>	-0.18	3.68E-01	0.10	6.23E-01
<b>TRMT44</b>	0.26	1.90E-01	-0.10	6.23E-01
<b>UTP14C</b>	0.22	2.66E-01	-0.10	6.23E-01
<b>WDR89</b>	0.16	4.29E-01	-0.10	6.23E-01
<b>WFDC2</b>	0.13	5.25E-01	-0.10	6.23E-01
<b>XLOC_012288</b>	-0.04	8.43E-01	0.10	6.23E-01



AC009159.1	-0.15	4.39E-01	0.10	6.24E-01
AC016712.1	0.02	9.22E-01	-0.10	6.24E-01
AC079781.8	-0.27	1.63E-01	-0.10	6.24E-01
ALKBH6	0.15	4.42E-01	-0.10	6.24E-01
BORCS7	0.24	2.15E-01	-0.10	6.24E-01
CHM	0.00	9.87E-01	0.10	6.24E-01
CTC-786C10.1	0.16	4.04E-01	0.10	6.24E-01
CTD-2616J11.16	0.09	6.55E-01	0.10	6.24E-01
EIF4A2	-0.12	5.46E-01	-0.10	6.24E-01
ERICH2	0.10	5.95E-01	-0.10	6.24E-01
FAAH	-0.01	9.59E-01	0.10	6.24E-01
GEMIN2	-0.08	6.77E-01	-0.10	6.24E-01
KLHL23	0.00	9.99E-01	-0.10	6.24E-01
MAP3K1	0.34	7.39E-02	0.10	6.24E-01
MTND4LP7	-0.34	7.97E-02	0.10	6.24E-01
OR7E13P	-0.40	3.47E-02	0.10	6.24E-01
PHBP9	-0.09	6.58E-01	-0.10	6.24E-01
PPP2R2A	0.11	5.74E-01	0.10	6.24E-01
PTPRS	-0.09	6.42E-01	-0.10	6.24E-01
RAB7A	0.12	5.57E-01	0.10	6.24E-01
RN7SKP269	0.16	4.20E-01	0.10	6.24E-01
RN7SL753P	0.01	9.61E-01	0.10	6.24E-01
RP11-109G23.3	-0.02	9.05E-01	-0.10	6.24E-01
RP11-147L13.7	0.01	9.63E-01	-0.10	6.24E-01
RP11-210K20.6	-0.11	5.69E-01	-0.10	6.24E-01
RP11-426J5.2	0.02	9.34E-01	0.10	6.24E-01
RP11-77G23.5	0.01	9.46E-01	-0.10	6.24E-01
RP3-453I5.2	0.17	3.82E-01	0.10	6.24E-01
RPRD1A	0.19	3.36E-01	-0.10	6.24E-01
RPS27A	0.18	3.56E-01	-0.10	6.24E-01
RPS7P15	-0.30	1.21E-01	0.10	6.24E-01
SNORD70	-0.03	8.74E-01	-0.10	6.24E-01
TAS2R15P	0.03	8.65E-01	-0.10	6.24E-01
TPM3P7	-0.05	8.05E-01	-0.10	6.24E-01
UBE2Q2P1	-0.27	1.64E-01	0.10	6.24E-01
ZNF385D-AS1	-0.04	8.23E-01	-0.10	6.24E-01
DLG3-AS1	0.06	7.68E-01	-0.10	6.26E-01
GAS8	-0.22	2.62E-01	-0.10	6.26E-01
LCTL	-0.11	5.61E-01	-0.10	6.26E-01
NPTN-IT1	-0.18	3.52E-01	-0.10	6.26E-01
OSBP2	0.21	2.79E-01	-0.10	6.26E-01
PEPD	-0.09	6.42E-01	-0.10	6.26E-01
PRKG1	-0.10	6.07E-01	-0.10	6.26E-01
PRKRIR	0.08	6.89E-01	-0.10	6.26E-01
RP11-1277A3.1	-0.07	7.29E-01	-0.10	6.26E-01
RP11-266O8.1	0.20	3.16E-01	-0.10	6.26E-01
RP11-357N13.1	-0.46	1.37E-02	-0.10	6.26E-01

RP11-428P16.2	-0.19	3.44E-01	-0.10	6.26E-01
RP11-430B1.1	-0.10	6.18E-01	-0.10	6.26E-01
RP11-452K12.4	0.47	1.09E-02	-0.10	6.26E-01
RP4-591N18.2	-0.17	3.91E-01	-0.10	6.26E-01
SESTD1	-0.19	3.24E-01	-0.10	6.26E-01
SMIM22	0.00	9.94E-01	-0.10	6.26E-01
XLOC_014104	-0.40	3.35E-02	-0.10	6.26E-01
BPIFC	0.04	8.52E-01	0.10	6.26E-01
CTB-46B19.2	0.33	9.12E-02	0.10	6.26E-01
DKFZP434H168	0.02	9.11E-01	0.10	6.26E-01
EEF1D	0.13	5.22E-01	0.10	6.26E-01
KCP	-0.01	9.59E-01	0.10	6.26E-01
KIAA1033	0.33	8.75E-02	0.10	6.26E-01
KIZ	-0.11	5.74E-01	0.10	6.26E-01
MARCKSL1	0.02	9.33E-01	0.10	6.26E-01
NBEAP1	0.10	6.04E-01	0.10	6.26E-01
NHP2P1	0.05	8.13E-01	0.10	6.26E-01
NSRP1P1	-0.16	4.16E-01	0.10	6.26E-01
RP11-295D4.5	0.03	8.68E-01	0.10	6.26E-01
RP11-327E2.5	-0.01	9.79E-01	0.10	6.26E-01
RP11-415F23.4	0.03	8.85E-01	0.10	6.26E-01
RP11-467D6.1	-0.04	8.23E-01	0.10	6.26E-01
SELENBP1	-0.24	2.24E-01	0.10	6.26E-01
SRL	0.02	9.00E-01	0.10	6.26E-01
TPI1P3	0.18	3.63E-01	0.10	6.26E-01
ZHX1	0.13	5.12E-01	0.10	6.26E-01
ZNF75D	-0.03	8.65E-01	0.10	6.26E-01
AC083843.4	0.04	8.37E-01	-0.10	6.27E-01
AHSA2	-0.11	5.76E-01	-0.10	6.27E-01
C14orf166	-0.10	6.28E-01	-0.10	6.27E-01
CTA-113A6.2	-0.09	6.62E-01	-0.10	6.27E-01
CTD-2373J6.2	-0.10	6.29E-01	-0.10	6.27E-01
EP300-AS1	0.05	7.89E-01	0.10	6.27E-01
FBXO11	0.13	5.19E-01	-0.10	6.27E-01
KCNIP2	-0.23	2.32E-01	-0.10	6.27E-01
LINC00636	-0.05	7.97E-01	0.10	6.27E-01
LINC01278	0.20	2.99E-01	-0.10	6.27E-01
MEIS3P2	-0.06	7.69E-01	-0.10	6.27E-01
MMGT1	0.02	9.04E-01	-0.10	6.27E-01
MTMR11	-0.23	2.29E-01	-0.10	6.27E-01
Metazoa_SRP	0.31	1.04E-01	-0.10	6.27E-01
NDUFS5	0.05	7.88E-01	0.10	6.27E-01
PLS1	0.32	9.84E-02	-0.10	6.27E-01
PYCR1	0.15	4.32E-01	0.10	6.27E-01
RAD17P2	-0.10	6.23E-01	-0.10	6.27E-01
RASGRP3	-0.15	4.59E-01	0.10	6.27E-01
RASSF6	-0.01	9.50E-01	-0.10	6.27E-01

<b>RNY4</b>	0.24	2.20E-01	-0.10	6.27E-01
<b>RP11-264L1.4</b>	0.13	5.20E-01	0.10	6.27E-01
<b>RP11-326C3.7</b>	-0.02	9.01E-01	0.10	6.27E-01
<b>RP11-434E6.2</b>	-0.12	5.48E-01	-0.10	6.27E-01
<b>RP11-511I11.2</b>	-0.11	5.90E-01	-0.10	6.27E-01
<b>RP11-61K9.3</b>	0.25	1.92E-01	0.10	6.27E-01
<b>RP11-787D18.1</b>	-0.03	8.65E-01	0.10	6.27E-01
<b>RP11-996F15.4</b>	0.11	5.68E-01	0.10	6.27E-01
<b>RP5-1116H23.4</b>	-0.22	2.59E-01	-0.10	6.27E-01
<b>RP5-875H18.9</b>	-0.01	9.42E-01	-0.10	6.27E-01
<b>RSF1</b>	-0.23	2.50E-01	-0.10	6.27E-01
<b>SLC25A5P1</b>	-0.42	2.75E-02	0.10	6.27E-01
<b>TPT1-AS1</b>	-0.43	2.26E-02	-0.10	6.27E-01
<b>VWCE</b>	-0.23	2.43E-01	-0.10	6.27E-01
<b>XCL1</b>	0.11	5.67E-01	0.10	6.27E-01
<b>ZNF99</b>	0.00	9.81E-01	-0.10	6.27E-01
<b>ZZZ3</b>	0.02	9.04E-01	-0.10	6.27E-01
<b>AC008671.1</b>	-0.14	4.84E-01	-0.10	6.28E-01
<b>ADAMTS8</b>	-0.37	5.16E-02	-0.10	6.28E-01
<b>ARPC5</b>	0.11	5.65E-01	-0.10	6.28E-01
<b>CARF</b>	-0.12	5.47E-01	0.10	6.28E-01
<b>CHMP4A</b>	0.15	4.31E-01	-0.10	6.28E-01
<b>CMSS1</b>	-0.04	8.32E-01	-0.10	6.28E-01
<b>CTC-571O20.1</b>	0.21	2.94E-01	-0.10	6.28E-01
<b>CTD-2376I20.1</b>	-0.14	4.82E-01	0.10	6.28E-01
<b>EMCN</b>	-0.11	5.81E-01	-0.10	6.28E-01
<b>FAM86JP</b>	0.33	8.24E-02	0.10	6.28E-01
<b>FXD2</b>	0.11	5.88E-01	-0.10	6.28E-01
<b>G12855</b>	-0.02	9.08E-01	0.10	6.28E-01
<b>GOLGA4</b>	-0.02	9.12E-01	-0.10	6.28E-01
<b>HHLA3</b>	-0.15	4.40E-01	0.10	6.28E-01
<b>KLF7-IT1</b>	0.02	9.12E-01	0.10	6.28E-01
<b>NOP14</b>	0.14	4.66E-01	-0.10	6.28E-01
<b>NPHP4</b>	-0.06	7.60E-01	-0.10	6.28E-01
<b>NRGN</b>	0.16	4.06E-01	0.10	6.28E-01
<b>OIP5</b>	0.08	6.82E-01	0.10	6.28E-01
<b>OTUB1</b>	0.17	3.88E-01	0.10	6.28E-01
<b>PCOLCE2</b>	-0.36	5.68E-02	0.10	6.28E-01
<b>POP5</b>	0.14	4.72E-01	0.10	6.28E-01
<b>RN7SL650P</b>	-0.08	6.80E-01	0.10	6.28E-01
<b>RP11-110I1.11</b>	-0.02	9.02E-01	-0.10	6.28E-01
<b>RP11-27M24.2</b>	-0.14	4.86E-01	-0.10	6.28E-01
<b>RP11-390G14.1</b>	-0.39	4.01E-02	-0.10	6.28E-01
<b>RP11-397P13.7</b>	0.19	3.41E-01	-0.10	6.28E-01
<b>RP11-673E1.1</b>	0.02	9.06E-01	0.10	6.28E-01
<b>RP11-730K11.1</b>	-0.13	4.95E-01	-0.10	6.28E-01
<b>RP11-770J1.7</b>	0.12	5.57E-01	-0.10	6.28E-01

RPL7AP65	-0.39	4.07E-02	-0.10	6.28E-01
SNORD114-20	-0.27	1.59E-01	-0.10	6.28E-01
TCFL5	-0.06	7.68E-01	-0.10	6.28E-01
TEX26-AS1	-0.13	5.19E-01	-0.10	6.28E-01
VDAC2	0.20	3.17E-01	-0.10	6.28E-01
XLOC_008785	-0.05	8.09E-01	-0.10	6.28E-01
XXbac-B135H6.15	-0.18	3.50E-01	0.10	6.28E-01
ZNF830	0.05	8.15E-01	-0.10	6.28E-01
AF131215.1	-0.01	9.71E-01	-0.10	6.29E-01
ARHGAP23	0.23	2.43E-01	-0.10	6.29E-01
BICC1	-0.37	5.33E-02	-0.10	6.29E-01
C5orf42	-0.16	4.06E-01	0.10	6.29E-01
CACYBPP2	0.00	9.85E-01	-0.10	6.29E-01
CBWD3	-0.07	7.32E-01	-0.10	6.29E-01
CCDC73	-0.30	1.20E-01	-0.10	6.29E-01
CD300LB	-0.19	3.31E-01	-0.10	6.29E-01
CDK5RAP3	-0.12	5.53E-01	-0.10	6.29E-01
CDX4	0.01	9.53E-01	0.10	6.29E-01
CTD-2026D20.2	-0.18	3.67E-01	0.10	6.29E-01
CTD-2587H19.3	-0.19	3.45E-01	-0.10	6.29E-01
FUOM	-0.05	8.16E-01	0.10	6.29E-01
G18345	0.11	5.64E-01	0.10	6.29E-01
G34171	-0.24	2.11E-01	0.10	6.29E-01
G34929	0.13	4.97E-01	0.10	6.29E-01
HIGD1B	-0.36	5.70E-02	0.10	6.29E-01
HSPA8P15	0.20	3.19E-01	-0.10	6.29E-01
IPO9	0.02	9.37E-01	-0.10	6.29E-01
MAPK10	0.02	9.31E-01	0.10	6.29E-01
MED9	0.15	4.60E-01	0.10	6.29E-01
MIR604	0.01	9.76E-01	0.10	6.29E-01
NAPB	-0.20	3.03E-01	-0.10	6.29E-01
PCDHB15	-0.19	3.39E-01	-0.10	6.29E-01
PPP6R3	0.18	3.64E-01	-0.10	6.29E-01
RAB3C	0.06	7.67E-01	-0.10	6.29E-01
RFX3-AS1	0.00	9.83E-01	-0.10	6.29E-01
RIC8A	0.01	9.40E-01	0.10	6.29E-01
RN7SL21P	0.04	8.59E-01	-0.10	6.29E-01
RNU1-63P	0.13	4.96E-01	0.10	6.29E-01
RNU6-470P	0.09	6.34E-01	-0.10	6.29E-01
RP11-206L10.8	0.04	8.46E-01	-0.10	6.29E-01
RP11-339B21.10	0.05	8.07E-01	0.10	6.29E-01
RP11-357D18.1	0.01	9.74E-01	0.10	6.29E-01
RP11-395N3.1	-0.28	1.49E-01	-0.10	6.29E-01
RP11-442G21.2	0.06	7.80E-01	0.10	6.29E-01
RP11-46I1.1	0.01	9.79E-01	0.10	6.29E-01
RP11-512N21.3	0.32	9.87E-02	0.10	6.29E-01
RP11-52A20.2	-0.23	2.37E-01	0.10	6.29E-01

RP11-97N19.2	0.21	2.88E-01	0.10	6.29E-01
RP5-1042K10.12	0.01	9.79E-01	-0.10	6.29E-01
RWDD2A	-0.31	1.13E-01	0.10	6.29E-01
SP3	0.11	5.65E-01	-0.10	6.29E-01
TBC1D5	-0.09	6.66E-01	-0.10	6.29E-01
TCP11	0.25	1.97E-01	0.10	6.29E-01
TGFB3	-0.32	1.00E-01	0.10	6.29E-01
TIMM9	-0.12	5.41E-01	-0.10	6.29E-01
TLK2P1	0.06	7.72E-01	0.10	6.29E-01
TMEM100	0.24	2.27E-01	-0.10	6.29E-01
TMEM61	-0.16	4.24E-01	0.10	6.29E-01
U8	-0.15	4.49E-01	-0.10	6.29E-01
UBA6-AS1	0.12	5.32E-01	0.10	6.29E-01
ZFAND1	0.28	1.54E-01	-0.10	6.29E-01
AC079305.10	0.20	3.11E-01	-0.10	6.30E-01
AC092641.2	0.05	8.01E-01	0.10	6.30E-01
ADAMTS18	-0.06	7.58E-01	0.10	6.30E-01
AFG3L2	0.16	4.24E-01	-0.10	6.30E-01
AGO1	0.08	6.75E-01	0.10	6.30E-01
ATF3	-0.22	2.56E-01	0.10	6.30E-01
ATP6V1A	0.25	1.92E-01	0.10	6.30E-01
BAZ1A	0.27	1.63E-01	0.10	6.30E-01
CABYR	-0.24	2.21E-01	0.10	6.30E-01
CDCA7L	0.03	8.69E-01	-0.10	6.30E-01
CNOT1	0.06	7.78E-01	0.10	6.30E-01
DHPS	-0.25	1.99E-01	0.10	6.30E-01
FBXO15	0.13	4.98E-01	0.10	6.30E-01
FCGR2C	0.09	6.50E-01	0.10	6.30E-01
G230	-0.02	9.15E-01	0.10	6.30E-01
GS1-358P8.4	0.14	4.79E-01	0.10	6.30E-01
HERC5	0.25	2.00E-01	0.10	6.30E-01
INTS4P2	0.16	4.19E-01	-0.10	6.30E-01
JADE3	0.12	5.54E-01	-0.10	6.30E-01
LATS1	-0.11	5.69E-01	-0.10	6.30E-01
LINC00324	-0.05	7.86E-01	0.10	6.30E-01
MIR505	-0.05	8.07E-01	0.10	6.30E-01
MTR	0.06	7.47E-01	-0.10	6.30E-01
NGF	-0.03	8.87E-01	-0.10	6.30E-01
RNASSET2	0.48	9.70E-03	0.10	6.30E-01
RNF32	-0.14	4.88E-01	-0.10	6.30E-01
RNU6-282P	0.08	7.00E-01	0.10	6.30E-01
RNVU1-13	-0.14	4.66E-01	-0.10	6.30E-01
RP11-126L15.4	-0.01	9.47E-01	0.10	6.30E-01
RP11-1336O20.2	0.00	9.90E-01	-0.10	6.30E-01
RP11-242D8.1	-0.38	4.85E-02	-0.10	6.30E-01
RP11-421E14.2	-0.15	4.37E-01	-0.10	6.30E-01
RP11-597D13.9	-0.26	1.82E-01	0.10	6.30E-01

RP11-677M14.2	0.23	2.35E-01	-0.10	6.30E-01
RP11-69E11.8	0.20	3.06E-01	-0.10	6.30E-01
RP11-707O23.5	0.09	6.54E-01	0.10	6.30E-01
SEZ6	0.07	7.40E-01	0.10	6.30E-01
SIAH2	0.18	3.67E-01	0.10	6.30E-01
SLC26A10	-0.25	2.07E-01	-0.10	6.30E-01
STARD13-IT1	-0.02	9.24E-01	0.10	6.30E-01
TBRG4	0.04	8.56E-01	0.10	6.30E-01
TMED9	0.17	3.75E-01	0.10	6.30E-01
ZMAT1	-0.24	2.14E-01	-0.10	6.30E-01
AC116614.1	-0.02	9.27E-01	-0.10	6.31E-01
BIRC6-AS2	0.13	5.10E-01	-0.10	6.31E-01
BTF3L4P1	0.07	7.19E-01	0.10	6.31E-01
DPF3	-0.03	8.92E-01	0.10	6.31E-01
EWSR1	0.11	5.75E-01	0.10	6.31E-01
FAM161A	-0.09	6.35E-01	-0.10	6.31E-01
LILRA6	0.06	7.81E-01	0.10	6.31E-01
LINC01290	-0.18	3.52E-01	-0.10	6.31E-01
MALSU1	0.13	5.20E-01	0.10	6.31E-01
RBBP4P1	-0.31	1.04E-01	0.10	6.31E-01
RP11-110H1.4	0.22	2.67E-01	-0.10	6.31E-01
RP11-278J6.4	-0.37	5.01E-02	-0.10	6.31E-01
RP11-439L18.1	-0.10	5.98E-01	0.10	6.31E-01
RP11-473M20.16	0.20	3.08E-01	0.10	6.31E-01
RP11-474P2.6	-0.32	9.45E-02	-0.10	6.31E-01
RP11-709D24.6	0.00	1.00E+00	-0.10	6.31E-01
RRAGA	0.27	1.60E-01	0.10	6.31E-01
SCARNA23	0.06	7.72E-01	0.10	6.31E-01
SOX17	-0.40	3.28E-02	0.10	6.31E-01
UBQLN2	0.12	5.28E-01	0.10	6.31E-01
UFC1	-0.01	9.60E-01	0.10	6.31E-01
XLOC_001200	-0.15	4.51E-01	-0.10	6.31E-01
AC026904.1	0.40	3.65E-02	0.10	6.32E-01
AD001527.7	0.29	1.28E-01	0.10	6.32E-01
ADRBK2	-0.01	9.59E-01	0.10	6.32E-01
ATP7A	0.05	7.94E-01	-0.10	6.32E-01
CACNA1F	0.01	9.50E-01	0.10	6.32E-01
CCDC18	0.15	4.40E-01	-0.10	6.32E-01
CDC37	0.19	3.22E-01	0.10	6.32E-01
DDX39B	-0.12	5.59E-01	-0.10	6.32E-01
ERAP2	0.10	6.02E-01	-0.10	6.32E-01
FAM120B	-0.03	8.62E-01	0.10	6.32E-01
FANCG	-0.09	6.57E-01	-0.10	6.32E-01
GPS1	0.09	6.60E-01	0.10	6.32E-01
KARS	0.02	9.21E-01	-0.10	6.32E-01
KRTAP10-11	-0.23	2.29E-01	-0.10	6.32E-01
KRTAP4-7	-0.24	2.15E-01	0.10	6.32E-01

MIR4319	-0.03	8.94E-01	-0.10	6.32E-01
MIR643	-0.05	8.13E-01	-0.10	6.32E-01
NID2	-0.05	8.07E-01	0.10	6.32E-01
OLFML2B	-0.23	2.37E-01	0.10	6.32E-01
PICALM	0.26	1.80E-01	0.10	6.32E-01
PKP3	0.01	9.79E-01	0.10	6.32E-01
PPP1R14B	0.00	9.86E-01	-0.10	6.32E-01
PRKAG1	0.16	4.09E-01	0.10	6.32E-01
PXK	0.13	5.01E-01	-0.10	6.32E-01
RAD54B	0.12	5.59E-01	-0.10	6.32E-01
RP11-1094M14.5	0.01	9.53E-01	0.10	6.32E-01
RP11-1319K7.1	-0.27	1.70E-01	-0.10	6.32E-01
RP11-311P8.2	-0.27	1.58E-01	0.10	6.32E-01
RP11-435O5.5	-0.18	3.46E-01	0.10	6.32E-01
RP11-482E14.1	-0.21	2.85E-01	-0.10	6.32E-01
RP11-484D2.4	-0.35	6.64E-02	-0.10	6.32E-01
RP11-544I20.2	-0.28	1.45E-01	-0.10	6.32E-01
RP5-1065P14.3	-0.14	4.91E-01	-0.10	6.32E-01
SLC35F6	-0.06	7.80E-01	0.10	6.32E-01
THRA1/BTR	-0.11	5.63E-01	0.10	6.32E-01
UNC45A	0.13	5.15E-01	0.10	6.32E-01
ZNF45	0.06	7.60E-01	-0.10	6.32E-01
ZNF670	0.03	8.88E-01	-0.10	6.32E-01
ZNRD1-AS1	0.15	4.51E-01	-0.10	6.32E-01
AC114763.1	-0.17	3.89E-01	-0.10	6.33E-01
CNTLN	-0.37	5.21E-02	-0.10	6.33E-01
CTC-251D13.1	0.09	6.50E-01	-0.10	6.33E-01
FAM221B	-0.13	4.98E-01	-0.10	6.33E-01
MIR1278	0.33	9.12E-02	-0.10	6.33E-01
PLOD2	0.02	9.38E-01	-0.10	6.33E-01
RNU7-48P	0.14	4.70E-01	-0.10	6.33E-01
RP1-29C18.10	-0.03	8.89E-01	-0.10	6.33E-01
RP11-115L11.1	0.26	1.83E-01	-0.10	6.33E-01
RP11-144H23.2	-0.15	4.39E-01	-0.10	6.33E-01
RP11-219E7.2	-0.06	7.52E-01	-0.10	6.33E-01
RP11-520H14.7	-0.15	4.60E-01	-0.10	6.33E-01
RP11-567M16.1	-0.23	2.41E-01	-0.10	6.33E-01
RP11-722E23.2	-0.13	5.19E-01	-0.10	6.33E-01
RPL10AP2	0.27	1.71E-01	-0.10	6.33E-01
RPL9	0.19	3.36E-01	-0.10	6.33E-01
SNORA81	0.01	9.48E-01	-0.10	6.33E-01
TSSK4	-0.51	5.98E-03	-0.10	6.33E-01
XLOC_007614	-0.09	6.59E-01	-0.10	6.33E-01
AAGAB	0.11	5.74E-01	0.10	6.33E-01
AC018442.1	-0.04	8.39E-01	0.10	6.33E-01
ACTR3B	-0.17	3.85E-01	0.10	6.33E-01
ARL16	-0.20	3.05E-01	0.10	6.33E-01

CKMT2	0.16	4.16E-01	0.10	6.33E-01
FLJ22447	0.31	1.07E-01	0.10	6.33E-01
G26054	0.38	4.37E-02	0.10	6.33E-01
GOLGA6L5P	-0.28	1.48E-01	0.10	6.33E-01
KRTAP4-3	-0.22	2.51E-01	0.10	6.33E-01
MT-ND2	0.30	1.20E-01	0.10	6.33E-01
PMS2P11	0.16	4.06E-01	0.10	6.33E-01
RAB27A	0.28	1.56E-01	0.10	6.33E-01
RP11-181E10.3	-0.27	1.61E-01	0.10	6.33E-01
RP11-223A3.1	0.16	4.21E-01	0.10	6.33E-01
RP11-246A10.1	-0.04	8.22E-01	0.10	6.33E-01
S100A4	-0.08	6.86E-01	0.10	6.33E-01
VPS4A	0.22	2.66E-01	0.10	6.33E-01
AC005251.3	0.05	8.12E-01	0.10	6.34E-01
AC091878.1	-0.33	8.24E-02	-0.10	6.34E-01
AC092171.2	-0.06	7.68E-01	-0.10	6.34E-01
AC093110.3	-0.17	3.99E-01	-0.10	6.34E-01
AC093620.5	0.05	7.91E-01	-0.10	6.34E-01
CAPN10-AS1	0.02	9.11E-01	-0.10	6.34E-01
CASC11	0.18	3.54E-01	-0.10	6.34E-01
CLEC9A	-0.05	8.14E-01	0.10	6.34E-01
CPNE1	-0.04	8.23E-01	0.10	6.34E-01
CTD-2560E9.3	-0.18	3.61E-01	-0.10	6.34E-01
DUSP4	0.15	4.55E-01	-0.10	6.34E-01
EIF1P7	-0.11	5.91E-01	0.10	6.34E-01
EIF4G2	0.23	2.44E-01	0.10	6.34E-01
G11773	0.19	3.39E-01	0.10	6.34E-01
GAPDHP14	0.08	6.86E-01	-0.10	6.34E-01
GBP6	0.08	6.84E-01	0.10	6.34E-01
HTR1DP1	-0.19	3.44E-01	-0.10	6.34E-01
KIAA0930	0.15	4.54E-01	0.10	6.34E-01
KRT2	-0.11	5.77E-01	0.10	6.34E-01
KRT72	-0.26	1.83E-01	-0.10	6.34E-01
MAPK4	-0.04	8.55E-01	-0.10	6.34E-01
MCRS1	0.11	5.65E-01	0.10	6.34E-01
MIP	0.02	9.13E-01	0.10	6.34E-01
MRAS	-0.23	2.41E-01	-0.10	6.34E-01
NSDHL	0.12	5.45E-01	0.10	6.34E-01
NUDC	-0.12	5.43E-01	-0.10	6.34E-01
POLG	-0.02	9.29E-01	0.10	6.34E-01
RAB1B	0.22	2.66E-01	0.10	6.34E-01
RN7SL23P	0.18	3.72E-01	-0.10	6.34E-01
RNU7-71P	0.05	7.88E-01	-0.10	6.34E-01
RP11-418J17.1	0.26	1.85E-01	0.10	6.34E-01
RP11-552M6.1	-0.11	5.92E-01	0.10	6.34E-01
RP11-692D12.1	-0.37	5.27E-02	-0.10	6.34E-01
RP11-752G15.8	0.02	9.02E-01	0.10	6.34E-01



RPL9P29	0.05	7.95E-01	-0.10	6.34E-01
RPRD1B	0.20	3.16E-01	-0.10	6.34E-01
SPRED2	-0.17	3.94E-01	0.10	6.34E-01
U91328.19	-0.07	7.19E-01	0.10	6.34E-01
XLOC_010205	-0.22	2.67E-01	0.10	6.34E-01
CTC-435M10.10	-0.39	4.28E-02	0.10	6.35E-01
RP11-265F19.1	0.14	4.70E-01	0.10	6.35E-01
RP11-2N1.2	-0.15	4.57E-01	0.10	6.35E-01
RP11-407N8.6	-0.32	9.42E-02	0.10	6.35E-01
SLC16A5	-0.27	1.67E-01	0.10	6.35E-01
ST6GALNAC4P1	0.05	8.10E-01	0.10	6.35E-01
TUBA4A	0.26	1.86E-01	0.10	6.35E-01
AC007292.3	0.11	5.63E-01	-0.10	6.35E-01
AC013264.2	-0.19	3.29E-01	-0.10	6.35E-01
ANGPTL7	-0.16	4.22E-01	-0.10	6.35E-01
DCLK1	-0.18	3.57E-01	-0.10	6.35E-01
FSCN2	0.00	9.88E-01	-0.10	6.35E-01
HCG4P7	-0.21	2.78E-01	-0.10	6.35E-01
LINC00272	-0.06	7.73E-01	-0.10	6.35E-01
OGFOD1	0.06	7.62E-01	-0.10	6.35E-01
RNA5SP187	-0.05	8.09E-01	-0.10	6.35E-01
RNF216	0.02	9.26E-01	-0.10	6.35E-01
RP11-164J13.1	-0.12	5.31E-01	-0.10	6.35E-01
RP11-264J4.10	0.14	4.89E-01	-0.10	6.35E-01
RP11-432J22.2	0.11	5.63E-01	-0.10	6.35E-01
RP3-523E19.2	0.01	9.70E-01	-0.10	6.35E-01
RP5-1198O20.4	-0.14	4.74E-01	-0.10	6.35E-01
STT3A-AS1	0.16	4.23E-01	-0.10	6.35E-01
TYRO3P	0.06	7.45E-01	-0.10	6.35E-01
UBE2D4	0.11	5.74E-01	-0.10	6.35E-01
AL137846.1	-0.06	7.52E-01	-0.10	6.36E-01
FAM21C	-0.18	3.68E-01	-0.10	6.36E-01
FRY	0.10	5.95E-01	-0.10	6.36E-01
GPX7	0.12	5.41E-01	-0.10	6.36E-01
HLA-Z	0.32	9.71E-02	-0.10	6.36E-01
IL17A	0.39	4.10E-02	-0.10	6.36E-01
IQUB	-0.25	2.06E-01	-0.10	6.36E-01
LHFP	-0.38	4.76E-02	-0.10	6.36E-01
MIR635	-0.15	4.59E-01	-0.10	6.36E-01
ORC5	0.26	1.83E-01	-0.10	6.36E-01
REM2	-0.32	9.24E-02	-0.10	6.36E-01
RP11-298J23.5	-0.15	4.61E-01	-0.10	6.36E-01
RP11-759F5.1	0.00	1.00E+00	-0.10	6.36E-01
RP4-800G7.3	-0.08	6.81E-01	-0.10	6.36E-01
S100A6	0.04	8.39E-01	-0.10	6.36E-01
STK32B	-0.05	8.17E-01	-0.10	6.36E-01
TRMT12	0.16	4.13E-01	-0.10	6.36E-01

VAC14-AS1	-0.06	7.73E-01	-0.10	6.36E-01
AC004017.1	0.10	6.11E-01	0.10	6.36E-01
CCND3	0.14	4.65E-01	0.10	6.36E-01
COPS7B	-0.04	8.44E-01	0.10	6.36E-01
COX6B2	-0.39	4.28E-02	0.10	6.36E-01
CTD-2231H16.1	-0.02	9.34E-01	0.10	6.36E-01
CTD-3105H18.11	-0.13	4.99E-01	0.10	6.36E-01
GALNT5	0.33	8.59E-02	0.10	6.36E-01
GRPEL1	0.17	3.95E-01	0.10	6.36E-01
HCN3	-0.32	9.96E-02	0.10	6.36E-01
HSF1	0.10	5.99E-01	0.10	6.36E-01
LIN7B	-0.34	8.08E-02	0.10	6.36E-01
MMP7	-0.15	4.60E-01	0.10	6.36E-01
RP3-402G11.25	-0.09	6.38E-01	0.10	6.36E-01
RPL41P2	-0.21	2.92E-01	0.10	6.36E-01
SIM1	0.01	9.78E-01	0.10	6.36E-01
ZNF831	0.19	3.30E-01	0.10	6.36E-01
AC007365.4	0.16	4.14E-01	-0.09	6.37E-01
BET1	0.14	4.70E-01	0.09	6.37E-01
C19orf60	-0.11	5.86E-01	0.09	6.37E-01
CEACAMP8	0.36	6.13E-02	-0.09	6.37E-01
CECR2	-0.10	6.24E-01	-0.09	6.37E-01
CERCAM	-0.30	1.25E-01	0.09	6.37E-01
CSRNP3	0.06	7.65E-01	-0.09	6.37E-01
CTC-398G3.2	0.19	3.37E-01	-0.09	6.37E-01
DAB2	-0.31	1.13E-01	-0.09	6.37E-01
EPC1	-0.11	5.82E-01	-0.09	6.37E-01
G22291	-0.29	1.31E-01	-0.09	6.37E-01
HES6	0.17	3.88E-01	0.09	6.37E-01
HIST1H3I	-0.10	6.07E-01	0.09	6.37E-01
HMG2P3	0.21	2.90E-01	-0.09	6.37E-01
HNRNPA1P36	-0.02	9.25E-01	-0.09	6.37E-01
HYI-AS1	-0.02	9.05E-01	-0.09	6.37E-01
MORN1	0.21	2.73E-01	0.09	6.37E-01
NANOS3	-0.01	9.43E-01	-0.09	6.37E-01
NR4A3	0.24	2.23E-01	0.09	6.37E-01
PECR	-0.29	1.40E-01	-0.09	6.37E-01
PPARA	0.35	6.64E-02	-0.09	6.37E-01
PPP4R1L	-0.16	4.25E-01	-0.09	6.37E-01
RAP1A	-0.14	4.86E-01	-0.09	6.37E-01
RASA4CP	0.16	4.24E-01	0.09	6.37E-01
RCCD1	0.10	6.22E-01	0.09	6.37E-01
RP11-257O5.4	0.17	3.76E-01	-0.09	6.37E-01
RP11-449L23.3	-0.17	3.77E-01	-0.09	6.37E-01
RP3-527G5.1	0.15	4.33E-01	0.09	6.37E-01
RP4-752I6.1	-0.03	8.61E-01	-0.09	6.37E-01
WDR47	-0.18	3.60E-01	-0.09	6.37E-01

AC020900.2	0.19	3.37E-01	0.09	6.39E-01
APOBEC3A	-0.11	5.92E-01	0.09	6.39E-01
BRMS1L	0.24	2.22E-01	-0.09	6.39E-01
CRYBG3	-0.19	3.31E-01	-0.09	6.39E-01
CYP2D6	-0.18	3.66E-01	-0.09	6.39E-01
DHX8	0.04	8.21E-01	0.09	6.39E-01
DPH3	0.00	9.90E-01	0.09	6.39E-01
DYNC1LI2	-0.11	5.75E-01	0.09	6.39E-01
FTO-IT1	-0.11	5.73E-01	-0.09	6.39E-01
G32306	-0.19	3.37E-01	0.09	6.39E-01
HECW1	0.05	7.83E-01	0.09	6.39E-01
HNRNPU	0.04	8.38E-01	-0.09	6.39E-01
IL6	0.01	9.42E-01	-0.09	6.39E-01
MIR211	0.05	7.84E-01	-0.09	6.39E-01
MPDZ	-0.39	4.20E-02	-0.09	6.39E-01
NKTR	-0.13	5.21E-01	-0.09	6.39E-01
PACERR	-0.03	8.71E-01	-0.09	6.39E-01
PON2	0.37	5.33E-02	0.09	6.39E-01
RNA5SP317	-0.01	9.77E-01	-0.09	6.39E-01
RNF220	0.07	7.22E-01	-0.09	6.39E-01
RP1-28O10.1	-0.29	1.38E-01	0.09	6.39E-01
RP11-1299A16.3	-0.03	8.80E-01	-0.09	6.39E-01
RP11-19E11.1	-0.03	8.67E-01	0.09	6.39E-01
RP11-22P6.2	0.10	6.18E-01	-0.09	6.39E-01
RP11-276H7.2	-0.01	9.70E-01	0.09	6.39E-01
RP11-47A8.5	0.11	5.63E-01	0.09	6.39E-01
RP11-713D19.1	-0.14	4.66E-01	-0.09	6.39E-01
RP4-687K1.2	-0.27	1.72E-01	0.09	6.39E-01
SGSM2	0.14	4.70E-01	-0.09	6.39E-01
TGFBRAP1	-0.03	8.68E-01	-0.09	6.39E-01
TRAJ9	0.33	9.09E-02	0.09	6.39E-01
TRAM2	-0.14	4.90E-01	0.09	6.39E-01
TXNIP	0.07	7.16E-01	0.09	6.39E-01
VN2R17P	0.13	5.17E-01	0.09	6.39E-01
XLOC_004182	0.31	1.09E-01	-0.09	6.39E-01
ZNF644	0.08	6.88E-01	-0.09	6.39E-01
AC009120.3	-0.26	1.83E-01	-0.09	6.40E-01
AC012363.8	-0.30	1.22E-01	-0.09	6.40E-01
ARHGAP26	-0.28	1.49E-01	-0.09	6.40E-01
DENND6A-AS1	-0.21	2.73E-01	-0.09	6.40E-01
HDAC4	0.12	5.27E-01	0.09	6.40E-01
KDM3B	-0.03	8.87E-01	-0.09	6.40E-01
LINC00482	-0.46	1.27E-02	0.09	6.40E-01
MIR342	-0.05	7.93E-01	0.09	6.40E-01
MOB1A	0.17	3.87E-01	-0.09	6.40E-01
NKRF	0.23	2.37E-01	-0.09	6.40E-01
NRAS	0.00	9.88E-01	-0.09	6.40E-01

PCDHGB1	0.08	6.99E-01	0.09	6.40E-01
PI4KAP1	-0.20	3.17E-01	-0.09	6.40E-01
RP11-307C12.13	0.11	5.80E-01	0.09	6.40E-01
RP11-45M22.5	-0.10	6.02E-01	0.09	6.40E-01
RP11-498D10.5	0.06	7.65E-01	0.09	6.40E-01
RP11-583F2.5	0.10	5.97E-01	-0.09	6.40E-01
RP11-616M22.3	0.01	9.59E-01	-0.09	6.40E-01
SUZ12P1	0.20	3.05E-01	-0.09	6.40E-01
TM4SF19-AS1	0.10	6.30E-01	-0.09	6.40E-01
TMEM156	0.30	1.23E-01	-0.09	6.40E-01
UBXN2A	0.19	3.29E-01	-0.09	6.40E-01
VAT1L	0.04	8.53E-01	-0.09	6.40E-01
XLOC_009724	-0.17	3.89E-01	-0.09	6.40E-01
AC000078.5	0.35	6.52E-02	0.09	6.41E-01
AC105760.3	-0.37	5.52E-02	-0.09	6.41E-01
ALDOC	-0.03	8.80E-01	0.09	6.41E-01
BBS7	-0.08	6.90E-01	-0.09	6.41E-01
BCL6B	0.00	9.85E-01	0.09	6.41E-01
BVES	0.03	8.88E-01	0.09	6.41E-01
C8orf88	-0.17	3.76E-01	0.09	6.41E-01
CACNA1I	-0.11	5.65E-01	-0.09	6.41E-01
CCDC169	0.16	4.12E-01	-0.09	6.41E-01
G22135	0.08	7.04E-01	-0.09	6.41E-01
G32325	-0.22	2.57E-01	-0.09	6.41E-01
HNRNPUL2-BSCL2	0.15	4.49E-01	0.09	6.41E-01
KIF16B	-0.51	5.53E-03	-0.09	6.41E-01
MIR378A	0.19	3.24E-01	0.09	6.41E-01
NMUR1	-0.22	2.50E-01	-0.09	6.41E-01
RN7SL577P	-0.10	6.22E-01	-0.09	6.41E-01
RP11-131L12.2	0.18	3.65E-01	-0.09	6.41E-01
RP11-160E2.6	0.25	1.95E-01	0.09	6.41E-01
RP11-255E6.6	0.14	4.77E-01	-0.09	6.41E-01
RP11-382A20.1	0.09	6.35E-01	0.09	6.41E-01
RP11-502N13.2	0.12	5.28E-01	0.09	6.41E-01
RP11-757G1.5	0.09	6.63E-01	-0.09	6.41E-01
RP11-93O14.3	-0.22	2.66E-01	-0.09	6.41E-01
RP11-96D1.6	0.42	2.53E-02	-0.09	6.41E-01
RP5-1024G6.2	-0.27	1.71E-01	0.09	6.41E-01
RP5-1125A11.4	-0.10	6.04E-01	-0.09	6.41E-01
RP5-844F9.1	-0.17	3.93E-01	-0.09	6.41E-01
RPL23AP50	-0.01	9.57E-01	0.09	6.41E-01
RPS6KB1	0.22	2.62E-01	-0.09	6.41E-01
RYKP1	0.01	9.57E-01	-0.09	6.41E-01
2-Sep	0.18	3.52E-01	-0.09	6.41E-01
SHISA8	-0.05	7.86E-01	0.09	6.41E-01
SPRTN	0.14	4.84E-01	-0.09	6.41E-01
TACO1	0.18	3.61E-01	0.09	6.41E-01

ZNF284	-0.07	7.22E-01	-0.09	6.41E-01
AATK	-0.07	7.21E-01	-0.09	6.42E-01
AC026703.2	0.27	1.68E-01	-0.09	6.42E-01
ASB12	0.05	7.82E-01	-0.09	6.42E-01
CFAP58-AS1	0.11	5.87E-01	-0.09	6.42E-01
CHRNA6	0.36	5.82E-02	0.09	6.42E-01
CTD-2574D22.4	0.11	5.90E-01	-0.09	6.42E-01
EDC4	0.13	5.09E-01	-0.09	6.42E-01
FOXP1-IT1	-0.21	2.78E-01	-0.09	6.42E-01
G13886	0.12	5.33E-01	-0.09	6.42E-01
GARS	0.12	5.59E-01	0.09	6.42E-01
HFM1	-0.04	8.43E-01	-0.09	6.42E-01
HSPBAP1	-0.07	7.27E-01	0.09	6.42E-01
LCE3B	0.17	3.89E-01	0.09	6.42E-01
LINC01018	0.12	5.41E-01	-0.09	6.42E-01
LKAAEAR1	-0.15	4.43E-01	0.09	6.42E-01
MCTS2P	0.20	2.97E-01	-0.09	6.42E-01
MRPL11	0.08	6.71E-01	-0.09	6.42E-01
MT-ND4L	0.13	5.06E-01	0.09	6.42E-01
MYL4	0.07	7.35E-01	-0.09	6.42E-01
NRF1	-0.22	2.68E-01	0.09	6.42E-01
RN7SL471P	0.08	6.76E-01	-0.09	6.42E-01
RP1-149A16.3	-0.27	1.72E-01	0.09	6.42E-01
RP11-165F24.5	0.03	8.79E-01	-0.09	6.42E-01
RP11-167N4.4	-0.06	7.53E-01	0.09	6.42E-01
RP11-264L1.2	0.16	4.23E-01	0.09	6.42E-01
RP11-273G15.2	-0.17	3.88E-01	-0.09	6.42E-01
RP11-285J16.1	0.28	1.49E-01	0.09	6.42E-01
RP11-325L12.3	0.05	7.85E-01	-0.09	6.42E-01
RP11-357P18.2	-0.33	8.84E-02	0.09	6.42E-01
RP11-384M20.1	-0.41	2.90E-02	-0.09	6.42E-01
RP11-422P24.10	-0.15	4.31E-01	0.09	6.42E-01
RP3-329E20.2	0.00	9.96E-01	0.09	6.42E-01
TMEM102	0.09	6.67E-01	0.09	6.42E-01
TNFRSF10C	-0.05	7.83E-01	0.09	6.42E-01
UQCRBP1	-0.44	1.94E-02	0.09	6.42E-01
WDR61	-0.05	7.97E-01	-0.09	6.42E-01
XLOC_001048	-0.14	4.65E-01	-0.09	6.42E-01
YY1P1	0.10	6.01E-01	-0.09	6.42E-01
ZNF141	-0.16	4.15E-01	-0.09	6.42E-01
ZNF81	0.32	1.01E-01	-0.09	6.42E-01
CERS5	-0.23	2.44E-01	-0.09	6.43E-01
CFL1P5	-0.03	8.89E-01	-0.09	6.43E-01
CTD-2066L21.2	-0.18	3.66E-01	-0.09	6.43E-01
CTD-3203P2.1	-0.33	8.48E-02	-0.09	6.43E-01
GS1-166A23.2	-0.35	7.20E-02	0.09	6.43E-01
IER3IP1	0.22	2.59E-01	-0.09	6.43E-01

ITIH5	-0.21	2.89E-01	-0.09	6.43E-01
KARSP2	-0.17	3.75E-01	0.09	6.43E-01
KIF13A	-0.09	6.51E-01	-0.09	6.43E-01
LINC00536	0.12	5.36E-01	-0.09	6.43E-01
MAPRE2	0.02	9.15E-01	-0.09	6.43E-01
MESP1	0.19	3.22E-01	0.09	6.43E-01
PMS2P3	-0.30	1.27E-01	-0.09	6.43E-01
RNA5SP221	-0.16	4.24E-01	0.09	6.43E-01
RP1-39G22.4	-0.13	5.17E-01	0.09	6.43E-01
RP11-1070N10.3	-0.36	5.84E-02	0.09	6.43E-01
RP11-140H17.2	-0.07	7.05E-01	-0.09	6.43E-01
RP11-203B9.4	-0.13	5.25E-01	-0.09	6.43E-01
RP11-225B17.2	0.21	2.87E-01	-0.09	6.43E-01
RP11-379B18.5	-0.10	5.95E-01	-0.09	6.43E-01
RP11-390P2.4	-0.07	7.23E-01	-0.09	6.43E-01
RP11-423H2.3	-0.16	4.06E-01	0.09	6.43E-01
RP11-5C23.2	-0.20	3.10E-01	-0.09	6.43E-01
RP11-66N24.3	0.10	6.25E-01	-0.09	6.43E-01
RPL23AP11	0.20	3.17E-01	-0.09	6.43E-01
RPL35P3	0.33	9.09E-02	0.09	6.43E-01
THBS2	-0.22	2.56E-01	0.09	6.43E-01
TPPP2	0.11	5.92E-01	-0.09	6.43E-01
USP3	0.10	6.21E-01	-0.09	6.43E-01
ZNF562	0.28	1.48E-01	0.09	6.43E-01
ANAPC11	-0.02	9.27E-01	0.09	6.44E-01
CDC42BPG	-0.30	1.21E-01	-0.09	6.44E-01
COL5A3	0.01	9.78E-01	0.09	6.44E-01
CRIM1	-0.09	6.65E-01	-0.09	6.44E-01
CTD-2349P21.5	0.00	9.83E-01	-0.09	6.44E-01
CTSG	-0.07	7.26E-01	-0.09	6.44E-01
DNAJB9	0.01	9.51E-01	-0.09	6.44E-01
DPY30	0.01	9.67E-01	0.09	6.44E-01
EIF6	0.24	2.17E-01	0.09	6.44E-01
ERCC6	0.01	9.61E-01	0.09	6.44E-01
JTB	0.09	6.63E-01	-0.09	6.44E-01
KHSRP	0.08	6.83E-01	0.09	6.44E-01
KIF1C	0.04	8.24E-01	0.09	6.44E-01
LACTB2	-0.01	9.66E-01	0.09	6.44E-01
LBR	0.18	3.49E-01	-0.09	6.44E-01
LINC01088	-0.05	7.87E-01	0.09	6.44E-01
MIR762HG	-0.13	5.21E-01	-0.09	6.44E-01
MYH10	-0.24	2.28E-01	0.09	6.44E-01
OVOL2	0.25	2.05E-01	0.09	6.44E-01
PDE1A	-0.27	1.62E-01	0.09	6.44E-01
PGR	-0.27	1.59E-01	-0.09	6.44E-01
PKNOX2	0.10	6.02E-01	0.09	6.44E-01
PRELID1	0.23	2.41E-01	0.09	6.44E-01

<b>RNF13</b>	-0.01	9.65E-01	-0.09	6.44E-01
<b>RNU6-1005P</b>	0.06	7.62E-01	-0.09	6.44E-01
<b>RP11-103C16.2</b>	-0.04	8.29E-01	0.09	6.44E-01
<b>RP11-108M9.6</b>	-0.09	6.67E-01	-0.09	6.44E-01
<b>RP11-214J9.1</b>	-0.19	3.30E-01	-0.09	6.44E-01
<b>RP11-23P13.4</b>	0.25	2.03E-01	0.09	6.44E-01
<b>RP11-26H16.1</b>	0.03	8.93E-01	-0.09	6.44E-01
<b>RP11-291L22.9</b>	-0.18	3.56E-01	0.09	6.44E-01
<b>RP11-403I13.5</b>	0.14	4.90E-01	-0.09	6.44E-01
<b>RP11-458I7.1</b>	-0.09	6.39E-01	0.09	6.44E-01
<b>RP11-535C21.3</b>	-0.13	5.23E-01	0.09	6.44E-01
<b>RP11-592B15.4</b>	-0.02	9.05E-01	0.09	6.44E-01
<b>RP11-611O2.6</b>	-0.05	7.82E-01	-0.09	6.44E-01
<b>RP11-613D13.4</b>	0.32	9.50E-02	-0.09	6.44E-01
<b>RP11-690I21.2</b>	-0.32	1.02E-01	-0.09	6.44E-01
<b>RPL36</b>	0.13	4.95E-01	0.09	6.44E-01
<b>SETDB1</b>	0.02	9.06E-01	0.09	6.44E-01
<b>SNORD119</b>	0.00	9.98E-01	0.09	6.44E-01
<b>SPIN3</b>	0.23	2.46E-01	0.09	6.44E-01
<b>TRPA1</b>	-0.07	7.17E-01	0.09	6.44E-01
<b>AC002306.1</b>	-0.42	2.43E-02	0.09	6.45E-01
<b>AC010091.1</b>	-0.23	2.32E-01	0.09	6.45E-01
<b>AC021078.1</b>	0.21	2.87E-01	0.09	6.45E-01
<b>AC144652.1</b>	0.13	5.06E-01	0.09	6.45E-01
<b>ACKR3</b>	-0.04	8.38E-01	0.09	6.45E-01
<b>AGPAT4-IT1</b>	0.14	4.85E-01	-0.09	6.45E-01
<b>AL109767.1</b>	-0.06	7.50E-01	-0.09	6.45E-01
<b>ANXA9</b>	-0.29	1.35E-01	-0.09	6.45E-01
<b>ARAP1</b>	-0.09	6.42E-01	0.09	6.45E-01
<b>BTBD7P1</b>	-0.07	7.21E-01	0.09	6.45E-01
<b>CENPU</b>	0.04	8.28E-01	-0.09	6.45E-01
<b>CTA-246H3.11</b>	-0.12	5.50E-01	-0.09	6.45E-01
<b>DHX40</b>	-0.14	4.67E-01	-0.09	6.45E-01
<b>DXO</b>	-0.07	7.21E-01	0.09	6.45E-01
<b>FASTKD1</b>	0.05	8.02E-01	0.09	6.45E-01
<b>G34216</b>	0.35	6.59E-02	0.09	6.45E-01
<b>GTF3C2-AS1</b>	-0.40	3.45E-02	-0.09	6.45E-01
<b>H2AFY2</b>	-0.01	9.79E-01	0.09	6.45E-01
<b>LRRC43</b>	-0.13	4.99E-01	-0.09	6.45E-01
<b>MAP3K7CL</b>	-0.01	9.42E-01	0.09	6.45E-01
<b>MIR623</b>	0.09	6.67E-01	-0.09	6.45E-01
<b>RGS11</b>	-0.15	4.38E-01	0.09	6.45E-01
<b>RIMS1</b>	-0.19	3.35E-01	-0.09	6.45E-01
<b>RNPS1</b>	0.11	5.91E-01	0.09	6.45E-01
<b>RP11-355B11.2</b>	-0.05	7.82E-01	-0.09	6.45E-01
<b>RP11-506K6.4</b>	-0.10	6.01E-01	-0.09	6.45E-01
<b>RP11-61I13.3</b>	-0.01	9.61E-01	-0.09	6.45E-01

<b>RP11-88118.3</b>	-0.26	1.78E-01	0.09	6.45E-01
<b>RP3-406A7.3</b>	0.23	2.32E-01	-0.09	6.45E-01
<b>SCT</b>	-0.01	9.49E-01	-0.09	6.45E-01
<b>SUCLA2</b>	0.12	5.41E-01	-0.09	6.45E-01
<b>TRAV23DV6</b>	0.22	2.71E-01	0.09	6.45E-01
<b>TRHDE</b>	-0.13	4.99E-01	-0.09	6.45E-01
<b>TSPAN33</b>	0.12	5.27E-01	-0.09	6.45E-01
<b>VMA21</b>	0.25	2.08E-01	-0.09	6.45E-01
<b>XLOC_009765</b>	0.03	8.80E-01	0.09	6.45E-01
<b>AMT</b>	-0.06	7.68E-01	-0.09	6.46E-01
<b>CDK2AP1</b>	0.11	5.79E-01	0.09	6.46E-01
<b>DNAH2</b>	0.02	9.14E-01	-0.09	6.46E-01
<b>ENC1</b>	-0.10	6.09E-01	0.09	6.46E-01
<b>ERLEC1</b>	0.19	3.24E-01	-0.09	6.46E-01
<b>GABPB1-AS1</b>	-0.20	3.04E-01	-0.09	6.46E-01
<b>GTSE1</b>	0.02	9.16E-01	0.09	6.46E-01
<b>HERC1</b>	-0.30	1.16E-01	-0.09	6.46E-01
<b>IGLV3-25</b>	0.37	5.12E-02	-0.09	6.46E-01
<b>IKBIP</b>	0.20	3.14E-01	-0.09	6.46E-01
<b>KDM4E</b>	-0.12	5.45E-01	0.09	6.46E-01
<b>LINC01213</b>	-0.22	2.68E-01	-0.09	6.46E-01
<b>MIR561</b>	0.09	6.49E-01	-0.09	6.46E-01
<b>PCDHB4</b>	0.26	1.85E-01	0.09	6.46E-01
<b>PGM2</b>	0.28	1.51E-01	0.09	6.46E-01
<b>PHACTR2-AS1</b>	0.00	9.87E-01	-0.09	6.46E-01
<b>PPP1R8</b>	-0.12	5.35E-01	-0.09	6.46E-01
<b>PXMP4</b>	0.20	3.17E-01	0.09	6.46E-01
<b>RASL10B</b>	0.28	1.52E-01	0.09	6.46E-01
<b>RN7SL220P</b>	0.23	2.29E-01	-0.09	6.46E-01
<b>RNU6-979P</b>	-0.12	5.29E-01	0.09	6.46E-01
<b>RP11-456P18.2</b>	0.19	3.34E-01	-0.09	6.46E-01
<b>RP11-656D10.3</b>	0.34	8.08E-02	0.09	6.46E-01
<b>RP11-900F13.3</b>	-0.25	2.09E-01	0.09	6.46E-01
<b>RP5-1112D6.7</b>	0.09	6.44E-01	-0.09	6.46E-01
<b>RP5-884C9.3</b>	-0.03	8.87E-01	-0.09	6.46E-01
<b>SNORD114-21</b>	-0.07	7.07E-01	-0.09	6.46E-01
<b>SUV39H2</b>	0.22	2.68E-01	-0.09	6.46E-01
<b>TERC</b>	0.22	2.56E-01	-0.09	6.46E-01
<b>U47924.6</b>	0.17	3.79E-01	0.09	6.46E-01
<b>AC024560.3</b>	-0.09	6.53E-01	-0.09	6.47E-01
<b>AC069200.1</b>	-0.07	7.27E-01	0.09	6.47E-01
<b>AC105402.4</b>	0.00	9.94E-01	-0.09	6.47E-01
<b>ARL2BP</b>	0.18	3.62E-01	0.09	6.47E-01
<b>BUD31</b>	0.03	8.81E-01	-0.09	6.47E-01
<b>CFL1P3</b>	0.05	8.07E-01	-0.09	6.47E-01
<b>COMMD5</b>	0.11	5.84E-01	0.09	6.47E-01
<b>CTD-3035K23.3</b>	-0.13	4.93E-01	0.09	6.47E-01



DUSP10	-0.04	8.46E-01	0.09	6.47E-01
EEF1A1P32	-0.18	3.71E-01	-0.09	6.47E-01
FAM3B	0.10	6.12E-01	0.09	6.47E-01
G25266	0.02	9.17E-01	0.09	6.47E-01
G40985	0.10	6.00E-01	-0.09	6.47E-01
GEMIN8P4	0.38	4.85E-02	0.09	6.47E-01
GLIPR1L2	0.14	4.81E-01	-0.09	6.47E-01
HPX	-0.19	3.42E-01	-0.09	6.47E-01
KRTAP5-8	-0.04	8.55E-01	-0.09	6.47E-01
LIN28A	-0.13	5.18E-01	-0.09	6.47E-01
PSG6	0.36	5.76E-02	0.09	6.47E-01
RLN1	-0.04	8.58E-01	-0.09	6.47E-01
RN7SL442P	0.31	1.11E-01	0.09	6.47E-01
RNA5SP195	-0.33	8.34E-02	-0.09	6.47E-01
RNASEH2A	0.10	6.13E-01	0.09	6.47E-01
RP11-23P13.6	-0.11	5.61E-01	-0.09	6.47E-01
RP11-534L20.4	-0.12	5.33E-01	0.09	6.47E-01
RP11-599J14.2	-0.30	1.26E-01	-0.09	6.47E-01
RP11-776B3.1	-0.05	8.04E-01	0.09	6.47E-01
RPS20P4	0.01	9.67E-01	-0.09	6.47E-01
SCYL2	0.23	2.46E-01	0.09	6.47E-01
SEMA4D	-0.15	4.55E-01	0.09	6.47E-01
SNRPCP9	-0.26	1.80E-01	0.09	6.47E-01
TIPRL	0.12	5.52E-01	-0.09	6.47E-01
TMEM135	0.37	5.56E-02	0.09	6.47E-01
ZBTB37	0.07	7.27E-01	-0.09	6.47E-01
AC010329.1	0.09	6.54E-01	-0.09	6.48E-01
AC010524.2	0.04	8.29E-01	-0.09	6.48E-01
AC079807.3	0.09	6.41E-01	0.09	6.48E-01
APOBEC4	-0.13	5.24E-01	0.09	6.48E-01
CDH8	-0.10	5.99E-01	0.09	6.48E-01
FAM83E	-0.11	5.65E-01	0.09	6.48E-01
FRMD4A	-0.25	2.02E-01	0.09	6.48E-01
IFT46	0.14	4.76E-01	-0.09	6.48E-01
ITLN2	-0.14	4.83E-01	0.09	6.48E-01
KLHL8	0.27	1.59E-01	0.09	6.48E-01
METTL18	0.14	4.62E-01	-0.09	6.48E-01
MYLPF	-0.14	4.79E-01	-0.09	6.48E-01
RNU6-808P	-0.15	4.47E-01	0.09	6.48E-01
RP11-139K4.2	-0.15	4.48E-01	0.09	6.48E-01
RP11-22C11.2	-0.23	2.42E-01	0.09	6.48E-01
RP11-417B4.2	-0.31	1.08E-01	0.09	6.48E-01
RP11-556O9.4	-0.06	7.70E-01	-0.09	6.48E-01
RP11-567O16.1	-0.06	7.49E-01	-0.09	6.48E-01
RP11-598P20.3	0.17	3.88E-01	-0.09	6.48E-01
RP11-815J21.4	0.05	8.01E-01	-0.09	6.48E-01
RP4-654C18.1	0.07	7.32E-01	-0.09	6.48E-01

RPL4P3	0.13	5.21E-01	0.09	6.48E-01
SNRPCP19	-0.09	6.42E-01	0.09	6.48E-01
SUB1	0.15	4.36E-01	-0.09	6.48E-01
TAS2R64P	0.08	6.70E-01	0.09	6.48E-01
UBE2E1	0.28	1.55E-01	0.09	6.48E-01
XPOT	0.24	2.13E-01	0.09	6.48E-01
ZNF236	-0.08	6.78E-01	0.09	6.48E-01
AL133243.4	-0.13	4.96E-01	-0.09	6.49E-01
CHMP4BP1	-0.10	5.95E-01	-0.09	6.49E-01
CTD-2245F17.3	-0.39	4.28E-02	-0.09	6.49E-01
DAP3P2	-0.21	2.91E-01	-0.09	6.49E-01
DCN	-0.14	4.68E-01	-0.09	6.49E-01
EEF1A1	0.07	7.11E-01	-0.09	6.49E-01
ERICH1	-0.26	1.90E-01	-0.09	6.49E-01
GALK2	0.14	4.79E-01	-0.09	6.49E-01
HSPA8P16	-0.17	3.89E-01	-0.09	6.49E-01
MEIS1	-0.13	4.93E-01	-0.09	6.49E-01
MMP17	0.20	3.07E-01	-0.09	6.49E-01
PEX5L	-0.19	3.41E-01	-0.09	6.49E-01
RP11-429P3.5	-0.03	8.83E-01	-0.09	6.49E-01
RP11-522B15.3	-0.22	2.69E-01	-0.09	6.49E-01
RP4-568C11.4	-0.15	4.44E-01	-0.09	6.49E-01
RP5-1039K5.19	0.05	8.10E-01	-0.09	6.49E-01
RPS27L	-0.03	8.70E-01	-0.09	6.49E-01
SMARCE1P1	-0.06	7.73E-01	-0.09	6.49E-01
TMPRSS2	-0.02	9.06E-01	-0.09	6.49E-01
TNN	-0.04	8.59E-01	-0.09	6.49E-01
AC005517.3	0.02	9.39E-01	0.09	6.49E-01
ALG11	0.04	8.59E-01	0.09	6.49E-01
CCDC191	-0.16	4.26E-01	0.09	6.49E-01
CD83	0.25	2.05E-01	0.09	6.49E-01
CDC7	0.33	8.70E-02	0.09	6.49E-01
GEMIN6	0.27	1.70E-01	0.09	6.49E-01
IL22RA1	0.08	6.95E-01	0.09	6.49E-01
KLHL9	0.02	9.02E-01	0.09	6.49E-01
PFN1	0.09	6.55E-01	0.09	6.49E-01
RP11-434D9.1	0.09	6.62E-01	0.09	6.49E-01
RP5-1049G16.4	-0.24	2.24E-01	0.09	6.49E-01
TMEM11	-0.06	7.54E-01	0.09	6.49E-01
UBA1	-0.05	8.15E-01	0.09	6.49E-01
AC005624.2	0.04	8.51E-01	0.09	6.51E-01
AC073551.1	0.00	9.93E-01	-0.09	6.51E-01
ATG16L2	-0.25	1.93E-01	-0.09	6.51E-01
BBC3	-0.07	7.21E-01	0.09	6.51E-01
CD163L1	0.14	4.83E-01	0.09	6.51E-01
CLASRP	-0.03	8.63E-01	0.09	6.51E-01
CTD-2538G9.5	-0.11	5.91E-01	-0.09	6.51E-01

<b>CTD-2609K8.3</b>	0.31	1.12E-01	0.09	6.51E-01
<b>CTD-3138B18.5</b>	0.15	4.54E-01	-0.09	6.51E-01
<b>DCLK2</b>	-0.29	1.40E-01	-0.09	6.51E-01
<b>DNAJC7</b>	0.12	5.41E-01	0.09	6.51E-01
<b>G34083</b>	0.11	5.86E-01	0.09	6.51E-01
<b>G35542</b>	0.00	9.89E-01	0.09	6.51E-01
<b>GTPBP3</b>	-0.08	6.99E-01	-0.09	6.51E-01
<b>HOXA-AS2</b>	0.13	5.22E-01	-0.09	6.51E-01
<b>IDH3A</b>	0.21	2.82E-01	0.09	6.51E-01
<b>IGHA1</b>	0.51	5.50E-03	-0.09	6.51E-01
<b>LARGE-AS1</b>	-0.03	8.85E-01	-0.09	6.51E-01
<b>MAPKAPK3</b>	0.26	1.79E-01	0.09	6.51E-01
<b>MFAP1</b>	0.12	5.38E-01	0.09	6.51E-01
<b>MIR143</b>	-0.13	5.24E-01	-0.09	6.51E-01
<b>MIR4753</b>	0.03	8.98E-01	-0.09	6.51E-01
<b>MUM1</b>	0.08	6.74E-01	-0.09	6.51E-01
<b>NAA20</b>	-0.04	8.58E-01	-0.09	6.51E-01
<b>NEBL-AS1</b>	-0.11	5.61E-01	0.09	6.51E-01
<b>PKN3</b>	-0.21	2.78E-01	0.09	6.51E-01
<b>RBM6</b>	-0.07	7.05E-01	-0.09	6.51E-01
<b>RP11-195F19.9</b>	-0.19	3.44E-01	-0.09	6.51E-01
<b>RP11-277B15.3</b>	-0.06	7.50E-01	-0.09	6.51E-01
<b>RP11-364L4.1</b>	0.03	8.82E-01	-0.09	6.51E-01
<b>RP11-464D20.6</b>	0.05	8.15E-01	0.09	6.51E-01
<b>RP11-480D4.7</b>	0.02	9.32E-01	0.09	6.51E-01
<b>RP11-91P24.5</b>	-0.28	1.52E-01	-0.09	6.51E-01
<b>RPL26P34</b>	0.15	4.51E-01	0.09	6.51E-01
<b>SPDL1</b>	0.18	3.52E-01	0.09	6.51E-01
<b>TATDN3</b>	0.34	8.00E-02	0.09	6.51E-01
<b>THNSL1</b>	0.00	9.90E-01	0.09	6.51E-01
<b>TIMM9P2</b>	0.27	1.58E-01	-0.09	6.51E-01
<b>UHMK1</b>	0.28	1.44E-01	0.09	6.51E-01
<b>ATP6V0E2-AS1</b>	0.05	8.16E-01	-0.09	6.52E-01
<b>C15orf56</b>	0.03	8.91E-01	0.09	6.52E-01
<b>CPA2</b>	0.25	1.94E-01	0.09	6.52E-01
<b>CTB-91J4.1</b>	-0.21	2.82E-01	-0.09	6.52E-01
<b>CTD-2522E6.4</b>	0.25	2.07E-01	0.09	6.52E-01
<b>ELP5</b>	0.20	3.14E-01	0.09	6.52E-01
<b>FAN1</b>	-0.01	9.49E-01	-0.09	6.52E-01
<b>FBXO17</b>	-0.05	8.02E-01	0.09	6.52E-01
<b>HNRNPM</b>	0.04	8.27E-01	0.09	6.52E-01
<b>IL18BP</b>	-0.28	1.46E-01	-0.09	6.52E-01
<b>LRRC71</b>	-0.18	3.48E-01	0.09	6.52E-01
<b>MRPS7</b>	0.11	5.87E-01	0.09	6.52E-01
<b>MTERF2</b>	-0.07	7.12E-01	0.09	6.52E-01
<b>MTMR9</b>	0.40	3.63E-02	-0.09	6.52E-01
<b>NIPAL2</b>	-0.06	7.72E-01	-0.09	6.52E-01

NOTCH2	-0.02	9.20E-01	-0.09	6.52E-01
REL	0.13	5.25E-01	0.09	6.52E-01
RN7SL569P	0.03	8.92E-01	-0.09	6.52E-01
RNA5SP194	0.19	3.25E-01	0.09	6.52E-01
RNU6-3P	-0.13	5.12E-01	0.09	6.52E-01
RP11-326I11.5	0.22	2.54E-01	-0.09	6.52E-01
RP11-439H8.4	0.12	5.40E-01	-0.09	6.52E-01
RP11-445N18.5	0.34	7.42E-02	-0.09	6.52E-01
RP11-848P1.3	-0.05	8.00E-01	0.09	6.52E-01
RP4-561L24.3	0.22	2.58E-01	-0.09	6.52E-01
SNORD58	-0.09	6.46E-01	-0.09	6.52E-01
TNR	-0.04	8.41E-01	0.09	6.52E-01
TRIB3	-0.03	8.86E-01	-0.09	6.52E-01
UCK2	0.11	5.68E-01	0.09	6.52E-01
VTA1	-0.02	9.25E-01	-0.09	6.52E-01
XLOC_005099	-0.22	2.57E-01	-0.09	6.52E-01
XXYL1-AS2	0.23	2.31E-01	-0.09	6.52E-01
ZNF558	0.14	4.85E-01	-0.09	6.52E-01
AC012531.25	0.08	6.68E-01	0.09	6.53E-01
AC017002.1	-0.18	3.57E-01	0.09	6.53E-01
ALDH7A1P2	0.20	3.06E-01	0.09	6.53E-01
CFP	-0.12	5.35E-01	0.09	6.53E-01
CLIC3	0.06	7.50E-01	0.09	6.53E-01
GAPDH	0.16	4.12E-01	0.09	6.53E-01
ITGA5	0.00	9.98E-01	0.09	6.53E-01
LMO1	-0.05	8.09E-01	0.09	6.53E-01
LSM3P4	-0.31	1.14E-01	0.09	6.53E-01
NFE2L2	-0.10	6.07E-01	0.09	6.53E-01
NTF4	0.02	9.02E-01	0.09	6.53E-01
OGG1	0.11	5.73E-01	0.09	6.53E-01
OR1F12	-0.11	5.80E-01	0.09	6.53E-01
PCNT	-0.02	9.27E-01	0.09	6.53E-01
RBAK	0.18	3.59E-01	0.09	6.53E-01
RER1	0.05	7.99E-01	0.09	6.53E-01
RP11-111A21.1	-0.10	6.30E-01	0.09	6.53E-01
RP11-115J16.2	-0.04	8.26E-01	0.09	6.53E-01
RP11-284F21.10	-0.04	8.28E-01	0.09	6.53E-01
RP4-704D23.1	0.28	1.52E-01	0.09	6.53E-01
SURF2	0.13	5.01E-01	0.09	6.53E-01
TXNDC9	0.13	5.01E-01	0.09	6.53E-01
WDR25	0.09	6.46E-01	0.09	6.53E-01
CACNA2D4	0.00	9.88E-01	-0.09	6.53E-01
DHX32	-0.03	8.99E-01	-0.09	6.53E-01
EIF2B1	0.21	2.90E-01	-0.09	6.53E-01
GS1-165B14.2	0.07	7.31E-01	-0.09	6.53E-01
KLHL34	-0.21	2.83E-01	-0.09	6.53E-01
LINC00614	-0.05	7.86E-01	-0.09	6.53E-01

LINC01474	-0.19	3.43E-01	-0.09	6.53E-01
PAPOLA	0.00	9.88E-01	-0.09	6.53E-01
RNA5SP304	0.30	1.21E-01	-0.09	6.53E-01
RP11-356B19.11	-0.04	8.48E-01	-0.09	6.53E-01
RP11-498D10.3	0.02	9.20E-01	-0.09	6.53E-01
RP11-736N17.10	-0.12	5.54E-01	-0.09	6.53E-01
RP13-104F24.3	-0.09	6.56E-01	-0.09	6.53E-01
UQCRC2	0.15	4.39E-01	-0.09	6.53E-01
XLOC_005079	-0.09	6.46E-01	-0.09	6.53E-01
XLOC_005411	0.15	4.49E-01	-0.09	6.53E-01
ZNF730	0.15	4.34E-01	-0.09	6.53E-01
ARSB	0.37	5.25E-02	0.09	6.54E-01
ASH2L	0.10	6.11E-01	0.09	6.54E-01
C8orf44-SGK3	-0.28	1.53E-01	0.09	6.54E-01
CCDC13	-0.07	7.19E-01	-0.09	6.54E-01
CHCHD3	-0.03	8.99E-01	-0.09	6.54E-01
CYP4F12	-0.14	4.76E-01	-0.09	6.54E-01
DIP2A	-0.05	8.04E-01	-0.09	6.54E-01
GABARAPL1	-0.31	1.14E-01	-0.09	6.54E-01
GBP1	0.10	6.31E-01	0.09	6.54E-01
GMEB2	0.11	5.90E-01	0.09	6.54E-01
GPAT3	0.29	1.36E-01	-0.09	6.54E-01
HES2	0.18	3.66E-01	0.09	6.54E-01
KCNMA1-AS1	-0.11	5.68E-01	0.09	6.54E-01
LIMD1	0.19	3.46E-01	-0.09	6.54E-01
MECR	0.20	2.99E-01	-0.09	6.54E-01
MIR103A2	0.11	5.92E-01	-0.09	6.54E-01
MIR548O2	-0.03	8.62E-01	-0.09	6.54E-01
QPRT	-0.15	4.53E-01	-0.09	6.54E-01
RIOK1	0.29	1.37E-01	-0.09	6.54E-01
RP11-468O2.1	-0.34	7.39E-02	-0.09	6.54E-01
RP11-54O15.3	0.19	3.43E-01	-0.09	6.54E-01
RP11-611O2.1	-0.24	2.19E-01	0.09	6.54E-01
RP11-96K19.4	0.24	2.23E-01	-0.09	6.54E-01
RP13-228J13.1	0.03	8.88E-01	-0.09	6.54E-01
SLC25A22	0.20	3.18E-01	0.09	6.54E-01
TAF10	0.07	7.29E-01	0.09	6.54E-01
TNFRSF18	-0.32	9.56E-02	-0.09	6.54E-01
ADGRF5P1	0.20	3.11E-01	0.09	6.55E-01
AEN	0.26	1.75E-01	0.09	6.55E-01
ARHGEF16	-0.09	6.56E-01	0.09	6.55E-01
ARPC5L	0.19	3.25E-01	0.09	6.55E-01
AVPR1A	0.10	6.23E-01	0.09	6.55E-01
CASP3	0.29	1.35E-01	0.09	6.55E-01
CENPB	0.27	1.63E-01	0.09	6.55E-01
CHMP5	0.15	4.36E-01	0.09	6.55E-01
COX6CP14	-0.18	3.69E-01	0.09	6.55E-01

CTA-85E5.6	0.18	3.69E-01	0.09	6.55E-01
CTC-215O4.4	0.05	8.16E-01	0.09	6.55E-01
CUL4B	0.14	4.62E-01	0.09	6.55E-01
DHX9	0.03	8.81E-01	-0.09	6.55E-01
H2AFZP4	-0.09	6.38E-01	-0.09	6.55E-01
LARGE	-0.23	2.34E-01	-0.09	6.55E-01
LINC01398	0.25	1.91E-01	-0.09	6.55E-01
MIR944	0.12	5.59E-01	-0.09	6.55E-01
MNT	-0.21	2.80E-01	0.09	6.55E-01
OGDH	0.12	5.46E-01	0.09	6.55E-01
POLD3	-0.09	6.64E-01	-0.09	6.55E-01
PRDX3P1	-0.02	9.20E-01	-0.09	6.55E-01
RFPL3S	-0.13	5.25E-01	-0.09	6.55E-01
RNU6-1185P	0.04	8.27E-01	-0.09	6.55E-01
RP11-349G13.1	-0.02	9.28E-01	-0.09	6.55E-01
RP4-734C18.1	0.05	8.15E-01	-0.09	6.55E-01
SAT1	0.09	6.53E-01	0.09	6.55E-01
STAG2	0.03	8.70E-01	0.09	6.55E-01
TRIP11	0.11	5.83E-01	0.09	6.55E-01
ZNF252P	0.07	7.25E-01	0.09	6.55E-01
C12orf57	0.03	8.83E-01	0.09	6.56E-01
CELSR2	0.27	1.58E-01	0.09	6.56E-01
FMO1	0.16	4.12E-01	0.09	6.56E-01
G2580	0.08	6.98E-01	0.09	6.56E-01
G8296	-0.10	6.20E-01	0.09	6.56E-01
GIMAP8	-0.26	1.80E-01	0.09	6.56E-01
GINS2	0.06	7.50E-01	0.09	6.56E-01
GPR39	-0.23	2.34E-01	0.09	6.56E-01
NUDT19P5	0.12	5.44E-01	0.09	6.56E-01
RP11-517O13.1	-0.33	8.73E-02	0.09	6.56E-01
RP3-355L5.3	0.10	6.04E-01	0.09	6.56E-01
RPS10P2	0.19	3.32E-01	0.09	6.56E-01
RPS23	0.24	2.22E-01	0.09	6.56E-01
SEMA6D	-0.01	9.51E-01	0.09	6.56E-01
ARL15	-0.11	5.92E-01	-0.09	6.56E-01
BIRC6	-0.04	8.31E-01	-0.09	6.56E-01
ETF1P2	0.06	7.49E-01	-0.09	6.56E-01
GPIHBP1	0.23	2.43E-01	-0.09	6.56E-01
GRK6P1	-0.04	8.53E-01	-0.09	6.56E-01
RFPL1S	0.28	1.52E-01	-0.09	6.56E-01
RN7SL745P	0.19	3.37E-01	-0.09	6.56E-01
RP1-21O18.3	-0.02	9.36E-01	-0.09	6.56E-01
RP11-354P11.2	-0.05	8.15E-01	-0.09	6.56E-01
RP5-1112D6.8	0.08	6.94E-01	-0.09	6.56E-01
RP6-149D17.1	0.22	2.67E-01	-0.09	6.56E-01
SART3	0.06	7.44E-01	-0.09	6.56E-01
TMEM131	0.06	7.64E-01	-0.09	6.56E-01

<b>Xbac-BPG181B23.</b>	0.15	4.54E-01	-0.09	6.56E-01
<b>XXyac-YRM2039.3</b>	-0.33	8.59E-02	-0.09	6.56E-01
<b>AC008993.2</b>	-0.22	2.51E-01	-0.09	6.57E-01
<b>AC012314.8</b>	-0.07	7.05E-01	-0.09	6.57E-01
<b>AC016821.1</b>	-0.22	2.62E-01	0.09	6.57E-01
<b>ACAP3</b>	-0.24	2.14E-01	-0.09	6.57E-01
<b>ALDH4A1</b>	0.22	2.68E-01	0.09	6.57E-01
<b>ASPSCR1</b>	0.13	5.15E-01	-0.09	6.57E-01
<b>C10orf82</b>	-0.01	9.63E-01	0.09	6.57E-01
<b>COPB2</b>	0.13	5.14E-01	0.09	6.57E-01
<b>CRELD2</b>	-0.13	5.25E-01	0.09	6.57E-01
<b>CYP4B1</b>	-0.23	2.30E-01	-0.09	6.57E-01
<b>DEF8</b>	-0.03	8.86E-01	0.09	6.57E-01
<b>FFAR2</b>	0.22	2.59E-01	0.09	6.57E-01
<b>FYCO1</b>	-0.11	5.74E-01	-0.09	6.57E-01
<b>G8227</b>	0.19	3.45E-01	0.09	6.57E-01
<b>GOLGA2P7</b>	-0.04	8.31E-01	0.09	6.57E-01
<b>KRTAP4-9</b>	-0.20	3.17E-01	0.09	6.57E-01
<b>LINC00861</b>	0.00	9.99E-01	-0.09	6.57E-01
<b>MAPKAPK5-AS1</b>	-0.09	6.49E-01	-0.09	6.57E-01
<b>MCPH1</b>	0.13	4.94E-01	0.09	6.57E-01
<b>MRPL37</b>	0.03	8.91E-01	0.09	6.57E-01
<b>NTSR1</b>	-0.24	2.22E-01	0.09	6.57E-01
<b>POM121L6P</b>	-0.28	1.42E-01	0.09	6.57E-01
<b>RP1-134E15.3</b>	-0.08	6.71E-01	-0.09	6.57E-01
<b>RP11-27I1.6</b>	0.26	1.84E-01	0.09	6.57E-01
<b>RP11-316M1.3</b>	-0.02	9.05E-01	0.09	6.57E-01
<b>RP11-611L7.2</b>	-0.10	6.03E-01	-0.09	6.57E-01
<b>RP5-836J3.1</b>	-0.19	3.45E-01	-0.09	6.57E-01
<b>RPS7P1</b>	-0.15	4.52E-01	-0.09	6.57E-01
<b>ST3GAL4</b>	-0.34	7.27E-02	0.09	6.57E-01
<b>TAS2R31</b>	0.20	3.15E-01	-0.09	6.57E-01
<b>TLN1</b>	-0.14	4.66E-01	0.09	6.57E-01
<b>AC003986.6</b>	-0.18	3.66E-01	0.09	6.58E-01
<b>AGPAT1</b>	-0.08	6.68E-01	0.09	6.58E-01
<b>APBB2</b>	0.16	4.12E-01	0.09	6.58E-01
<b>BOK</b>	0.20	3.00E-01	0.09	6.58E-01
<b>CAPN8</b>	0.27	1.71E-01	-0.09	6.58E-01
<b>CHCHD2P9</b>	0.27	1.72E-01	0.09	6.58E-01
<b>CTD-2081C10.7</b>	0.00	9.81E-01	-0.09	6.58E-01
<b>CTD-2538C1.3</b>	-0.29	1.30E-01	-0.09	6.58E-01
<b>DARS</b>	0.27	1.66E-01	-0.09	6.58E-01
<b>DENND1A</b>	0.00	9.88E-01	0.09	6.58E-01
<b>DNAH7</b>	-0.27	1.62E-01	-0.09	6.58E-01
<b>FGFR3</b>	0.05	7.92E-01	-0.09	6.58E-01
<b>GFOD1-AS1</b>	-0.17	3.89E-01	-0.09	6.58E-01
<b>JUND</b>	-0.16	4.08E-01	-0.09	6.58E-01

KPNA4	0.04	8.27E-01	0.09	6.58E-01
MID2	-0.19	3.34E-01	-0.09	6.58E-01
MIR3135B	-0.06	7.63E-01	-0.09	6.58E-01
MS4A4E	-0.44	1.79E-02	0.09	6.58E-01
PNRC1	0.01	9.44E-01	0.09	6.58E-01
POMGNT2	0.10	5.99E-01	-0.09	6.58E-01
PPP1R21	0.00	9.92E-01	0.09	6.58E-01
RP11-235E17.3	-0.10	6.01E-01	-0.09	6.58E-01
RP11-307L3.4	-0.02	9.32E-01	-0.09	6.58E-01
RP11-440G5.2	0.22	2.68E-01	-0.09	6.58E-01
RP11-697N18.3	-0.33	9.04E-02	0.09	6.58E-01
RP5-966M1.5	-0.11	5.62E-01	0.09	6.58E-01
SDF4	0.09	6.38E-01	0.09	6.58E-01
SLC12A5	-0.12	5.51E-01	-0.09	6.58E-01
TRAV21	0.16	4.10E-01	-0.09	6.58E-01
TRIM67	-0.15	4.39E-01	-0.09	6.58E-01
WDR7	-0.06	7.44E-01	-0.09	6.58E-01
XLOC_007806	-0.22	2.69E-01	-0.09	6.58E-01
ZC3H11B	-0.28	1.42E-01	0.09	6.58E-01
AC005387.2	-0.20	3.05E-01	0.09	6.59E-01
AMICA1	0.19	3.33E-01	0.09	6.59E-01
COPG2	-0.04	8.51E-01	0.09	6.59E-01
CPEB3	-0.01	9.47E-01	0.09	6.59E-01
DISC1	-0.32	9.68E-02	0.09	6.59E-01
DNAJC27-AS1	0.05	7.89E-01	0.09	6.59E-01
ENPP6	0.06	7.75E-01	0.09	6.59E-01
FBXO36-IT1	-0.02	9.17E-01	0.09	6.59E-01
GPR161	0.18	3.57E-01	0.09	6.59E-01
NCF4	0.10	6.30E-01	0.09	6.59E-01
PDE4A	-0.11	5.84E-01	0.09	6.59E-01
PDE9A	0.07	7.35E-01	0.09	6.59E-01
PPME1	0.10	6.00E-01	0.09	6.59E-01
RP11-388P9.2	0.06	7.81E-01	0.09	6.59E-01
RP11-3K24.3	-0.06	7.59E-01	0.09	6.59E-01
RPL7AP10	-0.08	6.93E-01	0.09	6.59E-01
SYNDIG1	0.22	2.50E-01	0.09	6.59E-01
TMSB4XP8	0.08	6.99E-01	0.09	6.59E-01
CTNBL1	0.17	3.77E-01	-0.09	6.59E-01
G41319	0.08	6.77E-01	-0.09	6.59E-01
GFM2	0.01	9.50E-01	-0.09	6.59E-01
GMPS	0.06	7.78E-01	-0.09	6.59E-01
LIN7C	0.14	4.63E-01	-0.09	6.59E-01
LINC01623	-0.25	2.08E-01	-0.09	6.59E-01
PCDHB2	0.03	8.67E-01	-0.09	6.59E-01
PLPPR5	0.12	5.51E-01	-0.09	6.59E-01
POT1-AS1	0.16	4.29E-01	-0.09	6.59E-01
RAG2	-0.06	7.79E-01	-0.09	6.59E-01



RNU6V	-0.08	6.97E-01	-0.09	6.59E-01
RP11-214K3.23	-0.16	4.26E-01	-0.09	6.59E-01
RP11-253I19.3	0.25	2.05E-01	-0.09	6.59E-01
RP11-346C20.3	0.07	7.35E-01	-0.09	6.59E-01
RP11-416N2.4	-0.04	8.49E-01	-0.09	6.59E-01
RP9P	-0.14	4.69E-01	-0.09	6.59E-01
TMLHE	-0.12	5.41E-01	-0.09	6.59E-01
UBOX5	-0.27	1.59E-01	-0.09	6.59E-01
ZNF134	-0.14	4.82E-01	-0.09	6.59E-01
AC006128.2	-0.13	5.10E-01	0.09	6.60E-01
AC009237.11	0.16	4.07E-01	0.09	6.60E-01
ANKUB1	0.41	3.10E-02	-0.09	6.60E-01
AP003068.18	0.15	4.34E-01	0.09	6.60E-01
C12orf49	0.16	4.21E-01	0.09	6.60E-01
CAPN2	0.06	7.58E-01	0.09	6.60E-01
CBLB	-0.09	6.44E-01	0.09	6.60E-01
CT45A11P	0.00	9.93E-01	-0.09	6.60E-01
CTD-2619J13.17	0.28	1.51E-01	0.09	6.60E-01
DEPTOR	-0.01	9.61E-01	0.09	6.60E-01
EEF1DP1	0.01	9.53E-01	-0.09	6.60E-01
IZUMO4	-0.01	9.63E-01	0.09	6.60E-01
L2HGDH	-0.04	8.46E-01	0.09	6.60E-01
LCMT1-AS1	0.05	7.86E-01	0.09	6.60E-01
LINC01252	0.11	5.72E-01	-0.09	6.60E-01
M1AP	0.06	7.66E-01	-0.09	6.60E-01
MTRNR2L3	0.07	7.26E-01	0.09	6.60E-01
NOTCH3	-0.02	9.16E-01	0.09	6.60E-01
PPP4C	0.19	3.36E-01	0.09	6.60E-01
RNVU1-19	0.39	3.98E-02	0.09	6.60E-01
RP11-152H18.4	-0.09	6.35E-01	0.09	6.60E-01
RP11-257O5.2	0.06	7.73E-01	-0.09	6.60E-01
RP11-449P15.2	-0.17	3.94E-01	-0.09	6.60E-01
RP11-44F21.3	0.36	5.80E-02	0.09	6.60E-01
RP11-728F11.4	-0.19	3.31E-01	-0.09	6.60E-01
RP11-823E8.3	-0.23	2.48E-01	0.09	6.60E-01
RPS2P7	-0.05	8.18E-01	-0.09	6.60E-01
SEC31B	-0.15	4.39E-01	-0.09	6.60E-01
TFF3	0.10	6.07E-01	0.09	6.60E-01
TMEM72	-0.26	1.79E-01	-0.09	6.60E-01
UBE2D3P2	-0.17	3.87E-01	0.09	6.60E-01
VCAN-AS1	-0.12	5.42E-01	-0.09	6.60E-01
WDR60	-0.17	3.87E-01	0.09	6.60E-01
XLOC_002900	-0.32	9.42E-02	-0.09	6.60E-01
ZNF554	0.17	3.93E-01	0.09	6.60E-01
AC019064.1	-0.10	6.28E-01	-0.09	6.62E-01
AC110781.3	0.02	9.20E-01	-0.09	6.62E-01
AKIRIN1	0.29	1.31E-01	0.09	6.62E-01

<b>AOC2</b>	-0.25	1.99E-01	0.09	6.62E-01
<b>ARHGAP10</b>	-0.02	9.27E-01	-0.09	6.62E-01
<b>ATP1B3-AS1</b>	0.22	2.66E-01	-0.09	6.62E-01
<b>BROX</b>	0.07	7.39E-01	0.09	6.62E-01
<b>CTB-50L17.8</b>	-0.16	4.16E-01	-0.09	6.62E-01
<b>CTC-459M5.1</b>	-0.26	1.90E-01	-0.09	6.62E-01
<b>CYP21A1P</b>	0.28	1.56E-01	-0.09	6.62E-01
<b>DGKI</b>	-0.21	2.74E-01	0.09	6.62E-01
<b>DHRS7B</b>	0.20	3.13E-01	-0.09	6.62E-01
<b>EIF1AXP1</b>	-0.08	6.92E-01	-0.09	6.62E-01
<b>ENTHD2</b>	-0.06	7.46E-01	-0.09	6.62E-01
<b>ERCC1</b>	0.36	6.15E-02	0.09	6.62E-01
<b>EXO5</b>	-0.15	4.46E-01	-0.09	6.62E-01
<b>G13084</b>	0.05	7.86E-01	0.09	6.62E-01
<b>HAUS1</b>	-0.10	6.29E-01	-0.09	6.62E-01
<b>HSP90AB1</b>	0.03	8.97E-01	-0.09	6.62E-01
<b>HSP90B1</b>	0.06	7.51E-01	-0.09	6.62E-01
<b>LLNLR-246C6.1</b>	-0.03	8.86E-01	0.09	6.62E-01
<b>MGAT5</b>	0.13	4.98E-01	0.09	6.62E-01
<b>MIR3134</b>	-0.23	2.36E-01	-0.09	6.62E-01
<b>MIR99A</b>	-0.03	8.81E-01	0.09	6.62E-01
<b>MZT1P1</b>	-0.13	5.04E-01	0.09	6.62E-01
<b>NECAB1</b>	-0.18	3.61E-01	-0.09	6.62E-01
<b>PAXIP1-AS2</b>	0.23	2.45E-01	0.09	6.62E-01
<b>PFAS</b>	-0.09	6.53E-01	0.09	6.62E-01
<b>PIPOX</b>	-0.09	6.37E-01	-0.09	6.62E-01
<b>POLDIP2</b>	0.23	2.38E-01	0.09	6.62E-01
<b>PRIMA1</b>	-0.08	6.98E-01	-0.09	6.62E-01
<b>RNU7-124P</b>	0.04	8.23E-01	0.09	6.62E-01
<b>RP1-172B20.6</b>	-0.07	7.15E-01	-0.09	6.62E-01
<b>RP11-147I3.1</b>	-0.16	4.19E-01	-0.09	6.62E-01
<b>RP11-214K3.20</b>	0.05	8.10E-01	-0.09	6.62E-01
<b>RP11-248E9.5</b>	-0.37	5.07E-02	0.09	6.62E-01
<b>RP11-303E16.3</b>	0.30	1.25E-01	-0.09	6.62E-01
<b>RP11-419K12.1</b>	-0.27	1.72E-01	-0.09	6.62E-01
<b>RP11-626G11.4</b>	-0.10	6.31E-01	0.09	6.62E-01
<b>RP11-666A8.7</b>	-0.28	1.44E-01	0.09	6.62E-01
<b>RP11-77H9.8</b>	0.29	1.34E-01	0.09	6.62E-01
<b>RP5-867C24.4</b>	0.16	4.09E-01	-0.09	6.62E-01
<b>RPL31P58</b>	0.10	5.98E-01	-0.09	6.62E-01
<b>SMPD4</b>	0.18	3.66E-01	-0.09	6.62E-01
<b>XLOC_006333</b>	0.00	9.90E-01	0.09	6.62E-01
<b>ZNF607</b>	0.18	3.51E-01	-0.09	6.62E-01
<b>7SK</b>	-0.12	5.40E-01	-0.09	6.63E-01
<b>AP004289.1</b>	0.21	2.93E-01	0.09	6.63E-01
<b>CBX2</b>	0.10	6.05E-01	0.09	6.63E-01
<b>CCDC140</b>	-0.16	4.24E-01	-0.09	6.63E-01

CCDC167	0.21	2.86E-01	0.09	6.63E-01
CTB-174D11.2	-0.21	2.78E-01	0.09	6.63E-01
CUL4A	0.28	1.52E-01	0.09	6.63E-01
EIF2D	0.05	8.12E-01	-0.09	6.63E-01
G26246	-0.11	5.64E-01	-0.09	6.63E-01
GMDS	-0.11	5.71E-01	0.09	6.63E-01
GPBAR1	-0.01	9.72E-01	0.09	6.63E-01
MATN3	0.17	3.83E-01	0.09	6.63E-01
MBNL1-AS1	-0.03	8.94E-01	-0.09	6.63E-01
NRG1	0.01	9.50E-01	0.09	6.63E-01
PAIP2B	-0.02	9.02E-01	-0.09	6.63E-01
PTGES3P2	-0.19	3.34E-01	-0.09	6.63E-01
ROMO1	0.10	6.12E-01	0.09	6.63E-01
RP11-197N18.7	-0.34	7.32E-02	0.09	6.63E-01
RP11-250B2.3	-0.30	1.15E-01	-0.09	6.63E-01
RP11-44F14.8	0.13	5.18E-01	-0.09	6.63E-01
RP11-493E12.1	0.15	4.60E-01	0.09	6.63E-01
RP11-692N5.2	-0.09	6.48E-01	0.09	6.63E-01
RP6-159A1.4	-0.24	2.23E-01	-0.09	6.63E-01
RPL10AP6	-0.02	9.34E-01	0.09	6.63E-01
STX17-AS1	-0.01	9.57E-01	-0.09	6.63E-01
SYT15	0.30	1.16E-01	-0.09	6.63E-01
TBC1D30	0.21	2.84E-01	0.09	6.63E-01
XLOC_005539	0.10	5.98E-01	-0.09	6.63E-01
ZSCAN32	0.19	3.45E-01	-0.09	6.63E-01
AC007126.1	-0.08	7.01E-01	-0.09	6.64E-01
AC007292.6	-0.21	2.81E-01	-0.09	6.64E-01
AC007319.1	0.18	3.60E-01	-0.09	6.64E-01
BCAS3	-0.25	2.09E-01	-0.09	6.64E-01
CIT	-0.02	9.21E-01	-0.09	6.64E-01
FUCA1	0.03	8.93E-01	-0.09	6.64E-01
G11195	-0.31	1.10E-01	-0.09	6.64E-01
HSPB6	-0.10	6.10E-01	-0.09	6.64E-01
JAKMIP3	-0.17	3.73E-01	-0.09	6.64E-01
MAP3K4	-0.01	9.56E-01	-0.09	6.64E-01
MIR574	0.14	4.71E-01	-0.09	6.64E-01
RP11-461F16.3	-0.05	8.12E-01	-0.09	6.64E-01
RP11-867G2.4	-0.15	4.54E-01	-0.09	6.64E-01
SH3GLB2	-0.08	6.76E-01	-0.09	6.64E-01
TJAP1	0.07	7.06E-01	-0.09	6.64E-01
XLOC_005856	-0.18	3.62E-01	-0.09	6.64E-01
ZDHC11	-0.28	1.53E-01	-0.09	6.64E-01
AC130709.1	0.11	5.85E-01	0.09	6.64E-01
CBX3P9	0.06	7.75E-01	0.09	6.64E-01
CTD-3222D19.7	0.03	8.68E-01	0.09	6.64E-01
DISC1FP1	-0.14	4.83E-01	0.09	6.64E-01
EIF5P1	-0.12	5.33E-01	0.09	6.64E-01

EN1	0.28	1.54E-01	0.09	6.64E-01
NELFB	0.21	2.83E-01	0.09	6.64E-01
POLR1E	0.14	4.74E-01	0.09	6.64E-01
PRDX2	0.00	9.94E-01	0.09	6.64E-01
RFX8	-0.12	5.29E-01	0.09	6.64E-01
RN7SL128P	-0.06	7.70E-01	0.09	6.64E-01
RP11-12A20.7	0.14	4.70E-01	0.09	6.64E-01
RP11-263C24.1	-0.08	6.96E-01	0.09	6.64E-01
RP11-576N17.3	-0.23	2.42E-01	0.09	6.64E-01
RP11-967K21.1	-0.43	2.25E-02	0.09	6.64E-01
RPS28	0.40	3.62E-02	0.09	6.64E-01
ZZEF1	-0.07	7.31E-01	0.09	6.64E-01
AC004893.10	0.12	5.51E-01	-0.09	6.65E-01
AC005162.4	-0.04	8.56E-01	-0.09	6.65E-01
AC005264.2	0.30	1.27E-01	-0.09	6.65E-01
AC073333.8	-0.26	1.82E-01	-0.09	6.65E-01
ADORA2B	0.29	1.29E-01	-0.09	6.65E-01
C15orf65	0.09	6.67E-01	0.09	6.65E-01
C6orf120	0.21	2.91E-01	-0.09	6.65E-01
CD72	-0.29	1.41E-01	0.09	6.65E-01
CELF4	-0.13	5.14E-01	-0.09	6.65E-01
CTD-3113P16.11	-0.18	3.64E-01	0.09	6.65E-01
DROSHA	-0.17	3.79E-01	0.09	6.65E-01
ERI3	0.04	8.25E-01	-0.09	6.65E-01
LINC00483	0.18	3.48E-01	0.09	6.65E-01
LINC01372	0.10	6.02E-01	0.09	6.65E-01
PGM5	-0.09	6.56E-01	-0.09	6.65E-01
RNU6-331P	0.34	7.46E-02	-0.09	6.65E-01
RP1-267D11.6	-0.13	5.04E-01	0.09	6.65E-01
RP1-86C11.7	-0.15	4.37E-01	-0.09	6.65E-01
RP11-114H23.2	0.23	2.47E-01	-0.09	6.65E-01
RP11-164H5.1	0.02	9.00E-01	-0.09	6.65E-01
RP11-217L21.1	0.02	9.22E-01	-0.09	6.65E-01
RP11-227G15.8	-0.28	1.56E-01	-0.09	6.65E-01
RP11-231E6.1	-0.13	5.00E-01	-0.09	6.65E-01
RP11-418H16.1	-0.04	8.44E-01	0.09	6.65E-01
RP11-650K20.2	-0.11	5.72E-01	0.09	6.65E-01
RP11-932O9.9	0.14	4.86E-01	-0.09	6.65E-01
SH3BP4	-0.05	8.15E-01	-0.09	6.65E-01
SNORD105B	0.03	8.91E-01	-0.09	6.65E-01
SRGAP2B	-0.26	1.74E-01	0.09	6.65E-01
SSC5D	-0.32	9.18E-02	-0.09	6.65E-01
TBX21	0.23	2.37E-01	0.09	6.65E-01
TIMM13	0.04	8.40E-01	0.09	6.65E-01
VN1R108P	-0.09	6.67E-01	-0.09	6.65E-01
ZKSCAN8	0.04	8.30E-01	-0.09	6.65E-01
ZNF483	-0.13	5.24E-01	-0.09	6.65E-01

ZNF778	0.26	1.87E-01	-0.09	6.65E-01
A1BG	-0.09	6.53E-01	0.09	6.66E-01
AC007386.3	0.01	9.64E-01	-0.09	6.66E-01
AC015815.2	0.09	6.61E-01	0.09	6.66E-01
AC074367.1	0.09	6.45E-01	-0.09	6.66E-01
AP000593.7	0.06	7.51E-01	0.09	6.66E-01
CCDC148	0.00	9.92E-01	-0.09	6.66E-01
CDCA7	-0.09	6.40E-01	0.09	6.66E-01
CLIC2	0.03	8.71E-01	-0.09	6.66E-01
CTC-518B2.10	0.17	3.87E-01	0.09	6.66E-01
DNAJC3-AS1	-0.03	8.76E-01	-0.09	6.66E-01
FAM66A	0.30	1.23E-01	0.09	6.66E-01
GLUD1P3	0.07	7.40E-01	-0.09	6.66E-01
LDAH	0.31	1.09E-01	0.09	6.66E-01
MIR3137	0.18	3.72E-01	-0.09	6.66E-01
MUC21	0.19	3.34E-01	-0.09	6.66E-01
MXRA5Y	0.04	8.50E-01	0.09	6.66E-01
PBK	0.10	6.24E-01	-0.09	6.66E-01
PIGU	0.02	9.02E-01	-0.09	6.66E-01
QRICH1	-0.18	3.70E-01	-0.09	6.66E-01
RNU1-134P	0.16	4.12E-01	-0.09	6.66E-01
RNU6-608P	-0.22	2.71E-01	-0.09	6.66E-01
RP1-122O8.7	0.16	4.04E-01	0.09	6.66E-01
RP11-111E14.1	-0.32	9.96E-02	-0.09	6.66E-01
RP11-295I5.4	-0.06	7.49E-01	-0.09	6.66E-01
RP11-337C18.9	-0.03	8.70E-01	-0.09	6.66E-01
RP11-384B12.3	-0.08	7.03E-01	-0.09	6.66E-01
RP11-477I4.4	-0.13	5.05E-01	-0.09	6.66E-01
RP11-481J2.4	0.16	4.04E-01	0.09	6.66E-01
RP11-483F11.7	-0.26	1.78E-01	0.09	6.66E-01
RP11-543P15.1	-0.10	6.01E-01	-0.09	6.66E-01
RP11-797A18.5	-0.10	6.02E-01	-0.09	6.66E-01
RP3-331H24.6	-0.27	1.70E-01	0.09	6.66E-01
RP4-686C3.7	-0.10	6.30E-01	0.09	6.66E-01
SIRPAP1	0.08	6.89E-01	-0.09	6.66E-01
STMN1	0.17	3.96E-01	-0.09	6.66E-01
TNFRSF19	-0.08	7.02E-01	0.09	6.66E-01
TUFM	0.15	4.39E-01	0.09	6.66E-01
ZNF599	0.06	7.73E-01	-0.09	6.66E-01
AC006077.3	-0.06	7.79E-01	0.09	6.67E-01
AC032027.1	0.12	5.29E-01	-0.09	6.67E-01
AC093159.1	0.23	2.40E-01	-0.09	6.67E-01
AKT2	0.35	6.84E-02	0.09	6.67E-01
ANKRD62	0.09	6.66E-01	0.09	6.67E-01
ATP5I	0.36	6.11E-02	0.09	6.67E-01
CCNI	0.20	3.00E-01	0.09	6.67E-01
CENPE	-0.02	9.29E-01	0.09	6.67E-01

<b>CREG1</b>	0.22	2.68E-01	0.09	6.67E-01
<b>CTC-360G5.9</b>	0.08	6.89E-01	-0.09	6.67E-01
<b>CTC-429P9.1</b>	0.12	5.46E-01	-0.09	6.67E-01
<b>CTC-429P9.3</b>	-0.18	3.49E-01	-0.09	6.67E-01
<b>DSEL</b>	-0.19	3.37E-01	-0.09	6.67E-01
<b>G25704</b>	0.01	9.71E-01	-0.09	6.67E-01
<b>G31519</b>	-0.05	7.98E-01	0.09	6.67E-01
<b>GOLGA1</b>	0.30	1.20E-01	0.09	6.67E-01
<b>HERC2P3</b>	0.08	7.04E-01	-0.09	6.67E-01
<b>IGKV3-20</b>	0.45	1.57E-02	0.09	6.67E-01
<b>IGSF9B</b>	0.01	9.57E-01	0.09	6.67E-01
<b>INTS8</b>	-0.16	4.09E-01	-0.09	6.67E-01
<b>LINC00607</b>	-0.34	7.34E-02	0.09	6.67E-01
<b>NDUFA5P11</b>	-0.43	2.39E-02	-0.09	6.67E-01
<b>OPRK1</b>	-0.11	5.74E-01	0.09	6.67E-01
<b>PHKA1-AS1</b>	0.34	7.59E-02	0.09	6.67E-01
<b>PRPF8</b>	0.03	8.70E-01	-0.09	6.67E-01
<b>RGS17</b>	-0.06	7.72E-01	-0.09	6.67E-01
<b>RP11-388P9.3</b>	0.02	9.06E-01	-0.09	6.67E-01
<b>RP11-467I17.1</b>	-0.08	6.90E-01	-0.09	6.67E-01
<b>RP11-49O14.3</b>	-0.04	8.50E-01	0.09	6.67E-01
<b>RP11-533E19.5</b>	-0.21	2.74E-01	0.09	6.67E-01
<b>RP5-1014D13.2</b>	0.12	5.36E-01	-0.09	6.67E-01
<b>SNORD64</b>	-0.19	3.45E-01	0.09	6.67E-01
<b>SPINT2</b>	0.16	4.02E-01	0.09	6.67E-01
<b>TAS1R1</b>	-0.19	3.46E-01	-0.09	6.67E-01
<b>TNRC6B</b>	-0.10	6.08E-01	0.09	6.67E-01
<b>UPK3BP1</b>	-0.12	5.31E-01	-0.09	6.67E-01
<b>XLOC_002344</b>	0.00	9.91E-01	-0.09	6.67E-01
<b>XLOC_003985</b>	-0.05	7.87E-01	-0.09	6.67E-01
<b>XLOC_007753</b>	-0.31	1.05E-01	-0.09	6.67E-01
<b>ZNF496</b>	0.08	6.87E-01	-0.09	6.67E-01
<b>AB015752.3</b>	-0.01	9.48E-01	0.09	6.68E-01
<b>AC007679.3</b>	0.27	1.69E-01	0.09	6.68E-01
<b>AC016910.1</b>	0.19	3.34E-01	-0.09	6.68E-01
<b>ACAT1</b>	-0.11	5.88E-01	-0.09	6.68E-01
<b>ACBD7</b>	0.09	6.60E-01	0.09	6.68E-01
<b>ADM</b>	-0.23	2.43E-01	0.09	6.68E-01
<b>C1orf109</b>	0.37	5.56E-02	-0.09	6.68E-01
<b>C6</b>	-0.12	5.31E-01	-0.09	6.68E-01
<b>CDK2AP2</b>	-0.02	9.09E-01	0.09	6.68E-01
<b>CENPA</b>	0.08	6.79E-01	0.09	6.68E-01
<b>CTD-2035E11.5</b>	-0.01	9.45E-01	-0.09	6.68E-01
<b>GALE</b>	0.17	3.97E-01	0.09	6.68E-01
<b>KLF10</b>	0.03	8.75E-01	-0.09	6.68E-01
<b>LA16c-380F5.1</b>	0.11	5.85E-01	-0.09	6.68E-01
<b>LCLAT1</b>	0.10	6.26E-01	0.09	6.68E-01

LIMS2	-0.38	4.62E-02	0.09	6.68E-01
LINC00467	0.13	4.97E-01	0.09	6.68E-01
LPAR2	-0.26	1.80E-01	-0.09	6.68E-01
NDUFA10	-0.09	6.40E-01	0.09	6.68E-01
NDUFB4P1	-0.14	4.93E-01	-0.09	6.68E-01
NISCH	0.01	9.55E-01	0.09	6.68E-01
NKX6-2	0.01	9.74E-01	0.09	6.68E-01
OXCT2P1	0.07	7.24E-01	0.09	6.68E-01
PAX1	-0.01	9.53E-01	0.09	6.68E-01
PPP1R9A	-0.30	1.18E-01	-0.09	6.68E-01
RMND5A	0.09	6.54E-01	0.09	6.68E-01
RN7SL370P	-0.06	7.50E-01	-0.09	6.68E-01
RN7SL689P	0.05	7.83E-01	-0.09	6.68E-01
RP11-193H22.2	0.27	1.68E-01	0.09	6.68E-01
RP11-466A19.5	-0.19	3.37E-01	0.09	6.68E-01
RP11-5G9.5	-0.26	1.80E-01	0.09	6.68E-01
RP11-887P2.5	0.05	7.86E-01	-0.09	6.68E-01
RP11-8L18.3	-0.10	6.22E-01	0.09	6.68E-01
SLC26A4	-0.14	4.79E-01	-0.09	6.68E-01
SNRNP48	0.16	4.18E-01	-0.09	6.68E-01
UBE2V2P4	0.08	6.71E-01	-0.09	6.68E-01
WDR34	-0.06	7.66E-01	0.09	6.68E-01
XLOC_008895	0.00	9.91E-01	-0.09	6.68E-01
ZBTB14	-0.04	8.54E-01	0.09	6.68E-01
ZNF155	0.16	4.15E-01	0.09	6.68E-01
ZNF696	0.01	9.59E-01	0.09	6.68E-01
ZNHIT6	0.05	7.87E-01	-0.09	6.68E-01
AC007131.2	0.09	6.58E-01	0.09	6.69E-01
FLCN	-0.07	7.13E-01	0.09	6.69E-01
G17690	-0.02	9.16E-01	0.09	6.69E-01
GATAD2A	0.19	3.40E-01	0.09	6.69E-01
KLHL25	0.05	7.93E-01	0.09	6.69E-01
RABEPK	0.06	7.43E-01	0.09	6.69E-01
RP11-164P12.3	-0.25	1.98E-01	0.09	6.69E-01
RP11-330L19.2	-0.20	2.98E-01	0.09	6.69E-01
RP11-93O14.1	-0.12	5.40E-01	0.09	6.69E-01
TUBA3D	0.05	7.83E-01	0.09	6.69E-01
ASNS	0.06	7.73E-01	-0.09	6.69E-01
CLSTN3	0.09	6.61E-01	-0.09	6.69E-01
DENND4C	-0.10	6.16E-01	-0.09	6.69E-01
EDAR	-0.31	1.13E-01	-0.09	6.69E-01
FEN1	0.04	8.41E-01	-0.09	6.69E-01
G10734	-0.28	1.43E-01	-0.09	6.69E-01
KPNA1	0.08	6.93E-01	-0.09	6.69E-01
KRT18P63	-0.13	5.19E-01	-0.09	6.69E-01
MIR4442	-0.02	9.13E-01	-0.09	6.69E-01
MIR497HG	-0.05	7.86E-01	-0.09	6.69E-01

MIR659	-0.17	3.92E-01	-0.09	6.69E-01
RAD18	0.16	4.18E-01	-0.09	6.69E-01
RP11-334J6.6	-0.58	1.31E-03	-0.09	6.69E-01
RP11-543C4.1	0.05	7.95E-01	-0.09	6.69E-01
RP11-635N19.1	-0.20	3.12E-01	-0.09	6.69E-01
RP3-522J7.7	-0.49	8.03E-03	-0.09	6.69E-01
SEPT14P12	0.02	9.22E-01	-0.09	6.69E-01
SMARCD1	0.24	2.26E-01	-0.09	6.69E-01
STK19	-0.30	1.20E-01	-0.09	6.69E-01
TARBP1	-0.21	2.75E-01	-0.09	6.69E-01
TPM4	-0.02	9.31E-01	-0.09	6.69E-01
ALG9-IT1	-0.16	4.04E-01	-0.09	6.70E-01
ANKRD42	-0.18	3.59E-01	-0.09	6.70E-01
ASS1P1	-0.29	1.40E-01	0.09	6.70E-01
BRE	0.11	5.85E-01	0.09	6.70E-01
CCDC120	-0.08	6.90E-01	0.09	6.70E-01
CCT4	0.01	9.69E-01	-0.09	6.70E-01
CD1B	0.25	2.08E-01	0.09	6.70E-01
CTD-2218G20.2	-0.07	7.39E-01	-0.09	6.70E-01
DNMT3B	0.44	2.02E-02	-0.09	6.70E-01
G38985	-0.14	4.82E-01	-0.09	6.70E-01
HIST3H2A	-0.20	3.19E-01	-0.09	6.70E-01
HLA-DRA	0.23	2.35E-01	0.09	6.70E-01
HMG2P5	-0.23	2.35E-01	0.09	6.70E-01
HYI	-0.07	7.29E-01	-0.09	6.70E-01
KRT23	-0.15	4.60E-01	-0.09	6.70E-01
LARS2	0.19	3.30E-01	0.09	6.70E-01
NUP37	0.12	5.31E-01	0.09	6.70E-01
PIK3C2A	0.29	1.34E-01	0.09	6.70E-01
PPP1R11	0.15	4.59E-01	0.09	6.70E-01
PRMT5	0.24	2.14E-01	0.09	6.70E-01
PSMA5	0.22	2.66E-01	0.09	6.70E-01
RP11-120K19.4	-0.07	7.27E-01	0.09	6.70E-01
RP11-292F9.1	-0.18	3.70E-01	0.09	6.70E-01
RP11-320N7.2	-0.30	1.16E-01	-0.09	6.70E-01
RP11-593F23.1	-0.11	5.93E-01	0.09	6.70E-01
RP11-632K20.2	-0.05	8.14E-01	0.09	6.70E-01
RP11-685B24.1	0.15	4.57E-01	-0.09	6.70E-01
RP11-69M1.6	-0.10	6.14E-01	0.09	6.70E-01
RP11-719K4.7	0.03	8.69E-01	0.09	6.70E-01
RP4-751H13.5	-0.22	2.68E-01	0.09	6.70E-01
SLC5A3	0.06	7.79E-01	0.09	6.70E-01
SMIM7	0.08	6.87E-01	0.09	6.70E-01
TNFRSF1A	0.10	6.26E-01	0.09	6.70E-01
UBAP1L	-0.20	3.18E-01	-0.09	6.70E-01
XLOC_005040	-0.14	4.75E-01	-0.09	6.70E-01
ZNF574	-0.01	9.49E-01	0.09	6.70E-01



AC005304.1	0.15	4.54E-01	-0.09	6.71E-01
AC005593.2	-0.37	5.21E-02	-0.09	6.71E-01
AC126544.4	-0.42	2.65E-02	-0.09	6.71E-01
ACTG1P3	-0.11	5.67E-01	0.09	6.71E-01
ALDH1A3	0.33	8.21E-02	-0.09	6.71E-01
CAPZB	0.03	8.94E-01	0.09	6.71E-01
CEBPZ	0.04	8.46E-01	0.09	6.71E-01
CTD-2165H16.3	-0.05	8.12E-01	0.09	6.71E-01
FCRL3	-0.23	2.50E-01	0.09	6.71E-01
G12578	-0.04	8.53E-01	-0.09	6.71E-01
GBP1P1	0.04	8.54E-01	-0.09	6.71E-01
HIST1H2AC	-0.13	5.03E-01	0.09	6.71E-01
INPP5B	-0.01	9.50E-01	-0.09	6.71E-01
LINC00968	-0.17	3.75E-01	0.09	6.71E-01
MAST4-AS1	-0.15	4.44E-01	-0.09	6.71E-01
RAD51AP1	0.18	3.66E-01	-0.09	6.71E-01
RN7SL20P	-0.15	4.45E-01	0.09	6.71E-01
RNU6-987P	0.16	4.25E-01	-0.09	6.71E-01
RP11-1060J15.9	-0.11	5.60E-01	0.09	6.71E-01
RP11-10L12.4	-0.01	9.55E-01	-0.09	6.71E-01
RP11-1399P15.1	-0.01	9.58E-01	0.09	6.71E-01
RP11-321F6.2	-0.32	1.02E-01	0.09	6.71E-01
RP11-325E5.4	-0.09	6.63E-01	0.09	6.71E-01
RP11-472B18.1	0.32	9.33E-02	-0.09	6.71E-01
RP11-483C6.1	0.08	6.99E-01	-0.09	6.71E-01
RP11-73G16.3	-0.28	1.42E-01	0.09	6.71E-01
RP11-90P5.1	0.01	9.48E-01	0.09	6.71E-01
RP13-467H17.1	0.27	1.66E-01	-0.09	6.71E-01
RPL21P23	-0.08	6.95E-01	-0.09	6.71E-01
SNORD116-26	0.01	9.50E-01	0.09	6.71E-01
TMEM72-AS1	0.08	6.80E-01	-0.09	6.71E-01
ZBTB3	0.04	8.28E-01	0.09	6.71E-01
ZNF569	0.13	5.21E-01	-0.09	6.71E-01
ZRANB2-AS2	-0.35	7.10E-02	-0.09	6.71E-01
ANAPC13	0.17	3.82E-01	0.09	6.73E-01
BIN1	0.03	8.91E-01	0.09	6.73E-01
C1orf186	0.16	4.21E-01	0.09	6.73E-01
CADM4	-0.04	8.27E-01	0.09	6.73E-01
CCNE2	-0.27	1.59E-01	-0.09	6.73E-01
CLK4	0.01	9.69E-01	-0.09	6.73E-01
COL1A1	-0.04	8.43E-01	0.09	6.73E-01
CPT1B	-0.06	7.48E-01	-0.09	6.73E-01
CTD-3193O13.12	0.07	7.23E-01	-0.09	6.73E-01
DCD	-0.21	2.80E-01	-0.09	6.73E-01
DGCR12	-0.22	2.50E-01	-0.09	6.73E-01
GAPDHP32	0.15	4.47E-01	-0.09	6.73E-01
GEN1	0.26	1.79E-01	-0.09	6.73E-01

HMGB2	0.04	8.41E-01	0.09	6.73E-01
KDEL2	-0.07	7.15E-01	-0.09	6.73E-01
LAMTOR1	0.11	5.77E-01	0.09	6.73E-01
LILRB5	-0.10	5.97E-01	0.09	6.73E-01
MARVELD2	0.23	2.50E-01	0.09	6.73E-01
MCEMP1	-0.10	6.01E-01	0.09	6.73E-01
MIR4477B	0.24	2.18E-01	-0.09	6.73E-01
MYH11	0.00	9.99E-01	0.09	6.73E-01
PCNA	0.06	7.73E-01	-0.09	6.73E-01
PHBP12	0.04	8.44E-01	0.09	6.73E-01
PHOSPHO1	0.14	4.72E-01	0.09	6.73E-01
RNU6-1190P	0.04	8.27E-01	-0.09	6.73E-01
RP11-107E5.3	-0.30	1.25E-01	-0.09	6.73E-01
RP11-259O2.2	0.10	6.07E-01	-0.09	6.73E-01
RP11-274H2.2	0.35	6.46E-02	-0.09	6.73E-01
RP11-342M1.7	0.12	5.31E-01	-0.09	6.73E-01
RP11-43P8.2	0.06	7.64E-01	-0.09	6.73E-01
RP11-504G3.4	0.22	2.68E-01	0.09	6.73E-01
RP13-488H8.1	0.03	8.79E-01	0.09	6.73E-01
RPL7AP31	0.00	9.80E-01	0.09	6.73E-01
SLC52A2	0.22	2.70E-01	0.09	6.73E-01
SRBD1	-0.13	5.25E-01	0.09	6.73E-01
TFAP4	0.23	2.49E-01	0.09	6.73E-01
ZNF41	0.10	6.18E-01	-0.09	6.73E-01
C1QTNF6	-0.08	6.96E-01	0.08	6.74E-01
COPA	0.15	4.39E-01	0.08	6.74E-01
CYP2F2P	-0.29	1.32E-01	0.08	6.74E-01
DGUOK-AS1	-0.11	5.62E-01	0.08	6.74E-01
LRRC37B	0.08	6.96E-01	0.08	6.74E-01
MRC2	0.02	9.38E-01	0.08	6.74E-01
NUDCD3	0.09	6.38E-01	0.08	6.74E-01
OPTN	0.03	8.66E-01	0.08	6.74E-01
RN7SL505P	0.13	5.15E-01	0.08	6.74E-01
RNU6-859P	-0.06	7.43E-01	0.08	6.74E-01
RP1-149A16.16	-0.11	5.76E-01	0.08	6.74E-01
SAFB2	0.20	3.14E-01	0.08	6.74E-01
SERBP1P5	-0.25	1.97E-01	0.08	6.74E-01
SLC35G2	0.27	1.68E-01	0.08	6.74E-01
UBXN1	-0.07	7.05E-01	0.08	6.74E-01
AC132872.2	0.16	4.17E-01	-0.08	6.74E-01
AP000473.6	-0.29	1.34E-01	-0.08	6.74E-01
BMP5	-0.31	1.07E-01	-0.08	6.74E-01
CCR6	0.06	7.51E-01	-0.08	6.74E-01
CLEC3B	-0.25	2.08E-01	-0.08	6.74E-01
CTA-286B10.7	0.03	8.64E-01	-0.08	6.74E-01
DTD1	0.17	3.82E-01	-0.08	6.74E-01
FBXO34	0.17	3.94E-01	-0.08	6.74E-01

HACE1	-0.03	8.66E-01	-0.08	6.74E-01
HBS1L	0.08	6.75E-01	-0.08	6.74E-01
HIPK1-AS1	0.02	9.20E-01	-0.08	6.74E-01
MIR3605	-0.17	3.87E-01	-0.08	6.74E-01
MTL5	0.42	2.42E-02	-0.08	6.74E-01
PPP4R2	0.27	1.69E-01	-0.08	6.74E-01
RP11-583F24.7	0.25	2.04E-01	-0.08	6.74E-01
SACM1L	0.18	3.55E-01	-0.08	6.74E-01
WASH3P	-0.16	4.09E-01	-0.08	6.74E-01
WDR54	0.04	8.31E-01	-0.08	6.74E-01
XLOC_011150	0.19	3.26E-01	-0.08	6.74E-01
AC016644.1	0.10	6.18E-01	0.08	6.75E-01
AC073283.7	0.08	6.92E-01	-0.08	6.75E-01
AC159540.14	-0.03	8.83E-01	0.08	6.75E-01
AF127577.11	0.10	6.29E-01	-0.08	6.75E-01
BTN2A2	-0.18	3.50E-01	0.08	6.75E-01
C1orf43	0.07	7.07E-01	0.08	6.75E-01
C6orf106	0.36	5.86E-02	0.08	6.75E-01
CTD-2012J19.3	0.01	9.58E-01	-0.08	6.75E-01
DAXX	0.14	4.92E-01	0.08	6.75E-01
G26344	-0.05	8.03E-01	0.08	6.75E-01
GLB1	-0.01	9.56E-01	-0.08	6.75E-01
HMGNA4	-0.03	8.88E-01	-0.08	6.75E-01
KRTAP9-4	-0.26	1.85E-01	0.08	6.75E-01
LPAR3	0.12	5.47E-01	0.08	6.75E-01
MED1	-0.03	8.80E-01	-0.08	6.75E-01
MT-ND1	0.17	3.82E-01	0.08	6.75E-01
NEK7	0.22	2.62E-01	-0.08	6.75E-01
PGP	-0.03	8.68E-01	0.08	6.75E-01
PSMD6	0.13	5.25E-01	-0.08	6.75E-01
RHOXF1	-0.22	2.52E-01	0.08	6.75E-01
RNA5SP450	-0.20	3.04E-01	0.08	6.75E-01
RP11-120D5.1	0.03	8.90E-01	0.08	6.75E-01
RP11-20O24.4	-0.10	5.96E-01	0.08	6.75E-01
RP11-40C6.2	0.26	1.84E-01	-0.08	6.75E-01
SLC2A3P2	0.10	6.20E-01	0.08	6.75E-01
SNORA54	0.21	2.87E-01	0.08	6.75E-01
XLOC_013994	0.24	2.26E-01	0.08	6.75E-01
KXbac-BPG32J3.15	0.22	2.61E-01	0.08	6.75E-01
ZFP57	0.22	2.66E-01	0.08	6.75E-01
ZNF497	0.16	4.04E-01	0.08	6.75E-01
ZNF565	0.02	9.34E-01	-0.08	6.75E-01
snoU13	-0.12	5.48E-01	-0.08	6.75E-01
AC022819.3	0.22	2.57E-01	0.08	6.76E-01
ADRA1A	-0.12	5.48E-01	-0.08	6.76E-01
AKAP8L	-0.03	8.95E-01	-0.08	6.76E-01
AL357673.1	0.29	1.34E-01	0.08	6.76E-01

<b>ANKRD20A4</b>	-0.49	8.88E-03	-0.08	6.76E-01
<b>BRF1</b>	0.29	1.29E-01	0.08	6.76E-01
<b>CTD-2591A1.1</b>	0.04	8.29E-01	-0.08	6.76E-01
<b>DDX42</b>	-0.11	5.70E-01	0.08	6.76E-01
<b>DLK2</b>	0.29	1.38E-01	0.08	6.76E-01
<b>FASTKD5</b>	0.17	3.99E-01	0.08	6.76E-01
<b>GLOD4</b>	0.02	9.29E-01	-0.08	6.76E-01
<b>HSD17B6</b>	0.16	4.03E-01	0.08	6.76E-01
<b>IFT74</b>	-0.22	2.55E-01	0.08	6.76E-01
<b>KCNK7</b>	0.07	7.32E-01	0.08	6.76E-01
<b>LSM12P1</b>	-0.11	5.75E-01	0.08	6.76E-01
<b>MIR222</b>	0.44	1.80E-02	-0.08	6.76E-01
<b>MIR2467</b>	-0.12	5.33E-01	0.08	6.76E-01
<b>MIR600HG</b>	-0.15	4.45E-01	-0.08	6.76E-01
<b>NEDD4L</b>	-0.07	7.12E-01	0.08	6.76E-01
<b>OLFML3</b>	-0.22	2.70E-01	-0.08	6.76E-01
<b>PIGK</b>	0.13	5.11E-01	-0.08	6.76E-01
<b>PLEKHB1</b>	0.05	8.02E-01	-0.08	6.76E-01
<b>PLPP1</b>	-0.02	9.12E-01	0.08	6.76E-01
<b>PRDM4</b>	0.16	4.29E-01	0.08	6.76E-01
<b>PSME4</b>	0.05	8.19E-01	-0.08	6.76E-01
<b>RAB8A</b>	0.27	1.63E-01	0.08	6.76E-01
<b>REEP6</b>	0.02	9.13E-01	0.08	6.76E-01
<b>RP1-308E4.1</b>	-0.21	2.83E-01	0.08	6.76E-01
<b>RP11-109P14.8</b>	0.07	7.19E-01	0.08	6.76E-01
<b>RP11-320M2.1</b>	-0.18	3.50E-01	-0.08	6.76E-01
<b>RP11-434P11.1</b>	-0.30	1.21E-01	-0.08	6.76E-01
<b>RP11-500G10.5</b>	0.22	2.60E-01	-0.08	6.76E-01
<b>RP11-638I2.10</b>	-0.04	8.49E-01	0.08	6.76E-01
<b>SCML2P2</b>	0.16	4.14E-01	0.08	6.76E-01
<b>SLC4A1AP</b>	0.24	2.18E-01	-0.08	6.76E-01
<b>SNHG4</b>	-0.07	7.31E-01	-0.08	6.76E-01
<b>SSBP3-AS1</b>	0.24	2.23E-01	0.08	6.76E-01
<b>TCAF2P1</b>	-0.11	5.87E-01	-0.08	6.76E-01
<b>TLE6</b>	-0.22	2.62E-01	-0.08	6.76E-01
<b>XLOC_012338</b>	-0.03	8.70E-01	-0.08	6.76E-01
<b>ZNF445</b>	-0.10	6.29E-01	-0.08	6.76E-01
<b>ZNF680P1</b>	-0.36	5.88E-02	0.08	6.76E-01
<b>AC009095.4</b>	-0.18	3.61E-01	0.08	6.77E-01
<b>ARFGF2</b>	0.13	5.12E-01	0.08	6.77E-01
<b>ATP6V1C2</b>	0.04	8.33E-01	0.08	6.77E-01
<b>C17orf100</b>	0.04	8.22E-01	-0.08	6.77E-01
<b>C1orf115</b>	-0.28	1.51E-01	-0.08	6.77E-01
<b>CCNI2</b>	-0.10	6.01E-01	-0.08	6.77E-01
<b>CD109</b>	0.02	9.05E-01	-0.08	6.77E-01
<b>CTD-2576N18.1</b>	-0.30	1.23E-01	-0.08	6.77E-01
<b>EVA1C</b>	0.08	7.03E-01	0.08	6.77E-01

FCHSD2	-0.06	7.69E-01	0.08	6.77E-01
FGF11	-0.36	5.88E-02	0.08	6.77E-01
GPR182	0.03	8.91E-01	0.08	6.77E-01
GS1-279B7.2	0.18	3.57E-01	-0.08	6.77E-01
HIST1H2BN	-0.07	7.19E-01	0.08	6.77E-01
HNRNPA3P11	-0.32	9.53E-02	-0.08	6.77E-01
HNRNPL	0.22	2.70E-01	0.08	6.77E-01
HSD17B7	0.15	4.34E-01	-0.08	6.77E-01
HSDL1	0.20	3.09E-01	0.08	6.77E-01
KB-431C1.5	-0.03	8.75E-01	-0.08	6.77E-01
KCNK15-AS1	-0.11	5.69E-01	-0.08	6.77E-01
KIAA1161	0.21	2.83E-01	0.08	6.77E-01
KIAA2013	0.11	5.79E-01	-0.08	6.77E-01
KMO	0.33	8.24E-02	-0.08	6.77E-01
L22NC03-80A10.6	-0.12	5.53E-01	-0.08	6.77E-01
MCTS1	0.09	6.51E-01	0.08	6.77E-01
NICN1	-0.01	9.67E-01	0.08	6.77E-01
P2RX5	-0.22	2.66E-01	0.08	6.77E-01
PDSS1P1	-0.13	5.17E-01	-0.08	6.77E-01
PLCB4	-0.34	7.34E-02	-0.08	6.77E-01
PTRH2	0.13	5.25E-01	0.08	6.77E-01
RIMKLBP2	-0.08	6.76E-01	0.08	6.77E-01
RNU6-195P	-0.07	7.42E-01	-0.08	6.77E-01
RNU7-79P	0.06	7.66E-01	-0.08	6.77E-01
RP11-21G15.1	-0.08	6.95E-01	0.08	6.77E-01
RP11-344F13.1	-0.26	1.77E-01	0.08	6.77E-01
RP11-361I14.2	-0.06	7.68E-01	-0.08	6.77E-01
RP11-417F21.1	0.09	6.40E-01	-0.08	6.77E-01
RP11-72I2.2	-0.25	1.98E-01	0.08	6.77E-01
RP11-93G5.1	0.02	9.27E-01	0.08	6.77E-01
RP13-554M15.2	-0.18	3.70E-01	0.08	6.77E-01
TUSC2	0.05	8.19E-01	-0.08	6.77E-01
VAMP1	-0.08	6.91E-01	0.08	6.77E-01
C1QL1	-0.02	9.05E-01	0.08	6.78E-01
CCDC108	-0.24	2.21E-01	-0.08	6.78E-01
CTC-329H14.1	0.05	8.18E-01	-0.08	6.78E-01
CTSO	0.27	1.58E-01	-0.08	6.78E-01
EIF4HP1	0.06	7.67E-01	0.08	6.78E-01
FABP9	-0.06	7.79E-01	0.08	6.78E-01
FAM26D	-0.12	5.53E-01	-0.08	6.78E-01
FAM86HP	0.23	2.44E-01	-0.08	6.78E-01
G42176	-0.09	6.40E-01	0.08	6.78E-01
GSTZ1	0.30	1.22E-01	0.08	6.78E-01
HAS2	-0.23	2.30E-01	0.08	6.78E-01
HLCS	0.07	7.27E-01	-0.08	6.78E-01
HSD3BP4	0.00	9.91E-01	0.08	6.78E-01
HSPA1A	-0.16	4.19E-01	0.08	6.78E-01

KLHL20	0.08	6.82E-01	-0.08	6.78E-01
MIR143HG	-0.21	2.82E-01	0.08	6.78E-01
MIR548L	0.10	5.95E-01	0.08	6.78E-01
NBPF2P	0.19	3.23E-01	-0.08	6.78E-01
NUFIP1	0.20	3.02E-01	-0.08	6.78E-01
NUMB	-0.33	8.90E-02	0.08	6.78E-01
PABPC1P7	0.03	8.91E-01	-0.08	6.78E-01
PCDHGC5	0.10	6.11E-01	0.08	6.78E-01
PLIN5	0.21	2.90E-01	0.08	6.78E-01
POM121L14P	0.02	9.03E-01	-0.08	6.78E-01
POMGNT1	0.04	8.23E-01	0.08	6.78E-01
PPP3CA	0.36	5.90E-02	-0.08	6.78E-01
PTPN20CP	0.16	4.07E-01	-0.08	6.78E-01
PTPRB	-0.21	2.79E-01	0.08	6.78E-01
RN7SL200P	-0.36	6.05E-02	0.08	6.78E-01
RP1-228P16.8	0.11	5.88E-01	-0.08	6.78E-01
RP11-184B22.2	0.08	6.88E-01	-0.08	6.78E-01
RP11-190D6.2	0.09	6.53E-01	0.08	6.78E-01
RP11-437B10.1	-0.19	3.26E-01	-0.08	6.78E-01
RP11-779O18.3	-0.30	1.26E-01	-0.08	6.78E-01
SCN1A	-0.02	9.04E-01	-0.08	6.78E-01
TXNDC8	0.02	9.28E-01	0.08	6.78E-01
U2AF1L4	0.14	4.73E-01	0.08	6.78E-01
UCN2	0.19	3.35E-01	0.08	6.78E-01
WARS2	-0.12	5.53E-01	-0.08	6.78E-01
XLOC_005542	-0.05	7.89E-01	0.08	6.78E-01
XLOC_011383	-0.19	3.39E-01	-0.08	6.78E-01
ABCB9	0.26	1.79E-01	0.08	6.79E-01
AC004019.13	0.12	5.36E-01	0.08	6.79E-01
AF131216.6	-0.13	5.05E-01	-0.08	6.79E-01
ATG5	0.21	2.92E-01	0.08	6.79E-01
CASC21	0.23	2.42E-01	-0.08	6.79E-01
CCDC146	-0.08	6.92E-01	-0.08	6.79E-01
CKAP5	-0.02	9.23E-01	0.08	6.79E-01
COL22A1	0.08	6.75E-01	0.08	6.79E-01
CPT1A	0.10	6.12E-01	-0.08	6.79E-01
CTA-299D3.8	-0.18	3.52E-01	0.08	6.79E-01
CTA-339C12.1	-0.05	7.94E-01	-0.08	6.79E-01
CTD-2523D13.1	0.31	1.08E-01	-0.08	6.79E-01
CXorf36	-0.27	1.59E-01	-0.08	6.79E-01
DDX10P1	-0.16	4.06E-01	-0.08	6.79E-01
DICER1	0.18	3.50E-01	-0.08	6.79E-01
EXT2	0.23	2.36E-01	-0.08	6.79E-01
FGF12	-0.34	7.79E-02	0.08	6.79E-01
G33524	-0.31	1.06E-01	0.08	6.79E-01
GRIN1	0.36	6.03E-02	0.08	6.79E-01
GS1-5L10.1	-0.02	9.15E-01	-0.08	6.79E-01

HYAL4	0.26	1.87E-01	0.08	6.79E-01
NTM	-0.05	7.91E-01	-0.08	6.79E-01
PCDHA9	-0.47	1.19E-02	-0.08	6.79E-01
PDIA5	0.15	4.39E-01	0.08	6.79E-01
PWP1	0.12	5.40E-01	-0.08	6.79E-01
RN7SL68P	-0.18	3.69E-01	0.08	6.79E-01
RNF152P1	-0.13	5.02E-01	0.08	6.79E-01
RP1-93H18.1	0.02	9.04E-01	-0.08	6.79E-01
RP11-15A1.8	-0.25	1.99E-01	-0.08	6.79E-01
RP11-465N4.4	-0.20	2.99E-01	0.08	6.79E-01
RP11-556H2.1	0.01	9.48E-01	-0.08	6.79E-01
RPS4XP11	0.23	2.46E-01	-0.08	6.79E-01
SLC25A48	-0.27	1.67E-01	-0.08	6.79E-01
SNHG17	0.18	3.56E-01	0.08	6.79E-01
SURF6	0.24	2.21E-01	0.08	6.79E-01
SYNE3	-0.24	2.17E-01	-0.08	6.79E-01
SYTL1	0.11	5.91E-01	0.08	6.79E-01
XLOC_014268	-0.08	6.79E-01	-0.08	6.79E-01
YWHAG	0.08	6.92E-01	-0.08	6.79E-01
ZNF638-IT1	-0.23	2.47E-01	-0.08	6.79E-01
CCNDBP1	-0.13	5.04E-01	0.08	6.80E-01
CDK7	-0.11	5.93E-01	0.08	6.80E-01
FAM118B	0.07	7.10E-01	0.08	6.80E-01
GPRIN3	0.29	1.35E-01	0.08	6.80E-01
INTS12	-0.07	7.31E-01	0.08	6.80E-01
LINC00556	0.21	2.87E-01	0.08	6.80E-01
NFYC	0.12	5.34E-01	0.08	6.80E-01
NRBP1	0.08	6.96E-01	0.08	6.80E-01
RP1-45C12.1	-0.06	7.62E-01	0.08	6.80E-01
RP11-715J22.6	-0.28	1.54E-01	0.08	6.80E-01
S1PR4	0.18	3.48E-01	0.08	6.80E-01
SMKR1	0.13	5.07E-01	0.08	6.80E-01
UQCRC1	-0.04	8.33E-01	0.08	6.80E-01
AC013472.3	-0.25	1.94E-01	-0.08	6.80E-01
ACTL6A	0.06	7.69E-01	-0.08	6.80E-01
BCAS4	0.01	9.59E-01	-0.08	6.80E-01
FAM155A	-0.03	8.86E-01	-0.08	6.80E-01
G35484	0.18	3.59E-01	-0.08	6.80E-01
KDELC2	0.28	1.53E-01	-0.08	6.80E-01
LEAP2	0.10	6.31E-01	-0.08	6.80E-01
MTA2	0.17	3.79E-01	-0.08	6.80E-01
NAA50	0.11	5.85E-01	-0.08	6.80E-01
QSOX2	-0.03	8.75E-01	-0.08	6.80E-01
RP11-15I11.3	0.17	3.81E-01	-0.08	6.80E-01
RP11-191L17.1	-0.06	7.55E-01	-0.08	6.80E-01
RP11-288H12.3	0.01	9.44E-01	-0.08	6.80E-01
RP11-323F24.3	-0.29	1.33E-01	-0.08	6.80E-01

<b>RP3-402G11.28</b>	0.05	7.93E-01	-0.08	6.80E-01
<b>SSFA2</b>	-0.07	7.07E-01	-0.08	6.80E-01
<b>ZNF169</b>	-0.27	1.67E-01	-0.08	6.80E-01
<b>ZNF189</b>	0.17	3.89E-01	-0.08	6.80E-01
<b>AC004895.4</b>	-0.02	9.01E-01	-0.08	6.81E-01
<b>AC006116.12</b>	0.12	5.46E-01	0.08	6.81E-01
<b>AK1</b>	0.14	4.81E-01	0.08	6.81E-01
<b>BMPR2</b>	0.12	5.36E-01	0.08	6.81E-01
<b>C16orf46</b>	-0.43	2.40E-02	-0.08	6.81E-01
<b>C9orf129</b>	-0.19	3.39E-01	0.08	6.81E-01
<b>CTB-4116.1</b>	-0.19	3.30E-01	0.08	6.81E-01
<b>DOCK8</b>	0.23	2.43E-01	0.08	6.81E-01
<b>DPRXP5</b>	0.19	3.25E-01	-0.08	6.81E-01
<b>ECHS1</b>	0.20	3.02E-01	0.08	6.81E-01
<b>G36939</b>	-0.25	1.99E-01	-0.08	6.81E-01
<b>GNB4</b>	-0.12	5.56E-01	-0.08	6.81E-01
<b>IGLC3</b>	0.39	4.09E-02	0.08	6.81E-01
<b>KRTAP2-2</b>	-0.17	3.79E-01	0.08	6.81E-01
<b>LIPG</b>	0.38	4.89E-02	-0.08	6.81E-01
<b>MARS</b>	0.03	8.91E-01	0.08	6.81E-01
<b>MIDN</b>	0.08	6.68E-01	0.08	6.81E-01
<b>MIR320E</b>	-0.11	5.71E-01	-0.08	6.81E-01
<b>MIR503HG</b>	-0.12	5.47E-01	0.08	6.81E-01
<b>NEDD8</b>	0.01	9.54E-01	0.08	6.81E-01
<b>PIN1</b>	-0.20	3.09E-01	0.08	6.81E-01
<b>PLXDC1</b>	-0.02	9.10E-01	0.08	6.81E-01
<b>RFC5</b>	0.16	4.04E-01	-0.08	6.81E-01
<b>RFT1</b>	-0.05	8.08E-01	0.08	6.81E-01
<b>RNF44</b>	0.02	9.00E-01	0.08	6.81E-01
<b>RP11-351M8.1</b>	-0.23	2.34E-01	0.08	6.81E-01
<b>RP11-3K16.2</b>	0.06	7.61E-01	-0.08	6.81E-01
<b>RP11-637C24.5</b>	-0.11	5.92E-01	-0.08	6.81E-01
<b>RP11-84C13.2</b>	0.13	5.14E-01	0.08	6.81E-01
<b>RP4-620E11.8</b>	-0.14	4.81E-01	-0.08	6.81E-01
<b>RPS3AP12</b>	-0.12	5.28E-01	-0.08	6.81E-01
<b>SLC38A4</b>	0.08	6.88E-01	0.08	6.81E-01
<b>TCF7</b>	0.12	5.41E-01	0.08	6.81E-01
<b>UPP2</b>	-0.04	8.33E-01	-0.08	6.81E-01
<b>AC007405.4</b>	-0.01	9.68E-01	0.08	6.83E-01
<b>CH17-140K24.6</b>	-0.05	8.08E-01	-0.08	6.83E-01
<b>COL23A1</b>	-0.08	6.77E-01	0.08	6.83E-01
<b>CTD-2135J3.3</b>	0.25	1.95E-01	0.08	6.83E-01
<b>EEFSEC</b>	-0.20	2.98E-01	0.08	6.83E-01
<b>ERVFRD-3</b>	-0.43	2.28E-02	0.08	6.83E-01
<b>FAM117A</b>	0.02	9.02E-01	-0.08	6.83E-01
<b>FKBP2</b>	0.06	7.66E-01	0.08	6.83E-01
<b>FSTL5</b>	0.17	3.98E-01	-0.08	6.83E-01



G11405	-0.28	1.56E-01	0.08	6.83E-01
G32232	0.01	9.69E-01	0.08	6.83E-01
G7242	0.13	5.25E-01	0.08	6.83E-01
MRPL1	0.14	4.77E-01	-0.08	6.83E-01
MTND1P36	-0.18	3.52E-01	0.08	6.83E-01
NCK1-AS1	0.09	6.56E-01	0.08	6.83E-01
NDUFV3	0.14	4.78E-01	0.08	6.83E-01
NOS1	-0.30	1.25E-01	-0.08	6.83E-01
ORAI1	0.01	9.58E-01	0.08	6.83E-01
PDE5A	-0.18	3.52E-01	-0.08	6.83E-01
PIAS2	0.11	5.81E-01	-0.08	6.83E-01
PLXNB3	0.14	4.92E-01	0.08	6.83E-01
PPP1R10	0.28	1.46E-01	0.08	6.83E-01
RANGRF	0.17	3.96E-01	0.08	6.83E-01
RN7SL449P	-0.31	1.08E-01	0.08	6.83E-01
RP11-1105O14.1	0.12	5.41E-01	-0.08	6.83E-01
RP11-153F10.2	-0.24	2.14E-01	-0.08	6.83E-01
RP11-314N13.10	-0.19	3.41E-01	0.08	6.83E-01
RP11-319E16.1	0.15	4.51E-01	0.08	6.83E-01
RP3-395M20.2	-0.09	6.67E-01	-0.08	6.83E-01
RPS23P1	0.20	2.99E-01	0.08	6.83E-01
RUNDC3A	-0.28	1.49E-01	0.08	6.83E-01
SF3A3	0.18	3.60E-01	0.08	6.83E-01
SKA3	0.03	8.80E-01	0.08	6.83E-01
SUCLA2P1	-0.14	4.63E-01	-0.08	6.83E-01
TTI2	-0.01	9.57E-01	0.08	6.83E-01
WDR86-AS1	0.17	3.76E-01	0.08	6.83E-01
AC007364.1	-0.22	2.57E-01	-0.08	6.84E-01
ACOT7	0.30	1.23E-01	-0.08	6.84E-01
CCDC180	0.07	7.09E-01	-0.08	6.84E-01
CDC40	0.03	8.64E-01	-0.08	6.84E-01
CTC-367J11.1	-0.05	7.82E-01	-0.08	6.84E-01
FAM43B	-0.20	3.18E-01	-0.08	6.84E-01
FAM63A	0.03	8.93E-01	-0.08	6.84E-01
HMGXB4	-0.18	3.64E-01	-0.08	6.84E-01
LHFPL4	0.10	6.07E-01	-0.08	6.84E-01
RBMS3-AS2	-0.51	5.50E-03	-0.08	6.84E-01
RP11-1334A24.6	0.06	7.65E-01	-0.08	6.84E-01
RP11-337N6.3	0.18	3.69E-01	-0.08	6.84E-01
RP11-57C19.6	0.18	3.60E-01	-0.08	6.84E-01
RP5-1142A6.2	-0.13	4.93E-01	-0.08	6.84E-01
RP5-943J3.2	0.18	3.71E-01	-0.08	6.84E-01
RPL15	0.09	6.47E-01	-0.08	6.84E-01
SEC31A	-0.15	4.40E-01	-0.08	6.84E-01
SNRPB	0.02	9.26E-01	-0.08	6.84E-01
SRGAP2-AS1	-0.34	8.08E-02	-0.08	6.84E-01
TMEM198	0.12	5.41E-01	-0.08	6.84E-01

<b>XLOC_002882</b>	-0.20	2.96E-01	-0.08	6.84E-01
<b>ZNF275</b>	0.02	9.01E-01	-0.08	6.84E-01
<b>AL022393.9</b>	-0.10	6.31E-01	0.08	6.84E-01
<b>ATIC</b>	0.04	8.25E-01	0.08	6.84E-01
<b>CEP63</b>	0.00	9.83E-01	0.08	6.84E-01
<b>G40185</b>	0.02	9.28E-01	0.08	6.84E-01
<b>ITGB2-AS1</b>	0.42	2.43E-02	0.08	6.84E-01
<b>MRPL22</b>	-0.05	8.15E-01	0.08	6.84E-01
<b>RAB1A</b>	0.18	3.57E-01	0.08	6.84E-01
<b>RNU6-795P</b>	0.14	4.72E-01	0.08	6.84E-01
<b>RP11-76114.5</b>	-0.41	3.06E-02	0.08	6.84E-01
<b>RP11-782C8.3</b>	-0.36	5.84E-02	0.08	6.84E-01
<b>RP11-92K2.2</b>	0.20	3.07E-01	0.08	6.84E-01
<b>RP13-143G15.4</b>	0.06	7.48E-01	0.08	6.84E-01
<b>SETD1B</b>	-0.21	2.84E-01	0.08	6.84E-01
<b>TBC1D8</b>	0.20	3.01E-01	0.08	6.84E-01
<b>ANKRD34C</b>	-0.12	5.36E-01	-0.08	6.85E-01
<b>BDNF-AS</b>	-0.18	3.63E-01	-0.08	6.85E-01
<b>CCDC122</b>	-0.26	1.76E-01	-0.08	6.85E-01
<b>CCDC89</b>	-0.07	7.21E-01	-0.08	6.85E-01
<b>CYP2D8P</b>	0.00	9.88E-01	-0.08	6.85E-01
<b>DNM1L</b>	0.12	5.55E-01	-0.08	6.85E-01
<b>MIR27B</b>	-0.04	8.35E-01	-0.08	6.85E-01
<b>OR2A1</b>	-0.20	2.96E-01	-0.08	6.85E-01
<b>PRKG1-AS1</b>	0.09	6.38E-01	-0.08	6.85E-01
<b>PUM2</b>	-0.31	1.08E-01	-0.08	6.85E-01
<b>RN7SL733P</b>	0.07	7.21E-01	-0.08	6.85E-01
<b>RP11-184M15.1</b>	0.38	4.41E-02	-0.08	6.85E-01
<b>RP11-218C14.5</b>	-0.18	3.69E-01	-0.08	6.85E-01
<b>RP11-384O8.1</b>	0.01	9.65E-01	-0.08	6.85E-01
<b>RP3-335E1.1</b>	0.09	6.49E-01	-0.08	6.85E-01
<b>SRD5A3-AS1</b>	-0.07	7.15E-01	-0.08	6.85E-01
<b>UFSP1</b>	0.02	9.00E-01	-0.08	6.85E-01
<b>DES</b>	0.15	4.36E-01	0.08	6.85E-01
<b>GS1-124K5.9</b>	0.09	6.35E-01	0.08	6.85E-01
<b>PDCL3P5</b>	-0.25	1.98E-01	0.08	6.85E-01
<b>RP11-414J4.2</b>	0.07	7.27E-01	0.08	6.85E-01
<b>RP11-839D17.3</b>	-0.23	2.29E-01	0.08	6.85E-01
<b>TBP</b>	0.08	6.72E-01	0.08	6.85E-01
<b>ZBTB46</b>	-0.42	2.72E-02	0.08	6.85E-01
<b>ADORA2A</b>	0.11	5.71E-01	0.08	6.86E-01
<b>ADPRHL2</b>	0.26	1.84E-01	0.08	6.86E-01
<b>BMS1P5</b>	-0.04	8.42E-01	0.08	6.86E-01
<b>CALML4</b>	0.35	7.10E-02	0.08	6.86E-01
<b>CEP164</b>	0.18	3.65E-01	0.08	6.86E-01
<b>CTD-2650P22.2</b>	0.10	6.25E-01	0.08	6.86E-01
<b>EMID1</b>	0.00	9.80E-01	0.08	6.86E-01

ENPP7P2	-0.06	7.64E-01	0.08	6.86E-01
IMPACT	0.14	4.72E-01	0.08	6.86E-01
LRP8	0.20	3.20E-01	0.08	6.86E-01
MIR205HG	0.17	3.91E-01	0.08	6.86E-01
MMP25-AS1	-0.10	6.19E-01	0.08	6.86E-01
MYO5A	0.03	8.68E-01	0.08	6.86E-01
NRK	-0.27	1.57E-01	0.08	6.86E-01
PRELID1P3	-0.10	6.28E-01	0.08	6.86E-01
RAB37	0.36	6.24E-02	0.08	6.86E-01
RP11-104N10.1	-0.06	7.46E-01	0.08	6.86E-01
RP11-314A20.2	0.14	4.66E-01	0.08	6.86E-01
RP11-329A14.1	-0.16	4.18E-01	0.08	6.86E-01
ZNF182	-0.22	2.59E-01	0.08	6.86E-01
ACO1	0.02	9.10E-01	-0.08	6.86E-01
AP1S3	0.16	4.07E-01	-0.08	6.86E-01
COPS3	0.00	9.99E-01	-0.08	6.86E-01
EEF1GP2	0.02	9.10E-01	-0.08	6.86E-01
ENTPD8	0.09	6.38E-01	-0.08	6.86E-01
FAM3D	0.38	4.51E-02	-0.08	6.86E-01
FAM53B-AS1	0.04	8.35E-01	-0.08	6.86E-01
LYVE1	-0.10	6.01E-01	-0.08	6.86E-01
MIR2117HG	0.11	5.81E-01	-0.08	6.86E-01
MORN4	0.12	5.47E-01	-0.08	6.86E-01
OLA1	0.00	9.92E-01	-0.08	6.86E-01
PSMC1P9	-0.37	5.12E-02	-0.08	6.86E-01
RGPD8	-0.43	2.26E-02	-0.08	6.86E-01
RN7SKP64	-0.04	8.39E-01	-0.08	6.86E-01
RNF2	0.11	5.71E-01	-0.08	6.86E-01
RP11-338L22.2	0.03	8.90E-01	-0.08	6.86E-01
RP11-386G11.5	-0.31	1.03E-01	-0.08	6.86E-01
RP11-427L15.2	-0.10	6.00E-01	-0.08	6.86E-01
RP11-47J17.2	-0.28	1.55E-01	-0.08	6.86E-01
RP11-77K12.3	-0.02	9.16E-01	-0.08	6.86E-01
RP11-77K12.5	-0.12	5.44E-01	-0.08	6.86E-01
SRD5A1	0.25	2.04E-01	-0.08	6.86E-01
TBC1D3F	-0.02	9.15E-01	-0.08	6.86E-01
TMEM200B	-0.36	5.88E-02	-0.08	6.86E-01
ABL2	-0.10	6.29E-01	0.08	6.87E-01
AC087294.2	0.26	1.81E-01	0.08	6.87E-01
AKAP10	0.32	9.90E-02	0.08	6.87E-01
CALB2	0.11	5.87E-01	0.08	6.87E-01
CCDC81	0.14	4.72E-01	0.08	6.87E-01
CTA-363E6.6	-0.07	7.28E-01	0.08	6.87E-01
FIBP	0.01	9.79E-01	0.08	6.87E-01
G1033	0.33	8.51E-02	0.08	6.87E-01
G43078	0.02	9.22E-01	0.08	6.87E-01
KAZN	0.24	2.14E-01	0.08	6.87E-01

LYPLA1	0.16	4.03E-01	0.08	6.87E-01
OGFR-AS1	-0.10	6.15E-01	0.08	6.87E-01
RHPN1	-0.27	1.65E-01	0.08	6.87E-01
RNY1P7	-0.11	5.77E-01	0.08	6.87E-01
RP11-447D11.3	0.34	7.34E-02	0.08	6.87E-01
RPS6KL1	0.14	4.68E-01	0.08	6.87E-01
STK39	0.00	9.89E-01	0.08	6.87E-01
TIMM22	0.10	6.23E-01	0.08	6.87E-01
VTRNA1-1	0.30	1.24E-01	0.08	6.87E-01
ANAPC5	-0.07	7.30E-01	-0.08	6.87E-01
ARMC1	0.02	9.13E-01	-0.08	6.87E-01
ARSG	-0.16	4.06E-01	-0.08	6.87E-01
CD160	0.26	1.79E-01	-0.08	6.87E-01
CDKN2AIPNL	0.26	1.81E-01	-0.08	6.87E-01
GSDMB	-0.33	8.45E-02	-0.08	6.87E-01
GTF2A1	-0.01	9.59E-01	-0.08	6.87E-01
IGF2BP2-AS1	-0.15	4.35E-01	-0.08	6.87E-01
LRFN1	0.03	8.68E-01	-0.08	6.87E-01
MGLL	0.18	3.71E-01	-0.08	6.87E-01
MRPL54	0.11	5.73E-01	-0.08	6.87E-01
PES1	0.00	9.82E-01	-0.08	6.87E-01
RASGEF1A	-0.20	3.20E-01	-0.08	6.87E-01
RP11-1038A11.3	0.01	9.70E-01	-0.08	6.87E-01
RP11-244O19.1	-0.22	2.71E-01	-0.08	6.87E-01
RP11-38L15.8	-0.13	5.10E-01	-0.08	6.87E-01
RP11-872D17.8	-0.11	5.81E-01	-0.08	6.87E-01
RP5-1041C10.3	-0.08	6.97E-01	-0.08	6.87E-01
SLC9A8	0.14	4.87E-01	-0.08	6.87E-01
TIMM23	0.12	5.29E-01	-0.08	6.87E-01
TTC21B	-0.14	4.69E-01	-0.08	6.87E-01
ZC3H13	-0.19	3.25E-01	-0.08	6.87E-01
AC004012.1	-0.03	8.99E-01	-0.08	6.88E-01
AC005795.1	0.01	9.42E-01	-0.08	6.88E-01
AC006538.1	-0.09	6.45E-01	-0.08	6.88E-01
AC011933.2	0.03	8.63E-01	-0.08	6.88E-01
APBB1	-0.08	6.92E-01	-0.08	6.88E-01
APLNR	-0.14	4.79E-01	0.08	6.88E-01
BAD	0.03	8.65E-01	0.08	6.88E-01
BCAR1	0.03	8.94E-01	0.08	6.88E-01
C20orf194	0.23	2.31E-01	0.08	6.88E-01
CBR3	0.01	9.46E-01	0.08	6.88E-01
CMBL	-0.03	8.68E-01	-0.08	6.88E-01
CTBP2P8	-0.19	3.45E-01	-0.08	6.88E-01
DHCR24	-0.01	9.61E-01	-0.08	6.88E-01
DIP2C	-0.36	5.76E-02	-0.08	6.88E-01
FAM133A	-0.21	2.88E-01	0.08	6.88E-01
FANCB	0.01	9.72E-01	-0.08	6.88E-01

FRAT2	0.13	5.04E-01	0.08	6.88E-01
FSTL4	-0.05	7.91E-01	-0.08	6.88E-01
GABRA4	0.20	3.04E-01	0.08	6.88E-01
GCSHP4	-0.23	2.33E-01	0.08	6.88E-01
GPRIN2	-0.13	5.03E-01	-0.08	6.88E-01
KRT20	-0.07	7.27E-01	-0.08	6.88E-01
KRTAP5-7	0.02	9.25E-01	-0.08	6.88E-01
LINC00941	-0.13	5.21E-01	-0.08	6.88E-01
LINC00997	0.28	1.53E-01	0.08	6.88E-01
LINC01117	0.06	7.47E-01	-0.08	6.88E-01
MAGOHB	-0.01	9.59E-01	-0.08	6.88E-01
NME1	-0.02	9.24E-01	0.08	6.88E-01
PAPSS1	0.02	9.03E-01	0.08	6.88E-01
RAB41	-0.22	2.51E-01	-0.08	6.88E-01
RASD2	0.22	2.52E-01	0.08	6.88E-01
RBM28	-0.06	7.77E-01	-0.08	6.88E-01
RCN2	0.20	3.10E-01	-0.08	6.88E-01
REV3L-IT1	-0.22	2.53E-01	0.08	6.88E-01
RLIM	0.42	2.43E-02	-0.08	6.88E-01
RP1-257I20.14	-0.31	1.11E-01	-0.08	6.88E-01
RP11-12J10.4	0.18	3.56E-01	0.08	6.88E-01
RP11-175B9.2	-0.10	6.16E-01	-0.08	6.88E-01
RP11-1H8.5	-0.14	4.81E-01	-0.08	6.88E-01
RP11-356J5.13	0.23	2.33E-01	-0.08	6.88E-01
RP11-568J23.5	0.20	3.06E-01	-0.08	6.88E-01
RP11-714L20.1	-0.20	3.17E-01	0.08	6.88E-01
RP11-863K10.7	0.04	8.28E-01	0.08	6.88E-01
RPS15A	0.18	3.72E-01	0.08	6.88E-01
SFI1	-0.24	2.09E-01	-0.08	6.88E-01
SRPK3	-0.10	6.01E-01	-0.08	6.88E-01
TDGF1	-0.17	3.86E-01	0.08	6.88E-01
XLOC_003406	0.01	9.42E-01	-0.08	6.88E-01
ADGRD2	-0.32	9.27E-02	-0.08	6.89E-01
AGL	0.17	3.84E-01	0.08	6.89E-01
ANKRD52	0.01	9.71E-01	0.08	6.89E-01
C3orf67	-0.26	1.77E-01	-0.08	6.89E-01
CALHM2	-0.08	7.04E-01	0.08	6.89E-01
CARD9	0.05	7.97E-01	0.08	6.89E-01
CCDC17	-0.06	7.46E-01	-0.08	6.89E-01
CDH22	-0.09	6.60E-01	0.08	6.89E-01
CPSF2	0.29	1.39E-01	0.08	6.89E-01
EDNRB	-0.15	4.57E-01	-0.08	6.89E-01
EIF3FP3	0.18	3.55E-01	0.08	6.89E-01
FIBIN	-0.12	5.33E-01	-0.08	6.89E-01
G4330	-0.02	9.38E-01	-0.08	6.89E-01
HMG2P27	0.03	8.85E-01	0.08	6.89E-01
IMMT	0.09	6.44E-01	0.08	6.89E-01

KPNA6	0.16	4.05E-01	-0.08	6.89E-01
LRRC37BP1	0.05	7.96E-01	-0.08	6.89E-01
MAGEE2	-0.09	6.62E-01	0.08	6.89E-01
NIPAL4	0.22	2.60E-01	0.08	6.89E-01
PRRX2	0.06	7.59E-01	0.08	6.89E-01
RASA3	-0.11	5.87E-01	-0.08	6.89E-01
RNU6-490P	-0.14	4.75E-01	-0.08	6.89E-01
RP11-183I6.2	-0.20	3.00E-01	0.08	6.89E-01
RP11-6B19.1	-0.19	3.25E-01	-0.08	6.89E-01
RP5-1057I20.2	0.02	9.38E-01	0.08	6.89E-01
RP5-1057I20.6	0.29	1.29E-01	0.08	6.89E-01
RP5-999L4.2	0.00	9.97E-01	0.08	6.89E-01
RPL7P1	-0.04	8.46E-01	0.08	6.89E-01
SERAC1	-0.24	2.09E-01	-0.08	6.89E-01
SERPINA11	-0.30	1.21E-01	-0.08	6.89E-01
SMAGP	0.19	3.26E-01	0.08	6.89E-01
SMC5-AS1	-0.22	2.62E-01	-0.08	6.89E-01
SULT1E1	0.05	7.94E-01	0.08	6.89E-01
TAX1BP3	0.16	4.28E-01	0.08	6.89E-01
THRB-IT1	0.00	9.93E-01	0.08	6.89E-01
UBE2G1	0.29	1.32E-01	0.08	6.89E-01
ULBP1	-0.12	5.58E-01	0.08	6.89E-01
AC093627.10	0.28	1.46E-01	0.08	6.90E-01
ACSF3	0.01	9.61E-01	-0.08	6.90E-01
AUP1	0.08	6.78E-01	-0.08	6.90E-01
C11orf73	-0.08	6.78E-01	0.08	6.90E-01
CALM2	0.12	5.56E-01	-0.08	6.90E-01
CASP14	-0.21	2.91E-01	0.08	6.90E-01
CENPCP1	-0.03	8.70E-01	-0.08	6.90E-01
CTD-2008E3.1	-0.06	7.80E-01	-0.08	6.90E-01
CTD-2265D6.2	-0.49	7.60E-03	0.08	6.90E-01
CUL9	0.05	7.99E-01	0.08	6.90E-01
DRD2	0.49	8.03E-03	0.08	6.90E-01
DSCAM	0.01	9.49E-01	-0.08	6.90E-01
G26247	0.01	9.53E-01	0.08	6.90E-01
IRF9	0.07	7.42E-01	0.08	6.90E-01
LEMD1	-0.13	5.04E-01	0.08	6.90E-01
MYRF	0.33	8.29E-02	-0.08	6.90E-01
PTGS2	-0.15	4.34E-01	0.08	6.90E-01
RP11-113I22.1	-0.40	3.55E-02	0.08	6.90E-01
RP11-343B5.1	-0.15	4.38E-01	-0.08	6.90E-01
RP11-397E7.1	0.25	1.99E-01	0.08	6.90E-01
RP11-44M6.7	-0.01	9.78E-01	-0.08	6.90E-01
RP11-532F12.5	-0.03	8.97E-01	0.08	6.90E-01
RP11-674N23.4	0.17	4.01E-01	-0.08	6.90E-01
RP4-604A21.1	-0.37	4.96E-02	0.08	6.90E-01
RPL29P33	-0.12	5.46E-01	0.08	6.90E-01

STX1A	-0.07	7.42E-01	0.08	6.90E-01
TRIM44	-0.18	3.46E-01	-0.08	6.90E-01
AC004051.2	-0.01	9.68E-01	-0.08	6.92E-01
ALG14	0.21	2.92E-01	-0.08	6.92E-01
C11orf16	-0.28	1.50E-01	-0.08	6.92E-01
C1GALT1C1	0.16	4.23E-01	0.08	6.92E-01
CASP8AP2	0.00	9.88E-01	0.08	6.92E-01
CH17-340M24.3	-0.07	7.42E-01	0.08	6.92E-01
CTB-77H17.1	-0.29	1.28E-01	0.08	6.92E-01
CTD-2574D22.2	-0.31	1.12E-01	0.08	6.92E-01
DNAH3	0.03	8.98E-01	-0.08	6.92E-01
FAM188B	-0.43	2.12E-02	0.08	6.92E-01
FSTL1	-0.13	5.26E-01	-0.08	6.92E-01
G34278	-0.37	5.14E-02	-0.08	6.92E-01
GLIPR1L1	-0.24	2.25E-01	-0.08	6.92E-01
KRT8P43	-0.24	2.15E-01	-0.08	6.92E-01
LINC00548	-0.36	5.78E-02	-0.08	6.92E-01
LINC01260	-0.03	8.86E-01	-0.08	6.92E-01
NDUFA2	0.24	2.16E-01	0.08	6.92E-01
OR7E106P	-0.09	6.67E-01	0.08	6.92E-01
OR7E7P	-0.32	9.81E-02	-0.08	6.92E-01
PCDHA12	0.04	8.44E-01	-0.08	6.92E-01
POMK	0.13	5.14E-01	0.08	6.92E-01
RANBP1	0.06	7.79E-01	-0.08	6.92E-01
RP11-132A1.4	-0.07	7.25E-01	-0.08	6.92E-01
RP11-21K12.2	0.28	1.53E-01	-0.08	6.92E-01
RPL12P21	0.28	1.46E-01	0.08	6.92E-01
SPATA41	-0.04	8.56E-01	0.08	6.92E-01
TSEN34	0.10	6.28E-01	-0.08	6.92E-01
WIPF2	0.24	2.09E-01	0.08	6.92E-01
AC006129.1	0.17	3.82E-01	-0.08	6.93E-01
AL137127.1	0.16	4.27E-01	-0.08	6.93E-01
ARF5	0.16	4.29E-01	0.08	6.93E-01
ARHGDI1	0.25	2.05E-01	0.08	6.93E-01
ARMCX2	-0.15	4.31E-01	0.08	6.93E-01
ASCL2	0.01	9.68E-01	0.08	6.93E-01
CLTA	0.21	2.91E-01	0.08	6.93E-01
CRACR2A	0.09	6.58E-01	0.08	6.93E-01
CREBRF	-0.35	6.80E-02	-0.08	6.93E-01
CTD-2619J13.3	-0.17	3.95E-01	-0.08	6.93E-01
CXCL9	0.32	9.18E-02	0.08	6.93E-01
DIP2A-IT1	0.16	4.30E-01	-0.08	6.93E-01
DUSP2	0.16	4.03E-01	0.08	6.93E-01
EPS8L1	-0.04	8.50E-01	-0.08	6.93E-01
G30962	0.04	8.35E-01	0.08	6.93E-01
GUSBP5	-0.16	4.07E-01	-0.08	6.93E-01
HLA-C	-0.11	5.77E-01	0.08	6.93E-01

HSPA12A	-0.27	1.70E-01	0.08	6.93E-01
IPCEF1	0.35	6.64E-02	-0.08	6.93E-01
KRTCAP2	-0.02	9.38E-01	-0.08	6.93E-01
NUBPL	-0.13	5.14E-01	-0.08	6.93E-01
RANGAP1	0.24	2.15E-01	0.08	6.93E-01
RP11-135A24.4	0.26	1.90E-01	-0.08	6.93E-01
RP11-273B20.1	0.11	5.67E-01	0.08	6.93E-01
RP11-277A4.4	0.17	3.82E-01	0.08	6.93E-01
RP11-293A21.1	-0.11	5.78E-01	-0.08	6.93E-01
RP11-582J16.5	-0.19	3.28E-01	0.08	6.93E-01
RP3-402G11.26	-0.12	5.49E-01	0.08	6.93E-01
SEC24A	0.25	2.04E-01	-0.08	6.93E-01
SYNJ2BP	0.18	3.52E-01	0.08	6.93E-01
TCF7L1	-0.19	3.34E-01	0.08	6.93E-01
TNNT3	-0.12	5.38E-01	-0.08	6.93E-01
TSKS	-0.24	2.22E-01	0.08	6.93E-01
AC079210.1	0.21	2.88E-01	-0.08	6.94E-01
AC097359.1	-0.07	7.10E-01	0.08	6.94E-01
AC131571.2	0.43	2.37E-02	0.08	6.94E-01
CENPW	0.03	8.79E-01	-0.08	6.94E-01
CHPF	-0.05	7.83E-01	0.08	6.94E-01
CLCA3P	0.39	4.25E-02	-0.08	6.94E-01
CTD-2410N18.4	-0.26	1.86E-01	0.08	6.94E-01
EIF4EBP1	0.16	4.23E-01	0.08	6.94E-01
ELOVL7	0.26	1.80E-01	0.08	6.94E-01
FOXD3-AS1	-0.10	6.24E-01	-0.08	6.94E-01
HIST1H4E	-0.09	6.42E-01	0.08	6.94E-01
IL20RA	0.14	4.71E-01	-0.08	6.94E-01
ITPR1-AS1	-0.01	9.70E-01	0.08	6.94E-01
KLF8	-0.30	1.23E-01	-0.08	6.94E-01
LIN54	0.03	8.80E-01	-0.08	6.94E-01
MEA1	-0.03	8.68E-01	0.08	6.94E-01
MPP7	-0.04	8.51E-01	0.08	6.94E-01
NOP9	0.08	6.70E-01	0.08	6.94E-01
NWD2	0.16	4.25E-01	0.08	6.94E-01
OSGEP	-0.25	2.02E-01	0.08	6.94E-01
PRTG	-0.06	7.60E-01	0.08	6.94E-01
RBM5-AS1	-0.06	7.73E-01	-0.08	6.94E-01
RNU6-1111P	-0.01	9.75E-01	0.08	6.94E-01
RP11-1060J15.3	0.07	7.09E-01	-0.08	6.94E-01
RP11-1103G16.1	-0.22	2.54E-01	-0.08	6.94E-01
RP11-111A22.1	0.21	2.95E-01	-0.08	6.94E-01
RP11-345K20.2	-0.40	3.56E-02	-0.08	6.94E-01
RP11-438E8.2	-0.37	5.16E-02	0.08	6.94E-01
RP11-798M19.6	0.12	5.54E-01	-0.08	6.94E-01
RPS21	0.13	5.08E-01	0.08	6.94E-01
RYR3	-0.09	6.56E-01	0.08	6.94E-01



SCARA5	-0.28	1.54E-01	-0.08	6.94E-01
SEMA4G	-0.01	9.74E-01	-0.08	6.94E-01
15-Sep	0.17	3.74E-01	-0.08	6.94E-01
SPATS2	-0.15	4.49E-01	0.08	6.94E-01
TARDBP	-0.11	5.67E-01	0.08	6.94E-01
TBCC	0.27	1.70E-01	-0.08	6.94E-01
VPS37C	0.20	3.10E-01	0.08	6.94E-01
XLOC_006303	0.30	1.16E-01	0.08	6.94E-01
XLOC_013950	0.10	5.99E-01	0.08	6.94E-01
AC007038.7	-0.01	9.69E-01	-0.08	6.95E-01
BEND3	0.17	3.86E-01	-0.08	6.95E-01
BLCAP	0.19	3.29E-01	0.08	6.95E-01
C1QTNF9B-AS1	-0.03	8.86E-01	-0.08	6.95E-01
CCT2	0.13	5.03E-01	-0.08	6.95E-01
CTB-3M24.1	0.08	6.99E-01	-0.08	6.95E-01
CTD-2215E18.3	-0.01	9.70E-01	-0.08	6.95E-01
CTD-2568A17.1	0.06	7.46E-01	-0.08	6.95E-01
CTD-3051D23.4	-0.31	1.07E-01	0.08	6.95E-01
CYTL1	-0.24	2.25E-01	0.08	6.95E-01
DCAF16	-0.16	4.19E-01	-0.08	6.95E-01
EGFR-AS1	-0.19	3.24E-01	-0.08	6.95E-01
FGF16	-0.01	9.61E-01	-0.08	6.95E-01
G23691	0.25	2.08E-01	0.08	6.95E-01
GTF2IP20	-0.14	4.63E-01	0.08	6.95E-01
IVNS1ABP	0.16	4.11E-01	-0.08	6.95E-01
MTFR1	-0.01	9.59E-01	-0.08	6.95E-01
PLRG1	0.21	2.89E-01	0.08	6.95E-01
POLR2J	0.16	4.20E-01	0.08	6.95E-01
RP1-179N16.3	-0.11	5.68E-01	-0.08	6.95E-01
RP11-10017.3	0.05	7.82E-01	-0.08	6.95E-01
RP11-322E11.2	-0.23	2.41E-01	0.08	6.95E-01
RP11-357N13.3	-0.39	3.82E-02	0.08	6.95E-01
RP11-378A12.1	0.46	1.32E-02	-0.08	6.95E-01
RP11-612J15.1	-0.19	3.26E-01	0.08	6.95E-01
RP11-85B7.4	-0.09	6.52E-01	0.08	6.95E-01
RP5-902P8.10	-0.12	5.32E-01	-0.08	6.95E-01
SLC37A2	0.05	8.12E-01	0.08	6.95E-01
SLMAP	0.19	3.22E-01	0.08	6.95E-01
SNORA1	-0.14	4.76E-01	-0.08	6.95E-01
TPST2P1	0.06	7.79E-01	-0.08	6.95E-01
TSC22D4	-0.10	6.20E-01	0.08	6.95E-01
TXNDC11	0.02	9.39E-01	-0.08	6.95E-01
UHRF1	-0.03	8.61E-01	-0.08	6.95E-01
XLOC_012740	0.00	9.86E-01	0.08	6.95E-01
ZP3	0.08	6.72E-01	0.08	6.95E-01
AC006946.16	-0.19	3.36E-01	0.08	6.96E-01
ALDH8A1	0.29	1.42E-01	-0.08	6.96E-01

<b>BMP2K</b>	0.31	1.05E-01	0.08	6.96E-01
<b>BTN2A3P</b>	-0.16	4.20E-01	0.08	6.96E-01
<b>CLK3</b>	-0.16	4.28E-01	0.08	6.96E-01
<b>CTB-134H23.3</b>	-0.08	6.80E-01	-0.08	6.96E-01
<b>CTB-50L17.9</b>	-0.17	3.85E-01	0.08	6.96E-01
<b>CTBS</b>	0.03	8.70E-01	-0.08	6.96E-01
<b>CXCL14</b>	0.09	6.38E-01	0.08	6.96E-01
<b>DBIL5P2</b>	-0.08	7.03E-01	-0.08	6.96E-01
<b>DCAF10</b>	0.28	1.51E-01	-0.08	6.96E-01
<b>DPY19L2P2</b>	0.15	4.37E-01	-0.08	6.96E-01
<b>EMC8</b>	0.10	6.24E-01	-0.08	6.96E-01
<b>EP400</b>	-0.19	3.30E-01	-0.08	6.96E-01
<b>ETV5</b>	-0.16	4.19E-01	-0.08	6.96E-01
<b>ETV7</b>	0.07	7.30E-01	0.08	6.96E-01
<b>FAM171A2</b>	-0.04	8.27E-01	-0.08	6.96E-01
<b>G31903</b>	-0.10	6.06E-01	-0.08	6.96E-01
<b>G34396</b>	-0.16	4.21E-01	-0.08	6.96E-01
<b>HPN</b>	-0.20	3.00E-01	0.08	6.96E-01
<b>HSPE1P11</b>	-0.01	9.56E-01	0.08	6.96E-01
<b>MIPEPP1</b>	0.15	4.40E-01	0.08	6.96E-01
<b>MIR581</b>	-0.27	1.71E-01	-0.08	6.96E-01
<b>MRPL40</b>	0.15	4.60E-01	0.08	6.96E-01
<b>NUS1P1</b>	0.14	4.86E-01	0.08	6.96E-01
<b>PTP4A1</b>	0.18	3.48E-01	-0.08	6.96E-01
<b>PYCR2</b>	0.24	2.14E-01	0.08	6.96E-01
<b>RN7SL587P</b>	0.02	9.10E-01	0.08	6.96E-01
<b>RNU6-541P</b>	-0.17	3.87E-01	0.08	6.96E-01
<b>RP11-128N14.5</b>	-0.16	4.04E-01	-0.08	6.96E-01
<b>RP11-163E9.1</b>	-0.01	9.79E-01	-0.08	6.96E-01
<b>RP11-290L1.4</b>	0.19	3.27E-01	-0.08	6.96E-01
<b>RP11-319G6.1</b>	0.02	9.04E-01	0.08	6.96E-01
<b>RP11-374M1.9</b>	0.04	8.49E-01	-0.08	6.96E-01
<b>RP11-973H7.3</b>	0.15	4.36E-01	-0.08	6.96E-01
<b>RP3-403L10.3</b>	0.06	7.58E-01	-0.08	6.96E-01
<b>STK38</b>	-0.05	7.89E-01	0.08	6.96E-01
<b>TES</b>	0.06	7.67E-01	-0.08	6.96E-01
<b>TFDP2</b>	0.08	6.86E-01	0.08	6.96E-01
<b>TXNDC5</b>	0.35	7.20E-02	0.08	6.96E-01
<b>UBL7-AS1</b>	-0.08	6.94E-01	-0.08	6.96E-01
<b>XLOC_001013</b>	-0.07	7.29E-01	-0.08	6.96E-01
<b>XLOC_005289</b>	0.02	9.22E-01	0.08	6.96E-01
<b>AC005253.2</b>	0.14	4.64E-01	-0.08	6.97E-01
<b>AC008391.1</b>	-0.01	9.76E-01	0.08	6.97E-01
<b>ASLP1</b>	0.34	7.42E-02	-0.08	6.97E-01
<b>ATP5G3</b>	0.17	3.93E-01	0.08	6.97E-01
<b>BCYRN1</b>	-0.37	5.60E-02	-0.08	6.97E-01
<b>BOLA2B</b>	-0.15	4.49E-01	-0.08	6.97E-01

CCDC127	-0.06	7.73E-01	0.08	6.97E-01
CTD-2342J14.6	-0.11	5.81E-01	-0.08	6.97E-01
DMD	-0.32	9.33E-02	-0.08	6.97E-01
DNAJC9	0.06	7.60E-01	-0.08	6.97E-01
GANAB	0.02	9.06E-01	0.08	6.97E-01
HSPA8P14	-0.30	1.24E-01	-0.08	6.97E-01
HYLS1	0.15	4.49E-01	-0.08	6.97E-01
IFFO1	-0.07	7.36E-01	0.08	6.97E-01
KAT2B	0.17	4.00E-01	-0.08	6.97E-01
KCTD7	-0.05	8.10E-01	0.08	6.97E-01
KPTN	0.21	2.85E-01	0.08	6.97E-01
LINC00847	0.17	4.01E-01	-0.08	6.97E-01
LRRC16A	0.03	8.63E-01	0.08	6.97E-01
MALRD1	-0.01	9.46E-01	-0.08	6.97E-01
MAST4	0.17	3.79E-01	0.08	6.97E-01
MIR100HG	-0.18	3.60E-01	-0.08	6.97E-01
MTMR2	-0.06	7.63E-01	-0.08	6.97E-01
MYH3	0.00	9.92E-01	0.08	6.97E-01
PAQR6	-0.07	7.14E-01	-0.08	6.97E-01
PRMT3	0.24	2.09E-01	0.08	6.97E-01
PSMA2P1	0.19	3.29E-01	-0.08	6.97E-01
RCBTB2P1	0.01	9.59E-01	-0.08	6.97E-01
RNU6-780P	0.09	6.37E-01	0.08	6.97E-01
RP1-168P16.1	-0.13	5.09E-01	-0.08	6.97E-01
RP1-261D10.1	-0.09	6.37E-01	0.08	6.97E-01
RP11-106M3.2	-0.36	5.99E-02	-0.08	6.97E-01
RP11-123C21.1	0.40	3.73E-02	-0.08	6.97E-01
RP11-136K14.3	-0.05	7.82E-01	-0.08	6.97E-01
RP11-252K23.2	0.16	4.28E-01	-0.08	6.97E-01
RP11-270F18.2	0.15	4.43E-01	0.08	6.97E-01
RP11-429J17.8	0.12	5.48E-01	0.08	6.97E-01
RP11-617F23.1	-0.22	2.58E-01	0.08	6.97E-01
RP11-641C17.3	-0.15	4.53E-01	0.08	6.97E-01
RPL7AP60	0.28	1.42E-01	0.08	6.97E-01
RPLP1	0.18	3.67E-01	0.08	6.97E-01
TMEM51-AS1	0.26	1.76E-01	0.08	6.97E-01
TRPM1	-0.33	8.45E-02	-0.08	6.97E-01
UBXN7	-0.02	9.17E-01	0.08	6.97E-01
WNT4	-0.08	6.69E-01	0.08	6.97E-01
COL4A5	0.07	7.32E-01	-0.08	6.98E-01
CTD-3222D19.2	-0.03	8.85E-01	-0.08	6.98E-01
FAM192A	0.04	8.50E-01	0.08	6.98E-01
GJA6P	-0.44	1.89E-02	-0.08	6.98E-01
HLA-F	-0.18	3.59E-01	0.08	6.98E-01
IL12RB2	0.21	2.76E-01	0.08	6.98E-01
IPPK	0.17	3.88E-01	0.08	6.98E-01
KEL	0.00	9.92E-01	0.08	6.98E-01

KIAA0368	0.07	7.11E-01	-0.08	6.98E-01
LINC00865	0.03	8.74E-01	-0.08	6.98E-01
LINC01545	-0.18	3.62E-01	-0.08	6.98E-01
LRRC74B	0.12	5.32E-01	-0.08	6.98E-01
MGAT1	0.02	9.12E-01	0.08	6.98E-01
MIR215	-0.17	3.86E-01	-0.08	6.98E-01
MVD	0.02	9.24E-01	-0.08	6.98E-01
NPM1	0.13	5.11E-01	-0.08	6.98E-01
PHACTR1	-0.13	5.25E-01	-0.08	6.98E-01
PTPRH	0.08	6.95E-01	0.08	6.98E-01
RP1-170O19.24	-0.11	5.71E-01	0.08	6.98E-01
RP1-256G22.2	-0.19	3.46E-01	-0.08	6.98E-01
RP11-1109F11.3	-0.14	4.72E-01	-0.08	6.98E-01
RP11-388M20.1	-0.05	8.11E-01	-0.08	6.98E-01
RP11-831F12.2	0.12	5.29E-01	0.08	6.98E-01
RP4-798A10.7	-0.31	1.09E-01	0.08	6.98E-01
RP5-1011O1.2	-0.02	9.32E-01	-0.08	6.98E-01
SCAF11	0.12	5.40E-01	-0.08	6.98E-01
7-Sep	0.04	8.32E-01	-0.08	6.98E-01
SERPINB7	0.22	2.55E-01	-0.08	6.98E-01
TAPT1-AS1	0.00	9.80E-01	-0.08	6.98E-01
TMUB1	0.09	6.41E-01	0.08	6.98E-01
TOP2A	0.12	5.55E-01	0.08	6.98E-01
ZNF557	0.01	9.51E-01	-0.08	6.98E-01
AC019118.4	-0.07	7.09E-01	0.08	6.99E-01
AC093668.2	0.00	9.89E-01	0.08	6.99E-01
AC097455.1	0.06	7.44E-01	0.08	6.99E-01
AFF4	0.19	3.24E-01	-0.08	6.99E-01
ATF6	0.04	8.57E-01	-0.08	6.99E-01
CCL3L1	-0.01	9.79E-01	0.08	6.99E-01
CDH18	0.01	9.63E-01	-0.08	6.99E-01
CEBPD	0.27	1.72E-01	0.08	6.99E-01
DLGAP4-AS1	-0.14	4.79E-01	-0.08	6.99E-01
DSN1	-0.04	8.24E-01	0.08	6.99E-01
FAM127A	0.03	8.73E-01	0.08	6.99E-01
G23966	-0.12	5.46E-01	-0.08	6.99E-01
GBP7	0.26	1.79E-01	0.08	6.99E-01
GFAP	-0.16	4.19E-01	0.08	6.99E-01
IFNK	0.05	7.87E-01	-0.08	6.99E-01
KIF22	0.09	6.35E-01	0.08	6.99E-01
KRT40	-0.02	9.08E-01	0.08	6.99E-01
LARP6	-0.29	1.29E-01	-0.08	6.99E-01
LPIN3	-0.13	5.12E-01	0.08	6.99E-01
LRPPRC	0.24	2.17E-01	-0.08	6.99E-01
MT-ND6	0.32	9.84E-02	-0.08	6.99E-01
PGAM1	0.29	1.36E-01	0.08	6.99E-01
RN7SKP283	-0.02	9.11E-01	0.08	6.99E-01

RP11-502F1.1	-0.40	3.27E-02	-0.08	6.99E-01
RP5-1154E9.7	-0.13	5.22E-01	0.08	6.99E-01
RUSC2	0.13	4.97E-01	0.08	6.99E-01
SOS1-IT1	-0.14	4.76E-01	-0.08	6.99E-01
TTLL4	-0.25	1.99E-01	-0.08	6.99E-01
TVP23C	-0.08	6.82E-01	-0.08	6.99E-01
AC104653.1	0.08	6.98E-01	0.08	7.01E-01
AC109642.1	0.16	4.12E-01	-0.08	7.01E-01
ASTN2	0.02	9.09E-01	0.08	7.01E-01
CD27-AS1	-0.12	5.50E-01	0.08	7.01E-01
COIL	0.04	8.49E-01	0.08	7.01E-01
CTC-534A2.2	0.09	6.41E-01	-0.08	7.01E-01
FAM95B1	-0.01	9.78E-01	-0.08	7.01E-01
GAPDHP51	-0.28	1.45E-01	0.08	7.01E-01
HS6ST1P1	-0.23	2.36E-01	-0.08	7.01E-01
HSP90AB2P	0.01	9.59E-01	0.08	7.01E-01
IFI44L	0.30	1.16E-01	0.08	7.01E-01
ISOC2	0.23	2.48E-01	0.08	7.01E-01
LDHAL6B	0.06	7.47E-01	0.08	7.01E-01
MRPL3	0.05	8.17E-01	-0.08	7.01E-01
MXRA7	-0.09	6.47E-01	-0.08	7.01E-01
RN7SL390P	-0.06	7.61E-01	-0.08	7.01E-01
RP1-78B3.1	-0.03	8.94E-01	-0.08	7.01E-01
RP11-323F24.4	-0.21	2.89E-01	-0.08	7.01E-01
RP11-480I12.2	-0.01	9.42E-01	0.08	7.01E-01
RP11-504A18.1	-0.13	5.25E-01	0.08	7.01E-01
RP11-54D18.2	-0.09	6.67E-01	0.08	7.01E-01
RP11-744O11.2	-0.05	7.82E-01	0.08	7.01E-01
RP4-775C13.1	-0.51	5.07E-03	0.08	7.01E-01
RP6-191P20.4	-0.03	8.93E-01	-0.08	7.01E-01
SERBP1	0.17	3.80E-01	0.08	7.01E-01
SMIM12	0.30	1.19E-01	0.08	7.01E-01
SUPT4H1P1	0.14	4.83E-01	0.08	7.01E-01
TTBK2	-0.23	2.39E-01	0.08	7.01E-01
XLOC_001153	-0.51	5.68E-03	0.08	7.01E-01
XLOC_004677	-0.08	6.73E-01	0.08	7.01E-01
ZNF618	-0.23	2.40E-01	-0.08	7.01E-01
AC002398.11	-0.08	6.77E-01	0.08	7.02E-01
AL137059.1	-0.16	4.20E-01	-0.08	7.02E-01
ANKRD16	0.07	7.28E-01	-0.08	7.02E-01
BCAS2P2	-0.12	5.34E-01	-0.08	7.02E-01
CFI	-0.08	6.75E-01	0.08	7.02E-01
CFL2	0.09	6.65E-01	-0.08	7.02E-01
CTC-239J10.1	-0.08	6.72E-01	-0.08	7.02E-01
CTC-499B15.5	-0.21	2.94E-01	-0.08	7.02E-01
EIF2AK4	-0.09	6.57E-01	0.08	7.02E-01
ERCC6L	0.04	8.49E-01	-0.08	7.02E-01

<b>FBXO39</b>	0.05	7.87E-01	-0.08	7.02E-01
<b>FHDC1</b>	0.30	1.17E-01	-0.08	7.02E-01
<b>FTOP1</b>	0.30	1.24E-01	0.08	7.02E-01
<b>G40865</b>	0.16	4.12E-01	-0.08	7.02E-01
<b>G5931</b>	-0.19	3.33E-01	0.08	7.02E-01
<b>GAREM</b>	0.27	1.64E-01	0.08	7.02E-01
<b>GSTP1</b>	0.08	6.79E-01	0.08	7.02E-01
<b>GXYLT1P4</b>	0.13	4.96E-01	0.08	7.02E-01
<b>HSPA1B</b>	-0.22	2.62E-01	0.08	7.02E-01
<b>IGHV5-51</b>	0.25	1.93E-01	0.08	7.02E-01
<b>KRT18P34</b>	0.22	2.58E-01	0.08	7.02E-01
<b>LMNTD2</b>	0.07	7.36E-01	-0.08	7.02E-01
<b>MIR194-2HG</b>	-0.05	7.85E-01	-0.08	7.02E-01
<b>NANOGP4</b>	-0.11	5.65E-01	-0.08	7.02E-01
<b>PIM2</b>	0.32	9.99E-02	0.08	7.02E-01
<b>PNRC2</b>	0.30	1.20E-01	0.08	7.02E-01
<b>PPP1R7</b>	-0.07	7.07E-01	0.08	7.02E-01
<b>RNU6-1034P</b>	0.13	5.22E-01	-0.08	7.02E-01
<b>RP11-31207.2</b>	-0.21	2.80E-01	-0.08	7.02E-01
<b>RP11-358L22.3</b>	-0.01	9.49E-01	0.08	7.02E-01
<b>RP11-471B22.2</b>	0.07	7.16E-01	-0.08	7.02E-01
<b>RP11-510N19.5</b>	-0.02	9.05E-01	0.08	7.02E-01
<b>RP11-574O16.1</b>	0.08	6.92E-01	-0.08	7.02E-01
<b>RP5-965F6.2</b>	-0.03	8.92E-01	0.08	7.02E-01
<b>RPS12P26</b>	-0.41	2.96E-02	-0.08	7.02E-01
<b>SNHG12</b>	0.20	3.07E-01	0.08	7.02E-01
<b>THOC7-AS1</b>	0.15	4.51E-01	0.08	7.02E-01
<b>THUMPD3-AS1</b>	-0.11	5.63E-01	-0.08	7.02E-01
<b>TMEM71</b>	0.00	9.99E-01	0.08	7.02E-01
<b>TRPC4AP</b>	0.08	6.91E-01	0.08	7.02E-01
<b>WFDC21P</b>	0.08	6.69E-01	-0.08	7.02E-01
<b>AC068831.16</b>	0.40	3.72E-02	0.08	7.03E-01
<b>ADCY6</b>	-0.29	1.33E-01	0.08	7.03E-01
<b>ATG4C</b>	0.13	5.09E-01	0.08	7.03E-01
<b>ATP5J2</b>	0.17	4.00E-01	0.08	7.03E-01
<b>BPGM</b>	0.01	9.40E-01	0.08	7.03E-01
<b>CD24P4</b>	0.33	8.62E-02	0.08	7.03E-01
<b>CTNNA1</b>	0.00	9.93E-01	-0.08	7.03E-01
<b>KRT8P44</b>	-0.08	6.72E-01	-0.08	7.03E-01
<b>KRTAP10-4</b>	-0.15	4.32E-01	0.08	7.03E-01
<b>NDUFB5</b>	0.22	2.55E-01	0.08	7.03E-01
<b>NUP98</b>	0.13	5.18E-01	-0.08	7.03E-01
<b>PDPK1</b>	0.02	9.08E-01	-0.08	7.03E-01
<b>POFUT1</b>	0.32	9.53E-02	0.08	7.03E-01
<b>PPP1R14BP3</b>	-0.23	2.35E-01	-0.08	7.03E-01
<b>PRNP</b>	0.12	5.41E-01	0.08	7.03E-01
<b>PRODH</b>	-0.13	5.07E-01	0.08	7.03E-01

RNGTT	0.26	1.83E-01	0.08	7.03E-01
RP11-115H15.2	0.03	8.98E-01	0.08	7.03E-01
RP11-274A11.4	0.04	8.37E-01	-0.08	7.03E-01
RP11-27G14.4	0.09	6.38E-01	0.08	7.03E-01
RP3-449M8.9	-0.09	6.33E-01	-0.08	7.03E-01
SCRG1	-0.25	1.94E-01	-0.08	7.03E-01
TARS2	-0.24	2.27E-01	0.08	7.03E-01
TMEM143	-0.17	3.89E-01	-0.08	7.03E-01
TSR3	-0.07	7.07E-01	0.08	7.03E-01
WDR46	0.11	5.78E-01	-0.08	7.03E-01
XRCC4	0.11	5.92E-01	-0.08	7.03E-01
ZFP36L2	0.14	4.70E-01	-0.08	7.03E-01
AC000089.3	0.20	3.01E-01	0.08	7.04E-01
ATF5	0.47	1.19E-02	0.08	7.04E-01
C5orf24	0.20	3.18E-01	0.08	7.04E-01
CTD-2545G14.6	-0.18	3.48E-01	0.08	7.04E-01
CYP51A1	0.12	5.53E-01	0.08	7.04E-01
DUSP11	-0.03	8.97E-01	0.08	7.04E-01
E2F2	0.15	4.44E-01	0.08	7.04E-01
LAP3	0.33	8.40E-02	0.08	7.04E-01
LRRC8B	0.33	8.40E-02	0.08	7.04E-01
PANX1	0.12	5.27E-01	0.08	7.04E-01
RP11-425L10.1	0.06	7.73E-01	0.08	7.04E-01
RPL7L1	0.16	4.25E-01	0.08	7.04E-01
AC006262.5	0.00	9.93E-01	-0.08	7.04E-01
ANKRD40	0.18	3.71E-01	-0.08	7.04E-01
C5orf63	0.05	8.15E-01	-0.08	7.04E-01
FAM228B	-0.19	3.44E-01	-0.08	7.04E-01
G39662	-0.20	3.00E-01	-0.08	7.04E-01
G5880	0.31	1.14E-01	-0.08	7.04E-01
IMPAD1	0.12	5.41E-01	-0.08	7.04E-01
LHFPL2	-0.16	4.22E-01	-0.08	7.04E-01
MIR200A	-0.16	4.03E-01	-0.08	7.04E-01
NR3C2	-0.31	1.12E-01	-0.08	7.04E-01
PFKM	0.02	9.04E-01	-0.08	7.04E-01
RP11-57K17.1	-0.12	5.29E-01	-0.08	7.04E-01
RP11-641C17.2	-0.32	9.81E-02	-0.08	7.04E-01
RP11-930O11.2	0.11	5.79E-01	-0.08	7.04E-01
RP11-98C1.2	0.27	1.60E-01	-0.08	7.04E-01
RP4-633I8.3	0.00	9.86E-01	-0.08	7.04E-01
SCMH1	0.13	5.25E-01	-0.08	7.04E-01
SPTBN5	0.09	6.64E-01	-0.08	7.04E-01
TCP1	0.06	7.76E-01	-0.08	7.04E-01
ZNF879	0.20	2.96E-01	-0.08	7.04E-01
BNIP2	0.15	4.51E-01	-0.08	7.05E-01
DHRS12	-0.03	8.88E-01	-0.08	7.05E-01
DRC3	0.08	6.75E-01	-0.08	7.05E-01

ESRP1	0.03	8.68E-01	-0.08	7.05E-01
EXT1	0.15	4.32E-01	-0.08	7.05E-01
FGFR1	-0.35	7.10E-02	-0.08	7.05E-01
HNMT	-0.25	1.95E-01	-0.08	7.05E-01
INPP5E	-0.03	8.78E-01	-0.08	7.05E-01
LRRC10B	-0.09	6.52E-01	-0.08	7.05E-01
RP11-366L5.1	-0.26	1.74E-01	-0.08	7.05E-01
RP11-600F24.7	-0.17	3.73E-01	-0.08	7.05E-01
RPL21P123	0.12	5.58E-01	-0.08	7.05E-01
SAA1	0.28	1.51E-01	-0.08	7.05E-01
TPCN2	-0.08	6.68E-01	-0.08	7.05E-01
ZSCAN16	0.09	6.62E-01	-0.08	7.05E-01
AL160011.1	-0.25	1.93E-01	0.08	7.05E-01
BAALC-AS2	0.14	4.79E-01	0.08	7.05E-01
ENTPD5	0.23	2.49E-01	0.08	7.05E-01
GUCY2C	0.11	5.68E-01	0.08	7.05E-01
GYG1	0.21	2.74E-01	0.08	7.05E-01
HIST1H2BF	-0.09	6.46E-01	0.08	7.05E-01
HMMR	0.25	2.02E-01	0.08	7.05E-01
KANSL3	0.29	1.32E-01	0.08	7.05E-01
LMAN2	0.10	6.06E-01	0.08	7.05E-01
MRPL28	0.13	5.19E-01	0.08	7.05E-01
PRB1	0.02	9.01E-01	0.08	7.05E-01
PRSS16	0.00	9.98E-01	0.08	7.05E-01
RP1-102G20.4	-0.10	6.14E-01	0.08	7.05E-01
RP11-104E19.1	-0.13	4.96E-01	0.08	7.05E-01
RP11-680G24.5	0.17	3.78E-01	0.08	7.05E-01
RP11-96D1.5	-0.04	8.51E-01	0.08	7.05E-01
RP5-855F16.1	0.19	3.22E-01	0.08	7.05E-01
RP5-875H3.2	0.04	8.27E-01	0.08	7.05E-01
ZMIZ1	0.10	6.13E-01	0.08	7.05E-01
AC027601.1	-0.10	6.11E-01	-0.08	7.06E-01
AC092377.1	0.16	4.15E-01	-0.08	7.06E-01
AMIGO1	0.30	1.15E-01	0.08	7.06E-01
CETN2	0.12	5.52E-01	0.08	7.06E-01
CKS2	0.06	7.54E-01	0.08	7.06E-01
CTB-111H14.1	0.08	6.68E-01	-0.08	7.06E-01
DBX2	-0.23	2.29E-01	-0.08	7.06E-01
G19572	-0.07	7.37E-01	-0.08	7.06E-01
G24237	0.07	7.12E-01	-0.08	7.06E-01
G42645	-0.22	2.54E-01	0.08	7.06E-01
GAL3ST2	0.00	9.92E-01	0.08	7.06E-01
GPHA2	-0.01	9.60E-01	0.08	7.06E-01
KIAA1257	0.14	4.69E-01	0.08	7.06E-01
KRT39	-0.06	7.71E-01	0.08	7.06E-01
LOXNC01-131B10.	0.11	5.87E-01	0.08	7.06E-01
NAALADL2-AS2	0.05	8.10E-01	0.08	7.06E-01



<b>NEMP1</b>	-0.05	8.15E-01	-0.08	7.06E-01
<b>PAK7</b>	-0.27	1.64E-01	-0.08	7.06E-01
<b>PPIL1</b>	0.18	3.62E-01	0.08	7.06E-01
<b>PPP2R3A</b>	0.16	4.02E-01	0.08	7.06E-01
<b>RNU6-1266P</b>	0.15	4.39E-01	-0.08	7.06E-01
<b>RP11-1105G2.3</b>	0.01	9.65E-01	-0.08	7.06E-01
<b>RP11-250B2.5</b>	-0.06	7.75E-01	0.08	7.06E-01
<b>RP11-304L19.13</b>	-0.06	7.45E-01	0.08	7.06E-01
<b>RP11-426C22.1</b>	0.01	9.43E-01	-0.08	7.06E-01
<b>RP11-624M8.1</b>	-0.04	8.42E-01	-0.08	7.06E-01
<b>RP11-98I9.4</b>	0.00	9.90E-01	-0.08	7.06E-01
<b>RP5-1057I20.4</b>	0.35	7.03E-02	-0.08	7.06E-01
<b>SLC25A23</b>	0.17	3.94E-01	-0.08	7.06E-01
<b>SLFN12L</b>	0.01	9.47E-01	0.08	7.06E-01
<b>SZT2</b>	-0.15	4.55E-01	-0.08	7.06E-01
<b>TMEM125</b>	-0.09	6.58E-01	-0.08	7.06E-01
<b>TRAJ16</b>	0.09	6.50E-01	0.08	7.06E-01
<b>TRAV12-2</b>	0.36	5.78E-02	0.08	7.06E-01
<b>WWC3</b>	-0.07	7.36E-01	-0.08	7.06E-01
<b>ZFP2</b>	0.04	8.44E-01	0.08	7.06E-01
<b>AC016909.1</b>	-0.04	8.23E-01	0.08	7.07E-01
<b>AFAP1-AS1</b>	-0.03	8.80E-01	0.08	7.07E-01
<b>AL022476.2</b>	-0.04	8.55E-01	0.08	7.07E-01
<b>ALOX12-AS1</b>	0.02	9.15E-01	0.08	7.07E-01
<b>CRIPT</b>	-0.07	7.33E-01	0.08	7.07E-01
<b>CTB-189B5.3</b>	-0.04	8.29E-01	0.08	7.07E-01
<b>FAM111A</b>	0.04	8.44E-01	0.08	7.07E-01
<b>GNLY</b>	0.17	3.96E-01	0.08	7.07E-01
<b>LAGE3P1</b>	-0.42	2.71E-02	0.08	7.07E-01
<b>LNX1-AS2</b>	-0.20	3.13E-01	0.08	7.07E-01
<b>PRRC2B</b>	-0.17	3.82E-01	0.08	7.07E-01
<b>RP11-278C7.4</b>	0.03	8.95E-01	0.08	7.07E-01
<b>RP4-569M23.5</b>	0.15	4.48E-01	0.08	7.07E-01
<b>SLC38A10</b>	0.04	8.56E-01	0.08	7.07E-01
<b>TIGD3</b>	0.15	4.38E-01	0.08	7.07E-01
<b>TOX4</b>	0.23	2.29E-01	0.08	7.07E-01
<b>AC006547.13</b>	-0.11	5.81E-01	-0.08	7.07E-01
<b>AC012360.4</b>	0.19	3.34E-01	-0.08	7.07E-01
<b>AL049542.1</b>	-0.09	6.63E-01	-0.08	7.07E-01
<b>AMDHD1</b>	-0.11	5.68E-01	-0.08	7.07E-01
<b>FCN1</b>	-0.01	9.55E-01	-0.08	7.07E-01
<b>HNRNPA1L2</b>	-0.23	2.33E-01	-0.08	7.07E-01
<b>LINC01124</b>	0.09	6.41E-01	-0.08	7.07E-01
<b>PIGM</b>	0.15	4.57E-01	-0.08	7.07E-01
<b>RP11-227G15.10</b>	0.09	6.35E-01	-0.08	7.07E-01
<b>RP11-403A21.1</b>	0.24	2.17E-01	-0.08	7.07E-01
<b>RP11-473M20.9</b>	0.00	9.82E-01	-0.08	7.07E-01

<b>RP11-589F5.3</b>	0.15	4.45E-01	-0.08	7.07E-01
<b>SRCAP</b>	-0.23	2.32E-01	-0.08	7.07E-01
<b>TAX1BP1</b>	-0.07	7.31E-01	-0.08	7.07E-01
<b>XLOC_009740</b>	-0.12	5.38E-01	-0.08	7.07E-01
<b>ZNF429</b>	-0.01	9.50E-01	-0.08	7.07E-01
<b>AC010150.1</b>	0.28	1.48E-01	-0.08	7.08E-01
<b>AURKAIP1</b>	0.04	8.37E-01	-0.08	7.08E-01
<b>BAG4</b>	0.21	2.91E-01	0.08	7.08E-01
<b>CBX3</b>	0.14	4.93E-01	-0.08	7.08E-01
<b>CEACAM5</b>	0.22	2.52E-01	-0.08	7.08E-01
<b>CGN</b>	-0.09	6.55E-01	-0.08	7.08E-01
<b>ERP27</b>	0.09	6.43E-01	0.08	7.08E-01
<b>FASTK</b>	0.18	3.53E-01	0.08	7.08E-01
<b>G22770</b>	-0.40	3.65E-02	-0.08	7.08E-01
<b>G39423</b>	-0.14	4.62E-01	-0.08	7.08E-01
<b>HNRNPA2B1</b>	0.01	9.79E-01	0.08	7.08E-01
<b>LINC00393</b>	0.31	1.04E-01	-0.08	7.08E-01
<b>MINPP1</b>	0.14	4.78E-01	0.08	7.08E-01
<b>NOL4L</b>	0.06	7.43E-01	0.08	7.08E-01
<b>RBM12B</b>	0.20	3.17E-01	0.08	7.08E-01
<b>RBP4</b>	0.29	1.39E-01	-0.08	7.08E-01
<b>RCC2</b>	0.09	6.62E-01	0.08	7.08E-01
<b>RN7SKP185</b>	0.16	4.16E-01	-0.08	7.08E-01
<b>ROR1-AS1</b>	-0.03	8.67E-01	-0.08	7.08E-01
<b>RP1-92O14.6</b>	-0.17	3.86E-01	0.08	7.08E-01
<b>RP11-271C24.3</b>	-0.38	4.56E-02	-0.08	7.08E-01
<b>RP11-287D1.3</b>	0.03	8.71E-01	-0.08	7.08E-01
<b>RP11-485G7.6</b>	-0.14	4.79E-01	-0.08	7.08E-01
<b>RP11-621L6.2</b>	-0.04	8.41E-01	0.08	7.08E-01
<b>RP11-667K14.5</b>	-0.29	1.38E-01	-0.08	7.08E-01
<b>RP11-70C1.1</b>	0.02	9.32E-01	0.08	7.08E-01
<b>SCEL-AS1</b>	-0.34	8.10E-02	-0.08	7.08E-01
<b>SERPINE2</b>	-0.15	4.51E-01	-0.08	7.08E-01
<b>SLC25A39</b>	0.34	7.54E-02	0.08	7.08E-01
<b>SLC9A1</b>	0.11	5.65E-01	0.08	7.08E-01
<b>SPG7</b>	-0.11	5.92E-01	-0.08	7.08E-01
<b>SRPX2</b>	-0.07	7.41E-01	-0.08	7.08E-01
<b>TALDO1</b>	0.16	4.25E-01	0.08	7.08E-01
<b>TMEM123</b>	0.30	1.26E-01	0.08	7.08E-01
<b>TPRA1</b>	0.03	8.66E-01	0.08	7.08E-01
<b>XLOC_013474</b>	0.17	3.91E-01	0.08	7.08E-01
<b>XLOC_014081</b>	-0.13	5.01E-01	-0.08	7.08E-01
<b>ZNF286B</b>	0.06	7.70E-01	-0.08	7.08E-01
<b>ARHGAP11B</b>	-0.08	6.75E-01	-0.08	7.10E-01
<b>C4orf47</b>	-0.14	4.88E-01	-0.08	7.10E-01
<b>CYP20A1</b>	-0.01	9.48E-01	-0.08	7.10E-01
<b>G26897</b>	0.13	5.20E-01	-0.08	7.10E-01

GLRX5	0.16	4.14E-01	-0.08	7.10E-01
HYPK	-0.15	4.41E-01	-0.08	7.10E-01
KRT8P33	-0.02	9.10E-01	-0.08	7.10E-01
MIR93	-0.06	7.48E-01	-0.08	7.10E-01
RDH13	-0.03	8.61E-01	-0.08	7.10E-01
RN7SL724P	0.07	7.28E-01	-0.08	7.10E-01
RP11-420B22.2	-0.24	2.15E-01	-0.08	7.10E-01
RP11-571L19.8	0.12	5.59E-01	-0.08	7.10E-01
RP11-58K22.5	0.15	4.60E-01	-0.08	7.10E-01
RP3-467D16.3	-0.35	7.20E-02	-0.08	7.10E-01
XLOC_001189	0.09	6.66E-01	-0.08	7.10E-01
XLOC_009869	-0.25	1.93E-01	-0.08	7.10E-01
AC104306.1	0.07	7.40E-01	0.08	7.10E-01
ADAMTSL4	-0.29	1.34E-01	0.08	7.10E-01
CCNT1	0.09	6.32E-01	0.08	7.10E-01
DSP	-0.13	5.09E-01	0.08	7.10E-01
ENSA	0.26	1.85E-01	0.08	7.10E-01
FCF1P8	0.06	7.48E-01	0.08	7.10E-01
LGALS7B	-0.09	6.41E-01	0.08	7.10E-01
LINC01057	-0.06	7.62E-01	0.08	7.10E-01
MAD2L2	0.05	8.08E-01	0.08	7.10E-01
MIRLET7BHG	0.12	5.36E-01	0.08	7.10E-01
N6AMT2	0.09	6.39E-01	0.08	7.10E-01
RP1-137D17.1	-0.12	5.43E-01	0.08	7.10E-01
RP11-139E19.3	0.27	1.73E-01	0.08	7.10E-01
RP11-326N17.1	-0.14	4.79E-01	0.08	7.10E-01
RP11-529H20.3	-0.02	9.28E-01	0.08	7.10E-01
RP11-572F4.1	0.00	9.89E-01	0.08	7.10E-01
U4	0.00	9.93E-01	0.08	7.10E-01
UBTD2	0.19	3.37E-01	0.08	7.10E-01
AP001347.6	-0.13	5.09E-01	-0.07	7.11E-01
AP001962.3	-0.12	5.55E-01	0.07	7.11E-01
CTCF	0.07	7.32E-01	0.07	7.11E-01
CTD-2270L9.2	0.01	9.78E-01	0.07	7.11E-01
CTD-3247H4.2	0.01	9.69E-01	-0.07	7.11E-01
DTX1	0.01	9.66E-01	0.07	7.11E-01
FAM103A1	-0.07	7.23E-01	0.07	7.11E-01
FITM2	0.04	8.28E-01	-0.07	7.11E-01
FUCA1P1	-0.08	6.70E-01	-0.07	7.11E-01
G22346	-0.12	5.29E-01	0.07	7.11E-01
G26809	-0.14	4.66E-01	0.07	7.11E-01
GSTM4	0.29	1.33E-01	0.07	7.11E-01
KRT18P5	0.10	5.96E-01	-0.07	7.11E-01
LIN7A	-0.09	6.51E-01	0.07	7.11E-01
LRFN4	0.19	3.34E-01	0.07	7.11E-01
MMADHC	0.04	8.39E-01	0.07	7.11E-01
PHLDB3	0.18	3.59E-01	0.07	7.11E-01

<b>RN7SL398P</b>	0.07	7.10E-01	0.07	7.11E-01
<b>RNU6-879P</b>	-0.03	8.69E-01	0.07	7.11E-01
<b>RNU7-3P</b>	-0.11	5.85E-01	0.07	7.11E-01
<b>RP11-230C9.3</b>	-0.15	4.42E-01	0.07	7.11E-01
<b>RP11-254F7.4</b>	-0.09	6.41E-01	-0.07	7.11E-01
<b>RP11-486A14.2</b>	-0.07	7.17E-01	0.07	7.11E-01
<b>RP11-510J16.5</b>	0.46	1.49E-02	0.07	7.11E-01
<b>RP11-529F4.1</b>	-0.06	7.79E-01	-0.07	7.11E-01
<b>RP11-737O24.5</b>	-0.22	2.62E-01	-0.07	7.11E-01
<b>RP11-758P17.3</b>	-0.14	4.86E-01	-0.07	7.11E-01
<b>RP11-887P2.3</b>	0.29	1.30E-01	0.07	7.11E-01
<b>SCUBE3</b>	0.01	9.43E-01	-0.07	7.11E-01
<b>TMEM109</b>	0.03	8.73E-01	0.07	7.11E-01
<b>UBR4</b>	-0.23	2.31E-01	0.07	7.11E-01
<b>UPK1A-AS1</b>	-0.11	5.67E-01	-0.07	7.11E-01
<b>YTHDF3</b>	0.17	3.89E-01	0.07	7.11E-01
<b>ZNF256</b>	-0.17	3.87E-01	-0.07	7.11E-01
<b>JAK1</b>	-0.12	5.32E-01	-0.07	7.12E-01
<b>KLF5</b>	0.05	8.17E-01	-0.07	7.12E-01
<b>LAMTOR5-AS1</b>	-0.05	8.12E-01	-0.07	7.12E-01
<b>LINC00696</b>	0.04	8.57E-01	-0.07	7.12E-01
<b>MAGED2</b>	-0.17	3.89E-01	-0.07	7.12E-01
<b>POLR3B</b>	0.13	4.94E-01	-0.07	7.12E-01
<b>RP11-296A18.6</b>	-0.04	8.51E-01	-0.07	7.12E-01
<b>RP11-517P14.7</b>	-0.22	2.62E-01	-0.07	7.12E-01
<b>RP11-793A3.1</b>	-0.19	3.23E-01	-0.07	7.12E-01
<b>RP5-956O18.2</b>	-0.01	9.65E-01	-0.07	7.12E-01
<b>TRPV4</b>	-0.08	6.79E-01	-0.07	7.12E-01
<b>YWHAZ</b>	-0.06	7.59E-01	-0.07	7.12E-01
<b>ARSE</b>	-0.33	8.37E-02	0.07	7.12E-01
<b>C22orf15</b>	-0.08	6.90E-01	0.07	7.12E-01
<b>FGF13</b>	-0.18	3.69E-01	0.07	7.12E-01
<b>IL20RB-AS1</b>	-0.01	9.61E-01	0.07	7.12E-01
<b>L1CAM</b>	-0.22	2.62E-01	0.07	7.12E-01
<b>MINA</b>	0.35	6.89E-02	0.07	7.12E-01
<b>NUP62</b>	0.12	5.49E-01	0.07	7.12E-01
<b>RN7SKP237</b>	0.06	7.70E-01	0.07	7.12E-01
<b>RN7SL834P</b>	-0.08	7.03E-01	0.07	7.12E-01
<b>RNU4-49P</b>	0.02	9.11E-01	0.07	7.12E-01
<b>RP11-195B17.1</b>	-0.33	8.29E-02	0.07	7.12E-01
<b>RP11-402L5.2</b>	-0.03	8.81E-01	0.07	7.12E-01
<b>RP4-758J24.4</b>	-0.48	9.05E-03	0.07	7.12E-01
<b>ST3GAL1</b>	0.22	2.68E-01	0.07	7.12E-01
<b>TMEM92-AS1</b>	0.26	1.81E-01	0.07	7.12E-01
<b>TRIM16</b>	0.09	6.58E-01	0.07	7.12E-01
<b>U52111.14</b>	0.05	7.87E-01	0.07	7.12E-01
<b>UQCR11</b>	0.33	8.64E-02	0.07	7.12E-01

URI1	0.01	9.70E-01	0.07	7.12E-01
ZNF311	0.20	2.97E-01	0.07	7.12E-01
BCDIN3D-AS1	0.00	9.90E-01	0.07	7.13E-01
C20orf144	0.26	1.79E-01	0.07	7.13E-01
C2orf82	-0.12	5.45E-01	-0.07	7.13E-01
CTC-1337H24.4	-0.30	1.15E-01	-0.07	7.13E-01
CWC25	-0.22	2.71E-01	-0.07	7.13E-01
DLX3	-0.16	4.20E-01	0.07	7.13E-01
ENOSF1	-0.08	6.86E-01	-0.07	7.13E-01
FAM72B	0.26	1.78E-01	-0.07	7.13E-01
KCNAB2	-0.40	3.37E-02	0.07	7.13E-01
KIAA0825	-0.35	6.68E-02	0.07	7.13E-01
KIAA1429	-0.08	6.81E-01	0.07	7.13E-01
L3MBTL1	-0.14	4.81E-01	-0.07	7.13E-01
NRCAM	0.10	6.09E-01	0.07	7.13E-01
PDGFRL	-0.20	3.08E-01	-0.07	7.13E-01
PKD1P1	-0.04	8.26E-01	-0.07	7.13E-01
PPP2CB	0.18	3.47E-01	-0.07	7.13E-01
RN7SL781P	0.02	9.34E-01	-0.07	7.13E-01
RP11-181K12.2	-0.39	4.12E-02	0.07	7.13E-01
RP11-21M24.3	0.26	1.88E-01	-0.07	7.13E-01
RP11-274H2.3	-0.23	2.47E-01	-0.07	7.13E-01
RP11-313A24.1	0.31	1.08E-01	-0.07	7.13E-01
RP11-521B24.3	0.20	3.11E-01	0.07	7.13E-01
RP13-638C3.6	-0.34	7.22E-02	-0.07	7.13E-01
RUSC1	0.02	9.11E-01	0.07	7.13E-01
SNX31	-0.08	6.77E-01	-0.07	7.13E-01
SRP14	-0.07	7.27E-01	0.07	7.13E-01
SWT1	-0.11	5.70E-01	-0.07	7.13E-01
TFAP2B	-0.48	1.06E-02	-0.07	7.13E-01
ZDHHC4	0.06	7.48E-01	0.07	7.13E-01
AC130360.8	-0.07	7.32E-01	-0.07	7.14E-01
ACAD9	-0.06	7.50E-01	0.07	7.14E-01
AP000692.9	0.12	5.44E-01	0.07	7.14E-01
BRCC3	0.07	7.37E-01	0.07	7.14E-01
C14orf2	0.13	5.08E-01	0.07	7.14E-01
CBX5	0.00	9.98E-01	-0.07	7.14E-01
CCM2L	-0.22	2.63E-01	0.07	7.14E-01
COPE	0.14	4.72E-01	0.07	7.14E-01
DMRTA1	-0.20	3.20E-01	-0.07	7.14E-01
EEF1B2P1	0.08	7.03E-01	-0.07	7.14E-01
FBP2	-0.01	9.55E-01	-0.07	7.14E-01
FUBP3	0.04	8.56E-01	-0.07	7.14E-01
KDM5A	-0.20	3.16E-01	-0.07	7.14E-01
KDM8	0.40	3.73E-02	-0.07	7.14E-01
LINC00265	-0.22	2.52E-01	-0.07	7.14E-01
MIR4419A	-0.10	6.05E-01	-0.07	7.14E-01

MIR5579	-0.40	3.60E-02	-0.07	7.14E-01
NCALD	-0.42	2.71E-02	-0.07	7.14E-01
NR2F1-AS1	-0.09	6.67E-01	0.07	7.14E-01
PCDH19	-0.14	4.77E-01	0.07	7.14E-01
RNU6-310P	-0.10	6.08E-01	0.07	7.14E-01
RP11-144I2.1	0.11	5.63E-01	0.07	7.14E-01
RP11-156L14.1	0.08	6.75E-01	-0.07	7.14E-01
RP11-203J24.8	0.17	4.01E-01	0.07	7.14E-01
RP11-214K3.22	-0.08	6.77E-01	0.07	7.14E-01
RP11-218C14.8	0.04	8.31E-01	-0.07	7.14E-01
RP11-339B21.13	0.01	9.79E-01	0.07	7.14E-01
RP11-543B16.1	-0.18	3.60E-01	0.07	7.14E-01
RP11-59O6.3	-0.15	4.39E-01	0.07	7.14E-01
RP3-393E18.2	-0.19	3.40E-01	0.07	7.14E-01
RP4-800G7.1	0.16	4.22E-01	-0.07	7.14E-01
RPL4	0.10	5.99E-01	-0.07	7.14E-01
RPS27	0.23	2.47E-01	0.07	7.14E-01
SEC61A1	0.13	5.19E-01	0.07	7.14E-01
SLC45A3	0.17	3.80E-01	0.07	7.14E-01
SNORD103A	-0.05	7.91E-01	0.07	7.14E-01
STK32A	-0.45	1.53E-02	-0.07	7.14E-01
SUGT1P	0.04	8.40E-01	0.07	7.14E-01
TCEB3B	-0.02	9.34E-01	-0.07	7.14E-01
TMEM14C	0.09	6.63E-01	0.07	7.14E-01
USP42	-0.07	7.30E-01	0.07	7.14E-01
ZMIZ2	0.04	8.27E-01	0.07	7.14E-01
AGAP9	0.16	4.02E-01	0.07	7.15E-01
ALDOB	0.29	1.39E-01	-0.07	7.15E-01
BBOF1	0.19	3.27E-01	0.07	7.15E-01
C22orf34	-0.14	4.90E-01	0.07	7.15E-01
COG3	0.17	3.79E-01	0.07	7.15E-01
ERBB2	0.01	9.72E-01	0.07	7.15E-01
FOXF2	-0.06	7.53E-01	-0.07	7.15E-01
G29778	-0.18	3.66E-01	-0.07	7.15E-01
G8261	0.00	9.90E-01	0.07	7.15E-01
HDAC9	-0.21	2.89E-01	0.07	7.15E-01
HLA-A	-0.06	7.55E-01	0.07	7.15E-01
HOGA1	0.17	3.79E-01	-0.07	7.15E-01
KCNJ16	-0.26	1.78E-01	-0.07	7.15E-01
KRTAP3-1	-0.16	4.14E-01	0.07	7.15E-01
MAML2	-0.38	4.31E-02	0.07	7.15E-01
MAML3	0.13	5.20E-01	0.07	7.15E-01
MARCKS	0.26	1.77E-01	-0.07	7.15E-01
MIR34AHG	0.16	4.16E-01	0.07	7.15E-01
MRPL13	0.12	5.51E-01	0.07	7.15E-01
NARS	0.21	2.78E-01	0.07	7.15E-01
NTF3	-0.17	3.76E-01	0.07	7.15E-01

PCBD1	-0.12	5.33E-01	0.07	7.15E-01
PHLDA1	0.05	7.85E-01	-0.07	7.15E-01
PPP1R37	0.13	5.01E-01	-0.07	7.15E-01
RP11-144C15.1	-0.09	6.60E-01	-0.07	7.15E-01
RP11-156E6.1	0.06	7.48E-01	-0.07	7.15E-01
RP11-452L6.1	0.24	2.16E-01	-0.07	7.15E-01
RP11-484D2.3	-0.11	5.68E-01	-0.07	7.15E-01
RP11-551G24.2	-0.03	8.79E-01	0.07	7.15E-01
RP11-556O9.2	-0.13	4.96E-01	-0.07	7.15E-01
RP11-705C15.2	0.02	9.35E-01	-0.07	7.15E-01
RP3-439F8.1	-0.18	3.66E-01	0.07	7.15E-01
RP5-1099D15.1	0.24	2.15E-01	0.07	7.15E-01
RPS24P8	-0.09	6.56E-01	0.07	7.15E-01
SLC7A2	0.23	2.41E-01	0.07	7.15E-01
SLC7A5P1	0.04	8.51E-01	0.07	7.15E-01
SNORD14	-0.14	4.81E-01	0.07	7.15E-01
SPINT1	0.17	3.81E-01	0.07	7.15E-01
TP53RK	0.24	2.22E-01	-0.07	7.15E-01
TTC16	-0.13	5.20E-01	-0.07	7.15E-01
WDR13	0.25	1.98E-01	0.07	7.15E-01
XPOTP1	0.21	2.76E-01	0.07	7.15E-01
YAE1D1	0.07	7.23E-01	0.07	7.15E-01
ZFR	-0.10	6.31E-01	-0.07	7.15E-01
ZMAT2	0.01	9.66E-01	-0.07	7.15E-01
ZNF132	0.23	2.36E-01	-0.07	7.15E-01
AATF	0.05	7.84E-01	0.07	7.16E-01
AC016700.5	-0.19	3.41E-01	-0.07	7.16E-01
AF124730.4	0.04	8.49E-01	0.07	7.16E-01
AL353698.1	0.28	1.48E-01	0.07	7.16E-01
ASIC1	-0.01	9.58E-01	0.07	7.16E-01
BRCC3P1	-0.10	6.01E-01	0.07	7.16E-01
BRD4	0.04	8.52E-01	0.07	7.16E-01
BYSL	0.11	5.76E-01	0.07	7.16E-01
CLOCK	0.23	2.46E-01	0.07	7.16E-01
CTB-184G21.3	0.00	9.80E-01	-0.07	7.16E-01
CTD-2373J6.1	0.03	8.90E-01	-0.07	7.16E-01
CTD-2553C6.1	0.16	4.20E-01	-0.07	7.16E-01
CTD-3064M3.7	-0.32	1.02E-01	0.07	7.16E-01
DLGAP4	0.04	8.22E-01	0.07	7.16E-01
G32202	0.27	1.70E-01	-0.07	7.16E-01
GCN1	0.02	9.25E-01	0.07	7.16E-01
GEMIN7	0.31	1.14E-01	-0.07	7.16E-01
HCCS	0.01	9.76E-01	0.07	7.16E-01
KAT7	0.16	4.03E-01	-0.07	7.16E-01
MYBPC3	-0.27	1.58E-01	0.07	7.16E-01
OR2A9P	0.24	2.23E-01	0.07	7.16E-01
PCDHGA10	-0.06	7.48E-01	0.07	7.16E-01

<b>POC1B-GALNT4</b>	0.17	3.95E-01	-0.07	7.16E-01
<b>RNU6-539P</b>	-0.19	3.24E-01	0.07	7.16E-01
<b>RP11-173P15.9</b>	-0.12	5.54E-01	-0.07	7.16E-01
<b>RP11-211G3.3</b>	0.09	6.55E-01	-0.07	7.16E-01
<b>RP11-335L23.5</b>	-0.08	7.00E-01	0.07	7.16E-01
<b>RP11-383G10.3</b>	-0.26	1.90E-01	-0.07	7.16E-01
<b>RP11-408A13.4</b>	0.26	1.89E-01	-0.07	7.16E-01
<b>RP11-411G7.2</b>	-0.06	7.76E-01	0.07	7.16E-01
<b>RP11-690I21.1</b>	0.23	2.44E-01	-0.07	7.16E-01
<b>RP11-700F16.3</b>	-0.05	7.89E-01	0.07	7.16E-01
<b>RP11-93M12.1</b>	0.17	3.82E-01	0.07	7.16E-01
<b>RP11-98L12.2</b>	0.18	3.58E-01	-0.07	7.16E-01
<b>RPL13AP6</b>	-0.04	8.46E-01	0.07	7.16E-01
<b>SEMA3B-AS1</b>	0.01	9.67E-01	0.07	7.16E-01
<b>SLC9A3</b>	0.04	8.42E-01	0.07	7.16E-01
<b>SORD</b>	0.26	1.77E-01	0.07	7.16E-01
<b>TCN2</b>	-0.13	5.23E-01	0.07	7.16E-01
<b>TMEM130</b>	0.04	8.58E-01	-0.07	7.16E-01
<b>ZDHHC20-IT1</b>	-0.06	7.46E-01	0.07	7.16E-01
<b>AC007182.6</b>	0.09	6.35E-01	0.07	7.17E-01
<b>AC092573.2</b>	-0.27	1.71E-01	0.07	7.17E-01
<b>AC139099.5</b>	-0.04	8.44E-01	0.07	7.17E-01
<b>ARPC4</b>	0.16	4.25E-01	0.07	7.17E-01
<b>B4GALT4-AS1</b>	-0.21	2.73E-01	-0.07	7.17E-01
<b>BRSK2</b>	0.02	9.10E-01	-0.07	7.17E-01
<b>CAMKK2</b>	-0.11	5.64E-01	0.07	7.17E-01
<b>CDKN3</b>	0.13	5.15E-01	0.07	7.17E-01
<b>CST7</b>	0.30	1.22E-01	0.07	7.17E-01
<b>CTD-2373N4.3</b>	0.06	7.58E-01	-0.07	7.17E-01
<b>DUSP7</b>	0.20	3.14E-01	-0.07	7.17E-01
<b>FANCL</b>	0.14	4.87E-01	-0.07	7.17E-01
<b>FLAD1</b>	0.09	6.65E-01	0.07	7.17E-01
<b>HSPA8P18</b>	0.12	5.41E-01	0.07	7.17E-01
<b>IL12A</b>	-0.19	3.27E-01	-0.07	7.17E-01
<b>LAMB4</b>	-0.17	3.76E-01	-0.07	7.17E-01
<b>LINC00659</b>	0.13	5.02E-01	-0.07	7.17E-01
<b>LINC01136</b>	-0.11	5.85E-01	0.07	7.17E-01
<b>MYZAP</b>	-0.05	8.02E-01	0.07	7.17E-01
<b>NAMA</b>	0.00	1.00E+00	0.07	7.17E-01
<b>NBAT1</b>	-0.27	1.73E-01	0.07	7.17E-01
<b>POLA2</b>	-0.14	4.62E-01	0.07	7.17E-01
<b>RAB11A</b>	0.19	3.25E-01	0.07	7.17E-01
<b>RNASEH2B</b>	-0.12	5.54E-01	-0.07	7.17E-01
<b>RNU6-181P</b>	-0.17	3.84E-01	0.07	7.17E-01
<b>RP11-115C21.4</b>	-0.14	4.70E-01	-0.07	7.17E-01
<b>RP11-13N13.6</b>	-0.04	8.40E-01	-0.07	7.17E-01
<b>RP11-1C8.6</b>	-0.06	7.57E-01	-0.07	7.17E-01



RP11-348N5.9	-0.01	9.50E-01	-0.07	7.17E-01
RP11-356J5.4	0.14	4.86E-01	-0.07	7.17E-01
RP11-368P15.2	0.10	5.95E-01	-0.07	7.17E-01
RP11-423E7.2	-0.46	1.42E-02	0.07	7.17E-01
RP11-666F17.2	-0.11	5.91E-01	-0.07	7.17E-01
RP5-1024G6.7	0.25	1.91E-01	0.07	7.17E-01
SIGLEC22P	0.00	9.83E-01	-0.07	7.17E-01
SLC26A8	-0.07	7.42E-01	0.07	7.17E-01
SNORD101	0.11	5.71E-01	-0.07	7.17E-01
SPIN2B	-0.15	4.57E-01	0.07	7.17E-01
TDRKH	-0.14	4.92E-01	0.07	7.17E-01
TMPRSS5	-0.18	3.71E-01	-0.07	7.17E-01
TOLLIP-AS1	0.18	3.60E-01	-0.07	7.17E-01
ULBP3	0.07	7.35E-01	0.07	7.17E-01
AC003986.7	0.21	2.85E-01	-0.07	7.19E-01
AC079834.2	-0.26	1.82E-01	0.07	7.19E-01
AQP4-AS1	-0.01	9.74E-01	0.07	7.19E-01
CTC-308K20.1	-0.07	7.23E-01	-0.07	7.19E-01
CYBB	0.19	3.34E-01	0.07	7.19E-01
DKFZP434K028	0.05	7.84E-01	-0.07	7.19E-01
ENO1-IT1	-0.11	5.75E-01	0.07	7.19E-01
FAT3	0.03	8.95E-01	-0.07	7.19E-01
G34277	0.18	3.66E-01	-0.07	7.19E-01
G8112	0.13	5.19E-01	0.07	7.19E-01
GOLPH3	0.11	5.89E-01	-0.07	7.19E-01
GPR52	0.02	9.26E-01	-0.07	7.19E-01
HINFP	-0.07	7.36E-01	0.07	7.19E-01
HIST2H2AA3	-0.21	2.78E-01	0.07	7.19E-01
MAGOH	-0.01	9.74E-01	-0.07	7.19E-01
PDZD2	-0.19	3.32E-01	-0.07	7.19E-01
PPM1H	0.22	2.51E-01	-0.07	7.19E-01
PSMC4	0.15	4.37E-01	0.07	7.19E-01
RHOQ	-0.01	9.74E-01	0.07	7.19E-01
RNY4P10	0.04	8.56E-01	-0.07	7.19E-01
RP11-10C24.2	0.09	6.38E-01	0.07	7.19E-01
RP11-182J1.14	-0.18	3.70E-01	-0.07	7.19E-01
RP11-725P16.2	-0.02	9.16E-01	-0.07	7.19E-01
RPLP0	0.23	2.48E-01	0.07	7.19E-01
SLITRK4	-0.09	6.39E-01	0.07	7.19E-01
SPON1	-0.10	6.28E-01	0.07	7.19E-01
TAF4	-0.24	2.09E-01	0.07	7.19E-01
UBXN11	-0.22	2.70E-01	-0.07	7.19E-01
XLOC_002220	0.14	4.90E-01	-0.07	7.19E-01
YPEL5P2	-0.15	4.54E-01	-0.07	7.19E-01
AC026202.3	-0.16	4.29E-01	0.07	7.20E-01
AC062017.1	-0.13	5.12E-01	0.07	7.20E-01
AC091633.3	0.17	3.84E-01	-0.07	7.20E-01

AL163953.3	-0.22	2.56E-01	-0.07	7.20E-01
AP002495.1	0.50	7.03E-03	-0.07	7.20E-01
ARL6IP4	0.07	7.33E-01	-0.07	7.20E-01
CPSF7	0.03	8.86E-01	0.07	7.20E-01
CTD-2165H16.4	0.05	8.12E-01	0.07	7.20E-01
DDB1	0.01	9.63E-01	-0.07	7.20E-01
EFTUD1P1	-0.28	1.48E-01	0.07	7.20E-01
GNB2	0.21	2.91E-01	0.07	7.20E-01
GPR160	0.14	4.86E-01	-0.07	7.20E-01
HPR	0.48	1.02E-02	0.07	7.20E-01
ORM2	0.22	2.71E-01	0.07	7.20E-01
PHOX2A	-0.03	8.64E-01	-0.07	7.20E-01
RCAN3	0.37	4.94E-02	0.07	7.20E-01
RN7SKP243	0.20	3.05E-01	0.07	7.20E-01
RN7SL242P	0.32	9.65E-02	0.07	7.20E-01
RNU6-404P	0.07	7.28E-01	-0.07	7.20E-01
RP11-24B13.1	-0.13	5.14E-01	-0.07	7.20E-01
RP11-338E21.3	-0.06	7.45E-01	0.07	7.20E-01
RP11-357G3.1	0.18	3.71E-01	0.07	7.20E-01
RP11-707P17.2	-0.17	3.79E-01	0.07	7.20E-01
RP11-797H7.1	-0.22	2.61E-01	0.07	7.20E-01
RP11-932O9.10	-0.11	5.88E-01	-0.07	7.20E-01
RPL35AP32	0.15	4.32E-01	0.07	7.20E-01
RPL7P46	-0.18	3.67E-01	-0.07	7.20E-01
ZDHHCS	0.18	3.52E-01	0.07	7.20E-01
AC079776.2	0.20	3.17E-01	0.07	7.21E-01
AMH	-0.19	3.22E-01	-0.07	7.21E-01
ART1	-0.14	4.69E-01	0.07	7.21E-01
CEACAMP5	-0.20	3.00E-01	0.07	7.21E-01
CSNK1G2-AS1	-0.06	7.62E-01	-0.07	7.21E-01
CTD-2576D5.4	0.20	3.11E-01	-0.07	7.21E-01
CYB561	-0.05	8.09E-01	0.07	7.21E-01
DCHS1	-0.16	4.23E-01	-0.07	7.21E-01
EFTUD2	0.10	6.08E-01	0.07	7.21E-01
EPHA1-AS1	-0.26	1.86E-01	0.07	7.21E-01
FAM118A	0.34	8.00E-02	0.07	7.21E-01
FCF1P1	-0.17	3.88E-01	-0.07	7.21E-01
GPR174	0.13	5.15E-01	-0.07	7.21E-01
GPR183	0.00	9.80E-01	-0.07	7.21E-01
IL17RD	-0.11	5.73E-01	0.07	7.21E-01
KRT85	-0.12	5.31E-01	-0.07	7.21E-01
MSN	-0.09	6.45E-01	0.07	7.21E-01
PDCD2	0.06	7.60E-01	0.07	7.21E-01
PDCL2	-0.14	4.64E-01	-0.07	7.21E-01
PEMT	0.13	5.02E-01	-0.07	7.21E-01
PKP4	0.06	7.55E-01	0.07	7.21E-01
RNU6-1043P	-0.02	9.10E-01	-0.07	7.21E-01

<b>RNU6-288P</b>	-0.07	7.21E-01	-0.07	7.21E-01
<b>RNU6-28P</b>	-0.05	8.10E-01	0.07	7.21E-01
<b>RNY4P7</b>	0.01	9.40E-01	0.07	7.21E-01
<b>RP11-144C15.2</b>	0.14	4.86E-01	0.07	7.21E-01
<b>RP11-214N9.1</b>	0.03	8.99E-01	0.07	7.21E-01
<b>RP11-327F22.6</b>	-0.02	9.39E-01	0.07	7.21E-01
<b>RP11-358B23.7</b>	-0.10	6.05E-01	0.07	7.21E-01
<b>RP11-383B4.4</b>	-0.41	3.15E-02	0.07	7.21E-01
<b>RP11-3D4.4</b>	0.12	5.51E-01	-0.07	7.21E-01
<b>RP11-484D2.2</b>	0.04	8.53E-01	0.07	7.21E-01
<b>RPF1</b>	0.13	4.94E-01	-0.07	7.21E-01
<b>RSRP1</b>	0.04	8.41E-01	-0.07	7.21E-01
<b>SOX30</b>	-0.37	5.31E-02	-0.07	7.21E-01
<b>SSR4</b>	0.25	2.00E-01	0.07	7.21E-01
<b>A2ML1-AS2</b>	0.01	9.75E-01	-0.07	7.22E-01
<b>AC093724.2</b>	0.36	6.22E-02	0.07	7.22E-01
<b>BRI3P1</b>	0.14	4.67E-01	0.07	7.22E-01
<b>C8orf82</b>	0.05	7.96E-01	0.07	7.22E-01
<b>CENPM</b>	0.13	4.93E-01	0.07	7.22E-01
<b>CNTNAP1</b>	-0.09	6.43E-01	-0.07	7.22E-01
<b>CTC-343N3.1</b>	-0.07	7.26E-01	-0.07	7.22E-01
<b>DKK3</b>	0.03	8.68E-01	0.07	7.22E-01
<b>ERH</b>	0.17	3.79E-01	0.07	7.22E-01
<b>ESCO2</b>	0.02	9.01E-01	-0.07	7.22E-01
<b>FAM20C</b>	-0.07	7.42E-01	0.07	7.22E-01
<b>FGF7</b>	-0.20	3.09E-01	-0.07	7.22E-01
<b>GAPDHP42</b>	0.05	8.13E-01	0.07	7.22E-01
<b>HOXC10</b>	0.31	1.07E-01	-0.07	7.22E-01
<b>LINC01431</b>	-0.29	1.31E-01	-0.07	7.22E-01
<b>MEOX2-AS1</b>	-0.11	5.89E-01	0.07	7.22E-01
<b>NIPBL</b>	-0.17	3.92E-01	-0.07	7.22E-01
<b>NOM1</b>	0.11	5.71E-01	-0.07	7.22E-01
<b>NR5A2</b>	-0.01	9.59E-01	0.07	7.22E-01
<b>NRARP</b>	0.07	7.14E-01	-0.07	7.22E-01
<b>NUDT6</b>	-0.27	1.60E-01	0.07	7.22E-01
<b>OSTCP8</b>	-0.11	5.81E-01	-0.07	7.22E-01
<b>PIR</b>	0.03	8.66E-01	-0.07	7.22E-01
<b>PPL</b>	-0.06	7.51E-01	0.07	7.22E-01
<b>PRCD</b>	0.03	8.70E-01	-0.07	7.22E-01
<b>RAB14</b>	0.10	6.12E-01	-0.07	7.22E-01
<b>RAF1</b>	0.21	2.82E-01	-0.07	7.22E-01
<b>RP1-140A9.1</b>	0.14	4.79E-01	0.07	7.22E-01
<b>RP1-68D18.4</b>	-0.17	3.86E-01	-0.07	7.22E-01
<b>RP11-172H24.4</b>	0.13	5.05E-01	-0.07	7.22E-01
<b>RP11-210M15.2</b>	-0.63	2.86E-04	0.07	7.22E-01
<b>RP11-231L11.3</b>	0.14	4.92E-01	-0.07	7.22E-01
<b>RP11-455F5.5</b>	-0.02	9.04E-01	-0.07	7.22E-01

RP11-497D6.3	0.08	7.01E-01	0.07	7.22E-01
RP11-506O24.2	-0.24	2.24E-01	-0.07	7.22E-01
RP11-527N22.1	-0.24	2.18E-01	0.07	7.22E-01
RP11-575G13.2	0.15	4.34E-01	-0.07	7.22E-01
RP4-597N16.4	-0.34	7.29E-02	-0.07	7.22E-01
SRSF5	-0.08	6.95E-01	-0.07	7.22E-01
STK36	-0.12	5.29E-01	0.07	7.22E-01
TFR2	0.04	8.49E-01	-0.07	7.22E-01
TREH	0.00	9.93E-01	0.07	7.22E-01
USP37	0.03	8.79E-01	0.07	7.22E-01
XLOC_009415	-0.11	5.92E-01	-0.07	7.22E-01
XLOC_009942	-0.11	5.92E-01	-0.07	7.22E-01
XLOC_014271	0.14	4.80E-01	0.07	7.22E-01
AC127904.2	-0.12	5.58E-01	-0.07	7.23E-01
CLK1	0.07	7.23E-01	-0.07	7.23E-01
CTD-2152M20.2	0.03	8.63E-01	-0.07	7.23E-01
CTD-3157E16.1	-0.20	3.15E-01	-0.07	7.23E-01
G40298	0.10	6.09E-01	-0.07	7.23E-01
GRSF1	0.23	2.41E-01	-0.07	7.23E-01
LA16c-425C2.1	-0.20	3.08E-01	-0.07	7.23E-01
NBPF24	-0.06	7.69E-01	-0.07	7.23E-01
NEUROD2	-0.18	3.66E-01	-0.07	7.23E-01
RP11-463O12.5	0.08	6.76E-01	-0.07	7.23E-01
RP11-567O18.1	-0.24	2.22E-01	-0.07	7.23E-01
RTN4RL1	-0.21	2.75E-01	-0.07	7.23E-01
SFTPD-AS1	0.17	3.97E-01	-0.07	7.23E-01
SMARCE1	-0.09	6.43E-01	-0.07	7.23E-01
SNRPA	-0.09	6.59E-01	-0.07	7.23E-01
BNC1	0.13	5.10E-01	0.07	7.23E-01
C2orf68	-0.04	8.53E-01	0.07	7.23E-01
CALCOCO1	-0.13	5.01E-01	0.07	7.23E-01
CYFIP1	0.06	7.71E-01	0.07	7.23E-01
GTF3C6	0.16	4.16E-01	0.07	7.23E-01
MAGED1	-0.21	2.75E-01	0.07	7.23E-01
MIR1290	-0.24	2.23E-01	0.07	7.23E-01
PELP1	0.09	6.63E-01	0.07	7.23E-01
PTPRA	0.04	8.45E-01	0.07	7.23E-01
RP11-170M17.2	-0.25	1.94E-01	0.07	7.23E-01
RP11-226L15.5	-0.19	3.34E-01	0.07	7.23E-01
RP11-458F8.1	-0.10	6.19E-01	0.07	7.23E-01
RP11-71H17.8	-0.04	8.36E-01	0.07	7.23E-01
SNORD12B	0.33	8.78E-02	0.07	7.23E-01
TAF15	-0.15	4.36E-01	0.07	7.23E-01
AC004076.5	-0.50	6.78E-03	0.07	7.24E-01
AC010136.2	-0.08	6.99E-01	-0.07	7.24E-01
AC135178.1	-0.06	7.44E-01	0.07	7.24E-01
ADRA2A	-0.24	2.10E-01	-0.07	7.24E-01

<b>ARHGEF33</b>	0.29	1.32E-01	-0.07	7.24E-01
<b>CBR4</b>	0.11	5.82E-01	-0.07	7.24E-01
<b>CCDC51</b>	0.01	9.66E-01	0.07	7.24E-01
<b>CTC-444N24.13</b>	-0.09	6.38E-01	-0.07	7.24E-01
<b>CTD-2323K18.1</b>	-0.36	6.07E-02	-0.07	7.24E-01
<b>G4403</b>	-0.40	3.69E-02	-0.07	7.24E-01
<b>GPR176</b>	-0.38	4.76E-02	0.07	7.24E-01
<b>IVD</b>	0.04	8.21E-01	0.07	7.24E-01
<b>KLRG1</b>	0.13	5.08E-01	-0.07	7.24E-01
<b>KPNA2</b>	0.21	2.88E-01	0.07	7.24E-01
<b>LINC00471</b>	-0.16	4.08E-01	0.07	7.24E-01
<b>LPIN1</b>	0.43	2.10E-02	0.07	7.24E-01
<b>MSMO1</b>	0.06	7.46E-01	-0.07	7.24E-01
<b>PFDN1</b>	-0.06	7.50E-01	0.07	7.24E-01
<b>PGAM1P5</b>	0.02	9.25E-01	-0.07	7.24E-01
<b>PIK3CD-AS1</b>	0.08	6.99E-01	0.07	7.24E-01
<b>PIRT</b>	0.18	3.69E-01	-0.07	7.24E-01
<b>PTMAP3</b>	0.08	6.74E-01	-0.07	7.24E-01
<b>PYROXD1</b>	0.11	5.92E-01	-0.07	7.24E-01
<b>RN7SL695P</b>	-0.16	4.25E-01	0.07	7.24E-01
<b>RNU1-91P</b>	-0.40	3.55E-02	0.07	7.24E-01
<b>RP11-269G24.8</b>	-0.45	1.63E-02	0.07	7.24E-01
<b>RP11-539G18.3</b>	0.06	7.46E-01	-0.07	7.24E-01
<b>RP11-546B15.1</b>	-0.51	5.10E-03	-0.07	7.24E-01
<b>RP11-61L19.2</b>	0.13	5.14E-01	-0.07	7.24E-01
<b>RP11-724M22.1</b>	0.19	3.20E-01	-0.07	7.24E-01
<b>RP11-958N24.2</b>	0.17	3.77E-01	0.07	7.24E-01
<b>RP5-890E16.5</b>	-0.31	1.10E-01	-0.07	7.24E-01
<b>RPL21P121</b>	-0.19	3.37E-01	-0.07	7.24E-01
<b>SDHB</b>	0.10	6.18E-01	-0.07	7.24E-01
<b>SEH1L</b>	0.23	2.29E-01	-0.07	7.24E-01
<b>SERPINB2</b>	0.22	2.66E-01	0.07	7.24E-01
<b>TMEM9B-AS1</b>	-0.02	9.37E-01	-0.07	7.24E-01
<b>TP53BP2</b>	0.03	8.77E-01	-0.07	7.24E-01
<b>TSEN15</b>	0.02	9.10E-01	0.07	7.24E-01
<b>ZNF627</b>	-0.21	2.79E-01	-0.07	7.24E-01
<b>AHCY</b>	0.21	2.93E-01	0.07	7.25E-01
<b>C9orf173</b>	0.02	9.27E-01	0.07	7.25E-01
<b>EFS</b>	-0.16	4.16E-01	0.07	7.25E-01
<b>IL1RN</b>	0.10	5.98E-01	0.07	7.25E-01
<b>LLPH</b>	0.06	7.58E-01	0.07	7.25E-01
<b>RP1-37N7.1</b>	0.14	4.87E-01	0.07	7.25E-01
<b>RP11-108A14.1</b>	0.10	6.25E-01	0.07	7.25E-01
<b>RP11-218L14.4</b>	-0.42	2.65E-02	0.07	7.25E-01
<b>RP11-58A11.2</b>	0.12	5.54E-01	0.07	7.25E-01
<b>RP11-644F5.11</b>	-0.12	5.54E-01	0.07	7.25E-01
<b>RP4-569M23.4</b>	0.04	8.31E-01	0.07	7.25E-01

RP5-1185I7.1	0.01	9.71E-01	0.07	7.25E-01
RP5-866L20.1	0.11	5.90E-01	0.07	7.25E-01
SYNPO2	0.00	9.88E-01	0.07	7.25E-01
TEX35	0.10	6.05E-01	0.07	7.25E-01
ZNF415	-0.24	2.23E-01	0.07	7.25E-01
CARD8	-0.10	6.06E-01	-0.07	7.25E-01
CFAP57	0.27	1.62E-01	-0.07	7.25E-01
CTA-221G9.12	-0.30	1.15E-01	-0.07	7.25E-01
DENND1C	-0.01	9.70E-01	-0.07	7.25E-01
HAUS5	0.15	4.31E-01	-0.07	7.25E-01
HERC4	0.18	3.72E-01	-0.07	7.25E-01
HINT3	0.12	5.42E-01	-0.07	7.25E-01
RN7SL529P	0.27	1.72E-01	-0.07	7.25E-01
RNF175	0.08	7.01E-01	-0.07	7.25E-01
RP1-97D16.1	0.17	3.89E-01	-0.07	7.25E-01
RP11-108L7.14	-0.08	6.96E-01	-0.07	7.25E-01
RP11-277P12.20	0.30	1.24E-01	-0.07	7.25E-01
RP11-38M8.1	-0.10	6.29E-01	-0.07	7.25E-01
RP11-52J3.2	-0.20	3.17E-01	-0.07	7.25E-01
RP11-67K19.3	-0.11	5.66E-01	-0.07	7.25E-01
RP11-776A13.3	-0.20	3.12E-01	-0.07	7.25E-01
RP4-814D15.1	-0.04	8.48E-01	-0.07	7.25E-01
SVILP1	-0.14	4.90E-01	-0.07	7.25E-01
TRAF3IP2-AS1	-0.03	8.97E-01	-0.07	7.25E-01
AC004862.6	-0.13	5.08E-01	-0.07	7.27E-01
ATG12P2	0.03	8.95E-01	-0.07	7.27E-01
C12orf80	-0.05	7.88E-01	-0.07	7.27E-01
CAT	0.03	8.91E-01	-0.07	7.27E-01
KRT78	-0.21	2.78E-01	-0.07	7.27E-01
MT2A	0.08	6.76E-01	-0.07	7.27E-01
PDE6C	0.02	9.12E-01	-0.07	7.27E-01
PUS7	0.03	8.64E-01	-0.07	7.27E-01
RAB30	-0.27	1.69E-01	-0.07	7.27E-01
RITA1	0.25	1.93E-01	-0.07	7.27E-01
RP11-1167A19.6	-0.16	4.11E-01	-0.07	7.27E-01
RP11-153I24.4	-0.41	3.02E-02	-0.07	7.27E-01
RP11-365P13.5	-0.07	7.36E-01	-0.07	7.27E-01
RP11-539G18.1	0.11	5.69E-01	-0.07	7.27E-01
RP3-388N13.5	-0.19	3.34E-01	-0.07	7.27E-01
SLC25A2	0.03	8.97E-01	-0.07	7.27E-01
SRI	0.01	9.60E-01	-0.07	7.27E-01
TEFM	0.05	7.91E-01	-0.07	7.27E-01
TMPO	0.13	5.18E-01	-0.07	7.27E-01
ZNF227	-0.08	6.79E-01	-0.07	7.27E-01
AC009961.3	-0.13	5.09E-01	0.07	7.27E-01
AMFR	0.13	5.23E-01	0.07	7.27E-01
ATRNL1	0.18	3.66E-01	0.07	7.27E-01

<b>C1orf228</b>	-0.40	3.69E-02	0.07	7.27E-01
<b>CCDC93</b>	-0.12	5.44E-01	0.07	7.27E-01
<b>CCNB1IP1P1</b>	0.12	5.44E-01	0.07	7.27E-01
<b>CEACAM7</b>	0.05	7.94E-01	0.07	7.27E-01
<b>G32932</b>	0.06	7.71E-01	0.07	7.27E-01
<b>GTF2IP23</b>	-0.06	7.77E-01	0.07	7.27E-01
<b>HSPE1P13</b>	0.09	6.36E-01	0.07	7.27E-01
<b>LDHA</b>	0.14	4.64E-01	0.07	7.27E-01
<b>LRCH3</b>	0.23	2.33E-01	0.07	7.27E-01
<b>PRKD1</b>	-0.63	3.71E-04	0.07	7.27E-01
<b>RNU6-658P</b>	0.14	4.91E-01	0.07	7.27E-01
<b>RP5-1147A1.2</b>	-0.27	1.66E-01	0.07	7.27E-01
<b>SNORD62</b>	0.06	7.75E-01	0.07	7.27E-01
<b>ST3GAL1P1</b>	0.10	6.24E-01	0.07	7.27E-01
<b>TAGLN</b>	0.04	8.44E-01	0.07	7.27E-01
<b>XLOC_004680</b>	-0.05	8.07E-01	0.07	7.27E-01
<b>XLOC_006658</b>	-0.23	2.43E-01	0.07	7.27E-01
<b>AC074011.2</b>	0.26	1.85E-01	-0.07	7.28E-01
<b>AC087650.1</b>	0.01	9.45E-01	-0.07	7.28E-01
<b>ASXL2</b>	0.00	9.94E-01	-0.07	7.28E-01
<b>BMPR1APS2</b>	-0.12	5.42E-01	-0.07	7.28E-01
<b>C10orf88</b>	-0.19	3.21E-01	-0.07	7.28E-01
<b>CCDC157</b>	-0.02	9.31E-01	-0.07	7.28E-01
<b>CCDC171</b>	-0.05	8.18E-01	-0.07	7.28E-01
<b>CTD-2372A4.1</b>	-0.21	2.73E-01	-0.07	7.28E-01
<b>CTD-2515H24.2</b>	-0.38	4.90E-02	-0.07	7.28E-01
<b>CTD-3025N20.3</b>	-0.18	3.46E-01	-0.07	7.28E-01
<b>DLL1</b>	0.04	8.51E-01	0.07	7.28E-01
<b>EAF1</b>	0.12	5.44E-01	0.07	7.28E-01
<b>G10910</b>	-0.32	1.01E-01	-0.07	7.28E-01
<b>G23007</b>	-0.03	8.82E-01	-0.07	7.28E-01
<b>GRPEL2</b>	0.35	6.55E-02	-0.07	7.28E-01
<b>LINC01620</b>	-0.07	7.05E-01	-0.07	7.28E-01
<b>NAPG</b>	0.18	3.54E-01	-0.07	7.28E-01
<b>PKDCC</b>	-0.27	1.57E-01	0.07	7.28E-01
<b>PLA2G4A</b>	0.00	9.99E-01	-0.07	7.28E-01
<b>RP11-106D4.2</b>	0.04	8.27E-01	-0.07	7.28E-01
<b>RP11-271M24.2</b>	0.06	7.52E-01	-0.07	7.28E-01
<b>RP11-334E6.3</b>	-0.07	7.25E-01	0.07	7.28E-01
<b>RP11-386M24.3</b>	0.29	1.31E-01	0.07	7.28E-01
<b>RP11-451H23.1</b>	-0.24	2.18E-01	-0.07	7.28E-01
<b>RP11-504I13.3</b>	-0.11	5.86E-01	-0.07	7.28E-01
<b>SEZ6L2</b>	-0.18	3.64E-01	-0.07	7.28E-01
<b>SLC41A3</b>	0.06	7.76E-01	0.07	7.28E-01
<b>SNORD92</b>	0.12	5.31E-01	-0.07	7.28E-01
<b>TGFA</b>	0.31	1.09E-01	0.07	7.28E-01
<b>TMEM181</b>	0.05	8.19E-01	0.07	7.28E-01

<b>TOMM20L</b>	-0.05	8.01E-01	0.07	7.28E-01
<b>XLOC_008981</b>	-0.18	3.60E-01	0.07	7.28E-01
<b>ZC3H10</b>	-0.09	6.56E-01	0.07	7.28E-01
<b>ZNF654</b>	-0.01	9.76E-01	0.07	7.28E-01
<b>ADH7</b>	0.17	3.82E-01	-0.07	7.29E-01
<b>C11orf87</b>	0.14	4.80E-01	-0.07	7.29E-01
<b>CBARP</b>	-0.09	6.52E-01	0.07	7.29E-01
<b>CD1C</b>	0.10	6.09E-01	0.07	7.29E-01
<b>CENPBD1P1</b>	-0.17	3.82E-01	-0.07	7.29E-01
<b>CLUHP6</b>	-0.09	6.56E-01	-0.07	7.29E-01
<b>DDX47</b>	-0.30	1.25E-01	-0.07	7.29E-01
<b>EFCAB6</b>	-0.17	4.00E-01	-0.07	7.29E-01
<b>EPB41L4A</b>	0.09	6.35E-01	-0.07	7.29E-01
<b>FUT8-AS1</b>	-0.06	7.48E-01	0.07	7.29E-01
<b>G22256</b>	0.04	8.37E-01	0.07	7.29E-01
<b>GDF9</b>	-0.16	4.18E-01	-0.07	7.29E-01
<b>GLI4</b>	-0.04	8.31E-01	-0.07	7.29E-01
<b>GPR27</b>	-0.31	1.07E-01	-0.07	7.29E-01
<b>HCP5B</b>	-0.28	1.46E-01	0.07	7.29E-01
<b>LINC00844</b>	-0.14	4.71E-01	0.07	7.29E-01
<b>MBNL3</b>	0.30	1.27E-01	0.07	7.29E-01
<b>MIR5692C1</b>	-0.18	3.49E-01	0.07	7.29E-01
<b>RFXANK</b>	-0.05	7.95E-01	0.07	7.29E-01
<b>RGL4</b>	0.10	6.20E-01	-0.07	7.29E-01
<b>RN7SL288P</b>	0.01	9.61E-01	0.07	7.29E-01
<b>RP11-1348G14.4</b>	-0.09	6.54E-01	-0.07	7.29E-01
<b>RP11-1609.2</b>	0.01	9.78E-01	-0.07	7.29E-01
<b>RP11-338I21.1</b>	-0.01	9.71E-01	-0.07	7.29E-01
<b>RP11-538P18.1</b>	-0.02	9.17E-01	-0.07	7.29E-01
<b>RP11-576I22.2</b>	-0.31	1.10E-01	-0.07	7.29E-01
<b>RPL3</b>	-0.14	4.64E-01	0.07	7.29E-01
<b>SHC3</b>	0.41	3.15E-02	-0.07	7.29E-01
<b>SLC14A2</b>	0.06	7.50E-01	-0.07	7.29E-01
<b>SPATA12</b>	-0.21	2.80E-01	0.07	7.29E-01
<b>TLR1</b>	0.18	3.65E-01	0.07	7.29E-01
<b>TNPO3</b>	0.12	5.32E-01	0.07	7.29E-01
<b>TRMT61A</b>	0.09	6.34E-01	0.07	7.29E-01
<b>UBTD1</b>	0.00	9.93E-01	-0.07	7.29E-01
<b>AC002467.7</b>	-0.32	1.02E-01	0.07	7.30E-01
<b>AF131215.5</b>	-0.11	5.77E-01	-0.07	7.30E-01
<b>AL035422.1</b>	-0.10	6.21E-01	-0.07	7.30E-01
<b>ANKRD26P4</b>	0.04	8.57E-01	-0.07	7.30E-01
<b>ANKRD44-IT1</b>	0.09	6.38E-01	-0.07	7.30E-01
<b>ASF1B</b>	0.21	2.83E-01	0.07	7.30E-01
<b>BNIP3P42</b>	0.18	3.70E-01	-0.07	7.30E-01
<b>CASQ2</b>	0.14	4.80E-01	0.07	7.30E-01
<b>CD59</b>	-0.21	2.86E-01	-0.07	7.30E-01



G34066	0.11	5.90E-01	0.07	7.30E-01
GNE	-0.17	4.00E-01	0.07	7.30E-01
IL1RL1	-0.22	2.64E-01	-0.07	7.30E-01
KCNIP1	0.02	9.16E-01	-0.07	7.30E-01
KIF23	0.15	4.35E-01	0.07	7.30E-01
LINC01116	-0.28	1.44E-01	-0.07	7.30E-01
MT-RNR1	0.35	6.55E-02	0.07	7.30E-01
MTOR-AS1	-0.03	8.91E-01	-0.07	7.30E-01
PPP1R32	-0.13	5.08E-01	-0.07	7.30E-01
RNU6-83P	0.12	5.36E-01	-0.07	7.30E-01
RNY3P6	0.16	4.16E-01	-0.07	7.30E-01
RP11-120K24.3	0.01	9.70E-01	-0.07	7.30E-01
RP11-362K14.5	0.33	8.32E-02	0.07	7.30E-01
RP11-486B10.3	-0.15	4.56E-01	-0.07	7.30E-01
RP11-495P10.1	-0.12	5.35E-01	0.07	7.30E-01
RP11-662M24.1	-0.02	9.16E-01	0.07	7.30E-01
RP5-1184F4.5	-0.26	1.84E-01	0.07	7.30E-01
SEC24D	-0.04	8.33E-01	-0.07	7.30E-01
10-Sep	-0.02	9.33E-01	0.07	7.30E-01
SRSF1	0.05	7.87E-01	-0.07	7.30E-01
ST8SIA5	0.02	9.34E-01	0.07	7.30E-01
SULT2B1	0.23	2.36E-01	0.07	7.30E-01
TGFB1I1	-0.17	3.81E-01	-0.07	7.30E-01
TK1	0.06	7.43E-01	0.07	7.30E-01
TMTC1	0.03	8.89E-01	-0.07	7.30E-01
XLOC_013181	0.03	8.87E-01	-0.07	7.30E-01
YIPF1	0.04	8.50E-01	-0.07	7.30E-01
ZNF285	0.16	4.20E-01	-0.07	7.30E-01
AC116366.6	-0.16	4.04E-01	-0.07	7.31E-01
ANKRD53	-0.18	3.68E-01	-0.07	7.31E-01
BACE1-AS	-0.16	4.13E-01	-0.07	7.31E-01
CADPS	-0.22	2.65E-01	-0.07	7.31E-01
COX10-AS1	-0.03	8.77E-01	0.07	7.31E-01
CTB-58E17.9	-0.29	1.28E-01	0.07	7.31E-01
CTD-2003C8.2	-0.33	8.98E-02	-0.07	7.31E-01
FAAHP1	0.26	1.78E-01	0.07	7.31E-01
KAT2A	-0.07	7.23E-01	0.07	7.31E-01
LINC01219	-0.05	8.11E-01	-0.07	7.31E-01
MAP1S	0.21	2.76E-01	-0.07	7.31E-01
MED27	0.19	3.46E-01	0.07	7.31E-01
MRPL44	0.25	1.94E-01	-0.07	7.31E-01
MTHFD2	0.26	1.87E-01	-0.07	7.31E-01
NPPC	0.01	9.77E-01	-0.07	7.31E-01
PRKAR2A	0.14	4.84E-01	0.07	7.31E-01
PTPRC	0.27	1.68E-01	0.07	7.31E-01
RN7SL300P	0.06	7.66E-01	-0.07	7.31E-01
RN7SL721P	0.32	1.01E-01	0.07	7.31E-01

<b>RNA5SP305</b>	-0.02	9.20E-01	-0.07	7.31E-01
<b>RNU6-509P</b>	0.04	8.24E-01	0.07	7.31E-01
<b>RP11-104N10.2</b>	0.09	6.46E-01	-0.07	7.31E-01
<b>RP11-269F20.1</b>	0.03	8.82E-01	-0.07	7.31E-01
<b>RP11-322D14.1</b>	0.03	8.93E-01	-0.07	7.31E-01
<b>RP11-386M24.6</b>	0.28	1.45E-01	0.07	7.31E-01
<b>RP11-477H21.2</b>	0.14	4.75E-01	0.07	7.31E-01
<b>RP11-504G3.2</b>	-0.02	9.37E-01	-0.07	7.31E-01
<b>RP11-661C3.2</b>	-0.20	3.09E-01	0.07	7.31E-01
<b>RP11-762L8.6</b>	0.04	8.30E-01	-0.07	7.31E-01
<b>RP11-93K22.6</b>	0.05	8.17E-01	0.07	7.31E-01
<b>RPS15AP16</b>	0.04	8.24E-01	0.07	7.31E-01
<b>SERPINI2</b>	-0.23	2.30E-01	-0.07	7.31E-01
<b>SNORD37</b>	0.33	8.21E-02	-0.07	7.31E-01
<b>SNORD72</b>	0.00	9.91E-01	0.07	7.31E-01
<b>TMEM254</b>	-0.01	9.44E-01	-0.07	7.31E-01
<b>TMEM70</b>	0.19	3.31E-01	0.07	7.31E-01
<b>TUBA1C</b>	0.12	5.27E-01	0.07	7.31E-01
<b>XIAP-AS1</b>	-0.37	5.14E-02	0.07	7.31E-01
<b>ZNF98</b>	0.10	5.95E-01	-0.07	7.31E-01
<b>ANO8</b>	-0.21	2.87E-01	0.07	7.32E-01
<b>C4A</b>	-0.17	3.81E-01	0.07	7.32E-01
<b>CACNA1C-AS4</b>	0.08	6.87E-01	0.07	7.32E-01
<b>CAPN9</b>	-0.11	5.83E-01	0.07	7.32E-01
<b>CNRIP1</b>	-0.35	6.57E-02	0.07	7.32E-01
<b>FAM81A</b>	-0.07	7.42E-01	-0.07	7.32E-01
<b>FBXW9</b>	0.21	2.75E-01	0.07	7.32E-01
<b>GINS1</b>	0.29	1.33E-01	-0.07	7.32E-01
<b>HARS</b>	0.15	4.34E-01	0.07	7.32E-01
<b>HERPUD2</b>	-0.01	9.42E-01	0.07	7.32E-01
<b>HSD17B14</b>	0.10	6.26E-01	-0.07	7.32E-01
<b>KRT17</b>	0.14	4.75E-01	0.07	7.32E-01
<b>LST1</b>	0.02	9.02E-01	0.07	7.32E-01
<b>MIR1276</b>	-0.12	5.29E-01	0.07	7.32E-01
<b>MIR320D1</b>	-0.30	1.26E-01	0.07	7.32E-01
<b>MKNK1-AS1</b>	0.01	9.69E-01	-0.07	7.32E-01
<b>PAAF1</b>	-0.05	8.15E-01	0.07	7.32E-01
<b>RP11-120C12.3</b>	-0.11	5.64E-01	0.07	7.32E-01
<b>RP11-227G15.9</b>	-0.22	2.65E-01	0.07	7.32E-01
<b>RP11-274B21.4</b>	-0.06	7.53E-01	0.07	7.32E-01
<b>RP11-317J9.1</b>	0.08	7.01E-01	-0.07	7.32E-01
<b>RP11-328D5.1</b>	-0.50	6.61E-03	0.07	7.32E-01
<b>RP11-93B14.10</b>	-0.19	3.22E-01	-0.07	7.32E-01
<b>RP5-1092L12.2</b>	-0.28	1.49E-01	-0.07	7.32E-01
<b>SYCE1L</b>	-0.29	1.35E-01	0.07	7.32E-01
<b>TFDP1</b>	0.18	3.60E-01	0.07	7.32E-01
<b>TNFAIP6</b>	-0.29	1.40E-01	0.07	7.32E-01

TPK1	0.25	1.93E-01	0.07	7.32E-01
XLOC_007879	0.16	4.04E-01	-0.07	7.32E-01
ZNF260	0.06	7.66E-01	-0.07	7.32E-01
ZNF624	0.04	8.42E-01	0.07	7.32E-01
ZNF835	0.05	7.96E-01	-0.07	7.32E-01
ZNRD1	-0.14	4.86E-01	0.07	7.32E-01
AC007365.3	0.07	7.28E-01	-0.07	7.33E-01
AC064874.1	-0.07	7.31E-01	-0.07	7.33E-01
C5orf34	0.12	5.47E-01	-0.07	7.33E-01
CTC-458I2.2	0.00	9.89E-01	-0.07	7.33E-01
FRG2DP	-0.21	2.73E-01	-0.07	7.33E-01
G28007	-0.01	9.56E-01	-0.07	7.33E-01
GSPT1	0.36	5.68E-02	-0.07	7.33E-01
KCNT1	0.36	5.84E-02	-0.07	7.33E-01
MYBPC1	-0.26	1.85E-01	-0.07	7.33E-01
MYLK-AS2	0.04	8.23E-01	-0.07	7.33E-01
QTRTD1	0.08	7.02E-01	-0.07	7.33E-01
RCN1	0.06	7.45E-01	-0.07	7.33E-01
RN7SL187P	-0.05	7.98E-01	-0.07	7.33E-01
RP11-23N2.4	0.08	7.04E-01	-0.07	7.33E-01
RP11-255H23.4	-0.03	8.62E-01	-0.07	7.33E-01
RP11-525E9.1	0.13	5.01E-01	-0.07	7.33E-01
RP11-640I15.1	-0.02	9.16E-01	-0.07	7.33E-01
RP11-82O19.1	-0.11	5.62E-01	-0.07	7.33E-01
RP3-521E19.2	0.33	8.32E-02	-0.07	7.33E-01
USP12-AS1	-0.19	3.40E-01	-0.07	7.33E-01
VWA5B2	0.23	2.37E-01	-0.07	7.33E-01
Y_RNA	-0.09	6.47E-01	-0.07	7.33E-01
ZNF765	0.02	9.23E-01	-0.07	7.33E-01
AL133493.2	0.07	7.22E-01	0.07	7.33E-01
CABP4	-0.23	2.48E-01	0.07	7.33E-01
CTC-353G13.1	0.31	1.03E-01	0.07	7.33E-01
DGCR6L	0.09	6.60E-01	0.07	7.33E-01
G10060	0.03	8.78E-01	0.07	7.33E-01
GNA13	0.17	3.82E-01	0.07	7.33E-01
MGAT4B	0.22	2.63E-01	0.07	7.33E-01
NAPEPLD	0.06	7.79E-01	0.07	7.33E-01
RGS1	0.03	8.70E-01	0.07	7.33E-01
RP11-473M20.5	-0.07	7.30E-01	0.07	7.33E-01
SDR16C5	-0.13	4.98E-01	0.07	7.33E-01
SFRP2	-0.01	9.46E-01	0.07	7.33E-01
SLC35E2	-0.15	4.44E-01	0.07	7.33E-01
TIMM10	0.09	6.63E-01	0.07	7.33E-01
TSHZ3	0.06	7.54E-01	0.07	7.33E-01
AC009299.5	0.14	4.74E-01	0.07	7.35E-01
AC018766.6	-0.09	6.60E-01	-0.07	7.35E-01
ACCS	-0.11	5.94E-01	0.07	7.35E-01

<b>ANKS6</b>	-0.03	8.98E-01	-0.07	7.35E-01
<b>ARHGEF6</b>	-0.18	3.68E-01	0.07	7.35E-01
<b>C7orf73</b>	0.08	6.85E-01	0.07	7.35E-01
<b>CTD-2561J22.2</b>	-0.39	3.95E-02	-0.07	7.35E-01
<b>CTD-3138B18.4</b>	0.22	2.59E-01	-0.07	7.35E-01
<b>CTNND1</b>	0.02	9.26E-01	-0.07	7.35E-01
<b>DUSP9</b>	0.25	1.99E-01	-0.07	7.35E-01
<b>EEF1GP1</b>	0.17	3.90E-01	0.07	7.35E-01
<b>FAM13C</b>	-0.02	9.11E-01	-0.07	7.35E-01
<b>FAM96B</b>	-0.16	4.05E-01	-0.07	7.35E-01
<b>FBLL1</b>	0.21	2.94E-01	-0.07	7.35E-01
<b>KB-1517D11.2</b>	-0.07	7.10E-01	-0.07	7.35E-01
<b>PHAX</b>	0.12	5.38E-01	-0.07	7.35E-01
<b>PXDNL</b>	0.31	1.10E-01	0.07	7.35E-01
<b>RGSL1</b>	0.16	4.05E-01	-0.07	7.35E-01
<b>RMRPP3</b>	-0.19	3.21E-01	-0.07	7.35E-01
<b>RNA5SP155</b>	-0.14	4.91E-01	-0.07	7.35E-01
<b>RP11-106D4.3</b>	-0.14	4.89E-01	0.07	7.35E-01
<b>RP11-1148L6.9</b>	0.04	8.40E-01	-0.07	7.35E-01
<b>RP11-166O4.4</b>	-0.10	6.15E-01	0.07	7.35E-01
<b>RP11-357N13.6</b>	-0.14	4.91E-01	-0.07	7.35E-01
<b>RP11-474I16.8</b>	-0.22	2.67E-01	-0.07	7.35E-01
<b>RP11-483P21.2</b>	-0.02	9.38E-01	0.07	7.35E-01
<b>RP11-571I18.5</b>	0.06	7.66E-01	-0.07	7.35E-01
<b>RP11-637A17.2</b>	-0.01	9.79E-01	-0.07	7.35E-01
<b>RP11-894P9.1</b>	-0.11	5.64E-01	-0.07	7.35E-01
<b>TCHHL1</b>	-0.13	5.20E-01	0.07	7.35E-01
<b>TJP3</b>	-0.39	3.91E-02	0.07	7.35E-01
<b>UTP6</b>	0.16	4.13E-01	0.07	7.35E-01
<b>WBP1</b>	-0.16	4.12E-01	-0.07	7.35E-01
<b>WISP2</b>	-0.10	6.31E-01	0.07	7.35E-01
<b>AL022341.3</b>	0.01	9.72E-01	-0.07	7.36E-01
<b>CGB7</b>	-0.23	2.48E-01	-0.07	7.36E-01
<b>DNAAF2</b>	0.23	2.46E-01	-0.07	7.36E-01
<b>GKAP1</b>	-0.17	3.79E-01	-0.07	7.36E-01
<b>HAUS2</b>	0.03	8.89E-01	-0.07	7.36E-01
<b>PDE8A</b>	0.32	9.93E-02	-0.07	7.36E-01
<b>RN7SL663P</b>	-0.06	7.50E-01	-0.07	7.36E-01
<b>RNU6-1042P</b>	-0.15	4.56E-01	-0.07	7.36E-01
<b>RP11-420L9.5</b>	0.04	8.56E-01	-0.07	7.36E-01
<b>RP11-46A10.6</b>	0.01	9.48E-01	-0.07	7.36E-01
<b>SRMS</b>	0.37	5.12E-02	-0.07	7.36E-01
<b>STAG3L3</b>	-0.15	4.59E-01	-0.07	7.36E-01
<b>TEX21P</b>	-0.08	6.78E-01	-0.07	7.36E-01
<b>XLOC_004107</b>	0.06	7.72E-01	-0.07	7.36E-01
<b>XLOC_008024</b>	0.00	9.88E-01	-0.07	7.36E-01
<b>AC005753.1</b>	-0.11	5.93E-01	0.07	7.36E-01

CDC42-IT1	0.17	3.77E-01	0.07	7.36E-01
CTD-2184D3.7	-0.21	2.91E-01	0.07	7.36E-01
DDX11L9	-0.31	1.04E-01	0.07	7.36E-01
DPP3	0.23	2.33E-01	0.07	7.36E-01
FDXACB1	0.15	4.43E-01	0.07	7.36E-01
GPATCH4	0.12	5.44E-01	0.07	7.36E-01
KRT18P31	-0.07	7.26E-01	0.07	7.36E-01
PDE1C	-0.02	9.27E-01	0.07	7.36E-01
PGK1	0.21	2.85E-01	0.07	7.36E-01
PITX2	0.12	5.43E-01	0.07	7.36E-01
RAB4A	0.14	4.79E-01	0.07	7.36E-01
RP11-219E7.1	0.03	8.69E-01	0.07	7.36E-01
RP11-356O9.2	-0.14	4.92E-01	0.07	7.36E-01
RP11-549L6.3	0.16	4.20E-01	0.07	7.36E-01
RPS26P28	0.32	1.01E-01	0.07	7.36E-01
SDHAF3	-0.09	6.64E-01	0.07	7.36E-01
SMIM2-AS1	-0.16	4.27E-01	0.07	7.36E-01
STK4-AS1	-0.14	4.73E-01	0.07	7.36E-01
AC093381.2	-0.15	4.60E-01	-0.07	7.37E-01
CGRRF1	-0.04	8.53E-01	-0.07	7.37E-01
HSF4	-0.26	1.83E-01	-0.07	7.37E-01
IGFBP3	-0.09	6.37E-01	-0.07	7.37E-01
LAMTOR5	0.05	8.16E-01	-0.07	7.37E-01
LINCR-0001	-0.03	8.75E-01	-0.07	7.37E-01
MIR374A	-0.12	5.54E-01	-0.07	7.37E-01
OXGR1	-0.20	3.07E-01	-0.07	7.37E-01
PIEZO2	0.02	9.31E-01	-0.07	7.37E-01
PIN4	-0.06	7.67E-01	-0.07	7.37E-01
RP11-132J14.3	-0.15	4.46E-01	-0.07	7.37E-01
RP11-174G6.5	0.18	3.72E-01	-0.07	7.37E-01
RP11-261P13.6	0.17	3.82E-01	-0.07	7.37E-01
RP11-302K17.3	-0.22	2.65E-01	-0.07	7.37E-01
RP11-338K17.10	-0.02	9.06E-01	-0.07	7.37E-01
RP11-401F2.4	0.18	3.49E-01	-0.07	7.37E-01
RP11-439A17.9	-0.03	8.81E-01	-0.07	7.37E-01
RP3-510D11.4	-0.05	7.91E-01	-0.07	7.37E-01
RP5-1050D4.2	-0.41	3.23E-02	-0.07	7.37E-01
SNORA48	-0.30	1.21E-01	-0.07	7.37E-01
BIVM	0.11	5.94E-01	0.07	7.37E-01
C20orf27	0.10	6.10E-01	0.07	7.37E-01
CARD10	0.28	1.51E-01	0.07	7.37E-01
CDX1	0.10	6.11E-01	0.07	7.37E-01
CNBP	0.21	2.88E-01	0.07	7.37E-01
FLII	-0.08	6.75E-01	0.07	7.37E-01
GS1-115G20.1	-0.09	6.56E-01	0.07	7.37E-01
KLHL21	0.14	4.83E-01	0.07	7.37E-01
NEMF	-0.23	2.45E-01	0.07	7.37E-01

PCNX	0.07	7.21E-01	0.07	7.37E-01
PDHB	0.02	9.05E-01	0.07	7.37E-01
PLPP3	-0.15	4.53E-01	0.07	7.37E-01
RBM47	0.16	4.19E-01	0.07	7.37E-01
RPSAP13	-0.17	3.91E-01	0.07	7.37E-01
TIFA	0.08	6.85E-01	0.07	7.37E-01
TMEM147	0.00	9.85E-01	0.07	7.37E-01
WDR83OS	0.10	6.09E-01	0.07	7.37E-01
ZNF804A	-0.01	9.61E-01	0.07	7.37E-01
AC141586.5	-0.13	5.10E-01	-0.07	7.38E-01
CD79A	0.30	1.22E-01	0.07	7.38E-01
CTC-503J8.4	-0.05	8.01E-01	-0.07	7.38E-01
DAZAP1	0.43	2.21E-02	-0.07	7.38E-01
DZANK1	-0.36	6.11E-02	-0.07	7.38E-01
EIF4E2P1	-0.19	3.25E-01	-0.07	7.38E-01
FOXM1	0.14	4.77E-01	0.07	7.38E-01
FUNDC2	0.10	6.17E-01	-0.07	7.38E-01
G14548	-0.03	8.90E-01	-0.07	7.38E-01
G18316	-0.05	7.96E-01	0.07	7.38E-01
GULOP	-0.13	4.93E-01	-0.07	7.38E-01
KIAA1841	-0.26	1.73E-01	-0.07	7.38E-01
KIFC2	-0.11	5.70E-01	-0.07	7.38E-01
LINC01054	0.06	7.66E-01	-0.07	7.38E-01
MTPN	0.27	1.66E-01	0.07	7.38E-01
NDUFB9	0.16	4.22E-01	-0.07	7.38E-01
NOL8P1	0.11	5.69E-01	0.07	7.38E-01
PCNAP4	0.15	4.61E-01	-0.07	7.38E-01
PIGHP1	-0.10	6.02E-01	-0.07	7.38E-01
PRB4	-0.21	2.93E-01	0.07	7.38E-01
RAB8B	0.14	4.77E-01	-0.07	7.38E-01
RN7SL55P	-0.18	3.54E-01	-0.07	7.38E-01
RP1-85F18.6	0.24	2.15E-01	-0.07	7.38E-01
RP11-134K13.4	-0.17	3.76E-01	-0.07	7.38E-01
RP11-231I16.1	-0.21	2.87E-01	-0.07	7.38E-01
RP11-252I14.2	-0.19	3.27E-01	-0.07	7.38E-01
RP11-434H14.1	-0.38	4.54E-02	-0.07	7.38E-01
RP11-529K1.2	-0.12	5.30E-01	0.07	7.38E-01
RP11-554D20.1	0.12	5.37E-01	-0.07	7.38E-01
RUNDC1	0.09	6.62E-01	0.07	7.38E-01
SDHAP1	-0.13	5.14E-01	-0.07	7.38E-01
SLC25A51	0.13	4.97E-01	0.07	7.38E-01
SMAD5-AS1	-0.09	6.49E-01	-0.07	7.38E-01
TCF3P1	-0.22	2.61E-01	-0.07	7.38E-01
TPBGL	-0.36	5.96E-02	0.07	7.38E-01
ZNF845	-0.15	4.41E-01	0.07	7.38E-01
AL023583.1	0.23	2.45E-01	-0.07	7.39E-01
APOO	0.22	2.54E-01	0.07	7.39E-01

ATP6V0E1	0.12	5.50E-01	0.07	7.39E-01
CACNA1H	-0.10	6.19E-01	0.07	7.39E-01
CAPN12	0.10	6.27E-01	-0.07	7.39E-01
CD79B	0.00	9.92E-01	-0.07	7.39E-01
CFAP221	0.16	4.30E-01	-0.07	7.39E-01
EYA3	0.05	8.00E-01	0.07	7.39E-01
FAM91A1	0.24	2.18E-01	-0.07	7.39E-01
G34509	-0.17	3.86E-01	-0.07	7.39E-01
JDP2	-0.12	5.33E-01	0.07	7.39E-01
LINC01422	-0.12	5.27E-01	-0.07	7.39E-01
MAD2L1BP	0.07	7.35E-01	0.07	7.39E-01
MTHFD1L	-0.04	8.48E-01	-0.07	7.39E-01
RINT1	0.18	3.66E-01	-0.07	7.39E-01
RNU6-101P	-0.50	7.00E-03	0.07	7.39E-01
RP11-157H4.1	0.10	6.26E-01	0.07	7.39E-01
RP11-17A4.2	-0.15	4.41E-01	-0.07	7.39E-01
RP11-20I23.2	0.33	8.59E-02	0.07	7.39E-01
RP11-399E6.4	0.17	3.74E-01	0.07	7.39E-01
RP11-426J5.3	-0.07	7.19E-01	-0.07	7.39E-01
RP11-475C16.1	0.01	9.40E-01	0.07	7.39E-01
RP11-92K15.1	-0.13	5.05E-01	0.07	7.39E-01
RP13-554M15.7	-0.07	7.06E-01	-0.07	7.39E-01
RP4-802A10.1	0.05	8.14E-01	-0.07	7.39E-01
SMIM10L1	0.13	5.21E-01	0.07	7.39E-01
SSNA1	0.16	4.02E-01	0.07	7.39E-01
TNNC2	0.06	7.63E-01	-0.07	7.39E-01
WBSCR16	0.14	4.73E-01	0.07	7.39E-01
AC003101.1	0.05	7.89E-01	0.07	7.40E-01
AC017048.1	-0.09	6.44E-01	-0.07	7.40E-01
AL033378.1	-0.20	3.17E-01	0.07	7.40E-01
ALG8	0.01	9.56E-01	0.07	7.40E-01
BCL11A	0.07	7.37E-01	-0.07	7.40E-01
BNIP3P25	-0.16	4.12E-01	-0.07	7.40E-01
CADPS2	-0.42	2.80E-02	-0.07	7.40E-01
CLEC5A	0.28	1.48E-01	0.07	7.40E-01
CTC-490E21.11	-0.12	5.50E-01	-0.07	7.40E-01
EHD2	-0.16	4.02E-01	0.07	7.40E-01
FRS2	-0.09	6.33E-01	-0.07	7.40E-01
G17702	0.04	8.44E-01	0.07	7.40E-01
GAPDHP23	-0.07	7.32E-01	0.07	7.40E-01
GOLGA7	-0.02	9.27E-01	-0.07	7.40E-01
HNRNPA1P76	0.00	1.00E+00	-0.07	7.40E-01
MCHR1	-0.08	7.02E-01	0.07	7.40E-01
MIR4513	0.25	2.06E-01	0.07	7.40E-01
MIR5009	-0.40	3.44E-02	0.07	7.40E-01
PPIAP19	-0.15	4.57E-01	-0.07	7.40E-01
PSMC3	0.04	8.43E-01	0.07	7.40E-01

<b>RBMS3-AS3</b>	-0.35	6.64E-02	-0.07	7.40E-01
<b>RBPMSLP</b>	0.29	1.35E-01	0.07	7.40E-01
<b>RCE1</b>	0.18	3.50E-01	0.07	7.40E-01
<b>RP11-146F11.5</b>	0.31	1.13E-01	-0.07	7.40E-01
<b>RP11-258F1.2</b>	-0.03	8.64E-01	0.07	7.40E-01
<b>RP11-39M21.1</b>	-0.25	2.04E-01	-0.07	7.40E-01
<b>RP11-452J21.2</b>	-0.21	2.75E-01	-0.07	7.40E-01
<b>RP11-574K11.5</b>	-0.16	4.15E-01	0.07	7.40E-01
<b>RP11-627K11.1</b>	0.08	6.87E-01	-0.07	7.40E-01
<b>SGF29</b>	-0.13	5.26E-01	0.07	7.40E-01
<b>SMC1A</b>	-0.22	2.59E-01	-0.07	7.40E-01
<b>TRAJ15</b>	-0.16	4.16E-01	0.07	7.40E-01
<b>WDR73</b>	-0.01	9.72E-01	0.07	7.40E-01
<b>ZNF133</b>	0.30	1.25E-01	0.07	7.40E-01
<b>AC067742.1</b>	0.41	3.14E-02	0.07	7.41E-01
<b>AC093162.5</b>	-0.04	8.54E-01	-0.07	7.41E-01
<b>AP001258.5</b>	-0.23	2.33E-01	0.07	7.41E-01
<b>CCDC30</b>	-0.13	5.14E-01	-0.07	7.41E-01
<b>CEP131</b>	-0.15	4.34E-01	0.07	7.41E-01
<b>COPS2</b>	0.19	3.21E-01	0.07	7.41E-01
<b>CTC-281F24.1</b>	-0.22	2.71E-01	-0.07	7.41E-01
<b>CTC-453G23.5</b>	-0.11	5.66E-01	-0.07	7.41E-01
<b>CTD-2083E4.4</b>	0.15	4.54E-01	-0.07	7.41E-01
<b>CTD-2649C14.2</b>	-0.04	8.28E-01	-0.07	7.41E-01
<b>DNAJC18</b>	0.22	2.59E-01	-0.07	7.41E-01
<b>GPN3</b>	-0.09	6.62E-01	-0.07	7.41E-01
<b>KCNS3</b>	-0.01	9.78E-01	0.07	7.41E-01
<b>METRNL</b>	0.06	7.59E-01	0.07	7.41E-01
<b>MRM1</b>	0.23	2.34E-01	0.07	7.41E-01
<b>PFN1P3</b>	0.07	7.18E-01	-0.07	7.41E-01
<b>POLR2M</b>	0.20	3.17E-01	-0.07	7.41E-01
<b>PSMA2</b>	0.11	5.72E-01	-0.07	7.41E-01
<b>PSMG3</b>	-0.01	9.79E-01	-0.07	7.41E-01
<b>RP11-420K14.1</b>	0.20	3.19E-01	-0.07	7.41E-01
<b>RP11-466A19.1</b>	0.03	8.89E-01	-0.07	7.41E-01
<b>RP11-572M11.4</b>	0.25	2.05E-01	-0.07	7.41E-01
<b>RP11-697E2.9</b>	0.00	9.91E-01	-0.07	7.41E-01
<b>RPL39P3</b>	-0.12	5.28E-01	0.07	7.41E-01
<b>SLC25A37</b>	0.38	4.37E-02	0.07	7.41E-01
<b>SLC7A9</b>	-0.17	3.76E-01	-0.07	7.41E-01
<b>SPTBN2</b>	-0.13	4.94E-01	-0.07	7.41E-01
<b>STX12</b>	0.04	8.58E-01	0.07	7.41E-01
<b>TAGLN2</b>	-0.03	8.68E-01	0.07	7.41E-01
<b>TMA16P2</b>	-0.17	3.73E-01	0.07	7.41E-01
<b>TNKS1BP1</b>	0.01	9.42E-01	-0.07	7.41E-01
<b>UBE2FP1</b>	-0.08	6.90E-01	-0.07	7.41E-01
<b>VPS50</b>	0.05	7.89E-01	-0.07	7.41E-01



<b>XLOC_000986</b>	0.22	2.61E-01	0.07	7.41E-01
<b>AC019097.7</b>	-0.03	8.70E-01	-0.07	7.43E-01
<b>AC073326.3</b>	-0.35	7.12E-02	0.07	7.43E-01
<b>AF064858.6</b>	0.14	4.89E-01	-0.07	7.43E-01
<b>AK4</b>	0.25	1.93E-01	-0.07	7.43E-01
<b>CAPN11</b>	-0.07	7.31E-01	0.07	7.43E-01
<b>CYP2T3P</b>	0.37	5.42E-02	-0.07	7.43E-01
<b>DACT3-AS1</b>	-0.06	7.62E-01	0.07	7.43E-01
<b>DDX49</b>	0.00	9.86E-01	-0.07	7.43E-01
<b>EPB41L5</b>	-0.03	8.89E-01	-0.07	7.43E-01
<b>FKBP3</b>	-0.09	6.48E-01	0.07	7.43E-01
<b>G18874</b>	-0.07	7.31E-01	-0.07	7.43E-01
<b>GCNT6</b>	-0.21	2.94E-01	-0.07	7.43E-01
<b>LDLRAD4</b>	-0.17	3.93E-01	-0.07	7.43E-01
<b>LINC01118</b>	-0.34	8.13E-02	0.07	7.43E-01
<b>MAPK6PS3</b>	0.04	8.30E-01	0.07	7.43E-01
<b>MIR326</b>	0.05	8.13E-01	0.07	7.43E-01
<b>MIR661</b>	0.31	1.10E-01	0.07	7.43E-01
<b>NUP88</b>	0.07	7.32E-01	-0.07	7.43E-01
<b>RN7SKP292</b>	-0.14	4.85E-01	-0.07	7.43E-01
<b>RND2</b>	-0.11	5.72E-01	0.07	7.43E-01
<b>RP11-120K24.4</b>	-0.14	4.82E-01	-0.07	7.43E-01
<b>RP11-211A18.2</b>	-0.03	8.82E-01	0.07	7.43E-01
<b>RP11-219E7.4</b>	0.11	5.88E-01	-0.07	7.43E-01
<b>RP11-326K13.5</b>	0.32	9.15E-02	0.07	7.43E-01
<b>RP11-434H6.7</b>	-0.06	7.48E-01	0.07	7.43E-01
<b>RP11-564D11.3</b>	0.03	8.92E-01	-0.07	7.43E-01
<b>RP11-671E7.1</b>	0.04	8.48E-01	0.07	7.43E-01
<b>RP11-770E5.1</b>	0.18	3.60E-01	-0.07	7.43E-01
<b>RP11-778D9.12</b>	0.14	4.70E-01	-0.07	7.43E-01
<b>RP11-881I8.2</b>	-0.18	3.59E-01	-0.07	7.43E-01
<b>RP4-646N3.1</b>	0.06	7.75E-01	-0.07	7.43E-01
<b>RPL13</b>	0.17	3.78E-01	-0.07	7.43E-01
<b>SLC30A2</b>	-0.17	3.83E-01	0.07	7.43E-01
<b>ST7L</b>	0.02	9.04E-01	-0.07	7.43E-01
<b>STOM</b>	0.08	6.97E-01	-0.07	7.43E-01
<b>TCTN3</b>	0.24	2.22E-01	0.07	7.43E-01
<b>XLOC_008971</b>	-0.08	6.84E-01	-0.07	7.43E-01
<b>XLOC_011798</b>	-0.01	9.50E-01	-0.07	7.43E-01
<b>ZNF649-AS1</b>	-0.01	9.57E-01	-0.07	7.43E-01
<b>bP-218909.3</b>	0.03	8.93E-01	0.07	7.43E-01
<b>AASDHPPT</b>	0.36	5.62E-02	0.07	7.44E-01
<b>AC006272.1</b>	-0.21	2.93E-01	0.07	7.44E-01
<b>CACNA1C-AS1</b>	0.15	4.54E-01	0.07	7.44E-01
<b>CCDC114</b>	-0.26	1.90E-01	0.07	7.44E-01
<b>COX5B</b>	0.08	6.83E-01	0.07	7.44E-01
<b>EMC4</b>	0.13	5.20E-01	0.07	7.44E-01

<b>EPS8L2</b>	-0.04	8.29E-01	0.07	7.44E-01
<b>G1863</b>	-0.04	8.31E-01	0.07	7.44E-01
<b>GLRX3</b>	0.08	6.85E-01	0.07	7.44E-01
<b>NOTCH4</b>	-0.08	6.68E-01	0.07	7.44E-01
<b>OR10AD1</b>	-0.02	9.22E-01	0.07	7.44E-01
<b>POLR3C</b>	0.18	3.66E-01	0.07	7.44E-01
<b>PRSS35</b>	0.03	8.87E-01	0.07	7.44E-01
<b>RALBP1</b>	-0.02	9.10E-01	0.07	7.44E-01
<b>REC114</b>	-0.21	2.80E-01	0.07	7.44E-01
<b>RNU7-13P</b>	-0.02	9.11E-01	0.07	7.44E-01
<b>RP11-165M1.1</b>	-0.09	6.64E-01	0.07	7.44E-01
<b>RP13-635I23.3</b>	-0.24	2.24E-01	0.07	7.44E-01
<b>RP3-461P17.10</b>	0.05	7.87E-01	0.07	7.44E-01
<b>RP4-597J3.1</b>	-0.33	8.92E-02	0.07	7.44E-01
<b>RP4-657E11.10</b>	-0.29	1.40E-01	0.07	7.44E-01
<b>SIX2</b>	-0.27	1.67E-01	0.07	7.44E-01
<b>SLC25A12</b>	0.31	1.12E-01	0.07	7.44E-01
<b>SLC25A30</b>	0.17	3.96E-01	0.07	7.44E-01
<b>AC005757.6</b>	-0.26	1.74E-01	-0.07	7.44E-01
<b>AC009120.5</b>	-0.07	7.36E-01	-0.07	7.44E-01
<b>AC100830.3</b>	-0.50	6.54E-03	-0.07	7.44E-01
<b>ACTL7A</b>	0.13	4.99E-01	-0.07	7.44E-01
<b>CTD-2323K18.2</b>	0.16	4.29E-01	-0.07	7.44E-01
<b>CUL7</b>	-0.04	8.25E-01	-0.07	7.44E-01
<b>ITCH-IT1</b>	-0.27	1.70E-01	-0.07	7.44E-01
<b>NUDT13</b>	0.10	6.14E-01	-0.07	7.44E-01
<b>PVRIG</b>	0.19	3.44E-01	-0.07	7.44E-01
<b>RP1-68D18.2</b>	-0.19	3.39E-01	-0.07	7.44E-01
<b>RP11-114M1.2</b>	-0.29	1.28E-01	-0.07	7.44E-01
<b>RP11-438N5.2</b>	0.04	8.29E-01	-0.07	7.44E-01
<b>RP11-46O21.2</b>	0.03	8.61E-01	-0.07	7.44E-01
<b>RP11-642D21.2</b>	0.02	9.06E-01	-0.07	7.44E-01
<b>VIMP</b>	-0.07	7.21E-01	-0.07	7.44E-01
<b>ABHD3</b>	0.09	6.40E-01	0.07	7.45E-01
<b>AC004593.3</b>	0.03	8.98E-01	0.07	7.45E-01
<b>AC009487.6</b>	0.20	3.09E-01	-0.07	7.45E-01
<b>AC104113.3</b>	0.23	2.41E-01	0.07	7.45E-01
<b>ARHGAP28</b>	0.26	1.75E-01	-0.07	7.45E-01
<b>CCDC82</b>	0.01	9.50E-01	-0.07	7.45E-01
<b>CELSR3</b>	0.01	9.57E-01	-0.07	7.45E-01
<b>CNTN4-AS2</b>	0.02	9.12E-01	-0.07	7.45E-01
<b>CTTN</b>	0.14	4.79E-01	0.07	7.45E-01
<b>DYNC1LI1</b>	0.07	7.26E-01	0.07	7.45E-01
<b>EIF3D</b>	0.17	4.00E-01	0.07	7.45E-01
<b>FAM212A</b>	0.05	7.97E-01	0.07	7.45E-01
<b>GOS2</b>	0.00	9.85E-01	0.07	7.45E-01
<b>G34668</b>	-0.24	2.18E-01	0.07	7.45E-01

G36510	-0.01	9.47E-01	-0.07	7.45E-01
KRT18P60	-0.13	5.13E-01	-0.07	7.45E-01
NOX5	0.10	6.08E-01	-0.07	7.45E-01
PFKP	0.20	3.07E-01	0.07	7.45E-01
RAB22A	0.07	7.38E-01	-0.07	7.45E-01
RN7SL47P	-0.06	7.80E-01	0.07	7.45E-01
RP11-29B2.6	-0.14	4.86E-01	-0.07	7.45E-01
RP11-449J21.3	0.27	1.57E-01	-0.07	7.45E-01
RP11-53I6.1	-0.22	2.65E-01	-0.07	7.45E-01
RP11-797D24.3	0.05	7.93E-01	0.07	7.45E-01
RP13-714J12.1	-0.03	8.77E-01	-0.07	7.45E-01
RP4-555D20.2	-0.13	4.96E-01	-0.07	7.45E-01
RP4-777O23.2	-0.20	3.20E-01	-0.07	7.45E-01
RPS29	0.33	8.53E-02	0.07	7.45E-01
SIGLEC15	0.11	5.92E-01	0.07	7.45E-01
SLC20A1	0.14	4.86E-01	-0.07	7.45E-01
SLC38A6	-0.19	3.31E-01	0.07	7.45E-01
SLPI	0.16	4.24E-01	0.07	7.45E-01
SMAD5	0.26	1.90E-01	0.07	7.45E-01
TMEM81	-0.13	5.15E-01	-0.07	7.45E-01
TSSC2	0.08	6.88E-01	-0.07	7.45E-01
UQCRFS1	0.09	6.47E-01	-0.07	7.45E-01
AC005086.1	0.16	4.06E-01	-0.07	7.46E-01
AC006111.1	0.25	2.04E-01	-0.07	7.46E-01
AC010327.1	-0.05	8.19E-01	-0.07	7.46E-01
AC015849.13	0.06	7.58E-01	0.07	7.46E-01
AC131097.4	0.19	3.20E-01	-0.07	7.46E-01
ARMCX4	-0.29	1.32E-01	-0.07	7.46E-01
CHRD	-0.27	1.57E-01	0.07	7.46E-01
CTA-126B4.7	-0.07	7.21E-01	0.07	7.46E-01
CTD-2313J17.5	0.17	3.82E-01	-0.07	7.46E-01
ENDOG	0.13	5.21E-01	0.07	7.46E-01
ERCC3	-0.08	6.94E-01	0.07	7.46E-01
G24514	0.36	5.96E-02	0.07	7.46E-01
G39214	0.19	3.39E-01	-0.07	7.46E-01
KB-1742H10.3	-0.03	8.91E-01	0.07	7.46E-01
KRBOX4	0.40	3.41E-02	0.07	7.46E-01
KRTAP12-1	-0.09	6.34E-01	0.07	7.46E-01
NDUFB2	0.04	8.40E-01	0.07	7.46E-01
NEGR1	-0.04	8.40E-01	-0.07	7.46E-01
OAT	0.19	3.22E-01	-0.07	7.46E-01
RAE1	0.14	4.75E-01	-0.07	7.46E-01
RNA5SP88	0.08	6.79E-01	-0.07	7.46E-01
RNU6-853P	0.01	9.68E-01	-0.07	7.46E-01
RP11-237N19.3	-0.10	6.19E-01	0.07	7.46E-01
RP11-286B14.2	-0.14	4.92E-01	0.07	7.46E-01
RP11-288I21.1	-0.38	4.78E-02	0.07	7.46E-01

<b>RP11-395P16.1</b>	0.01	9.44E-01	0.07	7.46E-01
<b>RP11-415J8.3</b>	0.22	2.58E-01	-0.07	7.46E-01
<b>RP11-711K1.7</b>	-0.01	9.40E-01	0.07	7.46E-01
<b>RP11-95D17.1</b>	0.34	7.27E-02	-0.07	7.46E-01
<b>RP11-98D18.3</b>	-0.03	8.82E-01	0.07	7.46E-01
<b>SHE</b>	-0.27	1.62E-01	-0.07	7.46E-01
<b>SKAP2</b>	-0.01	9.79E-01	0.07	7.46E-01
<b>SNORD89</b>	-0.13	4.99E-01	0.07	7.46E-01
<b>TACR3</b>	-0.19	3.29E-01	-0.07	7.46E-01
<b>THBS3</b>	-0.18	3.54E-01	0.07	7.46E-01
<b>TRAJ5</b>	-0.07	7.17E-01	0.07	7.46E-01
<b>TRBV2</b>	0.15	4.55E-01	0.07	7.46E-01
<b>bp-21264C1.2</b>	0.05	7.87E-01	-0.07	7.46E-01
<b>AC009994.2</b>	-0.22	2.69E-01	0.07	7.47E-01
<b>AKR1B1</b>	0.31	1.11E-01	0.07	7.47E-01
<b>ANKRD13B</b>	0.07	7.12E-01	0.07	7.47E-01
<b>BUB1B</b>	0.12	5.39E-01	0.07	7.47E-01
<b>C12orf65</b>	0.23	2.38E-01	0.07	7.47E-01
<b>CATSPER1</b>	-0.05	8.10E-01	0.07	7.47E-01
<b>GS1-259H13.7</b>	-0.10	6.07E-01	0.07	7.47E-01
<b>HOXC-AS2</b>	0.13	5.21E-01	0.07	7.47E-01
<b>ISG20</b>	0.30	1.21E-01	0.07	7.47E-01
<b>MAD2L1</b>	0.13	5.20E-01	0.07	7.47E-01
<b>PILRA</b>	0.14	4.65E-01	0.07	7.47E-01
<b>POLR2H</b>	0.16	4.13E-01	0.07	7.47E-01
<b>PRSS23</b>	0.09	6.58E-01	0.07	7.47E-01
<b>RP11-184A2.3</b>	0.13	5.03E-01	0.07	7.47E-01
<b>RP11-679C8.2</b>	-0.19	3.39E-01	0.07	7.47E-01
<b>RPL12P38</b>	0.01	9.57E-01	0.07	7.47E-01
<b>SF1</b>	0.09	6.59E-01	0.07	7.47E-01
<b>ST8SIA2</b>	-0.02	9.16E-01	0.07	7.47E-01
<b>TMED7-TICAM2</b>	-0.08	6.83E-01	0.07	7.47E-01
<b>VAR5</b>	0.19	3.20E-01	0.07	7.47E-01
<b>WI2-8325B5.1</b>	-0.01	9.69E-01	0.07	7.47E-01
<b>XLOC_002925</b>	-0.12	5.29E-01	0.07	7.47E-01
<b>ZFP14</b>	-0.09	6.56E-01	0.07	7.47E-01
<b>ZSCAN30</b>	0.05	7.94E-01	0.07	7.47E-01
<b>BNIP3P38</b>	0.15	4.54E-01	-0.07	7.47E-01
<b>CTB-75G16.1</b>	-0.14	4.73E-01	-0.07	7.47E-01
<b>CYP1B1-AS1</b>	-0.11	5.84E-01	-0.07	7.47E-01
<b>DBR1</b>	0.02	9.08E-01	-0.07	7.47E-01
<b>GPR143</b>	-0.12	5.30E-01	-0.07	7.47E-01
<b>HYDIN</b>	-0.09	6.50E-01	-0.07	7.47E-01
<b>LYRM1</b>	-0.01	9.69E-01	-0.07	7.47E-01
<b>MIR1255A</b>	-0.32	9.81E-02	-0.07	7.47E-01
<b>MORC4</b>	-0.03	8.63E-01	-0.07	7.47E-01
<b>NDUFAF2</b>	0.10	6.09E-01	-0.07	7.47E-01

RP1-199J3.5	-0.25	2.09E-01	-0.07	7.47E-01
RP11-481G8.2	0.01	9.65E-01	-0.07	7.47E-01
RP11-876N24.5	0.23	2.45E-01	-0.07	7.47E-01
RP4-785G19.2	0.21	2.95E-01	-0.07	7.47E-01
RP5-903E17.2	0.05	8.08E-01	-0.07	7.47E-01
SLF2	0.03	8.62E-01	-0.07	7.47E-01
UQCRB	0.19	3.32E-01	-0.07	7.47E-01
AC017083.1	-0.17	3.78E-01	0.06	7.48E-01
AC068657.2	-0.14	4.86E-01	-0.06	7.48E-01
AC114812.9	-0.01	9.77E-01	-0.06	7.48E-01
C3	-0.19	3.27E-01	0.06	7.48E-01
CAMSAP2	0.30	1.24E-01	-0.06	7.48E-01
CTD-237103.2	0.22	2.58E-01	0.06	7.48E-01
CYB5R2	0.38	4.52E-02	-0.06	7.48E-01
GAPDHP49	-0.08	6.99E-01	0.06	7.48E-01
GYPC	-0.14	4.80E-01	-0.06	7.48E-01
HNRNPUL1	0.08	6.86E-01	0.06	7.48E-01
HRAS	0.17	3.89E-01	0.06	7.48E-01
IL7R	0.29	1.36E-01	0.06	7.48E-01
ITGB3	-0.08	6.83E-01	-0.06	7.48E-01
LATS2-AS1	-0.05	7.99E-01	0.06	7.48E-01
LINC00957	0.10	5.96E-01	0.06	7.48E-01
LOXL1	0.17	3.86E-01	-0.06	7.48E-01
MRPL18	-0.07	7.26E-01	-0.06	7.48E-01
MRPL53P1	-0.29	1.34E-01	0.06	7.48E-01
MTRF1LP2	-0.35	6.50E-02	0.06	7.48E-01
NPM1P37	-0.17	3.73E-01	0.06	7.48E-01
OXNAD1	0.03	8.66E-01	0.06	7.48E-01
PNMA5	0.05	7.97E-01	0.06	7.48E-01
PPP2R5E	-0.02	9.23E-01	0.06	7.48E-01
PTPRD	0.07	7.11E-01	-0.06	7.48E-01
PYGB	0.34	7.54E-02	0.06	7.48E-01
RNF17	-0.09	6.63E-01	0.06	7.48E-01
RP11-262H14.3	0.03	8.78E-01	-0.06	7.48E-01
RP11-514F3.4	0.04	8.29E-01	-0.06	7.48E-01
RP11-532F6.3	-0.21	2.75E-01	-0.06	7.48E-01
RP5-1098D14.1	0.04	8.53E-01	-0.06	7.48E-01
RUNDC3B	0.00	9.88E-01	-0.06	7.48E-01
SMCR8	-0.08	6.81E-01	0.06	7.48E-01
SRRT	-0.11	5.78E-01	-0.06	7.48E-01
USP39	-0.15	4.46E-01	0.06	7.48E-01
VN1R1	-0.08	6.94E-01	-0.06	7.48E-01
AC004022.7	0.04	8.23E-01	-0.06	7.49E-01
AC073109.2	-0.36	6.01E-02	-0.06	7.49E-01
AL136218.1	-0.15	4.60E-01	-0.06	7.49E-01
ALDH1A1	0.30	1.16E-01	0.06	7.49E-01
CAMSAP1	0.17	3.91E-01	0.06	7.49E-01

<b>CTD-2373H9.3</b>	-0.01	9.61E-01	-0.06	7.49E-01
<b>DDX24</b>	0.00	9.87E-01	0.06	7.49E-01
<b>DNAH8</b>	-0.32	9.21E-02	0.06	7.49E-01
<b>FLRT2</b>	0.04	8.57E-01	-0.06	7.49E-01
<b>G358</b>	-0.22	2.57E-01	0.06	7.49E-01
<b>GATC</b>	-0.02	9.27E-01	0.06	7.49E-01
<b>LINC00520</b>	-0.02	9.06E-01	0.06	7.49E-01
<b>LRRC38</b>	0.23	2.45E-01	0.06	7.49E-01
<b>MCAT</b>	0.28	1.44E-01	-0.06	7.49E-01
<b>MIR591</b>	-0.35	7.03E-02	0.06	7.49E-01
<b>NFIA-AS1</b>	-0.21	2.85E-01	-0.06	7.49E-01
<b>OTUD4</b>	0.03	8.94E-01	0.06	7.49E-01
<b>POLR2C</b>	0.20	3.07E-01	-0.06	7.49E-01
<b>PSRC1</b>	0.03	8.69E-01	0.06	7.49E-01
<b>RAB2B</b>	0.17	3.81E-01	0.06	7.49E-01
<b>RP11-139F4.2</b>	-0.20	2.97E-01	0.06	7.49E-01
<b>RP11-16E12.2</b>	-0.05	8.17E-01	-0.06	7.49E-01
<b>RP11-384C4.6</b>	0.18	3.57E-01	-0.06	7.49E-01
<b>RP11-711G10.1</b>	-0.25	2.00E-01	-0.06	7.49E-01
<b>RP11-834C11.11</b>	-0.05	7.86E-01	-0.06	7.49E-01
<b>RP11-89N17.1</b>	-0.08	6.79E-01	-0.06	7.49E-01
<b>RTN4IP1</b>	0.07	7.37E-01	0.06	7.49E-01
<b>SEC61B</b>	0.04	8.55E-01	-0.06	7.49E-01
<b>SHF</b>	-0.15	4.60E-01	-0.06	7.49E-01
<b>SLC26A4-AS1</b>	0.14	4.86E-01	0.06	7.49E-01
<b>SYT14</b>	-0.06	7.63E-01	-0.06	7.49E-01
<b>WDYHV1</b>	0.00	9.96E-01	0.06	7.49E-01
<b>ZNF280B</b>	-0.10	6.20E-01	-0.06	7.49E-01
<b>AC004471.9</b>	0.05	7.85E-01	0.06	7.51E-01
<b>AC009473.1</b>	0.10	6.12E-01	0.06	7.51E-01
<b>AP006621.6</b>	-0.01	9.69E-01	0.06	7.51E-01
<b>CCDC80</b>	-0.25	1.95E-01	-0.06	7.51E-01
<b>CHMP6</b>	0.21	2.88E-01	0.06	7.51E-01
<b>EVC2</b>	-0.16	4.28E-01	0.06	7.51E-01
<b>G2591</b>	-0.13	5.26E-01	-0.06	7.51E-01
<b>HADHB</b>	0.16	4.28E-01	0.06	7.51E-01
<b>HIST2H3A</b>	-0.13	5.19E-01	-0.06	7.51E-01
<b>HUWE1</b>	-0.19	3.29E-01	-0.06	7.51E-01
<b>IRS1</b>	-0.19	3.39E-01	-0.06	7.51E-01
<b>KCNG1</b>	-0.32	1.02E-01	-0.06	7.51E-01
<b>KCNH3</b>	-0.25	1.93E-01	0.06	7.51E-01
<b>KLF13</b>	0.09	6.33E-01	-0.06	7.51E-01
<b>LINC01135</b>	-0.07	7.25E-01	-0.06	7.51E-01
<b>MGMT</b>	0.06	7.45E-01	0.06	7.51E-01
<b>MIR3939</b>	0.23	2.39E-01	0.06	7.51E-01
<b>MRPL57</b>	-0.02	9.38E-01	0.06	7.51E-01
<b>MYL6BP1</b>	-0.11	5.85E-01	-0.06	7.51E-01

NXT1	0.21	2.91E-01	-0.06	7.51E-01
PCAT1	0.41	3.20E-02	0.06	7.51E-01
PCBP2	-0.10	6.25E-01	-0.06	7.51E-01
PEX14	0.27	1.73E-01	0.06	7.51E-01
PIGW	0.09	6.65E-01	-0.06	7.51E-01
RALGAPA2	0.10	6.18E-01	0.06	7.51E-01
RP11-264B14.1	-0.04	8.45E-01	-0.06	7.51E-01
RP11-290D2.3	-0.01	9.58E-01	-0.06	7.51E-01
RP11-305O4.2	0.17	3.77E-01	-0.06	7.51E-01
RP11-307C12.12	-0.32	1.01E-01	-0.06	7.51E-01
RP11-33I11.2	-0.12	5.42E-01	-0.06	7.51E-01
RP11-351D16.3	0.24	2.14E-01	0.06	7.51E-01
RP11-485M7.3	-0.15	4.35E-01	-0.06	7.51E-01
RP11-619I22.1	-0.20	3.10E-01	0.06	7.51E-01
RP11-797J4.1	-0.10	6.00E-01	0.06	7.51E-01
RP11-848G14.5	-0.03	8.61E-01	0.06	7.51E-01
RPL36AL	0.08	6.92E-01	-0.06	7.51E-01
SLC25A15P5	-0.19	3.38E-01	-0.06	7.51E-01
SLC30A5	0.11	5.93E-01	-0.06	7.51E-01
STRN4	0.18	3.47E-01	0.06	7.51E-01
THAP5	0.14	4.62E-01	-0.06	7.51E-01
TMEM199	0.15	4.42E-01	-0.06	7.51E-01
TSPAN1	-0.17	4.01E-01	-0.06	7.51E-01
TVP23CP1	-0.37	5.23E-02	0.06	7.51E-01
ZNF587P1	-0.43	2.20E-02	-0.06	7.51E-01
AC018647.3	-0.13	5.19E-01	0.06	7.52E-01
ANKRD18B	-0.12	5.54E-01	0.06	7.52E-01
AQP11	0.09	6.38E-01	0.06	7.52E-01
AVPI1	-0.03	8.67E-01	0.06	7.52E-01
CHDH	-0.19	3.29E-01	0.06	7.52E-01
CUL3	0.02	9.21E-01	0.06	7.52E-01
EVPLL	0.10	6.04E-01	0.06	7.52E-01
FMR1	0.06	7.47E-01	-0.06	7.52E-01
G10181	-0.18	3.69E-01	-0.06	7.52E-01
G1997	0.07	7.22E-01	-0.06	7.52E-01
HINT1	0.17	3.80E-01	-0.06	7.52E-01
IL11	0.27	1.73E-01	0.06	7.52E-01
IQCD	-0.25	2.01E-01	-0.06	7.52E-01
LECT1	0.10	6.27E-01	-0.06	7.52E-01
LRP5L	-0.50	6.58E-03	-0.06	7.52E-01
MTMR1	0.10	6.00E-01	-0.06	7.52E-01
MYO15A	-0.16	4.07E-01	0.06	7.52E-01
PRR15L	-0.27	1.71E-01	-0.06	7.52E-01
RDH5	-0.22	2.52E-01	-0.06	7.52E-01
RP11-110I1.5	0.16	4.10E-01	0.06	7.52E-01
RP11-157F20.3	0.18	3.70E-01	0.06	7.52E-01
RP11-168K11.2	-0.04	8.32E-01	0.06	7.52E-01

RP11-182I10.1	-0.02	9.28E-01	-0.06	7.52E-01
RP11-557F20.2	0.04	8.40E-01	-0.06	7.52E-01
RP5-1115A15.1	0.07	7.06E-01	0.06	7.52E-01
SAAL1	0.14	4.70E-01	0.06	7.52E-01
ST7-OT4	0.13	5.19E-01	-0.06	7.52E-01
SUDS3P1	-0.08	6.84E-01	-0.06	7.52E-01
TMEM262	-0.12	5.54E-01	-0.06	7.52E-01
TMEM86B	0.12	5.42E-01	-0.06	7.52E-01
UQCRQ	0.17	3.79E-01	0.06	7.52E-01
AC011524.3	-0.47	1.20E-02	0.06	7.53E-01
AURKB	0.15	4.34E-01	0.06	7.53E-01
C19orf38	0.31	1.04E-01	0.06	7.53E-01
CASC10	0.13	5.06E-01	0.06	7.53E-01
CRISP3	0.22	2.61E-01	0.06	7.53E-01
G16026	-0.02	9.21E-01	0.06	7.53E-01
KRT42P	-0.02	9.15E-01	0.06	7.53E-01
MARK4	0.24	2.18E-01	0.06	7.53E-01
MIF4GD	-0.02	9.06E-01	0.06	7.53E-01
OR1J1	0.01	9.68E-01	0.06	7.53E-01
PLEKHH2	-0.30	1.15E-01	0.06	7.53E-01
RBM43	-0.06	7.77E-01	0.06	7.53E-01
RP11-75C10.9	-0.03	8.92E-01	0.06	7.53E-01
RP3-428L16.1	0.14	4.71E-01	0.06	7.53E-01
SLC6A4	0.07	7.32E-01	0.06	7.53E-01
AC006116.19	0.31	1.06E-01	-0.06	7.53E-01
CDNF	-0.09	6.43E-01	-0.06	7.53E-01
CHCHD4P5	-0.09	6.37E-01	-0.06	7.53E-01
DCUN1D5	0.04	8.35E-01	-0.06	7.53E-01
DPY19L1	-0.06	7.54E-01	-0.06	7.53E-01
HNRNPAB	0.18	3.71E-01	-0.06	7.53E-01
MIR193B	-0.08	6.79E-01	-0.06	7.53E-01
RAB6C	0.06	7.50E-01	-0.06	7.53E-01
RNU6-1333P	0.03	8.78E-01	-0.06	7.53E-01
RP11-472N13.3	-0.09	6.54E-01	-0.06	7.53E-01
RP11-608O8.2	-0.09	6.38E-01	-0.06	7.53E-01
SENCR	-0.24	2.17E-01	-0.06	7.53E-01
SNORA73	-0.22	2.68E-01	-0.06	7.53E-01
AC016757.3	-0.04	8.51E-01	0.06	7.54E-01
EIF2S3L	0.22	2.51E-01	0.06	7.54E-01
ITGBL1	-0.22	2.69E-01	0.06	7.54E-01
NCAM1	-0.09	6.47E-01	0.06	7.54E-01
NFIA	0.06	7.66E-01	0.06	7.54E-01
PEA15	0.32	1.01E-01	0.06	7.54E-01
PEX11A	-0.02	9.34E-01	0.06	7.54E-01
PFDN5	-0.04	8.26E-01	0.06	7.54E-01
RBM12B-AS1	0.26	1.87E-01	0.06	7.54E-01
RP11-116O18.1	-0.22	2.60E-01	0.06	7.54E-01



RP11-120E11.2	-0.34	8.13E-02	0.06	7.54E-01
RP11-299M14.2	-0.01	9.76E-01	0.06	7.54E-01
RP11-567L7.3	-0.13	5.04E-01	0.06	7.54E-01
RPL10A	0.17	3.96E-01	0.06	7.54E-01
SIVA1	-0.02	9.23E-01	0.06	7.54E-01
SMAD9-IT1	-0.29	1.30E-01	0.06	7.54E-01
TBC1D24	0.03	8.88E-01	0.06	7.54E-01
TMEM91	0.02	9.04E-01	0.06	7.54E-01
XLOC_002654	-0.01	9.70E-01	0.06	7.54E-01
ZNF286A	0.19	3.35E-01	0.06	7.54E-01
ATXN7L2	0.05	8.14E-01	-0.06	7.54E-01
GAPDHP38	0.30	1.24E-01	-0.06	7.54E-01
KIF1B	-0.18	3.59E-01	-0.06	7.54E-01
PODXL2	0.07	7.33E-01	-0.06	7.54E-01
RBMS3	-0.11	5.70E-01	-0.06	7.54E-01
RN7SL127P	-0.08	6.98E-01	-0.06	7.54E-01
RNU6-272P	-0.19	3.20E-01	-0.06	7.54E-01
RNU6-611P	0.01	9.55E-01	-0.06	7.54E-01
RP11-35015.2	-0.04	8.42E-01	-0.06	7.54E-01
SEC16B	0.05	7.88E-01	-0.06	7.54E-01
UHRF1BP1L	0.24	2.14E-01	-0.06	7.54E-01
ZC2HC1A	-0.03	8.94E-01	-0.06	7.54E-01
ZWILCH	0.17	3.82E-01	-0.06	7.54E-01
A1CF	0.24	2.09E-01	-0.06	7.55E-01
ACAT2	0.02	9.15E-01	-0.06	7.55E-01
ACTG1	-0.05	8.01E-01	-0.06	7.55E-01
ADH1A	-0.19	3.43E-01	-0.06	7.55E-01
ATP10A	-0.21	2.77E-01	-0.06	7.55E-01
C7	0.07	7.40E-01	-0.06	7.55E-01
EIF4EP1	0.09	6.60E-01	-0.06	7.55E-01
FNBP1	0.22	2.54E-01	-0.06	7.55E-01
G3030	-0.19	3.36E-01	-0.06	7.55E-01
GHR	0.14	4.81E-01	-0.06	7.55E-01
HAT1	0.00	9.81E-01	-0.06	7.55E-01
NDNL2	0.14	4.71E-01	-0.06	7.55E-01
POC1B	-0.01	9.79E-01	-0.06	7.55E-01
PPT2-EGFL8	-0.15	4.42E-01	-0.06	7.55E-01
RNU6-1188P	-0.20	3.20E-01	-0.06	7.55E-01
RP11-164N3.3	0.15	4.55E-01	-0.06	7.55E-01
RP11-253E3.3	-0.14	4.80E-01	-0.06	7.55E-01
RP11-619J20.1	-0.22	2.58E-01	-0.06	7.55E-01
RP11-887P2.6	0.11	5.77E-01	-0.06	7.55E-01
RP4-575N6.5	0.11	5.87E-01	-0.06	7.55E-01
RPL7L1P9	0.01	9.64E-01	-0.06	7.55E-01
SLC12A2	0.16	4.24E-01	-0.06	7.55E-01
TMEM256	-0.09	6.52E-01	-0.06	7.55E-01
VWA3B	0.01	9.43E-01	-0.06	7.55E-01

ADCY5	0.09	6.34E-01	0.06	7.55E-01
G18793	-0.35	6.94E-02	0.06	7.55E-01
GOT2	0.14	4.76E-01	0.06	7.55E-01
HMGB1P21	0.09	6.67E-01	0.06	7.55E-01
LETM1	0.09	6.60E-01	0.06	7.55E-01
LINC00704	0.38	4.73E-02	0.06	7.55E-01
MT-TM	0.10	6.03E-01	0.06	7.55E-01
NBPF15	-0.25	1.97E-01	0.06	7.55E-01
PCDHB10	-0.11	5.72E-01	0.06	7.55E-01
PPFIA1	-0.20	3.09E-01	0.06	7.55E-01
RP11-319G9.3	0.12	5.29E-01	0.06	7.55E-01
RP11-78O7.1	-0.27	1.65E-01	0.06	7.55E-01
SF3B5	0.10	6.24E-01	0.06	7.55E-01
SLC19A1	0.10	6.23E-01	0.06	7.55E-01
SNU13	0.02	9.34E-01	0.06	7.55E-01
TAS2R30	-0.03	8.76E-01	0.06	7.55E-01
XLOC_010097	0.09	6.53E-01	0.06	7.55E-01
YES1P1	0.09	6.54E-01	0.06	7.55E-01
AC074117.10	0.08	6.79E-01	-0.06	7.56E-01
AC092597.3	-0.07	7.05E-01	-0.06	7.56E-01
AC093627.8	-0.12	5.42E-01	0.06	7.56E-01
AQP3	0.06	7.71E-01	0.06	7.56E-01
BICD2	0.02	9.04E-01	0.06	7.56E-01
C1orf195	-0.37	5.46E-02	-0.06	7.56E-01
CNIH1	0.08	6.83E-01	0.06	7.56E-01
EMC2	-0.20	3.19E-01	0.06	7.56E-01
FLJ26245	0.12	5.28E-01	0.06	7.56E-01
G10846	0.05	7.99E-01	0.06	7.56E-01
GNPTAB	-0.08	6.94E-01	-0.06	7.56E-01
H3F3AP1	-0.14	4.76E-01	0.06	7.56E-01
HUS1B	-0.23	2.40E-01	-0.06	7.56E-01
INPP5F	0.05	7.86E-01	-0.06	7.56E-01
LRRC56	-0.01	9.47E-01	-0.06	7.56E-01
LY6G5B	-0.31	1.11E-01	-0.06	7.56E-01
MIR942	-0.35	7.17E-02	-0.06	7.56E-01
MYDGF	0.14	4.74E-01	-0.06	7.56E-01
NAE1	0.01	9.43E-01	-0.06	7.56E-01
NAMPTP1	-0.08	6.83E-01	0.06	7.56E-01
NDC80	0.16	4.06E-01	0.06	7.56E-01
PANO1	0.23	2.44E-01	-0.06	7.56E-01
PARP4	0.07	7.36E-01	0.06	7.56E-01
POFUT2	0.07	7.27E-01	-0.06	7.56E-01
RN7SL506P	0.12	5.59E-01	-0.06	7.56E-01
RNU6-375P	-0.25	2.00E-01	-0.06	7.56E-01
RP1-41C23.1	-0.05	8.16E-01	-0.06	7.56E-01
RP11-15E18.1	-0.06	7.73E-01	0.06	7.56E-01
RP11-192P3.4	-0.25	2.08E-01	0.06	7.56E-01

RP11-206L10.3	-0.24	2.21E-01	-0.06	7.56E-01
RP11-473O4.1	-0.19	3.45E-01	-0.06	7.56E-01
RP11-658F2.8	0.01	9.67E-01	-0.06	7.56E-01
RP11-771K4.3	-0.21	2.88E-01	-0.06	7.56E-01
RP11-7F17.5	-0.17	3.82E-01	0.06	7.56E-01
SLC5A2	-0.11	5.92E-01	-0.06	7.56E-01
ST7	-0.03	8.77E-01	-0.06	7.56E-01
WDSUB1	-0.50	6.34E-03	-0.06	7.56E-01
XLOC_002995	-0.01	9.61E-01	0.06	7.56E-01
AC000068.10	-0.05	7.82E-01	0.06	7.58E-01
AC010525.4	-0.29	1.40E-01	0.06	7.58E-01
BLM	0.13	5.05E-01	0.06	7.58E-01
DUSP6	0.40	3.66E-02	0.06	7.58E-01
LINC01433	-0.16	4.06E-01	0.06	7.58E-01
MIR1972-1	0.00	9.86E-01	0.06	7.58E-01
NPCDR1	-0.32	1.01E-01	0.06	7.58E-01
RP11-192H23.7	-0.02	9.12E-01	0.06	7.58E-01
RP11-245P10.4	-0.12	5.41E-01	0.06	7.58E-01
RP11-271K21.12	-0.09	6.33E-01	0.06	7.58E-01
RP11-5N19.3	-0.16	4.02E-01	0.06	7.58E-01
RP3-348I23.2	0.07	7.24E-01	0.06	7.58E-01
SPIN2A	0.01	9.64E-01	0.06	7.58E-01
XLOC_001188	0.20	3.04E-01	0.06	7.58E-01
ASXL3	0.21	2.87E-01	-0.06	7.58E-01
CTA-204B4.2	0.13	5.03E-01	-0.06	7.58E-01
CTC-232P5.1	-0.28	1.54E-01	-0.06	7.58E-01
FTH1P16	0.00	9.85E-01	-0.06	7.58E-01
G25594	0.15	4.41E-01	-0.06	7.58E-01
GGT7	0.16	4.12E-01	-0.06	7.58E-01
GOLGA8M	-0.36	6.37E-02	-0.06	7.58E-01
HMG1P12	0.17	3.82E-01	-0.06	7.58E-01
MAPKBP1	-0.23	2.45E-01	-0.06	7.58E-01
MIR23A	0.03	8.91E-01	-0.06	7.58E-01
PCDHB14	-0.13	5.00E-01	-0.06	7.58E-01
RN7SL706P	-0.06	7.59E-01	-0.06	7.58E-01
RP11-213G2.3	-0.05	7.96E-01	-0.06	7.58E-01
RP11-359D14.2	-0.23	2.36E-01	-0.06	7.58E-01
RP11-410E4.1	0.34	7.59E-02	-0.06	7.58E-01
RP11-452D12.1	-0.15	4.53E-01	-0.06	7.58E-01
RPS3AP2	-0.12	5.54E-01	-0.06	7.58E-01
SCARB1	0.05	7.85E-01	-0.06	7.58E-01
SLC35F2	-0.09	6.48E-01	-0.06	7.58E-01
STRAP	0.11	5.93E-01	-0.06	7.58E-01
TRBV7-3	-0.21	2.89E-01	-0.06	7.58E-01
AC002310.12	0.00	9.88E-01	-0.06	7.59E-01
ARNT	-0.32	1.02E-01	-0.06	7.59E-01
CLK2	-0.13	4.98E-01	0.06	7.59E-01

<b>COX6B1</b>	0.10	6.12E-01	0.06	7.59E-01
<b>CRYZL1</b>	-0.25	1.94E-01	0.06	7.59E-01
<b>CTC-321K16.4</b>	-0.06	7.52E-01	-0.06	7.59E-01
<b>CTD-2026K11.5</b>	0.10	5.98E-01	0.06	7.59E-01
<b>CTD-2319I12.4</b>	0.01	9.61E-01	0.06	7.59E-01
<b>DDIT4L</b>	-0.30	1.23E-01	-0.06	7.59E-01
<b>DKC1</b>	0.17	3.86E-01	-0.06	7.59E-01
<b>ECSIT</b>	0.15	4.46E-01	0.06	7.59E-01
<b>ELAVL1</b>	0.16	4.15E-01	-0.06	7.59E-01
<b>G18243</b>	0.01	9.43E-01	-0.06	7.59E-01
<b>IL17RE</b>	-0.22	2.54E-01	0.06	7.59E-01
<b>IQCC</b>	-0.15	4.57E-01	-0.06	7.59E-01
<b>KCNS2</b>	-0.04	8.58E-01	0.06	7.59E-01
<b>LCMT2</b>	0.06	7.69E-01	-0.06	7.59E-01
<b>LMLN</b>	-0.09	6.49E-01	-0.06	7.59E-01
<b>LSAMP-AS1</b>	0.09	6.67E-01	0.06	7.59E-01
<b>MARK2P9</b>	-0.04	8.29E-01	0.06	7.59E-01
<b>MTDH</b>	0.08	6.74E-01	-0.06	7.59E-01
<b>NAPSA</b>	-0.13	4.96E-01	0.06	7.59E-01
<b>NDUFAB1</b>	0.14	4.81E-01	-0.06	7.59E-01
<b>PARK2</b>	-0.04	8.29E-01	-0.06	7.59E-01
<b>RALA</b>	-0.01	9.46E-01	-0.06	7.59E-01
<b>RN7SL118P</b>	0.05	8.12E-01	0.06	7.59E-01
<b>RNF41</b>	0.04	8.43E-01	-0.06	7.59E-01
<b>RNU7-135P</b>	-0.30	1.25E-01	-0.06	7.59E-01
<b>RP11-282O18.7</b>	0.26	1.82E-01	0.06	7.59E-01
<b>RP11-325L7.1</b>	0.04	8.37E-01	-0.06	7.59E-01
<b>RP11-36N20.1</b>	-0.22	2.56E-01	0.06	7.59E-01
<b>RP11-782C8.5</b>	-0.09	6.38E-01	-0.06	7.59E-01
<b>RP5-1126H10.2</b>	-0.16	4.23E-01	-0.06	7.59E-01
<b>RPL18</b>	0.27	1.67E-01	0.06	7.59E-01
<b>RPSAP51</b>	-0.22	2.51E-01	-0.06	7.59E-01
<b>SCARNA11</b>	0.21	2.85E-01	0.06	7.59E-01
<b>SEMA6A-AS1</b>	0.19	3.29E-01	-0.06	7.59E-01
<b>6-Sep</b>	0.21	2.89E-01	0.06	7.59E-01
<b>SPATA5L1</b>	0.14	4.81E-01	0.06	7.59E-01
<b>SRSF8</b>	0.15	4.35E-01	-0.06	7.59E-01
<b>TAS2R18</b>	-0.24	2.20E-01	-0.06	7.59E-01
<b>TRAJ13</b>	0.16	4.28E-01	-0.06	7.59E-01
<b>ABHD10</b>	0.17	3.97E-01	0.06	7.60E-01
<b>AC007040.11</b>	-0.09	6.32E-01	-0.06	7.60E-01
<b>AC007283.4</b>	-0.07	7.42E-01	0.06	7.60E-01
<b>ACRV1</b>	0.22	2.60E-01	0.06	7.60E-01
<b>AP003064.1</b>	-0.23	2.35E-01	0.06	7.60E-01
<b>CCT5P1</b>	-0.24	2.18E-01	-0.06	7.60E-01
<b>CNR1</b>	-0.01	9.40E-01	0.06	7.60E-01
<b>CTA-315H11.2</b>	-0.07	7.42E-01	-0.06	7.60E-01

<b>CTC-425O23.2</b>	-0.32	9.93E-02	-0.06	7.60E-01
<b>ERI3-IT1</b>	-0.12	5.40E-01	0.06	7.60E-01
<b>FLJ37453</b>	0.30	1.25E-01	0.06	7.60E-01
<b>GZMM</b>	0.03	8.64E-01	0.06	7.60E-01
<b>HACD1</b>	-0.15	4.35E-01	-0.06	7.60E-01
<b>KRTAP4-1</b>	-0.24	2.24E-01	0.06	7.60E-01
<b>LINC01108</b>	-0.02	9.14E-01	-0.06	7.60E-01
<b>LYSMD1</b>	0.09	6.50E-01	0.06	7.60E-01
<b>3-Mar</b>	-0.05	7.85E-01	-0.06	7.60E-01
<b>METTL14</b>	-0.02	9.25E-01	-0.06	7.60E-01
<b>MIR1280</b>	-0.27	1.65E-01	0.06	7.60E-01
<b>NDUFA7</b>	-0.02	9.18E-01	-0.06	7.60E-01
<b>NKIRAS1</b>	0.31	1.05E-01	-0.06	7.60E-01
<b>PREX1</b>	0.15	4.60E-01	0.06	7.60E-01
<b>RNF208</b>	0.21	2.77E-01	0.06	7.60E-01
<b>RNU6-540P</b>	-0.29	1.31E-01	-0.06	7.60E-01
<b>RP11-686G8.1</b>	-0.03	8.86E-01	-0.06	7.60E-01
<b>RP11-705C15.3</b>	0.04	8.58E-01	-0.06	7.60E-01
<b>RP11-750H9.7</b>	0.22	2.58E-01	-0.06	7.60E-01
<b>RP11-83B20.3</b>	-0.25	1.94E-01	0.06	7.60E-01
<b>RPL21P135</b>	-0.03	8.70E-01	0.06	7.60E-01
<b>SH3D21</b>	-0.07	7.11E-01	-0.06	7.60E-01
<b>SPEF1</b>	0.08	6.75E-01	-0.06	7.60E-01
<b>THPO</b>	0.10	6.27E-01	0.06	7.60E-01
<b>TMPOP1</b>	-0.17	3.76E-01	-0.06	7.60E-01
<b>TPP1</b>	-0.11	5.63E-01	0.06	7.60E-01
<b>VPS51</b>	0.03	8.86E-01	0.06	7.60E-01
<b>XLOC_005024</b>	0.15	4.43E-01	-0.06	7.60E-01
<b>BNIP1</b>	0.27	1.58E-01	0.06	7.61E-01
<b>C8G</b>	0.01	9.40E-01	0.06	7.61E-01
<b>CRLF3</b>	0.53	3.87E-03	0.06	7.61E-01
<b>EMP2</b>	0.01	9.47E-01	0.06	7.61E-01
<b>GAPDHP60</b>	0.03	8.81E-01	0.06	7.61E-01
<b>GS1-124K5.2</b>	0.11	5.77E-01	0.06	7.61E-01
<b>MLIP-IT1</b>	0.00	9.88E-01	0.06	7.61E-01
<b>RP11-130C19.3</b>	0.42	2.59E-02	0.06	7.61E-01
<b>RP11-132G19.3</b>	-0.21	2.83E-01	0.06	7.61E-01
<b>RP11-445F6.2</b>	-0.12	5.46E-01	0.06	7.61E-01
<b>RP11-497H17.1</b>	-0.20	3.13E-01	0.06	7.61E-01
<b>RP11-659P15.2</b>	-0.14	4.93E-01	0.06	7.61E-01
<b>RP11-9L18.3</b>	-0.04	8.40E-01	0.06	7.61E-01
<b>RP13-228J13.6</b>	0.05	8.13E-01	0.06	7.61E-01
<b>SMYD2</b>	0.17	3.96E-01	0.06	7.61E-01
<b>SRPK1</b>	0.01	9.59E-01	0.06	7.61E-01
<b>TMEM151B</b>	0.17	3.78E-01	0.06	7.61E-01
<b>YPEL1</b>	-0.15	4.53E-01	0.06	7.61E-01
<b>ABLIM3</b>	-0.38	4.37E-02	-0.06	7.61E-01

<b>AC008746.12</b>	-0.08	7.00E-01	-0.06	7.61E-01
<b>AC022538.1</b>	0.12	5.56E-01	-0.06	7.61E-01
<b>C2orf50</b>	-0.10	6.11E-01	-0.06	7.61E-01
<b>CDCA4</b>	-0.05	8.15E-01	-0.06	7.61E-01
<b>COLCA1</b>	-0.12	5.29E-01	-0.06	7.61E-01
<b>DESI2</b>	0.12	5.43E-01	-0.06	7.61E-01
<b>KAT6B</b>	-0.20	3.09E-01	-0.06	7.61E-01
<b>KIF28P</b>	-0.08	6.69E-01	-0.06	7.61E-01
<b>KRTAP4-4</b>	-0.23	2.29E-01	-0.06	7.61E-01
<b>PMEPA1</b>	0.11	5.68E-01	-0.06	7.61E-01
<b>RARS2</b>	-0.03	8.62E-01	-0.06	7.61E-01
<b>RP11-201O14.1</b>	-0.06	7.70E-01	-0.06	7.61E-01
<b>RP11-2C24.9</b>	0.16	4.15E-01	-0.06	7.61E-01
<b>RP11-473O4.4</b>	0.00	9.88E-01	-0.06	7.61E-01
<b>RP5-966M1.4</b>	-0.23	2.38E-01	-0.06	7.61E-01
<b>SRGAP3-AS1</b>	-0.12	5.58E-01	-0.06	7.61E-01
<b>TUBB4B</b>	0.14	4.90E-01	-0.06	7.61E-01
<b>UCKL1-AS1</b>	-0.05	7.96E-01	-0.06	7.61E-01
<b>ZNF782</b>	0.04	8.51E-01	-0.06	7.61E-01
<b>AP1B1</b>	0.17	3.78E-01	0.06	7.62E-01
<b>BAZ2A</b>	-0.04	8.25E-01	0.06	7.62E-01
<b>BTBD7</b>	-0.05	8.16E-01	-0.06	7.62E-01
<b>C14orf79</b>	0.11	5.72E-01	0.06	7.62E-01
<b>C1orf220</b>	-0.06	7.71E-01	0.06	7.62E-01
<b>CHL1-AS1</b>	0.02	9.08E-01	0.06	7.62E-01
<b>CITED1</b>	0.18	3.51E-01	0.06	7.62E-01
<b>CPOX</b>	0.37	5.18E-02	0.06	7.62E-01
<b>CS</b>	0.03	8.95E-01	0.06	7.62E-01
<b>CTA-989H11.1</b>	0.13	4.96E-01	0.06	7.62E-01
<b>CTC-338M12.2</b>	-0.07	7.38E-01	-0.06	7.62E-01
<b>CTC-497E21.5</b>	0.05	7.89E-01	0.06	7.62E-01
<b>CTD-2110K23.1</b>	0.00	9.97E-01	0.06	7.62E-01
<b>CTD-2547E10.3</b>	-0.34	7.24E-02	-0.06	7.62E-01
<b>DGUOK</b>	-0.04	8.33E-01	-0.06	7.62E-01
<b>DHRS9</b>	0.22	2.69E-01	0.06	7.62E-01
<b>DMBT1</b>	0.23	2.29E-01	0.06	7.62E-01
<b>G17695</b>	-0.02	9.35E-01	-0.06	7.62E-01
<b>GTF2H4</b>	-0.01	9.49E-01	-0.06	7.62E-01
<b>HSPD1</b>	0.07	7.17E-01	-0.06	7.62E-01
<b>KRT19</b>	-0.07	7.37E-01	-0.06	7.62E-01
<b>LINGO4</b>	-0.22	2.65E-01	-0.06	7.62E-01
<b>MCM7</b>	-0.02	9.20E-01	-0.06	7.62E-01
<b>MCPH1-AS1</b>	-0.11	5.92E-01	-0.06	7.62E-01
<b>NCAPG</b>	0.08	6.92E-01	0.06	7.62E-01
<b>NRXN1</b>	-0.15	4.42E-01	-0.06	7.62E-01
<b>PCBP1</b>	-0.13	5.25E-01	0.06	7.62E-01
<b>RBM15B</b>	0.27	1.69E-01	0.06	7.62E-01

<b>RBM8A</b>	0.14	4.74E-01	-0.06	7.62E-01
<b>RN7SL109P</b>	-0.18	3.69E-01	-0.06	7.62E-01
<b>RNU6-880P</b>	0.15	4.55E-01	-0.06	7.62E-01
<b>RP11-1D12.1</b>	0.09	6.66E-01	-0.06	7.62E-01
<b>RP11-244F12.3</b>	-0.02	9.06E-01	0.06	7.62E-01
<b>RP11-26J3.3</b>	0.04	8.41E-01	-0.06	7.62E-01
<b>RP11-391L3.3</b>	-0.12	5.32E-01	-0.06	7.62E-01
<b>RP11-651L5.2</b>	0.38	4.59E-02	-0.06	7.62E-01
<b>RP4-800M22.2</b>	-0.04	8.49E-01	-0.06	7.62E-01
<b>RRP12</b>	0.17	3.96E-01	0.06	7.62E-01
<b>SLC15A1</b>	0.23	2.34E-01	0.06	7.62E-01
<b>SLC39A7</b>	0.04	8.35E-01	0.06	7.62E-01
<b>XLOC_006923</b>	0.31	1.07E-01	-0.06	7.62E-01
<b>AC005841.1</b>	-0.07	7.38E-01	-0.06	7.63E-01
<b>ADGRA2</b>	-0.33	8.84E-02	-0.06	7.63E-01
<b>CA3-AS1</b>	-0.14	4.70E-01	-0.06	7.63E-01
<b>CD63</b>	-0.11	5.94E-01	-0.06	7.63E-01
<b>DHX57</b>	-0.13	5.15E-01	-0.06	7.63E-01
<b>DOCK1</b>	-0.08	6.70E-01	-0.06	7.63E-01
<b>ESD</b>	-0.03	8.82E-01	-0.06	7.63E-01
<b>G26250</b>	0.30	1.15E-01	-0.06	7.63E-01
<b>HAPLN1</b>	-0.09	6.37E-01	-0.06	7.63E-01
<b>LINC00240</b>	0.01	9.75E-01	-0.06	7.63E-01
<b>OR10V2P</b>	0.16	4.26E-01	-0.06	7.63E-01
<b>RBBP4</b>	0.11	5.73E-01	-0.06	7.63E-01
<b>RNF207</b>	0.05	7.93E-01	-0.06	7.63E-01
<b>RNF5</b>	-0.03	8.97E-01	-0.06	7.63E-01
<b>RP11-124D2.7</b>	0.03	8.97E-01	-0.06	7.63E-01
<b>RP11-63K6.1</b>	-0.41	3.12E-02	-0.06	7.63E-01
<b>RP11-862L9.2</b>	0.33	8.40E-02	-0.06	7.63E-01
<b>S100A10</b>	-0.22	2.61E-01	-0.06	7.63E-01
<b>TCEA1</b>	0.00	9.86E-01	-0.06	7.63E-01
<b>WDR59</b>	-0.10	6.25E-01	-0.06	7.63E-01
<b>ANP32B</b>	-0.11	5.90E-01	0.06	7.63E-01
<b>DNAAF5</b>	0.16	4.26E-01	0.06	7.63E-01
<b>DNMT1</b>	-0.13	5.03E-01	0.06	7.63E-01
<b>DUSP5P1</b>	-0.15	4.47E-01	0.06	7.63E-01
<b>IL15</b>	-0.21	2.95E-01	0.06	7.63E-01
<b>KCMF1</b>	0.14	4.93E-01	0.06	7.63E-01
<b>LZTS1-AS1</b>	0.04	8.32E-01	0.06	7.63E-01
<b>MRPS21</b>	0.04	8.39E-01	0.06	7.63E-01
<b>NSMCE1</b>	0.01	9.74E-01	0.06	7.63E-01
<b>RNA5SP295</b>	0.02	9.14E-01	0.06	7.63E-01
<b>RNU1-59P</b>	0.09	6.36E-01	0.06	7.63E-01
<b>RP1-151F17.1</b>	0.31	1.06E-01	0.06	7.63E-01
<b>RP11-353N4.6</b>	-0.30	1.27E-01	0.06	7.63E-01
<b>RP11-368J21.3</b>	-0.06	7.57E-01	0.06	7.63E-01

RP11-408I18.9	-0.29	1.31E-01	0.06	7.63E-01
RP11-841C19.1	-0.01	9.77E-01	0.06	7.63E-01
RP11-982M15.6	0.27	1.65E-01	0.06	7.63E-01
THSD4-AS1	-0.07	7.38E-01	0.06	7.63E-01
TXNDC15	0.06	7.58E-01	0.06	7.63E-01
UGGT1	0.17	3.92E-01	0.06	7.63E-01
ZKSCAN2	0.01	9.70E-01	0.06	7.63E-01
ACTR1A	0.12	5.29E-01	0.06	7.64E-01
ALG6	0.20	3.04E-01	0.06	7.64E-01
BTF3L4	0.23	2.44E-01	-0.06	7.64E-01
CCNL2	-0.01	9.42E-01	-0.06	7.64E-01
CD46	-0.13	4.95E-01	-0.06	7.64E-01
CLDN10-AS1	-0.22	2.62E-01	-0.06	7.64E-01
CYP7A1	0.11	5.70E-01	0.06	7.64E-01
DACT3	0.01	9.78E-01	-0.06	7.64E-01
DERA	0.13	4.99E-01	0.06	7.64E-01
DKK2	-0.22	2.54E-01	-0.06	7.64E-01
G119	0.07	7.13E-01	-0.06	7.64E-01
GTF2IP1	-0.12	5.45E-01	-0.06	7.64E-01
IRAK1	0.19	3.40E-01	0.06	7.64E-01
LYAR	0.14	4.91E-01	0.06	7.64E-01
MTFMT	0.26	1.90E-01	0.06	7.64E-01
MUC16	-0.23	2.31E-01	-0.06	7.64E-01
PCDHGB7	-0.08	6.73E-01	-0.06	7.64E-01
PCIF1	-0.13	5.12E-01	-0.06	7.64E-01
PPOX	-0.51	5.27E-03	-0.06	7.64E-01
PRPF3	-0.23	2.36E-01	-0.06	7.64E-01
RBFA	0.22	2.67E-01	-0.06	7.64E-01
RBM22P4	-0.12	5.34E-01	-0.06	7.64E-01
RCOR3	-0.23	2.40E-01	-0.06	7.64E-01
RN7SKP255	0.12	5.32E-01	0.06	7.64E-01
RNU4-54P	-0.15	4.44E-01	0.06	7.64E-01
RNU6-430P	-0.18	3.69E-01	-0.06	7.64E-01
RP1-232L22_B.1	0.04	8.29E-01	0.06	7.64E-01
RP11-259N19.1	0.24	2.20E-01	0.06	7.64E-01
RP11-403B2.7	-0.21	2.91E-01	-0.06	7.64E-01
RP11-423G4.10	-0.05	7.93E-01	-0.06	7.64E-01
RP11-466F5.10	0.06	7.79E-01	-0.06	7.64E-01
RP11-643M14.1	-0.23	2.50E-01	-0.06	7.64E-01
RP11-837J7.3	-0.19	3.39E-01	-0.06	7.64E-01
RPSA	0.21	2.78E-01	-0.06	7.64E-01
SARS	0.14	4.76E-01	0.06	7.64E-01
SIKE1	0.06	7.54E-01	-0.06	7.64E-01
SMN2	-0.32	9.71E-02	-0.06	7.64E-01
TM6SF1	-0.24	2.23E-01	0.06	7.64E-01
TTC37	-0.06	7.55E-01	0.06	7.64E-01
AC098820.3	0.20	3.18E-01	0.06	7.66E-01



ADAM28	-0.07	7.42E-01	0.06	7.66E-01
CDC25A	0.01	9.60E-01	-0.06	7.66E-01
COX7A2L	0.13	5.07E-01	-0.06	7.66E-01
CTA-351J1.1	-0.29	1.42E-01	-0.06	7.66E-01
DHTKD1	0.06	7.54E-01	0.06	7.66E-01
ELMOD2	0.06	7.75E-01	-0.06	7.66E-01
FABP3	0.08	6.96E-01	0.06	7.66E-01
FIG4	-0.15	4.49E-01	-0.06	7.66E-01
GORASP2	0.15	4.61E-01	0.06	7.66E-01
IGBP1-AS2	-0.17	3.76E-01	-0.06	7.66E-01
ITGA4	0.27	1.64E-01	0.06	7.66E-01
LIPC	-0.29	1.38E-01	0.06	7.66E-01
MIR149	0.04	8.22E-01	-0.06	7.66E-01
PI4KA	-0.04	8.45E-01	0.06	7.66E-01
RP1-313I6.12	-0.21	2.85E-01	0.06	7.66E-01
RP11-164P12.4	0.00	9.85E-01	-0.06	7.66E-01
RP11-26L20.4	0.10	6.23E-01	0.06	7.66E-01
RP11-43D4.2	0.26	1.74E-01	-0.06	7.66E-01
RP11-459F6.1	0.09	6.64E-01	-0.06	7.66E-01
RP11-550A5.2	0.21	2.75E-01	0.06	7.66E-01
RP5-875O13.1	-0.04	8.30E-01	-0.06	7.66E-01
SACS	0.07	7.20E-01	0.06	7.66E-01
SIN3A	-0.34	7.79E-02	0.06	7.66E-01
SLC12A8	0.23	2.29E-01	0.06	7.66E-01
SNX32	-0.37	5.10E-02	0.06	7.66E-01
TBL2	0.12	5.40E-01	0.06	7.66E-01
TCEA3	-0.12	5.40E-01	-0.06	7.66E-01
XLOC_014010	0.11	5.70E-01	-0.06	7.66E-01
ZNF781	-0.26	1.87E-01	-0.06	7.66E-01
AC005082.12	-0.10	6.20E-01	-0.06	7.67E-01
AC006369.2	-0.05	8.03E-01	-0.06	7.67E-01
AC012594.1	-0.17	3.84E-01	0.06	7.67E-01
AC016730.1	0.07	7.40E-01	-0.06	7.67E-01
AMOTL2	0.16	4.18E-01	0.06	7.67E-01
CBR3-AS1	-0.02	9.09E-01	0.06	7.67E-01
CEP55	0.16	4.30E-01	0.06	7.67E-01
COQ10BP2	0.05	7.82E-01	0.06	7.67E-01
COX5BP3	-0.08	6.75E-01	-0.06	7.67E-01
CSTF2T	0.14	4.79E-01	0.06	7.67E-01
FAM57A	0.02	9.21E-01	-0.06	7.67E-01
G21880	0.31	1.06E-01	-0.06	7.67E-01
G40864	-0.13	4.98E-01	0.06	7.67E-01
GCKR	-0.02	9.22E-01	0.06	7.67E-01
GS1-124K5.10	0.10	6.00E-01	-0.06	7.67E-01
HIST1H2BI	0.00	9.99E-01	0.06	7.67E-01
KRTAP5-11	-0.16	4.11E-01	0.06	7.67E-01
NDP	0.34	7.24E-02	-0.06	7.67E-01

<b>NLRP6</b>	0.05	7.82E-01	0.06	7.67E-01
<b>NR1H3</b>	0.04	8.50E-01	-0.06	7.67E-01
<b>OSBPL11</b>	-0.02	9.16E-01	-0.06	7.67E-01
<b>RP11-674I16.1</b>	-0.13	5.00E-01	0.06	7.67E-01
<b>RP3-473L9.4</b>	-0.08	6.80E-01	-0.06	7.67E-01
<b>SRRM5</b>	0.36	6.37E-02	-0.06	7.67E-01
<b>TAF5</b>	0.18	3.61E-01	0.06	7.67E-01
<b>TAZ</b>	-0.14	4.66E-01	-0.06	7.67E-01
<b>TBCB</b>	0.13	5.16E-01	0.06	7.67E-01
<b>TMEM218</b>	0.15	4.36E-01	0.06	7.67E-01
<b>TUBGCP6</b>	-0.16	4.13E-01	-0.06	7.67E-01
<b>AC007557.4</b>	-0.05	7.86E-01	0.06	7.68E-01
<b>AC069213.4</b>	-0.23	2.35E-01	0.06	7.68E-01
<b>AC137934.1</b>	-0.04	8.21E-01	-0.06	7.68E-01
<b>BIN3</b>	-0.05	8.09E-01	-0.06	7.68E-01
<b>CEACAM1</b>	0.25	2.07E-01	-0.06	7.68E-01
<b>CEP295NL</b>	-0.10	6.18E-01	-0.06	7.68E-01
<b>CHCHD5</b>	0.17	4.01E-01	0.06	7.68E-01
<b>CHRAC1</b>	0.14	4.86E-01	-0.06	7.68E-01
<b>CLINT1</b>	0.16	4.14E-01	0.06	7.68E-01
<b>CTB-47B11.3</b>	0.10	6.12E-01	0.06	7.68E-01
<b>DTHD1</b>	0.09	6.45E-01	-0.06	7.68E-01
<b>EEF1B2</b>	0.14	4.69E-01	-0.06	7.68E-01
<b>EGFL8</b>	-0.19	3.31E-01	-0.06	7.68E-01
<b>FAM129B</b>	0.17	3.93E-01	0.06	7.68E-01
<b>FGF10</b>	0.27	1.60E-01	0.06	7.68E-01
<b>G19546</b>	0.00	9.80E-01	-0.06	7.68E-01
<b>IFT140</b>	-0.22	2.50E-01	-0.06	7.68E-01
<b>ITGB5-AS1</b>	-0.41	3.06E-02	-0.06	7.68E-01
<b>MIR2909</b>	0.09	6.56E-01	-0.06	7.68E-01
<b>MIR568</b>	-0.33	8.16E-02	-0.06	7.68E-01
<b>PDE11A</b>	0.02	9.02E-01	-0.06	7.68E-01
<b>PP7080</b>	0.04	8.53E-01	-0.06	7.68E-01
<b>PPFIA2</b>	-0.09	6.47E-01	0.06	7.68E-01
<b>RANP4</b>	-0.36	6.37E-02	-0.06	7.68E-01
<b>RN7SL57P</b>	0.22	2.53E-01	-0.06	7.68E-01
<b>RNU6-613P</b>	0.02	9.39E-01	0.06	7.68E-01
<b>RNU6-897P</b>	0.04	8.29E-01	-0.06	7.68E-01
<b>RP1-102E24.8</b>	0.09	6.46E-01	-0.06	7.68E-01
<b>RP11-108K3.3</b>	-0.09	6.65E-01	0.06	7.68E-01
<b>RP11-1149M10.1</b>	-0.07	7.32E-01	0.06	7.68E-01
<b>RP11-241J12.3</b>	-0.19	3.44E-01	-0.06	7.68E-01
<b>RP11-326C3.11</b>	0.03	8.79E-01	0.06	7.68E-01
<b>RP11-342L8.2</b>	-0.04	8.46E-01	-0.06	7.68E-01
<b>RP11-435B5.5</b>	-0.05	7.87E-01	-0.06	7.68E-01
<b>RP11-453N18.1</b>	-0.07	7.19E-01	-0.06	7.68E-01
<b>RP11-685N10.1</b>	-0.14	4.72E-01	-0.06	7.68E-01

RP11-834C11.7	0.39	3.98E-02	-0.06	7.68E-01
RP11-88E10.5	0.15	4.40E-01	0.06	7.68E-01
RP11-97N19.3	-0.21	2.94E-01	0.06	7.68E-01
RP13-20L14.4	0.17	3.97E-01	-0.06	7.68E-01
RP3-333A15.2	0.32	1.01E-01	0.06	7.68E-01
RP5-997D24.3	0.31	1.14E-01	-0.06	7.68E-01
SLC12A7	-0.09	6.40E-01	-0.06	7.68E-01
SNRPGP18	-0.21	2.91E-01	0.06	7.68E-01
TIMM17B	0.36	5.99E-02	0.06	7.68E-01
TRIQK	-0.08	6.84E-01	0.06	7.68E-01
TRMT1	0.20	3.02E-01	0.06	7.68E-01
TSNAXIP1	0.09	6.63E-01	-0.06	7.68E-01
UBE2M	-0.02	9.33E-01	0.06	7.68E-01
WFDC13	-0.24	2.27E-01	-0.06	7.68E-01
XLOC_013913	-0.01	9.58E-01	-0.06	7.68E-01
YY2	0.03	8.74E-01	-0.06	7.68E-01
ZBTB26	-0.15	4.34E-01	0.06	7.68E-01
AC007099.1	-0.02	9.13E-01	0.06	7.69E-01
AC027612.6	-0.31	1.04E-01	-0.06	7.69E-01
AC068587.2	-0.31	1.04E-01	-0.06	7.69E-01
AP000998.2	-0.17	3.96E-01	0.06	7.69E-01
APOBEC2	-0.34	7.61E-02	-0.06	7.69E-01
BCDIN3D	-0.02	9.04E-01	-0.06	7.69E-01
C2CD3	-0.23	2.45E-01	0.06	7.69E-01
C2orf54	0.09	6.34E-01	0.06	7.69E-01
CLIP1	-0.08	6.86E-01	-0.06	7.69E-01
COX7B	0.06	7.57E-01	0.06	7.69E-01
CR392039.1	-0.46	1.48E-02	-0.06	7.69E-01
CTC-428G20.1	0.02	9.37E-01	-0.06	7.69E-01
CTD-2046J7.1	-0.19	3.32E-01	0.06	7.69E-01
CTD-2373H9.5	0.04	8.22E-01	0.06	7.69E-01
EID2	0.00	9.82E-01	0.06	7.69E-01
GLP2R	-0.17	3.93E-01	-0.06	7.69E-01
HCN4	0.08	6.99E-01	-0.06	7.69E-01
HIST1H2BB	0.03	8.85E-01	0.06	7.69E-01
KLF16	0.23	2.34E-01	0.06	7.69E-01
LILRA1	-0.23	2.44E-01	-0.06	7.69E-01
NARF-IT1	0.06	7.68E-01	0.06	7.69E-01
OCM	-0.29	1.37E-01	0.06	7.69E-01
POLRMT	0.18	3.58E-01	0.06	7.69E-01
RP11-1070A24.2	-0.17	3.96E-01	-0.06	7.69E-01
RP11-204L24.2	0.03	8.61E-01	0.06	7.69E-01
RP11-274J7.2	-0.10	6.31E-01	-0.06	7.69E-01
RP11-28G8.1	-0.03	8.61E-01	-0.06	7.69E-01
RP11-385F5.5	-0.02	9.23E-01	-0.06	7.69E-01
RP11-44N21.1	0.13	5.20E-01	-0.06	7.69E-01
RP11-57B24.1	-0.08	6.81E-01	0.06	7.69E-01

RP11-802F5.1	-0.24	2.20E-01	-0.06	7.69E-01
RP3-355L5.5	-0.11	5.62E-01	-0.06	7.69E-01
RP4-604G5.1	-0.02	9.10E-01	-0.06	7.69E-01
RSF1-IT2	0.04	8.26E-01	0.06	7.69E-01
SLC13A3	0.06	7.72E-01	-0.06	7.69E-01
SLC23A3	0.05	7.85E-01	0.06	7.69E-01
SNORD113-4	-0.06	7.71E-01	0.06	7.69E-01
TBCA	0.22	2.63E-01	-0.06	7.69E-01
TRIM29	-0.02	9.08E-01	0.06	7.69E-01
UBAC1	0.06	7.55E-01	0.06	7.69E-01
ZNF354B	-0.03	8.92E-01	-0.06	7.69E-01
AAR2	0.14	4.81E-01	-0.06	7.70E-01
AC008277.1	-0.26	1.83E-01	-0.06	7.70E-01
AKR1A1	0.02	9.29E-01	0.06	7.70E-01
ATAT1	0.20	3.05E-01	-0.06	7.70E-01
ATF4P3	-0.29	1.39E-01	0.06	7.70E-01
ATP5SL	0.21	2.84E-01	0.06	7.70E-01
BAP1	0.11	5.84E-01	0.06	7.70E-01
CLEC2B	0.05	7.96E-01	0.06	7.70E-01
CTB-180A7.6	0.26	1.78E-01	-0.06	7.70E-01
CTD-2235C13.2	0.04	8.42E-01	0.06	7.70E-01
DSTNP2	-0.01	9.47E-01	0.06	7.70E-01
ENPEP	-0.22	2.63E-01	0.06	7.70E-01
ESR2	-0.09	6.40E-01	-0.06	7.70E-01
FKBP10	-0.10	6.28E-01	0.06	7.70E-01
GPAT4	-0.07	7.30E-01	-0.06	7.70E-01
IFI27L1	0.12	5.46E-01	0.06	7.70E-01
IFIT1B	0.01	9.71E-01	-0.06	7.70E-01
JRK	0.14	4.83E-01	-0.06	7.70E-01
KARSP1	-0.35	6.98E-02	-0.06	7.70E-01
LRRTM1	-0.01	9.42E-01	-0.06	7.70E-01
MC5R	0.14	4.68E-01	-0.06	7.70E-01
MYBPH	0.09	6.61E-01	0.06	7.70E-01
OPN1SW	-0.20	3.02E-01	-0.06	7.70E-01
PHYKPL	-0.29	1.38E-01	-0.06	7.70E-01
PLA1A	-0.13	4.93E-01	-0.06	7.70E-01
RP11-17G12.3	0.16	4.29E-01	-0.06	7.70E-01
RP11-461G12.2	-0.24	2.23E-01	0.06	7.70E-01
RP11-519G16.3	-0.01	9.68E-01	-0.06	7.70E-01
RP11-571I18.2	0.08	6.99E-01	0.06	7.70E-01
RP11-665G4.1	0.00	9.90E-01	0.06	7.70E-01
RP11-73M11.3	0.15	4.46E-01	-0.06	7.70E-01
RP11-867G23.12	0.12	5.48E-01	0.06	7.70E-01
RP4-724E13.2	-0.40	3.49E-02	-0.06	7.70E-01
RP5-864K19.6	-0.02	9.16E-01	-0.06	7.70E-01
RP5-908M14.9	0.11	5.85E-01	0.06	7.70E-01
SC22CB-1D7.1	-0.25	1.99E-01	-0.06	7.70E-01

SRPK2	-0.24	2.11E-01	-0.06	7.70E-01
TMEM167A	0.01	9.45E-01	-0.06	7.70E-01
UNC5CL	0.00	9.92E-01	-0.06	7.70E-01
WI2-85898F10.2	-0.23	2.32E-01	0.06	7.70E-01
YIF1A	0.01	9.57E-01	0.06	7.70E-01
AC007743.1	0.09	6.67E-01	0.06	7.71E-01
AC078864.1	-0.03	8.93E-01	-0.06	7.71E-01
ACACB	-0.08	7.02E-01	-0.06	7.71E-01
AOX1	-0.08	6.93E-01	-0.06	7.71E-01
API5	0.07	7.38E-01	-0.06	7.71E-01
C1QL3	0.15	4.34E-01	0.06	7.71E-01
C9orf106	-0.05	8.14E-01	-0.06	7.71E-01
CTB-2L9.1	0.01	9.50E-01	-0.06	7.71E-01
CTD-2001C12.1	-0.02	9.18E-01	-0.06	7.71E-01
CYP4Z1	-0.28	1.52E-01	0.06	7.71E-01
DYDC2	-0.10	6.04E-01	0.06	7.71E-01
G24802	-0.03	8.79E-01	-0.06	7.71E-01
G32166	-0.04	8.54E-01	-0.06	7.71E-01
G32695	0.23	2.48E-01	-0.06	7.71E-01
G43485	0.15	4.43E-01	-0.06	7.71E-01
GSG1L	0.03	8.78E-01	0.06	7.71E-01
HLA-DQB1-AS1	-0.42	2.52E-02	0.06	7.71E-01
HOTAIRM1	-0.21	2.83E-01	-0.06	7.71E-01
KCNG3	0.09	6.66E-01	-0.06	7.71E-01
LINC01090	-0.24	2.25E-01	0.06	7.71E-01
MIR3942	-0.08	7.00E-01	0.06	7.71E-01
NPM1P41	0.07	7.11E-01	-0.06	7.71E-01
POLD2	0.00	9.99E-01	0.06	7.71E-01
POLR2D	0.08	6.88E-01	-0.06	7.71E-01
RP11-13K12.5	-0.01	9.47E-01	-0.06	7.71E-01
RP11-21B21.4	-0.33	8.45E-02	0.06	7.71E-01
RP11-307L14.2	0.38	4.71E-02	-0.06	7.71E-01
RP11-46A10.5	-0.26	1.88E-01	-0.06	7.71E-01
RP11-849N15.3	-0.22	2.56E-01	0.06	7.71E-01
RP3-368A4.6	0.05	8.02E-01	-0.06	7.71E-01
RPL39	0.18	3.54E-01	0.06	7.71E-01
SIL1	0.17	3.97E-01	0.06	7.71E-01
SNRPEP9	0.21	2.93E-01	0.06	7.71E-01
TOMM40	0.22	2.63E-01	-0.06	7.71E-01
TPMTP2	0.10	6.15E-01	-0.06	7.71E-01
TRAJ37	0.06	7.44E-01	-0.06	7.71E-01
WDR45B	0.28	1.49E-01	0.06	7.71E-01
XK	0.07	7.39E-01	-0.06	7.71E-01
XPC	0.03	8.82E-01	0.06	7.71E-01
ZFH2	-0.12	5.31E-01	0.06	7.71E-01
ZNF200	0.14	4.78E-01	-0.06	7.71E-01
ARL3	-0.01	9.64E-01	-0.06	7.73E-01

CAPNS2	0.08	6.96E-01	0.06	7.73E-01
CCNC	0.12	5.40E-01	-0.06	7.73E-01
CEP126	-0.34	7.37E-02	-0.06	7.73E-01
CHAF1B	-0.09	6.34E-01	0.06	7.73E-01
CLUL1	0.34	7.72E-02	-0.06	7.73E-01
CTD-2298J14.2	-0.19	3.37E-01	-0.06	7.73E-01
CTD-2649C14.3	-0.08	6.96E-01	0.06	7.73E-01
EBLN3	-0.03	8.71E-01	-0.06	7.73E-01
ENOX1	-0.06	7.79E-01	-0.06	7.73E-01
FAM159A	-0.10	6.04E-01	-0.06	7.73E-01
FANCI	-0.05	7.82E-01	-0.06	7.73E-01
HES1	0.01	9.58E-01	-0.06	7.73E-01
LRFN2	0.37	5.60E-02	0.06	7.73E-01
MAPK8IP2	0.08	6.76E-01	-0.06	7.73E-01
MIR186	-0.28	1.51E-01	-0.06	7.73E-01
MPLKIP	-0.03	8.78E-01	-0.06	7.73E-01
MRPS18C	0.07	7.15E-01	-0.06	7.73E-01
RN7SL189P	-0.19	3.21E-01	-0.06	7.73E-01
RP11-272L13.2	-0.13	5.01E-01	0.06	7.73E-01
RP11-665C16.5	0.21	2.75E-01	-0.06	7.73E-01
RP13-766D20.2	-0.18	3.60E-01	-0.06	7.73E-01
RPL11	0.14	4.81E-01	-0.06	7.73E-01
SLC30A6	0.35	6.96E-02	0.06	7.73E-01
SNORA70B	0.13	5.10E-01	-0.06	7.73E-01
TCL1A	0.17	3.76E-01	-0.06	7.73E-01
TDRD10	-0.36	5.94E-02	-0.06	7.73E-01
TEPP	0.19	3.33E-01	-0.06	7.73E-01
TRAPPC3	0.19	3.41E-01	0.06	7.73E-01
XLOC_006941	-0.15	4.34E-01	-0.06	7.73E-01
AC002400.1	-0.26	1.84E-01	-0.06	7.74E-01
AC017028.8	0.02	9.39E-01	-0.06	7.74E-01
AGRP	0.24	2.25E-01	0.06	7.74E-01
ARHGAP40	0.00	9.80E-01	-0.06	7.74E-01
BCORL1	-0.24	2.25E-01	0.06	7.74E-01
CALM1	0.20	2.99E-01	0.06	7.74E-01
CAPZA1	0.28	1.56E-01	0.06	7.74E-01
CTB-175E5.7	0.41	2.98E-02	-0.06	7.74E-01
CYP1A1	-0.20	3.10E-01	-0.06	7.74E-01
EHMT1-IT1	-0.19	3.28E-01	0.06	7.74E-01
EIF4EBP3	-0.01	9.51E-01	-0.06	7.74E-01
EXOSC3	0.08	6.86E-01	-0.06	7.74E-01
G12163	-0.13	5.16E-01	0.06	7.74E-01
G5143	0.17	3.73E-01	-0.06	7.74E-01
GBGT1	0.39	4.14E-02	0.06	7.74E-01
HIST1H2BJ	-0.01	9.66E-01	0.06	7.74E-01
KMT2A	-0.09	6.61E-01	0.06	7.74E-01
LINC01420	0.35	6.44E-02	0.06	7.74E-01

LINC01546	0.09	6.43E-01	0.06	7.74E-01
LRRC8E	0.10	5.97E-01	-0.06	7.74E-01
MAFG-AS1	0.11	5.84E-01	0.06	7.74E-01
MAPRE1	0.29	1.35E-01	-0.06	7.74E-01
MTA1	-0.13	5.13E-01	0.06	7.74E-01
MUC7	0.01	9.55E-01	0.06	7.74E-01
NOL10	0.05	8.02E-01	-0.06	7.74E-01
ODF3	-0.05	8.00E-01	-0.06	7.74E-01
OXTR	-0.39	4.23E-02	0.06	7.74E-01
PIP	-0.15	4.60E-01	-0.06	7.74E-01
PLK3	0.06	7.70E-01	0.06	7.74E-01
RAD51	0.07	7.39E-01	-0.06	7.74E-01
RFC2	-0.14	4.66E-01	-0.06	7.74E-01
RNU6-415P	-0.03	8.98E-01	-0.06	7.74E-01
RP11-126O1.4	0.07	7.29E-01	0.06	7.74E-01
RP11-197K3.1	-0.02	9.29E-01	0.06	7.74E-01
RP11-236P24.3	-0.08	6.96E-01	-0.06	7.74E-01
RP11-295D4.3	0.02	9.06E-01	-0.06	7.74E-01
RP11-299P2.1	-0.07	7.41E-01	0.06	7.74E-01
RP11-463D19.1	0.12	5.50E-01	-0.06	7.74E-01
RP11-477J21.2	-0.01	9.60E-01	0.06	7.74E-01
RP11-627K11.3	0.05	8.18E-01	0.06	7.74E-01
RP11-680G24.6	0.19	3.37E-01	-0.06	7.74E-01
RP13-1032I1.7	0.15	4.34E-01	-0.06	7.74E-01
RP5-1021I20.4	-0.18	3.60E-01	-0.06	7.74E-01
RPL36AP29	-0.55	2.46E-03	-0.06	7.74E-01
RPL37A	0.22	2.70E-01	-0.06	7.74E-01
STT3A	0.07	7.33E-01	0.06	7.74E-01
TMEM205	0.31	1.13E-01	0.06	7.74E-01
ZBTB40	-0.01	9.77E-01	0.06	7.74E-01
AC016683.5	0.00	9.99E-01	0.06	7.75E-01
AGPS	-0.09	6.36E-01	0.06	7.75E-01
ALDH3A1	-0.06	7.44E-01	-0.06	7.75E-01
ATP5O	0.23	2.38E-01	-0.06	7.75E-01
BMPR1APS1	-0.16	4.04E-01	0.06	7.75E-01
CAMK2D	0.03	8.73E-01	-0.06	7.75E-01
CCT6P3	0.07	7.14E-01	-0.06	7.75E-01
CSPG4P11	-0.09	6.34E-01	-0.06	7.75E-01
CTD-2002H8.2	0.12	5.42E-01	0.06	7.75E-01
CTD-2666L21.1	-0.05	7.99E-01	-0.06	7.75E-01
DANCR	0.06	7.64E-01	0.06	7.75E-01
DLG2	-0.06	7.69E-01	-0.06	7.75E-01
FARP1	-0.43	2.39E-02	-0.06	7.75E-01
FLJ20306	0.08	6.94E-01	0.06	7.75E-01
GNL2	0.15	4.61E-01	-0.06	7.75E-01
GRPR	-0.25	2.03E-01	0.06	7.75E-01
L3MBTL4-AS1	-0.08	6.79E-01	0.06	7.75E-01

LAGE3	0.05	8.00E-01	0.06	7.75E-01
LHCGR	-0.25	2.05E-01	0.06	7.75E-01
LUM	-0.22	2.59E-01	-0.06	7.75E-01
MAFTRR	-0.12	5.53E-01	0.06	7.75E-01
MFF	0.01	9.75E-01	-0.06	7.75E-01
PARP2	-0.22	2.59E-01	-0.06	7.75E-01
PCDH1	0.10	5.96E-01	0.06	7.75E-01
PIK3R4	0.01	9.69E-01	-0.06	7.75E-01
PPT1	0.20	3.05E-01	0.06	7.75E-01
PTPRF	-0.05	8.03E-01	0.06	7.75E-01
RFC1	0.08	6.87E-01	-0.06	7.75E-01
RP11-119K6.6	-0.14	4.88E-01	0.06	7.75E-01
RP11-157P1.4	0.15	4.51E-01	0.06	7.75E-01
RP11-407B7.1	0.15	4.54E-01	-0.06	7.75E-01
RP11-4K3__A.3	0.02	9.12E-01	0.06	7.75E-01
RP11-50I19.1	-0.38	4.44E-02	-0.06	7.75E-01
RP11-537I16.2	0.06	7.53E-01	-0.06	7.75E-01
RP4-737E23.7	0.06	7.79E-01	0.06	7.75E-01
RTFDC1	0.05	7.97E-01	0.06	7.75E-01
TMEM50B	-0.15	4.34E-01	-0.06	7.75E-01
TNS4	0.18	3.66E-01	-0.06	7.75E-01
TOX3	-0.31	1.14E-01	-0.06	7.75E-01
TRIP4	-0.10	5.95E-01	0.06	7.75E-01
XLOC_007718	-0.42	2.81E-02	-0.06	7.75E-01
XLOC_014080	-0.35	7.03E-02	-0.06	7.75E-01
ZNF444	0.21	2.83E-01	-0.06	7.75E-01
AC009120.11	-0.21	2.86E-01	-0.06	7.76E-01
AC109992.1	-0.05	8.13E-01	0.06	7.76E-01
AP000266.7	0.14	4.83E-01	0.06	7.76E-01
C21orf91-OT1	-0.01	9.49E-01	0.06	7.76E-01
CAB39	0.21	2.87E-01	-0.06	7.76E-01
COX20P1	-0.45	1.74E-02	0.06	7.76E-01
EFCAB5	-0.14	4.82E-01	0.06	7.76E-01
EIF1B-AS1	0.11	5.79E-01	0.06	7.76E-01
FAM58A	0.15	4.33E-01	0.06	7.76E-01
FEM1B	0.13	4.94E-01	-0.06	7.76E-01
G28021	-0.06	7.43E-01	-0.06	7.76E-01
GATM-AS1	0.08	6.68E-01	0.06	7.76E-01
HMGB3P14	0.10	5.97E-01	-0.06	7.76E-01
LRRC28	-0.15	4.54E-01	0.06	7.76E-01
LTBP4	0.09	6.33E-01	-0.06	7.76E-01
MARK2P13	-0.19	3.29E-01	-0.06	7.76E-01
NEIL1	-0.20	3.15E-01	-0.06	7.76E-01
NOXA1	-0.21	2.83E-01	-0.06	7.76E-01
NRXN2	0.16	4.24E-01	0.06	7.76E-01
PCP4	0.15	4.44E-01	-0.06	7.76E-01
PLA2G6	-0.05	8.18E-01	-0.06	7.76E-01



<b>RNU6-160P</b>	0.21	2.90E-01	0.06	7.76E-01
<b>RP11-203M5.7</b>	-0.12	5.40E-01	-0.06	7.76E-01
<b>RP11-59C5.3</b>	0.03	8.89E-01	0.06	7.76E-01
<b>RP13-210D15.8</b>	0.03	8.61E-01	0.06	7.76E-01
<b>RP4-735C1.4</b>	0.07	7.07E-01	-0.06	7.76E-01
<b>RP5-991G20.2</b>	0.04	8.45E-01	-0.06	7.76E-01
<b>SRSF7</b>	0.06	7.58E-01	-0.06	7.76E-01
<b>THAP1</b>	0.15	4.61E-01	0.06	7.76E-01
<b>TSPYL2</b>	-0.07	7.30E-01	0.06	7.76E-01
<b>ZNF33BP1</b>	-0.27	1.66E-01	-0.06	7.76E-01
<b>ABCA12</b>	0.13	5.19E-01	0.06	7.77E-01
<b>AC092782.1</b>	0.22	2.59E-01	0.06	7.77E-01
<b>AL359542.1</b>	-0.05	7.95E-01	-0.06	7.77E-01
<b>AP1M1</b>	-0.03	8.85E-01	0.06	7.77E-01
<b>ARHGAP6</b>	0.00	9.93E-01	0.06	7.77E-01
<b>AXIN1</b>	0.21	2.78E-01	0.06	7.77E-01
<b>CDK1</b>	0.24	2.23E-01	-0.06	7.77E-01
<b>CYP2C19</b>	-0.20	3.02E-01	-0.06	7.77E-01
<b>DDX56</b>	0.17	3.92E-01	0.06	7.77E-01
<b>ETV2</b>	-0.02	9.21E-01	0.06	7.77E-01
<b>G16821</b>	0.03	8.89E-01	0.06	7.77E-01
<b>G36172</b>	0.11	5.83E-01	-0.06	7.77E-01
<b>GRHPR</b>	-0.04	8.25E-01	0.06	7.77E-01
<b>LA16c-380H5.5</b>	-0.03	8.68E-01	0.06	7.77E-01
<b>LINC00475</b>	0.03	8.79E-01	0.06	7.77E-01
<b>MRPL23-AS1</b>	-0.19	3.36E-01	-0.06	7.77E-01
<b>MTRNR2L8</b>	0.20	3.06E-01	0.06	7.77E-01
<b>NLRC5</b>	0.13	5.09E-01	-0.06	7.77E-01
<b>NR2E3</b>	0.09	6.63E-01	-0.06	7.77E-01
<b>RABGAP1L-IT1</b>	-0.01	9.48E-01	0.06	7.77E-01
<b>RMST</b>	-0.08	6.98E-01	-0.06	7.77E-01
<b>RNF138P1</b>	-0.24	2.13E-01	-0.06	7.77E-01
<b>RP11-219A15.1</b>	-0.23	2.35E-01	-0.06	7.77E-01
<b>RP11-386I14.2</b>	-0.10	6.24E-01	-0.06	7.77E-01
<b>RP11-67L3.4</b>	0.05	8.02E-01	0.06	7.77E-01
<b>RP11-70L8.5</b>	-0.03	8.99E-01	-0.06	7.77E-01
<b>RP11-814H16.2</b>	0.10	5.95E-01	-0.06	7.77E-01
<b>RP5-1009E24.8</b>	-0.12	5.53E-01	0.06	7.77E-01
<b>RPS11</b>	0.13	5.25E-01	0.06	7.77E-01
<b>RPS3AP47</b>	-0.22	2.56E-01	0.06	7.77E-01
<b>SLC2A11</b>	-0.19	3.37E-01	-0.06	7.77E-01
<b>SLC39A10</b>	-0.03	8.91E-01	-0.06	7.77E-01
<b>SYNJ1</b>	0.10	6.17E-01	0.06	7.77E-01
<b>TOMM20P2</b>	0.02	9.36E-01	-0.06	7.77E-01
<b>TRBV9</b>	0.09	6.52E-01	0.06	7.77E-01
<b>XLOC_010695</b>	0.04	8.50E-01	0.06	7.77E-01
<b>ATP2A2</b>	0.01	9.74E-01	-0.06	7.78E-01

BEX1	-0.48	1.05E-02	-0.06	7.78E-01
COMMD4	0.06	7.79E-01	-0.06	7.78E-01
DPH2	0.10	6.29E-01	0.06	7.78E-01
EIF2S3	0.09	6.36E-01	-0.06	7.78E-01
EIF5A	0.13	5.03E-01	0.06	7.78E-01
ITGB1BP1	-0.09	6.40E-01	-0.06	7.78E-01
KHDRBS1	0.07	7.07E-01	0.06	7.78E-01
LRBA	-0.02	9.17E-01	-0.06	7.78E-01
MIR640	0.13	5.23E-01	0.06	7.78E-01
MPPE1	0.18	3.52E-01	0.06	7.78E-01
MYO1E	0.15	4.38E-01	0.06	7.78E-01
PCDH17	0.07	7.09E-01	-0.06	7.78E-01
PPT2	0.10	6.23E-01	-0.06	7.78E-01
RNU6-204P	0.11	5.71E-01	-0.06	7.78E-01
RNU6-930P	0.13	5.24E-01	0.06	7.78E-01
RP1-224A6.8	-0.10	6.29E-01	-0.06	7.78E-01
RP11-30K9.4	-0.07	7.05E-01	-0.06	7.78E-01
RP11-403P17.6	0.28	1.48E-01	-0.06	7.78E-01
RP11-451B8.1	-0.05	8.18E-01	-0.06	7.78E-01
RP11-508N12.3	-0.35	7.01E-02	-0.06	7.78E-01
RP11-568J23.6	-0.07	7.18E-01	0.06	7.78E-01
RP3-333H23.9	-0.20	3.00E-01	-0.06	7.78E-01
RP3-508I15.21	-0.13	4.99E-01	0.06	7.78E-01
RPS5	0.16	4.21E-01	0.06	7.78E-01
SERP1	0.09	6.55E-01	-0.06	7.78E-01
SMPDL3B	0.14	4.71E-01	0.06	7.78E-01
STX18-IT1	-0.08	7.04E-01	0.06	7.78E-01
UHRF1BP1	0.15	4.31E-01	0.06	7.78E-01
WASF2	0.07	7.22E-01	0.06	7.78E-01
AC002066.1	0.13	5.05E-01	0.06	7.80E-01
AF146191.4	-0.07	7.40E-01	0.06	7.80E-01
AL354808.2	-0.08	6.84E-01	-0.06	7.80E-01
AL358815.1	-0.02	9.10E-01	-0.06	7.80E-01
CCNB1IP1	0.09	6.64E-01	0.06	7.80E-01
CTD-2587M2.1	0.00	9.82E-01	0.06	7.80E-01
DCTN2	0.05	7.83E-01	0.06	7.80E-01
DNLZ	0.23	2.34E-01	-0.06	7.80E-01
GABARAPL2	-0.03	8.95E-01	0.06	7.80E-01
GMEB1	0.09	6.50E-01	0.06	7.80E-01
GS1-124K5.12	0.02	9.33E-01	-0.06	7.80E-01
KLHDC7A	0.33	9.07E-02	0.06	7.80E-01
LGALS3	-0.22	2.58E-01	-0.06	7.80E-01
MAP6D1	0.12	5.29E-01	-0.06	7.80E-01
MIR491	0.23	2.49E-01	0.06	7.80E-01
NDUFA9P1	-0.18	3.68E-01	-0.06	7.80E-01
PRKAR1AP	-0.26	1.81E-01	-0.06	7.80E-01
PTOV1	0.15	4.55E-01	0.06	7.80E-01

<b>RBM3</b>	0.29	1.40E-01	0.06	7.80E-01
<b>RP11-1002K11.1</b>	-0.18	3.49E-01	-0.06	7.80E-01
<b>RP11-18H7.1</b>	-0.07	7.20E-01	-0.06	7.80E-01
<b>RP11-508N22.12</b>	-0.22	2.63E-01	-0.06	7.80E-01
<b>RP11-568G11.4</b>	-0.33	8.45E-02	-0.06	7.80E-01
<b>RP11-644F5.10</b>	-0.10	6.08E-01	0.06	7.80E-01
<b>RP11-674I16.2</b>	-0.06	7.62E-01	0.06	7.80E-01
<b>RP13-638C3.2</b>	-0.17	3.97E-01	0.06	7.80E-01
<b>RP4-657D16.6</b>	-0.16	4.19E-01	0.06	7.80E-01
<b>RPL21P8</b>	-0.40	3.49E-02	0.06	7.80E-01
<b>TP53TG3D</b>	0.13	5.15E-01	0.06	7.80E-01
<b>TRAP1</b>	0.13	5.05E-01	-0.06	7.80E-01
<b>TTC21A</b>	-0.05	8.15E-01	0.06	7.80E-01
<b>USP34</b>	-0.07	7.36E-01	-0.06	7.80E-01
<b>ZFP82</b>	-0.19	3.39E-01	0.06	7.80E-01
<b>AC093838.4</b>	-0.47	1.13E-02	-0.06	7.81E-01
<b>AC124914.3</b>	0.04	8.44E-01	-0.06	7.81E-01
<b>ADSL</b>	0.20	3.03E-01	0.06	7.81E-01
<b>AHSA1</b>	-0.08	6.99E-01	-0.06	7.81E-01
<b>BRAFP1</b>	-0.12	5.34E-01	-0.06	7.81E-01
<b>COL18A1-AS1</b>	-0.07	7.21E-01	0.06	7.81E-01
<b>DOCK9-AS1</b>	0.26	1.89E-01	-0.06	7.81E-01
<b>FAM175B</b>	0.08	6.96E-01	-0.06	7.81E-01
<b>FDPSP3</b>	0.44	1.82E-02	0.06	7.81E-01
<b>FOXN3-AS2</b>	0.05	8.10E-01	-0.06	7.81E-01
<b>G26856</b>	-0.11	5.65E-01	-0.06	7.81E-01
<b>HTT</b>	-0.23	2.39E-01	-0.06	7.81E-01
<b>LAMA4</b>	-0.36	6.07E-02	0.06	7.81E-01
<b>MT1L</b>	0.13	5.25E-01	0.06	7.81E-01
<b>MTHFD1</b>	0.13	4.99E-01	0.06	7.81E-01
<b>NDUFB1</b>	0.10	6.31E-01	0.06	7.81E-01
<b>NUP35</b>	0.22	2.59E-01	0.06	7.81E-01
<b>PPP4R1</b>	0.07	7.36E-01	0.06	7.81E-01
<b>PRKAB1</b>	0.03	8.93E-01	0.06	7.81E-01
<b>RN7SL481P</b>	-0.01	9.75E-01	-0.06	7.81E-01
<b>RNU6-495P</b>	-0.31	1.09E-01	-0.06	7.81E-01
<b>RP1-168P16.3</b>	-0.13	4.98E-01	-0.06	7.81E-01
<b>RP1-77H15.1</b>	-0.11	5.64E-01	0.06	7.81E-01
<b>RP11-1072C15.1</b>	0.21	2.85E-01	-0.06	7.81E-01
<b>RP11-1094H24.4</b>	-0.07	7.16E-01	-0.06	7.81E-01
<b>RP11-128N14.4</b>	-0.04	8.32E-01	-0.06	7.81E-01
<b>RP11-131L12.4</b>	0.23	2.41E-01	-0.06	7.81E-01
<b>RP11-138H8.8</b>	-0.18	3.59E-01	-0.06	7.81E-01
<b>RP11-375N9.2</b>	-0.04	8.25E-01	0.06	7.81E-01
<b>RP11-443P15.2</b>	-0.19	3.45E-01	-0.06	7.81E-01
<b>RP11-632P5.1</b>	-0.27	1.64E-01	-0.06	7.81E-01
<b>RP11-748C4.1</b>	0.06	7.63E-01	-0.06	7.81E-01

RP11-863H1.1	-0.01	9.79E-01	-0.06	7.81E-01
RP11-930P14.2	0.07	7.05E-01	0.06	7.81E-01
SMYD5	0.21	2.75E-01	0.06	7.81E-01
TIMM17A	0.20	2.96E-01	-0.06	7.81E-01
TMEM184C	0.16	4.28E-01	0.06	7.81E-01
TNNI3K	-0.12	5.42E-01	-0.06	7.81E-01
TSACC	-0.12	5.57E-01	-0.06	7.81E-01
TUSC8	-0.11	5.92E-01	0.06	7.81E-01
USP11	-0.03	8.62E-01	-0.06	7.81E-01
XLOC_005369	-0.19	3.24E-01	-0.06	7.81E-01
ZNF655	-0.25	1.99E-01	-0.06	7.81E-01
ADGRE5	-0.18	3.66E-01	-0.06	7.82E-01
AP000351.10	0.03	8.80E-01	0.06	7.82E-01
CD2BP2	0.36	6.01E-02	-0.06	7.82E-01
CMTM2	-0.16	4.19E-01	-0.06	7.82E-01
COMMD8	0.24	2.16E-01	-0.06	7.82E-01
CSTL1	-0.19	3.24E-01	-0.06	7.82E-01
CTD-2283N19.1	0.10	6.14E-01	-0.06	7.82E-01
CYB5RL	0.30	1.17E-01	0.06	7.82E-01
FRMD6-AS2	0.15	4.37E-01	-0.06	7.82E-01
GJA4	-0.21	2.89E-01	0.06	7.82E-01
HIST1H3B	0.04	8.43E-01	-0.06	7.82E-01
KB-1254G8.1	-0.16	4.20E-01	0.06	7.82E-01
MB	-0.06	7.70E-01	0.06	7.82E-01
MKRN3	-0.09	6.41E-01	0.06	7.82E-01
MYH9	0.22	2.71E-01	0.06	7.82E-01
N6AMT1	0.11	5.70E-01	-0.06	7.82E-01
NPBWR1	-0.07	7.18E-01	0.06	7.82E-01
PSMD10	-0.16	4.24E-01	-0.06	7.82E-01
RP11-10A14.9	-0.45	1.74E-02	0.06	7.82E-01
RP11-10C24.3	-0.07	7.18E-01	0.06	7.82E-01
RP11-1280N14.3	0.02	9.04E-01	-0.06	7.82E-01
RP11-190J23.1	-0.25	2.05E-01	-0.06	7.82E-01
RP11-278C7.2	-0.22	2.57E-01	-0.06	7.82E-01
RP11-420A23.1	0.36	6.09E-02	0.06	7.82E-01
RPS26	0.14	4.82E-01	0.06	7.82E-01
SEL1L3	0.16	4.10E-01	0.06	7.82E-01
TGS1	0.41	2.95E-02	-0.06	7.82E-01
TRIAP1	0.00	9.96E-01	-0.06	7.82E-01
TUSC5	0.18	3.60E-01	-0.06	7.82E-01
UTAT33	-0.17	3.91E-01	-0.06	7.82E-01
VAMP5	-0.06	7.50E-01	-0.06	7.82E-01
WDR88	-0.04	8.30E-01	0.06	7.82E-01
ZPR1	0.10	5.97E-01	-0.06	7.82E-01
AC006946.17	-0.24	2.21E-01	0.06	7.83E-01
ACTR1B	0.17	3.97E-01	0.06	7.83E-01
ANXA5	-0.06	7.51E-01	-0.06	7.83E-01

ARL4C	0.13	5.23E-01	0.06	7.83E-01
ASNSP6	-0.04	8.27E-01	0.06	7.83E-01
ATP6V1D	0.17	3.74E-01	0.06	7.83E-01
C17orf78	0.06	7.79E-01	0.06	7.83E-01
C5orf17	-0.10	6.15E-01	0.06	7.83E-01
C9orf40	0.11	5.92E-01	0.06	7.83E-01
CDHR1	-0.29	1.28E-01	-0.06	7.83E-01
CTC-421K24.1	0.15	4.54E-01	0.06	7.83E-01
CTD-2024I7.13	-0.34	7.44E-02	-0.06	7.83E-01
CTD-2381F24.1	-0.08	6.90E-01	-0.06	7.83E-01
EVA1B	0.03	8.99E-01	0.06	7.83E-01
FAM86B2	-0.23	2.31E-01	-0.06	7.83E-01
GS1-124K5.3	0.12	5.43E-01	0.06	7.83E-01
HGH1	0.19	3.40E-01	-0.06	7.83E-01
HSDL2	-0.13	5.02E-01	0.06	7.83E-01
KIFAP3	-0.01	9.70E-01	0.06	7.83E-01
LINC00926	0.11	5.89E-01	0.06	7.83E-01
8-Mar	-0.04	8.40E-01	-0.06	7.83E-01
MDK	-0.05	8.05E-01	-0.06	7.83E-01
MLIP-AS1	0.06	7.61E-01	0.06	7.83E-01
PCID2	0.11	5.71E-01	-0.06	7.83E-01
PTH1R	-0.35	6.77E-02	-0.06	7.83E-01
RHOXF2	-0.06	7.78E-01	-0.06	7.83E-01
RP1-232P20.1	0.14	4.80E-01	0.06	7.83E-01
RP11-123N4.4	0.00	9.92E-01	0.06	7.83E-01
RP11-296A18.5	0.15	4.49E-01	0.06	7.83E-01
RP11-299L17.1	0.04	8.38E-01	-0.06	7.83E-01
RP11-335G20.7	-0.20	3.09E-01	-0.06	7.83E-01
RP11-574K11.32	-0.25	2.07E-01	-0.06	7.83E-01
RP11-94P14.1	-0.39	4.21E-02	0.06	7.83E-01
RPL15P2	-0.15	4.49E-01	0.06	7.83E-01
STK19B	-0.14	4.89E-01	0.06	7.83E-01
TEX22	0.10	6.23E-01	-0.06	7.83E-01
TRAJ17	-0.17	3.99E-01	-0.06	7.83E-01
XLOC_013543	0.38	4.83E-02	0.06	7.83E-01
AL049539.1	-0.24	2.26E-01	0.06	7.84E-01
ALG10B	0.09	6.40E-01	-0.06	7.84E-01
C11orf96	-0.07	7.21E-01	-0.06	7.84E-01
CCT3	0.16	4.28E-01	-0.06	7.84E-01
CTD-2555O16.2	-0.11	5.70E-01	-0.06	7.84E-01
DDX31	0.05	7.94E-01	-0.06	7.84E-01
EPAS1	0.00	9.99E-01	-0.06	7.84E-01
ESRG	-0.11	5.60E-01	-0.06	7.84E-01
FAM35BP	0.23	2.37E-01	0.06	7.84E-01
G10141	0.27	1.65E-01	-0.06	7.84E-01
G35261	-0.04	8.27E-01	-0.06	7.84E-01
GAPDHP46	-0.14	4.64E-01	0.06	7.84E-01

<b>GPR33</b>	0.02	9.00E-01	0.06	7.84E-01
<b>LRRC29</b>	0.16	4.11E-01	-0.06	7.84E-01
<b>MIEF1</b>	0.31	1.12E-01	-0.06	7.84E-01
<b>MIR1180</b>	-0.08	6.79E-01	-0.06	7.84E-01
<b>NMNAT1P1</b>	-0.20	3.16E-01	0.06	7.84E-01
<b>NSUN2</b>	0.15	4.47E-01	-0.06	7.84E-01
<b>PCDHB9</b>	-0.23	2.36E-01	0.06	7.84E-01
<b>PSG1</b>	0.33	8.48E-02	0.06	7.84E-01
<b>RP1-168L15.5</b>	-0.19	3.23E-01	0.06	7.84E-01
<b>RP1-197B17.7</b>	-0.02	9.11E-01	0.06	7.84E-01
<b>RP11-76C10.5</b>	0.11	5.87E-01	-0.06	7.84E-01
<b>RP11-83J16.3</b>	0.31	1.11E-01	0.06	7.84E-01
<b>RP4-784A16.2</b>	-0.14	4.82E-01	-0.06	7.84E-01
<b>SERPINH1</b>	-0.07	7.39E-01	-0.06	7.84E-01
<b>SLC25A14P1</b>	-0.26	1.87E-01	-0.06	7.84E-01
<b>SNX12</b>	0.21	2.78E-01	0.06	7.84E-01
<b>TCP11L2</b>	-0.16	4.04E-01	-0.06	7.84E-01
<b>TUBAP2</b>	-0.08	6.85E-01	0.06	7.84E-01
<b>XLOC_014083</b>	0.18	3.49E-01	0.06	7.84E-01
<b>A4GALT</b>	-0.22	2.68E-01	-0.05	7.85E-01
<b>AC009237.8</b>	-0.31	1.08E-01	-0.05	7.85E-01
<b>CFAP100</b>	-0.05	8.01E-01	-0.05	7.85E-01
<b>CTC-492K19.4</b>	-0.08	6.96E-01	-0.05	7.85E-01
<b>CTD-2515A14.1</b>	0.31	1.09E-01	-0.05	7.85E-01
<b>CTD-2651B20.6</b>	0.23	2.41E-01	-0.05	7.85E-01
<b>KAT8</b>	-0.08	6.97E-01	-0.05	7.85E-01
<b>LINC00517</b>	0.24	2.24E-01	-0.05	7.85E-01
<b>LINC00899</b>	-0.11	5.71E-01	-0.05	7.85E-01
<b>LSG1</b>	0.21	2.77E-01	-0.05	7.85E-01
<b>MRPS12</b>	0.10	6.09E-01	-0.05	7.85E-01
<b>NFIX</b>	-0.02	9.28E-01	-0.05	7.85E-01
<b>PDZD9</b>	-0.21	2.73E-01	-0.05	7.85E-01
<b>PHKA2</b>	0.16	4.27E-01	-0.05	7.85E-01
<b>RP11-118M9.3</b>	-0.17	4.00E-01	-0.05	7.85E-01
<b>RP11-392O1.4</b>	0.04	8.43E-01	-0.05	7.85E-01
<b>RP11-526K21.2</b>	-0.40	3.29E-02	-0.05	7.85E-01
<b>RP11-64K7.1</b>	0.04	8.36E-01	-0.05	7.85E-01
<b>AC114969.1</b>	-0.43	2.34E-02	0.05	7.85E-01
<b>BDKRB1</b>	-0.03	8.71E-01	0.05	7.85E-01
<b>CIAPIN1</b>	0.27	1.57E-01	0.05	7.85E-01
<b>CTD-2595P9.2</b>	-0.04	8.22E-01	0.05	7.85E-01
<b>DLGAP5</b>	0.10	6.04E-01	0.05	7.85E-01
<b>EXOSC7</b>	-0.11	5.77E-01	0.05	7.85E-01
<b>G11276</b>	0.27	1.66E-01	0.05	7.85E-01
<b>HEY1</b>	-0.12	5.59E-01	0.05	7.85E-01
<b>HN1L</b>	0.09	6.45E-01	0.05	7.85E-01
<b>LINC01268</b>	-0.11	5.67E-01	0.05	7.85E-01

MT-TV	0.05	8.19E-01	0.05	7.85E-01
PITHD1	0.04	8.53E-01	0.05	7.85E-01
RP11-440L14.4	0.20	2.97E-01	0.05	7.85E-01
RP11-46A10.8	-0.11	5.72E-01	0.05	7.85E-01
RP11-680G10.1	-0.06	7.48E-01	0.05	7.85E-01
RP4-730K3.3	0.10	6.23E-01	0.05	7.85E-01
RPL29P24	-0.07	7.33E-01	0.05	7.85E-01
RPS18P9	0.31	1.09E-01	0.05	7.85E-01
S100A13	-0.05	8.09E-01	0.05	7.85E-01
SBSN	0.07	7.18E-01	0.05	7.85E-01
U6	-0.01	9.47E-01	0.05	7.85E-01
UBE2I	0.05	7.95E-01	0.05	7.85E-01
XLOC_006312	-0.16	4.10E-01	0.05	7.85E-01
AC005224.2	-0.15	4.46E-01	-0.05	7.87E-01
AP000462.1	0.18	3.46E-01	0.05	7.87E-01
ASXL1	0.09	6.34E-01	0.05	7.87E-01
BFAR	0.14	4.69E-01	-0.05	7.87E-01
C19orf70	0.15	4.36E-01	-0.05	7.87E-01
CAPN5	-0.12	5.44E-01	0.05	7.87E-01
CTC-366B18.4	-0.16	4.04E-01	-0.05	7.87E-01
CTC-428G20.6	0.10	5.96E-01	-0.05	7.87E-01
EMC3	0.19	3.30E-01	0.05	7.87E-01
FAM71C	-0.05	8.10E-01	-0.05	7.87E-01
FBXW4P1	0.03	8.64E-01	0.05	7.87E-01
G354	0.06	7.77E-01	0.05	7.87E-01
HESX1	-0.29	1.28E-01	0.05	7.87E-01
INCENP	0.06	7.59E-01	-0.05	7.87E-01
KLRC1	-0.05	7.86E-01	-0.05	7.87E-01
KRT18P15	0.15	4.53E-01	0.05	7.87E-01
LRRC26	-0.18	3.51E-01	0.05	7.87E-01
MIR4263	-0.04	8.22E-01	0.05	7.87E-01
NUP85	0.03	8.74E-01	0.05	7.87E-01
POU5F1P5	-0.18	3.55E-01	0.05	7.87E-01
RN7SKP239	-0.13	5.15E-01	-0.05	7.87E-01
RNU6-1291P	0.03	8.90E-01	-0.05	7.87E-01
RP1-118J21.25	0.16	4.26E-01	-0.05	7.87E-01
RP11-138I1.3	0.16	4.16E-01	-0.05	7.87E-01
RP11-156K13.1	0.27	1.72E-01	-0.05	7.87E-01
RP11-161M6.6	-0.15	4.60E-01	-0.05	7.87E-01
RP11-206F17.2	0.07	7.33E-01	0.05	7.87E-01
RP11-289H16.1	-0.71	2.25E-05	-0.05	7.87E-01
RP11-812I20.2	-0.09	6.40E-01	-0.05	7.87E-01
RP11-89K11.1	-0.18	3.63E-01	0.05	7.87E-01
RP5-963E22.6	0.30	1.15E-01	-0.05	7.87E-01
RTL1	-0.16	4.08E-01	-0.05	7.87E-01
SLC15A2	0.04	8.58E-01	-0.05	7.87E-01
SLIT2-IT1	0.03	8.78E-01	-0.05	7.87E-01

SMYD3	-0.14	4.92E-01	0.05	7.87E-01
SNRPCP3	-0.37	5.21E-02	-0.05	7.87E-01
SS18L2	0.07	7.15E-01	0.05	7.87E-01
URGCP	0.10	5.97E-01	0.05	7.87E-01
XLOC_005768	-0.23	2.29E-01	0.05	7.87E-01
XLOC_006645	0.09	6.59E-01	0.05	7.87E-01
ALAS2	-0.21	2.78E-01	0.05	7.88E-01
BNIP3P8	0.03	8.71E-01	-0.05	7.88E-01
CCDC144B	0.07	7.26E-01	0.05	7.88E-01
CTD-2544H17.1	-0.22	2.56E-01	-0.05	7.88E-01
FOXJ1	0.06	7.71E-01	-0.05	7.88E-01
HCAR1	0.03	8.97E-01	-0.05	7.88E-01
HNF1A	-0.30	1.27E-01	0.05	7.88E-01
ILK	-0.35	6.84E-02	-0.05	7.88E-01
MIR1539	-0.11	5.63E-01	-0.05	7.88E-01
MIRLET7A1	0.10	6.15E-01	0.05	7.88E-01
MRPS11	0.26	1.74E-01	0.05	7.88E-01
P2RX6P	0.42	2.72E-02	-0.05	7.88E-01
PGAM1P4	0.33	8.81E-02	0.05	7.88E-01
PRDX6	0.02	9.34E-01	-0.05	7.88E-01
RN7SKP154	0.03	8.73E-01	-0.05	7.88E-01
RNA5SP82	0.26	1.90E-01	0.05	7.88E-01
RP11-211A18.1	-0.15	4.43E-01	-0.05	7.88E-01
RP11-288G3.4	-0.22	2.71E-01	-0.05	7.88E-01
RP11-377D9.3	-0.08	6.95E-01	0.05	7.88E-01
RP11-684B2.3	-0.34	7.34E-02	-0.05	7.88E-01
RP5-937E21.8	0.10	6.19E-01	-0.05	7.88E-01
SCARNA10	-0.07	7.16E-01	0.05	7.88E-01
SCRN2	-0.21	2.85E-01	0.05	7.88E-01
SEPT7P6	-0.01	9.64E-01	-0.05	7.88E-01
SGMS1-AS1	-0.14	4.89E-01	0.05	7.88E-01
SH3GL3	0.12	5.52E-01	0.05	7.88E-01
THUMPD3	0.13	5.14E-01	0.05	7.88E-01
TRDC	0.05	8.12E-01	-0.05	7.88E-01
XLOC_004166	0.29	1.33E-01	-0.05	7.88E-01
ZDHHC13	0.28	1.48E-01	-0.05	7.88E-01
AC007383.3	-0.08	6.89E-01	0.05	7.89E-01
ATP5C1	0.07	7.12E-01	-0.05	7.89E-01
C10orf35	-0.04	8.54E-01	-0.05	7.89E-01
CTD-2666L21.3	0.03	8.61E-01	-0.05	7.89E-01
DPY19L3	0.01	9.57E-01	-0.05	7.89E-01
EIF4A2P2	0.18	3.60E-01	-0.05	7.89E-01
FIGNL1	0.16	4.08E-01	0.05	7.89E-01
KLK5	-0.21	2.79E-01	-0.05	7.89E-01
LAMA5-AS1	-0.20	3.19E-01	-0.05	7.89E-01
PCDHAC1	-0.14	4.66E-01	-0.05	7.89E-01
PHLDA2	0.21	2.80E-01	0.05	7.89E-01



PRMT1P1	-0.40	3.48E-02	-0.05	7.89E-01
RNU6-745P	0.29	1.33E-01	-0.05	7.89E-01
RP11-1017G21.6	-0.07	7.36E-01	-0.05	7.89E-01
RP11-1246C19.1	-0.18	3.66E-01	-0.05	7.89E-01
RP11-139H15.6	-0.12	5.53E-01	-0.05	7.89E-01
RP11-211C9.1	-0.49	8.49E-03	0.05	7.89E-01
RP11-22B23.2	0.12	5.39E-01	0.05	7.89E-01
RP11-267N12.2	-0.18	3.65E-01	0.05	7.89E-01
RP11-2J18.1	-0.31	1.08E-01	-0.05	7.89E-01
RP11-435B5.4	-0.11	5.89E-01	0.05	7.89E-01
RP11-739P1.2	0.11	5.82E-01	-0.05	7.89E-01
RP11-96D1.3	0.17	3.93E-01	-0.05	7.89E-01
RP5-882O7.1	0.03	8.89E-01	-0.05	7.89E-01
RPAIN	-0.24	2.18E-01	-0.05	7.89E-01
RPL8	0.03	8.82E-01	0.05	7.89E-01
SDAD1	0.25	2.01E-01	-0.05	7.89E-01
SLC25A52	-0.48	8.97E-03	-0.05	7.89E-01
SMIM10L2A	-0.20	3.05E-01	-0.05	7.89E-01
SNORA2A	0.18	3.60E-01	0.05	7.89E-01
SNRPN	-0.27	1.65E-01	-0.05	7.89E-01
SNX13	0.20	3.11E-01	0.05	7.89E-01
SRXN1	0.31	1.13E-01	-0.05	7.89E-01
TYRO3	0.06	7.79E-01	0.05	7.89E-01
AP003025.2	0.06	7.52E-01	0.05	7.90E-01
APH1B	0.05	7.82E-01	0.05	7.90E-01
ASGR2	-0.17	3.96E-01	0.05	7.90E-01
BOP1	0.13	5.10E-01	0.05	7.90E-01
BTNL2	-0.11	5.78E-01	0.05	7.90E-01
CIDCEP	-0.16	4.29E-01	-0.05	7.90E-01
CMAS	0.21	2.95E-01	0.05	7.90E-01
CTC-277H1.6	0.03	8.95E-01	-0.05	7.90E-01
CTD-2228K2.7	-0.16	4.10E-01	0.05	7.90E-01
DZIP1	0.17	3.83E-01	0.05	7.90E-01
FAM65B	0.14	4.66E-01	0.05	7.90E-01
FTH1P8	0.12	5.35E-01	0.05	7.90E-01
HOKK1	-0.14	4.86E-01	-0.05	7.90E-01
HSPE1P8	0.09	6.54E-01	-0.05	7.90E-01
KDELR1	0.10	6.23E-01	0.05	7.90E-01
LINC01122	-0.10	6.13E-01	-0.05	7.90E-01
LYPLA2	0.24	2.11E-01	0.05	7.90E-01
MMD	-0.45	1.73E-02	0.05	7.90E-01
NALCN-AS1	-0.08	6.80E-01	0.05	7.90E-01
NOD1	-0.09	6.40E-01	0.05	7.90E-01
PIP5K1B	-0.36	6.24E-02	0.05	7.90E-01
PPIAP10	0.21	2.85E-01	-0.05	7.90E-01
RN7SKP78	0.08	6.98E-01	-0.05	7.90E-01
RNU6-652P	0.04	8.56E-01	0.05	7.90E-01

RP1-274L7.4	-0.25	1.97E-01	0.05	7.90E-01
RP11-146G7.2	0.07	7.33E-01	-0.05	7.90E-01
RP11-160O5.1	-0.51	5.18E-03	0.05	7.90E-01
RP11-235E17.4	0.10	6.15E-01	0.05	7.90E-01
RP11-270M14.4	-0.40	3.53E-02	0.05	7.90E-01
RP11-274J7.3	-0.43	2.31E-02	-0.05	7.90E-01
RP11-498M5.2	0.17	4.00E-01	-0.05	7.90E-01
RP11-701H24.5	-0.14	4.75E-01	-0.05	7.90E-01
RP6-109B7.2	0.26	1.80E-01	-0.05	7.90E-01
RPL36AP13	0.13	4.98E-01	0.05	7.90E-01
SS18	0.22	2.66E-01	0.05	7.90E-01
STAM	0.12	5.47E-01	0.05	7.90E-01
SVIL-AS1	0.25	2.08E-01	0.05	7.90E-01
UPF3A	-0.22	2.70E-01	0.05	7.90E-01
YWHABP2	-0.01	9.58E-01	0.05	7.90E-01
CNR2	0.03	8.90E-01	-0.05	7.91E-01
ERICH6	-0.16	4.02E-01	-0.05	7.91E-01
GSN	0.06	7.47E-01	-0.05	7.91E-01
MAPK1IP1L	0.09	6.50E-01	-0.05	7.91E-01
MYL6	-0.03	8.83E-01	-0.05	7.91E-01
RN7SKP274	-0.33	8.90E-02	-0.05	7.91E-01
RP11-122K13.7	0.07	7.23E-01	-0.05	7.91E-01
RP11-677M14.7	0.56	2.08E-03	-0.05	7.91E-01
RP11-723D22.3	-0.14	4.85E-01	-0.05	7.91E-01
RP11-834C11.8	-0.10	6.22E-01	-0.05	7.91E-01
RP3-476K8.4	-0.26	1.88E-01	-0.05	7.91E-01
SUMO4	-0.16	4.23E-01	-0.05	7.91E-01
UBXN2B	0.00	9.86E-01	-0.05	7.91E-01
YDJC	0.09	6.55E-01	-0.05	7.91E-01
ABC6	-0.22	2.57E-01	0.05	7.91E-01
AC084082.3	0.15	4.58E-01	0.05	7.91E-01
AL021917.1	0.03	8.71E-01	0.05	7.91E-01
ARID1B	-0.11	5.76E-01	0.05	7.91E-01
ARPC1A	0.13	5.19E-01	0.05	7.91E-01
C2CD4B	0.11	5.71E-01	0.05	7.91E-01
CCNJP2	0.02	9.04E-01	0.05	7.91E-01
FKBPL	0.17	3.86E-01	0.05	7.91E-01
LLNLR-268E12.1	-0.03	8.81E-01	0.05	7.91E-01
MRPL45	0.18	3.48E-01	0.05	7.91E-01
POLE2	0.01	9.54E-01	0.05	7.91E-01
PRKACB	0.13	5.26E-01	0.05	7.91E-01
RN7SL37P	-0.05	7.94E-01	0.05	7.91E-01
RP11-133K1.9	0.18	3.52E-01	0.05	7.91E-01
RP11-401E9.3	-0.14	4.87E-01	0.05	7.91E-01
RP11-933H2.4	-0.16	4.16E-01	0.05	7.91E-01
RPS7P10	-0.21	2.93E-01	0.05	7.91E-01
SNUPN	0.22	2.71E-01	0.05	7.91E-01

UBR2	-0.17	3.90E-01	0.05	7.91E-01
AMD1	0.05	8.00E-01	-0.05	7.92E-01
AP000223.42	-0.30	1.16E-01	-0.05	7.92E-01
ATG10	-0.09	6.58E-01	-0.05	7.92E-01
CRYAB	-0.01	9.67E-01	-0.05	7.92E-01
CTC-529G1.1	0.23	2.48E-01	-0.05	7.92E-01
DNAJA2	0.12	5.54E-01	-0.05	7.92E-01
EIF4E	0.29	1.36E-01	-0.05	7.92E-01
ELK1	0.20	3.02E-01	-0.05	7.92E-01
FAM149A	-0.10	6.31E-01	-0.05	7.92E-01
FAM86C2P	0.11	5.88E-01	-0.05	7.92E-01
FLJ21408	-0.11	5.72E-01	-0.05	7.92E-01
G31252	0.02	9.02E-01	-0.05	7.92E-01
GTF2IP14	-0.03	8.99E-01	-0.05	7.92E-01
IL1RAP	0.34	7.66E-02	-0.05	7.92E-01
RNF11B	-0.39	3.76E-02	-0.05	7.92E-01
RP11-304F15.6	-0.15	4.55E-01	-0.05	7.92E-01
RP11-69I8.3	-0.13	5.11E-01	-0.05	7.92E-01
RP11-762I7.4	-0.11	5.92E-01	-0.05	7.92E-01
RP11-92F20.1	-0.18	3.58E-01	-0.05	7.92E-01
RPL13P4	-0.08	6.79E-01	-0.05	7.92E-01
SND1	0.07	7.05E-01	-0.05	7.92E-01
TBX5	-0.06	7.67E-01	-0.05	7.92E-01
TM7SF2	0.06	7.59E-01	-0.05	7.92E-01
ZNF131	0.33	8.16E-02	-0.05	7.92E-01
AP001437.1	-0.25	2.03E-01	0.05	7.92E-01
CBY3	-0.23	2.37E-01	0.05	7.92E-01
CCPG1	-0.13	4.97E-01	0.05	7.92E-01
DGCR11	0.25	2.03E-01	0.05	7.92E-01
RP11-172F4.2	0.06	7.66E-01	0.05	7.92E-01
RP11-374A4.1	-0.18	3.69E-01	0.05	7.92E-01
RP11-467K18.2	-0.05	8.12E-01	0.05	7.92E-01
RP11-484N16.1	-0.17	3.76E-01	0.05	7.92E-01
RP3-406P24.3	0.06	7.70E-01	0.05	7.92E-01
RPL15P3	0.23	2.46E-01	0.05	7.92E-01
TMEM30A	0.12	5.38E-01	0.05	7.92E-01
TRMT112	0.15	4.52E-01	0.05	7.92E-01
ZNF346-IT1	-0.06	7.55E-01	0.05	7.92E-01
ZNF724P	0.11	5.78E-01	0.05	7.92E-01
AC006126.4	-0.05	8.10E-01	-0.05	7.94E-01
AC012146.7	0.14	4.75E-01	0.05	7.94E-01
AP000462.2	0.00	9.87E-01	0.05	7.94E-01
ARF4-AS1	0.03	8.87E-01	0.05	7.94E-01
ASS1P2	0.10	6.29E-01	0.05	7.94E-01
C11orf80	0.03	8.88E-01	0.05	7.94E-01
C1orf106	0.03	8.75E-01	0.05	7.94E-01
CHCHD2P2	0.10	6.19E-01	-0.05	7.94E-01

COL6A4P1	-0.14	4.70E-01	0.05	7.94E-01
CTD-2012K14.5	0.00	9.96E-01	0.05	7.94E-01
CTD-2307P3.1	0.30	1.18E-01	-0.05	7.94E-01
CTD-3065B20.2	-0.23	2.37E-01	-0.05	7.94E-01
CYFIP2	0.09	6.49E-01	-0.05	7.94E-01
DHH	-0.39	3.89E-02	0.05	7.94E-01
ELAC1	0.19	3.30E-01	0.05	7.94E-01
EME1	-0.02	9.04E-01	-0.05	7.94E-01
FLT4	-0.01	9.63E-01	0.05	7.94E-01
G33271	0.17	4.00E-01	0.05	7.94E-01
GPOR1	0.06	7.68E-01	0.05	7.94E-01
HIST1H2AB	0.00	9.85E-01	0.05	7.94E-01
IKZF4	0.07	7.18E-01	0.05	7.94E-01
IMPA1	0.19	3.39E-01	-0.05	7.94E-01
ISCU	-0.10	6.14E-01	-0.05	7.94E-01
LZIC	-0.11	5.84E-01	0.05	7.94E-01
MADD	-0.09	6.51E-01	0.05	7.94E-01
MTHFSD	-0.32	9.74E-02	0.05	7.94E-01
PARP1	0.02	9.12E-01	0.05	7.94E-01
RASGRF1	0.14	4.72E-01	-0.05	7.94E-01
RBMS2	-0.10	6.19E-01	0.05	7.94E-01
RCL1	0.32	9.27E-02	-0.05	7.94E-01
RNU6-828P	-0.03	8.98E-01	0.05	7.94E-01
RP1-283E3.8	-0.27	1.61E-01	-0.05	7.94E-01
RP11-311B14.1	-0.18	3.46E-01	-0.05	7.94E-01
RP11-420A21.1	-0.08	6.96E-01	-0.05	7.94E-01
RP11-44N11.1	-0.20	3.06E-01	0.05	7.94E-01
RP11-461O7.1	0.02	9.12E-01	0.05	7.94E-01
RP11-523O18.7	0.04	8.55E-01	-0.05	7.94E-01
RP11-747H7.3	0.17	3.96E-01	0.05	7.94E-01
RP4-612C19.1	-0.45	1.53E-02	0.05	7.94E-01
RPL23A	0.15	4.54E-01	0.05	7.94E-01
RPL5P13	-0.05	7.97E-01	0.05	7.94E-01
RPS2P5	-0.34	8.08E-02	0.05	7.94E-01
SERTAD3	-0.06	7.59E-01	-0.05	7.94E-01
SLTM	0.10	6.19E-01	0.05	7.94E-01
SPRED3	-0.18	3.48E-01	0.05	7.94E-01
XLOC_013942	-0.10	5.99E-01	0.05	7.94E-01
XX-DJ76P10__A.2	-0.33	8.51E-02	-0.05	7.94E-01
ZBTB48	0.30	1.22E-01	0.05	7.94E-01
ZNF774	0.20	3.20E-01	0.05	7.94E-01
AC099048.1	0.29	1.36E-01	-0.05	7.95E-01
CTA-440B3.1	-0.10	6.06E-01	-0.05	7.95E-01
FAM46A	0.37	5.44E-02	-0.05	7.95E-01
FANK1	-0.02	9.17E-01	-0.05	7.95E-01
HDAC2	0.27	1.58E-01	-0.05	7.95E-01
HRCT1	-0.26	1.74E-01	-0.05	7.95E-01

KLHL41	-0.30	1.27E-01	-0.05	7.95E-01
RP11-266K4.14	-0.33	8.21E-02	-0.05	7.95E-01
RP11-288E14.2	0.18	3.69E-01	-0.05	7.95E-01
RP11-43F13.4	-0.04	8.21E-01	-0.05	7.95E-01
RP3-388E23.2	-0.10	6.00E-01	-0.05	7.95E-01
SNRPE	0.04	8.35E-01	-0.05	7.95E-01
TRIM52	0.07	7.25E-01	-0.05	7.95E-01
WBSCR22	0.22	2.51E-01	-0.05	7.95E-01
ZFAT	0.11	5.92E-01	-0.05	7.95E-01
AC007036.4	0.00	9.89E-01	0.05	7.95E-01
BLOC1S6	0.38	4.51E-02	0.05	7.95E-01
BTF3P7	-0.29	1.36E-01	0.05	7.95E-01
C11orf31	0.08	6.76E-01	0.05	7.95E-01
CACNA1D	-0.19	3.38E-01	0.05	7.95E-01
DBNDD2	-0.07	7.24E-01	0.05	7.95E-01
MTCO2P12	0.01	9.51E-01	0.05	7.95E-01
RP11-53B2.1	-0.04	8.36E-01	0.05	7.95E-01
RP4-806M20.3	0.03	8.77E-01	0.05	7.95E-01
RP5-1092A11.2	0.17	3.76E-01	0.05	7.95E-01
SLC25A15	0.30	1.22E-01	0.05	7.95E-01
SLC6A9	0.08	6.77E-01	0.05	7.95E-01
SOCS2-AS1	-0.30	1.23E-01	0.05	7.95E-01
TPSAB1	0.17	3.82E-01	0.05	7.95E-01
TRAV8-6	0.18	3.49E-01	0.05	7.95E-01
XPR1	0.04	8.27E-01	0.05	7.95E-01
AC093382.1	0.17	3.92E-01	0.05	7.96E-01
ADHFE1	-0.26	1.86E-01	0.05	7.96E-01
CADM3-AS1	-0.06	7.77E-01	-0.05	7.96E-01
CDC42EP5	0.35	6.75E-02	-0.05	7.96E-01
CLTB	0.09	6.58E-01	0.05	7.96E-01
CRB3	-0.07	7.42E-01	-0.05	7.96E-01
CSRP3	-0.23	2.42E-01	0.05	7.96E-01
CTA-363E6.2	-0.12	5.41E-01	0.05	7.96E-01
DAPL1	0.13	4.99E-01	0.05	7.96E-01
DNAH17-AS1	0.11	5.71E-01	-0.05	7.96E-01
EBNA1BP2	0.10	5.97E-01	-0.05	7.96E-01
ENO1P3	-0.11	5.85E-01	-0.05	7.96E-01
EXO1	0.07	7.05E-01	-0.05	7.96E-01
G22214	-0.05	7.94E-01	0.05	7.96E-01
GGT2	0.07	7.16E-01	0.05	7.96E-01
GSX2	0.08	7.04E-01	0.05	7.96E-01
HKDC1	0.32	9.96E-02	0.05	7.96E-01
KDM1A	0.14	4.73E-01	0.05	7.96E-01
KRT41P	0.21	2.95E-01	-0.05	7.96E-01
LINC01191	-0.02	9.16E-01	-0.05	7.96E-01
LL22NC03-86G7.1	0.04	8.49E-01	0.05	7.96E-01
MAPT	-0.11	5.80E-01	0.05	7.96E-01

PLPPR1	-0.16	4.20E-01	0.05	7.96E-01
RBM17P4	-0.11	5.79E-01	-0.05	7.96E-01
RCOR1	0.20	3.04E-01	-0.05	7.96E-01
RNU6-1112P	-0.24	2.24E-01	-0.05	7.96E-01
RP11-1007O24.2	-0.04	8.38E-01	-0.05	7.96E-01
RP11-177C12.1	0.17	3.95E-01	-0.05	7.96E-01
RP11-383C6.2	-0.27	1.69E-01	0.05	7.96E-01
RP11-626G11.6	0.28	1.48E-01	0.05	7.96E-01
RP11-732M18.2	-0.09	6.65E-01	-0.05	7.96E-01
RP11-767N6.2	-0.28	1.48E-01	-0.05	7.96E-01
RP3-402G11.27	0.13	5.07E-01	0.05	7.96E-01
S100A2	0.01	9.69E-01	0.05	7.96E-01
TSPAN2	-0.06	7.58E-01	-0.05	7.96E-01
UHRF2P1	0.13	5.25E-01	0.05	7.96E-01
YAP1P1	-0.04	8.21E-01	-0.05	7.96E-01
ZUFSP	0.24	2.21E-01	-0.05	7.96E-01
ANXA7	0.04	8.50E-01	0.05	7.97E-01
C2orf72	0.13	5.18E-01	0.05	7.97E-01
CGGBP1	0.08	6.82E-01	0.05	7.97E-01
DCTN3	-0.07	7.18E-01	0.05	7.97E-01
NSD1	0.01	9.57E-01	0.05	7.97E-01
PGD	0.32	9.81E-02	0.05	7.97E-01
RP11-25G10.2	0.18	3.59E-01	0.05	7.97E-01
RP11-326L2.1	-0.01	9.54E-01	0.05	7.97E-01
RP11-476C8.2	0.12	5.37E-01	0.05	7.97E-01
RP11-6I2.3	-0.11	5.71E-01	0.05	7.97E-01
RP11-74E22.8	-0.29	1.35E-01	0.05	7.97E-01
RP5-884C9.2	-0.12	5.34E-01	0.05	7.97E-01
SLC25A42	-0.01	9.70E-01	0.05	7.97E-01
SMAD3	0.25	2.06E-01	0.05	7.97E-01
UMPS	0.15	4.37E-01	0.05	7.97E-01
ZNF438	-0.17	3.86E-01	0.05	7.97E-01
AC004951.6	0.08	6.80E-01	-0.05	7.97E-01
AK3P3	0.05	7.84E-01	-0.05	7.97E-01
C8orf33	0.02	9.32E-01	-0.05	7.97E-01
CTC-435M10.12	0.19	3.39E-01	-0.05	7.97E-01
DUS3L	-0.10	6.00E-01	-0.05	7.97E-01
GPR62	0.08	6.80E-01	-0.05	7.97E-01
KRTAP4-6	-0.26	1.89E-01	-0.05	7.97E-01
NCKAP5-IT1	0.12	5.38E-01	-0.05	7.97E-01
NCR1	0.16	4.09E-01	-0.05	7.97E-01
PSORS1C1	0.17	3.73E-01	-0.05	7.97E-01
RNU6-638P	-0.10	6.29E-01	-0.05	7.97E-01
RP11-290F5.1	0.24	2.23E-01	-0.05	7.97E-01
RP11-439E19.10	-0.02	9.25E-01	-0.05	7.97E-01
RP11-57H14.5	0.15	4.60E-01	-0.05	7.97E-01
RP11-630D6.5	0.06	7.53E-01	-0.05	7.97E-01

<b>RP11-950C14.3</b>	-0.29	1.30E-01	-0.05	7.97E-01
<b>RP13-204A15.5</b>	-0.29	1.39E-01	-0.05	7.97E-01
<b>RPL21P75</b>	0.34	7.44E-02	-0.05	7.97E-01
<b>RPS6KA2-IT1</b>	-0.10	6.23E-01	-0.05	7.97E-01
<b>RRP7A</b>	0.34	7.59E-02	-0.05	7.97E-01
<b>TMCO5A</b>	-0.08	6.87E-01	-0.05	7.97E-01
<b>VTI1A</b>	-0.04	8.54E-01	-0.05	7.97E-01
<b>ZC3H6</b>	-0.18	3.72E-01	-0.05	7.97E-01
<b>ZNF330</b>	0.05	7.99E-01	-0.05	7.97E-01
<b>ZNF436-AS1</b>	-0.28	1.52E-01	-0.05	7.97E-01
<b>ZNF518A</b>	-0.08	6.84E-01	-0.05	7.97E-01
<b>AAMP</b>	0.12	5.53E-01	-0.05	7.98E-01
<b>AC007016.3</b>	-0.15	4.60E-01	-0.05	7.98E-01
<b>CELF2</b>	-0.34	7.27E-02	-0.05	7.98E-01
<b>FCF1P7</b>	-0.26	1.76E-01	-0.05	7.98E-01
<b>G5246</b>	-0.18	3.57E-01	-0.05	7.98E-01
<b>RP11-109D20.1</b>	0.27	1.58E-01	-0.05	7.98E-01
<b>RP11-538D16.3</b>	0.15	4.60E-01	-0.05	7.98E-01
<b>TCEB1P33</b>	0.33	8.64E-02	-0.05	7.98E-01
<b>TFAM</b>	0.32	9.45E-02	-0.05	7.98E-01
<b>TNFRSF25</b>	-0.17	3.79E-01	-0.05	7.98E-01
<b>TNPO1P1</b>	-0.06	7.54E-01	-0.05	7.98E-01
<b>USP2-AS1</b>	0.20	3.12E-01	-0.05	7.98E-01
<b>ABHD15</b>	0.19	3.26E-01	0.05	7.98E-01
<b>GAS1</b>	-0.09	6.39E-01	0.05	7.98E-01
<b>GTF3C2</b>	0.38	4.74E-02	0.05	7.98E-01
<b>HLX</b>	-0.04	8.55E-01	0.05	7.98E-01
<b>LRRC47</b>	0.21	2.74E-01	0.05	7.98E-01
<b>OGT</b>	0.01	9.40E-01	0.05	7.98E-01
<b>PROS1</b>	0.13	5.13E-01	0.05	7.98E-01
<b>RP1-90J20.8</b>	-0.09	6.58E-01	0.05	7.98E-01
<b>RP11-118E18.1</b>	0.00	9.82E-01	0.05	7.98E-01
<b>RP11-50D16.4</b>	-0.08	6.80E-01	0.05	7.98E-01
<b>SLX4</b>	0.11	5.86E-01	0.05	7.98E-01
<b>UBE2D1</b>	0.18	3.70E-01	0.05	7.98E-01
<b>AL590452.1</b>	-0.23	2.36E-01	-0.05	7.99E-01
<b>BCL7C</b>	0.04	8.37E-01	-0.05	7.99E-01
<b>CDK8</b>	-0.05	8.17E-01	0.05	7.99E-01
<b>COL11A2</b>	-0.08	6.77E-01	0.05	7.99E-01
<b>COPS5</b>	-0.06	7.77E-01	-0.05	7.99E-01
<b>CTD-2006C1.2</b>	-0.18	3.57E-01	0.05	7.99E-01
<b>EFCAB13</b>	-0.09	6.51E-01	-0.05	7.99E-01
<b>ERMARD</b>	-0.05	8.19E-01	-0.05	7.99E-01
<b>FAM126A</b>	-0.01	9.59E-01	-0.05	7.99E-01
<b>FANCD2</b>	0.03	8.73E-01	-0.05	7.99E-01
<b>G25119</b>	-0.35	6.44E-02	0.05	7.99E-01
<b>G33706</b>	-0.23	2.37E-01	-0.05	7.99E-01

<b>G3900</b>	-0.05	8.03E-01	0.05	7.99E-01
<b>G41767</b>	-0.33	9.12E-02	0.05	7.99E-01
<b>GABPA</b>	0.07	7.22E-01	-0.05	7.99E-01
<b>GIPC1</b>	0.21	2.95E-01	0.05	7.99E-01
<b>HIST1H2AI</b>	-0.09	6.42E-01	-0.05	7.99E-01
<b>LINC00654</b>	-0.16	4.13E-01	0.05	7.99E-01
<b>MBL1P</b>	-0.06	7.67E-01	0.05	7.99E-01
<b>MTAPP2</b>	-0.19	3.21E-01	0.05	7.99E-01
<b>NUP107</b>	0.09	6.48E-01	-0.05	7.99E-01
<b>RP1-184J9.2</b>	-0.18	3.50E-01	-0.05	7.99E-01
<b>RP11-403H13.1</b>	0.01	9.65E-01	-0.05	7.99E-01
<b>RP11-4B16.1</b>	0.00	9.99E-01	0.05	7.99E-01
<b>RP11-571M6.17</b>	0.07	7.21E-01	0.05	7.99E-01
<b>RP11-665C16.1</b>	-0.23	2.29E-01	0.05	7.99E-01
<b>RP3-523C21.2</b>	-0.24	2.23E-01	-0.05	7.99E-01
<b>RPL7L1P12</b>	0.19	3.42E-01	-0.05	7.99E-01
<b>RPS6KA4</b>	0.10	5.98E-01	0.05	7.99E-01
<b>S100A14</b>	0.10	6.25E-01	-0.05	7.99E-01
<b>SENP8</b>	0.15	4.49E-01	0.05	7.99E-01
<b>SLC39A4</b>	-0.05	8.14E-01	-0.05	7.99E-01
<b>SNORD117</b>	0.06	7.69E-01	-0.05	7.99E-01
<b>TSN</b>	0.09	6.58E-01	-0.05	7.99E-01
<b>USP14</b>	-0.05	7.85E-01	-0.05	7.99E-01
<b>XLOC_004054</b>	0.15	4.35E-01	0.05	7.99E-01
<b>ZIC2</b>	0.08	6.75E-01	-0.05	7.99E-01
<b>ZNF426</b>	0.24	2.15E-01	0.05	7.99E-01
<b>AC106873.4</b>	0.01	9.53E-01	0.05	8.01E-01
<b>AF131215.3</b>	-0.05	7.99E-01	0.05	8.01E-01
<b>CTB-79E8.3</b>	-0.04	8.25E-01	0.05	8.01E-01
<b>ELAC2</b>	0.12	5.48E-01	0.05	8.01E-01
<b>RBBP9</b>	-0.02	9.01E-01	0.05	8.01E-01
<b>RNU6-1020P</b>	-0.21	2.89E-01	0.05	8.01E-01
<b>RP11-83B20.1</b>	-0.43	2.36E-02	0.05	8.01E-01
<b>SLC40A1</b>	0.26	1.77E-01	0.05	8.01E-01
<b>XLOC_012057</b>	0.03	8.70E-01	0.05	8.01E-01
<b>B4GALT2</b>	-0.03	8.78E-01	-0.05	8.01E-01
<b>C8orf34</b>	-0.13	5.07E-01	-0.05	8.01E-01
<b>CDH16</b>	-0.18	3.67E-01	-0.05	8.01E-01
<b>ERP44</b>	0.10	6.26E-01	-0.05	8.01E-01
<b>FCHO1</b>	-0.21	2.80E-01	-0.05	8.01E-01
<b>HIST2H3DP1</b>	0.03	8.80E-01	-0.05	8.01E-01
<b>LENG8</b>	-0.09	6.54E-01	-0.05	8.01E-01
<b>NEFM</b>	0.06	7.61E-01	-0.05	8.01E-01
<b>PDXP</b>	-0.06	7.71E-01	-0.05	8.01E-01
<b>PTPRT</b>	-0.15	4.35E-01	-0.05	8.01E-01
<b>RP11-380M21.4</b>	0.03	8.95E-01	-0.05	8.01E-01
<b>RP11-409K20.6</b>	0.21	2.84E-01	-0.05	8.01E-01



RP11-67C2.2	-0.19	3.44E-01	-0.05	8.01E-01
RP11-768B22.2	0.36	6.37E-02	-0.05	8.01E-01
RP11-837J7.4	-0.01	9.59E-01	-0.05	8.01E-01
RP3-468K18.6	-0.09	6.40E-01	-0.05	8.01E-01
SNRPGP2	-0.25	2.08E-01	-0.05	8.01E-01
TRMU	0.00	9.85E-01	-0.05	8.01E-01
TTC33	0.08	7.03E-01	-0.05	8.01E-01
ZNF449	0.15	4.60E-01	-0.05	8.01E-01
AC008592.7	-0.01	9.71E-01	-0.05	8.02E-01
ALG10	0.16	4.04E-01	-0.05	8.02E-01
AMN	0.25	2.01E-01	-0.05	8.02E-01
CCL28	0.07	7.09E-01	-0.05	8.02E-01
CLEC2L	0.35	7.08E-02	-0.05	8.02E-01
CLIC4	0.02	9.10E-01	-0.05	8.02E-01
G33346	-0.13	4.98E-01	-0.05	8.02E-01
G33807	-0.06	7.57E-01	-0.05	8.02E-01
G5909	-0.09	6.58E-01	-0.05	8.02E-01
GPN1	-0.02	9.09E-01	-0.05	8.02E-01
GRIN2B	-0.32	9.96E-02	-0.05	8.02E-01
LGALS12	-0.09	6.51E-01	-0.05	8.02E-01
MT-TS2	0.10	6.08E-01	-0.05	8.02E-01
NKAIN2	-0.09	6.35E-01	-0.05	8.02E-01
PDF	0.21	2.83E-01	-0.05	8.02E-01
RP11-223P11.3	-0.39	4.25E-02	-0.05	8.02E-01
RPL5P23	0.06	7.44E-01	-0.05	8.02E-01
TEX30	0.03	8.75E-01	-0.05	8.02E-01
TRAJ23	0.02	9.01E-01	-0.05	8.02E-01
WDR12	0.20	3.05E-01	-0.05	8.02E-01
YIPF4	0.31	1.10E-01	-0.05	8.02E-01
ZNF587B	0.28	1.44E-01	-0.05	8.02E-01
AC010149.4	0.10	6.15E-01	0.05	8.02E-01
ADCY4	-0.37	5.48E-02	0.05	8.02E-01
AP003068.23	0.23	2.29E-01	0.05	8.02E-01
CDCA3	-0.04	8.58E-01	0.05	8.02E-01
CTA-407F11.7	-0.19	3.33E-01	0.05	8.02E-01
ELK4	0.13	5.07E-01	0.05	8.02E-01
GATA1	-0.02	9.21E-01	0.05	8.02E-01
JTBP1	-0.17	3.99E-01	0.05	8.02E-01
LIX1L	-0.14	4.64E-01	0.05	8.02E-01
MCCD1	0.25	1.96E-01	0.05	8.02E-01
MRPL12	0.12	5.43E-01	0.05	8.02E-01
OLFML1	-0.21	2.95E-01	0.05	8.02E-01
PARD3-AS1	0.08	6.81E-01	0.05	8.02E-01
PEX6	-0.10	6.31E-01	0.05	8.02E-01
PKP1	-0.06	7.66E-01	0.05	8.02E-01
RHOB	-0.06	7.61E-01	0.05	8.02E-01
RP11-384P7.7	0.05	8.01E-01	0.05	8.02E-01

RP11-62C3.6	0.12	5.44E-01	0.05	8.02E-01
RPSAP15	-0.14	4.72E-01	0.05	8.02E-01
SCARNA24	-0.15	4.52E-01	0.05	8.02E-01
SHC4	-0.10	6.04E-01	0.05	8.02E-01
ST13P10	-0.25	2.03E-01	0.05	8.02E-01
TPI1P4	0.05	7.93E-01	0.05	8.02E-01
XLOC_011506	-0.37	5.14E-02	0.05	8.02E-01
XXYLT1-AS1	0.26	1.85E-01	0.05	8.02E-01
ZRANB2-AS1	0.17	3.96E-01	0.05	8.02E-01
AC006042.6	-0.03	8.80E-01	-0.05	8.03E-01
AC133106.2	-0.25	2.06E-01	-0.05	8.03E-01
C10orf131	0.08	6.76E-01	-0.05	8.03E-01
ENPP7P5	0.02	9.02E-01	-0.05	8.03E-01
GDI2	0.07	7.33E-01	-0.05	8.03E-01
HDCC2	0.21	2.93E-01	-0.05	8.03E-01
HIST2H3D	-0.09	6.62E-01	-0.05	8.03E-01
INPP4A	0.24	2.28E-01	-0.05	8.03E-01
KRTAP1-5	-0.16	4.14E-01	-0.05	8.03E-01
MFN1	0.39	4.20E-02	-0.05	8.03E-01
MSANTD1	0.09	6.32E-01	-0.05	8.03E-01
NOMO3	-0.02	9.15E-01	-0.05	8.03E-01
RNU6-97P	-0.04	8.52E-01	-0.05	8.03E-01
RP11-161I6.2	-0.09	6.57E-01	-0.05	8.03E-01
RP11-196B3.2	-0.01	9.42E-01	-0.05	8.03E-01
RP11-2H3.7	-0.03	8.67E-01	-0.05	8.03E-01
RP11-317N8.3	0.09	6.34E-01	-0.05	8.03E-01
RP11-373N22.3	0.04	8.46E-01	-0.05	8.03E-01
RP11-74D7.3	-0.13	4.93E-01	-0.05	8.03E-01
RPL7P25	-0.06	7.58E-01	-0.05	8.03E-01
SLC10A7	-0.03	8.97E-01	-0.05	8.03E-01
SMOC2	-0.06	7.58E-01	-0.05	8.03E-01
ZNF862	-0.17	4.00E-01	-0.05	8.03E-01
ABCC5	0.11	5.88E-01	0.05	8.03E-01
B3GNT7	0.06	7.68E-01	0.05	8.03E-01
C17orf49	0.01	9.78E-01	0.05	8.03E-01
G33789	0.09	6.38E-01	0.05	8.03E-01
GSKIP	-0.06	7.45E-01	0.05	8.03E-01
RNF111	0.07	7.26E-01	0.05	8.03E-01
RP11-423E7.1	-0.02	9.21E-01	0.05	8.03E-01
RP11-531F16.3	-0.01	9.67E-01	0.05	8.03E-01
RPS14	0.09	6.38E-01	0.05	8.03E-01
RPS2P55	-0.02	9.34E-01	0.05	8.03E-01
SNX3	0.01	9.49E-01	0.05	8.03E-01
AC011242.5	-0.23	2.32E-01	-0.05	8.04E-01
AC023590.1	-0.01	9.59E-01	0.05	8.04E-01
ATAD3B	-0.02	9.01E-01	-0.05	8.04E-01
C1GALT1C1L	-0.17	3.82E-01	0.05	8.04E-01

CDHR3	-0.44	1.91E-02	-0.05	8.04E-01
DDIAS	0.24	2.09E-01	-0.05	8.04E-01
DSG2	-0.01	9.76E-01	-0.05	8.04E-01
ECHDC3	0.30	1.16E-01	0.05	8.04E-01
FAM104B	-0.09	6.54E-01	-0.05	8.04E-01
FAM157B	0.15	4.43E-01	0.05	8.04E-01
FAM89A	-0.03	8.62E-01	-0.05	8.04E-01
FBR5	0.19	3.33E-01	0.05	8.04E-01
G28013	-0.09	6.44E-01	-0.05	8.04E-01
GNG5	0.11	5.64E-01	-0.05	8.04E-01
HIPK3	0.13	4.98E-01	-0.05	8.04E-01
KRT18P37	0.21	2.91E-01	-0.05	8.04E-01
LA16c-380A1.2	-0.19	3.40E-01	-0.05	8.04E-01
MRGPRX3	0.39	4.07E-02	0.05	8.04E-01
PLA2G12AP1	0.11	5.68E-01	-0.05	8.04E-01
PRPSAP2	0.23	2.38E-01	0.05	8.04E-01
RNU2-27P	0.17	3.85E-01	-0.05	8.04E-01
RNU2-46P	0.06	7.61E-01	-0.05	8.04E-01
RP1-206D15.6	-0.08	6.71E-01	0.05	8.04E-01
RP11-1017G21.3	-0.09	6.66E-01	0.05	8.04E-01
RP11-107E5.4	-0.20	3.14E-01	0.05	8.04E-01
RP11-111F5.4	-0.23	2.49E-01	-0.05	8.04E-01
RP11-375N15.2	-0.32	9.78E-02	-0.05	8.04E-01
RP11-756J15.2	-0.01	9.53E-01	-0.05	8.04E-01
RP5-1099C19.2	-0.18	3.47E-01	-0.05	8.04E-01
RPL31P60	-0.47	1.13E-02	-0.05	8.04E-01
SLC12A1	-0.06	7.60E-01	0.05	8.04E-01
SMIM15	0.34	7.87E-02	0.05	8.04E-01
THEMIS3P	-0.03	8.77E-01	-0.05	8.04E-01
TMEM14A	0.13	5.01E-01	0.05	8.04E-01
TMTC2	0.08	7.01E-01	0.05	8.04E-01
TRPC3	0.12	5.47E-01	-0.05	8.04E-01
TUBB4A	-0.21	2.82E-01	-0.05	8.04E-01
WDR18	0.22	2.69E-01	-0.05	8.04E-01
ANO5	-0.09	6.35E-01	-0.05	8.05E-01
APEH	0.21	2.89E-01	0.05	8.05E-01
ARSJ	0.21	2.78E-01	0.05	8.05E-01
C5orf66-AS2	-0.15	4.49E-01	-0.05	8.05E-01
CCDC84	-0.22	2.59E-01	-0.05	8.05E-01
CHSY3	-0.22	2.53E-01	-0.05	8.05E-01
CTB-181H17.1	0.00	9.89E-01	0.05	8.05E-01
CTSK	-0.11	5.76E-01	0.05	8.05E-01
CXorf21	0.09	6.37E-01	0.05	8.05E-01
EME2	-0.08	6.82E-01	-0.05	8.05E-01
G42720	0.13	4.93E-01	0.05	8.05E-01
MKI67	-0.13	5.12E-01	0.05	8.05E-01
OR9I1	-0.06	7.76E-01	-0.05	8.05E-01

P2RX1	0.17	3.92E-01	-0.05	8.05E-01
PCOLCE	-0.19	3.45E-01	-0.05	8.05E-01
PSMD14	-0.01	9.47E-01	-0.05	8.05E-01
PTPRVP	-0.23	2.49E-01	-0.05	8.05E-01
RP1-278E11.3	-0.08	6.73E-01	0.05	8.05E-01
RP11-312B8.2	-0.15	4.54E-01	-0.05	8.05E-01
RP11-328C8.2	-0.09	6.33E-01	-0.05	8.05E-01
RP11-33N16.2	-0.08	6.69E-01	-0.05	8.05E-01
RP11-435O5.4	-0.05	7.83E-01	0.05	8.05E-01
RP11-488C13.5	0.21	2.75E-01	-0.05	8.05E-01
RP11-492I21.1	0.00	9.94E-01	0.05	8.05E-01
RP11-90C4.1	-0.01	9.56E-01	0.05	8.05E-01
RPL34P22	-0.13	5.17E-01	-0.05	8.05E-01
RPS3A	0.07	7.26E-01	-0.05	8.05E-01
SLC25A5-AS1	0.05	8.13E-01	-0.05	8.05E-01
SNAPC1	0.08	6.72E-01	-0.05	8.05E-01
SNED1	-0.31	1.06E-01	0.05	8.05E-01
SPARCL1	-0.05	7.87E-01	0.05	8.05E-01
SYN3	-0.19	3.36E-01	-0.05	8.05E-01
UBE2A	-0.03	8.62E-01	-0.05	8.05E-01
UHL3	0.02	9.14E-01	0.05	8.05E-01
AP1G1	0.25	2.07E-01	0.05	8.06E-01
CTD-2525I3.6	0.01	9.66E-01	0.05	8.06E-01
CWF19L1	0.13	5.14E-01	-0.05	8.06E-01
CYP4F2	0.21	2.88E-01	-0.05	8.06E-01
ENPP7P6	-0.08	6.79E-01	-0.05	8.06E-01
EZR-AS1	-0.27	1.57E-01	0.05	8.06E-01
GIN5	0.06	7.71E-01	0.05	8.06E-01
GNA14	0.19	3.35E-01	-0.05	8.06E-01
GPC3	-0.05	7.83E-01	-0.05	8.06E-01
GS1-251I9.3	-0.38	4.73E-02	-0.05	8.06E-01
HMGB1P7	-0.11	5.71E-01	-0.05	8.06E-01
HMG2P23	0.07	7.24E-01	0.05	8.06E-01
LOR	-0.11	5.71E-01	-0.05	8.06E-01
LRRC4B	0.00	9.83E-01	0.05	8.06E-01
MRPS28	0.27	1.57E-01	-0.05	8.06E-01
NOMO1	0.12	5.57E-01	-0.05	8.06E-01
OR7E2P	-0.15	4.51E-01	-0.05	8.06E-01
PSMA3	0.10	6.28E-01	-0.05	8.06E-01
RP11-1112G13.3	-0.07	7.05E-01	-0.05	8.06E-01
RP11-112J3.16	-0.11	5.65E-01	0.05	8.06E-01
RP11-148B6.1	-0.10	6.24E-01	0.05	8.06E-01
RP11-21B23.1	-0.11	5.77E-01	0.05	8.06E-01
RP11-344N10.2	0.25	1.92E-01	0.05	8.06E-01
RP11-466A19.3	-0.10	6.03E-01	-0.05	8.06E-01
RP11-61A14.4	-0.06	7.58E-01	0.05	8.06E-01
RP11-650J17.2	0.09	6.55E-01	0.05	8.06E-01

<b>RP11-817J15.3</b>	0.04	8.55E-01	0.05	8.06E-01
<b>RP11-973F15.2</b>	0.01	9.48E-01	-0.05	8.06E-01
<b>ZNF652P1</b>	-0.13	5.16E-01	-0.05	8.06E-01
<b>AC003682.16</b>	-0.21	2.92E-01	-0.05	8.08E-01
<b>AC007078.4</b>	-0.21	2.76E-01	0.05	8.08E-01
<b>ALOX12</b>	-0.22	2.65E-01	0.05	8.08E-01
<b>AMMECR1-IT1</b>	0.00	9.99E-01	0.05	8.08E-01
<b>C5orf22</b>	0.00	9.92E-01	-0.05	8.08E-01
<b>CDC34</b>	0.10	5.96E-01	0.05	8.08E-01
<b>CTB-49A3.5</b>	0.07	7.29E-01	0.05	8.08E-01
<b>DNAJC28</b>	0.18	3.71E-01	0.05	8.08E-01
<b>ECE2</b>	0.11	5.88E-01	-0.05	8.08E-01
<b>EP400NL</b>	0.11	5.76E-01	-0.05	8.08E-01
<b>EXOSC2</b>	0.04	8.44E-01	0.05	8.08E-01
<b>GOLGA2</b>	-0.11	5.83E-01	0.05	8.08E-01
<b>HIST2H2BF</b>	-0.01	9.51E-01	-0.05	8.08E-01
<b>KIFC3</b>	-0.15	4.54E-01	0.05	8.08E-01
<b>MIR3155A</b>	0.12	5.29E-01	0.05	8.08E-01
<b>NDUFA12</b>	0.03	8.93E-01	0.05	8.08E-01
<b>P2RX2</b>	-0.31	1.11E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RNU6-335P</b>	-0.07	7.13E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RP1-167A14.2</b>	0.20	2.98E-01	0.05	8.08E-01
<b>RP1-180M12.1</b>	-0.35	6.68E-02	-0.05	8.08E-01
<b>RP11-107F6.4</b>	0.07	7.10E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RP11-166N17.1</b>	0.11	5.74E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RP11-166N17.3</b>	0.03	8.65E-01	0.05	8.08E-01
<b>RP11-171G2.1</b>	-0.18	3.53E-01	0.05	8.08E-01
<b>RP11-216N14.5</b>	-0.13	5.00E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RP11-305O6.3</b>	-0.18	3.60E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RP11-354B3.1</b>	0.13	5.07E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RP11-420B22.1</b>	-0.12	5.44E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RP11-429J17.2</b>	-0.07	7.10E-01	0.05	8.08E-01
<b>RP11-431N15.2</b>	-0.25	1.93E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RP11-45M22.3</b>	0.03	8.99E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RP11-83B20.6</b>	0.02	9.23E-01	-0.05	8.08E-01
<b>RYR1</b>	0.21	2.75E-01	-0.05	8.08E-01
<b>SRP72P2</b>	-0.13	5.07E-01	-0.05	8.08E-01
<b>TNKS</b>	-0.09	6.37E-01	-0.05	8.08E-01
<b>WNT2</b>	-0.24	2.19E-01	0.05	8.08E-01
<b>XRCC5</b>	0.12	5.37E-01	-0.05	8.08E-01
<b>ZEB2</b>	-0.45	1.60E-02	-0.05	8.08E-01
<b>ZNF594</b>	0.15	4.54E-01	-0.05	8.08E-01
<b>ZNF605</b>	0.08	6.72E-01	-0.05	8.08E-01
<b>ADGRG2</b>	-0.23	2.36E-01	-0.05	8.09E-01
<b>AL450226.2</b>	0.18	3.71E-01	-0.05	8.09E-01
<b>CTC-450M9.1</b>	-0.37	5.23E-02	-0.05	8.09E-01
<b>CTC-490G23.6</b>	0.43	2.09E-02	-0.05	8.09E-01

<b>CTD-2270P14.2</b>	0.06	7.52E-01	-0.05	8.09E-01
<b>FAM106DP</b>	0.09	6.59E-01	-0.05	8.09E-01
<b>KRTAP4-11</b>	0.06	7.61E-01	-0.05	8.09E-01
<b>NRP1</b>	0.28	1.45E-01	-0.05	8.09E-01
<b>OACYLP</b>	-0.16	4.12E-01	-0.05	8.09E-01
<b>RBM33</b>	-0.12	5.52E-01	-0.05	8.09E-01
<b>RNU7-49P</b>	0.07	7.27E-01	-0.05	8.09E-01
<b>RP11-640B6.1</b>	0.17	3.95E-01	-0.05	8.09E-01
<b>RP11-989F5.1</b>	0.04	8.42E-01	-0.05	8.09E-01
<b>RPS15AP6</b>	-0.23	2.48E-01	-0.05	8.09E-01
<b>UHRF2</b>	-0.33	8.37E-02	-0.05	8.09E-01
<b>XLOC_012332</b>	-0.16	4.13E-01	-0.05	8.09E-01
<b>AC008982.2</b>	0.02	9.33E-01	0.05	8.09E-01
<b>AC069257.8</b>	-0.17	4.00E-01	0.05	8.09E-01
<b>ACAD10</b>	-0.02	9.28E-01	0.05	8.09E-01
<b>ADARB2</b>	0.12	5.52E-01	0.05	8.09E-01
<b>AL355531.2</b>	-0.05	7.83E-01	0.05	8.09E-01
<b>CENPT</b>	0.03	8.92E-01	0.05	8.09E-01
<b>HEY2</b>	-0.05	7.94E-01	0.05	8.09E-01
<b>HNRNPA1P49</b>	0.17	3.98E-01	0.05	8.09E-01
<b>HOOK2</b>	-0.05	7.87E-01	0.05	8.09E-01
<b>LINC01073</b>	-0.06	7.60E-01	0.05	8.09E-01
<b>MRPL30</b>	0.22	2.50E-01	0.05	8.09E-01
<b>QKI</b>	-0.05	7.98E-01	0.05	8.09E-01
<b>RP11-367J11.3</b>	-0.13	4.93E-01	0.05	8.09E-01
<b>RP11-380M21.3</b>	-0.09	6.49E-01	0.05	8.09E-01
<b>SHANK3</b>	-0.13	5.03E-01	0.05	8.09E-01
<b>SNORA43</b>	0.20	3.03E-01	0.05	8.09E-01
<b>AC016722.4</b>	-0.10	6.15E-01	0.05	8.10E-01
<b>ACA64</b>	-0.09	6.48E-01	-0.05	8.10E-01
<b>AP000704.5</b>	-0.16	4.16E-01	-0.05	8.10E-01
<b>BACH1-IT2</b>	-0.04	8.55E-01	-0.05	8.10E-01
<b>BLOC1S4</b>	0.05	8.10E-01	-0.05	8.10E-01
<b>CD96</b>	0.32	9.68E-02	0.05	8.10E-01
<b>CEP57</b>	0.17	3.89E-01	0.05	8.10E-01
<b>CTC-344H19.6</b>	-0.18	3.63E-01	-0.05	8.10E-01
<b>DPF1</b>	-0.09	6.52E-01	-0.05	8.10E-01
<b>DPYD-AS1</b>	-0.22	2.66E-01	-0.05	8.10E-01
<b>DYNLT3</b>	0.04	8.39E-01	0.05	8.10E-01
<b>EMP3</b>	-0.08	6.91E-01	0.05	8.10E-01
<b>G3524</b>	-0.11	5.62E-01	0.05	8.10E-01
<b>G8972</b>	0.02	9.22E-01	-0.05	8.10E-01
<b>HCST</b>	0.08	6.86E-01	0.05	8.10E-01
<b>KANTR</b>	0.06	7.49E-01	0.05	8.10E-01
<b>MON1A</b>	0.22	2.56E-01	0.05	8.10E-01
<b>NCAPH</b>	0.11	5.71E-01	0.05	8.10E-01
<b>ONECUT2</b>	0.10	6.29E-01	0.05	8.10E-01

POT1	0.05	7.87E-01	-0.05	8.10E-01
RAP1GDS1	0.08	6.97E-01	-0.05	8.10E-01
RP11-205A8.3	-0.12	5.42E-01	-0.05	8.10E-01
RP11-218D6.4	0.02	9.25E-01	-0.05	8.10E-01
RP11-27M5.1	0.07	7.17E-01	0.05	8.10E-01
RP11-498E2.9	-0.17	3.92E-01	0.05	8.10E-01
RP11-498P14.3	-0.15	4.39E-01	0.05	8.10E-01
RP11-659E9.4	0.10	6.24E-01	0.05	8.10E-01
RP11-77M5.1	0.05	7.84E-01	0.05	8.10E-01
RP11-793H13.3	0.01	9.49E-01	0.05	8.10E-01
SHROOM4	-0.14	4.65E-01	-0.05	8.10E-01
SKIV2L	0.21	2.85E-01	-0.05	8.10E-01
SLC2A4RG	0.03	8.73E-01	0.05	8.10E-01
TMEM65	0.29	1.34E-01	0.05	8.10E-01
XLOC_007628	-0.01	9.69E-01	0.05	8.10E-01
XLOC_008109	0.12	5.38E-01	-0.05	8.10E-01
ZNF676	0.09	6.50E-01	-0.05	8.10E-01
AC009501.4	0.18	3.70E-01	0.05	8.11E-01
AC009505.2	0.31	1.04E-01	-0.05	8.11E-01
AF127936.9	0.02	9.39E-01	-0.05	8.11E-01
BLVRB	0.05	8.09E-01	0.05	8.11E-01
BMS1P15	-0.17	3.78E-01	-0.05	8.11E-01
CAND1	0.22	2.59E-01	0.05	8.11E-01
CCDC40	-0.25	2.00E-01	-0.05	8.11E-01
CNOT8	0.01	9.61E-01	-0.05	8.11E-01
CRKL	-0.06	7.67E-01	0.05	8.11E-01
DECR2	0.17	3.90E-01	-0.05	8.11E-01
G231	0.03	8.63E-01	0.05	8.11E-01
HOXA10-AS	0.00	9.86E-01	0.05	8.11E-01
KRTAP4-8	-0.09	6.40E-01	0.05	8.11E-01
LINC00854	-0.24	2.27E-01	0.05	8.11E-01
LRP3	-0.07	7.35E-01	0.05	8.11E-01
MED10	0.04	8.54E-01	0.05	8.11E-01
RP1-257A7.4	0.09	6.63E-01	-0.05	8.11E-01
RP11-255A11.4	0.16	4.16E-01	0.05	8.11E-01
RP11-428G5.7	0.13	4.97E-01	0.05	8.11E-01
RP13-20L14.6	0.05	7.86E-01	0.05	8.11E-01
RP4-631H13.6	-0.29	1.40E-01	-0.05	8.11E-01
RPL39P6	0.00	9.87E-01	0.05	8.11E-01
RPL7AP3	0.05	7.96E-01	0.05	8.11E-01
RPS27AP3	-0.06	7.72E-01	-0.05	8.11E-01
SEC23B	0.17	3.86E-01	-0.05	8.11E-01
SERPINB11	0.14	4.79E-01	-0.05	8.11E-01
TOPORS-AS1	-0.07	7.25E-01	0.05	8.11E-01
WRAP53	-0.03	8.85E-01	-0.05	8.11E-01
XDH	0.29	1.34E-01	-0.05	8.11E-01
XLOC_001025	0.23	2.45E-01	-0.05	8.11E-01

<b>XLOC_006637</b>	-0.02	9.15E-01	-0.05	8.11E-01
<b>AARSD1</b>	-0.19	3.26E-01	-0.05	8.12E-01
<b>AC011742.3</b>	-0.09	6.38E-01	0.05	8.12E-01
<b>ARID4B</b>	-0.12	5.36E-01	-0.05	8.12E-01
<b>BLMH</b>	-0.24	2.13E-01	-0.05	8.12E-01
<b>CELF2-AS1</b>	-0.02	9.10E-01	-0.05	8.12E-01
<b>CTC-453G23.8</b>	0.23	2.48E-01	-0.05	8.12E-01
<b>CTD-2319I12.2</b>	0.26	1.86E-01	0.05	8.12E-01
<b>CWC27</b>	-0.19	3.22E-01	-0.05	8.12E-01
<b>EIF5B</b>	0.00	9.99E-01	-0.05	8.12E-01
<b>FAM136A</b>	0.19	3.39E-01	-0.05	8.12E-01
<b>FBXW10</b>	0.01	9.57E-01	-0.05	8.12E-01
<b>G24559</b>	-0.39	4.21E-02	-0.05	8.12E-01
<b>LINC00431</b>	-0.12	5.49E-01	-0.05	8.12E-01
<b>MACROD1</b>	-0.08	6.93E-01	-0.05	8.12E-01
<b>MT1M</b>	-0.08	6.91E-01	-0.05	8.12E-01
<b>MTND5P12</b>	-0.38	4.66E-02	0.05	8.12E-01
<b>NXF3</b>	-0.27	1.63E-01	-0.05	8.12E-01
<b>OXER1</b>	-0.07	7.36E-01	0.05	8.12E-01
<b>PKD2L2</b>	0.01	9.77E-01	-0.05	8.12E-01
<b>PRR7-AS1</b>	-0.08	7.00E-01	-0.05	8.12E-01
<b>RBM43P1</b>	-0.05	8.03E-01	-0.05	8.12E-01
<b>RBMX2</b>	-0.16	4.17E-01	-0.05	8.12E-01
<b>RBP5</b>	-0.24	2.11E-01	0.05	8.12E-01
<b>ROBO2</b>	-0.19	3.39E-01	0.05	8.12E-01
<b>RP11-307C12.11</b>	-0.14	4.92E-01	0.05	8.12E-01
<b>RP5-965G21.3</b>	-0.12	5.40E-01	0.05	8.12E-01
<b>SLC7A5</b>	0.20	3.03E-01	-0.05	8.12E-01
<b>SLC9A7P1</b>	0.01	9.66E-01	-0.05	8.12E-01
<b>SSR1</b>	0.10	6.04E-01	0.05	8.12E-01
<b>STRADA</b>	-0.25	1.91E-01	-0.05	8.12E-01
<b>SUMO2P15</b>	0.12	5.36E-01	0.05	8.12E-01
<b>TPT1P4</b>	0.08	7.03E-01	-0.05	8.12E-01
<b>UBR5</b>	0.06	7.46E-01	-0.05	8.12E-01
<b>UTP14A</b>	0.16	4.24E-01	-0.05	8.12E-01
<b>XLOC_001223</b>	-0.05	8.09E-01	0.05	8.12E-01
<b>ZCCHC8</b>	0.13	4.98E-01	0.05	8.12E-01
<b>ZDHC3</b>	0.01	9.59E-01	0.05	8.12E-01
<b>ZNF345</b>	-0.11	5.77E-01	0.05	8.12E-01
<b>ZNF621</b>	0.15	4.50E-01	0.05	8.12E-01
<b>AP1S1</b>	-0.31	1.05E-01	-0.05	8.13E-01
<b>ASB14</b>	-0.19	3.45E-01	0.05	8.13E-01
<b>C9orf78</b>	0.14	4.77E-01	-0.05	8.13E-01
<b>COPS4</b>	0.18	3.63E-01	0.05	8.13E-01
<b>CTD-2114J12.1</b>	-0.08	7.04E-01	-0.05	8.13E-01
<b>DEPDC4</b>	0.25	1.94E-01	-0.05	8.13E-01
<b>G30964</b>	0.17	3.93E-01	0.05	8.13E-01



GOSR1	0.16	4.03E-01	-0.05	8.13E-01
HTR3A	-0.09	6.52E-01	-0.05	8.13E-01
KIAA0895L	0.09	6.56E-01	-0.05	8.13E-01
KIAA1456	-0.37	5.37E-02	-0.05	8.13E-01
LARP4P	-0.29	1.41E-01	0.05	8.13E-01
LTF	0.50	6.82E-03	0.05	8.13E-01
MAP2K4	0.17	3.90E-01	-0.05	8.13E-01
MAP7	0.07	7.27E-01	0.05	8.13E-01
MIR548O	0.27	1.67E-01	0.05	8.13E-01
RN7SL179P	0.07	7.26E-01	0.05	8.13E-01
RP1-102G20.2	0.06	7.52E-01	-0.05	8.13E-01
RP11-108K3.4	0.43	2.20E-02	0.05	8.13E-01
RP11-34P13.9	-0.05	7.95E-01	-0.05	8.13E-01
RP11-44D5.1	-0.54	3.08E-03	0.05	8.13E-01
RP11-539L10.3	0.04	8.36E-01	0.05	8.13E-01
RP11-592N21.2	-0.16	4.15E-01	0.05	8.13E-01
RP11-64K12.8	0.23	2.37E-01	-0.05	8.13E-01
STAP2	-0.03	8.99E-01	0.05	8.13E-01
STK40	0.10	6.14E-01	-0.05	8.13E-01
TBCEL	0.01	9.78E-01	0.05	8.13E-01
THAP7	0.10	6.23E-01	-0.05	8.13E-01
TLX2	-0.02	9.15E-01	-0.05	8.13E-01
WDR3	0.33	8.73E-02	0.05	8.13E-01
ZNF197	0.23	2.31E-01	-0.05	8.13E-01
ASB6	0.15	4.36E-01	-0.05	8.15E-01
ATP6V1B2	0.19	3.29E-01	0.05	8.15E-01
BCL7B	0.13	5.00E-01	0.05	8.15E-01
CDK5RAP1	0.03	8.95E-01	-0.05	8.15E-01
CGA	-0.30	1.24E-01	-0.05	8.15E-01
CTD-2366F13.1	-0.05	8.13E-01	-0.05	8.15E-01
CTR9	0.16	4.07E-01	0.05	8.15E-01
CWC22	0.12	5.59E-01	-0.05	8.15E-01
DENND6A	0.12	5.49E-01	0.05	8.15E-01
DLEC1	-0.03	8.69E-01	0.05	8.15E-01
G12464	-0.12	5.28E-01	0.05	8.15E-01
HMGA1P2	-0.10	6.15E-01	-0.05	8.15E-01
HSPA12B	-0.24	2.19E-01	0.05	8.15E-01
KMT2D	-0.11	5.87E-01	0.05	8.15E-01
LINC00710	0.30	1.27E-01	-0.05	8.15E-01
LINC00884	-0.19	3.41E-01	0.05	8.15E-01
MICB	-0.05	8.01E-01	0.05	8.15E-01
MIR4449	0.22	2.56E-01	0.05	8.15E-01
NOLC1	0.15	4.39E-01	-0.05	8.15E-01
NOTUM	-0.08	6.96E-01	0.05	8.15E-01
OR7E89P	-0.05	8.01E-01	-0.05	8.15E-01
PHC2	0.36	6.24E-02	0.05	8.15E-01
PKMYT1	0.03	8.93E-01	0.05	8.15E-01

<b>PLEKHM3</b>	-0.09	6.64E-01	0.05	8.15E-01
<b>POLR2J3</b>	-0.12	5.43E-01	-0.05	8.15E-01
<b>RNU6-1165P</b>	-0.06	7.79E-01	-0.05	8.15E-01
<b>RNU6-866P</b>	-0.17	3.96E-01	-0.05	8.15E-01
<b>RNU6ATAC12P</b>	-0.13	5.15E-01	-0.05	8.15E-01
<b>RP11-177F15.1</b>	0.15	4.45E-01	0.05	8.15E-01
<b>RP11-241J12.1</b>	-0.38	4.83E-02	0.05	8.15E-01
<b>RP11-411K7.1</b>	0.21	2.93E-01	-0.05	8.15E-01
<b>RP11-421L21.3</b>	-0.08	6.97E-01	-0.05	8.15E-01
<b>RP11-426D19.1</b>	-0.10	6.09E-01	0.05	8.15E-01
<b>RP11-495P10.3</b>	0.06	7.72E-01	-0.05	8.15E-01
<b>RP11-500C11.3</b>	0.13	5.05E-01	0.05	8.15E-01
<b>RP11-536C12.1</b>	-0.30	1.21E-01	-0.05	8.15E-01
<b>RP11-585F1.6</b>	0.20	3.02E-01	-0.05	8.15E-01
<b>RP4-705D16.3</b>	-0.29	1.35E-01	-0.05	8.15E-01
<b>S100PBP</b>	0.08	6.82E-01	0.05	8.15E-01
<b>SEC63</b>	-0.11	5.83E-01	0.05	8.15E-01
<b>SLC3A2</b>	0.14	4.89E-01	0.05	8.15E-01
<b>SLCO4A1</b>	0.04	8.45E-01	0.05	8.15E-01
<b>SNHG11</b>	-0.28	1.44E-01	-0.05	8.15E-01
<b>TMC3-AS1</b>	0.02	9.31E-01	0.05	8.15E-01
<b>TSPYL1</b>	0.29	1.38E-01	-0.05	8.15E-01
<b>TUBB6</b>	0.27	1.63E-01	0.05	8.15E-01
<b>WDR62</b>	0.15	4.51E-01	-0.05	8.15E-01
<b>ZNF468</b>	0.01	9.74E-01	-0.05	8.15E-01
<b>ANXA8L2</b>	0.13	5.07E-01	0.05	8.16E-01
<b>MFSD1P1</b>	-0.26	1.76E-01	0.05	8.16E-01
<b>NAT9</b>	0.32	9.78E-02	0.05	8.16E-01
<b>RFXAP</b>	-0.10	6.24E-01	0.05	8.16E-01
<b>RNFT1</b>	-0.17	3.93E-01	0.05	8.16E-01
<b>RP11-365O16.1</b>	0.13	5.19E-01	0.05	8.16E-01
<b>RPL34P21</b>	0.17	3.85E-01	0.05	8.16E-01
<b>RPL7P21</b>	0.03	8.62E-01	0.05	8.16E-01
<b>SLC44A5</b>	0.14	4.67E-01	0.05	8.16E-01
<b>TRUB2</b>	0.21	2.75E-01	0.05	8.16E-01
<b>AC099684.1</b>	-0.34	7.97E-02	-0.05	8.16E-01
<b>ANKRD27</b>	-0.09	6.66E-01	-0.05	8.16E-01
<b>BSDC1</b>	-0.07	7.26E-01	-0.05	8.16E-01
<b>C3orf14</b>	-0.08	6.71E-01	-0.05	8.16E-01
<b>DDHD2</b>	0.01	9.65E-01	-0.05	8.16E-01
<b>ISLR2</b>	-0.12	5.58E-01	-0.05	8.16E-01
<b>LRR59</b>	0.17	3.93E-01	-0.05	8.16E-01
<b>RP11-165F24.3</b>	-0.25	1.93E-01	-0.05	8.16E-01
<b>RP11-230F18.5</b>	-0.03	8.80E-01	-0.05	8.16E-01
<b>RP11-513D5.2</b>	0.04	8.54E-01	-0.05	8.16E-01
<b>RP11-531A24.5</b>	-0.04	8.45E-01	-0.05	8.16E-01
<b>RP11-61L19.1</b>	-0.04	8.38E-01	-0.05	8.16E-01

RP4-803A2.2	-0.11	5.83E-01	-0.05	8.16E-01
RP5-1153D9.5	-0.27	1.67E-01	-0.05	8.16E-01
RTN2	-0.19	3.28E-01	-0.05	8.16E-01
SNORA72	-0.02	9.39E-01	-0.05	8.16E-01
SOX8	-0.12	5.29E-01	-0.05	8.16E-01
TCF4-AS2	-0.32	9.45E-02	-0.05	8.16E-01
AC090804.1	-0.27	1.64E-01	0.05	8.17E-01
AC105760.2	-0.12	5.41E-01	-0.05	8.17E-01
AP004290.1	-0.05	8.08E-01	-0.05	8.17E-01
ARL13A	-0.09	6.60E-01	0.05	8.17E-01
CCDC65	-0.04	8.50E-01	-0.05	8.17E-01
DDX50P2	-0.23	2.33E-01	0.05	8.17E-01
DGKQ	-0.14	4.75E-01	-0.05	8.17E-01
F2RL1	0.04	8.25E-01	0.05	8.17E-01
LINC00668	0.05	7.87E-01	-0.05	8.17E-01
LINC01347	0.05	8.12E-01	-0.05	8.17E-01
MAPT-IT1	-0.12	5.29E-01	-0.05	8.17E-01
MDH1B	0.04	8.49E-01	-0.05	8.17E-01
PDZRN4	-0.21	2.94E-01	-0.05	8.17E-01
PTTG1	0.27	1.67E-01	0.05	8.17E-01
RP1-29C18.9	0.02	9.34E-01	-0.05	8.17E-01
RP11-1191J2.4	-0.09	6.52E-01	-0.05	8.17E-01
RP11-214O14.1	-0.04	8.21E-01	0.05	8.17E-01
RP11-253M7.1	0.24	2.17E-01	-0.05	8.17E-01
RP11-3K24.2	0.08	6.92E-01	-0.05	8.17E-01
RP11-449L13.2	-0.14	4.90E-01	-0.05	8.17E-01
RP11-99A14.1	0.16	4.08E-01	-0.05	8.17E-01
RPP40	0.09	6.39E-01	-0.05	8.17E-01
STK4	-0.01	9.57E-01	0.05	8.17E-01
TNPO1	0.08	6.79E-01	-0.05	8.17E-01
TPRN	0.05	8.08E-01	-0.05	8.17E-01
TRAJ3	-0.08	6.83E-01	-0.05	8.17E-01
XLOC_006901	-0.04	8.25E-01	0.05	8.17E-01
YWHAQP5	-0.18	3.66E-01	0.05	8.17E-01
AC002472.1	0.14	4.80E-01	-0.05	8.18E-01
AC005336.4	0.01	9.76E-01	0.05	8.18E-01
AC009831.1	0.06	7.80E-01	-0.05	8.18E-01
AC012442.6	-0.05	8.08E-01	-0.05	8.18E-01
AC139100.4	-0.02	9.14E-01	-0.05	8.18E-01
ADH1C	-0.14	4.88E-01	-0.05	8.18E-01
AREGB	-0.07	7.29E-01	-0.05	8.18E-01
COX8A	0.06	7.62E-01	0.05	8.18E-01
DHX16	0.07	7.23E-01	0.05	8.18E-01
EIF4G1	0.00	9.91E-01	-0.05	8.18E-01
FAM86GP	-0.22	2.62E-01	-0.05	8.18E-01
FLJ43879	0.30	1.26E-01	0.05	8.18E-01
FPR2	0.15	4.55E-01	0.05	8.18E-01

<b>G27953</b>	0.22	2.59E-01	-0.05	8.18E-01
<b>HNRNPA1P62</b>	-0.36	6.18E-02	-0.05	8.18E-01
<b>IQSEC1</b>	0.23	2.32E-01	0.05	8.18E-01
<b>KLF3P1</b>	0.11	5.74E-01	-0.05	8.18E-01
<b>KLHDC2</b>	-0.16	4.19E-01	-0.05	8.18E-01
<b>KRT74</b>	0.00	9.92E-01	0.05	8.18E-01
<b>LANCL1</b>	-0.06	7.80E-01	-0.05	8.18E-01
<b>MRPS31</b>	0.24	2.15E-01	-0.05	8.18E-01
<b>NAPSB</b>	0.10	6.20E-01	0.05	8.18E-01
<b>NPIPP1</b>	-0.29	1.39E-01	-0.05	8.18E-01
<b>RHOD</b>	-0.09	6.60E-01	-0.05	8.18E-01
<b>RNF8</b>	0.16	4.20E-01	-0.05	8.18E-01
<b>RNU6-212P</b>	-0.09	6.51E-01	0.05	8.18E-01
<b>RP1-286D6.5</b>	-0.18	3.49E-01	-0.05	8.18E-01
<b>RP11-247A12.2</b>	0.10	6.16E-01	0.05	8.18E-01
<b>RP11-384A12.1</b>	-0.11	5.81E-01	0.05	8.18E-01
<b>RP11-43N16.4</b>	-0.10	6.01E-01	-0.05	8.18E-01
<b>RP11-732A21.2</b>	-0.16	4.18E-01	-0.05	8.18E-01
<b>RP11-932O9.8</b>	-0.09	6.61E-01	-0.05	8.18E-01
<b>SLC25A18</b>	0.10	6.18E-01	-0.05	8.18E-01
<b>SNRNP25</b>	0.01	9.40E-01	0.05	8.18E-01
<b>TBC1D32</b>	-0.09	6.67E-01	-0.05	8.18E-01
<b>TCTN2</b>	-0.05	8.08E-01	-0.05	8.18E-01
<b>TM9SF3</b>	0.27	1.70E-01	-0.05	8.18E-01
<b>XAB2</b>	-0.40	3.55E-02	0.05	8.18E-01
<b>ZBTB7B</b>	-0.04	8.48E-01	-0.05	8.18E-01
<b>AC091729.7</b>	-0.19	3.40E-01	0.05	8.19E-01
<b>ANTXRLP1</b>	-0.28	1.53E-01	0.05	8.19E-01
<b>BNIP3P27</b>	0.37	5.40E-02	0.05	8.19E-01
<b>IRX3</b>	0.27	1.71E-01	0.05	8.19E-01
<b>JAM2</b>	-0.34	7.77E-02	0.05	8.19E-01
<b>LAPTM4A</b>	0.04	8.52E-01	0.05	8.19E-01
<b>LINC01343</b>	0.19	3.41E-01	0.05	8.19E-01
<b>MMP27</b>	-0.23	2.44E-01	0.05	8.19E-01
<b>NFATC4</b>	-0.28	1.46E-01	0.05	8.19E-01
<b>POPDC3</b>	-0.30	1.19E-01	0.05	8.19E-01
<b>PXYLP1</b>	-0.04	8.22E-01	0.05	8.19E-01
<b>RNU6-1285P</b>	-0.02	9.05E-01	0.05	8.19E-01
<b>SCML4</b>	-0.26	1.78E-01	0.05	8.19E-01
<b>SPPL3</b>	0.13	5.09E-01	0.05	8.19E-01
<b>TRAK1</b>	0.44	2.01E-02	0.05	8.19E-01
<b>TTLL7</b>	0.09	6.34E-01	0.05	8.19E-01
<b>AL353671.1</b>	-0.25	1.98E-01	-0.05	8.19E-01
<b>COPZ1</b>	0.10	6.29E-01	-0.05	8.19E-01
<b>DDX39A</b>	0.15	4.53E-01	-0.05	8.19E-01
<b>DDX55P1</b>	0.04	8.57E-01	-0.05	8.19E-01
<b>FTSJ2</b>	0.11	5.70E-01	-0.05	8.19E-01

LINC00562	-0.34	7.64E-02	-0.05	8.19E-01
NDUFA4	0.15	4.53E-01	-0.05	8.19E-01
PTGES2-AS1	-0.07	7.15E-01	-0.05	8.19E-01
RBBP7	-0.14	4.78E-01	-0.05	8.19E-01
RCN3	-0.24	2.26E-01	-0.05	8.19E-01
RN7SKP230	0.13	5.01E-01	-0.05	8.19E-01
RP11-175O19.4	0.20	2.98E-01	-0.05	8.19E-01
RP11-235E17.2	0.04	8.58E-01	-0.05	8.19E-01
RP11-320P11.1	-0.07	7.20E-01	-0.05	8.19E-01
RP11-597M17.3	0.11	5.77E-01	-0.05	8.19E-01
RP11-775C24.3	-0.03	8.88E-01	-0.05	8.19E-01
RPL7AP2	-0.20	3.15E-01	-0.05	8.19E-01
SAPCD1	-0.17	3.76E-01	-0.05	8.19E-01
SNORD116-2	-0.01	9.70E-01	-0.05	8.19E-01
SPCS1	0.13	5.05E-01	-0.05	8.19E-01
THEMIS2	0.02	9.09E-01	-0.05	8.19E-01
XXbac-B476C20.9	-0.25	2.05E-01	-0.05	8.19E-01
AC105053.3	0.20	3.18E-01	-0.05	8.20E-01
ALG5	0.07	7.07E-01	-0.05	8.20E-01
BRPF1	-0.20	2.98E-01	0.05	8.20E-01
CSRP2	-0.04	8.59E-01	0.05	8.20E-01
CTA-221G9.10	-0.48	9.05E-03	-0.05	8.20E-01
FAM186A	0.06	7.44E-01	-0.05	8.20E-01
G40352	-0.34	7.61E-02	-0.05	8.20E-01
LINC00839	-0.47	1.14E-02	0.05	8.20E-01
LRRC14	-0.01	9.51E-01	-0.05	8.20E-01
MAFF	0.05	7.82E-01	0.05	8.20E-01
MAP2K7	0.11	5.88E-01	0.05	8.20E-01
MIR3140	-0.20	3.11E-01	-0.05	8.20E-01
NEK10	-0.11	5.80E-01	-0.05	8.20E-01
NRBF2P5	0.18	3.46E-01	-0.05	8.20E-01
PAK2	0.19	3.41E-01	0.05	8.20E-01
PLEC	-0.03	8.65E-01	0.05	8.20E-01
RBM14	-0.13	4.99E-01	0.05	8.20E-01
RN7SL75P	-0.01	9.42E-01	-0.05	8.20E-01
RNU6-42P	0.39	3.91E-02	0.05	8.20E-01
RP11-152N13.16	-0.02	9.16E-01	0.05	8.20E-01
RP11-50I19.2	-0.07	7.30E-01	0.05	8.20E-01
RP11-98J23.2	0.00	9.89E-01	-0.05	8.20E-01
RP5-1132H15.1	-0.28	1.56E-01	-0.05	8.20E-01
RPL13AP5	0.10	6.00E-01	-0.05	8.20E-01
RPL38	0.05	8.19E-01	0.05	8.20E-01
RPL39L	-0.05	8.08E-01	-0.05	8.20E-01
RPN2	0.08	6.68E-01	-0.05	8.20E-01
SAP30BP	0.06	7.54E-01	0.05	8.20E-01
TET2	-0.13	5.15E-01	-0.05	8.20E-01
TMED4	0.25	1.91E-01	0.05	8.20E-01

<b>XLOC_012036</b>	-0.06	7.57E-01	0.05	8.20E-01
<b>AL627171.2</b>	-0.15	4.44E-01	-0.05	8.22E-01
<b>ANKRD54</b>	0.19	3.32E-01	0.05	8.22E-01
<b>CTD-3179P9.1</b>	-0.05	7.87E-01	-0.05	8.22E-01
<b>DLL4</b>	0.12	5.46E-01	0.05	8.22E-01
<b>FAM86C1</b>	0.10	6.18E-01	0.05	8.22E-01
<b>FKBP9P1</b>	0.25	2.04E-01	0.05	8.22E-01
<b>HNRNPA1P27</b>	-0.05	8.02E-01	0.05	8.22E-01
<b>LACTB</b>	0.27	1.69E-01	0.05	8.22E-01
<b>MIR3609</b>	-0.13	5.02E-01	-0.05	8.22E-01
<b>MXN1</b>	-0.23	2.44E-01	0.05	8.22E-01
<b>NDUFB4P2</b>	-0.24	2.16E-01	-0.05	8.22E-01
<b>NDUFS6</b>	0.14	4.82E-01	0.05	8.22E-01
<b>OCLN</b>	0.21	2.83E-01	-0.05	8.22E-01
<b>PIK3CD-AS2</b>	-0.06	7.66E-01	0.05	8.22E-01
<b>PRICKLE2-AS3</b>	-0.15	4.42E-01	0.05	8.22E-01
<b>RGN</b>	-0.15	4.31E-01	-0.05	8.22E-01
<b>RNU6-123P</b>	-0.21	2.92E-01	-0.05	8.22E-01
<b>RP11-136C24.2</b>	0.26	1.82E-01	-0.05	8.22E-01
<b>RP11-376P6.3</b>	-0.35	7.08E-02	-0.05	8.22E-01
<b>RP11-691F15.1</b>	-0.52	4.52E-03	-0.05	8.22E-01
<b>RP11-782C8.1</b>	0.00	9.82E-01	0.05	8.22E-01
<b>RP11-83A24.1</b>	-0.33	8.24E-02	-0.05	8.22E-01
<b>RP11-85B7.2</b>	0.01	9.70E-01	0.05	8.22E-01
<b>RPL12P20</b>	-0.10	6.06E-01	-0.05	8.22E-01
<b>SEPSECS-AS1</b>	-0.01	9.45E-01	0.05	8.22E-01
<b>TRDV1</b>	0.06	7.68E-01	0.05	8.22E-01
<b>UBL5</b>	0.13	5.18E-01	0.05	8.22E-01
<b>WRB</b>	0.05	7.88E-01	-0.05	8.22E-01
<b>XLOC_003411</b>	-0.03	8.91E-01	-0.05	8.22E-01
<b>XLOC_013499</b>	-0.28	1.56E-01	-0.05	8.22E-01
<b>ZNF358</b>	0.15	4.41E-01	0.05	8.22E-01
<b>ZNF614</b>	-0.06	7.65E-01	0.05	8.22E-01
<b>AC004057.1</b>	0.14	4.66E-01	-0.05	8.23E-01
<b>AC012627.1</b>	0.39	3.91E-02	-0.05	8.23E-01
<b>AC073215.1</b>	-0.11	5.69E-01	0.05	8.23E-01
<b>AC110084.1</b>	-0.21	2.78E-01	-0.05	8.23E-01
<b>C11orf30</b>	-0.05	8.10E-01	-0.05	8.23E-01
<b>C5orf51</b>	0.17	3.86E-01	-0.05	8.23E-01
<b>CACNA1A</b>	0.04	8.37E-01	-0.05	8.23E-01
<b>CHST6</b>	0.00	9.83E-01	-0.05	8.23E-01
<b>CTC-497E21.3</b>	0.17	3.88E-01	-0.05	8.23E-01
<b>CYR61</b>	-0.01	9.60E-01	0.05	8.23E-01
<b>DONSON</b>	-0.09	6.55E-01	-0.05	8.23E-01
<b>G18355</b>	-0.13	4.94E-01	-0.05	8.23E-01
<b>G31717</b>	-0.02	9.01E-01	-0.05	8.23E-01
<b>GRIK4</b>	-0.16	4.12E-01	-0.05	8.23E-01

HEATR3	0.22	2.52E-01	0.05	8.23E-01
HIST1H1A	-0.23	2.47E-01	-0.05	8.23E-01
LGALS8-AS1	0.14	4.65E-01	-0.05	8.23E-01
LNX1	0.08	6.74E-01	-0.05	8.23E-01
MIR30C1	0.31	1.09E-01	-0.05	8.23E-01
MPP2	-0.43	2.38E-02	-0.05	8.23E-01
MTFR2	0.12	5.43E-01	0.05	8.23E-01
MTND2P5	0.08	6.94E-01	-0.05	8.23E-01
NBEA	-0.22	2.54E-01	-0.05	8.23E-01
NLGN1-AS1	-0.08	6.77E-01	-0.05	8.23E-01
NLRP2	0.07	7.14E-01	0.05	8.23E-01
NPY6R	-0.15	4.51E-01	0.05	8.23E-01
PAPSS2	0.13	4.94E-01	-0.05	8.23E-01
PARD6A	0.33	8.40E-02	-0.05	8.23E-01
PDIA3P2	-0.22	2.65E-01	-0.05	8.23E-01
PGAM5	0.08	6.68E-01	0.05	8.23E-01
REC8	0.04	8.41E-01	0.05	8.23E-01
RP11-217B1.2	-0.13	5.05E-01	-0.05	8.23E-01
RP11-305E17.4	-0.01	9.42E-01	-0.05	8.23E-01
RP11-325E5.1	0.18	3.63E-01	-0.05	8.23E-01
RP11-855A2.3	-0.10	6.21E-01	-0.05	8.23E-01
RP5-1024N4.4	-0.17	3.95E-01	-0.05	8.23E-01
SAXO2	0.19	3.36E-01	-0.05	8.23E-01
SETD9	0.37	5.52E-02	0.05	8.23E-01
TMEM132D	0.30	1.24E-01	0.05	8.23E-01
TSR1	0.27	1.67E-01	-0.05	8.23E-01
TUBB2A	0.06	7.79E-01	0.05	8.23E-01
UBE2T	0.04	8.57E-01	-0.05	8.23E-01
XLOC_006699	0.41	3.12E-02	0.05	8.23E-01
ZNF692	0.04	8.52E-01	0.05	8.23E-01
AC012513.4	-0.08	6.91E-01	-0.04	8.24E-01
AC073657.1	0.14	4.80E-01	-0.04	8.24E-01
BANF1P1	-0.11	5.73E-01	-0.04	8.24E-01
DGKD	-0.10	6.15E-01	-0.04	8.24E-01
DIRC3-AS1	0.14	4.86E-01	-0.04	8.24E-01
IRX1	-0.23	2.47E-01	-0.04	8.24E-01
LARP4B	0.34	7.42E-02	-0.04	8.24E-01
MRPL39	-0.02	9.34E-01	-0.04	8.24E-01
NUDCD1	0.09	6.38E-01	-0.04	8.24E-01
PDCD6IPP1	-0.11	5.71E-01	-0.04	8.24E-01
RNU6-766P	-0.09	6.34E-01	-0.04	8.24E-01
RP11-840I19.5	-0.06	7.44E-01	-0.04	8.24E-01
RPL19	0.15	4.54E-01	-0.04	8.24E-01
UST-AS1	0.10	6.19E-01	-0.04	8.24E-01
ZMYM2	0.08	6.94E-01	-0.04	8.24E-01
ANXA4	0.04	8.51E-01	0.04	8.24E-01
CTB-26E19.1	-0.12	5.42E-01	0.04	8.24E-01

HS6ST3	0.14	4.70E-01	0.04	8.24E-01
ILF3-AS1	-0.19	3.23E-01	0.04	8.24E-01
KDM6B	0.13	5.11E-01	0.04	8.24E-01
PLGRKT	0.52	5.02E-03	0.04	8.24E-01
PROS2P	-0.22	2.59E-01	0.04	8.24E-01
RP11-379F4.6	0.12	5.51E-01	0.04	8.24E-01
RP11-43A14.1	-0.39	4.04E-02	0.04	8.24E-01
RP11-552C15.1	-0.01	9.54E-01	0.04	8.24E-01
RSPO1	-0.14	4.80E-01	0.04	8.24E-01
SNORA2B	-0.05	8.19E-01	0.04	8.24E-01
SNX5	0.27	1.63E-01	0.04	8.24E-01
TMEM180	-0.14	4.81E-01	0.04	8.24E-01
XLOC_005514	-0.15	4.54E-01	0.04	8.24E-01
ZNF148	-0.02	9.36E-01	0.04	8.24E-01
ZNF807	0.07	7.20E-01	0.04	8.24E-01
AC093585.6	0.06	7.49E-01	-0.04	8.25E-01
AGBL1	-0.31	1.06E-01	0.04	8.25E-01
AL360176.1	-0.04	8.59E-01	-0.04	8.25E-01
AP002954.3	-0.17	3.86E-01	-0.04	8.25E-01
C6orf132	0.04	8.32E-01	0.04	8.25E-01
CAMTA1	-0.03	8.79E-01	0.04	8.25E-01
CTA-243E7.4	0.18	3.50E-01	-0.04	8.25E-01
CTB-178M22.2	-0.31	1.10E-01	0.04	8.25E-01
FAM127C	0.24	2.11E-01	0.04	8.25E-01
GNG5P3	-0.26	1.77E-01	-0.04	8.25E-01
GTF2H2	-0.24	2.11E-01	0.04	8.25E-01
JMJD7	-0.19	3.22E-01	-0.04	8.25E-01
KIFC1	0.15	4.36E-01	0.04	8.25E-01
MAGI1-AS1	-0.20	3.14E-01	0.04	8.25E-01
NUP43	-0.11	5.87E-01	-0.04	8.25E-01
PPM1G	0.06	7.61E-01	0.04	8.25E-01
RAB39A	0.03	8.79E-01	-0.04	8.25E-01
RP11-321A17.6	-0.21	2.74E-01	-0.04	8.25E-01
RP11-435F17.1	0.38	4.89E-02	-0.04	8.25E-01
RP11-552F3.10	-0.07	7.25E-01	-0.04	8.25E-01
RP11-556H2.4	-0.06	7.49E-01	0.04	8.25E-01
RP11-56B16.1	0.05	7.82E-01	0.04	8.25E-01
RP11-573M3.6	-0.04	8.31E-01	0.04	8.25E-01
RP11-618L22.1	0.19	3.39E-01	0.04	8.25E-01
RP11-848P1.7	0.24	2.24E-01	-0.04	8.25E-01
RP3-324O17.7	0.05	7.99E-01	-0.04	8.25E-01
RPSAP54	-0.10	6.15E-01	-0.04	8.25E-01
SAMD4B	0.02	9.05E-01	-0.04	8.25E-01
SLC22A25	-0.24	2.26E-01	0.04	8.25E-01
TAS2R12	-0.24	2.16E-01	0.04	8.25E-01
TMEM110-MUSTN	0.30	1.15E-01	-0.04	8.25E-01
TMEM201	0.14	4.79E-01	0.04	8.25E-01



TMEM59	0.22	2.70E-01	0.04	8.25E-01
U2AF2	0.14	4.79E-01	0.04	8.25E-01
AC003002.6	0.24	2.12E-01	-0.04	8.26E-01
ATP5B	0.20	3.03E-01	0.04	8.26E-01
BOLA2P2	0.07	7.24E-01	0.04	8.26E-01
CACYBP	-0.09	6.38E-01	-0.04	8.26E-01
CCDC22	0.33	9.09E-02	0.04	8.26E-01
CDRT15	0.26	1.87E-01	0.04	8.26E-01
CTD-3035K23.7	-0.43	2.39E-02	-0.04	8.26E-01
CTNNB1	-0.01	9.54E-01	0.04	8.26E-01
FAM105A	0.49	7.99E-03	-0.04	8.26E-01
G33852	-0.09	6.56E-01	-0.04	8.26E-01
HIST1H4F	-0.23	2.50E-01	0.04	8.26E-01
IL5	-0.07	7.32E-01	-0.04	8.26E-01
KRTAP26-1	-0.15	4.58E-01	0.04	8.26E-01
LRRC70	0.22	2.50E-01	-0.04	8.26E-01
NCOA2	-0.13	5.04E-01	-0.04	8.26E-01
POLR3D	0.14	4.67E-01	-0.04	8.26E-01
RP11-244N9.4	-0.23	2.41E-01	0.04	8.26E-01
RP11-290O12.2	0.06	7.67E-01	-0.04	8.26E-01
RP11-295D4.7	-0.22	2.56E-01	-0.04	8.26E-01
RP11-332H18.3	-0.36	6.11E-02	-0.04	8.26E-01
RP11-47J17.1	0.00	9.81E-01	0.04	8.26E-01
RP11-661O13.1	-0.23	2.40E-01	0.04	8.26E-01
RP11-67L3.2	0.20	3.07E-01	-0.04	8.26E-01
RP13-39P12.3	-0.18	3.70E-01	-0.04	8.26E-01
RP3-416H24.1	0.18	3.66E-01	-0.04	8.26E-01
SAA2	0.17	3.86E-01	-0.04	8.26E-01
TAF9B	-0.07	7.21E-01	0.04	8.26E-01
UBQLN4	0.08	6.84E-01	0.04	8.26E-01
WDR5B	-0.20	3.07E-01	-0.04	8.26E-01
XLOC_000757	-0.39	4.21E-02	-0.04	8.26E-01
XLOC_010453	-0.22	2.52E-01	-0.04	8.26E-01
(Xbac-BPG252P9.4	-0.19	3.21E-01	-0.04	8.26E-01
ZADH2	-0.41	2.84E-02	0.04	8.26E-01
ZNF469	-0.02	9.20E-01	0.04	8.26E-01
ADGRE4P	-0.14	4.79E-01	-0.04	8.28E-01
ADGRG3	0.03	8.77E-01	-0.04	8.28E-01
C21orf58	-0.03	8.68E-01	-0.04	8.28E-01
CAMK4	0.04	8.21E-01	0.04	8.28E-01
CDKN2A	0.19	3.22E-01	0.04	8.28E-01
CH507-42P11.8	-0.23	2.32E-01	-0.04	8.28E-01
CTC-218B8.3	-0.40	3.44E-02	0.04	8.28E-01
G17634	0.12	5.42E-01	-0.04	8.28E-01
G4026	0.37	5.31E-02	-0.04	8.28E-01
GPAM	0.17	3.82E-01	0.04	8.28E-01
KCNE4	-0.46	1.49E-02	0.04	8.28E-01

MELK	0.13	5.15E-01	-0.04	8.28E-01
MLH1	0.10	6.17E-01	-0.04	8.28E-01
MST1P2	0.03	8.88E-01	-0.04	8.28E-01
RP11-481J2.2	-0.04	8.30E-01	0.04	8.28E-01
RP11-500G22.4	-0.17	3.84E-01	0.04	8.28E-01
RP11-87H9.4	0.10	6.31E-01	-0.04	8.28E-01
RP3-510L9.1	-0.14	4.67E-01	-0.04	8.28E-01
RP5-966M1.6	-0.18	3.64E-01	-0.04	8.28E-01
RP6-99M1.3	0.07	7.37E-01	-0.04	8.28E-01
RPL39P5	0.04	8.21E-01	0.04	8.28E-01
RUSC1-AS1	0.16	4.29E-01	-0.04	8.28E-01
SMARCA5-AS1	0.00	9.97E-01	-0.04	8.28E-01
SNRPC	0.10	5.95E-01	0.04	8.28E-01
XLOC_004697	0.06	7.77E-01	-0.04	8.28E-01
ANP32A	-0.27	1.65E-01	0.04	8.29E-01
AP000892.4	0.01	9.75E-01	0.04	8.29E-01
FXN	-0.02	9.03E-01	0.04	8.29E-01
GLTSCR2	0.01	9.42E-01	0.04	8.29E-01
GTF2IP12	-0.11	5.86E-01	0.04	8.29E-01
HDGFP1	-0.19	3.41E-01	0.04	8.29E-01
HIST1H4A	-0.02	9.01E-01	0.04	8.29E-01
IMP4	0.16	4.28E-01	0.04	8.29E-01
NXPH3	0.07	7.23E-01	0.04	8.29E-01
PENK	-0.08	7.02E-01	0.04	8.29E-01
RN7SL739P	-0.06	7.75E-01	0.04	8.29E-01
RNU6-623P	-0.02	9.00E-01	0.04	8.29E-01
RP11-103B5.4	-0.30	1.25E-01	0.04	8.29E-01
RP11-152L20.3	-0.40	3.41E-02	0.04	8.29E-01
RP11-570L15.1	0.01	9.48E-01	0.04	8.29E-01
RP11-640N11.2	0.24	2.10E-01	0.04	8.29E-01
RP11-734J24.1	-0.19	3.42E-01	0.04	8.29E-01
RPL14P1	0.03	8.65E-01	0.04	8.29E-01
RSU1P2	-0.16	4.17E-01	0.04	8.29E-01
SVBP	0.02	9.29E-01	0.04	8.29E-01
TTC39C	-0.04	8.43E-01	0.04	8.29E-01
ZNF33B	0.07	7.18E-01	0.04	8.29E-01
ZNF780A	0.15	4.45E-01	0.04	8.29E-01
AC007308.6	-0.02	9.36E-01	-0.04	8.29E-01
DCAF17	-0.01	9.61E-01	-0.04	8.29E-01
MAFK	-0.48	9.05E-03	-0.04	8.29E-01
PGBD3	0.15	4.45E-01	-0.04	8.29E-01
RNU6-1062P	-0.03	8.98E-01	-0.04	8.29E-01
RP1-161N10.1	-0.17	3.76E-01	-0.04	8.29E-01
RP11-131L12.3	0.05	8.00E-01	-0.04	8.29E-01
RP11-142L4.3	0.14	4.90E-01	-0.04	8.29E-01
RP11-762H8.2	-0.06	7.48E-01	-0.04	8.29E-01
RP4-569M23.2	0.00	9.94E-01	-0.04	8.29E-01

<b>TMEM39A</b>	-0.34	7.59E-02	-0.04	8.29E-01
<b>XLOC_005405</b>	-0.30	1.25E-01	-0.04	8.29E-01
<b>ACAD8</b>	0.37	5.29E-02	0.04	8.30E-01
<b>CHI3L2</b>	0.38	4.52E-02	0.04	8.30E-01
<b>COX5A</b>	0.15	4.51E-01	0.04	8.30E-01
<b>COX6A1P2</b>	0.31	1.09E-01	0.04	8.30E-01
<b>G38278</b>	0.20	3.19E-01	0.04	8.30E-01
<b>GRAMD1C</b>	0.15	4.54E-01	0.04	8.30E-01
<b>INO80C</b>	0.26	1.75E-01	0.04	8.30E-01
<b>KRTAP9-8</b>	-0.11	5.79E-01	0.04	8.30E-01
<b>LTA</b>	0.31	1.05E-01	0.04	8.30E-01
<b>MAFB</b>	-0.05	8.09E-01	0.04	8.30E-01
<b>MIR135A1</b>	-0.30	1.18E-01	0.04	8.30E-01
<b>NUP54</b>	0.15	4.53E-01	0.04	8.30E-01
<b>RP11-70L8.4</b>	-0.33	8.90E-02	0.04	8.30E-01
<b>SNHG9</b>	0.06	7.81E-01	0.04	8.30E-01
<b>VRK2</b>	0.12	5.32E-01	0.04	8.30E-01
<b>ALOXE3</b>	-0.08	6.79E-01	-0.04	8.30E-01
<b>DIS3L2</b>	-0.15	4.37E-01	-0.04	8.30E-01
<b>M6PR</b>	0.15	4.46E-01	-0.04	8.30E-01
<b>NAA15</b>	0.18	3.71E-01	-0.04	8.30E-01
<b>OLIG1</b>	-0.05	8.04E-01	-0.04	8.30E-01
<b>PARD6G-AS1</b>	0.10	6.10E-01	-0.04	8.30E-01
<b>PHF2</b>	0.36	5.78E-02	-0.04	8.30E-01
<b>PP14571</b>	0.07	7.23E-01	-0.04	8.30E-01
<b>RP11-12D24.10</b>	-0.11	5.75E-01	-0.04	8.30E-01
<b>RP11-274A11.3</b>	-0.29	1.33E-01	-0.04	8.30E-01
<b>RP11-79P5.10</b>	-0.16	4.16E-01	-0.04	8.30E-01
<b>RP5-1119A7.14</b>	-0.12	5.45E-01	-0.04	8.30E-01
<b>RPL14</b>	0.13	5.19E-01	-0.04	8.30E-01
<b>SEC13</b>	0.03	8.97E-01	-0.04	8.30E-01
<b>3-Sep</b>	-0.08	6.94E-01	-0.04	8.30E-01
<b>SLC22A9</b>	-0.12	5.41E-01	-0.04	8.30E-01
<b>SMC6</b>	0.13	5.02E-01	-0.04	8.30E-01
<b>TBC1D1</b>	0.20	3.09E-01	-0.04	8.30E-01
<b>TMEM242</b>	0.34	7.97E-02	-0.04	8.30E-01
<b>TXNDC12-AS1</b>	-0.16	4.26E-01	-0.04	8.30E-01
<b>UBE2D2</b>	0.19	3.34E-01	-0.04	8.30E-01
<b>VAX2</b>	0.01	9.71E-01	-0.04	8.30E-01
<b>ZNF154</b>	-0.14	4.72E-01	-0.04	8.30E-01
<b>AC010522.1</b>	0.24	2.27E-01	-0.04	8.31E-01
<b>VKRD62P1-PARP4</b>	-0.01	9.58E-01	-0.04	8.31E-01
<b>ARHGEF12</b>	-0.01	9.47E-01	-0.04	8.31E-01
<b>CCDC53</b>	-0.18	3.49E-01	-0.04	8.31E-01
<b>CTD-3220F14.1</b>	-0.13	5.17E-01	-0.04	8.31E-01
<b>FAM216A</b>	-0.11	5.94E-01	-0.04	8.31E-01
<b>GS1-25M2.1</b>	0.34	7.59E-02	-0.04	8.31E-01

LAMTOR4	-0.13	5.08E-01	-0.04	8.31E-01
LINC00907	0.06	7.78E-01	-0.04	8.31E-01
MED4	-0.02	9.11E-01	-0.04	8.31E-01
PLEKHG5	-0.14	4.86E-01	-0.04	8.31E-01
PRH2	-0.33	8.51E-02	-0.04	8.31E-01
RASL11B	0.16	4.28E-01	-0.04	8.31E-01
RN7SKP217	-0.30	1.15E-01	-0.04	8.31E-01
RN7SL801P	0.05	8.03E-01	-0.04	8.31E-01
RP11-104O19.4	-0.13	4.95E-01	-0.04	8.31E-01
RP11-18F14.4	0.03	8.71E-01	-0.04	8.31E-01
RP11-225N10.3	-0.02	9.05E-01	-0.04	8.31E-01
RP11-344N10.4	0.09	6.66E-01	-0.04	8.31E-01
RP11-454C18.1	0.15	4.34E-01	-0.04	8.31E-01
RP11-78A19.4	-0.14	4.79E-01	-0.04	8.31E-01
RPUSD1	0.28	1.51E-01	-0.04	8.31E-01
SNRPCP4	0.10	6.06E-01	-0.04	8.31E-01
SOX15	0.10	6.11E-01	-0.04	8.31E-01
STAC	-0.27	1.65E-01	-0.04	8.31E-01
TDRD1	-0.19	3.42E-01	-0.04	8.31E-01
TTL11-IT1	-0.24	2.23E-01	-0.04	8.31E-01
ZNF225	-0.07	7.33E-01	-0.04	8.31E-01
DIABLO	0.04	8.39E-01	0.04	8.31E-01
DNAH17	-0.12	5.48E-01	0.04	8.31E-01
FAM156A	-0.08	6.79E-01	0.04	8.31E-01
G5833	0.09	6.47E-01	0.04	8.31E-01
KCNC1	-0.41	2.99E-02	0.04	8.31E-01
MEF2D	-0.33	8.37E-02	0.04	8.31E-01
PYY2	0.01	9.47E-01	0.04	8.31E-01
RNU6-2	0.06	7.63E-01	0.04	8.31E-01
RP11-277P12.10	0.04	8.57E-01	0.04	8.31E-01
SCGB1A1	-0.06	7.57E-01	0.04	8.31E-01
SHMT2	0.22	2.67E-01	0.04	8.31E-01
SNORD114-3	-0.41	3.14E-02	0.04	8.31E-01
TRIM39	0.14	4.63E-01	0.04	8.31E-01
UBR7	-0.05	7.98E-01	0.04	8.31E-01
XLOC_004672	-0.22	2.59E-01	0.04	8.31E-01
AC084809.3	-0.01	9.53E-01	-0.04	8.32E-01
BCO2	0.15	4.37E-01	-0.04	8.32E-01
C10orf105	-0.09	6.46E-01	-0.04	8.32E-01
CAPS	0.02	9.14E-01	0.04	8.32E-01
CCDC109B	0.10	5.95E-01	0.04	8.32E-01
CD5L	-0.09	6.32E-01	-0.04	8.32E-01
G30934	-0.11	5.69E-01	-0.04	8.32E-01
GLA	-0.22	2.64E-01	-0.04	8.32E-01
GLRX	0.24	2.21E-01	-0.04	8.32E-01
HIST1H1D	0.02	9.36E-01	0.04	8.32E-01
HIST1H4L	0.04	8.50E-01	-0.04	8.32E-01

HMGB3	0.19	3.23E-01	-0.04	8.32E-01
HMGCLL1	-0.40	3.47E-02	-0.04	8.32E-01
HNRNPLP2	-0.09	6.59E-01	-0.04	8.32E-01
HYOU1	0.06	7.76E-01	0.04	8.32E-01
IQCG	-0.30	1.20E-01	0.04	8.32E-01
LINC01167	-0.06	7.54E-01	-0.04	8.32E-01
LSM14A	0.02	9.09E-01	-0.04	8.32E-01
MGAT4C	0.20	3.15E-01	-0.04	8.32E-01
NF2	0.14	4.81E-01	-0.04	8.32E-01
PCDH9	0.19	3.27E-01	0.04	8.32E-01
PLEKHA8	0.02	9.08E-01	0.04	8.32E-01
PRDX1P1	-0.09	6.39E-01	0.04	8.32E-01
PTCHD1	-0.01	9.71E-01	-0.04	8.32E-01
RNU6-378P	-0.09	6.60E-01	-0.04	8.32E-01
RP1-56K13.2	-0.22	2.53E-01	-0.04	8.32E-01
RP1-95L4.2	-0.17	3.96E-01	-0.04	8.32E-01
RP11-1191J2.5	-0.09	6.57E-01	-0.04	8.32E-01
RP11-1223D19.3	-0.24	2.17E-01	0.04	8.32E-01
RP11-154J22.1	-0.06	7.81E-01	-0.04	8.32E-01
RP11-2E17.2	0.12	5.52E-01	-0.04	8.32E-01
RP11-487E1.2	0.04	8.52E-01	-0.04	8.32E-01
RP11-53M11.3	-0.05	7.91E-01	-0.04	8.32E-01
RP11-650J17.1	0.38	4.85E-02	0.04	8.32E-01
RP11-650L12.1	0.19	3.39E-01	-0.04	8.32E-01
RP11-733O18.1	-0.19	3.23E-01	-0.04	8.32E-01
RP11-736K20.4	-0.39	4.10E-02	0.04	8.32E-01
SIDT2	-0.02	9.13E-01	-0.04	8.32E-01
SOX7	0.00	9.99E-01	-0.04	8.32E-01
SPTB	-0.01	9.68E-01	-0.04	8.32E-01
STRN	0.15	4.41E-01	-0.04	8.32E-01
SUGP2	-0.06	7.75E-01	-0.04	8.32E-01
TMEM167B	0.08	6.72E-01	-0.04	8.32E-01
WDR82	0.23	2.43E-01	0.04	8.32E-01
ZCCHC3	-0.11	5.82E-01	-0.04	8.32E-01
AC004791.2	0.02	9.17E-01	0.04	8.33E-01
AC005740.5	0.09	6.35E-01	0.04	8.33E-01
AC007091.1	-0.29	1.40E-01	0.04	8.33E-01
AC016831.7	-0.11	5.78E-01	0.04	8.33E-01
AC068831.6	-0.05	8.13E-01	-0.04	8.33E-01
ACTR2	0.12	5.59E-01	0.04	8.33E-01
C19orf53	0.18	3.49E-01	0.04	8.33E-01
CCDC121	-0.16	4.29E-01	-0.04	8.33E-01
COQ3	0.19	3.34E-01	-0.04	8.33E-01
DAPK1-IT1	-0.09	6.63E-01	-0.04	8.33E-01
EIF2S2	0.12	5.45E-01	-0.04	8.33E-01
G16268	0.14	4.77E-01	-0.04	8.33E-01
G29706	-0.31	1.08E-01	0.04	8.33E-01

KRTAP1-1	-0.05	8.10E-01	0.04	8.33E-01
LPP-AS2	0.12	5.55E-01	-0.04	8.33E-01
MAPK12	0.00	9.83E-01	-0.04	8.33E-01
MAX	0.13	5.21E-01	0.04	8.33E-01
MRPL2	0.07	7.40E-01	-0.04	8.33E-01
MRPL38	-0.10	6.14E-01	-0.04	8.33E-01
MSH5	-0.20	3.10E-01	-0.04	8.33E-01
PATZ1	-0.11	5.70E-01	-0.04	8.33E-01
POM121C	0.11	5.65E-01	-0.04	8.33E-01
PPP2CA	0.05	7.97E-01	-0.04	8.33E-01
PPP2R5B	0.05	7.83E-01	0.04	8.33E-01
RAB3GAP2	0.07	7.18E-01	0.04	8.33E-01
RAD17	0.09	6.37E-01	0.04	8.33E-01
RNASEH1	0.05	7.86E-01	0.04	8.33E-01
RP11-109N23.6	-0.38	4.56E-02	0.04	8.33E-01
RP11-158M2.2	0.04	8.57E-01	-0.04	8.33E-01
RP11-210H10__A.1	-0.06	7.61E-01	-0.04	8.33E-01
RP11-324E6.10	-0.08	6.89E-01	-0.04	8.33E-01
RPL7AP4	-0.54	2.77E-03	0.04	8.33E-01
SDAD1P1	-0.05	8.13E-01	0.04	8.33E-01
SLIT3	-0.16	4.24E-01	0.04	8.33E-01
SPSB2	0.02	9.20E-01	-0.04	8.33E-01
STK17B	0.17	3.95E-01	0.04	8.33E-01
TUBGCP4	-0.24	2.14E-01	-0.04	8.33E-01
UBE2E2	0.16	4.30E-01	-0.04	8.33E-01
WBP4	0.00	9.94E-01	-0.04	8.33E-01
WDFY3-AS2	-0.20	3.11E-01	0.04	8.33E-01
XLOC_009603	0.22	2.63E-01	0.04	8.33E-01
Xbac-B476C20.14	-0.03	8.91E-01	0.04	8.33E-01
ZNF837	0.02	9.05E-01	-0.04	8.33E-01
ABLIM1	-0.16	4.30E-01	-0.04	8.35E-01
ALKBH3	0.11	5.88E-01	-0.04	8.35E-01
ARPC3P5	-0.22	2.68E-01	0.04	8.35E-01
BZRAP1-AS1	-0.01	9.78E-01	-0.04	8.35E-01
CACNG4	-0.35	7.01E-02	-0.04	8.35E-01
CPNE7	0.03	8.69E-01	-0.04	8.35E-01
DEFB1	0.17	3.74E-01	0.04	8.35E-01
DPY19L4	0.18	3.54E-01	-0.04	8.35E-01
FAM83G	0.24	2.17E-01	0.04	8.35E-01
FBXL12	0.06	7.44E-01	-0.04	8.35E-01
G32314	0.15	4.38E-01	-0.04	8.35E-01
GOLGA5P1	-0.06	7.69E-01	0.04	8.35E-01
GPR75-ASB3	-0.11	5.61E-01	-0.04	8.35E-01
MRGPRX2	-0.17	3.98E-01	-0.04	8.35E-01
OXCT1	0.16	4.12E-01	0.04	8.35E-01
PRR4	-0.09	6.66E-01	-0.04	8.35E-01
RAB40AL	-0.10	5.96E-01	-0.04	8.35E-01

RANP1	0.36	5.68E-02	0.04	8.35E-01
RBM24	-0.09	6.43E-01	-0.04	8.35E-01
RING1	0.05	7.93E-01	0.04	8.35E-01
RNU6-312P	-0.25	2.02E-01	0.04	8.35E-01
RNU6-874P	-0.09	6.35E-01	-0.04	8.35E-01
RP1-121G13.3	-0.39	4.03E-02	-0.04	8.35E-01
RP11-180C16.1	0.00	9.99E-01	-0.04	8.35E-01
RP11-264B17.4	0.10	6.13E-01	-0.04	8.35E-01
RP11-267J23.4	-0.25	1.93E-01	-0.04	8.35E-01
RP11-384L8.2	-0.28	1.51E-01	0.04	8.35E-01
RP11-474L11.5	-0.17	3.84E-01	0.04	8.35E-01
RP3-406A7.7	-0.23	2.36E-01	0.04	8.35E-01
RP5-1107A17.4	-0.20	2.98E-01	-0.04	8.35E-01
SIGLEC11	-0.26	1.87E-01	0.04	8.35E-01
SNRPGP14	-0.21	2.80E-01	0.04	8.35E-01
SRGAP2	-0.35	6.55E-02	-0.04	8.35E-01
SUMO2P1	0.06	7.43E-01	-0.04	8.35E-01
TTC24	0.17	3.93E-01	-0.04	8.35E-01
U51244.2	-0.04	8.43E-01	0.04	8.35E-01
UGDH	0.06	7.46E-01	-0.04	8.35E-01
AC008850.3	-0.19	3.33E-01	-0.04	8.36E-01
AC090945.1	0.01	9.42E-01	0.04	8.36E-01
ADSSL1	-0.37	5.01E-02	0.04	8.36E-01
C6orf141	-0.01	9.72E-01	0.04	8.36E-01
CCDC149	-0.17	3.75E-01	0.04	8.36E-01
CCNA2	0.12	5.33E-01	0.04	8.36E-01
CTB-193M12.3	-0.14	4.89E-01	0.04	8.36E-01
CTB-5506.12	-0.08	6.69E-01	0.04	8.36E-01
DISC1-IT1	-0.14	4.93E-01	0.04	8.36E-01
G1580	0.13	5.14E-01	0.04	8.36E-01
G26933	-0.17	3.93E-01	0.04	8.36E-01
G30718	0.26	1.83E-01	-0.04	8.36E-01
G42703	-0.16	4.15E-01	-0.04	8.36E-01
G511	0.06	7.78E-01	-0.04	8.36E-01
HSPA5	0.01	9.79E-01	0.04	8.36E-01
IGLV1-40	0.34	7.51E-02	-0.04	8.36E-01
LINC00449	0.01	9.45E-01	0.04	8.36E-01
MIR378H	0.34	7.54E-02	0.04	8.36E-01
MRTO4	0.15	4.39E-01	-0.04	8.36E-01
MS4A2	-0.17	3.89E-01	-0.04	8.36E-01
NELFE	0.04	8.31E-01	0.04	8.36E-01
NPHP3-ACAD11	-0.05	7.98E-01	-0.04	8.36E-01
OSTM1	0.00	9.80E-01	-0.04	8.36E-01
RNU6-315P	0.41	3.18E-02	-0.04	8.36E-01
RNU6-422P	-0.11	5.78E-01	-0.04	8.36E-01
RNU7-16P	-0.06	7.60E-01	-0.04	8.36E-01
RP11-347C12.10	-0.03	8.82E-01	-0.04	8.36E-01

RP11-357N13.2	-0.33	8.67E-02	0.04	8.36E-01
RP11-44F21.5	-0.07	7.07E-01	-0.04	8.36E-01
RP11-48B3.5	0.06	7.45E-01	-0.04	8.36E-01
RP11-712B9.2	0.20	2.99E-01	0.04	8.36E-01
SPICE1	-0.21	2.75E-01	0.04	8.36E-01
THAP5P1	0.26	1.82E-01	0.04	8.36E-01
TIAM2	-0.25	2.04E-01	-0.04	8.36E-01
TMED2	0.20	3.18E-01	-0.04	8.36E-01
XRN2	0.18	3.70E-01	-0.04	8.36E-01
AP000857.2	0.07	7.26E-01	-0.04	8.37E-01
APCDD1L	-0.19	3.23E-01	-0.04	8.37E-01
ARHGEF18	0.01	9.46E-01	-0.04	8.37E-01
ARNTL2-AS1	0.08	6.95E-01	0.04	8.37E-01
CHRNA10	0.19	3.36E-01	0.04	8.37E-01
CTC-332L22.1	-0.07	7.20E-01	0.04	8.37E-01
CTC-529I10.2	-0.19	3.39E-01	-0.04	8.37E-01
EBLN2	-0.08	6.93E-01	-0.04	8.37E-01
GPR79	0.03	8.98E-01	-0.04	8.37E-01
INTS10	-0.07	7.24E-01	0.04	8.37E-01
ISPD	0.39	3.97E-02	0.04	8.37E-01
LINC01094	0.22	2.58E-01	-0.04	8.37E-01
LINC01587	-0.06	7.79E-01	-0.04	8.37E-01
MCM3AP-AS1	0.28	1.56E-01	-0.04	8.37E-01
MEX3C	0.10	6.20E-01	-0.04	8.37E-01
MIR548V	-0.08	6.89E-01	-0.04	8.37E-01
OR52B6	-0.19	3.44E-01	0.04	8.37E-01
PCAT2	-0.21	2.81E-01	0.04	8.37E-01
PLPP7	-0.05	8.16E-01	0.04	8.37E-01
PLXNA4	-0.07	7.21E-01	0.04	8.37E-01
PRAM1	0.33	8.37E-02	-0.04	8.37E-01
RAD54L	0.06	7.69E-01	-0.04	8.37E-01
RNU7-45P	-0.16	4.29E-01	0.04	8.37E-01
RP11-133K1.11	0.20	3.04E-01	0.04	8.37E-01
RP11-161I2.1	-0.10	5.98E-01	0.04	8.37E-01
RP11-347P5.1	0.17	3.90E-01	0.04	8.37E-01
RP11-382A20.5	0.11	5.90E-01	-0.04	8.37E-01
RP11-406H21.2	0.17	3.83E-01	0.04	8.37E-01
RP11-780K2.1	-0.25	2.08E-01	-0.04	8.37E-01
RPL13P12	0.13	5.06E-01	-0.04	8.37E-01
RUVBL2	0.09	6.36E-01	0.04	8.37E-01
SETD3	0.42	2.49E-02	0.04	8.37E-01
SIX4	0.07	7.15E-01	-0.04	8.37E-01
SLC43A3	0.31	1.08E-01	0.04	8.37E-01
SPATA32	-0.15	4.58E-01	-0.04	8.37E-01
WTAPP1	0.24	2.21E-01	-0.04	8.37E-01
ZNF414	-0.09	6.34E-01	0.04	8.37E-01
AC007000.10	0.11	5.66E-01	-0.04	8.38E-01



<b>AC110769.3</b>	-0.05	7.88E-01	0.04	8.38E-01
<b>ACTR8</b>	0.10	6.25E-01	0.04	8.38E-01
<b>ARFGAP2</b>	0.06	7.71E-01	0.04	8.38E-01
<b>ATAD3C</b>	0.29	1.35E-01	-0.04	8.38E-01
<b>BAIAP2L2</b>	0.04	8.29E-01	0.04	8.38E-01
<b>BDNF</b>	-0.17	3.94E-01	0.04	8.38E-01
<b>C1orf56</b>	-0.14	4.66E-01	0.04	8.38E-01
<b>CELF1</b>	0.06	7.69E-01	-0.04	8.38E-01
<b>CENPO</b>	-0.08	6.74E-01	0.04	8.38E-01
<b>CHST15</b>	0.31	1.04E-01	-0.04	8.38E-01
<b>CTD-2008L17.2</b>	-0.27	1.62E-01	-0.04	8.38E-01
<b>DYNC1H1</b>	-0.19	3.46E-01	0.04	8.38E-01
<b>EML1</b>	-0.27	1.71E-01	0.04	8.38E-01
<b>G13086</b>	0.13	5.05E-01	0.04	8.38E-01
<b>HIC1</b>	-0.36	5.82E-02	-0.04	8.38E-01
<b>HIPK2</b>	0.18	3.49E-01	0.04	8.38E-01
<b>KCNQ5</b>	-0.16	4.24E-01	-0.04	8.38E-01
<b>MEG3</b>	-0.26	1.85E-01	-0.04	8.38E-01
<b>NGFR</b>	0.24	2.28E-01	0.04	8.38E-01
<b>OLFM5P</b>	-0.10	6.29E-01	0.04	8.38E-01
<b>PDAP1</b>	0.12	5.43E-01	0.04	8.38E-01
<b>PLCB1</b>	-0.15	4.58E-01	0.04	8.38E-01
<b>RNU7-181P</b>	-0.06	7.70E-01	-0.04	8.38E-01
<b>RP11-177G23.1</b>	-0.19	3.38E-01	-0.04	8.38E-01
<b>RP11-216B9.6</b>	-0.02	9.13E-01	0.04	8.38E-01
<b>RP11-231G3.1</b>	-0.03	8.71E-01	-0.04	8.38E-01
<b>RP11-298D21.2</b>	-0.24	2.09E-01	-0.04	8.38E-01
<b>RP11-345N11.1</b>	0.11	5.68E-01	0.04	8.38E-01
<b>RP11-440D17.4</b>	0.06	7.53E-01	0.04	8.38E-01
<b>RP11-44M6.3</b>	-0.16	4.19E-01	0.04	8.38E-01
<b>RP11-573D15.9</b>	-0.08	6.74E-01	0.04	8.38E-01
<b>RP11-603J24.5</b>	-0.33	8.24E-02	-0.04	8.38E-01
<b>RP11-661G16.2</b>	-0.35	6.80E-02	-0.04	8.38E-01
<b>RP5-881P19.7</b>	0.14	4.71E-01	-0.04	8.38E-01
<b>RPS24</b>	0.12	5.58E-01	-0.04	8.38E-01
<b>SHISA6</b>	0.19	3.32E-01	0.04	8.38E-01
<b>SUMO2P17</b>	0.11	5.94E-01	0.04	8.38E-01
<b>XPA</b>	0.17	4.00E-01	0.04	8.38E-01
<b>ZBTB20</b>	-0.40	3.63E-02	0.04	8.38E-01
<b>ZDHHC14</b>	0.10	6.01E-01	-0.04	8.38E-01
<b>AC005154.8</b>	-0.20	3.14E-01	0.04	8.39E-01
<b>AC018766.4</b>	0.09	6.52E-01	0.04	8.39E-01
<b>ANKRD11</b>	0.10	6.29E-01	0.04	8.39E-01
<b>CDC37L1-AS1</b>	0.09	6.62E-01	0.04	8.39E-01
<b>DRG1</b>	0.06	7.46E-01	0.04	8.39E-01
<b>EWSAT1</b>	-0.19	3.40E-01	0.04	8.39E-01
<b>FAM205C</b>	-0.19	3.33E-01	0.04	8.39E-01

FAM213A	0.04	8.39E-01	0.04	8.39E-01
KIAA1755	-0.13	5.05E-01	0.04	8.39E-01
LINC00276	0.11	5.80E-01	0.04	8.39E-01
RN7SL65P	0.12	5.51E-01	0.04	8.39E-01
RNU1-124P	0.32	9.90E-02	0.04	8.39E-01
RP11-1000B6.7	-0.26	1.84E-01	0.04	8.39E-01
RP11-248G5.9	-0.02	9.23E-01	0.04	8.39E-01
RP11-291I6.2	-0.10	6.04E-01	0.04	8.39E-01
RP11-401P9.4	-0.07	7.13E-01	0.04	8.39E-01
RP11-452N17.1	0.05	7.96E-01	0.04	8.39E-01
RPS20P15	-0.13	5.24E-01	0.04	8.39E-01
SLC9A6	0.08	6.76E-01	0.04	8.39E-01
AC005288.1	-0.14	4.85E-01	-0.04	8.39E-01
AGBL5-IT1	0.13	4.95E-01	-0.04	8.39E-01
DGCR6	0.17	3.86E-01	-0.04	8.39E-01
EIF3C	0.21	2.81E-01	-0.04	8.39E-01
G15372	-0.22	2.68E-01	-0.04	8.39E-01
LINC00612	-0.29	1.30E-01	-0.04	8.39E-01
MLLT4-AS1	0.20	3.06E-01	-0.04	8.39E-01
MYOC	-0.13	4.95E-01	-0.04	8.39E-01
PDCD7	0.19	3.29E-01	-0.04	8.39E-01
RP11-229P13.2	0.02	9.38E-01	-0.04	8.39E-01
RP11-299G20.5	0.11	5.61E-01	-0.04	8.39E-01
RP11-532F6.5	0.02	9.35E-01	-0.04	8.39E-01
RP11-680F8.3	-0.12	5.51E-01	-0.04	8.39E-01
RP11-80H18.4	0.13	5.10E-01	-0.04	8.39E-01
RPL7P9	0.00	9.80E-01	-0.04	8.39E-01
SCFD1	0.20	3.05E-01	-0.04	8.39E-01
SPRN	0.08	7.01E-01	-0.04	8.39E-01
THSD7B	-0.42	2.73E-02	-0.04	8.39E-01
TMPRSS12	-0.23	2.36E-01	-0.04	8.39E-01
TPGS2	0.09	6.44E-01	-0.04	8.39E-01
XLOC_008811	0.28	1.48E-01	-0.04	8.39E-01
ADAMTSL1	-0.25	2.04E-01	-0.04	8.41E-01
ANKS3	-0.14	4.83E-01	-0.04	8.41E-01
AP2B1	-0.15	4.57E-01	0.04	8.41E-01
CLEC2D	0.22	2.60E-01	0.04	8.41E-01
CLEC4A	-0.03	8.74E-01	0.04	8.41E-01
CSF3	0.19	3.33E-01	0.04	8.41E-01
DYNLL2	0.02	9.17E-01	0.04	8.41E-01
EIF4BP7	0.14	4.81E-01	-0.04	8.41E-01
FBXO22	0.11	5.93E-01	-0.04	8.41E-01
FPR1	0.15	4.31E-01	-0.04	8.41E-01
GGCX	0.01	9.64E-01	0.04	8.41E-01
ITGAD	0.04	8.28E-01	0.04	8.41E-01
NDST3	0.23	2.42E-01	-0.04	8.41E-01
NOMO2	-0.13	5.01E-01	-0.04	8.41E-01

PLCE1-AS2	-0.36	5.78E-02	0.04	8.41E-01
PLET1	-0.19	3.23E-01	0.04	8.41E-01
PMPCA	0.19	3.42E-01	0.04	8.41E-01
RP11-117L5.3	-0.03	8.87E-01	-0.04	8.41E-01
RP11-277I20.3	0.07	7.20E-01	-0.04	8.41E-01
RP11-347C12.12	-0.33	8.37E-02	-0.04	8.41E-01
RP11-393I2.2	0.18	3.52E-01	-0.04	8.41E-01
RP11-541N10.3	0.24	2.10E-01	0.04	8.41E-01
RP11-927P21.2	-0.10	6.03E-01	-0.04	8.41E-01
SUPT4H1	0.05	8.11E-01	0.04	8.41E-01
TCTEX1D2	0.14	4.72E-01	0.04	8.41E-01
ZNF699	-0.06	7.65E-01	-0.04	8.41E-01
ZSCAN4	-0.10	6.27E-01	-0.04	8.41E-01
ATG7	0.10	6.13E-01	0.04	8.42E-01
CDC42SE1	0.16	4.25E-01	0.04	8.42E-01
EHD1	0.02	9.10E-01	0.04	8.42E-01
KRT8P29	0.16	4.03E-01	0.04	8.42E-01
LINC00239	0.19	3.27E-01	0.04	8.42E-01
LINC00840	-0.42	2.62E-02	0.04	8.42E-01
LINC01239	-0.09	6.45E-01	0.04	8.42E-01
OR7D2	-0.13	4.93E-01	0.04	8.42E-01
RP11-488I20.8	0.06	7.71E-01	0.04	8.42E-01
RP3-508I15.14	-0.18	3.60E-01	0.04	8.42E-01
SENP5	0.24	2.27E-01	0.04	8.42E-01
SPDYE3	0.14	4.85E-01	0.04	8.42E-01
TMEM145	0.16	4.02E-01	0.04	8.42E-01
TTC17	-0.08	6.82E-01	0.04	8.42E-01
XLOC_000648	-0.01	9.57E-01	0.04	8.42E-01
XPO5	0.14	4.76E-01	0.04	8.42E-01
ZFP1	0.02	9.09E-01	0.04	8.42E-01
bP-2171C21.6	-0.27	1.72E-01	0.04	8.42E-01
AC002116.7	-0.25	2.00E-01	-0.04	8.42E-01
AC007969.5	0.10	6.22E-01	-0.04	8.42E-01
ARHGAP27	0.17	3.74E-01	-0.04	8.42E-01
CTD-2529P6.3	-0.08	6.96E-01	-0.04	8.42E-01
DDX54	0.20	3.05E-01	-0.04	8.42E-01
HID1	-0.25	2.06E-01	-0.04	8.42E-01
HMG1P8	-0.07	7.10E-01	-0.04	8.42E-01
KLRC4-KLRK1	-0.15	4.42E-01	-0.04	8.42E-01
ME2	0.11	5.61E-01	-0.04	8.42E-01
NAMPT	0.15	4.47E-01	-0.04	8.42E-01
PCSK4	-0.13	5.17E-01	-0.04	8.42E-01
PHF13	0.18	3.70E-01	-0.04	8.42E-01
PSORS1C3	-0.16	4.26E-01	-0.04	8.42E-01
RNA5SP37	-0.15	4.39E-01	-0.04	8.42E-01
RP11-366M4.11	0.16	4.18E-01	-0.04	8.42E-01
RP11-44F14.7	0.10	5.95E-01	-0.04	8.42E-01

<b>RP11-467L13.7</b>	0.26	1.74E-01	-0.04	8.42E-01
<b>RP11-473O4.3</b>	0.22	2.59E-01	-0.04	8.42E-01
<b>RP11-708J19.1</b>	0.19	3.36E-01	-0.04	8.42E-01
<b>RP13-225O21.2</b>	-0.37	4.98E-02	-0.04	8.42E-01
<b>RP5-1024G6.5</b>	0.13	4.97E-01	-0.04	8.42E-01
<b>SLC16A4</b>	0.02	9.10E-01	-0.04	8.42E-01
<b>SRSF10P1</b>	-0.21	2.86E-01	-0.04	8.42E-01
<b>TGIF2P1</b>	0.18	3.67E-01	-0.04	8.42E-01
<b>TLE1</b>	-0.29	1.36E-01	-0.04	8.42E-01
<b>ABHD5</b>	0.04	8.53E-01	-0.04	8.43E-01
<b>AC004812.1</b>	-0.04	8.53E-01	0.04	8.43E-01
<b>AC013468.1</b>	-0.16	4.26E-01	0.04	8.43E-01
<b>ADAMTS10</b>	-0.27	1.66E-01	0.04	8.43E-01
<b>ALOX5</b>	-0.06	7.48E-01	0.04	8.43E-01
<b>CHD8</b>	-0.09	6.37E-01	-0.04	8.43E-01
<b>CLEC12A</b>	-0.05	7.93E-01	0.04	8.43E-01
<b>CLEC18B</b>	-0.03	8.90E-01	0.04	8.43E-01
<b>CSDE1</b>	0.09	6.41E-01	0.04	8.43E-01
<b>DGKB</b>	-0.51	5.56E-03	0.04	8.43E-01
<b>FBXO36</b>	0.18	3.60E-01	0.04	8.43E-01
<b>FMO4</b>	0.12	5.57E-01	-0.04	8.43E-01
<b>HES5</b>	-0.20	3.02E-01	-0.04	8.43E-01
<b>HMGA1</b>	0.08	6.82E-01	-0.04	8.43E-01
<b>MT-CYB</b>	0.27	1.64E-01	0.04	8.43E-01
<b>PCED1B-AS1</b>	-0.02	9.12E-01	0.04	8.43E-01
<b>PRED57</b>	0.07	7.33E-01	-0.04	8.43E-01
<b>RGPD4</b>	0.13	5.24E-01	0.04	8.43E-01
<b>RNF133</b>	-0.21	2.82E-01	-0.04	8.43E-01
<b>RP1-12G14.9</b>	-0.26	1.90E-01	-0.04	8.43E-01
<b>RP11-102N12.2</b>	-0.05	8.05E-01	0.04	8.43E-01
<b>RP11-117L5.4</b>	-0.28	1.55E-01	-0.04	8.43E-01
<b>RP11-399E6.1</b>	-0.28	1.43E-01	-0.04	8.43E-01
<b>RP11-597D13.7</b>	0.35	7.05E-02	-0.04	8.43E-01
<b>RP11-881M11.4</b>	0.05	7.96E-01	-0.04	8.43E-01
<b>RP11-999E24.3</b>	-0.12	5.50E-01	-0.04	8.43E-01
<b>S100A1</b>	-0.07	7.07E-01	-0.04	8.43E-01
<b>SIRT2</b>	0.04	8.50E-01	0.04	8.43E-01
<b>ST13P5</b>	-0.17	3.97E-01	0.04	8.43E-01
<b>UBE2J1</b>	-0.03	8.67E-01	-0.04	8.43E-01
<b>VENTXP6</b>	0.00	9.87E-01	-0.04	8.43E-01
<b>bP-2189O9.2</b>	-0.02	9.28E-01	-0.04	8.43E-01
<b>AL953854.2</b>	-0.35	6.66E-02	-0.04	8.44E-01
<b>ARHGAP15</b>	0.18	3.68E-01	0.04	8.44E-01
<b>C1orf229</b>	-0.04	8.40E-01	-0.04	8.44E-01
<b>CBX8</b>	-0.34	7.29E-02	-0.04	8.44E-01
<b>CDC42</b>	0.14	4.74E-01	-0.04	8.44E-01
<b>CFAP20</b>	0.17	3.74E-01	-0.04	8.44E-01

CLNK	-0.16	4.24E-01	0.04	8.44E-01
COX6B1P5	0.08	6.74E-01	0.04	8.44E-01
EPN2-AS1	-0.31	1.07E-01	0.04	8.44E-01
G1876	0.04	8.35E-01	-0.04	8.44E-01
G31133	-0.01	9.67E-01	-0.04	8.44E-01
GAB2	-0.25	1.97E-01	-0.04	8.44E-01
GATAD2B	-0.15	4.52E-01	0.04	8.44E-01
HLA-G	0.11	5.71E-01	0.04	8.44E-01
KIF12	-0.20	3.09E-01	-0.04	8.44E-01
OR7E12P	-0.18	3.59E-01	0.04	8.44E-01
PLEKHA4	-0.04	8.55E-01	-0.04	8.44E-01
PRPF38A	-0.01	9.44E-01	-0.04	8.44E-01
PSMD1	0.07	7.17E-01	-0.04	8.44E-01
RNU2-5P	-0.15	4.49E-01	-0.04	8.44E-01
RP11-159H22.2	0.10	6.12E-01	-0.04	8.44E-01
RP11-274B21.3	0.29	1.28E-01	0.04	8.44E-01
RP11-486O13.4	-0.19	3.26E-01	-0.04	8.44E-01
RP11-516A11.1	0.31	1.04E-01	-0.04	8.44E-01
RP11-548H18.2	-0.04	8.44E-01	-0.04	8.44E-01
RP11-573N10.1	-0.02	9.36E-01	0.04	8.44E-01
RP4-769N13.7	-0.15	4.47E-01	0.04	8.44E-01
RP9	0.07	7.37E-01	0.04	8.44E-01
RPL10P3	0.31	1.04E-01	-0.04	8.44E-01
RPL23AP64	-0.20	3.05E-01	-0.04	8.44E-01
SLC9A5	-0.09	6.58E-01	0.04	8.44E-01
THNSL2	0.08	6.91E-01	0.04	8.44E-01
TMEM203	0.09	6.47E-01	0.04	8.44E-01
WNT2B	0.00	9.89E-01	0.04	8.44E-01
XLOC_007556	-0.52	4.18E-03	0.04	8.44E-01
AC133785.1	0.19	3.37E-01	0.04	8.45E-01
C10orf2	0.19	3.29E-01	0.04	8.45E-01
CTD-2525I3.3	-0.25	2.03E-01	0.04	8.45E-01
FBXL19	0.40	3.53E-02	0.04	8.45E-01
GATM	0.11	5.93E-01	0.04	8.45E-01
GTF3C5	0.17	3.94E-01	0.04	8.45E-01
PHBP2	-0.11	5.86E-01	0.04	8.45E-01
RN7SKP285	-0.34	7.97E-02	0.04	8.45E-01
RP11-127I20.7	0.14	4.77E-01	0.04	8.45E-01
RP11-231P20.2	0.34	7.87E-02	0.04	8.45E-01
RP11-24C3.2	-0.23	2.37E-01	0.04	8.45E-01
RP11-351I21.7	0.21	2.93E-01	0.04	8.45E-01
RP11-964E11.3	0.08	6.81E-01	0.04	8.45E-01
RPL29	0.09	6.66E-01	0.04	8.45E-01
SLC25A5	0.17	4.01E-01	0.04	8.45E-01
TSC22D2	0.02	9.08E-01	0.04	8.45E-01
C1RL-AS1	0.13	4.96E-01	-0.04	8.45E-01
CHORDC1	-0.06	7.59E-01	-0.04	8.45E-01

<b>FUK</b>	-0.28	1.49E-01	-0.04	8.45E-01
<b>GUSBP2</b>	0.10	6.14E-01	-0.04	8.45E-01
<b>HNRNPA3P9</b>	-0.26	1.76E-01	-0.04	8.45E-01
<b>ID2-AS1</b>	0.00	9.97E-01	-0.04	8.45E-01
<b>MIR222HG</b>	0.14	4.67E-01	-0.04	8.45E-01
<b>OMG</b>	0.08	6.91E-01	-0.04	8.45E-01
<b>PKD1L3</b>	-0.35	6.91E-02	-0.04	8.45E-01
<b>PTMS</b>	0.21	2.77E-01	-0.04	8.45E-01
<b>REXO1</b>	-0.05	7.95E-01	-0.04	8.45E-01
<b>RP11-1023L17.1</b>	-0.03	8.66E-01	-0.04	8.45E-01
<b>RP11-676J12.7</b>	-0.21	2.77E-01	-0.04	8.45E-01
<b>RP11-770J1.5</b>	-0.20	3.13E-01	-0.04	8.45E-01
<b>RP4-798P15.3</b>	-0.08	6.91E-01	-0.04	8.45E-01
<b>RPS9</b>	0.13	5.01E-01	-0.04	8.45E-01
<b>Kbac-BPG299F13.1</b>	-0.15	4.49E-01	-0.04	8.45E-01
<b>ZNF23</b>	0.04	8.44E-01	-0.04	8.45E-01
<b>AC005042.4</b>	0.01	9.60E-01	0.04	8.46E-01
<b>ARL5B</b>	0.11	5.66E-01	0.04	8.46E-01
<b>ASF1A</b>	-0.11	5.92E-01	0.04	8.46E-01
<b>C15orf48</b>	0.30	1.24E-01	0.04	8.46E-01
<b>HIST1H4J</b>	0.13	5.23E-01	0.04	8.46E-01
<b>HSPH1</b>	0.07	7.13E-01	0.04	8.46E-01
<b>JOSD1</b>	0.12	5.28E-01	0.04	8.46E-01
<b>MED28P3</b>	-0.30	1.23E-01	0.04	8.46E-01
<b>MZT2B</b>	0.27	1.63E-01	0.04	8.46E-01
<b>RP11-110I1.12</b>	0.27	1.70E-01	0.04	8.46E-01
<b>RP11-24F11.2</b>	-0.03	8.82E-01	0.04	8.46E-01
<b>RP11-317B17.4</b>	-0.24	2.23E-01	0.04	8.46E-01
<b>RP11-69L16.4</b>	-0.10	6.29E-01	0.04	8.46E-01
<b>RP5-882C2.2</b>	-0.05	8.19E-01	0.04	8.46E-01
<b>RPL17P19</b>	-0.03	8.93E-01	0.04	8.46E-01
<b>SNORA33</b>	0.03	8.93E-01	0.04	8.46E-01
<b>TRMT61B</b>	0.17	3.82E-01	0.04	8.46E-01
<b>TWF1</b>	0.11	5.82E-01	0.04	8.46E-01
<b>ZNF620</b>	0.37	5.56E-02	0.04	8.46E-01
<b>ACOT8</b>	-0.15	4.60E-01	-0.04	8.46E-01
<b>ADK</b>	0.03	8.98E-01	-0.04	8.46E-01
<b>AF131215.8</b>	0.11	5.68E-01	-0.04	8.46E-01
<b>ANO2</b>	-0.46	1.37E-02	-0.04	8.46E-01
<b>C1QTNF2</b>	-0.02	9.10E-01	-0.04	8.46E-01
<b>CRAMP1</b>	0.07	7.25E-01	-0.04	8.46E-01
<b>CTD-2193G5.1</b>	-0.30	1.19E-01	-0.04	8.46E-01
<b>CTD-2538C1.2</b>	-0.05	8.11E-01	-0.04	8.46E-01
<b>CTSH</b>	0.09	6.45E-01	-0.04	8.46E-01
<b>EIF3F</b>	-0.06	7.71E-01	-0.04	8.46E-01
<b>GMFB</b>	0.17	3.95E-01	-0.04	8.46E-01
<b>IGLV1-47</b>	0.26	1.76E-01	-0.04	8.46E-01

KCNMB2	0.05	7.93E-01	-0.04	8.46E-01
LVRN	-0.19	3.39E-01	-0.04	8.46E-01
MAGEF1	0.19	3.41E-01	-0.04	8.46E-01
MRPS2	0.13	5.14E-01	-0.04	8.46E-01
NKD1	-0.34	8.08E-02	-0.04	8.46E-01
RNU6-444P	-0.35	6.41E-02	-0.04	8.46E-01
RP11-209M4.1	0.09	6.40E-01	-0.04	8.46E-01
RP11-227G15.12	-0.05	7.97E-01	-0.04	8.46E-01
RP11-380F14.2	-0.06	7.54E-01	-0.04	8.46E-01
RP11-44N12.5	-0.08	6.78E-01	-0.04	8.46E-01
RP13-942N8.1	0.02	9.09E-01	-0.04	8.46E-01
RP5-1187M17.10	-0.04	8.42E-01	-0.04	8.46E-01
SMAD1-AS1	0.30	1.15E-01	-0.04	8.46E-01
TMEM33	0.27	1.59E-01	-0.04	8.46E-01
AGAP10P	0.21	2.87E-01	-0.04	8.48E-01
ARHGEF38	0.16	4.29E-01	-0.04	8.48E-01
ASNSD1	0.17	3.87E-01	0.04	8.48E-01
BX649597.1	-0.06	7.79E-01	-0.04	8.48E-01
C11orf49	0.12	5.29E-01	-0.04	8.48E-01
CHAD	-0.05	7.88E-01	-0.04	8.48E-01
CMB9-22P13.1	0.10	6.30E-01	-0.04	8.48E-01
CNOT4	-0.19	3.25E-01	0.04	8.48E-01
CPEB4	0.28	1.54E-01	0.04	8.48E-01
CTA-313A17.2	0.26	1.86E-01	0.04	8.48E-01
DPH1	-0.20	3.16E-01	-0.04	8.48E-01
FDPS	0.20	3.00E-01	0.04	8.48E-01
GAS5-AS1	-0.04	8.25E-01	-0.04	8.48E-01
HMSD	-0.11	5.87E-01	0.04	8.48E-01
HNRNPA1P10	-0.06	7.60E-01	0.04	8.48E-01
HSPE1	0.05	7.84E-01	0.04	8.48E-01
HTT-AS	-0.08	6.79E-01	0.04	8.48E-01
KANK3	-0.05	7.88E-01	0.04	8.48E-01
LINC01317	-0.51	5.71E-03	-0.04	8.48E-01
MED13	0.17	3.78E-01	0.04	8.48E-01
NOS1AP	-0.27	1.70E-01	-0.04	8.48E-01
ODF2-AS1	0.01	9.76E-01	-0.04	8.48E-01
RP11-128M1.1	0.08	6.79E-01	0.04	8.48E-01
RP11-160H22.3	0.37	5.25E-02	0.04	8.48E-01
RP11-20I23.10	0.19	3.22E-01	0.04	8.48E-01
RP11-598F7.4	0.04	8.51E-01	0.04	8.48E-01
RP3-441A12.1	0.01	9.70E-01	0.04	8.48E-01
RP5-855D21.1	0.00	9.85E-01	-0.04	8.48E-01
SLC35B1	-0.02	9.39E-01	-0.04	8.48E-01
SMIM5	-0.01	9.56E-01	0.04	8.48E-01
SNHG16	0.14	4.66E-01	0.04	8.48E-01
SPP1	0.12	5.51E-01	-0.04	8.48E-01
ZNF18	-0.16	4.28E-01	-0.04	8.48E-01

AC018890.6	0.00	9.81E-01	0.04	8.49E-01
AP000462.3	0.18	3.56E-01	0.04	8.49E-01
ARHGEF10L	0.08	7.01E-01	0.04	8.49E-01
ASAP1-IT2	0.01	9.47E-01	0.04	8.49E-01
CDPF1	-0.02	9.28E-01	0.04	8.49E-01
CYP11A1	0.16	4.12E-01	0.04	8.49E-01
DENND5A	-0.12	5.46E-01	0.04	8.49E-01
DOCK4	-0.15	4.34E-01	0.04	8.49E-01
FAM66E	-0.15	4.36E-01	0.04	8.49E-01
GOT1	0.20	3.04E-01	0.04	8.49E-01
IL6ST	0.18	3.69E-01	0.04	8.49E-01
LRP12	-0.02	9.08E-01	0.04	8.49E-01
RP11-172E10.1	-0.16	4.15E-01	0.04	8.49E-01
RP11-90O23.1	-0.07	7.40E-01	0.04	8.49E-01
RPL31P52	0.13	5.21E-01	0.04	8.49E-01
SLC25A43	0.08	6.85E-01	0.04	8.49E-01
SPG21	0.07	7.26E-01	0.04	8.49E-01
TBC1D10C	0.06	7.66E-01	0.04	8.49E-01
TPTE2P1	-0.39	3.88E-02	0.04	8.49E-01
TTC28	-0.16	4.05E-01	0.04	8.49E-01
YWHAH	0.06	7.43E-01	0.04	8.49E-01
AR	-0.21	2.82E-01	-0.04	8.49E-01
CNKSR3	0.26	1.78E-01	-0.04	8.49E-01
CREBL2	-0.04	8.52E-01	-0.04	8.49E-01
HBA1	0.02	9.04E-01	-0.04	8.49E-01
LDHAP7	-0.01	9.76E-01	-0.04	8.49E-01
MYBBP1A	0.22	2.53E-01	-0.04	8.49E-01
RN7SKP16	-0.09	6.44E-01	-0.04	8.49E-01
SETP12	0.05	7.88E-01	-0.04	8.49E-01
SNX21	-0.21	2.89E-01	-0.04	8.49E-01
ST13P20	0.00	9.99E-01	-0.04	8.49E-01
STOML2	0.14	4.84E-01	-0.04	8.49E-01
TRNP1	0.15	4.52E-01	-0.04	8.49E-01
WNK1	-0.14	4.80E-01	-0.04	8.49E-01
ZNF71	0.00	9.80E-01	-0.04	8.49E-01
AP000560.1	-0.07	7.11E-01	0.04	8.50E-01
ATP2B4	-0.24	2.22E-01	0.04	8.50E-01
CD101	-0.14	4.75E-01	0.04	8.50E-01
GSN-AS1	-0.21	2.88E-01	0.04	8.50E-01
GTF2E2	-0.02	9.05E-01	0.04	8.50E-01
HYAL3	0.16	4.12E-01	0.04	8.50E-01
PEX10	0.08	6.91E-01	0.04	8.50E-01
RP11-416A17.1	-0.19	3.34E-01	0.04	8.50E-01
RPL27	0.23	2.31E-01	0.04	8.50E-01
SNORA30	-0.20	3.17E-01	0.04	8.50E-01
AL627309.1	-0.04	8.53E-01	-0.04	8.50E-01
ANKRD30B	-0.11	5.69E-01	-0.04	8.50E-01



CAPZA3	-0.03	8.93E-01	-0.04	8.50E-01
CCDC43	0.02	9.13E-01	-0.04	8.50E-01
CTD-2024P10.1	0.13	5.26E-01	-0.04	8.50E-01
ELANE	0.00	9.82E-01	-0.04	8.50E-01
FBXW12	-0.03	8.78E-01	-0.04	8.50E-01
ITGA6	-0.09	6.63E-01	-0.04	8.50E-01
ITGA7	0.07	7.07E-01	-0.04	8.50E-01
MTND4P14	-0.04	8.31E-01	-0.04	8.50E-01
PCMT1	0.03	8.81E-01	-0.04	8.50E-01
PIANP	0.16	4.29E-01	-0.04	8.50E-01
PTCH2	-0.44	1.85E-02	-0.04	8.50E-01
RN7SL246P	0.00	9.97E-01	-0.04	8.50E-01
ROPN1	-0.50	6.31E-03	-0.04	8.50E-01
RP11-341N2.1	-0.06	7.71E-01	-0.04	8.50E-01
SMARCA2	-0.25	1.93E-01	-0.04	8.50E-01
SUMF1	0.16	4.14E-01	-0.04	8.50E-01
TCEB3-AS1	0.14	4.72E-01	-0.04	8.50E-01
TMX1	0.24	2.27E-01	-0.04	8.50E-01
WI2-3658N16.1	-0.17	3.84E-01	-0.04	8.50E-01
ABHD1	-0.06	7.57E-01	-0.04	8.51E-01
AC003104.1	-0.27	1.59E-01	0.04	8.51E-01
AC007050.17	-0.05	8.14E-01	0.04	8.51E-01
APOM	-0.08	6.82E-01	-0.04	8.51E-01
ARL9	-0.42	2.65E-02	-0.04	8.51E-01
ATP6V0B	0.12	5.43E-01	-0.04	8.51E-01
B3GALNT2	-0.13	4.96E-01	-0.04	8.51E-01
CHST9	0.08	6.93E-01	0.04	8.51E-01
G20113	-0.23	2.38E-01	0.04	8.51E-01
G26311	0.02	9.06E-01	-0.04	8.51E-01
G36779	0.02	9.18E-01	0.04	8.51E-01
GNG12	-0.06	7.80E-01	-0.04	8.51E-01
GRIP1	-0.25	2.08E-01	-0.04	8.51E-01
MIR4714	0.21	2.89E-01	0.04	8.51E-01
MYCL	-0.07	7.29E-01	-0.04	8.51E-01
NCOA3	0.11	5.93E-01	0.04	8.51E-01
NVL	-0.04	8.52E-01	0.04	8.51E-01
PCDHB18P	-0.16	4.05E-01	-0.04	8.51E-01
PTGFRN	0.13	5.04E-01	0.04	8.51E-01
RFC4	-0.02	9.03E-01	-0.04	8.51E-01
RN7SKP95	-0.26	1.90E-01	-0.04	8.51E-01
RN7SL351P	0.10	6.16E-01	0.04	8.51E-01
RNU6-482P	-0.23	2.37E-01	-0.04	8.51E-01
RP1-309F20.4	-0.23	2.32E-01	0.04	8.51E-01
RP11-142C4.4	0.05	7.96E-01	-0.04	8.51E-01
RP11-318C24.2	0.20	3.13E-01	-0.04	8.51E-01
RP11-437F6.1	-0.38	4.46E-02	0.04	8.51E-01
RP11-780M14.1	-0.11	5.61E-01	-0.04	8.51E-01

SLC13A2	-0.16	4.02E-01	0.04	8.51E-01
SSR2	0.00	9.99E-01	-0.04	8.51E-01
TPM1	-0.04	8.55E-01	0.04	8.51E-01
TSNARE1	-0.32	9.96E-02	0.04	8.51E-01
VANGL1	0.31	1.14E-01	-0.04	8.51E-01
WWC3-AS1	-0.44	2.06E-02	0.04	8.51E-01
XLOC_012736	-0.08	6.72E-01	0.04	8.51E-01
ZNF407	-0.22	2.57E-01	-0.04	8.51E-01
ZNF766	-0.18	3.57E-01	-0.04	8.51E-01
COL17A1	-0.03	8.82E-01	0.04	8.52E-01
FEM1C	0.08	7.03E-01	0.04	8.52E-01
FLRT3	0.42	2.50E-02	0.04	8.52E-01
G28011	-0.12	5.52E-01	0.04	8.52E-01
LY6D	0.06	7.60E-01	0.04	8.52E-01
MRPL35	0.21	2.91E-01	0.04	8.52E-01
OLFM2	-0.13	5.10E-01	0.04	8.52E-01
RP11-188P17.2	-0.10	6.00E-01	0.04	8.52E-01
RP11-553L6.5	-0.31	1.06E-01	0.04	8.52E-01
RP5-1158E12.3	0.29	1.31E-01	0.04	8.52E-01
SLC23A2	0.27	1.65E-01	0.04	8.52E-01
TRAV8-3	0.15	4.37E-01	0.04	8.52E-01
XLOC_010312	-0.08	6.91E-01	0.04	8.52E-01
ZNHIT2	0.12	5.38E-01	0.04	8.52E-01
ARHGEF40	-0.43	2.15E-02	-0.04	8.52E-01
ECHDC2	-0.03	8.77E-01	-0.04	8.52E-01
FAM129C	-0.15	4.31E-01	-0.04	8.52E-01
FRY-AS1	-0.04	8.25E-01	-0.04	8.52E-01
G35131	-0.13	5.22E-01	-0.04	8.52E-01
G42780	-0.16	4.25E-01	-0.04	8.52E-01
HSP90B2P	0.04	8.58E-01	-0.04	8.52E-01
LAMC3	-0.13	5.10E-01	-0.04	8.52E-01
LANCL3	0.29	1.29E-01	-0.04	8.52E-01
NUP210L	0.23	2.45E-01	-0.04	8.52E-01
PSMC2	0.00	9.80E-01	-0.04	8.52E-01
RP1-267D11.1	0.17	4.00E-01	-0.04	8.52E-01
RP11-30L15.4	-0.20	3.17E-01	-0.04	8.52E-01
RP11-554A11.8	-0.16	4.25E-01	-0.04	8.52E-01
RP11-739L10.1	0.09	6.57E-01	-0.04	8.52E-01
RP4-784A16.4	-0.04	8.54E-01	-0.04	8.52E-01
NORD53_SNORD9	-0.15	4.34E-01	-0.04	8.52E-01
TAS2R46	0.24	2.12E-01	-0.04	8.52E-01
TMEM35	-0.01	9.56E-01	-0.04	8.52E-01
AP5Z1	-0.05	8.17E-01	-0.04	8.54E-01
ATP5G1P6	-0.11	5.92E-01	-0.04	8.54E-01
BUB3	0.09	6.48E-01	-0.04	8.54E-01
CA12	0.20	3.18E-01	-0.04	8.54E-01
CANX	0.16	4.03E-01	-0.04	8.54E-01

<b>G3BP2</b>	-0.06	7.50E-01	-0.04	8.54E-01
<b>GLTSCR1</b>	-0.03	8.85E-01	-0.04	8.54E-01
<b>KLC1</b>	0.11	5.89E-01	-0.04	8.54E-01
<b>LINC00681</b>	0.11	5.90E-01	-0.04	8.54E-01
<b>MIATNB</b>	0.03	8.91E-01	-0.04	8.54E-01
<b>PTGR2</b>	-0.13	4.99E-01	-0.04	8.54E-01
<b>RAB9A</b>	-0.06	7.69E-01	-0.04	8.54E-01
<b>RP11-185E8.2</b>	-0.10	6.06E-01	-0.04	8.54E-01
<b>RP11-392P7.6</b>	-0.12	5.57E-01	-0.04	8.54E-01
<b>RP11-755F10.3</b>	-0.17	3.99E-01	-0.04	8.54E-01
<b>SNHG1</b>	-0.05	7.87E-01	-0.04	8.54E-01
<b>THG1L</b>	-0.13	4.97E-01	-0.04	8.54E-01
<b>AC002553.4</b>	-0.08	6.70E-01	0.04	8.54E-01
<b>AF064858.11</b>	-0.09	6.65E-01	0.04	8.54E-01
<b>BOD1</b>	0.02	9.26E-01	0.04	8.54E-01
<b>CCDC85A</b>	-0.14	4.93E-01	0.04	8.54E-01
<b>CEP68</b>	-0.15	4.37E-01	0.04	8.54E-01
<b>CTB-5212.4</b>	-0.29	1.33E-01	0.04	8.54E-01
<b>FTH1P4</b>	-0.28	1.56E-01	0.04	8.54E-01
<b>G32140</b>	-0.05	7.85E-01	0.04	8.54E-01
<b>PDCL3P6</b>	-0.01	9.42E-01	0.04	8.54E-01
<b>PIDD1</b>	-0.14	4.86E-01	0.04	8.54E-01
<b>PPM1N</b>	-0.01	9.49E-01	0.04	8.54E-01
<b>RN7SL153P</b>	-0.04	8.28E-01	0.04	8.54E-01
<b>RP11-1094M14.7</b>	0.22	2.61E-01	0.04	8.54E-01
<b>RP11-249C24.10</b>	0.13	4.99E-01	0.04	8.54E-01
<b>RP11-596D21.1</b>	-0.27	1.63E-01	0.04	8.54E-01
<b>SLC25A19</b>	0.17	3.81E-01	0.04	8.54E-01
<b>SYNC</b>	0.09	6.65E-01	0.04	8.54E-01
<b>TOMM5</b>	-0.06	7.71E-01	0.04	8.54E-01
<b>VN1R84P</b>	0.05	8.16E-01	0.04	8.54E-01
<b>ZBTB32</b>	0.19	3.27E-01	0.04	8.54E-01
<b>AC004453.8</b>	0.27	1.67E-01	0.04	8.55E-01
<b>AC004893.11</b>	0.30	1.20E-01	-0.04	8.55E-01
<b>AC007318.5</b>	0.08	6.90E-01	-0.04	8.55E-01
<b>AC087501.1</b>	-0.21	2.75E-01	0.04	8.55E-01
<b>AC144831.3</b>	-0.36	5.80E-02	-0.04	8.55E-01
<b>AMPH</b>	-0.32	9.42E-02	-0.04	8.55E-01
<b>AP000936.1</b>	0.01	9.46E-01	0.04	8.55E-01
<b>CCDC63</b>	-0.14	4.89E-01	-0.04	8.55E-01
<b>CDC42EP2</b>	0.33	8.40E-02	-0.04	8.55E-01
<b>CTA-445C9.14</b>	-0.05	7.94E-01	-0.04	8.55E-01
<b>CTB-89H12.4</b>	-0.08	6.91E-01	0.04	8.55E-01
<b>CTC-459M5.2</b>	0.12	5.48E-01	0.04	8.55E-01
<b>DNAJC12</b>	-0.20	3.12E-01	0.04	8.55E-01
<b>FNIP2</b>	-0.19	3.21E-01	-0.04	8.55E-01
<b>GALNT13</b>	-0.14	4.70E-01	0.04	8.55E-01

ITGA10	-0.05	8.14E-01	-0.04	8.55E-01
LINC00582	0.12	5.30E-01	0.04	8.55E-01
MT1F	0.06	7.62E-01	-0.04	8.55E-01
NDUFB11	0.13	4.99E-01	0.04	8.55E-01
NREP	0.04	8.35E-01	-0.04	8.55E-01
NRSN2-AS1	0.59	8.70E-04	-0.04	8.55E-01
PLCL2	-0.12	5.28E-01	-0.04	8.55E-01
PRC1	0.10	6.28E-01	0.04	8.55E-01
PTOV1-AS2	-0.31	1.12E-01	-0.04	8.55E-01
RHD	-0.28	1.54E-01	0.04	8.55E-01
RMDN1	0.12	5.29E-01	-0.04	8.55E-01
RNU5F-3P	-0.10	6.19E-01	0.04	8.55E-01
RP11-10L12.2	0.05	7.99E-01	0.04	8.55E-01
RP11-156K23.3	-0.09	6.45E-01	0.04	8.55E-01
RP11-316N24.2	0.13	5.23E-01	-0.04	8.55E-01
RP11-346C16.2	0.07	7.41E-01	0.04	8.55E-01
RP11-433J8.1	-0.11	5.86E-01	0.04	8.55E-01
RP11-646E18.2	-0.08	6.73E-01	-0.04	8.55E-01
RRM1	0.08	6.95E-01	0.04	8.55E-01
STMN3	0.22	2.68E-01	0.04	8.55E-01
TSPAN9-IT1	-0.14	4.64E-01	-0.04	8.55E-01
UGDH-AS1	-0.05	7.97E-01	0.04	8.55E-01
XLOC_005302	-0.23	2.47E-01	0.04	8.55E-01
ZNF221	0.02	9.27E-01	-0.04	8.55E-01
ANGPT2	0.25	1.93E-01	0.04	8.56E-01
BGN	-0.26	1.88E-01	0.04	8.56E-01
CTC-236F12.4	0.22	2.57E-01	0.04	8.56E-01
CYBRD1	-0.30	1.23E-01	0.04	8.56E-01
G12085	0.52	4.83E-03	0.04	8.56E-01
G30725	-0.24	2.15E-01	0.04	8.56E-01
HSD17B10	0.06	7.53E-01	0.04	8.56E-01
IK	-0.09	6.39E-01	0.04	8.56E-01
KIAA1462	0.03	8.70E-01	0.04	8.56E-01
LINC01320	-0.12	5.36E-01	0.04	8.56E-01
MIA3	-0.20	3.15E-01	0.04	8.56E-01
NENF	0.02	9.23E-01	0.04	8.56E-01
PUS3	0.04	8.21E-01	0.04	8.56E-01
RP11-419I17.1	0.05	8.10E-01	0.04	8.56E-01
RP11-425D17.2	-0.16	4.08E-01	0.04	8.56E-01
RP11-507K2.6	-0.05	7.97E-01	0.04	8.56E-01
RPL34P18	-0.16	4.25E-01	0.04	8.56E-01
SCAPER	0.21	2.91E-01	0.04	8.56E-01
DNASE1L3	-0.08	7.01E-01	-0.04	8.56E-01
G30340	0.29	1.28E-01	-0.04	8.56E-01
MTMR3	-0.18	3.50E-01	-0.04	8.56E-01
P4HA2-AS1	0.10	6.17E-01	-0.04	8.56E-01
PABPC5	-0.02	9.24E-01	-0.04	8.56E-01

PDCL3	-0.03	8.79E-01	-0.04	8.56E-01
PVR	0.10	6.31E-01	-0.04	8.56E-01
RP11-459D22.1	-0.31	1.13E-01	-0.04	8.56E-01
RP11-575L7.8	-0.03	8.95E-01	-0.04	8.56E-01
RP11-720D4.2	-0.12	5.56E-01	-0.04	8.56E-01
RP11-79L9.2	-0.29	1.42E-01	-0.04	8.56E-01
SPCS2	-0.04	8.51E-01	-0.04	8.56E-01
STYXL1	0.04	8.42E-01	-0.04	8.56E-01
ABL1	0.25	1.92E-01	0.04	8.57E-01
AC004854.5	-0.12	5.45E-01	-0.04	8.57E-01
AC010492.2	0.03	8.66E-01	0.04	8.57E-01
BBX	-0.17	3.98E-01	-0.04	8.57E-01
CCDC60	-0.06	7.50E-01	-0.04	8.57E-01
CD81	-0.01	9.48E-01	0.04	8.57E-01
CTC-559E9.5	-0.24	2.20E-01	-0.04	8.57E-01
DDX51	0.02	9.04E-01	0.04	8.57E-01
EIF2B3	0.22	2.71E-01	0.04	8.57E-01
EMC10	0.13	5.25E-01	0.04	8.57E-01
FAM65A	-0.08	6.80E-01	0.04	8.57E-01
FAU	0.18	3.63E-01	0.04	8.57E-01
G25089	-0.22	2.68E-01	-0.04	8.57E-01
GAS7	-0.06	7.71E-01	-0.04	8.57E-01
HDAC6	0.09	6.58E-01	-0.04	8.57E-01
HNRNPA1	-0.05	7.92E-01	-0.04	8.57E-01
HNRNPF	0.13	5.26E-01	-0.04	8.57E-01
IQCH	-0.06	7.61E-01	0.04	8.57E-01
KDSR	-0.11	5.76E-01	-0.04	8.57E-01
KIAA0101	0.24	2.18E-01	-0.04	8.57E-01
LINC00189	-0.11	5.73E-01	-0.04	8.57E-01
MSRB3	0.00	9.96E-01	-0.04	8.57E-01
POLR1B	0.15	4.39E-01	-0.04	8.57E-01
PPIA	0.13	4.93E-01	0.04	8.57E-01
QRSL1	0.18	3.63E-01	-0.04	8.57E-01
RBPM5	-0.07	7.30E-01	-0.04	8.57E-01
RP11-127L20.3	0.03	8.67E-01	-0.04	8.57E-01
RP11-342M1.3	-0.05	7.84E-01	-0.04	8.57E-01
RP11-53B2.5	0.13	5.13E-01	0.04	8.57E-01
RP4-534N18.2	0.26	1.83E-01	0.04	8.57E-01
RPL34	0.19	3.39E-01	-0.04	8.57E-01
RPS23P6	0.05	8.19E-01	0.04	8.57E-01
RPSAP53	0.17	3.96E-01	0.04	8.57E-01
SUOX	0.18	3.49E-01	0.04	8.57E-01
TMEM213	-0.06	7.44E-01	-0.04	8.57E-01
TNRC6A	-0.18	3.53E-01	0.04	8.57E-01
TPRG1L	-0.07	7.13E-01	0.04	8.57E-01
XLOC_008050	-0.09	6.57E-01	0.04	8.57E-01
XLOC_010591	0.15	4.37E-01	0.04	8.57E-01

<b>KXbac-B562F10.11</b>	-0.18	3.59E-01	0.04	8.57E-01
<b>ZNF85</b>	-0.02	9.02E-01	0.04	8.57E-01
<b>ABCC4</b>	-0.23	2.39E-01	-0.04	8.58E-01
<b>BTF3L4P2</b>	0.01	9.64E-01	0.04	8.58E-01
<b>C20orf24</b>	0.25	1.99E-01	0.04	8.58E-01
<b>CHCHD7</b>	0.07	7.29E-01	0.04	8.58E-01
<b>G42332</b>	-0.04	8.37E-01	0.04	8.58E-01
<b>GPR135</b>	-0.22	2.66E-01	0.04	8.58E-01
<b>GRIK1-AS1</b>	0.19	3.41E-01	-0.04	8.58E-01
<b>HOXA3</b>	0.06	7.49E-01	0.04	8.58E-01
<b>IL16</b>	-0.23	2.37E-01	0.04	8.58E-01
<b>KLK9</b>	-0.04	8.50E-01	-0.04	8.58E-01
<b>LINC00863</b>	-0.10	6.13E-01	0.04	8.58E-01
<b>MIR26B</b>	-0.04	8.35E-01	-0.04	8.58E-01
<b>MIR941-1</b>	0.12	5.54E-01	-0.04	8.58E-01
<b>NPC1L1</b>	0.40	3.65E-02	0.04	8.58E-01
<b>PABPN1</b>	0.01	9.45E-01	-0.04	8.58E-01
<b>PERP</b>	0.07	7.18E-01	0.04	8.58E-01
<b>PHKA2-AS1</b>	-0.13	5.01E-01	0.04	8.58E-01
<b>PPAN</b>	0.23	2.44E-01	0.04	8.58E-01
<b>PTPRG-AS1</b>	-0.24	2.10E-01	-0.04	8.58E-01
<b>RAET1E-AS1</b>	-0.27	1.60E-01	-0.04	8.58E-01
<b>RBM12</b>	0.19	3.44E-01	0.04	8.58E-01
<b>RN7SL501P</b>	0.39	3.95E-02	0.04	8.58E-01
<b>RN7SL696P</b>	-0.19	3.36E-01	0.04	8.58E-01
<b>RP11-139H15.5</b>	0.04	8.42E-01	-0.04	8.58E-01
<b>RP11-190C22.8</b>	-0.06	7.51E-01	-0.04	8.58E-01
<b>RP11-20O24.1</b>	-0.02	9.21E-01	-0.04	8.58E-01
<b>RP11-349G13.3</b>	0.28	1.46E-01	-0.04	8.58E-01
<b>RP11-441O15.3</b>	0.22	2.52E-01	-0.04	8.58E-01
<b>RP11-473C19.1</b>	-0.07	7.23E-01	0.04	8.58E-01
<b>RP11-485M7.1</b>	0.30	1.27E-01	0.04	8.58E-01
<b>RP11-501C14.9</b>	0.06	7.55E-01	-0.04	8.58E-01
<b>RP11-537E18.1</b>	-0.05	8.03E-01	-0.04	8.58E-01
<b>RP5-1136G13.2</b>	0.43	2.37E-02	0.04	8.58E-01
<b>STARD6</b>	0.09	6.56E-01	-0.04	8.58E-01
<b>TAGLN3</b>	0.05	8.10E-01	0.04	8.58E-01
<b>TBRG1</b>	0.10	6.16E-01	-0.04	8.58E-01
<b>TRAPPC6A</b>	-0.15	4.53E-01	0.04	8.58E-01
<b>UBE2B</b>	-0.36	6.35E-02	0.04	8.58E-01
<b>XLOC_008020</b>	0.05	7.86E-01	0.04	8.58E-01
<b>XLOC_009723</b>	0.37	5.01E-02	-0.04	8.58E-01
<b>XLOC_010575</b>	-0.10	6.01E-01	-0.04	8.58E-01
<b>AC007679.4</b>	-0.08	6.95E-01	0.04	8.60E-01
<b>AK7</b>	-0.22	2.63E-01	-0.04	8.60E-01
<b>AP001055.6</b>	-0.04	8.42E-01	0.04	8.60E-01
<b>ARMC4</b>	0.11	5.74E-01	0.04	8.60E-01

BTBD8	0.09	6.63E-01	0.04	8.60E-01
CALCR	-0.05	8.01E-01	0.04	8.60E-01
CTA-963H5.5	0.26	1.86E-01	-0.04	8.60E-01
DNAJC19P6	-0.07	7.40E-01	0.04	8.60E-01
EFNB1	0.05	7.91E-01	-0.04	8.60E-01
ELOF1	0.04	8.41E-01	0.04	8.60E-01
GFOD1	0.01	9.58E-01	0.04	8.60E-01
HEXB	0.06	7.52E-01	0.04	8.60E-01
KPNA3	-0.05	7.85E-01	0.04	8.60E-01
LYSMD2	0.16	4.11E-01	-0.04	8.60E-01
MCM5	0.13	5.18E-01	0.04	8.60E-01
MIR548E	0.18	3.72E-01	-0.04	8.60E-01
PDHX	0.20	3.12E-01	-0.04	8.60E-01
RAB5C	0.00	9.80E-01	0.04	8.60E-01
RASGRF2	-0.16	4.14E-01	-0.04	8.60E-01
RNF145	0.13	5.10E-01	0.04	8.60E-01
RNU6-757P	-0.21	2.93E-01	0.04	8.60E-01
RP11-117D22.2	0.01	9.77E-01	-0.04	8.60E-01
RP11-243J18.2	0.09	6.54E-01	-0.04	8.60E-01
RP11-285G1.14	0.12	5.38E-01	-0.04	8.60E-01
RP11-367E12.4	-0.20	3.00E-01	0.04	8.60E-01
RP11-385F5.4	-0.02	9.28E-01	0.04	8.60E-01
RP11-394B5.2	0.25	1.97E-01	0.04	8.60E-01
RP11-474P2.2	0.00	9.91E-01	-0.04	8.60E-01
RP11-506M12.1	0.04	8.42E-01	0.04	8.60E-01
RP11-736K20.6	-0.06	7.51E-01	-0.04	8.60E-01
RP3-323P24.3	0.29	1.40E-01	-0.04	8.60E-01
RP4-682C21.5	-0.23	2.37E-01	-0.04	8.60E-01
RPL4P5	-0.11	5.72E-01	0.04	8.60E-01
SLC24A2	-0.45	1.72E-02	-0.04	8.60E-01
TIMM50	-0.02	9.04E-01	-0.04	8.60E-01
VIPR1-AS1	0.06	7.70E-01	-0.04	8.60E-01
XLOC_009885	-0.21	2.82E-01	-0.04	8.60E-01
YWHAZP2	-0.06	7.71E-01	-0.04	8.60E-01
AACSP1	0.27	1.60E-01	-0.04	8.61E-01
AC007000.11	-0.26	1.78E-01	-0.04	8.61E-01
AC092811.1	-0.06	7.67E-01	0.04	8.61E-01
AC139530.1	-0.14	4.72E-01	-0.04	8.61E-01
C11orf85	0.12	5.51E-01	-0.04	8.61E-01
CAPS2	-0.04	8.40E-01	0.04	8.61E-01
CEP76	-0.02	9.14E-01	-0.04	8.61E-01
CPED1	-0.04	8.22E-01	0.04	8.61E-01
CTC-297N7.1	0.13	4.98E-01	-0.04	8.61E-01
CTD-2013N17.7	0.20	3.10E-01	-0.04	8.61E-01
CTD-2192J16.26	0.34	7.54E-02	0.04	8.61E-01
CTD-2547L16.3	-0.37	5.14E-02	0.04	8.61E-01
FAM26F	-0.05	7.85E-01	0.04	8.61E-01

<b>GALNT12</b>	-0.36	6.33E-02	-0.04	8.61E-01
<b>LA16c-329F2.2</b>	0.05	7.95E-01	-0.04	8.61E-01
<b>MACROD2-AS1</b>	0.27	1.58E-01	0.04	8.61E-01
<b>MRPS17</b>	0.19	3.31E-01	0.04	8.61E-01
<b>MRRF</b>	0.32	9.87E-02	0.04	8.61E-01
<b>MYCBP2</b>	-0.10	6.11E-01	0.04	8.61E-01
<b>NR3C1</b>	-0.07	7.05E-01	-0.04	8.61E-01
<b>PFDN4</b>	0.04	8.42E-01	-0.04	8.61E-01
<b>PLP2</b>	-0.06	7.43E-01	0.04	8.61E-01
<b>PPCS</b>	0.17	3.96E-01	0.04	8.61E-01
<b>RNU7-140P</b>	0.08	6.87E-01	-0.04	8.61E-01
<b>RP11-347C18.1</b>	0.13	5.20E-01	0.04	8.61E-01
<b>RP11-555K12.2</b>	-0.11	5.84E-01	0.04	8.61E-01
<b>RP11-818O24.3</b>	-0.23	2.38E-01	-0.04	8.61E-01
<b>RP4-671O14.5</b>	0.23	2.48E-01	0.04	8.61E-01
<b>RPL35</b>	0.09	6.41E-01	-0.04	8.61E-01
<b>SGOL1</b>	0.04	8.57E-01	0.04	8.61E-01
<b>SKINTL</b>	0.05	7.89E-01	0.04	8.61E-01
<b>SNORA17</b>	-0.12	5.30E-01	0.04	8.61E-01
<b>SNRPD3</b>	0.19	3.43E-01	0.04	8.61E-01
<b>SNX2</b>	-0.15	4.59E-01	-0.04	8.61E-01
<b>TRABD2A</b>	0.02	9.08E-01	0.04	8.61E-01
<b>TRAJ14</b>	0.05	8.18E-01	-0.04	8.61E-01
<b>TRAJ26</b>	0.38	4.68E-02	-0.04	8.61E-01
<b>UBC</b>	-0.10	5.97E-01	0.04	8.61E-01
<b>AC013463.2</b>	0.07	7.30E-01	0.04	8.62E-01
<b>AF011889.2</b>	-0.16	4.05E-01	0.04	8.62E-01
<b>AQP7</b>	-0.08	6.83E-01	-0.04	8.62E-01
<b>ASCC3</b>	0.02	9.02E-01	-0.04	8.62E-01
<b>CATSPER2P1</b>	-0.04	8.42E-01	-0.04	8.62E-01
<b>CTD-2287O16.5</b>	0.17	3.87E-01	0.04	8.62E-01
<b>CTD-2330K9.3</b>	0.06	7.44E-01	0.04	8.62E-01
<b>DENND5B-AS1</b>	-0.30	1.27E-01	0.04	8.62E-01
<b>DMTF1</b>	-0.14	4.91E-01	-0.04	8.62E-01
<b>EEF2KMT</b>	0.26	1.80E-01	-0.04	8.62E-01
<b>EFR3A</b>	0.10	6.03E-01	-0.04	8.62E-01
<b>EIF2S2P3</b>	-0.21	2.73E-01	0.04	8.62E-01
<b>FAM111B</b>	0.01	9.43E-01	0.04	8.62E-01
<b>GPX8</b>	-0.28	1.43E-01	0.04	8.62E-01
<b>HOMER2</b>	-0.11	5.66E-01	-0.04	8.62E-01
<b>IP6K2</b>	-0.12	5.28E-01	-0.04	8.62E-01
<b>LINC00640</b>	-0.24	2.28E-01	-0.04	8.62E-01
<b>LINC01058</b>	-0.18	3.56E-01	0.04	8.62E-01
<b>LRWD1</b>	0.16	4.17E-01	0.04	8.62E-01
<b>MIR4731</b>	0.10	6.03E-01	-0.04	8.62E-01
<b>MSRA</b>	-0.01	9.78E-01	0.04	8.62E-01
<b>MTND2P26</b>	0.15	4.45E-01	0.04	8.62E-01



MYOM2	-0.21	2.83E-01	-0.04	8.62E-01
NPM1P27	0.11	5.83E-01	-0.04	8.62E-01
NUTM2G	-0.07	7.24E-01	0.04	8.62E-01
PBX3	-0.11	5.63E-01	-0.04	8.62E-01
RAET1E	-0.02	9.00E-01	0.04	8.62E-01
RN7SKP9	-0.08	6.84E-01	0.04	8.62E-01
RP1-71H19.2	0.23	2.29E-01	-0.04	8.62E-01
RP11-121A14.2	0.09	6.53E-01	0.04	8.62E-01
RP11-246E12.2	0.18	3.52E-01	-0.04	8.62E-01
RP11-793A3.2	-0.15	4.54E-01	-0.04	8.62E-01
RP4-781K5.5	0.03	8.89E-01	-0.04	8.62E-01
RPL18AP7	0.10	6.12E-01	0.04	8.62E-01
RPS12	0.32	1.01E-01	-0.04	8.62E-01
SLIT1	-0.05	8.00E-01	0.04	8.62E-01
TAOK2	0.07	7.24E-01	0.04	8.62E-01
TERF2	0.14	4.72E-01	-0.04	8.62E-01
TMEM208	0.15	4.37E-01	-0.04	8.62E-01
UQCRH	0.12	5.48E-01	0.04	8.62E-01
VPS8	-0.20	3.04E-01	-0.04	8.62E-01
XLOC_008666	0.10	6.00E-01	-0.04	8.62E-01
AC005013.5	-0.19	3.41E-01	-0.03	8.63E-01
AC083875.1	0.37	4.94E-02	-0.03	8.63E-01
ADCK2	-0.02	9.06E-01	0.03	8.63E-01
AKNAD1	0.22	2.67E-01	-0.03	8.63E-01
ALDH1B1	0.04	8.59E-01	-0.03	8.63E-01
BAZ2B	-0.11	5.93E-01	0.03	8.63E-01
CTD-3128G10.6	-0.03	8.66E-01	-0.03	8.63E-01
CTD-3154N5.1	-0.23	2.46E-01	0.03	8.63E-01
DGKA	-0.18	3.60E-01	0.03	8.63E-01
KCNB1	-0.05	8.02E-01	0.03	8.63E-01
LINC00999	-0.30	1.17E-01	-0.03	8.63E-01
PTCD1	0.17	3.82E-01	-0.03	8.63E-01
PURB	0.19	3.45E-01	-0.03	8.63E-01
RHBDL1	0.23	2.33E-01	-0.03	8.63E-01
RN7SL490P	-0.02	9.09E-01	-0.03	8.63E-01
RNU6-484P	-0.13	5.21E-01	0.03	8.63E-01
RP11-278C7.3	-0.38	4.39E-02	0.03	8.63E-01
RP11-342M3.5	-0.15	4.43E-01	0.03	8.63E-01
RP11-51J9.5	0.15	4.41E-01	-0.03	8.63E-01
RP3-507I15.2	-0.01	9.48E-01	-0.03	8.63E-01
RYBP	-0.08	7.03E-01	0.03	8.63E-01
SOWAHA	0.35	6.89E-02	0.03	8.63E-01
ZNF600	-0.18	3.55E-01	0.03	8.63E-01
ZNF761	-0.07	7.35E-01	-0.03	8.63E-01
ATG101	0.05	8.09E-01	-0.03	8.64E-01
C6orf62	0.32	9.15E-02	0.03	8.64E-01
CNOT6L	-0.05	8.03E-01	-0.03	8.64E-01

<b>HOXD-AS2</b>	-0.13	4.99E-01	-0.03	8.64E-01
<b>L34079.3</b>	-0.30	1.16E-01	-0.03	8.64E-01
<b>LAMA5</b>	-0.08	6.74E-01	0.03	8.64E-01
<b>MCU</b>	0.02	9.26E-01	-0.03	8.64E-01
<b>METTL15</b>	0.07	7.33E-01	-0.03	8.64E-01
<b>MITD1</b>	-0.18	3.60E-01	0.03	8.64E-01
<b>NOC3L</b>	0.07	7.41E-01	-0.03	8.64E-01
<b>PEX5</b>	0.21	2.85E-01	0.03	8.64E-01
<b>PPIL3</b>	0.15	4.49E-01	-0.03	8.64E-01
<b>PSMD5-AS1</b>	-0.10	6.30E-01	0.03	8.64E-01
<b>REM1</b>	-0.21	2.89E-01	0.03	8.64E-01
<b>RGS17P1</b>	-0.08	6.74E-01	-0.03	8.64E-01
<b>RNU6-881P</b>	-0.38	4.78E-02	-0.03	8.64E-01
<b>RP11-1012E15.2</b>	0.03	8.87E-01	0.03	8.64E-01
<b>RP11-1281K21.1</b>	-0.18	3.57E-01	-0.03	8.64E-01
<b>RP11-154F14.3</b>	0.15	4.39E-01	0.03	8.64E-01
<b>RP11-226M10.3</b>	0.04	8.44E-01	-0.03	8.64E-01
<b>RP11-438N5.4</b>	-0.26	1.87E-01	0.03	8.64E-01
<b>RP11-561C5.4</b>	-0.16	4.11E-01	0.03	8.64E-01
<b>RP11-573M3.3</b>	-0.05	8.11E-01	-0.03	8.64E-01
<b>RP4-647C14.3</b>	0.38	4.89E-02	-0.03	8.64E-01
<b>RP5-1071N3.1</b>	-0.07	7.26E-01	0.03	8.64E-01
<b>RPS24P16</b>	-0.05	7.94E-01	0.03	8.64E-01
<b>SOBP</b>	-0.14	4.81E-01	0.03	8.64E-01
<b>ST13P4</b>	-0.16	4.09E-01	0.03	8.64E-01
<b>TAS2R3</b>	-0.21	2.91E-01	-0.03	8.64E-01
<b>TTC28-AS1</b>	0.03	8.61E-01	0.03	8.64E-01
<b>AC092338.5</b>	-0.34	7.37E-02	-0.03	8.65E-01
<b>AGPAT2</b>	0.06	7.53E-01	-0.03	8.65E-01
<b>AP006621.5</b>	-0.01	9.43E-01	-0.03	8.65E-01
<b>BLK</b>	-0.03	8.77E-01	0.03	8.65E-01
<b>C9orf16</b>	0.33	8.48E-02	-0.03	8.65E-01
<b>CCDC189</b>	0.23	2.43E-01	0.03	8.65E-01
<b>CDRT15P1</b>	-0.31	1.06E-01	0.03	8.65E-01
<b>DAPK1</b>	-0.06	7.65E-01	-0.03	8.65E-01
<b>ERLIN1</b>	0.01	9.79E-01	-0.03	8.65E-01
<b>FREM1</b>	-0.17	3.99E-01	0.03	8.65E-01
<b>G25496</b>	-0.11	5.81E-01	0.03	8.65E-01
<b>GRK5-IT1</b>	-0.16	4.20E-01	-0.03	8.65E-01
<b>IGHEP2</b>	-0.04	8.57E-01	-0.03	8.65E-01
<b>LINC01139</b>	0.05	7.85E-01	-0.03	8.65E-01
<b>MND1</b>	-0.07	7.42E-01	0.03	8.65E-01
<b>MTCO2P11</b>	-0.06	7.62E-01	0.03	8.65E-01
<b>PNPLA4</b>	-0.30	1.20E-01	0.03	8.65E-01
<b>PUF60</b>	0.11	5.93E-01	0.03	8.65E-01
<b>RACGAP1</b>	0.08	6.84E-01	0.03	8.65E-01
<b>RNU6-432P</b>	0.07	7.35E-01	-0.03	8.65E-01

RP11-148B18.1	-0.12	5.50E-01	-0.03	8.65E-01
RP11-295H24.5	0.32	9.62E-02	0.03	8.65E-01
RP11-362L22.1	0.12	5.54E-01	-0.03	8.65E-01
RP11-440I14.3	-0.05	8.18E-01	-0.03	8.65E-01
RP11-648O15.1	0.13	5.04E-01	0.03	8.65E-01
RP5-837J1.4	0.28	1.52E-01	-0.03	8.65E-01
SEC62-AS1	0.05	7.89E-01	-0.03	8.65E-01
SLC22A18AS	0.07	7.18E-01	0.03	8.65E-01
TDGF1P5	0.22	2.61E-01	-0.03	8.65E-01
VN1R42P	0.14	4.82E-01	0.03	8.65E-01
XLOC_009000	0.01	9.48E-01	-0.03	8.65E-01
ZNF597	0.29	1.32E-01	-0.03	8.65E-01
ACTB	0.14	4.73E-01	0.03	8.67E-01
ARMC6	0.04	8.51E-01	0.03	8.67E-01
BACH1	0.10	6.22E-01	0.03	8.67E-01
DNAJA3	0.21	2.86E-01	0.03	8.67E-01
PARK7	0.16	4.25E-01	0.03	8.67E-01
RN7SL247P	0.29	1.35E-01	0.03	8.67E-01
RP11-335O4.3	0.25	1.95E-01	0.03	8.67E-01
RP11-384C4.2	0.21	2.73E-01	0.03	8.67E-01
RP11-5L12.1	0.01	9.51E-01	0.03	8.67E-01
RTF1	-0.07	7.41E-01	0.03	8.67E-01
SAMD8	0.50	6.14E-03	0.03	8.67E-01
UTP11L	0.31	1.10E-01	0.03	8.67E-01
XLOC_001286	-0.07	7.24E-01	0.03	8.67E-01
AC005351.1	0.19	3.41E-01	-0.03	8.67E-01
AC138965.1	0.03	8.81E-01	-0.03	8.67E-01
CASC5	0.06	7.73E-01	-0.03	8.67E-01
CTD-2281E23.2	0.00	9.88E-01	-0.03	8.67E-01
ITIH4	-0.13	5.03E-01	-0.03	8.67E-01
KRIT1	0.08	7.00E-01	-0.03	8.67E-01
LINC00909	0.38	4.78E-02	-0.03	8.67E-01
RP11-136F16.2	0.33	8.21E-02	-0.03	8.67E-01
RP11-390K5.6	-0.10	6.25E-01	-0.03	8.67E-01
RP5-935K16.2	-0.06	7.70E-01	-0.03	8.67E-01
RPN1	0.05	8.10E-01	-0.03	8.67E-01
SIRT5	0.00	9.87E-01	-0.03	8.67E-01
SNORD96B	0.07	7.36E-01	-0.03	8.67E-01
TIMP3	-0.23	2.41E-01	-0.03	8.67E-01
WWC2	-0.04	8.38E-01	-0.03	8.67E-01
AC007563.1	-0.18	3.56E-01	-0.03	8.68E-01
AC116366.5	-0.30	1.15E-01	-0.03	8.68E-01
AD000684.2	0.13	4.95E-01	0.03	8.68E-01
C9orf64	0.05	8.09E-01	-0.03	8.68E-01
CEACAM4	-0.07	7.24E-01	-0.03	8.68E-01
CECR3	-0.10	6.14E-01	0.03	8.68E-01
CSDC2	-0.13	5.20E-01	0.03	8.68E-01

CTD-2331H12.5	-0.09	6.62E-01	-0.03	8.68E-01
CTD-2503O16.4	-0.07	7.25E-01	-0.03	8.68E-01
CTD-3099C6.11	-0.21	2.78E-01	0.03	8.68E-01
DIAPH1	-0.02	9.32E-01	0.03	8.68E-01
EML4	0.11	5.75E-01	0.03	8.68E-01
FAM71E1	0.09	6.66E-01	-0.03	8.68E-01
GGCT	-0.16	4.29E-01	-0.03	8.68E-01
HMGB3P4	0.20	3.02E-01	-0.03	8.68E-01
ITPKB	-0.37	5.38E-02	0.03	8.68E-01
LIF	-0.13	4.93E-01	-0.03	8.68E-01
LINC01119	0.05	7.82E-01	-0.03	8.68E-01
MIR548H1	0.17	3.74E-01	0.03	8.68E-01
PNPT1	0.18	3.49E-01	0.03	8.68E-01
PVT1	0.01	9.58E-01	0.03	8.68E-01
RADIL	-0.22	2.62E-01	0.03	8.68E-01
RARB	0.05	8.02E-01	-0.03	8.68E-01
RP11-1018N14.5	-0.16	4.18E-01	-0.03	8.68E-01
RP11-214K3.19	-0.09	6.43E-01	0.03	8.68E-01
RP11-365F18.3	-0.22	2.56E-01	0.03	8.68E-01
RP11-413H22.2	0.10	6.15E-01	-0.03	8.68E-01
RP11-498M15.1	0.13	5.23E-01	-0.03	8.68E-01
RP11-582E3.2	-0.33	8.62E-02	0.03	8.68E-01
RPS13P2	0.08	6.83E-01	-0.03	8.68E-01
SLC25A25	0.09	6.65E-01	0.03	8.68E-01
TRAV12-1	0.05	8.11E-01	-0.03	8.68E-01
URB2	0.09	6.53E-01	0.03	8.68E-01
ATXN2	-0.29	1.39E-01	0.03	8.69E-01
COL4A3BP	-0.22	2.62E-01	0.03	8.69E-01
COQ10B	0.22	2.70E-01	0.03	8.69E-01
DNAJB5-AS1	0.19	3.44E-01	0.03	8.69E-01
G42644	-0.07	7.13E-01	0.03	8.69E-01
GHRL	-0.21	2.89E-01	0.03	8.69E-01
KNOP1	0.06	7.50E-01	0.03	8.69E-01
LMF1-AS1	-0.21	2.73E-01	0.03	8.69E-01
OST4	0.02	9.27E-01	0.03	8.69E-01
PCAT14	-0.25	1.95E-01	0.03	8.69E-01
PRDX1	0.10	6.22E-01	0.03	8.69E-01
RAB10	0.21	2.84E-01	0.03	8.69E-01
RNA5SP168	-0.08	6.94E-01	0.03	8.69E-01
RNA5SP300	0.03	8.93E-01	0.03	8.69E-01
RP11-359M6.2	-0.34	7.22E-02	0.03	8.69E-01
RP11-64C12.3	-0.27	1.70E-01	0.03	8.69E-01
RP5-1000K24.2	-0.03	8.80E-01	0.03	8.69E-01
RP5-864K19.4	-0.34	7.87E-02	0.03	8.69E-01
RPL31	0.19	3.31E-01	0.03	8.69E-01
SKA1	0.07	7.36E-01	0.03	8.69E-01
SLC39A3	0.10	6.14E-01	0.03	8.69E-01

<b>SLC4A4</b>	-0.18	3.48E-01	0.03	8.69E-01
<b>SNAP47-AS1</b>	-0.23	2.44E-01	0.03	8.69E-01
<b>SRPRB</b>	0.33	8.92E-02	0.03	8.69E-01
<b>TM2D3</b>	0.07	7.09E-01	0.03	8.69E-01
<b>TRIM28</b>	0.03	8.74E-01	0.03	8.69E-01
<b>YWHAQ</b>	0.26	1.80E-01	0.03	8.69E-01
<b>ZNF616</b>	-0.25	2.07E-01	0.03	8.69E-01
<b>CCDC138</b>	0.18	3.55E-01	-0.03	8.69E-01
<b>CCT6A</b>	0.19	3.30E-01	-0.03	8.69E-01
<b>CETP</b>	-0.10	6.14E-01	-0.03	8.69E-01
<b>CTB-131B5.2</b>	-0.36	6.22E-02	-0.03	8.69E-01
<b>CTD-2659N19.9</b>	0.12	5.35E-01	-0.03	8.69E-01
<b>FAM114A1</b>	0.02	9.18E-01	-0.03	8.69E-01
<b>GHITM</b>	0.22	2.71E-01	-0.03	8.69E-01
<b>HLA-B</b>	-0.05	8.16E-01	-0.03	8.69E-01
<b>LRRC16B</b>	0.08	6.97E-01	-0.03	8.69E-01
<b>NANOGP9</b>	0.07	7.28E-01	-0.03	8.69E-01
<b>NSMF</b>	0.09	6.39E-01	-0.03	8.69E-01
<b>OPN1LW</b>	0.07	7.36E-01	-0.03	8.69E-01
<b>OTUD6B-AS1</b>	0.01	9.65E-01	-0.03	8.69E-01
<b>PPP1R15B</b>	0.16	4.13E-01	-0.03	8.69E-01
<b>RP1-244F24.1</b>	0.09	6.37E-01	-0.03	8.69E-01
<b>RP11-293M10.6</b>	-0.07	7.30E-01	-0.03	8.69E-01
<b>RP3-466I7.1</b>	0.02	9.08E-01	-0.03	8.69E-01
<b>RP5-1115A15.2</b>	-0.14	4.66E-01	-0.03	8.69E-01
<b>RRM2P3</b>	-0.19	3.29E-01	-0.03	8.69E-01
<b>SNORD66</b>	0.10	5.99E-01	-0.03	8.69E-01
<b>AC002550.6</b>	0.00	9.86E-01	0.03	8.70E-01
<b>AC008073.9</b>	0.13	5.15E-01	-0.03	8.70E-01
<b>AC068580.6</b>	-0.07	7.27E-01	-0.03	8.70E-01
<b>ARHGAP35</b>	0.15	4.49E-01	0.03	8.70E-01
<b>ARTN</b>	0.07	7.33E-01	0.03	8.70E-01
<b>CCDC142</b>	0.10	6.13E-01	0.03	8.70E-01
<b>CHMP1B</b>	0.07	7.17E-01	-0.03	8.70E-01
<b>CTC-301O7.4</b>	0.03	8.70E-01	-0.03	8.70E-01
<b>FBRSL1</b>	0.18	3.72E-01	-0.03	8.70E-01
<b>GCAT</b>	0.33	8.98E-02	0.03	8.70E-01
<b>GMPPB</b>	0.01	9.60E-01	0.03	8.70E-01
<b>GRB2</b>	0.10	5.96E-01	0.03	8.70E-01
<b>HIST1H2BE</b>	-0.02	9.00E-01	0.03	8.70E-01
<b>METTL22</b>	-0.15	4.53E-01	-0.03	8.70E-01
<b>NIF3L1</b>	0.07	7.17E-01	0.03	8.70E-01
<b>NSA2</b>	0.13	5.14E-01	-0.03	8.70E-01
<b>OSTC</b>	0.12	5.34E-01	-0.03	8.70E-01
<b>PALLD</b>	0.20	3.06E-01	0.03	8.70E-01
<b>PKNOX2-AS1</b>	0.18	3.63E-01	-0.03	8.70E-01
<b>PTRF</b>	-0.14	4.92E-01	-0.03	8.70E-01

<b>RN7SKP35</b>	0.03	8.98E-01	-0.03	8.70E-01
<b>RP11-1250I15.2</b>	-0.22	2.55E-01	-0.03	8.70E-01
<b>RP11-454H13.1</b>	0.12	5.29E-01	0.03	8.70E-01
<b>RP11-47I22.2</b>	-0.05	7.91E-01	-0.03	8.70E-01
<b>RP11-834C11.5</b>	-0.06	7.80E-01	-0.03	8.70E-01
<b>SERPINB10</b>	0.00	9.83E-01	0.03	8.70E-01
<b>SPNS1</b>	-0.14	4.87E-01	0.03	8.70E-01
<b>STRIP2</b>	-0.09	6.32E-01	0.03	8.70E-01
<b>TMEM87B</b>	0.34	8.02E-02	0.03	8.70E-01
<b>TRBV3-1</b>	0.22	2.57E-01	0.03	8.70E-01
<b>UBE2J2</b>	0.16	4.06E-01	-0.03	8.70E-01
<b>UBQLNL</b>	0.16	4.05E-01	-0.03	8.70E-01
<b>ZNF808</b>	-0.02	9.04E-01	0.03	8.70E-01
<b>AC005189.6</b>	-0.21	2.75E-01	-0.03	8.71E-01
<b>AC005776.1</b>	-0.24	2.16E-01	-0.03	8.71E-01
<b>ATG4A</b>	0.24	2.14E-01	-0.03	8.71E-01
<b>C8orf59</b>	-0.26	1.88E-01	-0.03	8.71E-01
<b>CTD-2206N4.4</b>	0.19	3.27E-01	-0.03	8.71E-01
<b>DEFB4B</b>	0.26	1.78E-01	-0.03	8.71E-01
<b>DYNLRB2</b>	-0.15	4.58E-01	-0.03	8.71E-01
<b>FTX</b>	0.03	8.98E-01	-0.03	8.71E-01
<b>G35150</b>	0.04	8.35E-01	-0.03	8.71E-01
<b>GAS8-AS1</b>	-0.07	7.11E-01	-0.03	8.71E-01
<b>GPSM2</b>	0.43	2.30E-02	-0.03	8.71E-01
<b>HEMK1</b>	-0.05	8.16E-01	-0.03	8.71E-01
<b>IGLV3-1</b>	0.34	7.61E-02	-0.03	8.71E-01
<b>LINC00479</b>	-0.21	2.93E-01	-0.03	8.71E-01
<b>MIR3139</b>	0.20	3.17E-01	-0.03	8.71E-01
<b>NCBP1</b>	-0.01	9.65E-01	-0.03	8.71E-01
<b>PERM1</b>	-0.03	8.77E-01	-0.03	8.71E-01
<b>PSMC6</b>	0.14	4.69E-01	-0.03	8.71E-01
<b>RP11-554F20.1</b>	-0.29	1.35E-01	-0.03	8.71E-01
<b>RP11-616K22.2</b>	0.20	3.07E-01	-0.03	8.71E-01
<b>RP3-426I6.6</b>	0.50	6.89E-03	-0.03	8.71E-01
<b>RP6-109B7.4</b>	-0.19	3.30E-01	-0.03	8.71E-01
<b>SESN1</b>	0.17	3.92E-01	-0.03	8.71E-01
<b>SIGIRR</b>	0.02	9.27E-01	-0.03	8.71E-01
<b>SOCS5</b>	0.04	8.29E-01	-0.03	8.71E-01
<b>AC092574.2</b>	0.22	2.63E-01	0.03	8.71E-01
<b>ARF1P2</b>	-0.27	1.66E-01	0.03	8.71E-01
<b>FBXO24</b>	0.00	9.96E-01	0.03	8.71E-01
<b>GDPD1</b>	-0.10	6.17E-01	0.03	8.71E-01
<b>INSC</b>	-0.15	4.54E-01	0.03	8.71E-01
<b>INTS3</b>	-0.18	3.53E-01	0.03	8.71E-01
<b>KIAA1549</b>	-0.18	3.66E-01	0.03	8.71E-01
<b>KRCC1</b>	0.01	9.50E-01	0.03	8.71E-01
<b>MED24</b>	0.26	1.74E-01	0.03	8.71E-01

NR1H2	0.32	1.02E-01	0.03	8.71E-01
RBBP6	0.08	6.91E-01	0.03	8.71E-01
RP11-142C4.5	0.26	1.87E-01	0.03	8.71E-01
RP11-513M16.7	-0.07	7.06E-01	0.03	8.71E-01
RP11-687E1.2	-0.01	9.70E-01	0.03	8.71E-01
RP11-77A13.1	0.19	3.38E-01	0.03	8.71E-01
RP11-834C11.15	-0.20	3.05E-01	0.03	8.71E-01
SNAP23P	0.16	4.05E-01	0.03	8.71E-01
SPTLC1	0.07	7.26E-01	0.03	8.71E-01
ST3GAL4-AS1	-0.17	3.82E-01	0.03	8.71E-01
AFF1	-0.28	1.49E-01	-0.03	8.73E-01
AGPAT5	0.12	5.50E-01	-0.03	8.73E-01
AL136303.1	-0.02	9.01E-01	-0.03	8.73E-01
AP003774.4	0.05	7.86E-01	-0.03	8.73E-01
AUNIP	0.36	5.84E-02	-0.03	8.73E-01
BCAM	0.11	5.90E-01	0.03	8.73E-01
C15orf40	0.10	6.25E-01	-0.03	8.73E-01
CLIC5	-0.27	1.70E-01	0.03	8.73E-01
CTC-518B2.9	0.22	2.61E-01	-0.03	8.73E-01
EIF3L	-0.05	7.84E-01	-0.03	8.73E-01
EXTL2	0.00	9.86E-01	-0.03	8.73E-01
KDELC1P1	0.03	8.90E-01	-0.03	8.73E-01
MTND5P26	-0.12	5.52E-01	-0.03	8.73E-01
NLK	-0.10	6.30E-01	-0.03	8.73E-01
PPM1L	-0.11	5.83E-01	0.03	8.73E-01
RAB6A	0.24	2.27E-01	-0.03	8.73E-01
RDM1	0.12	5.50E-01	0.03	8.73E-01
RN7SKP171	-0.16	4.02E-01	0.03	8.73E-01
RNU4-87P	-0.08	6.87E-01	-0.03	8.73E-01
RNU6-96P	0.22	2.54E-01	0.03	8.73E-01
RP11-141C7.3	0.04	8.42E-01	0.03	8.73E-01
RP11-216N14.7	-0.05	8.09E-01	-0.03	8.73E-01
RP11-268P4.6	-0.12	5.32E-01	-0.03	8.73E-01
RP11-370K11.1	-0.21	2.89E-01	-0.03	8.73E-01
RP11-3B7.1	0.00	9.93E-01	0.03	8.73E-01
RP11-571I18.4	0.11	5.76E-01	-0.03	8.73E-01
RP4-761J14.8	-0.21	2.73E-01	-0.03	8.73E-01
RPRM	-0.04	8.50E-01	0.03	8.73E-01
SRSF10	-0.04	8.58E-01	-0.03	8.73E-01
STRCP1	-0.33	8.84E-02	-0.03	8.73E-01
TCEB1	0.12	5.58E-01	0.03	8.73E-01
UNC5B-AS1	0.14	4.70E-01	-0.03	8.73E-01
XLOC_013424	0.39	3.79E-02	-0.03	8.73E-01
ZFAS1	0.16	4.04E-01	0.03	8.73E-01
C1DP1	-0.21	2.87E-01	0.03	8.74E-01
CLASP1	-0.14	4.70E-01	-0.03	8.74E-01
CTD-2015G9.2	0.11	5.78E-01	0.03	8.74E-01

<b>CTD-2531D15.4</b>	-0.22	2.60E-01	-0.03	8.74E-01
<b>CTD-2566J3.2</b>	-0.30	1.25E-01	-0.03	8.74E-01
<b>CYCSP40</b>	0.09	6.51E-01	-0.03	8.74E-01
<b>ERAL1</b>	0.01	9.69E-01	-0.03	8.74E-01
<b>EYA1</b>	-0.21	2.79E-01	0.03	8.74E-01
<b>GAS2L2</b>	0.05	7.98E-01	-0.03	8.74E-01
<b>LAMTOR3P2</b>	0.06	7.44E-01	0.03	8.74E-01
<b>LDHD</b>	0.31	1.11E-01	0.03	8.74E-01
<b>LINC00982</b>	-0.19	3.28E-01	0.03	8.74E-01
<b>MAPRE3</b>	-0.18	3.64E-01	0.03	8.74E-01
<b>MIR95</b>	0.04	8.53E-01	0.03	8.74E-01
<b>PIGP</b>	-0.17	3.79E-01	0.03	8.74E-01
<b>PMEL</b>	-0.27	1.63E-01	-0.03	8.74E-01
<b>PSMD12</b>	0.16	4.24E-01	-0.03	8.74E-01
<b>PTCD3</b>	0.12	5.41E-01	-0.03	8.74E-01
<b>RNU6-1016P</b>	-0.23	2.32E-01	-0.03	8.74E-01
<b>RP11-15F12.1</b>	0.10	5.96E-01	0.03	8.74E-01
<b>RP11-303E16.7</b>	0.31	1.09E-01	0.03	8.74E-01
<b>RP11-53B2.2</b>	-0.14	4.76E-01	0.03	8.74E-01
<b>RP11-567P19.1</b>	0.09	6.56E-01	-0.03	8.74E-01
<b>RP11-72B4.2</b>	-0.26	1.84E-01	0.03	8.74E-01
<b>RP11-863P13.5</b>	0.11	5.63E-01	-0.03	8.74E-01
<b>RP4-742C19.13</b>	-0.19	3.46E-01	-0.03	8.74E-01
<b>RP4-791M13.4</b>	0.47	1.23E-02	0.03	8.74E-01
<b>RPA2</b>	-0.07	7.42E-01	-0.03	8.74E-01
<b>RPL24P2</b>	0.01	9.44E-01	0.03	8.74E-01
<b>RPL5P11</b>	-0.23	2.32E-01	0.03	8.74E-01
<b>SAP18</b>	0.10	6.16E-01	0.03	8.74E-01
<b>SPHKAP</b>	-0.11	5.74E-01	0.03	8.74E-01
<b>TMEM126B</b>	0.02	9.17E-01	0.03	8.74E-01
<b>VPS72</b>	0.10	6.07E-01	0.03	8.74E-01
<b>YARS</b>	0.11	5.63E-01	0.03	8.74E-01
<b>YME1L1</b>	0.10	6.05E-01	-0.03	8.74E-01
<b>ZCCHC18</b>	-0.01	9.71E-01	0.03	8.74E-01
<b>ZNF707</b>	-0.49	7.87E-03	-0.03	8.74E-01
<b>BABAM1</b>	-0.16	4.10E-01	-0.03	8.75E-01
<b>C6orf203</b>	0.32	9.56E-02	-0.03	8.75E-01
<b>CTD-2007H13.3</b>	0.08	6.80E-01	-0.03	8.75E-01
<b>FKBP4</b>	0.08	6.68E-01	-0.03	8.75E-01
<b>G1115</b>	-0.19	3.43E-01	-0.03	8.75E-01
<b>G24512</b>	0.06	7.67E-01	-0.03	8.75E-01
<b>G35510</b>	0.02	9.09E-01	-0.03	8.75E-01
<b>GTPBP4</b>	0.15	4.52E-01	-0.03	8.75E-01
<b>HIST1H2AE</b>	-0.12	5.30E-01	-0.03	8.75E-01
<b>HTR1B</b>	-0.30	1.20E-01	-0.03	8.75E-01
<b>METTL13</b>	0.27	1.61E-01	-0.03	8.75E-01
<b>METTL16</b>	0.02	9.36E-01	-0.03	8.75E-01



MRPL37P1	0.15	4.43E-01	-0.03	8.75E-01
RN7SL487P	0.07	7.30E-01	-0.03	8.75E-01
THA1P	-0.12	5.55E-01	-0.03	8.75E-01
AC005077.14	-0.41	2.93E-02	0.03	8.75E-01
CTD-2639E6.9	-0.43	2.19E-02	0.03	8.75E-01
KIAA1586	-0.11	5.92E-01	0.03	8.75E-01
KPNB1	0.13	5.19E-01	0.03	8.75E-01
LA16c-390E6.3	0.13	5.19E-01	0.03	8.75E-01
LINC00964	-0.10	6.08E-01	0.03	8.75E-01
OFCC1	0.11	5.63E-01	0.03	8.75E-01
RP11-120K19.3	-0.27	1.59E-01	0.03	8.75E-01
RP11-22H5.2	-0.14	4.83E-01	0.03	8.75E-01
RP11-287D1.4	0.25	2.06E-01	0.03	8.75E-01
RP11-390D11.1	0.17	3.79E-01	0.03	8.75E-01
RP11-434B12.1	-0.30	1.27E-01	0.03	8.75E-01
RP11-490O6.2	-0.11	5.76E-01	0.03	8.75E-01
RP5-1021I20.1	0.09	6.32E-01	0.03	8.75E-01
RP5-858L17.1	0.19	3.44E-01	0.03	8.75E-01
TBL3	0.22	2.57E-01	0.03	8.75E-01
ZNF628	-0.19	3.29E-01	0.03	8.75E-01
AC007389.3	-0.12	5.54E-01	0.03	8.76E-01
AC092798.2	-0.15	4.60E-01	0.03	8.76E-01
AC144831.1	-0.04	8.48E-01	-0.03	8.76E-01
ARF1	0.05	8.10E-01	0.03	8.76E-01
ARF4	0.06	7.76E-01	0.03	8.76E-01
ATG12	0.16	4.12E-01	-0.03	8.76E-01
BTBD10	0.16	4.29E-01	-0.03	8.76E-01
CLDN19	-0.16	4.16E-01	0.03	8.76E-01
CREB3L2	-0.41	2.92E-02	0.03	8.76E-01
CTA-228A9.4	-0.01	9.48E-01	0.03	8.76E-01
CTC-351M12.1	-0.14	4.83E-01	0.03	8.76E-01
CTD-2528A14.5	-0.08	7.00E-01	0.03	8.76E-01
CTPS1	0.29	1.30E-01	0.03	8.76E-01
EBPL	0.28	1.53E-01	0.03	8.76E-01
EDC3	0.09	6.36E-01	0.03	8.76E-01
EGR2	-0.06	7.70E-01	-0.03	8.76E-01
FADS3	0.13	5.11E-01	-0.03	8.76E-01
FOXO3	-0.09	6.44E-01	0.03	8.76E-01
FRMD6-AS1	-0.12	5.54E-01	-0.03	8.76E-01
HIST1H3A	-0.18	3.62E-01	0.03	8.76E-01
HMGB1P44	-0.19	3.29E-01	0.03	8.76E-01
IRF4	-0.20	3.13E-01	-0.03	8.76E-01
KIAA2012	-0.07	7.35E-01	0.03	8.76E-01
KRTAP1-3	-0.08	6.91E-01	0.03	8.76E-01
LINC00691	-0.36	5.90E-02	0.03	8.76E-01
LUZP2	0.42	2.51E-02	-0.03	8.76E-01
MIR219A2	-0.12	5.42E-01	-0.03	8.76E-01

<b>NGLY1</b>	0.12	5.38E-01	-0.03	8.76E-01
<b>NPIP15</b>	-0.09	6.65E-01	0.03	8.76E-01
<b>NUF2</b>	0.17	3.82E-01	0.03	8.76E-01
<b>RAB12</b>	0.48	1.02E-02	0.03	8.76E-01
<b>RP11-1398P2.1</b>	-0.20	3.00E-01	-0.03	8.76E-01
<b>RP11-15A1.3</b>	-0.08	6.97E-01	-0.03	8.76E-01
<b>RP11-162A23.5</b>	0.10	6.08E-01	-0.03	8.76E-01
<b>RP11-212I21.2</b>	-0.37	4.98E-02	0.03	8.76E-01
<b>RP11-276H19.1</b>	-0.17	3.96E-01	-0.03	8.76E-01
<b>RP11-382D12.2</b>	-0.01	9.64E-01	0.03	8.76E-01
<b>RP11-483H20.4</b>	-0.14	4.67E-01	-0.03	8.76E-01
<b>RP11-48B14.1</b>	0.08	6.94E-01	-0.03	8.76E-01
<b>RP11-543P15.3</b>	-0.01	9.58E-01	-0.03	8.76E-01
<b>RP11-571F15.3</b>	-0.14	4.84E-01	0.03	8.76E-01
<b>RP11-647O20.1</b>	-0.13	5.03E-01	-0.03	8.76E-01
<b>RP11-700F16.2</b>	0.00	9.92E-01	0.03	8.76E-01
<b>RP13-39P12.2</b>	0.06	7.58E-01	0.03	8.76E-01
<b>RP5-884G6.2</b>	-0.13	5.04E-01	-0.03	8.76E-01
<b>RPL39P36</b>	-0.30	1.25E-01	0.03	8.76E-01
<b>SETP11</b>	-0.04	8.58E-01	-0.03	8.76E-01
<b>SF3B3</b>	0.20	3.03E-01	0.03	8.76E-01
<b>TMEM183A</b>	0.12	5.37E-01	-0.03	8.76E-01
<b>USP9X</b>	-0.22	2.62E-01	0.03	8.76E-01
<b>ZSCAN22</b>	0.13	5.14E-01	-0.03	8.76E-01
<b>AC009506.1</b>	-0.02	9.36E-01	0.03	8.77E-01
<b>AGO4</b>	-0.13	5.02E-01	0.03	8.77E-01
<b>ALPK1</b>	-0.05	8.07E-01	0.03	8.77E-01
<b>AMMECR1L</b>	0.08	6.97E-01	-0.03	8.77E-01
<b>CSPG4P13</b>	-0.15	4.60E-01	0.03	8.77E-01
<b>CTA-228A9.3</b>	-0.22	2.66E-01	0.03	8.77E-01
<b>CTD-2044J15.1</b>	-0.07	7.24E-01	-0.03	8.77E-01
<b>D2HGDH</b>	-0.05	7.92E-01	-0.03	8.77E-01
<b>DDX1</b>	0.10	6.04E-01	0.03	8.77E-01
<b>DSTN</b>	0.00	9.96E-01	-0.03	8.77E-01
<b>EIF3CL</b>	-0.11	5.77E-01	0.03	8.77E-01
<b>EPS15L1</b>	0.01	9.53E-01	0.03	8.77E-01
<b>GAPDHP59</b>	0.32	9.50E-02	0.03	8.77E-01
<b>GATS</b>	-0.30	1.19E-01	0.03	8.77E-01
<b>GNG7</b>	-0.35	7.08E-02	-0.03	8.77E-01
<b>GOLGA8N</b>	-0.05	7.83E-01	-0.03	8.77E-01
<b>GPX1P1</b>	-0.12	5.45E-01	0.03	8.77E-01
<b>LACC1</b>	0.07	7.09E-01	-0.03	8.77E-01
<b>LDHB</b>	0.14	4.64E-01	-0.03	8.77E-01
<b>MBD4</b>	0.39	4.28E-02	-0.03	8.77E-01
<b>MUC6</b>	-0.16	4.16E-01	0.03	8.77E-01
<b>NPPA</b>	0.03	8.82E-01	0.03	8.77E-01
<b>OR52B5P</b>	-0.13	5.26E-01	0.03	8.77E-01

P3H2	0.01	9.54E-01	-0.03	8.77E-01
PGPEP1	0.11	5.67E-01	0.03	8.77E-01
PHBP15	-0.04	8.28E-01	0.03	8.77E-01
PHF8	-0.02	9.21E-01	0.03	8.77E-01
PLXDC2	-0.01	9.74E-01	-0.03	8.77E-01
PQBP1	0.04	8.28E-01	0.03	8.77E-01
PRMT7	-0.10	5.98E-01	0.03	8.77E-01
PXN	0.02	9.15E-01	0.03	8.77E-01
RNU5A-6P	0.03	8.77E-01	-0.03	8.77E-01
RNU6-731P	-0.24	2.18E-01	-0.03	8.77E-01
RP1-128M12.3	-0.32	1.01E-01	0.03	8.77E-01
RP11-386M24.4	-0.09	6.54E-01	-0.03	8.77E-01
RP11-486O12.2	-0.23	2.45E-01	0.03	8.77E-01
RP11-492E3.2	-0.15	4.61E-01	0.03	8.77E-01
RP11-51F16.9	-0.26	1.82E-01	-0.03	8.77E-01
RP11-51J9.4	-0.11	5.73E-01	-0.03	8.77E-01
RP11-686D22.10	0.08	6.69E-01	0.03	8.77E-01
RP11-8H2.1	0.26	1.80E-01	0.03	8.77E-01
SEC11A	0.12	5.46E-01	0.03	8.77E-01
SNORD111B	0.20	3.09E-01	-0.03	8.77E-01
SUZ12	0.18	3.69E-01	0.03	8.77E-01
TUBA4B	-0.43	2.22E-02	0.03	8.77E-01
WASL	0.30	1.26E-01	0.03	8.77E-01
XLOC_002996	0.05	8.10E-01	-0.03	8.77E-01
XLOC_011616	-0.12	5.53E-01	-0.03	8.77E-01
BRSK1	0.00	9.98E-01	-0.03	8.79E-01
C16orf71	-0.15	4.39E-01	-0.03	8.79E-01
EEF1B2P3	-0.21	2.73E-01	-0.03	8.79E-01
FAM90A2P	-0.37	4.96E-02	-0.03	8.79E-01
KC6	0.05	8.05E-01	-0.03	8.79E-01
KRT18P57	-0.24	2.26E-01	-0.03	8.79E-01
PDE3B	0.06	7.55E-01	-0.03	8.79E-01
RNU6-100P	-0.31	1.13E-01	-0.03	8.79E-01
RNU6-399P	-0.10	6.29E-01	-0.03	8.79E-01
RP11-315D13.1	-0.14	4.68E-01	-0.03	8.79E-01
RP11-468E2.11	-0.02	9.39E-01	-0.03	8.79E-01
RP11-678G15.2	0.19	3.34E-01	-0.03	8.79E-01
RP3-389A20.5	-0.25	1.98E-01	-0.03	8.79E-01
TNFAIP3	-0.26	1.89E-01	-0.03	8.79E-01
TWSG1	0.30	1.20E-01	-0.03	8.79E-01
AC004054.1	0.18	3.58E-01	0.03	8.79E-01
BOLA3	0.09	6.34E-01	0.03	8.79E-01
CBX3P3	-0.04	8.59E-01	0.03	8.79E-01
CTD-2542C24.9	0.08	6.98E-01	0.03	8.79E-01
ITK	0.24	2.27E-01	0.03	8.79E-01
MIR648	-0.19	3.23E-01	0.03	8.79E-01
PABPC1P1	-0.20	3.11E-01	0.03	8.79E-01

PPRC1	0.18	3.49E-01	0.03	8.79E-01
RP11-139K1.2	-0.05	8.12E-01	0.03	8.79E-01
RP11-400N13.3	-0.02	9.39E-01	0.03	8.79E-01
RP11-660M5.1	0.21	2.79E-01	0.03	8.79E-01
RP11-782C8.7	-0.03	8.86E-01	0.03	8.79E-01
SCHIP1	-0.46	1.27E-02	0.03	8.79E-01
SLC39A1	0.04	8.45E-01	0.03	8.79E-01
WIPI1	0.18	3.56E-01	0.03	8.79E-01
AC079613.1	0.20	3.16E-01	0.03	8.80E-01
ADCY10P1	-0.03	8.77E-01	0.03	8.80E-01
CARNMT1	0.14	4.65E-01	0.03	8.80E-01
CELF5	0.33	9.07E-02	-0.03	8.80E-01
CREG2	0.05	7.86E-01	0.03	8.80E-01
EMC1	0.25	1.93E-01	-0.03	8.80E-01
G31329	-0.03	8.83E-01	-0.03	8.80E-01
HIST1H2BO	0.03	8.85E-01	0.03	8.80E-01
HMG1P24	0.04	8.37E-01	0.03	8.80E-01
LA16c-306A4.2	-0.02	9.18E-01	-0.03	8.80E-01
LINC01220	0.05	8.10E-01	0.03	8.80E-01
METTL9	0.36	5.90E-02	0.03	8.80E-01
MGP	-0.21	2.76E-01	-0.03	8.80E-01
MIR148B	0.10	6.09E-01	-0.03	8.80E-01
MIR4484	-0.17	3.79E-01	-0.03	8.80E-01
MYO19	0.08	6.72E-01	0.03	8.80E-01
NARS2	0.05	8.14E-01	0.03	8.80E-01
NBPF3	-0.21	2.85E-01	0.03	8.80E-01
NEAT1	-0.03	8.92E-01	0.03	8.80E-01
NYAP1	0.02	9.09E-01	0.03	8.80E-01
PABPC1P4	-0.12	5.54E-01	-0.03	8.80E-01
PBOV1	-0.12	5.36E-01	-0.03	8.80E-01
RP11-165M1.3	-0.21	2.85E-01	-0.03	8.80E-01
RP11-17A1.3	0.01	9.67E-01	0.03	8.80E-01
RP11-25C19.3	-0.11	5.69E-01	-0.03	8.80E-01
RP11-386I14.4	0.07	7.05E-01	-0.03	8.80E-01
RP11-407G23.4	0.01	9.49E-01	-0.03	8.80E-01
RP11-715J22.3	0.14	4.86E-01	0.03	8.80E-01
RP11-798L4.1	-0.17	3.96E-01	-0.03	8.80E-01
RP13-941N14.1	0.34	7.77E-02	-0.03	8.80E-01
RPL27A	0.28	1.56E-01	0.03	8.80E-01
RPL41	-0.01	9.69E-01	0.03	8.80E-01
SLC27A2	0.00	9.91E-01	-0.03	8.80E-01
SPIN4	0.40	3.28E-02	0.03	8.80E-01
TCOF1	-0.12	5.29E-01	0.03	8.80E-01
WNK3	-0.15	4.49E-01	-0.03	8.80E-01
ZDHH8P1	-0.35	6.66E-02	-0.03	8.80E-01
ZNF784	0.23	2.33E-01	0.03	8.80E-01
AC060226.1	0.02	9.01E-01	0.03	8.81E-01

<b>AIMP2</b>	0.10	6.08E-01	0.03	8.81E-01
<b>AL627171.1</b>	-0.01	9.44E-01	0.03	8.81E-01
<b>ATP6V1H</b>	0.09	6.33E-01	-0.03	8.81E-01
<b>C1QTNF9</b>	-0.14	4.82E-01	0.03	8.81E-01
<b>C6orf15</b>	0.02	9.12E-01	0.03	8.81E-01
<b>CENPF</b>	0.03	8.87E-01	0.03	8.81E-01
<b>CTC-429P9.5</b>	0.30	1.15E-01	0.03	8.81E-01
<b>CTD-2525I3.2</b>	-0.26	1.89E-01	-0.03	8.81E-01
<b>DLEU2</b>	0.19	3.39E-01	-0.03	8.81E-01
<b>FAF2</b>	0.14	4.80E-01	0.03	8.81E-01
<b>FAM228A</b>	-0.03	8.63E-01	-0.03	8.81E-01
<b>KBTBD4</b>	0.10	6.15E-01	0.03	8.81E-01
<b>ORC6</b>	0.25	1.93E-01	-0.03	8.81E-01
<b>POLN</b>	0.08	6.73E-01	-0.03	8.81E-01
<b>RNU6-37P</b>	0.03	8.87E-01	-0.03	8.81E-01
<b>RNY5P1</b>	0.02	9.03E-01	0.03	8.81E-01
<b>RP11-117N2.2</b>	-0.21	2.86E-01	0.03	8.81E-01
<b>RP11-234A1.1</b>	-0.10	6.12E-01	0.03	8.81E-01
<b>RP11-568G11.5</b>	-0.15	4.49E-01	-0.03	8.81E-01
<b>XLOC_000019</b>	-0.02	9.06E-01	0.03	8.81E-01
<b>XLOC_008986</b>	-0.12	5.58E-01	-0.03	8.81E-01
<b>ZSCAN2</b>	0.05	7.96E-01	0.03	8.81E-01
<b>ATP11A</b>	0.08	7.02E-01	0.03	8.82E-01
<b>CDK16</b>	0.03	8.87E-01	0.03	8.82E-01
<b>DPP7</b>	-0.04	8.41E-01	0.03	8.82E-01
<b>EML2</b>	0.01	9.55E-01	0.03	8.82E-01
<b>EPB42</b>	-0.01	9.68E-01	0.03	8.82E-01
<b>KCTD9P4</b>	-0.14	4.79E-01	0.03	8.82E-01
<b>LINC00271</b>	0.15	4.58E-01	0.03	8.82E-01
<b>RP11-302M6.5</b>	-0.22	2.65E-01	0.03	8.82E-01
<b>RP11-349N19.2</b>	-0.02	9.16E-01	0.03	8.82E-01
<b>RP11-49O14.2</b>	0.22	2.66E-01	0.03	8.82E-01
<b>RP11-504I13.2</b>	0.11	5.80E-01	0.03	8.82E-01
<b>RP11-886P16.10</b>	0.03	8.64E-01	0.03	8.82E-01
<b>RPS3AP26</b>	-0.02	9.14E-01	0.03	8.82E-01
<b>SERPINB8</b>	0.24	2.10E-01	0.03	8.82E-01
<b>SMAD1-AS2</b>	0.09	6.60E-01	0.03	8.82E-01
<b>TMEM44-AS1</b>	-0.18	3.66E-01	0.03	8.82E-01
<b>WDTC1</b>	-0.04	8.45E-01	0.03	8.82E-01
<b>CNPY3</b>	0.00	9.89E-01	-0.03	8.82E-01
<b>CTC-479C5.12</b>	-0.05	8.11E-01	-0.03	8.82E-01
<b>EEF1A1P3</b>	-0.36	5.74E-02	-0.03	8.82E-01
<b>EIF2S2P4</b>	-0.12	5.54E-01	-0.03	8.82E-01
<b>HIST1H1B</b>	-0.01	9.44E-01	-0.03	8.82E-01
<b>HM13-IT1</b>	0.02	9.18E-01	-0.03	8.82E-01
<b>IFT52</b>	-0.06	7.81E-01	-0.03	8.82E-01
<b>MYLK</b>	0.06	7.62E-01	-0.03	8.82E-01

<b>NOP56P3</b>	0.04	8.50E-01	-0.03	8.82E-01
<b>NOP58</b>	0.14	4.89E-01	-0.03	8.82E-01
<b>OSER1-AS1</b>	0.02	9.32E-01	-0.03	8.82E-01
<b>PSMC1P1</b>	0.17	3.90E-01	-0.03	8.82E-01
<b>RP11-314C9.2</b>	-0.01	9.57E-01	-0.03	8.82E-01
<b>RP11-66N24.4</b>	0.29	1.29E-01	-0.03	8.82E-01
<b>SDCBP</b>	-0.27	1.64E-01	-0.03	8.82E-01
<b>SSU72</b>	0.24	2.18E-01	-0.03	8.82E-01
<b>STOX2</b>	0.16	4.20E-01	-0.03	8.82E-01
<b>AC007009.2</b>	-0.04	8.59E-01	-0.03	8.83E-01
<b>ADAMTS14</b>	-0.42	2.63E-02	-0.03	8.83E-01
<b>AK4P4</b>	-0.02	9.27E-01	-0.03	8.83E-01
<b>AP000807.1</b>	-0.29	1.36E-01	-0.03	8.83E-01
<b>AUTS2</b>	0.01	9.60E-01	-0.03	8.83E-01
<b>CDC25C</b>	0.04	8.24E-01	-0.03	8.83E-01
<b>CDKL3</b>	-0.19	3.35E-01	-0.03	8.83E-01
<b>CLNS1A</b>	0.19	3.34E-01	0.03	8.83E-01
<b>DCTN6</b>	0.42	2.68E-02	-0.03	8.83E-01
<b>DCTPP1</b>	-0.10	6.06E-01	0.03	8.83E-01
<b>DTL</b>	-0.01	9.71E-01	-0.03	8.83E-01
<b>DYM</b>	0.12	5.57E-01	-0.03	8.83E-01
<b>FAM193B</b>	-0.12	5.42E-01	0.03	8.83E-01
<b>FARSB</b>	0.26	1.88E-01	0.03	8.83E-01
<b>FNDC3B</b>	-0.15	4.49E-01	-0.03	8.83E-01
<b>GNA11</b>	0.14	4.66E-01	0.03	8.83E-01
<b>HMGN2P15</b>	-0.24	2.09E-01	0.03	8.83E-01
<b>KANK1</b>	-0.07	7.11E-01	-0.03	8.83E-01
<b>LA16c-390E6.4</b>	-0.08	6.75E-01	-0.03	8.83E-01
<b>MCFD2</b>	0.32	1.00E-01	-0.03	8.83E-01
<b>MCM6</b>	-0.01	9.51E-01	0.03	8.83E-01
<b>NHP2</b>	-0.02	9.36E-01	-0.03	8.83E-01
<b>OR10AB1P</b>	-0.01	9.53E-01	-0.03	8.83E-01
<b>PDE3A</b>	-0.25	2.04E-01	0.03	8.83E-01
<b>RN7SKP56</b>	-0.35	7.03E-02	-0.03	8.83E-01
<b>RNU4ATAC18P</b>	-0.41	3.13E-02	0.03	8.83E-01
<b>RP11-177B4.1</b>	-0.30	1.20E-01	0.03	8.83E-01
<b>RP11-242J7.1</b>	-0.20	3.00E-01	-0.03	8.83E-01
<b>RP11-366L20.2</b>	0.11	5.80E-01	0.03	8.83E-01
<b>RP11-399K21.11</b>	0.10	6.07E-01	-0.03	8.83E-01
<b>RP11-482G13.1</b>	0.14	4.73E-01	-0.03	8.83E-01
<b>RP11-756G20.1</b>	-0.14	4.74E-01	-0.03	8.83E-01
<b>RP3-495K2.4</b>	-0.10	6.04E-01	0.03	8.83E-01
<b>RP6-206I17.1</b>	-0.28	1.44E-01	0.03	8.83E-01
<b>SPAG7</b>	0.20	3.17E-01	-0.03	8.83E-01
<b>TAF2</b>	0.18	3.57E-01	-0.03	8.83E-01
<b>TEAD2</b>	0.07	7.37E-01	-0.03	8.83E-01
<b>TULP3</b>	-0.10	6.08E-01	0.03	8.83E-01

ZNF19	-0.31	1.08E-01	0.03	8.83E-01
ZSWIM7	0.16	4.21E-01	-0.03	8.83E-01
AC107021.1	0.31	1.07E-01	-0.03	8.85E-01
BMP2KL	-0.31	1.13E-01	0.03	8.85E-01
CNGB3	-0.32	9.90E-02	-0.03	8.85E-01
CROCC	-0.12	5.39E-01	-0.03	8.85E-01
CTC-487M23.8	0.22	2.70E-01	-0.03	8.85E-01
DENND6B	-0.46	1.48E-02	-0.03	8.85E-01
DNAH12	-0.11	5.63E-01	-0.03	8.85E-01
FAM60BP	-0.31	1.06E-01	-0.03	8.85E-01
FAM83H	0.16	4.29E-01	0.03	8.85E-01
GLIPR2	0.08	6.80E-01	-0.03	8.85E-01
GNB1	0.00	9.88E-01	0.03	8.85E-01
KBTBD8	0.29	1.37E-01	-0.03	8.85E-01
LHX6	-0.08	6.75E-01	0.03	8.85E-01
MASTL	0.35	6.41E-02	0.03	8.85E-01
MIR3676	0.05	8.15E-01	-0.03	8.85E-01
P2RY1	0.02	9.16E-01	0.03	8.85E-01
PDXDC1	0.04	8.22E-01	-0.03	8.85E-01
PPP1R35	-0.06	7.62E-01	0.03	8.85E-01
RP11-121A8.1	0.29	1.40E-01	-0.03	8.85E-01
RP11-439E19.6	-0.05	8.16E-01	0.03	8.85E-01
RP11-631F7.1	0.13	5.18E-01	0.03	8.85E-01
RP11-762H8.1	0.00	9.93E-01	-0.03	8.85E-01
RPL17P17	-0.08	6.93E-01	0.03	8.85E-01
RPS2P32	0.09	6.51E-01	0.03	8.85E-01
SAMD11P1	0.09	6.58E-01	-0.03	8.85E-01
SLC35D3	-0.29	1.29E-01	0.03	8.85E-01
SNORD121A	-0.04	8.40E-01	-0.03	8.85E-01
SPC25	-0.07	7.31E-01	0.03	8.85E-01
USP5	-0.03	8.89E-01	-0.03	8.85E-01
VPRBP	0.03	8.79E-01	0.03	8.85E-01
ZNF248	-0.03	8.64E-01	-0.03	8.85E-01
AC004022.8	0.32	9.50E-02	-0.03	8.86E-01
AC079779.4	0.22	2.68E-01	0.03	8.86E-01
C1orf147	0.10	6.26E-01	-0.03	8.86E-01
CAMLG	0.11	5.77E-01	-0.03	8.86E-01
CBX7	-0.32	9.90E-02	-0.03	8.86E-01
CEP152	-0.07	7.26E-01	0.03	8.86E-01
CLUHP3	0.20	3.05E-01	0.03	8.86E-01
CTA-292E10.8	-0.18	3.48E-01	-0.03	8.86E-01
CTB-58E17.3	-0.04	8.39E-01	-0.03	8.86E-01
CTD-2033D15.2	-0.05	8.05E-01	0.03	8.86E-01
EFTUD1	-0.06	7.47E-01	0.03	8.86E-01
ENO2	-0.23	2.33E-01	-0.03	8.86E-01
FAM47E	-0.14	4.79E-01	-0.03	8.86E-01
INCA1	0.07	7.21E-01	-0.03	8.86E-01

LA16c-312E8.4	0.07	7.41E-01	0.03	8.86E-01
LANCL1-AS1	0.20	3.02E-01	-0.03	8.86E-01
LINC01229	-0.20	3.19E-01	-0.03	8.86E-01
MTND1P21	0.18	3.63E-01	0.03	8.86E-01
NKAPL	-0.07	7.06E-01	0.03	8.86E-01
NOL4	0.13	5.00E-01	-0.03	8.86E-01
PKD2	-0.09	6.60E-01	0.03	8.86E-01
PPDPF	-0.16	4.21E-01	-0.03	8.86E-01
PRADC1P1	-0.21	2.82E-01	0.03	8.86E-01
PTGES3	0.10	5.97E-01	0.03	8.86E-01
PZP	0.13	5.25E-01	-0.03	8.86E-01
RABL2B	-0.18	3.69E-01	0.03	8.86E-01
RMDN3	-0.04	8.48E-01	-0.03	8.86E-01
RNF34	0.25	2.06E-01	0.03	8.86E-01
RP11-166B2.7	0.15	4.31E-01	0.03	8.86E-01
RP11-193I22.2	0.26	1.85E-01	-0.03	8.86E-01
RP11-259O18.5	0.35	6.80E-02	-0.03	8.86E-01
RP11-380G5.2	0.22	2.66E-01	-0.03	8.86E-01
RP11-380G5.3	-0.16	4.06E-01	-0.03	8.86E-01
RP11-451F14.1	-0.18	3.54E-01	0.03	8.86E-01
RP11-727A23.10	-0.08	6.99E-01	0.03	8.86E-01
RP11-834C11.10	-0.07	7.30E-01	0.03	8.86E-01
RP4-539M6.20	0.03	8.67E-01	-0.03	8.86E-01
RP5-856G1.2	-0.11	5.79E-01	0.03	8.86E-01
TTK	0.11	5.75E-01	-0.03	8.86E-01
ZNF124	0.03	8.97E-01	-0.03	8.86E-01
AP000640.2	0.17	3.97E-01	0.03	8.87E-01
BRD7P2	-0.03	8.67E-01	-0.03	8.87E-01
CD3EAP	0.34	8.13E-02	-0.03	8.87E-01
CDC45	0.00	9.98E-01	0.03	8.87E-01
CEP83-AS1	0.18	3.55E-01	0.03	8.87E-01
CTD-2066L21.3	-0.14	4.80E-01	0.03	8.87E-01
CTD-2555C10.3	0.13	4.97E-01	-0.03	8.87E-01
CXCL6	0.16	4.24E-01	-0.03	8.87E-01
CXorf65	0.08	6.74E-01	-0.03	8.87E-01
EXOSC5	0.00	9.93E-01	-0.03	8.87E-01
GPR35	0.14	4.81E-01	0.03	8.87E-01
HIST1H2BM	-0.06	7.71E-01	0.03	8.87E-01
KTI12	0.21	2.91E-01	-0.03	8.87E-01
MYEOV2	0.04	8.53E-01	0.03	8.87E-01
NCOA6	0.00	9.93E-01	-0.03	8.87E-01
NLE1	0.26	1.85E-01	0.03	8.87E-01
OR7M1P	-0.15	4.44E-01	0.03	8.87E-01
PPIHP1	-0.53	3.89E-03	0.03	8.87E-01
PSMB3	0.05	7.83E-01	-0.03	8.87E-01
RALY	-0.07	7.09E-01	0.03	8.87E-01
RIOK2	0.12	5.59E-01	-0.03	8.87E-01



<b>RN7SL146P</b>	0.15	4.42E-01	-0.03	8.87E-01
<b>RNU6-619P</b>	-0.02	9.03E-01	0.03	8.87E-01
<b>RP1-319M7.2</b>	0.18	3.70E-01	0.03	8.87E-01
<b>RP11-426C22.5</b>	-0.06	7.44E-01	-0.03	8.87E-01
<b>RP11-452G18.1</b>	0.16	4.21E-01	0.03	8.87E-01
<b>RP11-454F8.3</b>	0.00	9.85E-01	-0.03	8.87E-01
<b>RP11-730B22.1</b>	-0.06	7.71E-01	-0.03	8.87E-01
<b>RPSAP47</b>	-0.06	7.77E-01	0.03	8.87E-01
<b>SNORD116-6</b>	-0.01	9.77E-01	0.03	8.87E-01
<b>WHSC1</b>	-0.14	4.66E-01	-0.03	8.87E-01
<b>ZNF777</b>	-0.16	4.21E-01	-0.03	8.87E-01
<b>ABALON</b>	-0.16	4.27E-01	-0.03	8.88E-01
<b>AC006116.20</b>	-0.25	2.06E-01	-0.03	8.88E-01
<b>AL844165.1</b>	0.02	9.28E-01	0.03	8.88E-01
<b>ANGPTL3</b>	0.00	9.92E-01	-0.03	8.88E-01
<b>ANKLE2</b>	0.00	9.87E-01	-0.03	8.88E-01
<b>ANKRD13A</b>	0.11	5.71E-01	0.03	8.88E-01
<b>BOLA3-AS1</b>	0.04	8.59E-01	0.03	8.88E-01
<b>C1orf210</b>	0.01	9.77E-01	0.03	8.88E-01
<b>C21orf2</b>	-0.23	2.29E-01	-0.03	8.88E-01
<b>CALR4P</b>	-0.05	7.89E-01	-0.03	8.88E-01
<b>DEAR</b>	-0.20	3.02E-01	0.03	8.88E-01
<b>FAM173A</b>	0.09	6.46E-01	0.03	8.88E-01
<b>FBXL5</b>	-0.12	5.38E-01	-0.03	8.88E-01
<b>G19165</b>	0.22	2.53E-01	-0.03	8.88E-01
<b>G2450</b>	-0.17	3.78E-01	-0.03	8.88E-01
<b>GIGYF1</b>	-0.15	4.37E-01	0.03	8.88E-01
<b>GK</b>	0.31	1.05E-01	-0.03	8.88E-01
<b>HRAT92</b>	0.08	7.02E-01	0.03	8.88E-01
<b>IPO9-AS1</b>	0.01	9.79E-01	0.03	8.88E-01
<b>KDF1</b>	0.08	7.03E-01	0.03	8.88E-01
<b>LINC00441</b>	0.05	8.04E-01	-0.03	8.88E-01
<b>LINC00843</b>	0.09	6.50E-01	-0.03	8.88E-01
<b>LINC01152</b>	0.11	5.88E-01	0.03	8.88E-01
<b>MCM2</b>	0.06	7.79E-01	0.03	8.88E-01
<b>MYBPHL</b>	-0.34	7.72E-02	-0.03	8.88E-01
<b>NCS1</b>	0.02	9.17E-01	-0.03	8.88E-01
<b>NOSTRIN</b>	-0.26	1.86E-01	0.03	8.88E-01
<b>RHOA</b>	0.19	3.44E-01	-0.03	8.88E-01
<b>RN7SKP210</b>	-0.02	9.02E-01	0.03	8.88E-01
<b>RN7SL629P</b>	0.02	9.35E-01	0.03	8.88E-01
<b>RN7SL672P</b>	-0.16	4.11E-01	-0.03	8.88E-01
<b>RP11-102L12.2</b>	-0.02	9.21E-01	0.03	8.88E-01
<b>RP11-190A12.8</b>	0.21	2.93E-01	-0.03	8.88E-01
<b>RP11-231C14.7</b>	-0.01	9.61E-01	0.03	8.88E-01
<b>RP11-231P20.5</b>	0.00	9.91E-01	-0.03	8.88E-01
<b>RP11-296O14.2</b>	-0.25	2.05E-01	0.03	8.88E-01

RP11-354E23.4	-0.24	2.11E-01	-0.03	8.88E-01
RP11-652G5.1	-0.12	5.50E-01	0.03	8.88E-01
RP11-713C5.1	-0.27	1.62E-01	-0.03	8.88E-01
RP4-813D12.3	0.23	2.32E-01	-0.03	8.88E-01
RPL32P1	-0.30	1.16E-01	0.03	8.88E-01
SEMA4F	-0.24	2.23E-01	0.03	8.88E-01
SLC10A1	0.21	2.79E-01	-0.03	8.88E-01
SNORD20	0.16	4.23E-01	0.03	8.88E-01
SNORD88	0.04	8.36E-01	0.03	8.88E-01
TIMELESS	0.06	7.44E-01	0.03	8.88E-01
XLOC_007998	-0.09	6.36E-01	-0.03	8.88E-01
XLOC_013496	-0.16	4.08E-01	-0.03	8.88E-01
AC063932.1	0.00	9.96E-01	-0.03	8.89E-01
AC104695.4	0.07	7.15E-01	0.03	8.89E-01
AC133644.2	0.06	7.78E-01	0.03	8.89E-01
ANKRD17	-0.07	7.18E-01	0.03	8.89E-01
BMPER	0.41	2.85E-02	-0.03	8.89E-01
CFAP58	0.06	7.59E-01	-0.03	8.89E-01
CNPY2	0.57	1.60E-03	-0.03	8.89E-01
CRISPLD2	0.07	7.05E-01	0.03	8.89E-01
DEAF1	0.05	7.85E-01	0.03	8.89E-01
E2F3	0.08	6.87E-01	-0.03	8.89E-01
EIF4E2	0.00	9.87E-01	0.03	8.89E-01
FGF9	-0.11	5.60E-01	-0.03	8.89E-01
G22769	0.19	3.42E-01	0.03	8.89E-01
G31873	-0.05	7.86E-01	-0.03	8.89E-01
G41235	0.04	8.40E-01	0.03	8.89E-01
JPH2	0.13	5.08E-01	-0.03	8.89E-01
KCNQ1	0.14	4.69E-01	0.03	8.89E-01
LINC00987	0.20	3.13E-01	0.03	8.89E-01
PFDN6	0.13	5.10E-01	0.03	8.89E-01
POLE	-0.29	1.40E-01	-0.03	8.89E-01
PRSS48	-0.19	3.34E-01	0.03	8.89E-01
RN7SL336P	0.05	8.03E-01	-0.03	8.89E-01
RNU7-11P	0.01	9.48E-01	0.03	8.89E-01
RP11-1082L8.4	0.13	5.03E-01	-0.03	8.89E-01
RP11-284H18.1	-0.20	3.15E-01	-0.03	8.89E-01
RP11-416I2.1	-0.06	7.52E-01	0.03	8.89E-01
RP11-666A20.4	0.18	3.56E-01	-0.03	8.89E-01
RP11-699C17.1	0.28	1.55E-01	0.03	8.89E-01
RP11-758H9.2	-0.27	1.60E-01	-0.03	8.89E-01
RP4-682C21.2	-0.18	3.65E-01	-0.03	8.89E-01
RP4-778K6.1	-0.22	2.56E-01	0.03	8.89E-01
SHOX2	0.01	9.59E-01	-0.03	8.89E-01
SNAP91	-0.07	7.05E-01	0.03	8.89E-01
SRMP2	-0.43	2.34E-02	-0.03	8.89E-01
STRADB	-0.29	1.35E-01	0.03	8.89E-01

TAC4	-0.05	8.00E-01	-0.03	8.89E-01
TEAD4	-0.19	3.22E-01	-0.03	8.89E-01
THYN1	0.06	7.47E-01	0.03	8.89E-01
TMEM261	0.06	7.53E-01	0.03	8.89E-01
AC007228.9	0.21	2.85E-01	0.03	8.91E-01
AGAP5	-0.07	7.22E-01	0.03	8.91E-01
ANKRD26	-0.33	8.64E-02	-0.03	8.91E-01
BAZ1B	0.09	6.48E-01	0.03	8.91E-01
BEST4	-0.08	6.76E-01	-0.03	8.91E-01
C2CD4A	0.04	8.49E-01	0.03	8.91E-01
C8orf44	0.18	3.71E-01	0.03	8.91E-01
CCT5	0.21	2.93E-01	0.03	8.91E-01
CLEC16A	0.06	7.66E-01	0.03	8.91E-01
CMB9-55F22.1	-0.02	9.22E-01	-0.03	8.91E-01
CPLX2	-0.02	9.08E-01	-0.03	8.91E-01
EIF4A1	-0.11	5.86E-01	-0.03	8.91E-01
FAM151A	0.00	1.00E+00	-0.03	8.91E-01
KLRD1	0.03	8.97E-01	-0.03	8.91E-01
MTMR9LP	-0.23	2.41E-01	-0.03	8.91E-01
NTM-AS1	-0.13	5.15E-01	0.03	8.91E-01
POLK	-0.08	6.75E-01	-0.03	8.91E-01
PSPHP1	-0.42	2.71E-02	0.03	8.91E-01
RILP	-0.09	6.57E-01	-0.03	8.91E-01
RNU6-1283P	-0.01	9.55E-01	-0.03	8.91E-01
RP11-235E17.6	0.05	7.87E-01	0.03	8.91E-01
RP11-318A15.8	-0.04	8.48E-01	-0.03	8.91E-01
RP11-524D16__A.:	-0.14	4.73E-01	-0.03	8.91E-01
RP11-672A2.4	-0.20	3.01E-01	0.03	8.91E-01
RP11-82L18.2	0.06	7.45E-01	0.03	8.91E-01
RP3-500L14.2	-0.32	9.42E-02	-0.03	8.91E-01
RPL23AP63	-0.10	6.31E-01	0.03	8.91E-01
SLC9A4	0.32	9.84E-02	0.03	8.91E-01
TMEM211	-0.12	5.38E-01	-0.03	8.91E-01
TNFSF18	0.16	4.16E-01	0.03	8.91E-01
TTC9B	0.14	4.72E-01	0.03	8.91E-01
XLOC_013940	-0.18	3.55E-01	-0.03	8.91E-01
ZNF674	0.27	1.59E-01	0.03	8.91E-01
ABCC6	-0.24	2.21E-01	-0.03	8.92E-01
AC009495.4	0.02	9.09E-01	0.03	8.92E-01
ACTN3	-0.28	1.44E-01	-0.03	8.92E-01
BRMS1	0.00	9.85E-01	0.03	8.92E-01
C21orf62	-0.13	4.95E-01	0.03	8.92E-01
CFL1	0.04	8.30E-01	0.03	8.92E-01
CTD-3162L10.3	-0.23	2.47E-01	-0.03	8.92E-01
DNAJA1	0.10	6.19E-01	0.03	8.92E-01
DPT	-0.17	3.97E-01	-0.03	8.92E-01
ECD	0.12	5.56E-01	0.03	8.92E-01

<b>HNRNPA1P48</b>	-0.01	9.71E-01	0.03	8.92E-01
<b>IMP3</b>	0.14	4.89E-01	-0.03	8.92E-01
<b>KRT8P26</b>	0.05	7.95E-01	0.03	8.92E-01
<b>LINC01128</b>	-0.13	5.19E-01	0.03	8.92E-01
<b>MEGF10</b>	0.15	4.32E-01	0.03	8.92E-01
<b>MIR4639</b>	-0.10	5.96E-01	-0.03	8.92E-01
<b>PLAA</b>	0.20	2.98E-01	0.03	8.92E-01
<b>PLEKHS1</b>	-0.02	9.36E-01	-0.03	8.92E-01
<b>RGS4</b>	-0.14	4.79E-01	0.03	8.92E-01
<b>RP11-150C16.1</b>	-0.01	9.60E-01	0.03	8.92E-01
<b>RP11-370A5.1</b>	-0.37	5.31E-02	-0.03	8.92E-01
<b>RP11-506H20.2</b>	-0.21	2.85E-01	0.03	8.92E-01
<b>RP4-592A1.2</b>	-0.09	6.52E-01	0.03	8.92E-01
<b>RP5-1057J7.7</b>	-0.01	9.56E-01	0.03	8.92E-01
<b>RP5-1121H13.4</b>	-0.10	6.21E-01	0.03	8.92E-01
<b>RPL12P31</b>	0.14	4.77E-01	-0.03	8.92E-01
<b>RRP1</b>	0.26	1.78E-01	-0.03	8.92E-01
<b>SCYL3</b>	-0.10	6.16E-01	0.03	8.92E-01
<b>SMAP2</b>	0.08	6.93E-01	0.03	8.92E-01
<b>SPIRE2</b>	-0.18	3.67E-01	-0.03	8.92E-01
<b>STEAP1</b>	-0.18	3.46E-01	0.03	8.92E-01
<b>TBX18</b>	-0.22	2.51E-01	-0.03	8.92E-01
<b>UBE3C</b>	0.17	3.92E-01	0.03	8.92E-01
<b>VSTM5</b>	-0.07	7.15E-01	-0.03	8.92E-01
<b>YTHDF3-AS1</b>	-0.20	3.20E-01	0.03	8.92E-01
<b>C16orf86</b>	-0.06	7.67E-01	0.03	8.93E-01
<b>CSAD</b>	-0.08	6.69E-01	0.03	8.93E-01
<b>FAM210A</b>	0.17	3.76E-01	0.03	8.93E-01
<b>GIGYF2</b>	0.01	9.45E-01	0.03	8.93E-01
<b>GPR137B</b>	0.24	2.09E-01	0.03	8.93E-01
<b>IGHM</b>	0.31	1.14E-01	0.03	8.93E-01
<b>PARD6B</b>	0.17	3.82E-01	0.03	8.93E-01
<b>PTPN2</b>	0.10	6.17E-01	0.03	8.93E-01
<b>RP11-104G3.7</b>	-0.35	6.59E-02	0.03	8.93E-01
<b>RP11-203M5.2</b>	0.01	9.69E-01	0.03	8.93E-01
<b>RP11-680F8.4</b>	-0.12	5.38E-01	0.03	8.93E-01
<b>RP11-95G17.2</b>	0.15	4.39E-01	0.03	8.93E-01
<b>TPX2</b>	-0.05	8.00E-01	0.03	8.93E-01
<b>USP17L1</b>	0.40	3.45E-02	0.03	8.93E-01
<b>ZNF641</b>	0.31	1.05E-01	0.03	8.93E-01
<b>CCDC28A</b>	-0.14	4.72E-01	-0.03	8.93E-01
<b>DLX6-AS1</b>	-0.14	4.92E-01	-0.03	8.93E-01
<b>ENTPD4</b>	-0.10	5.97E-01	-0.03	8.93E-01
<b>FAM83C</b>	0.04	8.54E-01	-0.03	8.93E-01
<b>G26709</b>	-0.10	6.29E-01	-0.03	8.93E-01
<b>GABPB1</b>	0.04	8.35E-01	-0.03	8.93E-01
<b>GRM6</b>	0.12	5.46E-01	-0.03	8.93E-01

GTF2A2	0.08	6.84E-01	-0.03	8.93E-01
HAUS3	0.01	9.68E-01	-0.03	8.93E-01
MPHOSPH10	0.12	5.43E-01	-0.03	8.93E-01
MPL	-0.11	5.93E-01	-0.03	8.93E-01
MRPS34	0.09	6.36E-01	-0.03	8.93E-01
RN7SL16P	-0.49	8.44E-03	-0.03	8.93E-01
RNU6-301P	0.03	8.70E-01	-0.03	8.93E-01
RP11-1174L13.2	0.10	6.09E-01	-0.03	8.93E-01
RP11-180M15.7	-0.01	9.60E-01	-0.03	8.93E-01
RP11-325K4.2	-0.22	2.59E-01	-0.03	8.93E-01
RP11-351I21.11	-0.21	2.73E-01	-0.03	8.93E-01
SALRNA2	-0.05	8.03E-01	-0.03	8.93E-01
SFPQ	-0.08	7.00E-01	-0.03	8.93E-01
SRP9	0.04	8.48E-01	-0.03	8.93E-01
TLE4	0.40	3.49E-02	-0.03	8.93E-01
AVIL	0.12	5.45E-01	0.03	8.94E-01
C1QTNF9B	-0.26	1.74E-01	-0.03	8.94E-01
CTC-806A22.1	0.27	1.73E-01	-0.03	8.94E-01
CTD-2062A1.2	0.16	4.12E-01	-0.03	8.94E-01
CTD-2192J16.15	0.38	4.90E-02	-0.03	8.94E-01
CTD-2210P15.3	0.23	2.30E-01	-0.03	8.94E-01
CTD-2506P8.6	0.07	7.23E-01	0.03	8.94E-01
DGCR8	0.04	8.41E-01	0.03	8.94E-01
DPRXP4	-0.27	1.66E-01	-0.03	8.94E-01
GAPDHP27	-0.20	3.06E-01	-0.03	8.94E-01
GLIPR1	0.13	5.12E-01	-0.03	8.94E-01
HADHA	-0.02	9.29E-01	0.03	8.94E-01
KCNC4	0.13	5.14E-01	-0.03	8.94E-01
KCTD9P1	0.20	3.13E-01	0.03	8.94E-01
KRTAP5-10	-0.16	4.29E-01	-0.03	8.94E-01
NRTN	-0.05	7.96E-01	-0.03	8.94E-01
PCDHB13	0.08	6.87E-01	0.03	8.94E-01
PPIAP2	-0.06	7.79E-01	-0.03	8.94E-01
PRR11	0.19	3.29E-01	0.03	8.94E-01
PTPRJ-AS1	-0.01	9.67E-01	-0.03	8.94E-01
RAB33A	0.01	9.64E-01	-0.03	8.94E-01
RNASEH2C	-0.10	6.19E-01	-0.03	8.94E-01
RP11-109L13.1	-0.24	2.11E-01	0.03	8.94E-01
RP11-174O3.1	-0.22	2.58E-01	-0.03	8.94E-01
RP11-274B21.5	-0.45	1.66E-02	0.03	8.94E-01
RP11-369K16.1	-0.24	2.12E-01	-0.03	8.94E-01
RP11-758N13.3	-0.33	8.53E-02	0.03	8.94E-01
RP11-977G19.5	-0.30	1.27E-01	-0.03	8.94E-01
RP4-794H19.1	0.08	6.85E-01	-0.03	8.94E-01
RPL29P11	-0.19	3.29E-01	-0.03	8.94E-01
RPLP1P6	-0.11	5.83E-01	-0.03	8.94E-01
RPS2P28	0.35	6.39E-02	-0.03	8.94E-01

RTN1	0.27	1.63E-01	0.03	8.94E-01
TBC1D29	0.29	1.28E-01	-0.03	8.94E-01
TEX9	0.05	8.14E-01	0.03	8.94E-01
TRAJ10	0.07	7.17E-01	0.03	8.94E-01
TRAT1	-0.04	8.25E-01	0.03	8.94E-01
VPS26A	0.09	6.67E-01	-0.03	8.94E-01
snoU2-30	-0.17	3.83E-01	-0.03	8.94E-01
AC006160.5	0.10	6.29E-01	0.03	8.95E-01
CFAP157	-0.02	9.18E-01	0.03	8.95E-01
CTD-3010D24.3	0.01	9.67E-01	0.03	8.95E-01
FBL	-0.09	6.51E-01	0.03	8.95E-01
G38112	0.07	7.41E-01	-0.03	8.95E-01
GCNT2	-0.18	3.57E-01	0.03	8.95E-01
HMGA1P5	0.12	5.36E-01	0.03	8.95E-01
HSPE1P3	0.15	4.36E-01	-0.03	8.95E-01
KIAA1715	0.16	4.26E-01	-0.03	8.95E-01
MED28P1	-0.10	6.00E-01	0.03	8.95E-01
MIR597	-0.26	1.85E-01	-0.03	8.95E-01
MKKS	0.14	4.79E-01	0.03	8.95E-01
NAPA-AS1	-0.20	3.17E-01	0.03	8.95E-01
P4HA3	-0.25	1.92E-01	-0.03	8.95E-01
PEX3	0.14	4.65E-01	0.03	8.95E-01
PHACTR2P1	-0.11	5.66E-01	-0.03	8.95E-01
RAB21	0.12	5.50E-01	0.03	8.95E-01
RAB42	-0.20	3.01E-01	0.03	8.95E-01
RNU6-402P	-0.03	8.85E-01	-0.03	8.95E-01
RP11-224O19.5	-0.14	4.78E-01	0.03	8.95E-01
RP11-295M3.2	-0.10	6.20E-01	0.03	8.95E-01
RP11-31F19.1	0.06	7.66E-01	0.03	8.95E-01
RP11-374P20.4	-0.16	4.04E-01	0.03	8.95E-01
RP11-936I5.1	0.14	4.74E-01	0.03	8.95E-01
RPS26P52	0.27	1.67E-01	-0.03	8.95E-01
SASH1	0.14	4.89E-01	0.03	8.95E-01
SLC2A1	0.06	7.54E-01	0.03	8.95E-01
TINAGL1	-0.25	2.07E-01	-0.03	8.95E-01
TMPRSS15	0.03	8.79E-01	0.03	8.95E-01
VPS35	0.02	9.18E-01	0.03	8.95E-01
ZNF20	0.09	6.32E-01	0.03	8.95E-01
CSNK1A1	0.27	1.72E-01	0.03	8.97E-01
DNM1P51	-0.37	5.31E-02	0.03	8.97E-01
EIF1AD	0.25	1.95E-01	0.03	8.97E-01
EMBP1	-0.13	4.96E-01	0.03	8.97E-01
HSPA4	0.17	4.01E-01	0.03	8.97E-01
KRTAP29-1	-0.08	6.87E-01	0.03	8.97E-01
KRTAP5-3	-0.06	7.58E-01	0.03	8.97E-01
LMNB1	0.18	3.71E-01	0.03	8.97E-01
NDUFS3	-0.02	9.26E-01	0.03	8.97E-01

PCDH18	-0.14	4.80E-01	0.03	8.97E-01
PSMD7	0.04	8.56E-01	0.03	8.97E-01
RP11-354E23.3	0.32	9.18E-02	0.03	8.97E-01
RP11-798G7.5	-0.08	6.71E-01	0.03	8.97E-01
SNORD105	0.02	9.23E-01	0.03	8.97E-01
ASIC3	-0.19	3.24E-01	-0.03	8.97E-01
BAG6	0.19	3.40E-01	-0.03	8.97E-01
CHAF1A	-0.16	4.20E-01	-0.03	8.97E-01
DAP3	0.15	4.34E-01	-0.03	8.97E-01
EEF1A1P11	0.19	3.33E-01	-0.03	8.97E-01
GRIK2	-0.11	5.78E-01	-0.03	8.97E-01
MAMSTR	-0.35	6.52E-02	-0.03	8.97E-01
POP4	0.03	8.64E-01	-0.03	8.97E-01
RP11-1055B8.2	0.15	4.44E-01	-0.03	8.97E-01
RP11-466A19.4	-0.29	1.28E-01	-0.03	8.97E-01
RP11-603J24.21	-0.19	3.32E-01	-0.03	8.97E-01
SELT	0.08	6.95E-01	-0.03	8.97E-01
SLC16A6	0.13	4.94E-01	-0.03	8.97E-01
TMEM63A	-0.13	4.96E-01	-0.03	8.97E-01
WTIP	0.22	2.61E-01	-0.03	8.97E-01
ZNF10	0.24	2.25E-01	-0.03	8.97E-01
AC009229.6	-0.32	9.93E-02	-0.03	8.98E-01
AC097721.2	0.05	7.96E-01	-0.03	8.98E-01
CHODL	-0.07	7.14E-01	-0.03	8.98E-01
CTB-133G6.1	-0.01	9.74E-01	-0.03	8.98E-01
FAUP1	0.21	2.83E-01	-0.03	8.98E-01
FBXL17	0.06	7.79E-01	-0.03	8.98E-01
GALNT3	0.02	9.13E-01	-0.03	8.98E-01
HIF1A-AS2	0.26	1.79E-01	-0.03	8.98E-01
LMNB2	0.06	7.81E-01	-0.03	8.98E-01
LRRC37A15P	0.24	2.23E-01	-0.03	8.98E-01
MTND5P11	-0.10	5.96E-01	-0.03	8.98E-01
PLA2G4E-AS1	0.22	2.57E-01	-0.03	8.98E-01
RP11-106M3.3	0.14	4.79E-01	-0.03	8.98E-01
RP11-6J21.2	-0.07	7.38E-01	-0.03	8.98E-01
RP3-406P24.4	-0.21	2.76E-01	-0.03	8.98E-01
SEPT7-AS1	-0.21	2.89E-01	-0.03	8.98E-01
THOP1	0.10	6.01E-01	-0.03	8.98E-01
TMED10	0.04	8.42E-01	-0.03	8.98E-01
TMEM74B	-0.20	3.09E-01	-0.03	8.98E-01
URAHP	-0.12	5.31E-01	-0.03	8.98E-01
ZIC1	-0.03	8.65E-01	-0.03	8.98E-01
ANXA2	0.07	7.16E-01	0.03	8.98E-01
ARRDC4	0.09	6.34E-01	0.03	8.98E-01
CAPN15	0.17	3.85E-01	0.03	8.98E-01
CCDC68	-0.03	8.79E-01	0.03	8.98E-01
CXCL16	0.10	6.23E-01	0.03	8.98E-01

FAM25G	-0.10	6.01E-01	0.03	8.98E-01
G895	0.11	5.92E-01	0.03	8.98E-01
MED12L	0.34	8.05E-02	0.03	8.98E-01
MRPL48	-0.06	7.46E-01	0.03	8.98E-01
MUC19	-0.23	2.40E-01	0.03	8.98E-01
PSAT1	0.32	9.53E-02	0.03	8.98E-01
RP11-968A15.8	0.09	6.59E-01	0.03	8.98E-01
RP11-9H20.2	-0.20	2.96E-01	0.03	8.98E-01
RRP36	0.25	1.94E-01	0.03	8.98E-01
RUVBL1	0.09	6.53E-01	0.03	8.98E-01
SCARNA2	0.10	6.12E-01	0.03	8.98E-01
SLCO1C1	-0.06	7.76E-01	0.03	8.98E-01
ANKRA2	0.12	5.29E-01	0.03	8.99E-01
ARHGAP11A	0.12	5.55E-01	0.03	8.99E-01
BANF1P4	-0.08	6.70E-01	-0.03	8.99E-01
C12orf29	0.13	5.01E-01	-0.03	8.99E-01
CCDC183	-0.29	1.41E-01	0.03	8.99E-01
CXCR2	0.16	4.24E-01	0.03	8.99E-01
DFNB59	-0.03	8.87E-01	-0.03	8.99E-01
ERVW-1	-0.37	5.20E-02	-0.03	8.99E-01
FAM98C	-0.09	6.34E-01	0.03	8.99E-01
FBXL19-AS1	0.32	9.96E-02	0.03	8.99E-01
FLJ42969	0.12	5.44E-01	0.03	8.99E-01
IDO1	0.19	3.24E-01	0.03	8.99E-01
INO80E	-0.05	8.12E-01	0.03	8.99E-01
MIXL1	0.21	2.91E-01	-0.03	8.99E-01
MYL5	0.02	9.31E-01	0.03	8.99E-01
POLR2A	-0.18	3.61E-01	0.03	8.99E-01
POLR2B	0.08	6.85E-01	-0.03	8.99E-01
RNA5SP371	0.21	2.87E-01	0.03	8.99E-01
RNU6-82P	0.25	1.95E-01	-0.03	8.99E-01
RP11-22N12.2	-0.27	1.72E-01	-0.03	8.99E-01
RP11-370I10.12	-0.09	6.42E-01	-0.03	8.99E-01
RP11-474P2.5	-0.32	9.65E-02	-0.03	8.99E-01
RP11-881L2.1	-0.24	2.11E-01	-0.03	8.99E-01
RP3-510H16.3	-0.21	2.80E-01	0.03	8.99E-01
RP4-756H11.3	0.21	2.73E-01	0.03	8.99E-01
SLC25A3	0.13	5.23E-01	-0.03	8.99E-01
SLC38A3	-0.19	3.39E-01	0.03	8.99E-01
THOC7	0.01	9.72E-01	-0.03	8.99E-01
ZNF593	0.29	1.28E-01	-0.03	8.99E-01
AC005104.3	-0.08	6.71E-01	0.03	9.00E-01
AC116035.1	-0.20	3.04E-01	0.03	9.00E-01
ADPRHL1	0.17	3.83E-01	0.03	9.00E-01
AL391416.1	-0.07	7.11E-01	0.03	9.00E-01
CTD-2035E11.3	0.01	9.63E-01	0.03	9.00E-01
CTD-2083E4.6	0.20	3.04E-01	0.03	9.00E-01



DHX33	0.18	3.49E-01	0.03	9.00E-01
EIF3A	0.12	5.31E-01	0.03	9.00E-01
G10272	-0.03	8.92E-01	0.03	9.00E-01
G22953	0.01	9.68E-01	0.03	9.00E-01
GPR82	0.33	8.24E-02	0.03	9.00E-01
HMGB1P37	-0.15	4.56E-01	0.03	9.00E-01
MKRN5P	0.00	9.96E-01	0.03	9.00E-01
NMT2	-0.02	9.08E-01	0.03	9.00E-01
RP11-15M15.2	-0.11	5.82E-01	0.03	9.00E-01
RP11-432F4.2	-0.06	7.43E-01	0.03	9.00E-01
XPO7	0.02	9.20E-01	0.03	9.00E-01
AC002128.5	-0.15	4.39E-01	-0.03	9.00E-01
AC003989.4	0.18	3.57E-01	-0.03	9.00E-01
BCAT2	0.24	2.18E-01	-0.03	9.00E-01
BNIP3P5	0.14	4.81E-01	-0.03	9.00E-01
CLCP2	-0.21	2.83E-01	-0.03	9.00E-01
CTD-3162L10.1	0.19	3.32E-01	-0.03	9.00E-01
DUSP3	0.05	8.16E-01	-0.03	9.00E-01
DVL1	-0.11	5.69E-01	-0.03	9.00E-01
GRM2	-0.10	6.17E-01	-0.03	9.00E-01
KB-318B8.7	-0.14	4.66E-01	-0.03	9.00E-01
NR2C1	-0.10	6.13E-01	-0.03	9.00E-01
OSGEPL1-AS1	-0.15	4.39E-01	-0.03	9.00E-01
POMP	0.00	9.85E-01	-0.03	9.00E-01
PPIE	-0.15	4.36E-01	-0.03	9.00E-01
RN7SL403P	0.00	9.89E-01	-0.03	9.00E-01
RP11-417N10.3	0.27	1.66E-01	-0.03	9.00E-01
RP11-432J24.2	-0.18	3.60E-01	-0.03	9.00E-01
SLC25A30-AS1	-0.12	5.29E-01	-0.03	9.00E-01
TNFSF13B	-0.01	9.51E-01	-0.03	9.00E-01
UQCRFS1P1	0.07	7.17E-01	-0.03	9.00E-01
AC009480.3	-0.01	9.79E-01	0.03	9.01E-01
AC024568.1	0.23	2.37E-01	0.03	9.01E-01
AC104667.3	0.22	2.61E-01	0.03	9.01E-01
ACKR1	-0.09	6.53E-01	0.03	9.01E-01
ADGRL2	0.14	4.89E-01	-0.03	9.01E-01
AP000347.2	-0.08	6.89E-01	0.03	9.01E-01
AP000568.2	-0.31	1.05E-01	0.03	9.01E-01
CATSPER2	0.13	5.03E-01	0.03	9.01E-01
CEACAM21	-0.03	8.98E-01	-0.03	9.01E-01
CH17-335B8.4	-0.14	4.90E-01	0.03	9.01E-01
CTD-3065B20.3	-0.04	8.58E-01	0.03	9.01E-01
HDLBP	-0.04	8.42E-01	-0.03	9.01E-01
ITFG1-AS1	-0.16	4.26E-01	0.03	9.01E-01
MIR644A	-0.19	3.22E-01	0.03	9.01E-01
NDUFB8	0.18	3.69E-01	0.03	9.01E-01
OSTF1	0.18	3.49E-01	0.03	9.01E-01

<b>PDCD2L</b>	0.04	8.57E-01	0.03	9.01E-01
<b>PDIA3</b>	0.06	7.53E-01	-0.03	9.01E-01
<b>PRMT9</b>	-0.14	4.72E-01	0.03	9.01E-01
<b>RNA5SP160</b>	0.16	4.10E-01	0.03	9.01E-01
<b>RP11-130F10.1</b>	0.06	7.63E-01	0.03	9.01E-01
<b>RP11-331F4.4</b>	-0.02	9.35E-01	0.03	9.01E-01
<b>RP11-367H1.1</b>	0.08	7.03E-01	0.03	9.01E-01
<b>RP11-404F10.2</b>	-0.11	5.93E-01	0.03	9.01E-01
<b>RP11-425D17.1</b>	0.27	1.72E-01	-0.03	9.01E-01
<b>RP11-477D19.2</b>	-0.27	1.70E-01	-0.03	9.01E-01
<b>RP11-496H15.2</b>	-0.04	8.23E-01	-0.03	9.01E-01
<b>RP11-666A8.8</b>	0.03	8.88E-01	-0.03	9.01E-01
<b>RPS13</b>	0.15	4.37E-01	-0.03	9.01E-01
<b>RPS2P45</b>	-0.03	8.88E-01	0.03	9.01E-01
<b>SCARNA16</b>	-0.09	6.57E-01	-0.03	9.01E-01
<b>SLC16A11</b>	-0.07	7.16E-01	-0.03	9.01E-01
<b>TRMT10A</b>	-0.07	7.22E-01	-0.03	9.01E-01
<b>UBE2L3</b>	0.08	6.78E-01	0.03	9.01E-01
<b>AC093627.12</b>	0.31	1.05E-01	0.02	9.03E-01
<b>ACSL4</b>	0.09	6.60E-01	-0.02	9.03E-01
<b>ACTR5</b>	-0.10	6.03E-01	0.02	9.03E-01
<b>AP001610.5</b>	0.09	6.55E-01	0.02	9.03E-01
<b>CCDC113</b>	-0.24	2.15E-01	0.02	9.03E-01
<b>CDC123</b>	0.15	4.46E-01	0.02	9.03E-01
<b>CICP16</b>	-0.14	4.65E-01	-0.02	9.03E-01
<b>CTBP1</b>	0.02	9.01E-01	0.02	9.03E-01
<b>DHRS4L1</b>	-0.14	4.86E-01	-0.02	9.03E-01
<b>EXOC5P1</b>	0.13	5.18E-01	-0.02	9.03E-01
<b>FAM101A</b>	-0.05	7.83E-01	0.02	9.03E-01
<b>GXYLT1</b>	-0.26	1.78E-01	-0.02	9.03E-01
<b>HEXDC</b>	-0.13	4.99E-01	-0.02	9.03E-01
<b>HYAL2</b>	0.05	8.18E-01	0.02	9.03E-01
<b>IFT20</b>	-0.30	1.24E-01	0.02	9.03E-01
<b>IMMP1LP1</b>	-0.20	3.05E-01	0.02	9.03E-01
<b>JMJD1C-AS1</b>	-0.07	7.42E-01	-0.02	9.03E-01
<b>KCNE3</b>	-0.01	9.63E-01	-0.02	9.03E-01
<b>MMAB</b>	0.13	5.26E-01	-0.02	9.03E-01
<b>MORF4L1</b>	0.00	9.85E-01	0.02	9.03E-01
<b>NDUFB7</b>	0.10	6.31E-01	0.02	9.03E-01
<b>NDUFS1</b>	0.31	1.10E-01	0.02	9.03E-01
<b>PAN2</b>	-0.15	4.50E-01	0.02	9.03E-01
<b>PAXBP1-AS1</b>	0.28	1.56E-01	0.02	9.03E-01
<b>PTPRD-AS1</b>	0.23	2.40E-01	0.02	9.03E-01
<b>RANBP3L</b>	0.21	2.80E-01	0.02	9.03E-01
<b>RBM4</b>	0.14	4.77E-01	0.02	9.03E-01
<b>RNASE3</b>	0.17	3.83E-01	0.02	9.03E-01
<b>RNU6-1024P</b>	0.00	9.86E-01	0.02	9.03E-01

<b>RP11-100G15.4</b>	-0.04	8.42E-01	0.02	9.03E-01
<b>RP11-228B15.4</b>	-0.13	5.24E-01	-0.02	9.03E-01
<b>RP13-20L14.10</b>	-0.35	7.08E-02	0.02	9.03E-01
<b>RP5-908M14.10</b>	-0.10	6.31E-01	-0.02	9.03E-01
<b>RP5-965G21.4</b>	-0.02	9.20E-01	-0.02	9.03E-01
<b>RPL22</b>	0.06	7.54E-01	-0.02	9.03E-01
<b>RPL36AP48</b>	-0.23	2.30E-01	-0.02	9.03E-01
<b>SNORA9</b>	-0.29	1.41E-01	0.02	9.03E-01
<b>SRP72</b>	0.03	8.80E-01	-0.02	9.03E-01
<b>AC104534.2</b>	-0.19	3.44E-01	-0.02	9.04E-01
<b>AP000925.2</b>	-0.27	1.62E-01	0.02	9.04E-01
<b>AP001172.3</b>	0.08	6.90E-01	0.02	9.04E-01
<b>ARNT2</b>	-0.16	4.12E-01	-0.02	9.04E-01
<b>CETN4P</b>	-0.35	6.50E-02	0.02	9.04E-01
<b>CTB-58E17.1</b>	0.33	8.45E-02	-0.02	9.04E-01
<b>CTD-2588E21.1</b>	0.15	4.39E-01	0.02	9.04E-01
<b>ERICH6B</b>	0.23	2.44E-01	0.02	9.04E-01
<b>GJA1P1</b>	0.33	8.26E-02	0.02	9.04E-01
<b>GPR162</b>	0.00	9.98E-01	-0.02	9.04E-01
<b>HADHAP1</b>	0.06	7.61E-01	0.02	9.04E-01
<b>ICMT</b>	0.02	9.24E-01	-0.02	9.04E-01
<b>IGLV1-50</b>	0.24	2.18E-01	-0.02	9.04E-01
<b>LDHAL6A</b>	-0.24	2.23E-01	0.02	9.04E-01
<b>MIS12</b>	-0.02	9.32E-01	0.02	9.04E-01
<b>MS4A1</b>	0.18	3.71E-01	-0.02	9.04E-01
<b>NACC1</b>	0.23	2.32E-01	0.02	9.04E-01
<b>NBPF13P</b>	-0.24	2.16E-01	0.02	9.04E-01
<b>NLGN2</b>	-0.07	7.14E-01	-0.02	9.04E-01
<b>PA2G4</b>	0.09	6.53E-01	-0.02	9.04E-01
<b>PAQR7</b>	-0.22	2.56E-01	0.02	9.04E-01
<b>PARVA</b>	-0.10	5.97E-01	-0.02	9.04E-01
<b>PCSK6-AS1</b>	0.40	3.73E-02	0.02	9.04E-01
<b>PHTF2</b>	0.27	1.65E-01	-0.02	9.04E-01
<b>PUS10</b>	0.17	3.82E-01	0.02	9.04E-01
<b>RP11-136K14.1</b>	0.06	7.46E-01	0.02	9.04E-01
<b>RP11-363N22.3</b>	0.11	5.62E-01	-0.02	9.04E-01
<b>RP11-493E12.2</b>	0.03	8.69E-01	-0.02	9.04E-01
<b>RP11-599B13.3</b>	0.09	6.41E-01	-0.02	9.04E-01
<b>STARD4-AS1</b>	-0.21	2.92E-01	0.02	9.04E-01
<b>XPNPEP2</b>	-0.26	1.86E-01	-0.02	9.04E-01
<b>AC005519.4</b>	-0.22	2.53E-01	-0.02	9.05E-01
<b>AC009961.2</b>	0.08	6.88E-01	-0.02	9.05E-01
<b>AC016559.1</b>	0.00	9.92E-01	0.02	9.05E-01
<b>AC080125.1</b>	-0.18	3.54E-01	-0.02	9.05E-01
<b>ATAD2</b>	0.01	9.58E-01	-0.02	9.05E-01
<b>CMTM8</b>	0.08	6.76E-01	0.02	9.05E-01
<b>CTC-510F12.7</b>	-0.22	2.65E-01	-0.02	9.05E-01

<b>CTC-523E23.1</b>	-0.13	4.95E-01	0.02	9.05E-01
<b>DCAF13P3</b>	-0.33	9.12E-02	0.02	9.05E-01
<b>DLD</b>	0.23	2.38E-01	-0.02	9.05E-01
<b>ENPP7P8</b>	0.00	9.86E-01	0.02	9.05E-01
<b>EVA1A</b>	-0.27	1.70E-01	0.02	9.05E-01
<b>G26738</b>	0.17	3.86E-01	-0.02	9.05E-01
<b>GPS2</b>	-0.29	1.31E-01	0.02	9.05E-01
<b>GRIK5</b>	0.28	1.55E-01	-0.02	9.05E-01
<b>HIST1H2AJ</b>	0.06	7.43E-01	-0.02	9.05E-01
<b>HTR5BP</b>	-0.32	9.74E-02	0.02	9.05E-01
<b>IFIT1P1</b>	-0.08	6.92E-01	0.02	9.05E-01
<b>ITGA1</b>	0.13	5.11E-01	0.02	9.05E-01
<b>KLF6</b>	-0.40	3.29E-02	0.02	9.05E-01
<b>LSM4</b>	0.14	4.83E-01	-0.02	9.05E-01
<b>OTUD4P1</b>	0.35	7.15E-02	-0.02	9.05E-01
<b>OVOL1-AS1</b>	-0.27	1.61E-01	-0.02	9.05E-01
<b>PITPNA-AS1</b>	0.00	9.83E-01	0.02	9.05E-01
<b>PTBP3</b>	0.16	4.22E-01	-0.02	9.05E-01
<b>RP11-114G22.1</b>	-0.18	3.57E-01	-0.02	9.05E-01
<b>RP11-275I4.1</b>	-0.03	8.95E-01	0.02	9.05E-01
<b>RP11-407G23.2</b>	0.01	9.71E-01	-0.02	9.05E-01
<b>RP11-585P4.6</b>	0.21	2.89E-01	-0.02	9.05E-01
<b>RP11-818O24.2</b>	-0.10	6.31E-01	-0.02	9.05E-01
<b>RP11-855A2.2</b>	-0.28	1.51E-01	0.02	9.05E-01
<b>RP4-714D9.2</b>	-0.10	6.31E-01	0.02	9.05E-01
<b>RP5-1028L10.2</b>	-0.17	3.83E-01	0.02	9.05E-01
<b>RPL12P15</b>	-0.11	5.78E-01	-0.02	9.05E-01
<b>SNRPF</b>	0.02	9.03E-01	-0.02	9.05E-01
<b>SNRPGP6</b>	-0.01	9.55E-01	-0.02	9.05E-01
<b>SOWAHD</b>	0.17	3.88E-01	-0.02	9.05E-01
<b>STX16-NPEPL1</b>	0.05	7.91E-01	-0.02	9.05E-01
<b>TBC1D23</b>	-0.02	9.26E-01	-0.02	9.05E-01
<b>VTA1P1</b>	-0.41	3.15E-02	0.02	9.05E-01
<b>WASH1</b>	-0.31	1.14E-01	0.02	9.05E-01
<b>ZBTB33</b>	-0.06	7.78E-01	-0.02	9.05E-01
<b>ZC2HC1C</b>	0.06	7.51E-01	-0.02	9.05E-01
<b>ZNF484</b>	0.06	7.44E-01	0.02	9.05E-01
<b>AC009970.1</b>	0.20	3.10E-01	-0.02	9.06E-01
<b>AC074366.3</b>	0.05	7.99E-01	-0.02	9.06E-01
<b>ACTBL2</b>	-0.02	9.29E-01	-0.02	9.06E-01
<b>BPTF</b>	-0.05	8.19E-01	0.02	9.06E-01
<b>COL14A1</b>	-0.23	2.34E-01	0.02	9.06E-01
<b>CTD-2555A7.3</b>	0.02	9.20E-01	-0.02	9.06E-01
<b>FAM169A</b>	0.19	3.36E-01	-0.02	9.06E-01
<b>FERP1</b>	-0.04	8.39E-01	0.02	9.06E-01
<b>G18534</b>	-0.43	2.30E-02	-0.02	9.06E-01
<b>G38528</b>	-0.05	8.12E-01	-0.02	9.06E-01

G39254	0.12	5.42E-01	-0.02	9.06E-01
HOXC-AS1	-0.18	3.54E-01	0.02	9.06E-01
IGFL1P1	-0.22	2.52E-01	-0.02	9.06E-01
LA16c-385E7.1	-0.22	2.66E-01	-0.02	9.06E-01
MTND2P28	0.22	2.71E-01	0.02	9.06E-01
MYOCD	0.12	5.57E-01	0.02	9.06E-01
NELFCD	0.25	2.02E-01	0.02	9.06E-01
POLL	0.16	4.27E-01	0.02	9.06E-01
PPP3CB	-0.06	7.77E-01	-0.02	9.06E-01
RP11-204M4.2	-0.20	3.16E-01	0.02	9.06E-01
RP11-242O24.3	0.20	2.98E-01	0.02	9.06E-01
RP11-286H14.4	0.23	2.41E-01	-0.02	9.06E-01
RP11-319G6.3	-0.31	1.10E-01	-0.02	9.06E-01
RP11-635L1.2	-0.02	9.16E-01	0.02	9.06E-01
RPL23	0.14	4.64E-01	-0.02	9.06E-01
RPS7P11	-0.02	9.31E-01	-0.02	9.06E-01
SAP30	-0.05	7.93E-01	0.02	9.06E-01
SATB2-AS1	0.13	5.09E-01	-0.02	9.06E-01
SETD1A	-0.28	1.51E-01	0.02	9.06E-01
SUCLG2P2	-0.01	9.63E-01	0.02	9.06E-01
TIGD4	0.01	9.60E-01	-0.02	9.06E-01
TMEM175	-0.05	8.13E-01	0.02	9.06E-01
UBE2V2	0.21	2.91E-01	-0.02	9.06E-01
ZMYND19	-0.24	2.10E-01	0.02	9.06E-01
snoR442	-0.20	3.15E-01	0.02	9.06E-01
ADAMTSL4-AS1	-0.20	3.17E-01	-0.02	9.07E-01
BTNL9	-0.30	1.18E-01	-0.02	9.07E-01
C12orf4	0.07	7.15E-01	-0.02	9.07E-01
C19orf24	-0.02	9.00E-01	-0.02	9.07E-01
CELA2B	-0.01	9.55E-01	0.02	9.07E-01
CTD-2162K18.4	-0.12	5.56E-01	0.02	9.07E-01
CTU1	0.05	7.86E-01	-0.02	9.07E-01
CUL2	0.10	6.29E-01	0.02	9.07E-01
FAM214B	0.19	3.30E-01	0.02	9.07E-01
FAM66D	-0.08	6.87E-01	-0.02	9.07E-01
FOXF1	0.04	8.38E-01	-0.02	9.07E-01
G28331	-0.22	2.62E-01	-0.02	9.07E-01
HBEGF	0.16	4.08E-01	-0.02	9.07E-01
HIST1H3F	0.04	8.22E-01	0.02	9.07E-01
HLTF	0.16	4.19E-01	0.02	9.07E-01
HMG1P10	0.11	5.73E-01	-0.02	9.07E-01
KBTBD3	-0.15	4.44E-01	-0.02	9.07E-01
NENFP1	-0.31	1.05E-01	0.02	9.07E-01
PSMD11	0.05	7.83E-01	-0.02	9.07E-01
RHOC	-0.25	1.93E-01	-0.02	9.07E-01
RP11-365O16.6	0.18	3.60E-01	0.02	9.07E-01
RP11-390F4.3	0.11	5.80E-01	-0.02	9.07E-01

RP11-401P9.6	-0.26	1.75E-01	0.02	9.07E-01
RP11-409I10.2	-0.21	2.80E-01	-0.02	9.07E-01
RPS3	0.23	2.33E-01	-0.02	9.07E-01
SEC61A2	-0.01	9.79E-01	0.02	9.07E-01
SLU7	-0.11	5.76E-01	-0.02	9.07E-01
SPAG8	-0.03	8.62E-01	-0.02	9.07E-01
TMEM229B	-0.02	9.25E-01	0.02	9.07E-01
TRAPPC12-AS1	0.00	9.85E-01	0.02	9.07E-01
TULP2	-0.03	8.74E-01	-0.02	9.07E-01
UPK1B	-0.18	3.66E-01	-0.02	9.07E-01
USP10	0.33	8.53E-02	0.02	9.07E-01
XX-C2158C6.3	0.07	7.21E-01	-0.02	9.07E-01
ZSWIM3	0.21	2.93E-01	-0.02	9.07E-01
C11orf70	-0.02	9.00E-01	-0.02	9.09E-01
C19orf33	0.05	7.86E-01	-0.02	9.09E-01
C2CD2L	-0.23	2.48E-01	-0.02	9.09E-01
EIF3K	0.24	2.25E-01	-0.02	9.09E-01
FAM25C	0.00	9.93E-01	-0.02	9.09E-01
HIST1H2AH	-0.04	8.27E-01	-0.02	9.09E-01
MIR181A1HG	0.15	4.44E-01	-0.02	9.09E-01
MROH8	-0.03	8.88E-01	-0.02	9.09E-01
RP11-25K19.1	0.45	1.68E-02	-0.02	9.09E-01
RP11-294N21.3	0.19	3.22E-01	-0.02	9.09E-01
RP11-301G23.1	-0.09	6.32E-01	-0.02	9.09E-01
RP11-332H14.2	0.13	5.05E-01	-0.02	9.09E-01
SMARCE1P6	-0.07	7.09E-01	-0.02	9.09E-01
SOD1	0.00	9.92E-01	-0.02	9.09E-01
SPPL2B	0.00	9.94E-01	-0.02	9.09E-01
TRAPPC9	-0.15	4.61E-01	-0.02	9.09E-01
ZNF192P1	0.08	6.95E-01	-0.02	9.09E-01
ABCD4	-0.07	7.17E-01	0.02	9.09E-01
B3GALT5-AS1	-0.11	5.62E-01	0.02	9.09E-01
CCT6B	0.32	9.42E-02	0.02	9.09E-01
COL5A1	-0.11	5.76E-01	0.02	9.09E-01
G32186	-0.36	6.09E-02	0.02	9.09E-01
GNL1	0.32	9.45E-02	0.02	9.09E-01
GOT2P2	0.11	5.79E-01	0.02	9.09E-01
HEMGN	0.20	3.18E-01	0.02	9.09E-01
HIST1H4D	-0.14	4.69E-01	0.02	9.09E-01
IDH3B	0.05	8.10E-01	0.02	9.09E-01
ISPD-AS1	0.12	5.43E-01	0.02	9.09E-01
KCNA3	-0.12	5.48E-01	0.02	9.09E-01
NDUFC2	0.07	7.31E-01	0.02	9.09E-01
PPARG	0.01	9.55E-01	0.02	9.09E-01
RBM38	0.20	3.14E-01	0.02	9.09E-01
RP11-253M7.4	-0.08	7.01E-01	0.02	9.09E-01
RP11-809C18.3	-0.09	6.62E-01	0.02	9.09E-01

SKIV2L2	0.11	5.82E-01	0.02	9.09E-01
SLC16A8	-0.23	2.31E-01	0.02	9.09E-01
WDR1	0.25	2.04E-01	0.02	9.09E-01
AC005082.1	-0.22	2.65E-01	-0.02	9.10E-01
AC007919.19	0.00	9.87E-01	-0.02	9.10E-01
AL136531.1	0.34	7.82E-02	0.02	9.10E-01
AP5M1	0.13	5.13E-01	0.02	9.10E-01
BZW1	0.20	3.01E-01	0.02	9.10E-01
C19orf43	0.12	5.42E-01	0.02	9.10E-01
CES3	0.24	2.20E-01	0.02	9.10E-01
CKLF	0.06	7.73E-01	-0.02	9.10E-01
CTC-268N12.3	-0.10	6.16E-01	-0.02	9.10E-01
CTC-484P3.3	0.06	7.45E-01	0.02	9.10E-01
CTD-3020H12.4	-0.24	2.10E-01	0.02	9.10E-01
CTD-3126B10.5	-0.24	2.27E-01	0.02	9.10E-01
DNAL1	0.02	9.23E-01	0.02	9.10E-01
GID4	0.07	7.13E-01	-0.02	9.10E-01
GRHL3	0.24	2.20E-01	0.02	9.10E-01
HACD3	-0.21	2.95E-01	0.02	9.10E-01
LLPH-AS1	-0.23	2.29E-01	-0.02	9.10E-01
MAB21L2	-0.17	3.93E-01	0.02	9.10E-01
ME1	0.17	3.85E-01	-0.02	9.10E-01
NT5DC2	0.02	9.27E-01	0.02	9.10E-01
POLE3	0.14	4.75E-01	-0.02	9.10E-01
PPA2	0.13	5.12E-01	0.02	9.10E-01
RNA5SP496	0.17	3.82E-01	-0.02	9.10E-01
RP11-1012A1.7	-0.10	6.02E-01	0.02	9.10E-01
RP11-274B21.12	0.11	5.78E-01	-0.02	9.10E-01
RP11-809N8.4	0.23	2.47E-01	-0.02	9.10E-01
SARNP	0.01	9.69E-01	0.02	9.10E-01
SNORD115	-0.20	3.02E-01	0.02	9.10E-01
STARD13-AS	-0.05	7.95E-01	0.02	9.10E-01
STIP1	0.12	5.59E-01	-0.02	9.10E-01
TACR1	-0.15	4.55E-01	0.02	9.10E-01
TRAJ31	-0.07	7.19E-01	0.02	9.10E-01
XLOC_012803	0.01	9.64E-01	-0.02	9.10E-01
XLOC_013531	-0.13	5.07E-01	0.02	9.10E-01
ZFHX3	0.09	6.66E-01	-0.02	9.10E-01
ZNF708	0.18	3.50E-01	-0.02	9.10E-01
AL161645.1	-0.17	4.00E-01	0.02	9.11E-01
BAALC	-0.08	6.87E-01	0.02	9.11E-01
BEND3P1	0.01	9.66E-01	-0.02	9.11E-01
C5orf58	0.13	5.19E-01	-0.02	9.11E-01
CASP16P	0.14	4.63E-01	-0.02	9.11E-01
CFL1P1	-0.14	4.81E-01	0.02	9.11E-01
DCUN1D2-AS	0.06	7.68E-01	-0.02	9.11E-01
FZD1	0.07	7.32E-01	0.02	9.11E-01

G33562	0.22	2.51E-01	-0.02	9.11E-01
HEATR1	0.11	5.74E-01	-0.02	9.11E-01
HOXA2	-0.30	1.27E-01	0.02	9.11E-01
IGLV3-19	0.28	1.55E-01	-0.02	9.11E-01
INTS5	0.36	6.15E-02	-0.02	9.11E-01
ITFG2	-0.18	3.52E-01	-0.02	9.11E-01
LAMP5	-0.10	6.23E-01	0.02	9.11E-01
MMP23B	-0.47	1.17E-02	-0.02	9.11E-01
MTCO2P15	0.01	9.68E-01	-0.02	9.11E-01
NUP50	0.12	5.31E-01	0.02	9.11E-01
PDLIM2	-0.20	3.02E-01	-0.02	9.11E-01
PHGDH	0.14	4.66E-01	0.02	9.11E-01
PIGBOS1	0.33	8.56E-02	0.02	9.11E-01
POLR2I	0.05	7.92E-01	0.02	9.11E-01
POLR3K	0.13	5.09E-01	0.02	9.11E-01
RNU6-720P	-0.09	6.60E-01	-0.02	9.11E-01
RP11-330O11.3	0.25	1.92E-01	0.02	9.11E-01
RP11-401F2.3	-0.14	4.86E-01	-0.02	9.11E-01
RP11-480I12.9	-0.14	4.83E-01	-0.02	9.11E-01
RP11-486B10.4	-0.24	2.19E-01	0.02	9.11E-01
RP11-795J1.2	-0.06	7.72E-01	0.02	9.11E-01
RPS2	0.13	5.23E-01	0.02	9.11E-01
SCGB2A2	-0.17	3.89E-01	-0.02	9.11E-01
SFT2D1	0.15	4.39E-01	0.02	9.11E-01
SIPA1L3	0.24	2.19E-01	-0.02	9.11E-01
TBCCD1	-0.05	7.96E-01	0.02	9.11E-01
USP33	0.09	6.49E-01	-0.02	9.11E-01
XLOC_007934	-0.06	7.46E-01	-0.02	9.11E-01
AC090420.1	0.12	5.57E-01	0.02	9.12E-01
ATP1B2	-0.04	8.40E-01	0.02	9.12E-01
CNTRL	0.04	8.45E-01	0.02	9.12E-01
DNAH100S	-0.32	9.27E-02	0.02	9.12E-01
HLA-DQA1	-0.07	7.05E-01	0.02	9.12E-01
KRT18	-0.02	9.05E-01	0.02	9.12E-01
LRRRC75A-AS1	0.10	6.28E-01	0.02	9.12E-01
NPM1P39	-0.07	7.09E-01	0.02	9.12E-01
PSMB2	0.14	4.63E-01	0.02	9.12E-01
RP11-574K11.24	-0.21	2.73E-01	0.02	9.12E-01
RP11-68I18.10	0.24	2.28E-01	0.02	9.12E-01
SNORA13	-0.07	7.37E-01	0.02	9.12E-01
ZNF423	-0.37	5.03E-02	0.02	9.12E-01
AC096732.2	0.03	8.64E-01	-0.02	9.12E-01
AFM	-0.17	3.76E-01	-0.02	9.12E-01
ATP9B	-0.10	6.15E-01	-0.02	9.12E-01
CD200	-0.22	2.71E-01	-0.02	9.12E-01
CTA-331F8.1	0.08	6.68E-01	-0.02	9.12E-01
DYX1C1	0.09	6.45E-01	-0.02	9.12E-01



E2F3-IT1	0.28	1.56E-01	-0.02	9.12E-01
INTS6	0.17	3.96E-01	-0.02	9.12E-01
LINC00885	0.09	6.37E-01	-0.02	9.12E-01
LZTS1	0.10	6.00E-01	-0.02	9.12E-01
MIR4729	0.33	8.81E-02	-0.02	9.12E-01
PINK1-AS	0.24	2.17E-01	-0.02	9.12E-01
PRDX3	0.10	6.02E-01	-0.02	9.12E-01
RP11-588L15.2	0.18	3.65E-01	-0.02	9.12E-01
RP11-7F18.2	0.05	8.13E-01	-0.02	9.12E-01
RP5-1139B12.3	-0.05	8.05E-01	-0.02	9.12E-01
SPTY2D1	0.29	1.32E-01	-0.02	9.12E-01
SSBP1	0.13	5.16E-01	-0.02	9.12E-01
UPF3BP4	-0.22	2.57E-01	-0.02	9.12E-01
XLOC_007830	0.03	8.81E-01	-0.02	9.12E-01
AC104058.1	-0.28	1.44E-01	0.02	9.13E-01
AL591668.1	-0.03	8.65E-01	-0.02	9.13E-01
AP000350.6	-0.10	6.17E-01	0.02	9.13E-01
ARAP1-AS2	-0.18	3.63E-01	-0.02	9.13E-01
ATF4	0.02	9.28E-01	-0.02	9.13E-01
CEP70	0.25	1.96E-01	0.02	9.13E-01
CH17-174L20.1	0.05	7.98E-01	-0.02	9.13E-01
CRLF1	-0.01	9.59E-01	0.02	9.13E-01
CTD-2195B23.3	0.02	9.11E-01	0.02	9.13E-01
CTD-2528L19.6	-0.05	7.95E-01	-0.02	9.13E-01
CTD-2530H12.2	0.02	9.01E-01	-0.02	9.13E-01
CTD-3064M3.3	0.07	7.20E-01	-0.02	9.13E-01
FBN3	-0.05	8.09E-01	-0.02	9.13E-01
G13690	0.12	5.31E-01	-0.02	9.13E-01
G23048	0.12	5.44E-01	0.02	9.13E-01
G25498	0.08	6.99E-01	0.02	9.13E-01
G4573	-0.13	5.07E-01	-0.02	9.13E-01
GLCE	0.03	8.78E-01	-0.02	9.13E-01
GOLGA8R	0.07	7.28E-01	-0.02	9.13E-01
HNRNPA3	-0.05	7.98E-01	-0.02	9.13E-01
IMPDH1P11	-0.10	5.98E-01	0.02	9.13E-01
LINC01572	-0.13	5.10E-01	-0.02	9.13E-01
LLNLR-245B6.1	0.03	8.99E-01	-0.02	9.13E-01
MILR1	-0.31	1.12E-01	0.02	9.13E-01
MSC-AS1	-0.28	1.51E-01	-0.02	9.13E-01
MTND5P14	0.13	4.98E-01	-0.02	9.13E-01
NOL7	-0.14	4.64E-01	-0.02	9.13E-01
POMZP3	-0.22	2.55E-01	0.02	9.13E-01
RNASEH1-AS1	0.15	4.39E-01	0.02	9.13E-01
RNU4-40P	-0.13	5.05E-01	0.02	9.13E-01
RP1-15D23.2	-0.12	5.51E-01	0.02	9.13E-01
RP11-390P24.1	-0.26	1.85E-01	-0.02	9.13E-01
RP11-400F19.18	0.15	4.51E-01	0.02	9.13E-01

RP11-73E17.2	0.06	7.60E-01	0.02	9.13E-01
SLC6A6	-0.05	8.03E-01	0.02	9.13E-01
SLIRP	0.08	6.77E-01	0.02	9.13E-01
SMC2	0.05	8.10E-01	-0.02	9.13E-01
SNORD63	-0.10	6.17E-01	-0.02	9.13E-01
ST3GAL5-AS1	-0.22	2.68E-01	-0.02	9.13E-01
WDR76	-0.09	6.65E-01	-0.02	9.13E-01
XLOC_000566	-0.09	6.36E-01	-0.02	9.13E-01
AC018463.4	-0.06	7.47E-01	0.02	9.15E-01
AC023632.1	0.01	9.63E-01	-0.02	9.15E-01
ACYP1	-0.05	8.08E-01	0.02	9.15E-01
AL590822.1	-0.28	1.56E-01	0.02	9.15E-01
APLP1	0.01	9.71E-01	0.02	9.15E-01
BTF3P6	0.17	3.75E-01	-0.02	9.15E-01
CCDC152	-0.27	1.61E-01	0.02	9.15E-01
CHMP3	0.01	9.79E-01	-0.02	9.15E-01
FAM180B	-0.09	6.48E-01	-0.02	9.15E-01
HLA-DQB1	-0.01	9.59E-01	0.02	9.15E-01
LILRA2	0.12	5.30E-01	-0.02	9.15E-01
LINC00898	0.01	9.46E-01	0.02	9.15E-01
METAP2	0.14	4.76E-01	-0.02	9.15E-01
MKRN2	0.10	6.29E-01	-0.02	9.15E-01
NOP56	0.11	5.91E-01	-0.02	9.15E-01
PPP1R16A	-0.07	7.11E-01	-0.02	9.15E-01
RAD51C	-0.08	7.04E-01	-0.02	9.15E-01
RBM15	0.25	1.97E-01	-0.02	9.15E-01
RNASEH2B-AS1	-0.12	5.36E-01	-0.02	9.15E-01
RP11-103J8.1	-0.11	5.67E-01	0.02	9.15E-01
RP11-1102P22.3	-0.01	9.55E-01	0.02	9.15E-01
RP11-231E19.1	0.08	7.03E-01	-0.02	9.15E-01
RP11-259G18.3	0.05	7.91E-01	0.02	9.15E-01
RP11-504P24.9	-0.10	6.12E-01	-0.02	9.15E-01
RP11-573D15.8	0.24	2.27E-01	0.02	9.15E-01
RP11-881M11.2	0.06	7.81E-01	0.02	9.15E-01
RP5-965G21.5	0.10	6.13E-01	0.02	9.15E-01
YBX1P2	0.15	4.54E-01	-0.02	9.15E-01
APH1A	0.16	4.24E-01	0.02	9.16E-01
CRHR2	0.20	3.15E-01	0.02	9.16E-01
CYP4Z2P	0.27	1.63E-01	0.02	9.16E-01
EEF1DP7	-0.18	3.72E-01	0.02	9.16E-01
FRMPD3	0.17	3.79E-01	0.02	9.16E-01
IPO7P2	0.13	5.19E-01	0.02	9.16E-01
MIR3680-1	0.23	2.35E-01	0.02	9.16E-01
MIR4653	-0.09	6.33E-01	0.02	9.16E-01
PKD1	-0.07	7.05E-01	0.02	9.16E-01
PPP4R3B	-0.02	9.00E-01	0.02	9.16E-01
RP11-3J10.7	0.12	5.29E-01	0.02	9.16E-01

RP11-510M2.2	-0.04	8.44E-01	0.02	9.16E-01
RP4-585I14.3	0.12	5.30E-01	0.02	9.16E-01
THSD1	0.36	6.05E-02	0.02	9.16E-01
WDR93	-0.04	8.55E-01	0.02	9.16E-01
ADCY10	0.15	4.40E-01	-0.02	9.16E-01
ANKRD9	0.12	5.57E-01	-0.02	9.16E-01
C1orf162	0.10	6.06E-01	-0.02	9.16E-01
CERS6-AS1	-0.27	1.63E-01	-0.02	9.16E-01
FKSG61	-0.33	8.40E-02	-0.02	9.16E-01
G16199	0.19	3.29E-01	-0.02	9.16E-01
HSPBP1	0.07	7.18E-01	-0.02	9.16E-01
MIR9-3HG	0.01	9.44E-01	-0.02	9.16E-01
PACRG	0.20	2.99E-01	-0.02	9.16E-01
PLCXD2	0.23	2.35E-01	-0.02	9.16E-01
RN7SKP38	0.17	3.75E-01	-0.02	9.16E-01
RP1-111C20.4	-0.01	9.67E-01	-0.02	9.16E-01
RP11-1148O4.2	-0.34	7.64E-02	-0.02	9.16E-01
RP11-440L14.1	0.10	6.05E-01	-0.02	9.16E-01
RP11-499P20.2	-0.06	7.48E-01	-0.02	9.16E-01
RP11-701H24.8	-0.23	2.44E-01	-0.02	9.16E-01
RP5-875H18.10	-0.20	3.01E-01	-0.02	9.16E-01
SLC25A40	0.05	7.99E-01	-0.02	9.16E-01
SLC9A9	0.03	8.86E-01	-0.02	9.16E-01
SNORA36	0.02	9.22E-01	-0.02	9.16E-01
SSRP1	0.07	7.41E-01	-0.02	9.16E-01
TDRP	-0.28	1.42E-01	-0.02	9.16E-01
UBA5	0.09	6.48E-01	-0.02	9.16E-01
VPS45	0.11	5.66E-01	-0.02	9.16E-01
WSB1	-0.01	9.61E-01	-0.02	9.16E-01
ZC3H14	-0.06	7.65E-01	-0.02	9.16E-01
AC006994.1	-0.25	1.94E-01	0.02	9.17E-01
AC139100.3	0.03	8.97E-01	-0.02	9.17E-01
ANKRD55	0.06	7.64E-01	-0.02	9.17E-01
ARCN1	0.15	4.50E-01	0.02	9.17E-01
B4GALT5	0.00	9.87E-01	-0.02	9.17E-01
BACH1-IT1	-0.06	7.73E-01	0.02	9.17E-01
C1orf123	0.24	2.27E-01	-0.02	9.17E-01
CBX3P4	-0.08	6.87E-01	-0.02	9.17E-01
CYP4V2	0.21	2.83E-01	-0.02	9.17E-01
FARS2	-0.02	9.04E-01	-0.02	9.17E-01
G25250	0.07	7.35E-01	0.02	9.17E-01
G38698	-0.05	8.11E-01	0.02	9.17E-01
G39812	-0.06	7.59E-01	0.02	9.17E-01
PFDN2	0.01	9.76E-01	0.02	9.17E-01
PGPEP1L	0.08	6.94E-01	-0.02	9.17E-01
PHRF1	0.10	6.12E-01	0.02	9.17E-01
PLEKHM1P	-0.17	3.79E-01	0.02	9.17E-01

<b>POGLUT1</b>	0.45	1.65E-02	-0.02	9.17E-01
<b>PTGIR</b>	0.35	6.87E-02	0.02	9.17E-01
<b>PTP4A2</b>	0.15	4.54E-01	-0.02	9.17E-01
<b>RBM26-AS1</b>	0.19	3.20E-01	0.02	9.17E-01
<b>RECQL</b>	-0.19	3.36E-01	-0.02	9.17E-01
<b>RIPPLY3</b>	0.14	4.68E-01	-0.02	9.17E-01
<b>RN7SL338P</b>	0.07	7.42E-01	0.02	9.17E-01
<b>RNU6-1136P</b>	-0.47	1.19E-02	-0.02	9.17E-01
<b>RP1-199J3.7</b>	-0.20	3.07E-01	0.02	9.17E-01
<b>RP11-180P8.1</b>	-0.04	8.38E-01	0.02	9.17E-01
<b>RP11-346D19.1</b>	0.15	4.59E-01	0.02	9.17E-01
<b>RP11-439L18.2</b>	-0.14	4.93E-01	-0.02	9.17E-01
<b>RP11-691N7.6</b>	0.00	9.88E-01	-0.02	9.17E-01
<b>RP11-711M9.2</b>	-0.04	8.43E-01	0.02	9.17E-01
<b>RP11-712B9.6</b>	-0.16	4.28E-01	0.02	9.17E-01
<b>RP11-96C23.9</b>	0.05	7.85E-01	0.02	9.17E-01
<b>SNORD93</b>	0.11	5.77E-01	0.02	9.17E-01
<b>TCF20</b>	-0.02	9.20E-01	0.02	9.17E-01
<b>U2AF1</b>	-0.29	1.32E-01	-0.02	9.17E-01
<b>VASP</b>	0.09	6.44E-01	-0.02	9.17E-01
<b>ABCB1</b>	-0.03	8.95E-01	0.02	9.18E-01
<b>AFAP1L1</b>	0.05	8.05E-01	-0.02	9.18E-01
<b>C4B</b>	-0.29	1.32E-01	0.02	9.18E-01
<b>CDK4</b>	-0.02	9.37E-01	-0.02	9.18E-01
<b>CTC-499B15.6</b>	-0.23	2.32E-01	-0.02	9.18E-01
<b>CTC-523E23.4</b>	0.02	9.08E-01	-0.02	9.18E-01
<b>CTC-559E9.1</b>	0.01	9.50E-01	-0.02	9.18E-01
<b>CTD-3088G3.6</b>	-0.19	3.31E-01	0.02	9.18E-01
<b>EAF2</b>	-0.09	6.57E-01	-0.02	9.18E-01
<b>FZD9</b>	-0.02	9.25E-01	0.02	9.18E-01
<b>G1159</b>	0.10	6.17E-01	-0.02	9.18E-01
<b>GPR157</b>	0.06	7.58E-01	0.02	9.18E-01
<b>IDI2</b>	0.00	9.88E-01	-0.02	9.18E-01
<b>KIAA1191</b>	0.22	2.68E-01	0.02	9.18E-01
<b>MMAA</b>	0.26	1.88E-01	-0.02	9.18E-01
<b>MT-ND4</b>	0.33	8.90E-02	0.02	9.18E-01
<b>P4HA1</b>	-0.05	7.83E-01	-0.02	9.18E-01
<b>PABPN1L</b>	-0.06	7.73E-01	-0.02	9.18E-01
<b>PSMA7</b>	0.07	7.14E-01	0.02	9.18E-01
<b>RP11-161H23.9</b>	0.08	6.98E-01	-0.02	9.18E-01
<b>RP11-174O3.3</b>	-0.39	3.82E-02	-0.02	9.18E-01
<b>RP11-178C3.2</b>	0.11	5.71E-01	0.02	9.18E-01
<b>RP11-621K7.1</b>	0.19	3.21E-01	-0.02	9.18E-01
<b>RPL5P24</b>	0.08	6.74E-01	-0.02	9.18E-01
<b>SRGAP3</b>	0.19	3.21E-01	0.02	9.18E-01
<b>TERF1</b>	-0.17	3.98E-01	0.02	9.18E-01
<b>TMOD1</b>	-0.35	6.77E-02	0.02	9.18E-01

TOR1AIP2	0.12	5.56E-01	0.02	9.18E-01
TSG101	0.11	5.93E-01	-0.02	9.18E-01
TTBK1	-0.17	3.82E-01	-0.02	9.18E-01
USP6	-0.08	7.02E-01	0.02	9.18E-01
XLOC_003839	-0.15	4.54E-01	0.02	9.18E-01
ZBED4	0.00	9.85E-01	0.02	9.18E-01
ZNF547	0.09	6.34E-01	-0.02	9.18E-01
AKR7A2P1	0.01	9.60E-01	0.02	9.19E-01
AVEN	0.01	9.78E-01	0.02	9.19E-01
BCL2L13	-0.11	5.87E-01	0.02	9.19E-01
CARD8-AS1	0.42	2.50E-02	0.02	9.19E-01
FLJ38576	0.06	7.51E-01	0.02	9.19E-01
G12993	0.01	9.77E-01	0.02	9.19E-01
G43621	0.22	2.70E-01	0.02	9.19E-01
HOXA4	-0.21	2.81E-01	0.02	9.19E-01
KRTAP19-3	-0.13	5.00E-01	0.02	9.19E-01
MIR99AHG	0.04	8.23E-01	0.02	9.19E-01
NDUFV1	0.08	6.69E-01	0.02	9.19E-01
PSMC1	0.02	9.01E-01	0.02	9.19E-01
RP11-318E3.9	0.02	9.08E-01	0.02	9.19E-01
RP11-438D8.2	0.01	9.77E-01	0.02	9.19E-01
RP11-552F3.4	-0.22	2.56E-01	0.02	9.19E-01
RP11-727F15.12	0.19	3.22E-01	0.02	9.19E-01
RPL26P30	-0.21	2.76E-01	0.02	9.19E-01
SLC16A1	0.24	2.13E-01	0.02	9.19E-01
TPTEP1	0.01	9.71E-01	0.02	9.19E-01
CHCHD4P4	-0.28	1.55E-01	-0.02	9.19E-01
CLECL1	-0.05	7.95E-01	-0.02	9.19E-01
CMB9-94B1.2	0.31	1.07E-01	-0.02	9.19E-01
COX16	0.01	9.64E-01	-0.02	9.19E-01
ITIH6	0.14	4.68E-01	-0.02	9.19E-01
LRRK2	0.23	2.32E-01	-0.02	9.19E-01
MARK3P1	-0.18	3.48E-01	-0.02	9.19E-01
MFAP5	-0.14	4.84E-01	-0.02	9.19E-01
MTCO3P11	-0.02	9.17E-01	-0.02	9.19E-01
NCAPG2	-0.15	4.37E-01	-0.02	9.19E-01
NPAS3	-0.24	2.18E-01	-0.02	9.19E-01
PRIM2	-0.23	2.33E-01	-0.02	9.19E-01
RNU6-523P	-0.29	1.37E-01	-0.02	9.19E-01
RP11-177N22.2	-0.23	2.49E-01	-0.02	9.19E-01
RP13-631K18.3	-0.01	9.74E-01	-0.02	9.19E-01
RP5-1057I20.5	-0.08	6.94E-01	-0.02	9.19E-01
XLOC_000697	-0.30	1.15E-01	-0.02	9.19E-01
ZSCAN12	0.32	9.93E-02	-0.02	9.19E-01
APC2	0.10	6.05E-01	-0.02	9.21E-01
CD164	0.18	3.46E-01	-0.02	9.21E-01
CROCCP2	0.00	9.85E-01	-0.02	9.21E-01

CTD-2384B11.2	-0.08	6.93E-01	0.02	9.21E-01
CTD-2542L18.1	-0.07	7.39E-01	-0.02	9.21E-01
CTD-3037G24.4	0.17	3.83E-01	-0.02	9.21E-01
CXCL5	0.04	8.53E-01	-0.02	9.21E-01
DHFR	-0.01	9.48E-01	-0.02	9.21E-01
DNAJC11	0.14	4.86E-01	0.02	9.21E-01
DNM1	-0.36	5.96E-02	0.02	9.21E-01
FIZ1	0.21	2.85E-01	0.02	9.21E-01
G13548	-0.15	4.41E-01	-0.02	9.21E-01
G7468	-0.06	7.43E-01	0.02	9.21E-01
GAL3ST4	0.07	7.30E-01	-0.02	9.21E-01
HINT2	0.22	2.62E-01	0.02	9.21E-01
ITIH2	-0.09	6.65E-01	0.02	9.21E-01
KB-226F1.2	0.16	4.23E-01	0.02	9.21E-01
KLHL11	0.14	4.77E-01	0.02	9.21E-01
KRTAP19-5	-0.18	3.68E-01	-0.02	9.21E-01
MSC	-0.16	4.18E-01	-0.02	9.21E-01
PSMG1	0.18	3.66E-01	-0.02	9.21E-01
RAD23A	0.14	4.93E-01	0.02	9.21E-01
RNU1-88P	-0.23	2.48E-01	-0.02	9.21E-01
RP11-319G9.1	-0.14	4.79E-01	-0.02	9.21E-01
RP11-360D2.2	-0.02	9.24E-01	0.02	9.21E-01
RP11-405M12.3	0.19	3.43E-01	0.02	9.21E-01
RP11-63P12.7	0.19	3.32E-01	-0.02	9.21E-01
SEC16A	-0.11	5.83E-01	-0.02	9.21E-01
SKP1	0.13	5.24E-01	0.02	9.21E-01
SMARCB1	0.27	1.64E-01	0.02	9.21E-01
SNRPA1	-0.16	4.18E-01	0.02	9.21E-01
TBCD	-0.13	5.09E-01	-0.02	9.21E-01
TBX20	-0.12	5.31E-01	-0.02	9.21E-01
TMEM223	0.08	6.77E-01	-0.02	9.21E-01
TMX3	0.17	4.01E-01	-0.02	9.21E-01
TOMM22	0.03	8.98E-01	-0.02	9.21E-01
TRAJ38	0.06	7.61E-01	0.02	9.21E-01
UVSSA	0.00	9.94E-01	-0.02	9.21E-01
XLOC_005574	0.03	8.99E-01	0.02	9.21E-01
ZDHC18	0.14	4.78E-01	0.02	9.21E-01
ZFPM2	-0.30	1.17E-01	-0.02	9.21E-01
AC005237.4	0.02	9.10E-01	-0.02	9.22E-01
AC083884.8	0.06	7.81E-01	0.02	9.22E-01
ACBD4	-0.21	2.83E-01	0.02	9.22E-01
AL133262.1	0.27	1.63E-01	0.02	9.22E-01
AP001469.9	-0.32	9.96E-02	0.02	9.22E-01
CD180	-0.22	2.54E-01	0.02	9.22E-01
CPSF3	0.19	3.45E-01	0.02	9.22E-01
CTB-139P11.2	0.09	6.55E-01	0.02	9.22E-01
CTD-2349P21.12	0.24	2.14E-01	0.02	9.22E-01

<b>DKFZp779M0652</b>	0.21	2.83E-01	-0.02	9.22E-01
<b>G40866</b>	-0.09	6.67E-01	-0.02	9.22E-01
<b>KLF3-AS1</b>	-0.20	3.07E-01	-0.02	9.22E-01
<b>KLHL7-AS1</b>	-0.26	1.87E-01	0.02	9.22E-01
<b>LINC01362</b>	0.13	5.03E-01	0.02	9.22E-01
<b>MIR30B</b>	-0.02	9.11E-01	0.02	9.22E-01
<b>MIR3687</b>	0.14	4.72E-01	-0.02	9.22E-01
<b>MRPL51</b>	0.04	8.25E-01	0.02	9.22E-01
<b>NAV2-AS4</b>	-0.42	2.81E-02	0.02	9.22E-01
<b>NDFIP1</b>	-0.19	3.36E-01	0.02	9.22E-01
<b>NEURL2</b>	0.08	6.68E-01	-0.02	9.22E-01
<b>PAPLN</b>	-0.23	2.35E-01	0.02	9.22E-01
<b>PCDHGB2</b>	-0.08	6.96E-01	-0.02	9.22E-01
<b>PDCD4-AS1</b>	0.13	5.19E-01	-0.02	9.22E-01
<b>PRPF6</b>	-0.11	5.83E-01	0.02	9.22E-01
<b>PTGES3P1</b>	0.08	7.02E-01	0.02	9.22E-01
<b>RARA-AS1</b>	-0.08	6.93E-01	-0.02	9.22E-01
<b>RCC1</b>	0.16	4.17E-01	-0.02	9.22E-01
<b>RN7SL233P</b>	-0.20	3.19E-01	0.02	9.22E-01
<b>RNU6-103P</b>	-0.14	4.88E-01	-0.02	9.22E-01
<b>RP11-1084A12.1</b>	-0.13	5.12E-01	-0.02	9.22E-01
<b>RP11-413E1.2</b>	-0.28	1.54E-01	0.02	9.22E-01
<b>RP11-530C5.1</b>	-0.04	8.44E-01	-0.02	9.22E-01
<b>RP11-71E19.1</b>	-0.11	5.87E-01	0.02	9.22E-01
<b>RP11-788M5.4</b>	-0.07	7.22E-01	0.02	9.22E-01
<b>RP11-95P2.3</b>	-0.22	2.53E-01	-0.02	9.22E-01
<b>RPL17P25</b>	-0.08	6.92E-01	-0.02	9.22E-01
<b>RPL7P11</b>	-0.30	1.16E-01	-0.02	9.22E-01
<b>SCN8A</b>	-0.15	4.44E-01	-0.02	9.22E-01
<b>SMC4</b>	-0.02	9.35E-01	0.02	9.22E-01
<b>SNRNP200</b>	-0.04	8.31E-01	-0.02	9.22E-01
<b>TEX2</b>	0.03	8.78E-01	0.02	9.22E-01
<b>TUBB</b>	0.13	4.93E-01	0.02	9.22E-01
<b>TXNL1</b>	0.18	3.66E-01	0.02	9.22E-01
<b>UNG</b>	0.03	8.90E-01	-0.02	9.22E-01
<b>UQCC2</b>	-0.03	8.73E-01	-0.02	9.22E-01
<b>VCAN</b>	-0.28	1.46E-01	0.02	9.22E-01
<b>VPS13D</b>	-0.23	2.41E-01	-0.02	9.22E-01
<b>WDPCP</b>	-0.33	8.16E-02	-0.02	9.22E-01
<b>ZNF318</b>	0.03	8.91E-01	0.02	9.22E-01
<b>ZNF623</b>	0.11	5.64E-01	-0.02	9.22E-01
<b>ADAMTS7P3</b>	0.05	7.84E-01	-0.02	9.23E-01
<b>ANO4</b>	-0.06	7.72E-01	0.02	9.23E-01
<b>AP000563.2</b>	-0.24	2.23E-01	-0.02	9.23E-01
<b>ASPM</b>	0.04	8.35E-01	0.02	9.23E-01
<b>CASP5</b>	0.29	1.37E-01	-0.02	9.23E-01
<b>CCDC85B</b>	-0.15	4.55E-01	-0.02	9.23E-01

CHRD1	-0.12	5.39E-01	0.02	9.23E-01
CLP1	0.04	8.23E-01	-0.02	9.23E-01
CTC-398G3.1	-0.03	8.79E-01	-0.02	9.23E-01
CXorf23	-0.35	7.08E-02	-0.02	9.23E-01
DUSP5	0.37	5.37E-02	0.02	9.23E-01
F2RL3	-0.13	5.07E-01	-0.02	9.23E-01
G12890	0.12	5.51E-01	0.02	9.23E-01
G8415	0.03	8.88E-01	-0.02	9.23E-01
GOLGA5	0.12	5.28E-01	-0.02	9.23E-01
MROH9	0.15	4.61E-01	0.02	9.23E-01
NACA	-0.06	7.43E-01	0.02	9.23E-01
PGM5P3-AS1	-0.17	3.78E-01	0.02	9.23E-01
RP1-161P9.5	0.01	9.40E-01	0.02	9.23E-01
RP11-10J21.4	-0.37	5.12E-02	-0.02	9.23E-01
RP11-138E2.1	-0.06	7.72E-01	0.02	9.23E-01
RP11-333E13.4	0.18	3.60E-01	0.02	9.23E-01
RP11-378J18.6	0.01	9.69E-01	0.02	9.23E-01
RP11-417N10.5	-0.05	8.19E-01	-0.02	9.23E-01
RP11-445J14.1	-0.03	8.79E-01	-0.02	9.23E-01
RP3-512E2.2	-0.42	2.80E-02	-0.02	9.23E-01
RRP1B	0.14	4.93E-01	0.02	9.23E-01
RTP3	-0.17	3.79E-01	0.02	9.23E-01
SAR1A	0.00	9.86E-01	-0.02	9.23E-01
SLC5A10	-0.12	5.31E-01	0.02	9.23E-01
TMBIM6	0.26	1.81E-01	0.02	9.23E-01
TRAJ28	-0.04	8.36E-01	-0.02	9.23E-01
TUBB4BP2	-0.10	6.09E-01	-0.02	9.23E-01
C10orf91	-0.27	1.65E-01	0.02	9.24E-01
CISD3	0.01	9.54E-01	0.02	9.24E-01
CLUAP1	0.09	6.53E-01	0.02	9.24E-01
DDX23	0.02	9.24E-01	0.02	9.24E-01
FAM101B	0.06	7.68E-01	-0.02	9.24E-01
G34551	0.34	7.59E-02	0.02	9.24E-01
HEXDC-IT1	-0.19	3.27E-01	0.02	9.24E-01
KRT3	-0.05	8.03E-01	0.02	9.24E-01
LINC00908	0.06	7.52E-01	0.02	9.24E-01
LINC01176	-0.13	5.26E-01	-0.02	9.24E-01
LMO7	0.05	8.19E-01	-0.02	9.24E-01
MIR548K	0.06	7.57E-01	-0.02	9.24E-01
MT1X	0.08	6.71E-01	-0.02	9.24E-01
NEXN	-0.03	8.98E-01	-0.02	9.24E-01
PNMA1	-0.08	6.85E-01	-0.02	9.24E-01
PRELID3B	0.22	2.70E-01	0.02	9.24E-01
RP11-14I17.1	-0.25	2.03E-01	0.02	9.24E-01
RP11-243J16.7	0.20	3.12E-01	0.02	9.24E-01
RP11-258C19.4	0.01	9.50E-01	-0.02	9.24E-01
RP11-57B24.2	-0.16	4.23E-01	0.02	9.24E-01



RP11-63I8.1	-0.03	8.66E-01	0.02	9.24E-01
RP11-82O19.2	-0.10	6.17E-01	0.02	9.24E-01
RP4-614O4.11	0.02	9.02E-01	0.02	9.24E-01
RP5-1065J22.2	-0.26	1.77E-01	0.02	9.24E-01
RPL23P2	-0.16	4.15E-01	0.02	9.24E-01
RPSAP69	0.08	6.73E-01	-0.02	9.24E-01
SNORD116-8	-0.16	4.04E-01	0.02	9.24E-01
SPATC1	-0.12	5.41E-01	0.02	9.24E-01
TMEM88	0.12	5.34E-01	0.02	9.24E-01
TSTD3	-0.30	1.23E-01	-0.02	9.24E-01
AC011330.5	-0.28	1.51E-01	0.02	9.25E-01
AF011889.5	-0.07	7.35E-01	0.02	9.25E-01
ANXA8L1	0.02	9.22E-01	0.02	9.25E-01
BLZF1	0.41	2.97E-02	0.02	9.25E-01
CBLN3	-0.23	2.43E-01	0.02	9.25E-01
CREM	0.03	8.79E-01	0.02	9.25E-01
CTD-2568A17.8	0.29	1.41E-01	0.02	9.25E-01
CXorf40A	0.08	6.72E-01	0.02	9.25E-01
MGST3	-0.04	8.31E-01	0.02	9.25E-01
MIR5581	-0.07	7.37E-01	0.02	9.25E-01
MIRLET7D	0.03	8.63E-01	0.02	9.25E-01
PLAC1	-0.13	5.26E-01	0.02	9.25E-01
PSMB6	0.03	8.63E-01	0.02	9.25E-01
PTPN4	0.08	6.99E-01	0.02	9.25E-01
RAP1B	0.06	7.81E-01	0.02	9.25E-01
RP1-29C18.8	0.20	3.05E-01	0.02	9.25E-01
RP11-271K11.5	-0.02	9.26E-01	0.02	9.25E-01
RP11-390B4.3	-0.08	6.73E-01	0.02	9.25E-01
RP11-422P24.12	-0.06	7.71E-01	0.02	9.25E-01
ST13P6	-0.05	8.08E-01	0.02	9.25E-01
AC061992.2	-0.08	6.94E-01	-0.02	9.25E-01
ADPRM	0.02	9.13E-01	-0.02	9.25E-01
ARHGAP20	-0.24	2.15E-01	-0.02	9.25E-01
C11orf65	-0.29	1.29E-01	-0.02	9.25E-01
CTB-25B13.5	-0.26	1.74E-01	-0.02	9.25E-01
DTNBP1	-0.04	8.53E-01	-0.02	9.25E-01
LAMB1	-0.01	9.68E-01	-0.02	9.25E-01
LAMTOR3	-0.06	7.55E-01	-0.02	9.25E-01
NCOR1	0.00	9.89E-01	-0.02	9.25E-01
RP1-228P16.1	-0.09	6.66E-01	-0.02	9.25E-01
RP11-11M20.2	-0.16	4.21E-01	-0.02	9.25E-01
RP11-133K1.8	0.39	4.01E-02	-0.02	9.25E-01
RP11-286N22.14	-0.16	4.03E-01	-0.02	9.25E-01
RP11-452K12.6	0.03	8.81E-01	-0.02	9.25E-01
RP11-458D21.1	-0.38	4.41E-02	-0.02	9.25E-01
RP5-849H19.2	-0.01	9.53E-01	-0.02	9.25E-01
RRAS2	0.08	6.85E-01	-0.02	9.25E-01

TM2D2	-0.02	9.26E-01	-0.02	9.25E-01
ZNF395	-0.01	9.75E-01	-0.02	9.25E-01
AC114812.5	-0.20	3.07E-01	0.02	9.27E-01
AC138035.2	0.12	5.54E-01	0.02	9.27E-01
AP001619.3	-0.29	1.28E-01	0.02	9.27E-01
C5orf56	-0.07	7.06E-01	0.02	9.27E-01
CTD-2035E11.4	0.34	7.79E-02	0.02	9.27E-01
HIST1H3H	-0.09	6.38E-01	0.02	9.27E-01
ITGA8	0.09	6.60E-01	0.02	9.27E-01
KRTAP2-1	-0.38	4.46E-02	0.02	9.27E-01
MAP2K5	-0.14	4.69E-01	0.02	9.27E-01
MIS18A	0.05	7.93E-01	0.02	9.27E-01
NEURL4	-0.08	6.94E-01	0.02	9.27E-01
NTAN1P2	0.05	7.88E-01	0.02	9.27E-01
ODCP	0.13	5.10E-01	0.02	9.27E-01
OLA1P1	-0.04	8.55E-01	0.02	9.27E-01
RMI1	0.13	5.18E-01	0.02	9.27E-01
SAMD14	-0.25	1.93E-01	0.02	9.27E-01
ZSWIM5	-0.38	4.71E-02	0.02	9.27E-01
ABHD18	0.25	2.02E-01	-0.02	9.27E-01
AC005154.6	0.05	8.09E-01	-0.02	9.27E-01
AC005682.5	0.06	7.76E-01	-0.02	9.27E-01
AC012360.6	-0.13	5.18E-01	-0.02	9.27E-01
EBF2	0.02	9.06E-01	-0.02	9.27E-01
FOXD2	0.42	2.56E-02	-0.02	9.27E-01
GSG2	-0.11	5.67E-01	-0.02	9.27E-01
GTF3A	-0.13	5.14E-01	-0.02	9.27E-01
PRR34	0.07	7.06E-01	-0.02	9.27E-01
RNF219	-0.18	3.52E-01	-0.02	9.27E-01
RP11-425M5.7	-0.35	7.12E-02	-0.02	9.27E-01
RP11-490B18.6	-0.13	5.10E-01	-0.02	9.27E-01
RP11-54C4.3	0.01	9.48E-01	-0.02	9.27E-01
RP11-673E1.3	0.02	9.13E-01	-0.02	9.27E-01
RP4-673D20.6	-0.28	1.56E-01	-0.02	9.27E-01
S1PR1	-0.01	9.55E-01	-0.02	9.27E-01
SCAF8	-0.17	3.95E-01	-0.02	9.27E-01
TMEM38A	-0.04	8.29E-01	-0.02	9.27E-01
ZCCHC10	0.23	2.45E-01	-0.02	9.27E-01
AC132008.1	-0.01	9.70E-01	-0.02	9.28E-01
AL160291.1	-0.09	6.66E-01	-0.02	9.28E-01
CNST	0.15	4.44E-01	-0.02	9.28E-01
CTD-2315M5.2	-0.02	9.10E-01	-0.02	9.28E-01
CYCS	0.23	2.41E-01	-0.02	9.28E-01
G2077	-0.03	8.85E-01	-0.02	9.28E-01
GNAI3	0.01	9.55E-01	-0.02	9.28E-01
HTR3B	-0.01	9.51E-01	-0.02	9.28E-01
LINC01375	-0.17	3.76E-01	-0.02	9.28E-01

LINC01558	-0.20	3.11E-01	-0.02	9.28E-01
MT1G	0.07	7.42E-01	-0.02	9.28E-01
PDZD11	0.03	8.87E-01	-0.02	9.28E-01
RP11-187C18.2	0.08	6.87E-01	-0.02	9.28E-01
RP11-494M8.1	-0.30	1.23E-01	-0.02	9.28E-01
RP11-756P10.6	0.15	4.54E-01	-0.02	9.28E-01
CCDC86	0.22	2.58E-01	0.02	9.28E-01
CTD-2083E4.5	0.20	3.05E-01	0.02	9.28E-01
CTD-2574D22.3	0.01	9.46E-01	0.02	9.28E-01
DAB2IP	0.18	3.46E-01	0.02	9.28E-01
DENND4B	0.01	9.76E-01	0.02	9.28E-01
KIAA1324	-0.03	8.64E-01	0.02	9.28E-01
MB21D2	0.35	6.82E-02	0.02	9.28E-01
MFN2	0.13	5.10E-01	0.02	9.28E-01
PTBP1	0.12	5.37E-01	0.02	9.28E-01
PTRH1	-0.27	1.69E-01	0.02	9.28E-01
RAB5B	0.01	9.48E-01	0.02	9.28E-01
RERE	0.08	7.03E-01	0.02	9.28E-01
RNU6-260P	0.01	9.68E-01	0.02	9.28E-01
RP11-133K1.7	0.13	5.01E-01	0.02	9.28E-01
RP11-143J12.3	-0.14	4.80E-01	0.02	9.28E-01
RP11-360N9.3	0.10	5.98E-01	0.02	9.28E-01
RP11-50B3.4	-0.21	2.80E-01	0.02	9.28E-01
RPL23AP66	-0.02	9.20E-01	0.02	9.28E-01
SIMC1	-0.14	4.82E-01	0.02	9.28E-01
STK24	0.29	1.35E-01	0.02	9.28E-01
TPI1P1	-0.01	9.60E-01	0.02	9.28E-01
XBP1	0.23	2.42E-01	0.02	9.28E-01
XLOC_007047	-0.10	6.02E-01	0.02	9.28E-01
XLOC_008756	-0.04	8.44E-01	0.02	9.28E-01
XLOC_013591	-0.03	8.81E-01	0.02	9.28E-01
AC016995.3	0.05	8.00E-01	0.02	9.29E-01
AC034220.3	-0.55	2.18E-03	-0.02	9.29E-01
ADAM33	-0.23	2.48E-01	0.02	9.29E-01
AF213884.2	0.22	2.67E-01	-0.02	9.29E-01
ANTXR2	-0.15	4.34E-01	-0.02	9.29E-01
ARMCX5-GPRASP2	-0.13	5.00E-01	-0.02	9.29E-01
BTN1A1	-0.12	5.45E-01	0.02	9.29E-01
CCDC88A	0.01	9.42E-01	-0.02	9.29E-01
CTC-338M12.4	-0.02	9.37E-01	-0.02	9.29E-01
CYBA	0.25	1.98E-01	0.02	9.29E-01
DTX3	0.14	4.89E-01	-0.02	9.29E-01
FADD	0.31	1.12E-01	-0.02	9.29E-01
FCGRT	-0.08	6.93E-01	0.02	9.29E-01
G16028	-0.04	8.37E-01	0.02	9.29E-01
G8455	-0.14	4.76E-01	0.02	9.29E-01
GABPB2	-0.15	4.36E-01	0.02	9.29E-01

<b>GBA3</b>	-0.27	1.72E-01	-0.02	9.29E-01
<b>GOLGA6L4</b>	0.11	5.64E-01	-0.02	9.29E-01
<b>KRTAP17-1</b>	-0.22	2.69E-01	0.02	9.29E-01
<b>LOX</b>	0.22	2.53E-01	0.02	9.29E-01
<b>MLYCD</b>	0.19	3.29E-01	0.02	9.29E-01
<b>NPM1P43</b>	0.24	2.14E-01	-0.02	9.29E-01
<b>OR1K1</b>	-0.22	2.51E-01	-0.02	9.29E-01
<b>PEBP1P3</b>	0.05	8.14E-01	-0.02	9.29E-01
<b>PPP2R5C</b>	0.05	7.94E-01	0.02	9.29E-01
<b>PRDX2P1</b>	0.04	8.38E-01	0.02	9.29E-01
<b>RP11-315O6.1</b>	-0.17	3.85E-01	-0.02	9.29E-01
<b>RP11-385F7.1</b>	-0.12	5.48E-01	0.02	9.29E-01
<b>RP11-53O19.2</b>	-0.11	5.89E-01	-0.02	9.29E-01
<b>RP11-706O15.7</b>	0.34	7.82E-02	-0.02	9.29E-01
<b>RP11-73E6.2</b>	0.00	9.97E-01	0.02	9.29E-01
<b>RP5-857K21.4</b>	0.15	4.51E-01	-0.02	9.29E-01
<b>RPS18</b>	0.26	1.73E-01	0.02	9.29E-01
<b>RPS3AP6</b>	-0.14	4.93E-01	-0.02	9.29E-01
<b>SNX24</b>	0.21	2.90E-01	-0.02	9.29E-01
<b>TTLL3</b>	-0.12	5.41E-01	-0.02	9.29E-01
<b>AC005785.5</b>	-0.09	6.34E-01	0.02	9.30E-01
<b>ANKHD1-EIF4EBP3</b>	-0.07	7.19E-01	0.02	9.30E-01
<b>CLDN34</b>	0.08	7.02E-01	0.02	9.30E-01
<b>CTD-2022H16.3</b>	0.01	9.47E-01	0.02	9.30E-01
<b>CTD-2561B21.11</b>	0.02	9.02E-01	0.02	9.30E-01
<b>DPYD-AS2</b>	-0.10	6.19E-01	0.02	9.30E-01
<b>G38913</b>	-0.31	1.06E-01	0.02	9.30E-01
<b>G3899</b>	-0.28	1.44E-01	0.02	9.30E-01
<b>HIST2H2AB</b>	0.08	7.04E-01	0.02	9.30E-01
<b>KIF5A</b>	0.13	5.17E-01	0.02	9.30E-01
<b>NUTF2</b>	0.20	3.02E-01	0.02	9.30E-01
<b>PELI1</b>	0.07	7.09E-01	0.02	9.30E-01
<b>RNU6-1209P</b>	-0.09	6.55E-01	0.02	9.30E-01
<b>RP11-253M7.3</b>	0.27	1.61E-01	0.02	9.30E-01
<b>RP11-270M14.1</b>	-0.18	3.63E-01	0.02	9.30E-01
<b>RP11-391M7.3</b>	-0.11	5.70E-01	0.02	9.30E-01
<b>RP11-641C17.1</b>	0.04	8.37E-01	0.02	9.30E-01
<b>RP11-680F20.10</b>	-0.09	6.54E-01	0.02	9.30E-01
<b>RP3-453C12.15</b>	0.01	9.78E-01	0.02	9.30E-01
<b>SCFD2</b>	0.19	3.26E-01	0.02	9.30E-01
<b>SLC39A14</b>	-0.17	3.98E-01	0.02	9.30E-01
<b>TRIM8</b>	-0.08	7.02E-01	0.02	9.30E-01
<b>AL662800.1</b>	-0.07	7.37E-01	-0.02	9.30E-01
<b>FAM135A</b>	-0.01	9.67E-01	-0.02	9.30E-01
<b>FAXC</b>	0.28	1.42E-01	-0.02	9.30E-01
<b>GRIN2D</b>	-0.01	9.50E-01	-0.02	9.30E-01
<b>HIST2H2BE</b>	-0.02	9.38E-01	-0.02	9.30E-01

<b>PALM3</b>	-0.29	1.35E-01	-0.02	9.30E-01
<b>RP11-114F10.3</b>	0.10	5.96E-01	-0.02	9.30E-01
<b>RP11-286N3.1</b>	0.17	4.00E-01	-0.02	9.30E-01
<b>RP11-665C16.6</b>	-0.17	3.76E-01	-0.02	9.30E-01
<b>TSHR</b>	-0.20	3.09E-01	-0.02	9.30E-01
<b>AC011243.1</b>	0.18	3.49E-01	-0.02	9.31E-01
<b>AC018804.1</b>	0.04	8.44E-01	-0.02	9.31E-01
<b>AC137932.5</b>	-0.15	4.34E-01	-0.02	9.31E-01
<b>ATP5F1</b>	0.08	6.91E-01	-0.02	9.31E-01
<b>ATP8A2</b>	-0.14	4.93E-01	-0.02	9.31E-01
<b>COL15A1</b>	-0.20	3.05E-01	-0.02	9.31E-01
<b>CTD-2619J13.8</b>	0.11	5.64E-01	-0.02	9.31E-01
<b>DERL2</b>	-0.29	1.35E-01	-0.02	9.31E-01
<b>IARS</b>	0.06	7.64E-01	-0.02	9.31E-01
<b>IL23R</b>	0.35	6.48E-02	-0.02	9.31E-01
<b>LYRM4</b>	-0.10	5.99E-01	-0.02	9.31E-01
<b>MRPS15</b>	0.16	4.08E-01	-0.02	9.31E-01
<b>MYL12B</b>	0.06	7.61E-01	-0.02	9.31E-01
<b>RN7SL168P</b>	-0.11	5.61E-01	-0.02	9.31E-01
<b>RP11-196G11.6</b>	-0.01	9.59E-01	-0.02	9.31E-01
<b>RP11-697E14.2</b>	0.15	4.58E-01	-0.02	9.31E-01
<b>RP4-781K5.4</b>	-0.07	7.26E-01	-0.02	9.31E-01
<b>SDHDP2</b>	-0.17	3.93E-01	-0.02	9.31E-01
<b>TAF1A-AS1</b>	0.03	8.78E-01	-0.02	9.31E-01
<b>AC007381.3</b>	-0.13	5.07E-01	0.02	9.31E-01
<b>BBOX1</b>	-0.01	9.68E-01	0.02	9.31E-01
<b>CTA-223H9.9</b>	0.01	9.74E-01	0.02	9.31E-01
<b>HNRNPA1P15</b>	-0.24	2.18E-01	0.02	9.31E-01
<b>IGFBP2</b>	-0.07	7.15E-01	0.02	9.31E-01
<b>MIR4269</b>	0.05	7.91E-01	0.02	9.31E-01
<b>MRPL21</b>	0.11	5.91E-01	0.02	9.31E-01
<b>MRPS16</b>	0.19	3.43E-01	0.02	9.31E-01
<b>MT1E</b>	0.19	3.44E-01	0.02	9.31E-01
<b>RCAN1</b>	0.00	9.93E-01	0.02	9.31E-01
<b>RP1-251I12.1</b>	0.01	9.64E-01	0.02	9.31E-01
<b>RP11-505E24.3</b>	-0.10	6.30E-01	0.02	9.31E-01
<b>RP5-1042K10.10</b>	-0.11	5.72E-01	0.02	9.31E-01
<b>RPL30</b>	0.13	5.17E-01	0.02	9.31E-01
<b>SPDYE2B</b>	-0.06	7.53E-01	0.02	9.31E-01
<b>TMEM14EP</b>	-0.29	1.29E-01	0.02	9.31E-01
<b>XLOC_014106</b>	-0.14	4.86E-01	0.02	9.31E-01
<b>AC006159.5</b>	-0.10	6.04E-01	0.02	9.33E-01
<b>AC073283.4</b>	0.05	8.04E-01	-0.02	9.33E-01
<b>ADAMTS19</b>	-0.15	4.39E-01	-0.02	9.33E-01
<b>ARL4AP2</b>	-0.19	3.43E-01	0.02	9.33E-01
<b>C11orf21</b>	0.13	5.11E-01	-0.02	9.33E-01
<b>C19orf57</b>	0.16	4.21E-01	0.02	9.33E-01

CCDC71L	0.10	6.31E-01	0.02	9.33E-01
DDX19A	0.35	6.98E-02	0.02	9.33E-01
DMTN	-0.24	2.20E-01	0.02	9.33E-01
GGTA2P	-0.25	1.93E-01	0.02	9.33E-01
HHAT	0.16	4.08E-01	0.02	9.33E-01
HIST1H2BK	-0.08	6.91E-01	0.02	9.33E-01
HMGB3P24	-0.17	3.89E-01	-0.02	9.33E-01
IGHA2	0.47	1.24E-02	0.02	9.33E-01
KB-1517D11.4	-0.12	5.44E-01	-0.02	9.33E-01
KIF24	-0.05	7.94E-01	-0.02	9.33E-01
LEXM	0.11	5.74E-01	-0.02	9.33E-01
MID1IP1	0.28	1.55E-01	0.02	9.33E-01
NBPF16	-0.09	6.41E-01	0.02	9.33E-01
PGAM1P7	-0.23	2.39E-01	-0.02	9.33E-01
PIGX	0.18	3.69E-01	-0.02	9.33E-01
PMP22	-0.33	8.73E-02	0.02	9.33E-01
POU2F3	0.04	8.42E-01	0.02	9.33E-01
PPP1R15A	-0.22	2.63E-01	0.02	9.33E-01
RP1-198K11.5	0.25	2.09E-01	0.02	9.33E-01
RP11-353N14.4	-0.38	4.83E-02	-0.02	9.33E-01
RP11-383D22.1	-0.05	7.94E-01	0.02	9.33E-01
RP11-468H14.2	-0.38	4.69E-02	-0.02	9.33E-01
RP11-767N6.7	0.02	9.03E-01	-0.02	9.33E-01
SOCS7	0.10	6.07E-01	-0.02	9.33E-01
TMEM139	-0.07	7.32E-01	-0.02	9.33E-01
XLOC_002710	-0.17	3.80E-01	0.02	9.33E-01
Z85986.1	-0.15	4.38E-01	0.02	9.33E-01
ABCA9	-0.10	6.28E-01	0.02	9.34E-01
AC005682.6	0.00	9.97E-01	-0.02	9.34E-01
AC006014.1	0.43	2.21E-02	-0.02	9.34E-01
AC007161.5	0.08	6.76E-01	0.02	9.34E-01
ANKRD45	0.11	5.86E-01	0.02	9.34E-01
APRT	0.17	3.77E-01	0.02	9.34E-01
C10orf71-AS1	-0.20	3.02E-01	-0.02	9.34E-01
CBWD7	-0.22	2.51E-01	0.02	9.34E-01
CBX1	0.00	9.80E-01	-0.02	9.34E-01
CCDC184	0.08	6.93E-01	-0.02	9.34E-01
CCT8	0.05	7.88E-01	-0.02	9.34E-01
CECR9	-0.03	8.66E-01	-0.02	9.34E-01
CES5AP1	-0.32	9.30E-02	0.02	9.34E-01
CTD-2235C13.3	-0.05	7.98E-01	-0.02	9.34E-01
DCPS	0.01	9.53E-01	-0.02	9.34E-01
DDOST	0.04	8.45E-01	0.02	9.34E-01
DHX30	0.04	8.21E-01	0.02	9.34E-01
DNAJC2	0.14	4.66E-01	0.02	9.34E-01
DUSP28	-0.33	8.75E-02	0.02	9.34E-01
FUCA2	0.02	9.38E-01	0.02	9.34E-01

<b>G29811</b>	-0.01	9.51E-01	0.02	9.34E-01
<b>GDA</b>	0.17	3.82E-01	0.02	9.34E-01
<b>KLK10</b>	0.07	7.28E-01	-0.02	9.34E-01
<b>KRTAP4-12</b>	-0.19	3.41E-01	0.02	9.34E-01
<b>LRRC57</b>	0.00	1.00E+00	0.02	9.34E-01
<b>MAPK6</b>	0.13	5.04E-01	0.02	9.34E-01
<b>NME6</b>	0.18	3.60E-01	-0.02	9.34E-01
<b>NUDT16P1</b>	0.22	2.67E-01	-0.02	9.34E-01
<b>PDYN</b>	-0.21	2.80E-01	0.02	9.34E-01
<b>PF4</b>	0.23	2.44E-01	-0.02	9.34E-01
<b>POLG2</b>	0.21	2.84E-01	0.02	9.34E-01
<b>RAD21-AS1</b>	0.21	2.77E-01	-0.02	9.34E-01
<b>RN7SL809P</b>	0.12	5.57E-01	-0.02	9.34E-01
<b>RNU6-425P</b>	0.01	9.59E-01	0.02	9.34E-01
<b>RP11-20L24.1</b>	0.10	6.15E-01	-0.02	9.34E-01
<b>RP11-298C3.2</b>	0.15	4.60E-01	-0.02	9.34E-01
<b>RP11-362F19.1</b>	-0.03	8.98E-01	-0.02	9.34E-01
<b>RP11-540B6.6</b>	-0.05	7.95E-01	0.02	9.34E-01
<b>RP11-785H5.2</b>	-0.05	8.02E-01	-0.02	9.34E-01
<b>RP11-817I4.1</b>	0.08	7.01E-01	0.02	9.34E-01
<b>RP5-1142A6.8</b>	-0.03	8.66E-01	0.02	9.34E-01
<b>RPL34P6</b>	-0.09	6.44E-01	0.02	9.34E-01
<b>TBC1D22B</b>	0.16	4.17E-01	-0.02	9.34E-01
<b>TOE1</b>	0.01	9.71E-01	-0.02	9.34E-01
<b>TRIM31</b>	0.03	8.63E-01	0.02	9.34E-01
<b>VDAC1</b>	0.05	8.15E-01	-0.02	9.34E-01
<b>XRR1</b>	-0.17	3.96E-01	0.02	9.34E-01
<b>ZNF528</b>	-0.05	7.94E-01	-0.02	9.34E-01
<b>ZNF776</b>	0.17	4.00E-01	0.02	9.34E-01
<b>AC012358.4</b>	-0.18	3.62E-01	0.02	9.35E-01
<b>ADGRG5</b>	-0.15	4.59E-01	0.02	9.35E-01
<b>ANKRD50</b>	0.01	9.58E-01	-0.02	9.35E-01
<b>C8orf76</b>	0.05	7.94E-01	-0.02	9.35E-01
<b>CAND2</b>	0.01	9.57E-01	-0.02	9.35E-01
<b>EIF1</b>	-0.27	1.63E-01	0.02	9.35E-01
<b>ERI1</b>	0.31	1.03E-01	0.02	9.35E-01
<b>ERLIN2</b>	0.19	3.35E-01	-0.02	9.35E-01
<b>FAM182A</b>	-0.02	9.24E-01	0.02	9.35E-01
<b>FHL2</b>	0.07	7.05E-01	-0.02	9.35E-01
<b>G19426</b>	0.11	5.84E-01	0.02	9.35E-01
<b>G41074</b>	-0.13	5.12E-01	0.02	9.35E-01
<b>HSH2D</b>	0.34	7.66E-02	0.02	9.35E-01
<b>MDH2</b>	0.22	2.62E-01	-0.02	9.35E-01
<b>METTL2A</b>	-0.04	8.56E-01	-0.02	9.35E-01
<b>MIAT</b>	-0.09	6.42E-01	-0.02	9.35E-01
<b>MXRA5</b>	-0.22	2.67E-01	0.02	9.35E-01
<b>NCAPD2</b>	0.05	8.11E-01	0.02	9.35E-01

RETSAT	-0.07	7.17E-01	0.02	9.35E-01
RHOQP1	-0.18	3.72E-01	-0.02	9.35E-01
RNF217-AS1	-0.03	8.85E-01	-0.02	9.35E-01
RP11-153K11.3	-0.02	9.01E-01	0.02	9.35E-01
RP11-195B21.3	-0.17	3.84E-01	0.02	9.35E-01
RP11-573E11.2	-0.36	6.33E-02	0.02	9.35E-01
RP13-516M14.10	-0.06	7.71E-01	-0.02	9.35E-01
RP5-1027G4.3	0.16	4.20E-01	0.02	9.35E-01
RP5-902P8.12	-0.14	4.86E-01	-0.02	9.35E-01
RPSAP6	0.01	9.47E-01	-0.02	9.35E-01
STAT4	0.09	6.32E-01	0.02	9.35E-01
STX8	-0.28	1.53E-01	0.02	9.35E-01
TCAF1P1	-0.12	5.48E-01	-0.02	9.35E-01
UBE2FP2	-0.18	3.58E-01	-0.02	9.35E-01
VBP1	0.06	7.75E-01	-0.02	9.35E-01
WDR5	0.01	9.74E-01	-0.02	9.35E-01
ADAMTSL2	0.00	9.96E-01	-0.02	9.36E-01
AP006222.2	0.07	7.14E-01	-0.02	9.36E-01
ARFIP2	0.14	4.66E-01	0.02	9.36E-01
ASB16	0.30	1.18E-01	0.02	9.36E-01
CTD-2510F5.4	0.14	4.70E-01	-0.02	9.36E-01
FOXN3-AS1	0.00	9.96E-01	0.02	9.36E-01
G16245	0.25	1.93E-01	-0.02	9.36E-01
GEMIN5	0.11	5.92E-01	-0.02	9.36E-01
GLTSCR2-AS1	-0.30	1.18E-01	-0.02	9.36E-01
HNRNPH2	0.10	6.10E-01	-0.02	9.36E-01
KRTAP10-10	-0.07	7.22E-01	-0.02	9.36E-01
MAP2K3	0.14	4.80E-01	0.02	9.36E-01
MGC45922	0.25	2.03E-01	-0.02	9.36E-01
NPEPL1	-0.12	5.33E-01	0.02	9.36E-01
NUSAP1	0.10	6.22E-01	-0.02	9.36E-01
OSR2	-0.18	3.49E-01	-0.02	9.36E-01
PMS2P7	0.17	3.83E-01	-0.02	9.36E-01
RAP2C	0.41	2.99E-02	-0.02	9.36E-01
RP11-10N23.2	-0.04	8.40E-01	0.02	9.36E-01
RP11-148K1.10	-0.41	2.84E-02	-0.02	9.36E-01
RP11-276H19.2	0.29	1.32E-01	-0.02	9.36E-01
RP11-476I15.5	0.09	6.64E-01	-0.02	9.36E-01
RP11-686D22.7	0.06	7.69E-01	0.02	9.36E-01
RP11-787I22.3	-0.16	4.08E-01	-0.02	9.36E-01
RRS1-AS1	-0.05	8.09E-01	-0.02	9.36E-01
SNORD12C	-0.16	4.13E-01	0.02	9.36E-01
WDHD1	-0.02	9.25E-01	0.02	9.36E-01
XLOC_012894	0.08	6.84E-01	0.02	9.36E-01
XRCC6	0.12	5.40E-01	0.02	9.36E-01
YWHAE	0.15	4.49E-01	0.02	9.36E-01
AC004699.1	-0.13	5.22E-01	0.02	9.37E-01



<b>AC129492.6</b>	0.07	7.32E-01	0.02	9.37E-01
<b>BANF1</b>	-0.11	5.79E-01	0.02	9.37E-01
<b>C2orf88</b>	-0.07	7.42E-01	0.02	9.37E-01
<b>CDCA5</b>	0.04	8.52E-01	0.02	9.37E-01
<b>G27940</b>	-0.10	6.04E-01	0.02	9.37E-01
<b>LA16c-431H6.6</b>	-0.27	1.69E-01	0.02	9.37E-01
<b>PBDC1</b>	0.17	3.96E-01	0.02	9.37E-01
<b>PCBP2P1</b>	-0.07	7.29E-01	0.02	9.37E-01
<b>RNU6-750P</b>	-0.12	5.44E-01	0.02	9.37E-01
<b>RP11-145M9.6</b>	0.08	6.77E-01	0.02	9.37E-01
<b>RP11-380B4.3</b>	0.17	3.95E-01	0.02	9.37E-01
<b>RP11-455O6.9</b>	-0.11	5.79E-01	0.02	9.37E-01
<b>RP11-524H19.2</b>	-0.18	3.60E-01	0.02	9.37E-01
<b>RP5-1112D6.4</b>	-0.02	9.35E-01	0.02	9.37E-01
<b>SPOPL</b>	0.33	8.59E-02	0.02	9.37E-01
<b>TDGF1P6</b>	0.13	4.96E-01	0.02	9.37E-01
<b>UBA52</b>	0.20	3.14E-01	0.02	9.37E-01
<b>WARS</b>	0.15	4.49E-01	0.02	9.37E-01
<b>XIRP2</b>	-0.07	7.12E-01	0.02	9.37E-01
<b>XLOC_008957</b>	0.11	5.93E-01	0.02	9.37E-01
<b>COX6C</b>	0.17	3.81E-01	-0.02	9.37E-01
<b>DDIT3</b>	-0.24	2.18E-01	-0.02	9.37E-01
<b>FBXO21</b>	0.06	7.62E-01	-0.02	9.37E-01
<b>KIF5C</b>	-0.55	2.27E-03	-0.02	9.37E-01
<b>LA16c-380A1.1</b>	0.07	7.29E-01	-0.02	9.37E-01
<b>MED19</b>	0.07	7.14E-01	-0.02	9.37E-01
<b>MRPS36</b>	0.06	7.68E-01	-0.02	9.37E-01
<b>RNF126P1</b>	0.17	4.01E-01	-0.02	9.37E-01
<b>RP11-174O3.6</b>	-0.02	9.33E-01	-0.02	9.37E-01
<b>RP11-350D17.3</b>	0.28	1.42E-01	-0.02	9.37E-01
<b>RP11-664D1.1</b>	-0.15	4.56E-01	-0.02	9.37E-01
<b>RP11-727A23.5</b>	0.16	4.29E-01	-0.02	9.37E-01
<b>TNK2-AS1</b>	-0.26	1.79E-01	-0.02	9.37E-01
<b>ZKSCAN1</b>	-0.10	6.23E-01	-0.02	9.37E-01
<b>ZNF316</b>	-0.21	2.82E-01	-0.02	9.37E-01
<b>ZNF460</b>	0.16	4.27E-01	-0.02	9.37E-01
<b>ZNF773</b>	0.00	9.91E-01	-0.02	9.37E-01
<b>AC017035.2</b>	-0.23	2.29E-01	-0.02	9.39E-01
<b>AC022431.3</b>	0.06	7.80E-01	-0.02	9.39E-01
<b>ANKRD44</b>	-0.08	6.73E-01	-0.02	9.39E-01
<b>ANO6</b>	-0.01	9.79E-01	-0.02	9.39E-01
<b>B3GALNT1</b>	0.21	2.75E-01	0.02	9.39E-01
<b>CDC16</b>	-0.08	6.98E-01	0.02	9.39E-01
<b>CTB-25B13.12</b>	0.15	4.60E-01	0.02	9.39E-01
<b>CTD-2622I13.3</b>	0.07	7.25E-01	0.02	9.39E-01
<b>CTD-3064H18.2</b>	-0.01	9.67E-01	-0.02	9.39E-01
<b>EXOSC10</b>	0.08	6.91E-01	0.02	9.39E-01

<b>FOLR1</b>	-0.24	2.18E-01	-0.02	9.39E-01
<b>G30963</b>	-0.17	3.99E-01	0.02	9.39E-01
<b>H2AFX</b>	-0.01	9.63E-01	0.02	9.39E-01
<b>H2AFZP3</b>	-0.32	1.01E-01	-0.02	9.39E-01
<b>HMGN1P36</b>	0.05	7.88E-01	0.02	9.39E-01
<b>IGSF8</b>	0.04	8.39E-01	-0.02	9.39E-01
<b>MRPL20</b>	0.10	6.29E-01	0.02	9.39E-01
<b>NLRC4</b>	0.22	2.60E-01	0.02	9.39E-01
<b>OCIAD1</b>	0.25	2.01E-01	0.02	9.39E-01
<b>PDCD6</b>	0.33	8.53E-02	0.02	9.39E-01
<b>RP11-175P13.3</b>	0.03	8.92E-01	0.02	9.39E-01
<b>RP11-279N8.1</b>	-0.20	3.08E-01	-0.02	9.39E-01
<b>RP11-304C12.5</b>	0.14	4.86E-01	-0.02	9.39E-01
<b>RP11-754B17.1</b>	0.22	2.61E-01	0.02	9.39E-01
<b>RP11-977B10.2</b>	-0.46	1.39E-02	-0.02	9.39E-01
<b>RP11-98D18.9</b>	-0.33	8.90E-02	0.02	9.39E-01
<b>RSL24D1P6</b>	-0.03	8.93E-01	-0.02	9.39E-01
<b>SCNM1</b>	-0.03	8.85E-01	-0.02	9.39E-01
<b>SERF2</b>	0.19	3.31E-01	0.02	9.39E-01
<b>SLCO3A1</b>	-0.22	2.58E-01	-0.02	9.39E-01
<b>SPTY2D1-AS1</b>	0.10	6.25E-01	-0.02	9.39E-01
<b>SULT1A2</b>	-0.07	7.26E-01	0.02	9.39E-01
<b>THSD7A</b>	-0.09	6.45E-01	0.02	9.39E-01
<b>(bac-BPG157A10.:</b>	0.21	2.82E-01	0.02	9.39E-01
<b>ABCF1</b>	0.25	1.94E-01	0.02	9.40E-01
<b>AC005162.5</b>	0.38	4.49E-02	0.02	9.40E-01
<b>AP002884.1</b>	0.16	4.27E-01	-0.02	9.40E-01
<b>APOPT1</b>	-0.13	5.02E-01	0.02	9.40E-01
<b>ATP6V1C1</b>	0.20	3.20E-01	0.02	9.40E-01
<b>C12orf10</b>	0.00	9.81E-01	-0.02	9.40E-01
<b>DUXAP9</b>	0.11	5.60E-01	0.02	9.40E-01
<b>EHD4</b>	0.21	2.80E-01	-0.02	9.40E-01
<b>HECTD2</b>	-0.07	7.11E-01	-0.02	9.40E-01
<b>HPRT1</b>	0.23	2.41E-01	-0.02	9.40E-01
<b>INTS6-AS1</b>	0.10	6.04E-01	-0.02	9.40E-01
<b>JAK2</b>	0.13	4.93E-01	-0.02	9.40E-01
<b>LY6G5C</b>	0.02	9.25E-01	0.02	9.40E-01
<b>MAP2K4P1</b>	-0.01	9.43E-01	-0.02	9.40E-01
<b>MED7</b>	0.20	3.00E-01	0.02	9.40E-01
<b>MICA</b>	0.08	6.82E-01	0.02	9.40E-01
<b>MMP3</b>	0.01	9.59E-01	-0.02	9.40E-01
<b>NUDT11</b>	-0.05	7.89E-01	-0.02	9.40E-01
<b>OVCH1</b>	0.05	8.09E-01	0.02	9.40E-01
<b>PDCD4</b>	0.04	8.39E-01	0.02	9.40E-01
<b>PDRG1</b>	0.40	3.49E-02	0.02	9.40E-01
<b>POC5</b>	-0.14	4.80E-01	0.02	9.40E-01
<b>RBM42</b>	0.09	6.38E-01	0.02	9.40E-01

RGL3	-0.04	8.44E-01	0.02	9.40E-01
RHOXF1-AS1	0.29	1.30E-01	-0.02	9.40E-01
RN7SL213P	-0.08	6.79E-01	0.02	9.40E-01
RNA5SP494	-0.20	3.15E-01	0.02	9.40E-01
RNU6-1305P	-0.32	9.71E-02	-0.02	9.40E-01
RP11-212I21.3	-0.17	3.86E-01	-0.02	9.40E-01
RP11-350N15.5	0.01	9.70E-01	-0.02	9.40E-01
RP11-544M22.13	-0.23	2.43E-01	-0.02	9.40E-01
RP11-554A11.7	-0.11	5.61E-01	-0.02	9.40E-01
RP11-63M22.1	-0.15	4.49E-01	0.02	9.40E-01
RP11-715J22.2	-0.06	7.50E-01	0.02	9.40E-01
RP11-93K22.13	0.46	1.30E-02	-0.02	9.40E-01
RPUSD2	0.22	2.71E-01	-0.02	9.40E-01
SMURF2P1	0.10	6.08E-01	0.02	9.40E-01
SOD3	-0.44	1.83E-02	-0.02	9.40E-01
ZNF787	0.26	1.86E-01	-0.02	9.40E-01
AC087163.2	-0.27	1.59E-01	-0.01	9.41E-01
ARHGFEF25	-0.20	3.11E-01	0.01	9.41E-01
BCAT1	0.19	3.24E-01	0.01	9.41E-01
C2orf47	0.22	2.59E-01	-0.01	9.41E-01
CBFA2T3	0.00	9.97E-01	-0.01	9.41E-01
CDH23	-0.25	2.00E-01	-0.01	9.41E-01
CMTM6	0.07	7.06E-01	0.01	9.41E-01
COX7C	0.16	4.28E-01	-0.01	9.41E-01
CTD-3060P21.1	0.19	3.39E-01	-0.01	9.41E-01
EED	0.17	3.77E-01	0.01	9.41E-01
FAM157C	0.23	2.37E-01	-0.01	9.41E-01
FAM184B	-0.06	7.70E-01	0.01	9.41E-01
FAM209B	0.29	1.39E-01	0.01	9.41E-01
FLJ46284	-0.24	2.15E-01	0.01	9.41E-01
FOXN1	0.17	3.75E-01	0.01	9.41E-01
FZD4	-0.10	6.20E-01	-0.01	9.41E-01
GEMIN4	0.10	6.31E-01	0.01	9.41E-01
HIST1H2AG	0.03	8.88E-01	-0.01	9.41E-01
KLHL24	-0.05	8.02E-01	-0.01	9.41E-01
LIG3	0.08	6.74E-01	-0.01	9.41E-01
LINC01269	0.30	1.24E-01	-0.01	9.41E-01
LL09NC01-139C3.1	0.30	1.24E-01	0.01	9.41E-01
NEFL	-0.04	8.24E-01	0.01	9.41E-01
NQO1	0.03	8.81E-01	-0.01	9.41E-01
OR9L1P	0.00	9.90E-01	-0.01	9.41E-01
RNF216P1	0.02	9.37E-01	0.01	9.41E-01
RP11-1020A11.2	-0.07	7.33E-01	-0.01	9.41E-01
RP11-102M11.1	0.06	7.73E-01	0.01	9.41E-01
RP11-365N19.2	-0.15	4.39E-01	-0.01	9.41E-01
RP11-427J23.1	-0.35	6.77E-02	0.01	9.41E-01
RP11-45F15.1	-0.06	7.70E-01	-0.01	9.41E-01

<b>RP11-507K2.3</b>	-0.06	7.64E-01	-0.01	9.41E-01
<b>RPS6P25</b>	0.03	8.61E-01	0.01	9.41E-01
<b>TCHP</b>	0.04	8.49E-01	-0.01	9.41E-01
<b>TRMT2B</b>	0.16	4.10E-01	0.01	9.41E-01
<b>WASH5P</b>	-0.15	4.42E-01	-0.01	9.41E-01
<b>ZNF235</b>	-0.18	3.55E-01	0.01	9.41E-01
<b>ZNF585A</b>	-0.23	2.44E-01	-0.01	9.41E-01
<b>ZNF783</b>	0.13	4.99E-01	-0.01	9.41E-01
<b>AC074117.13</b>	-0.18	3.63E-01	0.01	9.42E-01
<b>AC110926.4</b>	0.05	7.88E-01	0.01	9.42E-01
<b>AL031320.1</b>	0.09	6.65E-01	-0.01	9.42E-01
<b>AL035610.1</b>	0.11	5.92E-01	-0.01	9.42E-01
<b>AL161626.1</b>	0.28	1.51E-01	-0.01	9.42E-01
<b>ALKBH1</b>	0.16	4.08E-01	0.01	9.42E-01
<b>AP4B1</b>	0.23	2.47E-01	0.01	9.42E-01
<b>BEST2</b>	-0.09	6.57E-01	0.01	9.42E-01
<b>CTC-250P20.2</b>	-0.35	6.57E-02	0.01	9.42E-01
<b>CTC-454I21.3</b>	-0.07	7.05E-01	-0.01	9.42E-01
<b>CTD-2373N4.5</b>	0.10	6.26E-01	0.01	9.42E-01
<b>FGF18</b>	-0.02	9.04E-01	0.01	9.42E-01
<b>GLI2</b>	0.05	8.02E-01	-0.01	9.42E-01
<b>GMNN</b>	-0.08	6.87E-01	0.01	9.42E-01
<b>HNRNPCP2</b>	0.03	8.76E-01	0.01	9.42E-01
<b>IL9RP3</b>	-0.01	9.56E-01	0.01	9.42E-01
<b>IWS1</b>	0.25	2.00E-01	0.01	9.42E-01
<b>KAT5</b>	0.16	4.07E-01	-0.01	9.42E-01
<b>LINC00950</b>	-0.18	3.59E-01	-0.01	9.42E-01
<b>LINC01237</b>	0.03	8.90E-01	0.01	9.42E-01
<b>MORN2</b>	-0.03	8.98E-01	-0.01	9.42E-01
<b>MROH7</b>	-0.08	6.86E-01	0.01	9.42E-01
<b>MSL2</b>	0.11	5.71E-01	-0.01	9.42E-01
<b>PDIA4</b>	0.14	4.92E-01	-0.01	9.42E-01
<b>PPP6C</b>	0.15	4.54E-01	0.01	9.42E-01
<b>PUDP</b>	-0.13	5.10E-01	0.01	9.42E-01
<b>PVRL2</b>	0.20	3.11E-01	0.01	9.42E-01
<b>RNU6-892P</b>	-0.06	7.64E-01	0.01	9.42E-01
<b>RP1-251M9.2</b>	0.04	8.43E-01	-0.01	9.42E-01
<b>RP11-503L23.1</b>	-0.05	8.12E-01	-0.01	9.42E-01
<b>RP11-525G12.1</b>	-0.03	8.79E-01	-0.01	9.42E-01
<b>RP11-535M15.1</b>	0.18	3.50E-01	0.01	9.42E-01
<b>RP11-563N4.1</b>	0.18	3.55E-01	-0.01	9.42E-01
<b>RP4-635E18.6</b>	-0.02	9.36E-01	0.01	9.42E-01
<b>RP4-733B9.1</b>	-0.17	3.91E-01	0.01	9.42E-01
<b>RP4-737E23.2</b>	-0.25	2.07E-01	-0.01	9.42E-01
<b>SFXN4</b>	0.10	6.11E-01	0.01	9.42E-01
<b>SIGLEC9</b>	0.04	8.37E-01	0.01	9.42E-01
<b>SNRPGP10</b>	-0.11	5.79E-01	-0.01	9.42E-01

SPAG5	0.17	3.90E-01	-0.01	9.42E-01
TWF1P1	0.07	7.38E-01	-0.01	9.42E-01
XLOC_009607	0.05	7.86E-01	0.01	9.42E-01
ZNF136	-0.07	7.07E-01	-0.01	9.42E-01
AC022182.2	0.33	8.81E-02	0.01	9.43E-01
ASPG	0.06	7.45E-01	0.01	9.43E-01
ATP1A2	-0.01	9.64E-01	0.01	9.43E-01
CCDC94	0.07	7.24E-01	0.01	9.43E-01
CEP89	-0.24	2.28E-01	0.01	9.43E-01
CTD-2033A16.2	0.33	8.53E-02	0.01	9.43E-01
CTD-3131K8.3	0.17	4.01E-01	0.01	9.43E-01
DGKE	0.22	2.54E-01	0.01	9.43E-01
DMAP1	-0.14	4.87E-01	0.01	9.43E-01
ELMOD3	-0.05	8.08E-01	0.01	9.43E-01
GXYLT2	-0.11	5.78E-01	0.01	9.43E-01
MED8	0.15	4.39E-01	0.01	9.43E-01
NDUFB2-AS1	-0.16	4.04E-01	0.01	9.43E-01
NOP10	0.10	6.23E-01	0.01	9.43E-01
NUTM2D	0.11	5.69E-01	0.01	9.43E-01
PAM	-0.05	7.87E-01	0.01	9.43E-01
POLR3A	0.22	2.56E-01	0.01	9.43E-01
RIMKLA	0.29	1.34E-01	0.01	9.43E-01
RNU1-87P	0.01	9.48E-01	0.01	9.43E-01
RP11-266L9.6	0.05	7.94E-01	0.01	9.43E-01
RP11-363J17.1	-0.05	7.95E-01	0.01	9.43E-01
RP11-65B7.2	-0.22	2.61E-01	0.01	9.43E-01
RPL26	0.19	3.33E-01	0.01	9.43E-01
RTN3	0.03	8.76E-01	0.01	9.43E-01
XLOC_004229	0.08	6.95E-01	0.01	9.43E-01
ZNF563	-0.24	2.28E-01	0.01	9.43E-01
AP001442.2	-0.13	4.99E-01	-0.01	9.43E-01
CTD-2561B21.5	-0.19	3.25E-01	-0.01	9.43E-01
CYP4A22	-0.09	6.46E-01	-0.01	9.43E-01
DDX43	0.30	1.17E-01	-0.01	9.43E-01
HIST1H1C	-0.06	7.73E-01	-0.01	9.43E-01
HKR1	-0.15	4.35E-01	-0.01	9.43E-01
KCNIP4-IT1	0.07	7.05E-01	-0.01	9.43E-01
KLK14	0.19	3.26E-01	-0.01	9.43E-01
KRTAP10-7	-0.04	8.30E-01	-0.01	9.43E-01
ORC1	0.00	9.96E-01	-0.01	9.43E-01
SPACA4	0.07	7.28E-01	-0.01	9.43E-01
ST3GAL6	0.02	9.10E-01	-0.01	9.43E-01
ZMAT3	-0.01	9.50E-01	-0.01	9.43E-01
ZNF619	0.27	1.63E-01	-0.01	9.43E-01
snR65	-0.12	5.52E-01	-0.01	9.43E-01
AC004237.1	-0.31	1.09E-01	-0.01	9.45E-01
AC007881.1	0.41	2.98E-02	0.01	9.45E-01

<b>AC010761.8</b>	0.26	1.74E-01	-0.01	9.45E-01
<b>AC016739.2</b>	-0.03	8.64E-01	0.01	9.45E-01
<b>AC079922.2</b>	-0.24	2.22E-01	-0.01	9.45E-01
<b>ARID3B</b>	0.28	1.49E-01	-0.01	9.45E-01
<b>BRCA1</b>	-0.17	3.88E-01	-0.01	9.45E-01
<b>CAV3</b>	-0.26	1.76E-01	-0.01	9.45E-01
<b>CBFB</b>	0.19	3.24E-01	-0.01	9.45E-01
<b>CDT1</b>	0.02	9.25E-01	-0.01	9.45E-01
<b>CENPI</b>	-0.12	5.49E-01	-0.01	9.45E-01
<b>E2F4</b>	0.18	3.55E-01	-0.01	9.45E-01
<b>FAM122C</b>	0.14	4.83E-01	0.01	9.45E-01
<b>FAM87B</b>	0.28	1.55E-01	-0.01	9.45E-01
<b>G39823</b>	-0.09	6.59E-01	0.01	9.45E-01
<b>G42804</b>	-0.07	7.23E-01	0.01	9.45E-01
<b>IFRD2</b>	0.09	6.50E-01	-0.01	9.45E-01
<b>IRF5</b>	0.02	9.10E-01	-0.01	9.45E-01
<b>KRT35</b>	-0.14	4.88E-01	-0.01	9.45E-01
<b>LDOC1L</b>	0.10	6.14E-01	-0.01	9.45E-01
<b>LINC00314</b>	-0.08	6.91E-01	0.01	9.45E-01
<b>LINC01415</b>	0.09	6.57E-01	0.01	9.45E-01
<b>MTND6P4</b>	0.03	8.62E-01	-0.01	9.45E-01
<b>NIFK</b>	0.22	2.56E-01	-0.01	9.45E-01
<b>NUCKS1</b>	0.13	5.13E-01	-0.01	9.45E-01
<b>PALB2</b>	-0.07	7.35E-01	-0.01	9.45E-01
<b>PANK1</b>	0.26	1.74E-01	0.01	9.45E-01
<b>PDIA6</b>	0.16	4.16E-01	0.01	9.45E-01
<b>PLN</b>	0.04	8.40E-01	-0.01	9.45E-01
<b>POP1</b>	0.23	2.49E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RLBP1</b>	0.03	8.92E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RN7SL431P</b>	-0.04	8.42E-01	0.01	9.45E-01
<b>RNU6-469P</b>	0.16	4.29E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RP1-202O8.2</b>	-0.09	6.48E-01	0.01	9.45E-01
<b>RP11-1046B16.3</b>	0.11	5.66E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RP11-134L10.1</b>	0.12	5.41E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RP11-360F5.3</b>	0.09	6.34E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RP11-391L3.5</b>	0.23	2.45E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RP11-430G17.3</b>	-0.14	4.66E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RP11-629B11.5</b>	0.12	5.36E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RP11-74C1.2</b>	-0.04	8.59E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RP3-331H24.7</b>	-0.13	5.10E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RP3-412A9.16</b>	0.08	6.99E-01	-0.01	9.45E-01
<b>RP4-616B8.6</b>	-0.10	6.00E-01	-0.01	9.45E-01
<b>SEC63P1</b>	0.23	2.41E-01	-0.01	9.45E-01
<b>SPATA13-AS1</b>	-0.05	8.01E-01	-0.01	9.45E-01
<b>STAB2</b>	0.13	5.09E-01	0.01	9.45E-01
<b>SULT1B1</b>	0.40	3.41E-02	-0.01	9.45E-01
<b>TPM3P6</b>	0.01	9.60E-01	0.01	9.45E-01

TRA2B	0.00	9.85E-01	0.01	9.45E-01
TUSC7	-0.27	1.65E-01	-0.01	9.45E-01
USMG5	0.14	4.75E-01	0.01	9.45E-01
AC011406.2	0.05	8.16E-01	0.01	9.46E-01
AC012593.1	0.03	8.93E-01	-0.01	9.46E-01
ADAMTS3	0.10	6.15E-01	-0.01	9.46E-01
AKAP2	-0.17	3.96E-01	0.01	9.46E-01
ATP5G1	0.04	8.43E-01	-0.01	9.46E-01
B9D2	-0.12	5.29E-01	-0.01	9.46E-01
C1orf226	0.02	9.25E-01	0.01	9.46E-01
C6orf136	-0.07	7.16E-01	-0.01	9.46E-01
C9orf173-AS1	-0.23	2.39E-01	0.01	9.46E-01
CABIN1	-0.08	6.82E-01	0.01	9.46E-01
CICP14	0.25	1.94E-01	-0.01	9.46E-01
CLGN	-0.03	8.82E-01	0.01	9.46E-01
CTD-2619J13.9	0.20	3.14E-01	0.01	9.46E-01
CYC1	0.13	5.19E-01	0.01	9.46E-01
DNAJC8	0.06	7.64E-01	-0.01	9.46E-01
FAM114A2	0.13	5.12E-01	0.01	9.46E-01
GALNT8	-0.17	3.82E-01	0.01	9.46E-01
GGNBP2	-0.27	1.62E-01	-0.01	9.46E-01
INPP5D	0.05	8.14E-01	0.01	9.46E-01
LAMB3	0.09	6.63E-01	-0.01	9.46E-01
RAB36	0.15	4.41E-01	0.01	9.46E-01
RBX1	0.13	5.22E-01	-0.01	9.46E-01
RN7SKP110	-0.15	4.31E-01	-0.01	9.46E-01
RNU4-42P	0.10	6.31E-01	-0.01	9.46E-01
RP11-3N13.2	0.00	9.93E-01	0.01	9.46E-01
RP11-440D17.3	-0.02	9.22E-01	0.01	9.46E-01
RP11-467D18.2	-0.03	8.89E-01	-0.01	9.46E-01
RP11-48G14.1	-0.05	8.18E-01	0.01	9.46E-01
RP11-496H1.1	0.07	7.13E-01	0.01	9.46E-01
RP11-528A10.2	0.29	1.36E-01	-0.01	9.46E-01
RP11-620J15.3	-0.06	7.54E-01	0.01	9.46E-01
RP11-778D9.13	-0.16	4.14E-01	0.01	9.46E-01
RP11-92G12.3	-0.19	3.36E-01	0.01	9.46E-01
RP4-761J14.10	0.17	3.92E-01	0.01	9.46E-01
SNHG15	0.10	6.29E-01	-0.01	9.46E-01
TFG	0.07	7.30E-01	0.01	9.46E-01
TMEM251	0.20	3.00E-01	-0.01	9.46E-01
TSC1	-0.15	4.44E-01	0.01	9.46E-01
TSPAN18	0.06	7.51E-01	-0.01	9.46E-01
TSPY26P	-0.23	2.31E-01	0.01	9.46E-01
UMAD1	-0.12	5.44E-01	-0.01	9.46E-01
XLOC_005502	-0.01	9.40E-01	-0.01	9.46E-01
AC009951.2	0.16	4.30E-01	0.01	9.47E-01
ADGRE3	0.09	6.60E-01	0.01	9.47E-01

AP3B1	-0.04	8.54E-01	-0.01	9.47E-01
CCDC150	-0.05	8.19E-01	-0.01	9.47E-01
CCDC188	-0.19	3.27E-01	-0.01	9.47E-01
CLTC	0.05	7.93E-01	0.01	9.47E-01
CTC-260E6.3	0.08	6.87E-01	0.01	9.47E-01
CTD-2293H3.1	-0.03	8.93E-01	-0.01	9.47E-01
CXCL12	-0.19	3.26E-01	-0.01	9.47E-01
DAD1	-0.02	9.23E-01	-0.01	9.47E-01
DEPDC1B	0.26	1.79E-01	-0.01	9.47E-01
FAM222A	0.23	2.34E-01	0.01	9.47E-01
G23125	0.02	9.24E-01	0.01	9.47E-01
IGHV1-2	0.34	7.54E-02	0.01	9.47E-01
KDM4D	0.04	8.29E-01	0.01	9.47E-01
MIR181A2	-0.31	1.08E-01	0.01	9.47E-01
PRPF19	0.10	6.04E-01	-0.01	9.47E-01
PSMB4	0.08	6.93E-01	0.01	9.47E-01
RBSN	0.01	9.74E-01	0.01	9.47E-01
RP11-1008C21.2	-0.08	6.94E-01	-0.01	9.47E-01
RP11-1060G2.2	-0.09	6.41E-01	-0.01	9.47E-01
RP11-468E2.4	0.03	8.80E-01	-0.01	9.47E-01
RP11-849H4.4	-0.31	1.11E-01	0.01	9.47E-01
RP3-370M22.8	-0.04	8.21E-01	0.01	9.47E-01
RQCD1	0.13	5.04E-01	0.01	9.47E-01
TH	-0.11	5.92E-01	0.01	9.47E-01
TTC9C	-0.04	8.45E-01	0.01	9.47E-01
VWA7	-0.22	2.64E-01	-0.01	9.47E-01
XLOC_005944	0.12	5.44E-01	0.01	9.47E-01
ZNF512B	0.14	4.93E-01	0.01	9.47E-01
ZSCAN23	-0.22	2.66E-01	-0.01	9.47E-01
AC092168.2	0.11	5.71E-01	0.01	9.48E-01
BRWD1-IT1	-0.08	6.95E-01	-0.01	9.48E-01
BX255923.1	-0.22	2.58E-01	0.01	9.48E-01
CASZ1	-0.08	6.79E-01	-0.01	9.48E-01
CHEK1	0.09	6.53E-01	0.01	9.48E-01
COPRS	0.03	8.78E-01	-0.01	9.48E-01
CPD	0.20	2.98E-01	-0.01	9.48E-01
CTB-119C2.1	-0.01	9.43E-01	-0.01	9.48E-01
EEF1DP3	-0.06	7.62E-01	0.01	9.48E-01
FAM120A	0.12	5.40E-01	0.01	9.48E-01
FDPS2	0.12	5.49E-01	-0.01	9.48E-01
G913	-0.35	6.61E-02	0.01	9.48E-01
MIR3927	-0.35	6.52E-02	0.01	9.48E-01
MOV10	0.09	6.35E-01	-0.01	9.48E-01
MRPL40P1	-0.12	5.59E-01	0.01	9.48E-01
NEK5	0.10	6.18E-01	-0.01	9.48E-01
RNU6-406P	0.09	6.34E-01	0.01	9.48E-01
RNU6-981P	0.11	5.90E-01	0.01	9.48E-01



RP1-142L7.5	-0.40	3.51E-02	0.01	9.48E-01
RP11-326C3.2	0.21	2.93E-01	0.01	9.48E-01
RP11-3D4.2	0.01	9.68E-01	-0.01	9.48E-01
RP11-505K9.5	-0.10	6.02E-01	0.01	9.48E-01
RPL23AP4	0.11	5.68E-01	-0.01	9.48E-01
RPS19P3	0.24	2.23E-01	0.01	9.48E-01
SNRPG	0.04	8.52E-01	0.01	9.48E-01
TMEM252	-0.29	1.31E-01	-0.01	9.48E-01
TMEM98	-0.12	5.38E-01	0.01	9.48E-01
UNC50	0.06	7.64E-01	0.01	9.48E-01
WDR27	-0.32	9.87E-02	0.01	9.48E-01
WDR45BP1	-0.01	9.63E-01	0.01	9.48E-01
ZNF215	0.11	5.83E-01	0.01	9.48E-01
AC005954.3	-0.05	7.83E-01	0.01	9.49E-01
AC011524.1	-0.31	1.06E-01	0.01	9.49E-01
AC092620.3	0.04	8.36E-01	-0.01	9.49E-01
ACRC	-0.14	4.79E-01	-0.01	9.49E-01
ASGR1	-0.17	3.84E-01	0.01	9.49E-01
CTD-2026K11.2	0.00	9.98E-01	0.01	9.49E-01
EFCAB14	0.05	8.11E-01	-0.01	9.49E-01
F8	0.05	7.95E-01	0.01	9.49E-01
FNDC9	-0.20	3.09E-01	0.01	9.49E-01
G356	-0.18	3.47E-01	0.01	9.49E-01
GPBP1L1	0.00	9.87E-01	-0.01	9.49E-01
GPNMB	0.15	4.58E-01	0.01	9.49E-01
LINC00116	0.31	1.05E-01	0.01	9.49E-01
MAGI2	-0.32	1.02E-01	0.01	9.49E-01
MATN2	0.11	5.83E-01	-0.01	9.49E-01
METTL2B	-0.02	9.18E-01	0.01	9.49E-01
MTND5P2	0.05	7.94E-01	0.01	9.49E-01
NOC2L	0.10	6.23E-01	0.01	9.49E-01
POLRMTP1	-0.01	9.78E-01	-0.01	9.49E-01
PVRL4	-0.05	7.84E-01	-0.01	9.49E-01
TBC1D31	0.33	8.34E-02	0.01	9.49E-01
TCF3	0.19	3.46E-01	-0.01	9.49E-01
TNK2	-0.14	4.66E-01	0.01	9.49E-01
TTC7A	-0.19	3.34E-01	0.01	9.49E-01
TYMSOS	0.17	3.79E-01	-0.01	9.49E-01
XXYL1	0.39	3.76E-02	-0.01	9.49E-01
YLPM1	-0.02	9.35E-01	-0.01	9.49E-01
ZNF543	0.27	1.73E-01	-0.01	9.49E-01
snoU2_19	-0.18	3.58E-01	0.01	9.49E-01
AC022558.1	0.15	4.41E-01	-0.01	9.51E-01
AC159540.1	-0.23	2.31E-01	-0.01	9.51E-01
AL391384.1	-0.21	2.91E-01	-0.01	9.51E-01
CENPP	-0.11	5.64E-01	-0.01	9.51E-01
CRIP3	-0.11	5.92E-01	-0.01	9.51E-01

HDAC1P2	-0.24	2.21E-01	-0.01	9.51E-01
KRTAP9-9	-0.12	5.27E-01	-0.01	9.51E-01
RGS18	0.16	4.16E-01	-0.01	9.51E-01
RNU6-446P	-0.02	9.26E-01	-0.01	9.51E-01
RP1-79C4.4	-0.32	9.59E-02	-0.01	9.51E-01
RP11-119B16.2	-0.20	3.16E-01	-0.01	9.51E-01
RP11-810D13.1	-0.11	5.71E-01	-0.01	9.51E-01
SNRPEP4	0.00	9.87E-01	-0.01	9.51E-01
TRAJ4	0.18	3.66E-01	-0.01	9.51E-01
ATPAF1	0.18	3.60E-01	0.01	9.51E-01
CAP2P1	-0.05	7.87E-01	0.01	9.51E-01
G2136	0.06	7.81E-01	0.01	9.51E-01
HNRNPA3P2	0.13	5.10E-01	0.01	9.51E-01
IGFBP7	-0.11	5.66E-01	0.01	9.51E-01
IL18R1	0.02	9.24E-01	0.01	9.51E-01
LIMS1	0.12	5.36E-01	0.01	9.51E-01
LOXL3	0.17	4.00E-01	0.01	9.51E-01
MBOAT1	-0.03	8.81E-01	0.01	9.51E-01
MIR365A	0.16	4.19E-01	0.01	9.51E-01
PHB2	0.11	5.70E-01	0.01	9.51E-01
PMS2	-0.07	7.30E-01	0.01	9.51E-01
PRPF31	0.14	4.67E-01	0.01	9.51E-01
RN7SL463P	-0.07	7.15E-01	0.01	9.51E-01
RP11-110G21.1	0.32	9.81E-02	0.01	9.51E-01
RP11-111M22.2	-0.25	2.07E-01	0.01	9.51E-01
RP11-379C10.4	-0.04	8.49E-01	0.01	9.51E-01
RP11-46C24.7	0.19	3.22E-01	0.01	9.51E-01
RP11-566K19.6	0.00	9.87E-01	0.01	9.51E-01
SMDT1	-0.10	6.01E-01	0.01	9.51E-01
TMEFF2	-0.12	5.42E-01	0.01	9.51E-01
ZNRF2P1	0.08	6.78E-01	0.01	9.51E-01
AF178030.2	0.32	1.02E-01	0.01	9.52E-01
AK2	0.17	3.90E-01	0.01	9.52E-01
ATN1	-0.04	8.21E-01	0.01	9.52E-01
ATP5E	0.11	5.87E-01	0.01	9.52E-01
ATP5L	0.10	6.11E-01	0.01	9.52E-01
DCLRE1C	0.20	3.20E-01	0.01	9.52E-01
KATNBL1P2	-0.01	9.70E-01	0.01	9.52E-01
LINC00596	-0.04	8.27E-01	0.01	9.52E-01
LINC00630	-0.25	2.04E-01	0.01	9.52E-01
MAPKAP1	-0.04	8.24E-01	0.01	9.52E-01
MRPL15	0.04	8.39E-01	0.01	9.52E-01
NOXRED1	-0.12	5.55E-01	0.01	9.52E-01
NRBP2	0.06	7.62E-01	0.01	9.52E-01
PIGN	0.01	9.61E-01	0.01	9.52E-01
RNF144A-AS1	-0.23	2.36E-01	0.01	9.52E-01
RP1-257C22.2	0.03	8.79E-01	0.01	9.52E-01

RP4-607I7.1	-0.06	7.73E-01	0.01	9.52E-01
TBL1XR1-AS1	-0.03	8.94E-01	0.01	9.52E-01
XLOC_013178	-0.06	7.80E-01	0.01	9.52E-01
ATP6AP2	0.12	5.27E-01	-0.01	9.52E-01
C19orf35	0.17	3.73E-01	-0.01	9.52E-01
CTC-348L5.1	0.21	2.91E-01	-0.01	9.52E-01
CTD-3138B18.6	0.29	1.32E-01	-0.01	9.52E-01
EIF4ENIF1	-0.14	4.72E-01	-0.01	9.52E-01
G9256	-0.17	3.96E-01	-0.01	9.52E-01
NTPCR	0.13	5.23E-01	-0.01	9.52E-01
OMD	-0.24	2.21E-01	-0.01	9.52E-01
OR7E14P	-0.04	8.22E-01	-0.01	9.52E-01
RNF169	0.11	5.75E-01	-0.01	9.52E-01
RP1-209B5.2	-0.18	3.54E-01	-0.01	9.52E-01
RP11-248M19.1	-0.43	2.09E-02	-0.01	9.52E-01
RP11-334L9.1	0.21	2.93E-01	-0.01	9.52E-01
RP11-53B2.3	-0.14	4.93E-01	-0.01	9.52E-01
RP11-73M18.11	-0.24	2.24E-01	-0.01	9.52E-01
RP11-768G7.2	-0.10	6.15E-01	-0.01	9.52E-01
RP11-876N24.4	0.05	8.11E-01	-0.01	9.52E-01
RP4-539M6.14	-0.13	5.01E-01	-0.01	9.52E-01
RRH	0.06	7.77E-01	-0.01	9.52E-01
SLC17A7	-0.16	4.19E-01	-0.01	9.52E-01
TEX10	0.08	6.94E-01	-0.01	9.52E-01
TOP2B	0.22	2.58E-01	-0.01	9.52E-01
TRIM74	0.00	9.81E-01	-0.01	9.52E-01
XLOC_001110	0.01	9.45E-01	-0.01	9.52E-01
AC006042.8	-0.22	2.62E-01	0.01	9.53E-01
AC091492.2	-0.06	7.46E-01	0.01	9.53E-01
ATP6V1E1	-0.06	7.62E-01	0.01	9.53E-01
C19orf12	0.23	2.46E-01	0.01	9.53E-01
CPVL	0.14	4.63E-01	-0.01	9.53E-01
CSNK2B	0.01	9.75E-01	-0.01	9.53E-01
CSPG4	-0.29	1.33E-01	-0.01	9.53E-01
CTA-363E19.2	-0.30	1.20E-01	-0.01	9.53E-01
CTB-113D17.1	0.06	7.52E-01	-0.01	9.53E-01
CYP26B1	-0.27	1.57E-01	-0.01	9.53E-01
DDX50	0.20	3.15E-01	-0.01	9.53E-01
DYNC1I2P1	-0.14	4.91E-01	0.01	9.53E-01
FAM49B	0.36	6.18E-02	-0.01	9.53E-01
GNG10	0.06	7.70E-01	-0.01	9.53E-01
GP1BA	0.06	7.45E-01	-0.01	9.53E-01
IL36B	0.03	8.92E-01	0.01	9.53E-01
KRTAP9-7	-0.06	7.67E-01	0.01	9.53E-01
LARS2-AS1	-0.15	4.54E-01	-0.01	9.53E-01
LL21NC02-21A1.1	-0.38	4.85E-02	0.01	9.53E-01
LYRM9	-0.05	8.14E-01	0.01	9.53E-01

MIR320B2	-0.13	5.25E-01	0.01	9.53E-01
MRPL9	0.05	8.12E-01	0.01	9.53E-01
OR2R1P	-0.14	4.72E-01	0.01	9.53E-01
PUM3	0.22	2.63E-01	0.01	9.53E-01
RBMS1P1	0.10	6.03E-01	0.01	9.53E-01
RP11-1113N2.4	-0.08	6.85E-01	0.01	9.53E-01
RP11-34P13.13	0.00	9.94E-01	0.01	9.53E-01
RP4-539M6.21	-0.11	5.74E-01	-0.01	9.53E-01
SCN3B	-0.22	2.71E-01	-0.01	9.53E-01
TNFSF12	-0.33	8.16E-02	-0.01	9.53E-01
TXNDC12	-0.15	4.60E-01	0.01	9.53E-01
USP17L7	0.13	5.19E-01	0.01	9.53E-01
XLOC_003803	-0.36	5.66E-02	0.01	9.53E-01
XLOC_012016	-0.32	9.81E-02	-0.01	9.53E-01
ZNF165	-0.09	6.57E-01	-0.01	9.53E-01
AC006539.3	-0.19	3.31E-01	0.01	9.54E-01
AC096579.13	0.06	7.54E-01	-0.01	9.54E-01
AC098828.2	0.00	9.92E-01	0.01	9.54E-01
ADGRG6	0.07	7.36E-01	-0.01	9.54E-01
ADGRV1	0.12	5.46E-01	0.01	9.54E-01
AGFG1	0.30	1.20E-01	-0.01	9.54E-01
CTB-50L17.16	-0.09	6.46E-01	-0.01	9.54E-01
DPP9-AS1	-0.03	8.99E-01	0.01	9.54E-01
ECI1	-0.06	7.68E-01	0.01	9.54E-01
EML6	0.00	9.97E-01	0.01	9.54E-01
GALR1	-0.10	6.11E-01	-0.01	9.54E-01
GAS2L3	0.02	9.27E-01	0.01	9.54E-01
GSTT2B	-0.10	6.26E-01	-0.01	9.54E-01
JARID2-AS1	0.02	9.31E-01	-0.01	9.54E-01
KIF4A	0.07	7.22E-01	0.01	9.54E-01
KLHL17	-0.06	7.81E-01	0.01	9.54E-01
MBLAC1	0.28	1.44E-01	-0.01	9.54E-01
MIR4432HG	-0.10	6.21E-01	0.01	9.54E-01
MRPL24	0.03	8.78E-01	0.01	9.54E-01
MTX3	0.00	9.88E-01	0.01	9.54E-01
NDUFA6	-0.11	5.82E-01	-0.01	9.54E-01
PCP2	0.16	4.03E-01	-0.01	9.54E-01
RN7SL409P	0.26	1.88E-01	-0.01	9.54E-01
RP11-11N9.4	-0.31	1.08E-01	0.01	9.54E-01
RP11-155O18.6	-0.04	8.56E-01	-0.01	9.54E-01
RP11-324D17.2	-0.16	4.13E-01	0.01	9.54E-01
RP11-332H18.5	-0.08	6.89E-01	0.01	9.54E-01
RP11-556O9.3	-0.31	1.05E-01	0.01	9.54E-01
RP11-73M7.6	-0.48	1.05E-02	-0.01	9.54E-01
RP3-426I6.5	-0.33	8.37E-02	-0.01	9.54E-01
RP4-791M13.3	0.13	5.22E-01	-0.01	9.54E-01
RPL23AP95	-0.18	3.72E-01	-0.01	9.54E-01

<b>SDF2L1</b>	-0.01	9.63E-01	-0.01	9.54E-01
<b>SERPINH1P1</b>	-0.17	3.89E-01	0.01	9.54E-01
<b>SNORD11</b>	-0.09	6.65E-01	-0.01	9.54E-01
<b>TBX2-AS1</b>	-0.15	4.58E-01	0.01	9.54E-01
<b>TP73-AS1</b>	0.15	4.58E-01	-0.01	9.54E-01
<b>ZNF503-AS1</b>	0.15	4.36E-01	-0.01	9.54E-01
<b>ZNF611</b>	-0.04	8.42E-01	-0.01	9.54E-01
<b>ATE1-AS1</b>	-0.02	9.02E-01	-0.01	9.55E-01
<b>CLN8</b>	0.21	2.75E-01	-0.01	9.55E-01
<b>FANCA</b>	-0.13	5.22E-01	-0.01	9.55E-01
<b>FOXI1</b>	-0.24	2.14E-01	-0.01	9.55E-01
<b>GTDC1</b>	0.04	8.36E-01	-0.01	9.55E-01
<b>LIMD1-AS1</b>	-0.16	4.30E-01	-0.01	9.55E-01
<b>MYO6</b>	-0.24	2.10E-01	-0.01	9.55E-01
<b>NEO1</b>	0.10	6.30E-01	-0.01	9.55E-01
<b>RP11-390F4.6</b>	0.16	4.12E-01	-0.01	9.55E-01
<b>RP13-16H11.8</b>	0.10	6.19E-01	-0.01	9.55E-01
<b>RP3-395M20.12</b>	-0.17	3.93E-01	-0.01	9.55E-01
<b>STAMBPL1</b>	0.36	6.11E-02	-0.01	9.55E-01
<b>TMEM106C</b>	-0.01	9.46E-01	-0.01	9.55E-01
<b>TMEM132E</b>	-0.04	8.21E-01	-0.01	9.55E-01
<b>TYMS</b>	-0.21	2.77E-01	-0.01	9.55E-01
<b>ZNF514</b>	-0.19	3.34E-01	-0.01	9.55E-01
<b>ZSCAN16-AS1</b>	-0.12	5.58E-01	-0.01	9.55E-01
<b>C11orf1</b>	-0.05	7.94E-01	0.01	9.55E-01
<b>C1orf174</b>	0.07	7.22E-01	0.01	9.55E-01
<b>CALR</b>	0.25	2.03E-01	0.01	9.55E-01
<b>CCDC151</b>	-0.16	4.24E-01	0.01	9.55E-01
<b>DDX55</b>	-0.23	2.41E-01	0.01	9.55E-01
<b>FAM225A</b>	0.10	6.12E-01	0.01	9.55E-01
<b>G26249</b>	0.18	3.69E-01	0.01	9.55E-01
<b>GOLGA8H</b>	-0.06	7.51E-01	0.01	9.55E-01
<b>GTF2IRD2P1</b>	-0.18	3.57E-01	0.01	9.55E-01
<b>MRGBP</b>	0.15	4.49E-01	0.01	9.55E-01
<b>MTND6P5</b>	-0.07	7.36E-01	0.01	9.55E-01
<b>RNU6-135P</b>	0.10	6.26E-01	0.01	9.55E-01
<b>RNU6-353P</b>	0.14	4.63E-01	0.01	9.55E-01
<b>RP1-43E13.2</b>	-0.19	3.22E-01	0.01	9.55E-01
<b>RP11-110L15.2</b>	-0.19	3.29E-01	0.01	9.55E-01
<b>RP11-131M11.3</b>	-0.17	3.75E-01	0.01	9.55E-01
<b>RP11-274B21.10</b>	-0.04	8.43E-01	0.01	9.55E-01
<b>RP11-359J14.2</b>	-0.29	1.34E-01	0.01	9.55E-01
<b>RP11-527F13.1</b>	-0.11	5.75E-01	0.01	9.55E-01
<b>RPGRIP1</b>	0.07	7.42E-01	0.01	9.55E-01
<b>RTEL1P1</b>	-0.25	1.94E-01	0.01	9.55E-01
<b>YARS2</b>	0.13	5.10E-01	0.01	9.55E-01
<b>AC008781.7</b>	0.02	9.14E-01	-0.01	9.57E-01

<b>AC009120.4</b>	-0.13	5.22E-01	-0.01	9.57E-01
<b>C2orf27A</b>	0.21	2.85E-01	-0.01	9.57E-01
<b>C7orf31</b>	0.28	1.51E-01	0.01	9.57E-01
<b>CTB-13F3.1</b>	0.00	9.96E-01	0.01	9.57E-01
<b>CTC-559E9.9</b>	-0.16	4.26E-01	-0.01	9.57E-01
<b>CYB5R1</b>	0.16	4.24E-01	-0.01	9.57E-01
<b>EMC7</b>	0.00	9.94E-01	-0.01	9.57E-01
<b>ENPP7P7</b>	-0.14	4.66E-01	-0.01	9.57E-01
<b>FH</b>	0.03	8.79E-01	0.01	9.57E-01
<b>GGNBP1</b>	-0.06	7.78E-01	-0.01	9.57E-01
<b>KISS1R</b>	0.14	4.79E-01	-0.01	9.57E-01
<b>LXN</b>	-0.20	3.13E-01	-0.01	9.57E-01
<b>METTL17</b>	-0.04	8.48E-01	-0.01	9.57E-01
<b>MIR621</b>	-0.04	8.52E-01	-0.01	9.57E-01
<b>MT-ND5</b>	0.22	2.52E-01	-0.01	9.57E-01
<b>NPM3</b>	0.13	5.26E-01	0.01	9.57E-01
<b>PABPC1P3</b>	-0.39	3.92E-02	-0.01	9.57E-01
<b>RASGEF1C</b>	-0.16	4.04E-01	-0.01	9.57E-01
<b>RP11-304L19.11</b>	-0.17	3.86E-01	-0.01	9.57E-01
<b>RP11-385D13.3</b>	-0.05	8.09E-01	0.01	9.57E-01
<b>RP11-506H20.1</b>	0.16	4.24E-01	0.01	9.57E-01
<b>RP11-62C7.2</b>	0.21	2.81E-01	-0.01	9.57E-01
<b>RP4-613B23.1</b>	0.15	4.39E-01	0.01	9.57E-01
<b>SAPCD2</b>	0.01	9.61E-01	-0.01	9.57E-01
<b>SLC27A1</b>	-0.08	6.78E-01	0.01	9.57E-01
<b>SPDYE1</b>	-0.16	4.27E-01	-0.01	9.57E-01
<b>STARD9</b>	-0.22	2.70E-01	0.01	9.57E-01
<b>SUGT1P2</b>	-0.31	1.06E-01	-0.01	9.57E-01
<b>SUPT20H</b>	-0.16	4.25E-01	-0.01	9.57E-01
<b>TGOLN2</b>	-0.09	6.65E-01	0.01	9.57E-01
<b>TSPAN14</b>	0.19	3.23E-01	0.01	9.57E-01
<b>UBFD1</b>	0.13	5.01E-01	-0.01	9.57E-01
<b>UCN</b>	-0.13	5.13E-01	0.01	9.57E-01
<b>ZNF385B</b>	-0.25	1.95E-01	0.01	9.57E-01
<b>ACADS</b>	0.48	9.14E-03	-0.01	9.58E-01
<b>AKNA</b>	0.06	7.71E-01	0.01	9.58E-01
<b>BEGAIN</b>	-0.03	8.99E-01	-0.01	9.58E-01
<b>CTA-984G1.5</b>	0.18	3.58E-01	-0.01	9.58E-01
<b>CTC-575D19.1</b>	-0.17	3.81E-01	-0.01	9.58E-01
<b>CTD-2349P21.11</b>	-0.02	9.04E-01	-0.01	9.58E-01
<b>CTD-2587H24.10</b>	-0.01	9.71E-01	-0.01	9.58E-01
<b>FDX1P1</b>	0.33	8.95E-02	0.01	9.58E-01
<b>HSD17B4</b>	0.19	3.24E-01	-0.01	9.58E-01
<b>KDELC1</b>	0.05	8.04E-01	-0.01	9.58E-01
<b>KRT83</b>	-0.25	1.96E-01	-0.01	9.58E-01
<b>LINC01021</b>	-0.01	9.50E-01	0.01	9.58E-01
<b>MFAP3L</b>	0.01	9.55E-01	0.01	9.58E-01

MRPS18A	0.07	7.19E-01	0.01	9.58E-01
NME2	0.00	9.98E-01	0.01	9.58E-01
NOP16	0.20	3.12E-01	0.01	9.58E-01
PPIH	0.21	2.90E-01	-0.01	9.58E-01
PXDC1	0.03	8.76E-01	-0.01	9.58E-01
RNA5SP268	-0.12	5.58E-01	0.01	9.58E-01
RP11-13J8.1	-0.22	2.58E-01	-0.01	9.58E-01
RP11-313P22.1	0.15	4.39E-01	-0.01	9.58E-01
RP11-381N20.2	-0.02	9.36E-01	-0.01	9.58E-01
RP11-415I12.3	0.12	5.51E-01	0.01	9.58E-01
RP11-544M22.8	-0.08	6.77E-01	-0.01	9.58E-01
RP11-703I16.1	0.06	7.80E-01	0.01	9.58E-01
RP11-727F15.13	-0.09	6.57E-01	-0.01	9.58E-01
RPL10	0.18	3.58E-01	0.01	9.58E-01
SCIMP	0.25	1.94E-01	-0.01	9.58E-01
SEC22C	0.12	5.30E-01	-0.01	9.58E-01
SNX15	-0.06	7.46E-01	-0.01	9.58E-01
STMN1P1	0.15	4.59E-01	-0.01	9.58E-01
TCF4-AS1	0.14	4.64E-01	-0.01	9.58E-01
THOC5	-0.03	8.81E-01	0.01	9.58E-01
TMIGD3	0.21	2.81E-01	0.01	9.58E-01
TNFRSF12A	0.01	9.47E-01	-0.01	9.58E-01
TOR1AIP1	0.18	3.57E-01	-0.01	9.58E-01
UBTF	-0.28	1.44E-01	-0.01	9.58E-01
VAPA	0.24	2.11E-01	-0.01	9.58E-01
WWTR1-AS1	-0.20	3.03E-01	0.01	9.58E-01
XLOC_001124	-0.19	3.39E-01	0.01	9.58E-01
XLOC_008618	-0.35	6.89E-02	-0.01	9.58E-01
XLOC_011805	-0.13	5.15E-01	0.01	9.58E-01
AASDH	0.06	7.57E-01	-0.01	9.59E-01
AIDA	-0.06	7.75E-01	-0.01	9.59E-01
AMN1	0.25	1.99E-01	0.01	9.59E-01
ATP2B3	-0.38	4.85E-02	-0.01	9.59E-01
BSG	0.21	2.89E-01	0.01	9.59E-01
CCDC67	0.12	5.36E-01	0.01	9.59E-01
CLSPN	-0.03	8.93E-01	-0.01	9.59E-01
COL3A1	-0.05	7.95E-01	-0.01	9.59E-01
COMMD3	-0.10	5.96E-01	-0.01	9.59E-01
CTB-129P6.7	-0.14	4.66E-01	0.01	9.59E-01
FAM168B	0.27	1.72E-01	0.01	9.59E-01
FHIT	-0.15	4.34E-01	0.01	9.59E-01
FOXQ1	-0.11	5.73E-01	0.01	9.59E-01
HIST1H2AM	-0.05	7.89E-01	0.01	9.59E-01
HIST1H3J	-0.05	7.92E-01	0.01	9.59E-01
KIAA0907	-0.18	3.52E-01	-0.01	9.59E-01
LPCAT4	-0.18	3.64E-01	-0.01	9.59E-01
LY75	0.09	6.62E-01	0.01	9.59E-01

NCL	0.02	9.15E-01	-0.01	9.59E-01
NKX3-2	0.06	7.51E-01	-0.01	9.59E-01
OTUD7A	-0.16	4.04E-01	0.01	9.59E-01
PFN2	0.08	6.98E-01	-0.01	9.59E-01
PUS7L	0.20	2.99E-01	0.01	9.59E-01
RBM34	0.34	7.64E-02	0.01	9.59E-01
RECK	-0.14	4.80E-01	-0.01	9.59E-01
REEP5	-0.01	9.42E-01	0.01	9.59E-01
RNU1-85P	-0.10	6.30E-01	0.01	9.59E-01
RP11-173B14.4	0.15	4.58E-01	-0.01	9.59E-01
RP11-443B20.1	0.32	9.42E-02	0.01	9.59E-01
RP11-81A22.5	0.01	9.68E-01	-0.01	9.59E-01
RPL12P24	0.06	7.72E-01	0.01	9.59E-01
RPL7P17	-0.33	8.16E-02	0.01	9.59E-01
RTEL1	-0.48	9.70E-03	0.01	9.59E-01
SF3B6	0.15	4.37E-01	-0.01	9.59E-01
SNRPD2	-0.02	9.06E-01	-0.01	9.59E-01
SPATA20	-0.27	1.66E-01	0.01	9.59E-01
SPDYE2	-0.21	2.82E-01	0.01	9.59E-01
SRGAP3-AS2	-0.07	7.10E-01	0.01	9.59E-01
TMEM219	-0.15	4.54E-01	0.01	9.59E-01
TPM3	-0.01	9.56E-01	-0.01	9.59E-01
XLOC_003364	-0.04	8.33E-01	-0.01	9.59E-01
ZBED3	-0.01	9.70E-01	0.01	9.59E-01
ZNF197-AS1	0.06	7.77E-01	0.01	9.59E-01
AEBP1	-0.21	2.81E-01	-0.01	9.60E-01
C8orf37-AS1	-0.07	7.30E-01	-0.01	9.60E-01
CTNNA3	-0.08	6.89E-01	0.01	9.60E-01
FAM225B	-0.25	1.92E-01	-0.01	9.60E-01
FOLR3	-0.05	8.18E-01	0.01	9.60E-01
HIST1H2BD	-0.11	5.85E-01	0.01	9.60E-01
HMG5	-0.29	1.36E-01	-0.01	9.60E-01
LINC00032	-0.17	3.74E-01	0.01	9.60E-01
LINC00511	-0.01	9.55E-01	-0.01	9.60E-01
MRPL52	0.13	5.26E-01	0.01	9.60E-01
ORAI2	-0.12	5.44E-01	0.01	9.60E-01
PLA2G4B	0.18	3.53E-01	0.01	9.60E-01
PTPDC1	-0.14	4.88E-01	0.01	9.60E-01
R3HCC1	0.00	9.92E-01	0.01	9.60E-01
RASSF5	-0.03	8.90E-01	0.01	9.60E-01
RIC1	0.24	2.21E-01	-0.01	9.60E-01
RNU6-1318P	-0.27	1.65E-01	-0.01	9.60E-01
ROR1	-0.30	1.15E-01	-0.01	9.60E-01
RP1-7G5.5	-0.01	9.71E-01	0.01	9.60E-01
RP11-402J7.2	0.23	2.47E-01	-0.01	9.60E-01
RP11-53B2.4	-0.02	9.14E-01	-0.01	9.60E-01
RP11-707P17.1	0.22	2.63E-01	-0.01	9.60E-01



RP11-713H12.2	-0.19	3.34E-01	-0.01	9.60E-01
RP3-437C15.1	-0.23	2.30E-01	-0.01	9.60E-01
RP6-91H8.3	0.33	9.12E-02	-0.01	9.60E-01
RPARP-AS1	0.07	7.29E-01	0.01	9.60E-01
RPL31P20	0.17	3.97E-01	-0.01	9.60E-01
SNX4	0.09	6.36E-01	0.01	9.60E-01
SPC24	0.22	2.66E-01	0.01	9.60E-01
SPOCD1	-0.24	2.22E-01	0.01	9.60E-01
SPRYD3	-0.11	5.66E-01	0.01	9.60E-01
SRRM1P3	-0.20	3.02E-01	-0.01	9.60E-01
STX1B	0.21	2.79E-01	0.01	9.60E-01
TRAJ19	-0.10	6.27E-01	-0.01	9.60E-01
XLOC_011429	-0.17	3.90E-01	-0.01	9.60E-01
ZNF146	0.13	5.02E-01	-0.01	9.60E-01
ADGB	-0.36	5.84E-02	-0.01	9.61E-01
ARHGAP21	-0.05	8.15E-01	-0.01	9.61E-01
BNIP3P11	0.19	3.27E-01	-0.01	9.61E-01
CD99L2	-0.14	4.91E-01	0.01	9.61E-01
CINP	0.09	6.50E-01	0.01	9.61E-01
CLPTM1L	0.12	5.34E-01	-0.01	9.61E-01
CTC-254B4.1	-0.03	8.65E-01	0.01	9.61E-01
CYB5B	0.16	4.09E-01	-0.01	9.61E-01
EPHA5-AS1	-0.48	1.01E-02	-0.01	9.61E-01
FAM200B	0.04	8.26E-01	0.01	9.61E-01
GPR156	-0.11	5.63E-01	-0.01	9.61E-01
HSBP1L1	-0.21	2.83E-01	0.01	9.61E-01
HSP90AB3P	0.09	6.39E-01	0.01	9.61E-01
LINC00319	0.04	8.30E-01	0.01	9.61E-01
MRPL14	0.10	6.22E-01	0.01	9.61E-01
MSH6	-0.07	7.18E-01	0.01	9.61E-01
PARP11	-0.14	4.80E-01	-0.01	9.61E-01
POP7	-0.08	6.93E-01	-0.01	9.61E-01
PRO1804	-0.12	5.35E-01	-0.01	9.61E-01
RAD9A	-0.09	6.32E-01	-0.01	9.61E-01
RECQL4	-0.05	8.02E-01	0.01	9.61E-01
RN7SL378P	-0.17	3.98E-01	-0.01	9.61E-01
RNA5SP33	0.05	7.97E-01	-0.01	9.61E-01
RNU6-890P	0.01	9.72E-01	0.01	9.61E-01
RP11-360F5.1	0.13	5.01E-01	-0.01	9.61E-01
RP11-540O11.8	-0.12	5.56E-01	-0.01	9.61E-01
RP11-563J2.2	-0.18	3.53E-01	-0.01	9.61E-01
RP11-693M3.1	0.01	9.67E-01	0.01	9.61E-01
RP11-793H13.12	-0.15	4.34E-01	0.01	9.61E-01
RP11-982M15.5	0.23	2.43E-01	-0.01	9.61E-01
RSBN1L	0.29	1.35E-01	0.01	9.61E-01
SAP30L-AS1	0.33	8.67E-02	0.01	9.61E-01
SLC25A15P2	-0.21	2.81E-01	0.01	9.61E-01

SLC26A2	0.07	7.20E-01	-0.01	9.61E-01
SNAPC5	-0.08	6.88E-01	0.01	9.61E-01
TCTEX1D1	0.07	7.05E-01	-0.01	9.61E-01
TTC34	-0.04	8.24E-01	-0.01	9.61E-01
ZNF333	-0.03	8.99E-01	-0.01	9.61E-01
ZNF436	0.08	6.96E-01	0.01	9.61E-01
ZNF74	0.13	4.95E-01	-0.01	9.61E-01
ADAM9	0.22	2.68E-01	-0.01	9.63E-01
ARHGAP31-AS1	-0.05	7.83E-01	0.01	9.63E-01
C2CD4D	-0.31	1.14E-01	-0.01	9.63E-01
CD1A	0.10	6.27E-01	-0.01	9.63E-01
CHAC2	0.11	5.70E-01	0.01	9.63E-01
COL4A2-AS2	-0.07	7.06E-01	-0.01	9.63E-01
CRTC1	-0.03	8.98E-01	-0.01	9.63E-01
DCUN1D1	-0.11	5.92E-01	0.01	9.63E-01
E2F3P1	0.02	9.31E-01	-0.01	9.63E-01
GAREML	-0.32	1.01E-01	-0.01	9.63E-01
GPR61	0.31	1.11E-01	-0.01	9.63E-01
HNRNPK	0.24	2.20E-01	0.01	9.63E-01
KCNU1	0.06	7.68E-01	0.01	9.63E-01
LINC00518	-0.05	8.13E-01	-0.01	9.63E-01
MAP3K12	-0.10	6.24E-01	-0.01	9.63E-01
MIR27A	-0.09	6.40E-01	-0.01	9.63E-01
MIR548A3	-0.22	2.65E-01	0.01	9.63E-01
MIRLET7DHG	-0.26	1.84E-01	0.01	9.63E-01
MST1L	-0.11	5.68E-01	-0.01	9.63E-01
RP4-633I8.4	0.17	3.81E-01	0.01	9.63E-01
SRRD	0.07	7.31E-01	-0.01	9.63E-01
THAP11	0.03	8.99E-01	-0.01	9.63E-01
TMX2	0.30	1.20E-01	0.01	9.63E-01
XCL2	0.15	4.49E-01	-0.01	9.63E-01
AC016586.1	-0.02	9.09E-01	0.01	9.64E-01
AC109826.1	-0.31	1.04E-01	0.01	9.64E-01
AC112198.1	-0.13	4.97E-01	0.01	9.64E-01
AC145110.1	-0.14	4.68E-01	-0.01	9.64E-01
AL133318.1	0.00	9.85E-01	-0.01	9.64E-01
ARFGEF1	-0.01	9.51E-01	-0.01	9.64E-01
C19orf48	0.10	6.03E-01	0.01	9.64E-01
CIRBP-AS1	0.00	9.83E-01	0.01	9.64E-01
DTNA	-0.06	7.71E-01	-0.01	9.64E-01
EMILIN1	-0.13	5.12E-01	-0.01	9.64E-01
GCSAML	0.16	4.07E-01	-0.01	9.64E-01
GUK1	0.15	4.33E-01	-0.01	9.64E-01
HIST1H3C	0.03	8.64E-01	0.01	9.64E-01
HSD17B7P2	0.15	4.54E-01	0.01	9.64E-01
HUS1	0.15	4.53E-01	-0.01	9.64E-01
KLHDC1	-0.36	6.26E-02	0.01	9.64E-01

KLHL36	-0.11	5.68E-01	0.01	9.64E-01
KRTAP9-3	-0.19	3.41E-01	-0.01	9.64E-01
MED4-AS1	-0.07	7.36E-01	-0.01	9.64E-01
METTL3	-0.08	6.68E-01	0.01	9.64E-01
MIR4728	-0.04	8.31E-01	-0.01	9.64E-01
NINJ1	-0.13	5.12E-01	-0.01	9.64E-01
OGFRP1	-0.01	9.56E-01	0.01	9.64E-01
PHKA1P1	-0.21	2.83E-01	-0.01	9.64E-01
POLHP1	0.40	3.56E-02	-0.01	9.64E-01
PRR14L	-0.02	9.32E-01	0.01	9.64E-01
PRR36	0.01	9.60E-01	0.01	9.64E-01
RBPJP7	0.00	9.89E-01	0.01	9.64E-01
RECQL5	-0.20	3.11E-01	0.01	9.64E-01
RP11-642D21.1	0.11	5.92E-01	0.01	9.64E-01
RP11-713N11.5	-0.15	4.43E-01	0.01	9.64E-01
RPL15P18	-0.18	3.55E-01	0.01	9.64E-01
RXFP1	-0.24	2.22E-01	0.01	9.64E-01
SMIM19	0.19	3.38E-01	0.01	9.64E-01
SNRNP70	-0.04	8.49E-01	0.01	9.64E-01
TBL1X	0.24	2.23E-01	0.01	9.64E-01
XLOC_000978	0.13	5.01E-01	0.01	9.64E-01
ZCCHC24	-0.20	3.05E-01	-0.01	9.64E-01
AC009495.2	0.13	4.95E-01	-0.01	9.65E-01
ADD2	-0.23	2.38E-01	0.01	9.65E-01
AP000473.8	0.05	8.00E-01	0.01	9.65E-01
ATP1B1	0.34	7.79E-02	-0.01	9.65E-01
CCDC102B	-0.12	5.29E-01	-0.01	9.65E-01
CST2	-0.22	2.69E-01	-0.01	9.65E-01
DCAF12L2	-0.40	3.44E-02	-0.01	9.65E-01
DDX3X	-0.02	9.00E-01	0.01	9.65E-01
DRICH1	0.05	7.86E-01	-0.01	9.65E-01
G4016	-0.25	2.07E-01	0.01	9.65E-01
HK2P1	0.09	6.62E-01	-0.01	9.65E-01
HNRNPKP4	-0.02	9.08E-01	0.01	9.65E-01
IL1RL2	0.18	3.49E-01	0.01	9.65E-01
INTS4P1	-0.12	5.42E-01	-0.01	9.65E-01
IQCK	-0.08	6.69E-01	-0.01	9.65E-01
ITPK1-AS1	0.05	8.09E-01	-0.01	9.65E-01
LAMTOR5P1	-0.08	6.90E-01	0.01	9.65E-01
MEDAG	-0.11	5.63E-01	-0.01	9.65E-01
METTL21C	0.27	1.72E-01	0.01	9.65E-01
NFKBIB	0.16	4.25E-01	-0.01	9.65E-01
NUDCD2	0.13	5.04E-01	0.01	9.65E-01
PRICKLE2-AS1	0.19	3.34E-01	0.01	9.65E-01
PSG10P	0.15	4.41E-01	0.01	9.65E-01
RB1	0.12	5.47E-01	0.01	9.65E-01
RN7SKP273	-0.18	3.68E-01	0.01	9.65E-01

<b>RN7SL258P</b>	0.11	5.87E-01	0.01	9.65E-01
<b>RNU7-84P</b>	-0.03	8.97E-01	-0.01	9.65E-01
<b>RP11-109P11.1</b>	0.04	8.40E-01	0.01	9.65E-01
<b>RP11-278C7.1</b>	-0.20	2.97E-01	0.01	9.65E-01
<b>RP11-319G9.5</b>	-0.10	6.26E-01	-0.01	9.65E-01
<b>RP11-483L5.1</b>	0.10	6.14E-01	0.01	9.65E-01
<b>RP11-686G8.5</b>	-0.04	8.25E-01	0.01	9.65E-01
<b>RP11-864J10.4</b>	-0.03	8.91E-01	0.01	9.65E-01
<b>RP3-465N24.5</b>	-0.03	8.86E-01	-0.01	9.65E-01
<b>RPL7AP6</b>	-0.01	9.61E-01	0.01	9.65E-01
<b>RPS6P16</b>	0.25	2.08E-01	-0.01	9.65E-01
<b>SMOC1</b>	-0.16	4.12E-01	0.01	9.65E-01
<b>SPACA6P-AS</b>	-0.11	5.62E-01	0.01	9.65E-01
<b>SPATA2</b>	0.12	5.37E-01	-0.01	9.65E-01
<b>TMEM74</b>	0.05	8.17E-01	0.01	9.65E-01
<b>TTC1</b>	0.03	8.67E-01	-0.01	9.65E-01
<b>ZBTB11</b>	0.11	5.89E-01	0.01	9.65E-01
<b>ZNF587</b>	0.37	5.58E-02	0.01	9.65E-01
<b>AC006129.2</b>	0.09	6.47E-01	-0.01	9.66E-01
<b>AC139103.1</b>	0.09	6.56E-01	0.01	9.66E-01
<b>AL450992.2</b>	-0.25	2.03E-01	0.01	9.66E-01
<b>API5P1</b>	-0.12	5.43E-01	-0.01	9.66E-01
<b>C18orf54</b>	-0.04	8.27E-01	0.01	9.66E-01
<b>CCDC79</b>	0.08	6.86E-01	0.01	9.66E-01
<b>CD22</b>	0.12	5.41E-01	0.01	9.66E-01
<b>CDC26</b>	0.18	3.71E-01	-0.01	9.66E-01
<b>CDCA4P1</b>	-0.11	5.84E-01	0.01	9.66E-01
<b>COX6CP10</b>	-0.28	1.48E-01	0.01	9.66E-01
<b>CTD-2575K13.6</b>	-0.39	4.21E-02	-0.01	9.66E-01
<b>CTD-3236F5.1</b>	-0.16	4.07E-01	-0.01	9.66E-01
<b>DAG1</b>	0.05	8.02E-01	0.01	9.66E-01
<b>DCAF8</b>	-0.14	4.67E-01	-0.01	9.66E-01
<b>DDHD1</b>	0.08	7.00E-01	0.01	9.66E-01
<b>DKFZp434J0226</b>	0.02	9.26E-01	0.01	9.66E-01
<b>EI24</b>	0.08	6.74E-01	-0.01	9.66E-01
<b>EPHB6</b>	0.03	8.74E-01	-0.01	9.66E-01
<b>EPOR</b>	-0.04	8.45E-01	-0.01	9.66E-01
<b>FGF14</b>	-0.39	3.95E-02	0.01	9.66E-01
<b>G303</b>	0.30	1.24E-01	0.01	9.66E-01
<b>GJC3</b>	0.00	9.97E-01	0.01	9.66E-01
<b>HIGD2A</b>	-0.18	3.55E-01	0.01	9.66E-01
<b>HIST2H2BC</b>	0.11	5.81E-01	0.01	9.66E-01
<b>HN1</b>	0.14	4.86E-01	0.01	9.66E-01
<b>MEIS3P1</b>	-0.12	5.54E-01	0.01	9.66E-01
<b>NME4</b>	0.21	2.95E-01	-0.01	9.66E-01
<b>NSUN5</b>	0.08	6.89E-01	-0.01	9.66E-01
<b>PDCD11</b>	0.08	6.76E-01	0.01	9.66E-01

PPM1J	-0.30	1.26E-01	-0.01	9.66E-01
PSMD8	-0.05	8.00E-01	-0.01	9.66E-01
RP11-234K19.1	-0.25	2.06E-01	0.01	9.66E-01
RP11-342A23.2	-0.11	5.80E-01	0.01	9.66E-01
RP11-474N24.6	-0.10	6.17E-01	0.01	9.66E-01
RP11-613M10.6	-0.05	8.15E-01	-0.01	9.66E-01
RP11-685M7.3	-0.41	3.20E-02	-0.01	9.66E-01
RP11-778H2.1	-0.32	9.45E-02	0.01	9.66E-01
RP11-96K19.2	0.16	4.02E-01	-0.01	9.66E-01
RP4-751H13.7	0.02	9.31E-01	-0.01	9.66E-01
RP4-816N1.6	-0.32	9.62E-02	0.01	9.66E-01
RPAP1	0.21	2.78E-01	0.01	9.66E-01
RXFP4	-0.23	2.31E-01	0.01	9.66E-01
SDHD	0.16	4.08E-01	-0.01	9.66E-01
SFXN3	-0.36	5.88E-02	0.01	9.66E-01
SMIM11A	0.05	7.94E-01	-0.01	9.66E-01
TAF11	0.10	6.29E-01	-0.01	9.66E-01
TBC1D3	-0.05	8.01E-01	-0.01	9.66E-01
VEZF1	-0.09	6.42E-01	0.01	9.66E-01
AC068134.10	-0.42	2.52E-02	0.01	9.67E-01
ARHGAP30	-0.22	2.51E-01	-0.01	9.67E-01
B4GALNT3	0.29	1.28E-01	-0.01	9.67E-01
C1orf35	-0.04	8.41E-01	0.01	9.67E-01
CLCN2	0.20	3.13E-01	-0.01	9.67E-01
CNBD2	-0.14	4.93E-01	0.01	9.67E-01
COL1A2	-0.07	7.09E-01	-0.01	9.67E-01
CTD-2033C11.1	-0.32	9.15E-02	0.01	9.67E-01
CTD-2047H16.2	0.03	8.91E-01	-0.01	9.67E-01
EFEMP2	-0.21	2.90E-01	0.01	9.67E-01
GTF2H2C	0.03	8.74E-01	-0.01	9.67E-01
HILPDA	0.13	5.04E-01	-0.01	9.67E-01
JMJD7-PLA2G4B	0.00	9.93E-01	-0.01	9.67E-01
KCNN4	-0.08	6.86E-01	0.01	9.67E-01
KRTAP24-1	-0.15	4.40E-01	-0.01	9.67E-01
MGAM	-0.27	1.70E-01	-0.01	9.67E-01
MISP	-0.23	2.34E-01	-0.01	9.67E-01
MYBL2	-0.08	6.84E-01	0.01	9.67E-01
NDUFS4	0.05	8.08E-01	-0.01	9.67E-01
OTUD7B	-0.12	5.54E-01	-0.01	9.67E-01
PCDHB11	0.32	1.00E-01	-0.01	9.67E-01
PTOV1-AS1	-0.06	7.63E-01	0.01	9.67E-01
QRICH2	0.08	6.77E-01	-0.01	9.67E-01
RN7SL382P	0.36	6.24E-02	0.01	9.67E-01
RNU6-895P	-0.41	3.01E-02	0.01	9.67E-01
RP11-1415C14.3	-0.09	6.44E-01	-0.01	9.67E-01
RP11-214K3.5	-0.14	4.65E-01	-0.01	9.67E-01
RP11-461A8.5	-0.24	2.15E-01	-0.01	9.67E-01

RP11-554D20.2	-0.21	2.80E-01	0.01	9.67E-01
RP11-80H18.3	-0.05	8.07E-01	0.01	9.67E-01
RP11-983P16.2	0.19	3.22E-01	-0.01	9.67E-01
SLC35A2	0.20	3.16E-01	-0.01	9.67E-01
SPA17	0.18	3.57E-01	0.01	9.67E-01
SSSCA1	0.19	3.24E-01	0.01	9.67E-01
STXBP4	-0.23	2.29E-01	0.01	9.67E-01
TMEM120B	-0.11	5.82E-01	-0.01	9.67E-01
UBE3D	0.22	2.53E-01	-0.01	9.67E-01
WDR70	-0.11	5.89E-01	0.01	9.67E-01
XLOC_005724	0.07	7.26E-01	0.01	9.67E-01
YRDCP2	-0.17	3.96E-01	0.01	9.67E-01
ZFYVE16	0.04	8.55E-01	-0.01	9.67E-01
AC003958.2	-0.21	2.93E-01	-0.01	9.69E-01
AC092933.3	0.25	1.94E-01	-0.01	9.69E-01
AC093323.3	0.07	7.36E-01	-0.01	9.69E-01
ACSL5	-0.02	9.38E-01	-0.01	9.69E-01
BSCL2	-0.33	8.18E-02	-0.01	9.69E-01
CHST10	0.18	3.71E-01	-0.01	9.69E-01
CTC-325J23.2	-0.12	5.56E-01	-0.01	9.69E-01
EEF1A1P24	0.21	2.92E-01	-0.01	9.69E-01
G5796	0.32	9.47E-02	-0.01	9.69E-01
GS1-115G20.2	-0.41	2.83E-02	-0.01	9.69E-01
LSM1	0.29	1.35E-01	-0.01	9.69E-01
NDUFA3	0.02	9.00E-01	-0.01	9.69E-01
RN7SL362P	0.06	7.59E-01	-0.01	9.69E-01
RN7SL441P	0.11	5.65E-01	-0.01	9.69E-01
RP11-326N17.2	0.11	5.88E-01	-0.01	9.69E-01
RP11-334C17.6	0.09	6.34E-01	-0.01	9.69E-01
RP11-374M1.2	-0.19	3.24E-01	-0.01	9.69E-01
RP11-464F9.22	-0.21	2.87E-01	-0.01	9.69E-01
RP11-489G11.3	-0.30	1.20E-01	-0.01	9.69E-01
RP11-775C24.4	0.06	7.45E-01	-0.01	9.69E-01
TBC1D16	-0.03	8.92E-01	-0.01	9.69E-01
ZNHIT1	0.13	5.13E-01	-0.01	9.69E-01
CUL1	0.14	4.86E-01	0.01	9.69E-01
CYP51A1-AS1	-0.08	6.85E-01	0.01	9.69E-01
EFCAB10	0.02	9.27E-01	0.01	9.69E-01
GAS6	0.00	9.82E-01	0.01	9.69E-01
GPKOW	-0.05	7.97E-01	0.01	9.69E-01
KCNG2	-0.30	1.16E-01	0.01	9.69E-01
LAS1L	0.01	9.49E-01	0.01	9.69E-01
LINGO1-AS1	-0.21	2.78E-01	0.01	9.69E-01
MIR4505	-0.19	3.44E-01	0.01	9.69E-01
PDCD5	0.04	8.48E-01	0.01	9.69E-01
PRMT1	0.06	7.77E-01	0.01	9.69E-01
RBM17	-0.22	2.60E-01	0.01	9.69E-01

RP11-160A9.2	0.17	3.84E-01	0.01	9.69E-01
RP11-258C19.7	-0.07	7.32E-01	0.01	9.69E-01
RP11-282O18.3	0.05	8.07E-01	0.01	9.69E-01
RP11-383G10.5	-0.07	7.26E-01	0.01	9.69E-01
RP11-996F15.2	-0.13	5.02E-01	0.01	9.69E-01
XLOC_011518	0.00	9.80E-01	0.01	9.69E-01
CHCHD2	0.04	8.27E-01	-0.01	9.70E-01
CHCHD4	0.11	5.61E-01	-0.01	9.70E-01
CNEP1R1	0.16	4.21E-01	-0.01	9.70E-01
COMMD6	-0.02	9.34E-01	-0.01	9.70E-01
CPS1	0.02	9.18E-01	-0.01	9.70E-01
CTD-2011F17.2	-0.30	1.23E-01	0.01	9.70E-01
CYS1	-0.04	8.30E-01	-0.01	9.70E-01
CYTIP	0.11	5.88E-01	0.01	9.70E-01
DENND3	0.06	7.52E-01	-0.01	9.70E-01
DENR	0.19	3.36E-01	0.01	9.70E-01
DNASE1	0.01	9.71E-01	-0.01	9.70E-01
GLTSCR1-AS1	-0.15	4.49E-01	0.01	9.70E-01
GOLIM4	0.11	5.75E-01	-0.01	9.70E-01
HEBP1	-0.26	1.85E-01	-0.01	9.70E-01
KB-1562D12.2	-0.05	7.93E-01	-0.01	9.70E-01
LINC00921	-0.07	7.16E-01	0.01	9.70E-01
LOH12CR2	-0.14	4.79E-01	0.01	9.70E-01
MRPS33	0.01	9.43E-01	-0.01	9.70E-01
NFIC	-0.02	9.35E-01	-0.01	9.70E-01
PRDX2P3	-0.03	8.93E-01	-0.01	9.70E-01
RAN	0.05	7.93E-01	-0.01	9.70E-01
RP11-10N16.3	-0.11	5.83E-01	-0.01	9.70E-01
RP11-141M1.1	-0.10	6.01E-01	0.01	9.70E-01
RP11-16E23.4	-0.19	3.29E-01	0.01	9.70E-01
RP11-264M12.2	-0.13	5.21E-01	0.01	9.70E-01
RP11-338K13.1	-0.15	4.47E-01	0.01	9.70E-01
RP11-344B2.2	-0.14	4.87E-01	0.01	9.70E-01
RP11-382D8.3	0.05	7.92E-01	0.01	9.70E-01
RP11-462G22.2	0.22	2.56E-01	-0.01	9.70E-01
RP11-500G22.5	-0.23	2.36E-01	-0.01	9.70E-01
RP11-568A7.1	0.18	3.53E-01	0.01	9.70E-01
RP11-67L2.2	0.05	8.16E-01	-0.01	9.70E-01
RP11-83N9.6	0.06	7.43E-01	0.01	9.70E-01
RP11-85G18.6	0.01	9.55E-01	0.01	9.70E-01
RP11-862P13.1	-0.21	2.83E-01	-0.01	9.70E-01
RPF2	0.17	3.89E-01	-0.01	9.70E-01
RPL7P32	-0.36	6.30E-02	0.01	9.70E-01
RPL9P3	-0.12	5.35E-01	-0.01	9.70E-01
RPS20P31	0.33	8.29E-02	-0.01	9.70E-01
RWDD4P1	0.10	6.00E-01	0.01	9.70E-01
SDPR	-0.34	8.02E-02	0.01	9.70E-01

SNORD126	0.20	3.11E-01	-0.01	9.70E-01
STC2	0.27	1.66E-01	-0.01	9.70E-01
STK38L	0.33	9.09E-02	-0.01	9.70E-01
TMX2P1	0.19	3.32E-01	0.01	9.70E-01
YES1	0.17	3.77E-01	0.01	9.70E-01
AC000068.5	0.24	2.26E-01	0.01	9.71E-01
AGAP1	-0.01	9.51E-01	-0.01	9.71E-01
C16orf13	-0.02	9.28E-01	-0.01	9.71E-01
C1orf159	0.02	9.13E-01	0.01	9.71E-01
CARM1P1	0.17	3.97E-01	0.01	9.71E-01
COA4	0.23	2.44E-01	-0.01	9.71E-01
DNAJB11	0.03	8.70E-01	0.01	9.71E-01
FJX1	-0.01	9.45E-01	0.01	9.71E-01
HCG11	-0.07	7.26E-01	-0.01	9.71E-01
IER3	-0.01	9.58E-01	0.01	9.71E-01
LETMD1	-0.13	5.06E-01	-0.01	9.71E-01
NFIA-AS2	0.00	9.91E-01	0.01	9.71E-01
NOL12	-0.02	9.21E-01	-0.01	9.71E-01
NR2C2AP	-0.18	3.58E-01	0.01	9.71E-01
PARS2	0.11	5.64E-01	-0.01	9.71E-01
PNRC2P1	-0.11	5.79E-01	-0.01	9.71E-01
PRICKLE1	0.31	1.08E-01	-0.01	9.71E-01
PSMB7	-0.08	6.87E-01	-0.01	9.71E-01
PSMD3	0.06	7.67E-01	0.01	9.71E-01
RHOA-IT1	0.01	9.42E-01	-0.01	9.71E-01
RLF	-0.13	5.19E-01	0.01	9.71E-01
RN7SL832P	-0.04	8.55E-01	-0.01	9.71E-01
RNA5SP393	0.04	8.33E-01	-0.01	9.71E-01
RNU6-998P	-0.20	3.06E-01	-0.01	9.71E-01
RP11-322D14.2	-0.08	6.78E-01	-0.01	9.71E-01
RP11-580I16.2	-0.12	5.31E-01	-0.01	9.71E-01
RP11-84G21.1	-0.23	2.32E-01	-0.01	9.71E-01
RP13-672B3.5	0.14	4.72E-01	-0.01	9.71E-01
RP3-325F22.3	0.28	1.53E-01	0.01	9.71E-01
RP4-683L5.1	-0.08	6.69E-01	-0.01	9.71E-01
RP5-867C24.1	0.06	7.44E-01	-0.01	9.71E-01
RPS3P7	-0.17	3.83E-01	-0.01	9.71E-01
RTKL1-TNFRSF6B	-0.14	4.63E-01	-0.01	9.71E-01
SLC22A10	0.05	7.86E-01	-0.01	9.71E-01
SNORA70	0.11	5.64E-01	0.01	9.71E-01
SOS1	0.04	8.38E-01	0.01	9.71E-01
UBR1	0.17	3.93E-01	-0.01	9.71E-01
hsa-mir-3181	-0.01	9.63E-01	0.01	9.71E-01
AC097461.4	0.19	3.39E-01	-0.01	9.72E-01
DGCR14	0.06	7.80E-01	-0.01	9.72E-01
FAM124A	-0.21	2.91E-01	-0.01	9.72E-01
FAM156B	-0.24	2.23E-01	-0.01	9.72E-01



FAM175A	0.03	8.77E-01	-0.01	9.72E-01
KIF1A	-0.19	3.36E-01	-0.01	9.72E-01
PHEX	0.09	6.39E-01	-0.01	9.72E-01
RNF212	0.01	9.49E-01	-0.01	9.72E-01
RP11-346J10.2	-0.22	2.68E-01	-0.01	9.72E-01
RP11-562A8.1	0.16	4.27E-01	-0.01	9.72E-01
SH3GL1	0.08	6.95E-01	-0.01	9.72E-01
SLC26A1	-0.07	7.40E-01	-0.01	9.72E-01
TSHZ2	-0.30	1.23E-01	-0.01	9.72E-01
VDAC3	0.16	4.26E-01	-0.01	9.72E-01
ZNF852	-0.34	7.89E-02	-0.01	9.72E-01
C17orf89	-0.07	7.21E-01	0.01	9.72E-01
CT62	0.31	1.14E-01	0.01	9.72E-01
DENND4A	0.03	8.74E-01	0.01	9.72E-01
FAM106A	0.10	6.21E-01	0.01	9.72E-01
G30522	-0.36	5.80E-02	0.01	9.72E-01
GAPDHP52	-0.24	2.16E-01	0.01	9.72E-01
GCH1	0.19	3.24E-01	0.01	9.72E-01
GLUL	0.38	4.85E-02	0.01	9.72E-01
LINC01024	-0.02	9.38E-01	0.01	9.72E-01
MALAT1	-0.17	3.89E-01	0.01	9.72E-01
NANOS1	0.36	6.03E-02	0.01	9.72E-01
OSBPL7	-0.12	5.48E-01	0.01	9.72E-01
RP1-137D17.2	-0.18	3.71E-01	0.01	9.72E-01
RP1-47M23.3	-0.05	8.08E-01	0.01	9.72E-01
RP11-211N11.5	-0.19	3.32E-01	0.01	9.72E-01
RP11-312P12.3	-0.24	2.27E-01	0.01	9.72E-01
RP11-35G9.5	0.40	3.51E-02	0.01	9.72E-01
RP11-420K8.1	-0.15	4.54E-01	0.01	9.72E-01
RP11-452H21.2	-0.13	5.26E-01	0.01	9.72E-01
RP13-580F15.2	0.21	2.89E-01	0.01	9.72E-01
RP3-514P16.1	-0.11	5.70E-01	0.01	9.72E-01
SNAPC2	-0.03	8.88E-01	0.01	9.72E-01
SRPX	0.02	9.24E-01	0.01	9.72E-01
XLOC_012588	-0.02	9.39E-01	0.01	9.72E-01
ZBED3-AS1	-0.18	3.63E-01	0.01	9.72E-01
AC068669.1	0.15	4.39E-01	-0.01	9.73E-01
AC092755.4	0.12	5.41E-01	-0.01	9.73E-01
AL390776.1	0.13	5.20E-01	0.01	9.73E-01
ANGPT1	-0.10	6.12E-01	0.01	9.73E-01
ANKRD18CP	-0.36	6.18E-02	0.01	9.73E-01
ARF6	0.01	9.57E-01	-0.01	9.73E-01
ATMIN	0.17	3.95E-01	-0.01	9.73E-01
CMTM7	-0.25	1.94E-01	-0.01	9.73E-01
CTB-174D11.3	0.05	7.96E-01	0.01	9.73E-01
CTB-193M12.1	0.16	4.24E-01	-0.01	9.73E-01
CXorf58	0.19	3.29E-01	0.01	9.73E-01

EMD	0.01	9.72E-01	0.01	9.73E-01
FTCDNL1	0.19	3.28E-01	0.01	9.73E-01
KIF2A	0.32	9.50E-02	-0.01	9.73E-01
MDH1	0.11	5.62E-01	-0.01	9.73E-01
MRPL17	0.13	5.16E-01	0.01	9.73E-01
RBFOX1	0.17	3.85E-01	-0.01	9.73E-01
RNU6-1177P	-0.12	5.41E-01	0.01	9.73E-01
RNU6-8	0.05	8.14E-01	-0.01	9.73E-01
RP1-142L7.9	-0.40	3.43E-02	0.01	9.73E-01
RP1-34B20.21	-0.12	5.45E-01	0.01	9.73E-01
RP1-37M3.8	-0.02	9.12E-01	-0.01	9.73E-01
RP11-126H7.4	-0.01	9.47E-01	0.01	9.73E-01
RP11-299H21.1	-0.12	5.45E-01	0.01	9.73E-01
RP11-304F15.7	0.06	7.61E-01	0.01	9.73E-01
RP11-398E10.1	-0.18	3.50E-01	-0.01	9.73E-01
RP11-543H12.1	-0.05	7.88E-01	0.01	9.73E-01
RP11-616M17.1	-0.25	1.99E-01	-0.01	9.73E-01
RP3-508I15.9	-0.13	5.04E-01	-0.01	9.73E-01
RP5-827C21.4	0.10	6.17E-01	-0.01	9.73E-01
RPL31P49	-0.05	8.02E-01	-0.01	9.73E-01
RPL5P14	-0.11	5.63E-01	0.01	9.73E-01
RRM2	0.02	9.33E-01	-0.01	9.73E-01
SART1	-0.14	4.93E-01	0.01	9.73E-01
SLIT2	-0.30	1.16E-01	-0.01	9.73E-01
TRPM4	0.14	4.65E-01	-0.01	9.73E-01
ZNF211	0.13	5.01E-01	0.01	9.73E-01
AC010240.2	0.02	9.23E-01	0.01	9.75E-01
AC107218.3	-0.02	9.12E-01	-0.01	9.75E-01
AL109761.5	-0.22	2.70E-01	-0.01	9.75E-01
AL357515.1	-0.06	7.78E-01	-0.01	9.75E-01
ANKRD19P	-0.13	4.94E-01	0.01	9.75E-01
ATP8B4	-0.13	5.16E-01	0.01	9.75E-01
AXIN2	-0.31	1.11E-01	0.01	9.75E-01
CISD2	0.06	7.54E-01	-0.01	9.75E-01
CLU1	0.46	1.34E-02	-0.01	9.75E-01
CT83	0.14	4.63E-01	0.01	9.75E-01
CTB-178M22.1	-0.10	6.01E-01	-0.01	9.75E-01
CTD-2515H24.3	-0.04	8.32E-01	-0.01	9.75E-01
CX3CL1	0.04	8.29E-01	0.01	9.75E-01
FBXO28	0.13	5.17E-01	0.01	9.75E-01
G11315	0.05	8.05E-01	0.01	9.75E-01
GALM	0.01	9.64E-01	0.01	9.75E-01
GPR150	-0.01	9.46E-01	-0.01	9.75E-01
HNRNPA1P45	-0.04	8.46E-01	0.01	9.75E-01
HSPB7	-0.24	2.13E-01	0.01	9.75E-01
ITFG1	0.13	5.18E-01	-0.01	9.75E-01
LSMEM1	-0.17	3.77E-01	-0.01	9.75E-01

MBP	0.12	5.46E-01	-0.01	9.75E-01
MFAP2	-0.04	8.41E-01	0.01	9.75E-01
MIR5587	-0.13	4.96E-01	0.01	9.75E-01
MSH3	-0.24	2.20E-01	-0.01	9.75E-01
MYO1H	0.25	2.06E-01	0.01	9.75E-01
MYOT	0.41	2.91E-02	-0.01	9.75E-01
PRR13P1	-0.20	3.15E-01	0.01	9.75E-01
RASSF7	-0.26	1.75E-01	0.01	9.75E-01
RN7SL418P	-0.08	6.79E-01	0.01	9.75E-01
RNU6-32P	-0.09	6.39E-01	-0.01	9.75E-01
RP11-174G17.3	-0.20	3.19E-01	-0.01	9.75E-01
RP11-256L6.3	0.04	8.31E-01	0.01	9.75E-01
RP11-365D23.4	-0.28	1.51E-01	-0.01	9.75E-01
RP11-386G11.10	-0.32	9.18E-02	-0.01	9.75E-01
RP13-93L13.2	-0.16	4.09E-01	-0.01	9.75E-01
RP5-916O11.3	-0.30	1.25E-01	0.01	9.75E-01
RPL7AP64	0.34	7.54E-02	0.01	9.75E-01
SAE1	0.02	9.27E-01	0.01	9.75E-01
TEX14	-0.01	9.57E-01	0.01	9.75E-01
TMEM138	0.20	3.02E-01	0.01	9.75E-01
TMEM14B	0.00	9.86E-01	-0.01	9.75E-01
XLOC_005592	0.38	4.66E-02	-0.01	9.75E-01
ZNF121	0.37	5.08E-02	-0.01	9.75E-01
ZNF77	0.09	6.57E-01	-0.01	9.75E-01
AC009133.12	0.25	2.09E-01	-0.01	9.76E-01
C2orf76	-0.24	2.15E-01	-0.01	9.76E-01
G1562	-0.16	4.07E-01	-0.01	9.76E-01
G40766	0.18	3.68E-01	-0.01	9.76E-01
GAR1	0.09	6.49E-01	-0.01	9.76E-01
HIST1H3E	0.02	9.03E-01	-0.01	9.76E-01
KIAA0196	-0.10	6.17E-01	-0.01	9.76E-01
LINC01615	0.04	8.57E-01	-0.01	9.76E-01
MAP7D1	0.00	9.98E-01	-0.01	9.76E-01
RP11-358B23.5	-0.20	3.09E-01	-0.01	9.76E-01
RP11-420K14.6	-0.19	3.34E-01	-0.01	9.76E-01
SEPHS1	0.23	2.48E-01	-0.01	9.76E-01
TBC1D8B	-0.21	2.81E-01	-0.01	9.76E-01
TRMT5	0.17	3.96E-01	-0.01	9.76E-01
WSCD1	-0.14	4.67E-01	-0.01	9.76E-01
XLOC_009863	-0.15	4.41E-01	-0.01	9.76E-01
YBX1P1	0.18	3.50E-01	-0.01	9.76E-01
BMS1P10	-0.20	2.97E-01	0.01	9.76E-01
CTC-378H22.2	-0.18	3.62E-01	0.01	9.76E-01
CYP4F24P	-0.06	7.77E-01	0.01	9.76E-01
ENPP7P12	0.05	7.96E-01	0.01	9.76E-01
G22807	0.07	7.29E-01	0.01	9.76E-01
GABRQ	-0.25	1.99E-01	0.01	9.76E-01

INPP5J	-0.22	2.58E-01	0.01	9.76E-01
KLK8	-0.02	9.24E-01	0.01	9.76E-01
LINC00672	-0.32	9.65E-02	0.01	9.76E-01
MARK2P8	0.07	7.31E-01	0.01	9.76E-01
MF12	-0.42	2.60E-02	0.01	9.76E-01
NHSL1	0.09	6.47E-01	0.01	9.76E-01
PRR26	-0.28	1.53E-01	0.01	9.76E-01
RP11-244H3.1	-0.07	7.40E-01	0.01	9.76E-01
RP11-689K5.3	-0.23	2.37E-01	0.01	9.76E-01
RP3-395M20.7	-0.20	3.07E-01	0.01	9.76E-01
RPL12P10	0.08	6.83E-01	0.01	9.76E-01
SCAND2P	0.03	8.94E-01	0.01	9.76E-01
THAP6	0.15	4.46E-01	0.01	9.76E-01
A2M-AS1	0.21	2.94E-01	-0.01	9.77E-01
ABHD11-AS1	-0.40	3.45E-02	0.01	9.77E-01
AC012613.2	-0.05	7.88E-01	-0.01	9.77E-01
C7orf57	0.36	5.86E-02	-0.01	9.77E-01
CNOT11	0.27	1.71E-01	-0.01	9.77E-01
CTA-414D7.1	-0.26	1.78E-01	0.01	9.77E-01
CTB-167B5.1	-0.09	6.65E-01	0.01	9.77E-01
CTC-527H23.1	0.12	5.29E-01	-0.01	9.77E-01
CTD-2135D7.5	0.13	4.98E-01	0.01	9.77E-01
DCHS2	-0.32	9.50E-02	0.01	9.77E-01
DDX3P1	-0.21	2.78E-01	0.01	9.77E-01
FKBP5	-0.07	7.09E-01	0.01	9.77E-01
G22345	0.08	7.03E-01	-0.01	9.77E-01
G27536	-0.04	8.41E-01	0.01	9.77E-01
HS1BP3-IT1	-0.15	4.34E-01	0.01	9.77E-01
IRGM	-0.16	4.15E-01	-0.01	9.77E-01
LINC01266	-0.11	5.94E-01	-0.01	9.77E-01
MRPL42	0.28	1.52E-01	-0.01	9.77E-01
MUC5B	-0.05	7.94E-01	-0.01	9.77E-01
POU5F2	-0.02	9.05E-01	-0.01	9.77E-01
PROSC	0.08	7.02E-01	0.01	9.77E-01
PRSS12	0.53	3.55E-03	-0.01	9.77E-01
PSMB1	0.04	8.42E-01	0.01	9.77E-01
RNF25	0.19	3.44E-01	0.01	9.77E-01
RP11-123K19.1	0.19	3.24E-01	0.01	9.77E-01
RP11-173M1.5	0.12	5.57E-01	0.01	9.77E-01
RP11-53B2.6	-0.22	2.71E-01	0.01	9.77E-01
RP11-923I11.6	0.10	6.30E-01	-0.01	9.77E-01
RP11-973H7.1	-0.08	7.01E-01	0.01	9.77E-01
RP11-989E6.13	0.02	9.29E-01	-0.01	9.77E-01
RP3-394A18.1	-0.24	2.23E-01	0.01	9.77E-01
RP4-644L1.2	-0.31	1.09E-01	0.01	9.77E-01
RP4-756G23.5	-0.06	7.66E-01	-0.01	9.77E-01
RP5-827E24.1	0.15	4.57E-01	-0.01	9.77E-01

RP6-91H8.5	-0.15	4.46E-01	-0.01	9.77E-01
RPSAP36	0.25	2.00E-01	0.01	9.77E-01
RWDD3	0.04	8.52E-01	-0.01	9.77E-01
SEC61G	0.08	7.00E-01	0.01	9.77E-01
SHOC2	0.02	9.14E-01	-0.01	9.77E-01
SNORA67	-0.28	1.50E-01	-0.01	9.77E-01
SRPR	0.13	5.26E-01	-0.01	9.77E-01
SUPT3H	-0.25	1.91E-01	-0.01	9.77E-01
TAS2R67P	0.23	2.50E-01	0.01	9.77E-01
TOX4P1	0.02	9.28E-01	0.01	9.77E-01
WAC	-0.09	6.34E-01	0.01	9.77E-01
ZWINT	0.12	5.42E-01	0.01	9.77E-01
ATP5HP4	-0.18	3.49E-01	-0.01	9.78E-01
CEP170P1	-0.31	1.06E-01	-0.01	9.78E-01
GLIS2-AS1	-0.08	6.97E-01	-0.01	9.78E-01
HAR1A	-0.21	2.72E-01	-0.01	9.78E-01
LA16c-352F7.1	-0.16	4.03E-01	-0.01	9.78E-01
METTL21AP1	-0.28	1.51E-01	-0.01	9.78E-01
RN7SL306P	-0.22	2.70E-01	-0.01	9.78E-01
RNU7-38P	-0.08	7.04E-01	-0.01	9.78E-01
RP11-385D13.1	-0.07	7.36E-01	-0.01	9.78E-01
RP11-58K22.4	0.19	3.43E-01	-0.01	9.78E-01
RP11-73K9.3	-0.02	9.24E-01	-0.01	9.78E-01
TOR1A	0.11	5.69E-01	-0.01	9.78E-01
TRGC1	-0.01	9.64E-01	-0.01	9.78E-01
UBE2D3P1	0.05	8.15E-01	-0.01	9.78E-01
XRCC2	0.15	4.35E-01	-0.01	9.78E-01
ACTR6	0.02	9.38E-01	0.01	9.78E-01
ADARB1	-0.10	6.02E-01	0.01	9.78E-01
C1orf116	0.18	3.55E-01	0.01	9.78E-01
CAPRIN2	-0.15	4.55E-01	0.01	9.78E-01
CARD17	0.26	1.73E-01	0.01	9.78E-01
CHCHD1	-0.01	9.61E-01	0.01	9.78E-01
CISD1	-0.05	8.02E-01	0.01	9.78E-01
CLCN6	-0.14	4.86E-01	0.01	9.78E-01
DCAF15	-0.02	9.15E-01	0.01	9.78E-01
FAM207A	0.05	8.03E-01	0.01	9.78E-01
FOXRED1	-0.02	9.02E-01	0.01	9.78E-01
GTF2F2P1	-0.01	9.66E-01	0.01	9.78E-01
HAUS7	0.04	8.53E-01	0.01	9.78E-01
HNRNPA1P53	0.24	2.22E-01	0.01	9.78E-01
IFRD1	0.22	2.65E-01	0.01	9.78E-01
ITPR2	-0.37	5.20E-02	0.01	9.78E-01
MRPS22	0.05	8.00E-01	0.01	9.78E-01
MTATP6P11	-0.12	5.31E-01	0.01	9.78E-01
MTCH2	0.02	9.22E-01	0.01	9.78E-01
PNPLA7	-0.29	1.34E-01	0.01	9.78E-01

RP1-131F15.2	-0.16	4.22E-01	0.01	9.78E-01
RP11-15M15.1	-0.17	3.85E-01	0.01	9.78E-01
RP11-505K9.3	0.37	5.23E-02	0.01	9.78E-01
RP11-66H6.4	0.07	7.41E-01	0.01	9.78E-01
RP11-950C14.10	0.05	7.98E-01	0.01	9.78E-01
RRP9	0.20	3.02E-01	0.01	9.78E-01
SMTNL1	0.08	6.78E-01	0.01	9.78E-01
ZNF789	-0.09	6.51E-01	0.01	9.78E-01
AC019181.2	0.11	5.81E-01	-0.01	9.79E-01
AC093732.1	-0.34	7.61E-02	-0.01	9.79E-01
ADRA2B	-0.12	5.33E-01	-0.01	9.79E-01
AGAP7P	-0.11	5.61E-01	-0.01	9.79E-01
BCAS2	0.12	5.39E-01	-0.01	9.79E-01
C4orf27	-0.14	4.75E-01	0.01	9.79E-01
CCDC90B	0.04	8.50E-01	-0.01	9.79E-01
CTC1	-0.19	3.20E-01	-0.01	9.79E-01
CTD-2555O16.4	-0.13	5.19E-01	-0.01	9.79E-01
CTIF	-0.07	7.15E-01	0.01	9.79E-01
DUBR	-0.14	4.89E-01	0.01	9.79E-01
G25699	0.07	7.14E-01	-0.01	9.79E-01
G35852	0.22	2.69E-01	0.01	9.79E-01
HOXC5	0.30	1.23E-01	-0.01	9.79E-01
PPP3R1	0.08	7.00E-01	-0.01	9.79E-01
PRKCI	0.17	3.97E-01	0.01	9.79E-01
PSMA4	0.09	6.44E-01	0.01	9.79E-01
PURG	-0.12	5.31E-01	-0.01	9.79E-01
RNA5SP129	-0.07	7.10E-01	0.01	9.79E-01
RNA5SP491	0.14	4.73E-01	0.01	9.79E-01
RP1-315G1.3	0.13	5.02E-01	0.01	9.79E-01
RP11-1000B6.5	0.09	6.48E-01	-0.01	9.79E-01
RP11-135A24.2	0.19	3.38E-01	-0.01	9.79E-01
RP11-158H5.2	0.21	2.87E-01	0.01	9.79E-01
RP11-565F19.2	0.09	6.50E-01	0.01	9.79E-01
RP11-599B13.9	0.17	4.00E-01	-0.01	9.79E-01
RP11-640M9.2	-0.02	9.35E-01	-0.01	9.79E-01
RP11-65J3.14	0.06	7.46E-01	0.01	9.79E-01
RP11-863P13.4	0.09	6.52E-01	-0.01	9.79E-01
RPL3P7	-0.16	4.24E-01	0.01	9.79E-01
RPS20P14	-0.38	4.54E-02	-0.01	9.79E-01
RPS23P8	0.15	4.55E-01	-0.01	9.79E-01
TONSL	-0.05	8.11E-01	0.01	9.79E-01
TRMT10B	0.04	8.45E-01	0.01	9.79E-01
TXN	-0.06	7.45E-01	0.01	9.79E-01
ZKSCAN7P1	0.01	9.57E-01	-0.01	9.79E-01
ZNF233	0.18	3.72E-01	-0.01	9.79E-01
ZNF268	0.12	5.30E-01	-0.01	9.79E-01
ZNF271P	-0.01	9.49E-01	-0.01	9.79E-01

ZNF391	0.27	1.62E-01	0.01	9.79E-01
AC092162.1	0.02	9.21E-01	0.00	9.81E-01
AJ006998.2	-0.32	9.30E-02	0.00	9.81E-01
AL022345.7	0.23	2.36E-01	0.00	9.81E-01
AL139080.1	-0.18	3.51E-01	0.00	9.81E-01
AP000487.6	-0.29	1.36E-01	0.00	9.81E-01
ARMC10P1	0.17	3.73E-01	0.00	9.81E-01
BAIAP2-AS1	0.02	9.20E-01	0.00	9.81E-01
CCT7	0.10	6.30E-01	0.00	9.81E-01
CLDN15	-0.02	9.13E-01	0.00	9.81E-01
CNTN6	-0.02	9.37E-01	0.00	9.81E-01
CTC-453G23.4	-0.30	1.25E-01	0.00	9.81E-01
FBLN5	-0.08	6.97E-01	0.00	9.81E-01
FGF1	-0.09	6.40E-01	0.00	9.81E-01
G22216	0.04	8.52E-01	0.00	9.81E-01
GABRB2	0.32	9.30E-02	0.00	9.81E-01
GFER	-0.09	6.35E-01	0.00	9.81E-01
GSTP1P1	-0.04	8.21E-01	0.00	9.81E-01
HMGB1P23	-0.26	1.74E-01	0.00	9.81E-01
HMGN1P38	0.20	2.97E-01	0.00	9.81E-01
HSBP1	-0.02	9.38E-01	0.00	9.81E-01
IFNG	0.10	6.13E-01	0.00	9.81E-01
IGSF1	0.03	8.80E-01	0.00	9.81E-01
KANSL1	-0.11	5.62E-01	0.00	9.81E-01
KRT18P7	0.28	1.54E-01	0.00	9.81E-01
NDUFB4	0.16	4.28E-01	0.00	9.81E-01
NR1I2	-0.21	2.88E-01	0.00	9.81E-01
PLBD2	-0.03	8.63E-01	0.00	9.81E-01
RNF4	0.17	4.00E-01	0.00	9.81E-01
RP11-216L13.21	0.10	6.05E-01	0.00	9.81E-01
RP11-255G12.2	-0.03	8.94E-01	0.00	9.81E-01
RP11-26P13.2	0.20	3.18E-01	0.00	9.81E-01
RP11-296O14.3	-0.12	5.46E-01	0.00	9.81E-01
RP11-338K17.5	0.06	7.53E-01	0.00	9.81E-01
RP11-350G8.5	0.17	3.80E-01	0.00	9.81E-01
RP11-403I13.9	0.07	7.19E-01	0.00	9.81E-01
RP11-84C10.4	0.09	6.43E-01	0.00	9.81E-01
RPS18P12	0.24	2.14E-01	0.00	9.81E-01
RPS26P21	-0.03	8.98E-01	0.00	9.81E-01
SCTR	0.02	9.23E-01	0.00	9.81E-01
SNRNP40	0.09	6.38E-01	0.00	9.81E-01
TMEM144	0.33	9.07E-02	0.00	9.81E-01
TRIM46	-0.23	2.47E-01	0.00	9.81E-01
USH1G	-0.01	9.55E-01	0.00	9.81E-01
VDR	0.18	3.60E-01	0.00	9.81E-01
XLOC_011614	-0.04	8.33E-01	0.00	9.81E-01
XLOC_014369	0.19	3.34E-01	0.00	9.81E-01

YEATS2-AS1	-0.01	9.45E-01	0.00	9.81E-01
YIPF5	-0.18	3.69E-01	0.00	9.81E-01
ZNF394	0.11	5.83E-01	0.00	9.81E-01
AC006378.2	0.10	5.99E-01	0.00	9.82E-01
AC074286.1	-0.13	5.11E-01	0.00	9.82E-01
AC104532.4	-0.05	7.97E-01	0.00	9.82E-01
CERKL	-0.04	8.22E-01	0.00	9.82E-01
CTD-2651B20.7	0.26	1.82E-01	0.00	9.82E-01
ECM2	-0.16	4.04E-01	0.00	9.82E-01
EFHC1	-0.26	1.74E-01	0.00	9.82E-01
FDPSP7	0.10	5.96E-01	0.00	9.82E-01
G10908	-0.28	1.43E-01	0.00	9.82E-01
HLA-DQA2	0.35	7.20E-02	0.00	9.82E-01
HSPD1P9	-0.28	1.44E-01	0.00	9.82E-01
IL17C	0.30	1.21E-01	0.00	9.82E-01
KRT86	-0.15	4.44E-01	0.00	9.82E-01
LSINCT5	-0.27	1.59E-01	0.00	9.82E-01
MIR3118-2	-0.09	6.55E-01	0.00	9.82E-01
MIR3611	0.01	9.65E-01	0.00	9.82E-01
MMP11	0.10	6.26E-01	0.00	9.82E-01
MPC2	0.14	4.84E-01	0.00	9.82E-01
NUP62CL	-0.17	3.86E-01	0.00	9.82E-01
P4HA2	-0.16	4.16E-01	0.00	9.82E-01
RN7SL430P	0.00	9.93E-01	0.00	9.82E-01
RP11-10J21.3	-0.26	1.88E-01	0.00	9.82E-01
RP11-10J21.5	-0.08	6.82E-01	0.00	9.82E-01
RP11-259P15.4	-0.31	1.05E-01	0.00	9.82E-01
RP11-361M10.3	-0.09	6.61E-01	0.00	9.82E-01
RP11-550F7.1	0.13	5.06E-01	0.00	9.82E-01
RP4-717I23.3	-0.06	7.79E-01	0.00	9.82E-01
RP5-1125A11.6	-0.29	1.31E-01	0.00	9.82E-01
RP5-890E16.2	-0.19	3.27E-01	0.00	9.82E-01
RPL21P1	-0.03	8.68E-01	0.00	9.82E-01
SCAMP5	0.16	4.11E-01	0.00	9.82E-01
TAF9	0.06	7.43E-01	0.00	9.82E-01
TRBV29OR9-2	-0.05	8.19E-01	0.00	9.82E-01
UBE2K	0.04	8.45E-01	0.00	9.82E-01
UBE2N	0.28	1.48E-01	0.00	9.82E-01
XLOC_012700	-0.16	4.27E-01	0.00	9.82E-01
ZNF736P6Y	0.03	8.66E-01	0.00	9.82E-01
AIG1	0.16	4.03E-01	0.00	9.83E-01
ANGPT4	0.08	6.70E-01	0.00	9.83E-01
ASTN2-AS1	0.02	9.35E-01	0.00	9.83E-01
BNIP3P24	-0.24	2.14E-01	0.00	9.83E-01
CREB3L1	-0.25	2.05E-01	0.00	9.83E-01
CTD-2006O16.2	-0.16	4.16E-01	0.00	9.83E-01
DCAF12	0.31	1.10E-01	0.00	9.83E-01



FLNB	0.03	8.71E-01	0.00	9.83E-01
G8154	-0.26	1.84E-01	0.00	9.83E-01
GARNL3	-0.57	1.53E-03	0.00	9.83E-01
HIGD1C	-0.08	6.87E-01	0.00	9.83E-01
HIST1H3G	0.06	7.46E-01	0.00	9.83E-01
KIF7	0.09	6.33E-01	0.00	9.83E-01
MPV17L	0.01	9.49E-01	0.00	9.83E-01
MRPS26	0.08	6.79E-01	0.00	9.83E-01
MYCBP	0.12	5.58E-01	0.00	9.83E-01
NUP160	-0.07	7.15E-01	0.00	9.83E-01
PRH1	0.14	4.72E-01	0.00	9.83E-01
RAP2C-AS1	-0.27	1.71E-01	0.00	9.83E-01
RNU6-834P	-0.10	5.98E-01	0.00	9.83E-01
RP1-167G20.1	0.13	5.05E-01	0.00	9.83E-01
RP11-349F21.5	0.03	8.89E-01	0.00	9.83E-01
RP11-362J17.1	-0.06	7.57E-01	0.00	9.83E-01
RP11-426L16.3	0.04	8.56E-01	0.00	9.83E-01
RP11-462G12.1	0.16	4.08E-01	0.00	9.83E-01
RP11-519C12.1	0.12	5.47E-01	0.00	9.83E-01
RP3-461F17.3	-0.05	7.92E-01	0.00	9.83E-01
RPL21P32	-0.05	7.98E-01	0.00	9.83E-01
RPSAP18	0.01	9.47E-01	0.00	9.83E-01
SCNN1G	0.22	2.70E-01	0.00	9.83E-01
SIGLEC16	-0.26	1.80E-01	0.00	9.83E-01
SNX18P7	-0.01	9.42E-01	0.00	9.83E-01
ST3GAL6-AS1	-0.19	3.36E-01	0.00	9.83E-01
STT3B	0.17	3.94E-01	0.00	9.83E-01
TDG	0.18	3.62E-01	0.00	9.83E-01
TPT1P5	-0.05	7.89E-01	0.00	9.83E-01
XLOC_005510	0.16	4.26E-01	0.00	9.83E-01
AC012065.5	-0.19	3.40E-01	0.00	9.84E-01
ANKRD20A10P	-0.36	6.05E-02	0.00	9.84E-01
ATP6V0A1	0.13	4.93E-01	0.00	9.84E-01
BMP7-AS1	0.11	5.60E-01	0.00	9.84E-01
C2orf81	0.15	4.39E-01	0.00	9.84E-01
CNN2P9	-0.18	3.66E-01	0.00	9.84E-01
DAP	-0.05	8.09E-01	0.00	9.84E-01
EIF3I	0.18	3.48E-01	0.00	9.84E-01
FBXO43	0.18	3.52E-01	0.00	9.84E-01
G34428	-0.17	3.89E-01	0.00	9.84E-01
G8753	-0.18	3.48E-01	0.00	9.84E-01
GTF2H1	0.10	6.26E-01	0.00	9.84E-01
HTRA4	0.00	9.86E-01	0.00	9.84E-01
IGIP	-0.13	5.18E-01	0.00	9.84E-01
ILVBL	-0.01	9.64E-01	0.00	9.84E-01
INE1	0.07	7.36E-01	0.00	9.84E-01
IQCA1	0.11	5.84E-01	0.00	9.84E-01

LA16c-306A4.1	-0.19	3.32E-01	0.00	9.84E-01
LDLRAD4-AS1	-0.22	2.60E-01	0.00	9.84E-01
NAV2-AS3	-0.02	9.39E-01	0.00	9.84E-01
NUP214	-0.10	6.12E-01	0.00	9.84E-01
PACSIN1	-0.11	5.65E-01	0.00	9.84E-01
PTHLH	-0.03	8.69E-01	0.00	9.84E-01
RARS	0.10	6.28E-01	0.00	9.84E-01
RP11-269G24.7	0.08	7.04E-01	0.00	9.84E-01
RP11-278A23.2	0.29	1.36E-01	0.00	9.84E-01
RP11-39K24.4	0.04	8.50E-01	0.00	9.84E-01
RP11-888D10.3	-0.02	9.15E-01	0.00	9.84E-01
RP3-408N23.4	0.04	8.26E-01	0.00	9.84E-01
RPL7L1P8	0.08	6.80E-01	0.00	9.84E-01
SHISA2	-0.09	6.33E-01	0.00	9.84E-01
SLC16A10	0.43	2.25E-02	0.00	9.84E-01
TMCO1	0.13	5.22E-01	0.00	9.84E-01
TMEM41B	0.21	2.88E-01	0.00	9.84E-01
VAMP3	0.06	7.46E-01	0.00	9.84E-01
ABCF2	0.32	1.02E-01	0.00	9.86E-01
AC090286.2	-0.04	8.45E-01	0.00	9.86E-01
AL356776.1	-0.14	4.63E-01	0.00	9.86E-01
C11orf24	0.13	5.17E-01	0.00	9.86E-01
C12orf71	-0.36	5.99E-02	0.00	9.86E-01
C18orf15	0.22	2.54E-01	0.00	9.86E-01
DDR2	-0.12	5.51E-01	0.00	9.86E-01
ETV5-AS1	-0.48	8.97E-03	0.00	9.86E-01
FADS6	-0.05	8.14E-01	0.00	9.86E-01
FIS1	0.08	6.96E-01	0.00	9.86E-01
GLIS1	-0.05	8.16E-01	0.00	9.86E-01
HIST1H4C	-0.09	6.46E-01	0.00	9.86E-01
HS2ST1	0.13	4.94E-01	0.00	9.86E-01
HSPA8	0.04	8.40E-01	0.00	9.86E-01
KLHL22-IT1	-0.17	3.86E-01	0.00	9.86E-01
KRT17P3	0.08	6.94E-01	0.00	9.86E-01
LCMT1	0.38	4.80E-02	0.00	9.86E-01
LINC00222	-0.24	2.26E-01	0.00	9.86E-01
LINC00543	0.30	1.15E-01	0.00	9.86E-01
NKPD1	0.27	1.69E-01	0.00	9.86E-01
PCCB	0.04	8.36E-01	0.00	9.86E-01
PIP4K2C	0.29	1.31E-01	0.00	9.86E-01
PLPP2	-0.25	1.92E-01	0.00	9.86E-01
PTCD2	0.08	6.96E-01	0.00	9.86E-01
RAB3GAP1	0.15	4.52E-01	0.00	9.86E-01
RGS7	-0.26	1.75E-01	0.00	9.86E-01
RP11-191G24.1	0.10	6.26E-01	0.00	9.86E-01
RP11-317N8.4	-0.13	5.01E-01	0.00	9.86E-01
RP5-951N9.2	-0.08	7.01E-01	0.00	9.86E-01

RPL17	0.14	4.84E-01	0.00	9.86E-01
RPL4P6	-0.15	4.61E-01	0.00	9.86E-01
RPLP2	0.21	2.82E-01	0.00	9.86E-01
SIGLEC7	0.06	7.49E-01	0.00	9.86E-01
SNAI3-AS1	0.17	3.94E-01	0.00	9.86E-01
SPATA5	0.01	9.71E-01	0.00	9.86E-01
SULT4A1	-0.17	3.82E-01	0.00	9.86E-01
TERF2IP	0.16	4.13E-01	0.00	9.86E-01
TMEM209	-0.30	1.26E-01	0.00	9.86E-01
TPSB2	0.10	6.14E-01	0.00	9.86E-01
TRIM47	0.07	7.15E-01	0.00	9.86E-01
ZBTB12P1	0.06	7.53E-01	0.00	9.86E-01
ZBPB	-0.26	1.76E-01	0.00	9.86E-01
ACBD5	0.07	7.41E-01	0.00	9.87E-01
ACLY	0.18	3.49E-01	0.00	9.87E-01
AGTR1	-0.16	4.18E-01	0.00	9.87E-01
ANAPC15	0.09	6.45E-01	0.00	9.87E-01
AREL1	0.22	2.53E-01	0.00	9.87E-01
BAG2	-0.19	3.34E-01	0.00	9.87E-01
C12orf40	-0.13	5.18E-01	0.00	9.87E-01
CD27	0.02	9.18E-01	0.00	9.87E-01
CEPT1	0.03	8.79E-01	0.00	9.87E-01
CTD-2555K7.2	0.16	4.14E-01	0.00	9.87E-01
EBAG9	0.16	4.13E-01	0.00	9.87E-01
ENPP7P1	0.05	8.16E-01	0.00	9.87E-01
FANCD2OS	-0.29	1.28E-01	0.00	9.87E-01
FCMR	0.02	9.17E-01	0.00	9.87E-01
G1862	0.07	7.24E-01	0.00	9.87E-01
G24602	-0.08	6.98E-01	0.00	9.87E-01
GAPVD1	0.00	9.93E-01	0.00	9.87E-01
GAS5	0.16	4.12E-01	0.00	9.87E-01
GLIS2	-0.27	1.63E-01	0.00	9.87E-01
HECTD1	0.19	3.44E-01	0.00	9.87E-01
HPS6	0.08	6.76E-01	0.00	9.87E-01
IGLV3-21	0.20	3.02E-01	0.00	9.87E-01
LARS	0.12	5.52E-01	0.00	9.87E-01
MAOA	0.36	6.13E-02	0.00	9.87E-01
MAST3	0.05	7.83E-01	0.00	9.87E-01
MRFAP1L1	0.18	3.49E-01	0.00	9.87E-01
MRPL23	0.13	5.03E-01	0.00	9.87E-01
NDUFAF1	-0.11	5.69E-01	0.00	9.87E-01
NUDT12	0.17	3.93E-01	0.00	9.87E-01
PDLIM1	-0.06	7.47E-01	0.00	9.87E-01
PRPS1	0.03	8.95E-01	0.00	9.87E-01
RP11-1055B8.1	0.07	7.19E-01	0.00	9.87E-01
RP11-12G12.7	0.20	3.16E-01	0.00	9.87E-01
RP11-453E17.3	0.07	7.21E-01	0.00	9.87E-01

RP11-849F2.5	-0.12	5.38E-01	0.00	9.87E-01
RP11-855A2.1	0.04	8.36E-01	0.00	9.87E-01
RP11-972P1.11	0.09	6.42E-01	0.00	9.87E-01
RRS1	0.15	4.34E-01	0.00	9.87E-01
SBDSP1	0.13	5.21E-01	0.00	9.87E-01
SEC14L1	0.23	2.33E-01	0.00	9.87E-01
SLC25A45	0.11	5.92E-01	0.00	9.87E-01
TARS	0.12	5.47E-01	0.00	9.87E-01
TDRD9	0.06	7.75E-01	0.00	9.87E-01
TNXB	-0.23	2.29E-01	0.00	9.87E-01
TOM1L1	-0.06	7.64E-01	0.00	9.87E-01
TPRG1-AS1	0.06	7.65E-01	0.00	9.87E-01
ABCA3	-0.19	3.42E-01	0.00	9.88E-01
AC002543.2	-0.20	3.14E-01	0.00	9.88E-01
AC022154.7	0.09	6.43E-01	0.00	9.88E-01
ADNP2	-0.01	9.45E-01	0.00	9.88E-01
APCDD1	-0.03	8.92E-01	0.00	9.88E-01
ARC	0.23	2.33E-01	0.00	9.88E-01
ARHGAP17	-0.22	2.56E-01	0.00	9.88E-01
ATP5A1	0.21	2.78E-01	0.00	9.88E-01
CTC-327F10.5	-0.16	4.18E-01	0.00	9.88E-01
EIF3J	0.19	3.37E-01	0.00	9.88E-01
ERP29	-0.08	6.86E-01	0.00	9.88E-01
FBXW7	-0.04	8.49E-01	0.00	9.88E-01
G22682	0.16	4.25E-01	0.00	9.88E-01
G23276	-0.13	4.99E-01	0.00	9.88E-01
LEP	-0.10	6.04E-01	0.00	9.88E-01
LGALS8	0.29	1.36E-01	0.00	9.88E-01
LINC01389	-0.05	8.00E-01	0.00	9.88E-01
LNPEP	0.04	8.38E-01	0.00	9.88E-01
MIR5695	0.04	8.59E-01	0.00	9.88E-01
MYL12A	0.16	4.13E-01	0.00	9.88E-01
PLAGL2	0.24	2.17E-01	0.00	9.88E-01
PRELID3A	-0.22	2.66E-01	0.00	9.88E-01
RP11-131M11.2	-0.34	7.54E-02	0.00	9.88E-01
RP11-303G3.9	-0.37	5.08E-02	0.00	9.88E-01
RP11-354E11.2	0.10	5.95E-01	0.00	9.88E-01
RP11-511H9.3	-0.24	2.15E-01	0.00	9.88E-01
RP11-62H7.2	0.20	2.97E-01	0.00	9.88E-01
RP11-641C17.4	-0.14	4.87E-01	0.00	9.88E-01
RP11-679B19.2	-0.37	5.38E-02	0.00	9.88E-01
RP11-689P11.2	-0.10	6.08E-01	0.00	9.88E-01
RP11-689P11.3	-0.14	4.63E-01	0.00	9.88E-01
RP11-794A8.1	0.04	8.29E-01	0.00	9.88E-01
RP11-996F15.5	-0.06	7.57E-01	0.00	9.88E-01
RPL7A	0.13	5.24E-01	0.00	9.88E-01
SH3GL1P2	-0.01	9.60E-01	0.00	9.88E-01

SLC35E1P1	0.12	5.43E-01	0.00	9.88E-01
SND1-IT1	-0.11	5.85E-01	0.00	9.88E-01
TPR	-0.18	3.69E-01	0.00	9.88E-01
TRAJ7	-0.07	7.20E-01	0.00	9.88E-01
TSPAN16	-0.25	1.97E-01	0.00	9.88E-01
TUBA1B	-0.09	6.36E-01	0.00	9.88E-01
AC007790.4	-0.27	1.60E-01	0.00	9.89E-01
AC011753.5	0.05	8.15E-01	0.00	9.89E-01
ARID4A	-0.36	6.01E-02	0.00	9.89E-01
ATAD3A	0.04	8.24E-01	0.00	9.89E-01
CROCC2	-0.03	8.68E-01	0.00	9.89E-01
CTD-2651B20.3	-0.13	5.05E-01	0.00	9.89E-01
CTD-3252C9.4	-0.11	5.87E-01	0.00	9.89E-01
DPM3	0.15	4.44E-01	0.00	9.89E-01
ECEL1	-0.16	4.24E-01	0.00	9.89E-01
G40907	0.04	8.51E-01	0.00	9.89E-01
GBP2	0.08	6.81E-01	0.00	9.89E-01
GDPD2	-0.13	5.19E-01	0.00	9.89E-01
IRF6	-0.15	4.61E-01	0.00	9.89E-01
LINC00622	-0.10	6.23E-01	0.00	9.89E-01
LINC00675	0.23	2.38E-01	0.00	9.89E-01
MORN3	0.15	4.58E-01	0.00	9.89E-01
MUL1	0.13	5.21E-01	0.00	9.89E-01
NFYB	-0.14	4.74E-01	0.00	9.89E-01
RNA5SP260	-0.04	8.44E-01	0.00	9.89E-01
RP11-1017G21.5	0.07	7.05E-01	0.00	9.89E-01
RP11-127I20.8	0.17	3.76E-01	0.00	9.89E-01
RP11-236P24.1	0.05	8.00E-01	0.00	9.89E-01
RP11-312B8.1	0.00	9.94E-01	0.00	9.89E-01
RP11-318C24.1	0.25	2.02E-01	0.00	9.89E-01
RP11-347C18.5	-0.08	6.87E-01	0.00	9.89E-01
RP11-546M21.6	-0.32	9.96E-02	0.00	9.89E-01
RP11-800A3.3	0.16	4.29E-01	0.00	9.89E-01
RSU1P3	-0.01	9.55E-01	0.00	9.89E-01
SCAMP1	0.24	2.14E-01	0.00	9.89E-01
SH3RF2	0.00	9.82E-01	0.00	9.89E-01
SLC25A6P3	-0.21	2.80E-01	0.00	9.89E-01
SMG1P3	-0.05	7.96E-01	0.00	9.89E-01
SOCS2	-0.21	2.91E-01	0.00	9.89E-01
SSC4D	0.25	2.08E-01	0.00	9.89E-01
TMEM245	0.03	8.67E-01	0.00	9.89E-01
TP53I11	0.12	5.31E-01	0.00	9.89E-01
TRAJ27	-0.38	4.90E-02	0.00	9.89E-01
U47924.29	0.22	2.51E-01	0.00	9.89E-01
XLOC_003405	-0.14	4.88E-01	0.00	9.89E-01
YBX3	0.12	5.49E-01	0.00	9.89E-01
ZFYVE21	0.03	8.68E-01	0.00	9.89E-01

CNTD2	-0.19	3.32E-01	0.00	9.90E-01
CTD-2095E4.5	-0.16	4.17E-01	0.00	9.90E-01
DRAXIN	0.25	2.04E-01	0.00	9.90E-01
EIF4A2P1	-0.13	5.05E-01	0.00	9.90E-01
ELF1	0.12	5.54E-01	0.00	9.90E-01
G26223	0.10	6.06E-01	0.00	9.90E-01
G4388	0.07	7.16E-01	0.00	9.90E-01
GNAQ	-0.02	9.04E-01	0.00	9.90E-01
GPATCH3	-0.03	8.95E-01	0.00	9.90E-01
ICA1L	-0.28	1.43E-01	0.00	9.90E-01
IL9	-0.08	6.87E-01	0.00	9.90E-01
KRT32	0.06	7.80E-01	0.00	9.90E-01
LAT	-0.06	7.72E-01	0.00	9.90E-01
NUDT19	0.26	1.90E-01	0.00	9.90E-01
PFN1P2	-0.13	5.19E-01	0.00	9.90E-01
PIGA	0.15	4.48E-01	0.00	9.90E-01
PMS2P5	0.17	3.90E-01	0.00	9.90E-01
RN7SL308P	-0.07	7.23E-01	0.00	9.90E-01
RP11-142O6.1	-0.05	8.03E-01	0.00	9.90E-01
RP11-325K4.3	-0.39	4.14E-02	0.00	9.90E-01
RP11-337N6.2	0.20	2.97E-01	0.00	9.90E-01
RP11-480I12.5	0.35	6.66E-02	0.00	9.90E-01
RP11-486G15.1	-0.04	8.31E-01	0.00	9.90E-01
RP11-545I5.3	0.04	8.55E-01	0.00	9.90E-01
RP11-563J2.3	-0.18	3.69E-01	0.00	9.90E-01
RP11-73B2.6	0.00	9.83E-01	0.00	9.90E-01
RP11-83B20.4	-0.08	6.71E-01	0.00	9.90E-01
RP4-740C4.7	-0.19	3.35E-01	0.00	9.90E-01
SNORA80	0.03	8.87E-01	0.00	9.90E-01
UTP3	0.12	5.52E-01	0.00	9.90E-01
XLOC_007800	-0.16	4.08E-01	0.00	9.90E-01
XLOC_008642	-0.19	3.36E-01	0.00	9.90E-01
XLOC_009001	-0.07	7.32E-01	0.00	9.90E-01
AC004461.4	-0.04	8.39E-01	0.00	9.92E-01
G16276	-0.36	5.62E-02	0.00	9.92E-01
HIST1H2BG	-0.06	7.79E-01	0.00	9.92E-01
MICAL3	-0.44	1.86E-02	0.00	9.92E-01
MTND4P12	-0.09	6.58E-01	0.00	9.92E-01
RNU6-529P	0.00	9.97E-01	0.00	9.92E-01
RP11-22H5.1	-0.12	5.56E-01	0.00	9.92E-01
RP11-317F20.2	0.11	5.60E-01	0.00	9.92E-01
RP11-424C20.2	0.05	7.87E-01	0.00	9.92E-01
RP11-676J12.6	-0.08	6.97E-01	0.00	9.92E-01
RP11-747H12.5	-0.04	8.26E-01	0.00	9.92E-01
RP11-864I4.3	-0.25	1.94E-01	0.00	9.92E-01
TIGD5	0.26	1.87E-01	0.00	9.92E-01
TMEM115	-0.04	8.42E-01	0.00	9.92E-01

<b>XLOC_008883</b>	0.21	2.90E-01	0.00	9.92E-01
<b>AAAS</b>	-0.21	2.79E-01	0.00	9.92E-01
<b>ATP6V1G1</b>	0.25	1.93E-01	0.00	9.92E-01
<b>CLPB</b>	0.03	8.88E-01	0.00	9.92E-01
<b>G26459</b>	0.08	6.87E-01	0.00	9.92E-01
<b>G2927</b>	0.39	3.94E-02	0.00	9.92E-01
<b>GZF1</b>	0.19	3.39E-01	0.00	9.92E-01
<b>HOXB6</b>	0.01	9.51E-01	0.00	9.92E-01
<b>KDR</b>	0.01	9.49E-01	0.00	9.92E-01
<b>PXN-AS1</b>	0.27	1.61E-01	0.00	9.92E-01
<b>RP1-59D14.8</b>	0.24	2.21E-01	0.00	9.92E-01
<b>RP11-429J17.7</b>	0.42	2.46E-02	0.00	9.92E-01
<b>RP11-755E23.2</b>	-0.22	2.70E-01	0.00	9.92E-01
<b>SEMA6C</b>	-0.18	3.49E-01	0.00	9.92E-01
<b>TMEM30B</b>	0.32	1.01E-01	0.00	9.92E-01
<b>BRWD1-AS1</b>	-0.03	8.71E-01	0.00	9.93E-01
<b>CAP1</b>	0.23	2.48E-01	0.00	9.93E-01
<b>CARS-AS1</b>	0.08	6.91E-01	0.00	9.93E-01
<b>CCDC26</b>	-0.12	5.56E-01	0.00	9.93E-01
<b>CTC-339F2.2</b>	-0.04	8.37E-01	0.00	9.93E-01
<b>CTC-559E9.8</b>	0.01	9.47E-01	0.00	9.93E-01
<b>DUSP27</b>	0.09	6.62E-01	0.00	9.93E-01
<b>ERCC5</b>	-0.11	5.60E-01	0.00	9.93E-01
<b>ESYT1</b>	0.13	5.23E-01	0.00	9.93E-01
<b>FOXH1</b>	0.22	2.66E-01	0.00	9.93E-01
<b>FTSJ1</b>	0.13	4.97E-01	0.00	9.93E-01
<b>G36414</b>	-0.04	8.30E-01	0.00	9.93E-01
<b>GAPDHP39</b>	0.03	8.75E-01	0.00	9.93E-01
<b>HIST1H2APS3</b>	-0.12	5.59E-01	0.00	9.93E-01
<b>IGFBP7-AS1</b>	0.12	5.30E-01	0.00	9.93E-01
<b>ILKAP</b>	0.12	5.55E-01	0.00	9.93E-01
<b>LIFR</b>	-0.38	4.41E-02	0.00	9.93E-01
<b>LINC01451</b>	0.09	6.35E-01	0.00	9.93E-01
<b>LIPT2</b>	0.17	3.89E-01	0.00	9.93E-01
<b>MTRF1</b>	-0.07	7.35E-01	0.00	9.93E-01
<b>NAT1</b>	0.17	3.84E-01	0.00	9.93E-01
<b>PLPP6</b>	0.41	2.90E-02	0.00	9.93E-01
<b>RHOJ</b>	-0.36	6.18E-02	0.00	9.93E-01
<b>RILPL1</b>	-0.27	1.69E-01	0.00	9.93E-01
<b>RNF103-CHMP3</b>	-0.16	4.30E-01	0.00	9.93E-01
<b>RNU6-1310P</b>	-0.07	7.22E-01	0.00	9.93E-01
<b>RP11-1020A11.1</b>	0.05	7.97E-01	0.00	9.93E-01
<b>RP11-474I11.8</b>	-0.29	1.29E-01	0.00	9.93E-01
<b>RP11-713P17.4</b>	-0.07	7.42E-01	0.00	9.93E-01
<b>RP11-73M18.10</b>	0.07	7.18E-01	0.00	9.93E-01
<b>RP13-870H17.3</b>	0.01	9.57E-01	0.00	9.93E-01
<b>RPL7P57</b>	-0.33	8.32E-02	0.00	9.93E-01

<b>S100B</b>	0.25	2.00E-01	0.00	9.93E-01
<b>SNORA2</b>	0.01	9.60E-01	0.00	9.93E-01
<b>TAF13</b>	0.06	7.68E-01	0.00	9.93E-01
<b>TMEM163</b>	-0.05	8.03E-01	0.00	9.93E-01
<b>UBE2D3</b>	0.10	6.22E-01	0.00	9.93E-01
<b>VPS26AP1</b>	-0.26	1.80E-01	0.00	9.93E-01
<b>ZNF579</b>	0.11	5.68E-01	0.00	9.93E-01
<b>AC000003.1</b>	-0.16	4.18E-01	0.00	9.94E-01
<b>AC025442.3</b>	-0.28	1.45E-01	0.00	9.94E-01
<b>ADAMTS6</b>	-0.14	4.63E-01	0.00	9.94E-01
<b>C22orf29</b>	-0.09	6.65E-01	0.00	9.94E-01
<b>COX7BP2</b>	-0.13	5.22E-01	0.00	9.94E-01
<b>FIGF</b>	0.04	8.54E-01	0.00	9.94E-01
<b>HIST1H2AL</b>	0.02	9.34E-01	0.00	9.94E-01
<b>HIST2H2AC</b>	-0.03	8.83E-01	0.00	9.94E-01
<b>KIF11</b>	0.06	7.44E-01	0.00	9.94E-01
<b>NBEAL1</b>	-0.02	9.25E-01	0.00	9.94E-01
<b>NCBP2-AS2</b>	0.15	4.54E-01	0.00	9.94E-01
<b>PARL</b>	0.09	6.66E-01	0.00	9.94E-01
<b>RDH10</b>	0.37	5.44E-02	0.00	9.94E-01
<b>RNU6-805P</b>	-0.09	6.51E-01	0.00	9.94E-01
<b>RP11-315D16.4</b>	-0.34	7.42E-02	0.00	9.94E-01
<b>RP11-613D13.5</b>	0.05	8.03E-01	0.00	9.94E-01
<b>RP11-659P15.1</b>	-0.09	6.60E-01	0.00	9.94E-01
<b>RP11-720L3.1</b>	-0.06	7.78E-01	0.00	9.94E-01
<b>SMARCA5</b>	0.20	3.17E-01	0.00	9.94E-01
<b>SPIN1</b>	-0.12	5.56E-01	0.00	9.94E-01
<b>TCF7L2</b>	-0.14	4.91E-01	0.00	9.94E-01
<b>TSPAN3</b>	0.03	8.85E-01	0.00	9.94E-01
<b>XLOC_003662</b>	-0.01	9.54E-01	0.00	9.94E-01
<b>ALG2</b>	0.15	4.35E-01	0.00	9.94E-01
<b>EIF3H</b>	-0.02	9.26E-01	0.00	9.94E-01
<b>GOLGA3</b>	0.01	9.60E-01	0.00	9.94E-01
<b>LNX2</b>	0.04	8.32E-01	0.00	9.94E-01
<b>MLLT11</b>	0.13	5.09E-01	0.00	9.94E-01
<b>MRPS21P9</b>	-0.22	2.66E-01	0.00	9.94E-01
<b>NWD1</b>	0.35	6.64E-02	0.00	9.94E-01
<b>PIP4K2A</b>	-0.03	8.85E-01	0.00	9.94E-01
<b>RBM18</b>	0.23	2.48E-01	0.00	9.94E-01
<b>RN7SL174P</b>	0.12	5.42E-01	0.00	9.94E-01
<b>RNF183</b>	-0.16	4.02E-01	0.00	9.94E-01
<b>RP11-1275H24.2</b>	-0.44	1.91E-02	0.00	9.94E-01
<b>SPINK2</b>	0.36	6.37E-02	0.00	9.94E-01
<b>STYX</b>	0.14	4.87E-01	0.00	9.94E-01
<b>TUBGCP2</b>	0.05	7.86E-01	0.00	9.94E-01
<b>VPS11</b>	-0.04	8.25E-01	0.00	9.94E-01
<b>XRCC3</b>	0.15	4.49E-01	0.00	9.94E-01



CTD-3099C6.9	-0.25	1.97E-01	0.00	9.95E-01
EEF1E1P1	-0.07	7.05E-01	0.00	9.95E-01
EREG	0.25	1.95E-01	0.00	9.95E-01
FCN3	0.29	1.29E-01	0.00	9.95E-01
GABRR2	-0.20	3.16E-01	0.00	9.95E-01
GTF2H5	-0.01	9.46E-01	0.00	9.95E-01
HECTD4	-0.22	2.53E-01	0.00	9.95E-01
IL5RA	0.05	7.95E-01	0.00	9.95E-01
MBOAT2	-0.02	9.04E-01	0.00	9.95E-01
MIR4787	-0.21	2.80E-01	0.00	9.95E-01
RP11-347H15.1	0.39	3.95E-02	0.00	9.95E-01
RP11-351A11.1	0.03	8.75E-01	0.00	9.95E-01
RP4-717I23.2	-0.08	6.79E-01	0.00	9.95E-01
RPL10AP1	0.03	8.78E-01	0.00	9.95E-01
RPS3AP25	0.15	4.44E-01	0.00	9.95E-01
UBE2S	0.11	5.71E-01	0.00	9.95E-01
VAV3-AS1	-0.47	1.07E-02	0.00	9.95E-01
DPY19L1P2	0.10	6.13E-01	0.00	9.95E-01
FAM209A	-0.54	3.17E-03	0.00	9.95E-01
HIST1H2BL	-0.06	7.48E-01	0.00	9.95E-01
LDHAP4	0.10	6.31E-01	0.00	9.95E-01
NEU3	-0.21	2.87E-01	0.00	9.95E-01
PCDH15	0.03	8.68E-01	0.00	9.95E-01
PHC1P1	0.31	1.11E-01	0.00	9.95E-01
RP11-274A11.5	-0.04	8.21E-01	0.00	9.95E-01
RP11-690G19.4	-0.18	3.55E-01	0.00	9.95E-01
SLC37A3	0.06	7.66E-01	0.00	9.95E-01
TAF1C	-0.10	6.22E-01	0.00	9.95E-01
TRBV28	-0.04	8.58E-01	0.00	9.95E-01
ANAPC16	0.09	6.42E-01	0.00	9.96E-01
AP000889.2	-0.01	9.57E-01	0.00	9.96E-01
ARPC2	0.13	5.17E-01	0.00	9.96E-01
C6orf201	0.00	1.00E+00	0.00	9.96E-01
CASC19	0.14	4.72E-01	0.00	9.96E-01
CCAT1	-0.12	5.46E-01	0.00	9.96E-01
CLYBL	-0.14	4.91E-01	0.00	9.96E-01
COX7A2	0.04	8.59E-01	0.00	9.96E-01
GZMH	0.05	7.83E-01	0.00	9.96E-01
HIGD1AP16	0.00	9.94E-01	0.00	9.96E-01
HSPB8	-0.14	4.72E-01	0.00	9.96E-01
KRTAP19-1	-0.27	1.57E-01	0.00	9.96E-01
LMBR1	0.10	6.12E-01	0.00	9.96E-01
MIR548AC	-0.08	6.90E-01	0.00	9.96E-01
MRPL47	0.07	7.16E-01	0.00	9.96E-01
MRPS10	0.13	5.03E-01	0.00	9.96E-01
MYH7B	0.00	9.98E-01	0.00	9.96E-01
NAA38	-0.03	8.91E-01	0.00	9.96E-01

NSUN6	-0.24	2.26E-01	0.00	9.96E-01
OXR1	0.25	1.94E-01	0.00	9.96E-01
PAGR1	0.15	4.37E-01	0.00	9.96E-01
PHB	0.11	5.81E-01	0.00	9.96E-01
PPP1CC	0.09	6.63E-01	0.00	9.96E-01
PSMD13	0.06	7.70E-01	0.00	9.96E-01
RAB18	0.05	7.91E-01	0.00	9.96E-01
RN7SL396P	-0.29	1.34E-01	0.00	9.96E-01
RP11-20I23.6	0.13	5.23E-01	0.00	9.96E-01
RP11-361H10.5	-0.20	3.20E-01	0.00	9.96E-01
RP11-423F24.3	0.01	9.54E-01	0.00	9.96E-01
RP11-522L3.11	-0.39	3.79E-02	0.00	9.96E-01
RP11-57A1.1	0.36	6.11E-02	0.00	9.96E-01
RP11-95P9.1	0.22	2.71E-01	0.00	9.96E-01
RP4-713B5.2	-0.13	4.94E-01	0.00	9.96E-01
SH3BP5	-0.14	4.67E-01	0.00	9.96E-01
SNIP1	0.03	8.63E-01	0.00	9.96E-01
SRGAP3-AS3	0.11	5.92E-01	0.00	9.96E-01
TRAM1	-0.01	9.53E-01	0.00	9.96E-01
USP7	0.00	9.96E-01	0.00	9.96E-01
AC097467.2	-0.15	4.53E-01	0.00	9.98E-01
AKAP1	0.01	9.67E-01	0.00	9.98E-01
B4GALT1-AS1	-0.11	5.83E-01	0.00	9.98E-01
C5orf67	0.14	4.79E-01	0.00	9.98E-01
CCDC12	-0.06	7.62E-01	0.00	9.98E-01
CPSF1	-0.16	4.16E-01	0.00	9.98E-01
CRNKL1	0.13	4.98E-01	0.00	9.98E-01
CTB-174O21.2	0.07	7.28E-01	0.00	9.98E-01
DANT2	-0.06	7.62E-01	0.00	9.98E-01
FAM96A	-0.02	9.31E-01	0.00	9.98E-01
G30492	-0.29	1.36E-01	0.00	9.98E-01
G36296	-0.29	1.41E-01	0.00	9.98E-01
GAPDHP74	0.06	7.78E-01	0.00	9.98E-01
GINM1	0.08	6.79E-01	0.00	9.98E-01
HM13-AS1	-0.17	3.99E-01	0.00	9.98E-01
ICT1	0.05	7.97E-01	0.00	9.98E-01
IL24	0.12	5.53E-01	0.00	9.98E-01
KBTBD12	0.03	8.67E-01	0.00	9.98E-01
LINC00506	0.07	7.22E-01	0.00	9.98E-01
LINC00944	-0.09	6.51E-01	0.00	9.98E-01
LINC01424	-0.17	3.76E-01	0.00	9.98E-01
LINC01579	0.02	9.14E-01	0.00	9.98E-01
LSM7	0.05	8.19E-01	0.00	9.98E-01
MCM3	-0.03	8.70E-01	0.00	9.98E-01
MYL12BP2	-0.04	8.23E-01	0.00	9.98E-01
NIPA1	-0.13	5.20E-01	0.00	9.98E-01
RARSP1	-0.17	3.79E-01	0.00	9.98E-01

<b>RNU1-67P</b>	0.19	3.39E-01	0.00	9.98E-01
<b>RP11-182M20.2</b>	-0.06	7.59E-01	0.00	9.98E-01
<b>RP11-661A12.8</b>	0.13	4.93E-01	0.00	9.98E-01
<b>RPL32</b>	0.14	4.89E-01	0.00	9.98E-01
<b>SPRY1</b>	-0.14	4.86E-01	0.00	9.98E-01
<b>TSPO2</b>	-0.22	2.57E-01	0.00	9.98E-01
<b>UGT1A1</b>	-0.08	6.82E-01	0.00	9.98E-01
<b>YAP1</b>	0.05	8.08E-01	0.00	9.98E-01
<b>YBX1</b>	0.06	7.80E-01	0.00	9.98E-01
<b>ZNF700</b>	-0.21	2.76E-01	0.00	9.98E-01
<b>ZNF90P1</b>	0.41	2.95E-02	0.00	9.98E-01
<b>AC099850.1</b>	-0.09	6.50E-01	0.00	9.99E-01
<b>AC107081.5</b>	0.03	8.78E-01	0.00	9.99E-01
<b>APELA</b>	0.00	9.89E-01	0.00	9.99E-01
<b>ARIH2</b>	0.25	1.99E-01	0.00	9.99E-01
<b>CACNA1C-IT3</b>	0.04	8.38E-01	0.00	9.99E-01
<b>CDH11</b>	-0.18	3.62E-01	0.00	9.99E-01
<b>CHRM3</b>	-0.17	3.89E-01	0.00	9.99E-01
<b>CLDN10</b>	-0.15	4.34E-01	0.00	9.99E-01
<b>COMMD10</b>	-0.20	3.12E-01	0.00	9.99E-01
<b>CTD-2301A4.1</b>	-0.03	8.67E-01	0.00	9.99E-01
<b>CTD-2542C24.5</b>	-0.07	7.17E-01	0.00	9.99E-01
<b>DDX27</b>	0.10	6.24E-01	0.00	9.99E-01
<b>EDEM3</b>	0.18	3.52E-01	0.00	9.99E-01
<b>G22194</b>	0.21	2.73E-01	0.00	9.99E-01
<b>INSL3</b>	0.10	6.28E-01	0.00	9.99E-01
<b>KIAA1658</b>	-0.30	1.25E-01	0.00	9.99E-01
<b>KLHL26</b>	0.06	7.50E-01	0.00	9.99E-01
<b>LINC00888</b>	-0.13	5.10E-01	0.00	9.99E-01
<b>MAFG</b>	0.05	8.12E-01	0.00	9.99E-01
<b>MYO1A</b>	0.14	4.79E-01	0.00	9.99E-01
<b>NHS-AS1</b>	0.01	9.46E-01	0.00	9.99E-01
<b>NSFL1C</b>	0.08	7.00E-01	0.00	9.99E-01
<b>OXT</b>	0.11	5.74E-01	0.00	9.99E-01
<b>PDHA1</b>	0.25	2.08E-01	0.00	9.99E-01
<b>PQLC2</b>	0.25	1.92E-01	0.00	9.99E-01
<b>PRADC1</b>	0.05	7.94E-01	0.00	9.99E-01
<b>RP11-370I10.6</b>	-0.15	4.44E-01	0.00	9.99E-01
<b>RP11-406H23.2</b>	-0.39	3.85E-02	0.00	9.99E-01
<b>RP11-415F23.2</b>	-0.11	5.72E-01	0.00	9.99E-01
<b>RP11-49K24.5</b>	0.11	5.87E-01	0.00	9.99E-01
<b>RP11-93O14.2</b>	0.05	7.91E-01	0.00	9.99E-01
<b>RP5-827C21.6</b>	0.26	1.89E-01	0.00	9.99E-01
<b>SLC35A5</b>	-0.14	4.79E-01	0.00	9.99E-01
<b>SLC4A1</b>	0.00	9.82E-01	0.00	9.99E-01
<b>TMEM234</b>	-0.19	3.27E-01	0.00	9.99E-01
<b>TNKS2</b>	0.03	8.97E-01	0.00	9.99E-01

<b>TRBV5-4</b>	0.18	3.54E-01	0.00	9.99E-01
<b>WNT6</b>	-0.14	4.77E-01	0.00	9.99E-01
<b>AQR</b>	0.05	7.89E-01	0.00	1.00E+00
<b>ARL5A</b>	-0.04	8.42E-01	0.00	1.00E+00
<b>CXXC1</b>	0.13	5.02E-01	0.00	1.00E+00
<b>EIF3G</b>	0.08	6.77E-01	0.00	1.00E+00
<b>HAUS8</b>	-0.02	9.29E-01	0.00	1.00E+00
<b>HOXB4</b>	-0.04	8.36E-01	0.00	1.00E+00
<b>IBTK</b>	0.29	1.34E-01	0.00	1.00E+00
<b>MKL2</b>	-0.04	8.29E-01	0.00	1.00E+00
<b>MUCL1</b>	0.24	2.09E-01	0.00	1.00E+00
<b>OSGEPL1</b>	0.19	3.35E-01	0.00	1.00E+00
<b>PKN2-AS1</b>	0.05	8.19E-01	0.00	1.00E+00
<b>PRKXP1</b>	0.17	3.98E-01	0.00	1.00E+00
<b>STX18-AS1</b>	-0.13	5.01E-01	0.00	1.00E+00
<b>ZNF382</b>	0.18	3.52E-01	0.00	1.00E+00