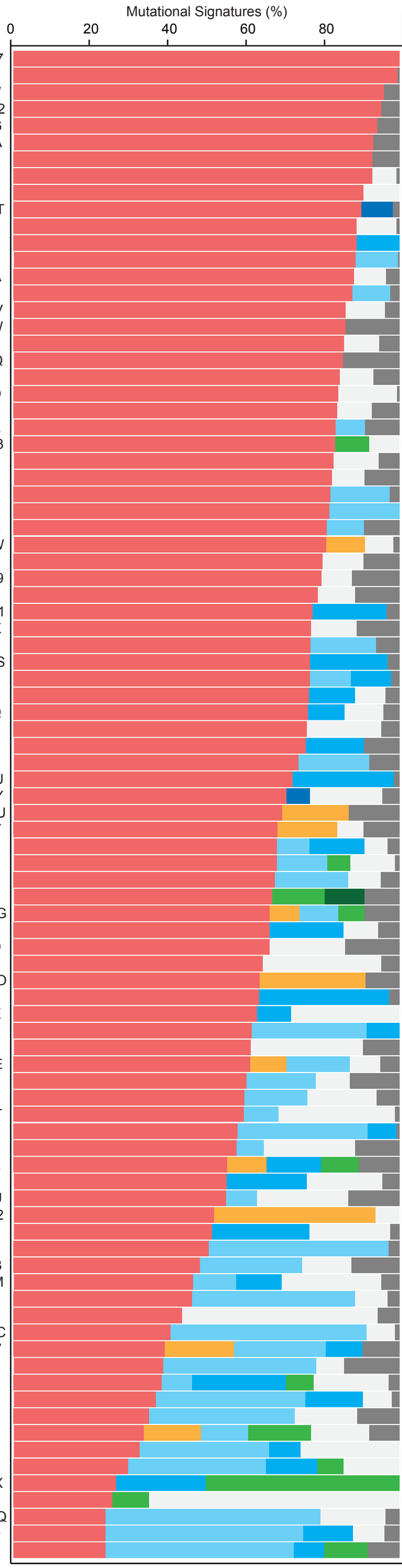
Supplementary Figure S3

Copy-number low (endometrioid)



TCGA ID	Primary Signature	Secondary Signature	Mutations (n)	SNVs (n)	Indels (%)	MSI Sensor	*MLH1* Methylation Score
TCGA-BG-A0M7	1	NA	90	87	3.3	0.21	0.04
TCGA-D1-A0ZU	1	NA	47	43	8.5	0.28	0.03
TCGA-B5-A11W	1	NA	95	92	3.2	0.22	0.02
TCGA-BG-A0W2	1	NA	51	48	5.9	0.06	0.02
TCGA-BS-A0TG	1	NA	61	58	4.9	0.17	0.03
TCGA-BK-A0CA	1	NA	80	75	6.3	0.01	0.19
TCGA-B5-A11Z	1	NA	82	78	4.9	0.19	0.03
TCGA-BG-A187	1	18	117	109	6.8	0.08	0.03
TCGA-BK-A13C	1	18	120	114	5.0	0.36	0.06
TCGA-BG-A0MT	1	20	46	40	13.0	0.29	0.03
TCGA-D1-A102	1	29	68	62	8.8	0.40	0.06
TCGA-D1-A168	1	15	72	66	8.3	0.24	0.03
TCGA-D1-A17S	1	6	62	59	4.8	0.14	0.03
TCGA-BG-A18A	1	18	87	81	6.9	0.02	0.03
TCGA-D1-A17T	1	6	102	97	4.9	0.10	0.03
TCGA-BG-A0VV	1	22	64	62	3.1	0.05	0.03
TCGA-D1-A15W	1	NA	96	90	6.3	0.08	0.03
TCGA-B5-A11F	1	2	60	57	5.0	0.52	0.03
TCGA-A5-A0GQ	1	NA	91	83	8.8	0.00	0.02
TCGA-BG-A0MI	1	7	78	76	2.6	0.21	0.02
TCGA-AP-A0LO	1	7	41	39	4.9	0.08	0.54
TCGA-B5-A11V	1	24	79	74	6.3	0.25	0.03
TCGA-A5-A0RA	1	6	98	87	11.2	0.03	0.02
TCGA-BG-A0M3	1	10	82	75	8.5	0.18	0.02
TCGA-AP-A0LV	1	2	33	30	9.1	0.06	0.02
TCGA-B5-A0K7	1	18	71	67	5.6	0.14	0.04
TCGA-A5-A0R9	1	6	63	57	9.5	0.33	0.02
TCGA-B5-A11Y	1	6	1506	1479	1.8	3.86	0.03
TCGA-BS-A0U5	1	6	78	74	5.1	0.17	0.02
TCGA-BG-A0LW	1	3	44	40	9.1	0.22	0.02
TCGA-D1-A0ZV	1	7	56	51	8.9	0.04	0.03
TCGA-BG-A0M9	1	4	83	76	8.4	0.16	0.02
TCGA-A5-A0R8	1	18	101	90	10.9	0.07	0.03
TCGA-BG-A0W1	1	15	94	77	18.1	0.35	0.12
TCGA-A5-A0GX	1	19	47	43	8.5	0.00	0.03
TCGA-D1-A16D	1	6	54	50	7.4	0.05	0.03
TCGA-BG-A0MS	1	15	65	60	7.7	1.14	0.02
TCGA-D1-A165	1	6	92	86	6.5	0.00	0.03
TCGA-AP-A05P	1	15	74	73	1.4	0.01	0.02
TCGA-D1-A0ZQ	1	29	117	107	8.5	0.33	0.02
TCGA-B5-A0K4	1	24	65	60	7.7	0.22	0.02
TCGA-AP-A0LL	1	15	62	58	6.5	0.27	0.02
TCGA-D1-A15Z	1	6	101	91	9.9	0.09	0.03
TCGA-BG-A0YU	1	15	31	31	0.0	0.05	0.03
TCGA-BG-A0RY	1	19	74	71	4.1	0.18	0.02
TCGA-BG-A0MU	1	3	90	84	6.7	0.32	0.02
TCGA-BS-A0UT	1	3	48	44	8.3	0.19	0.01
TCGA-D1-A16E	1	15	81	76	6.2	0.06	0.03
TCGA-B5-A0JT	1	6	87	82	5.7	0.14	0.10
TCGA-AX-A05U	1	6	39	35	10.3	0.07	0.03
TCGA-D1-A17N	1	10	41	38	7.3	0.01	0.03
TCGA-BG-A0MG	1	6	163	150	8.0	0.40	0.02
TCGA-B5-A0JS	1	15	39	37	5.1	0.03	0.01
TCGA-BS-A0TD	1	16	55	49	10.9	0.03	0.02
TCGA-AP-A0LN	1	29	83	75	9.6	0.11	0.02
TCGA-BG-A0MO	1	3	64	59	7.8	0.04	0.02
TCGA-D1-A17C	1	15	74	67	9.5	0.01	0.03
TCGA-A5-A0GE	1	29	41	36	12.2	0.06	0.04
TCGA-AX-A0IS	1	6	69	63	8.7	0.16	0.12
TCGA-D1-A0ZN	1	29	63	58	7.9	0.14	0.03
TCGA-BG-A2AE	1	6	173	166	4.0	0.01	0.03
TCGA-BS-A0T9	1	6	79	71	10.1	0.01	0.03
TCGA-B5-A11S	1	6	67	63	6.0	0.22	0.12
TCGA-BG-A0VT	1	16	47	45	4.3	0.12	0.03
TCGA-D1-A161	1	6	122	114	6.6	0.16	0.03
TCGA-AX-A05T	1	16	77	68	11.7	0.40	0.02
TCGA-D1-A0ZR	1	15	76	71	6.6	0.16	0.03
TCGA-D1-A16Q	1	15	43	41	4.7	0.02	0.03
TCGA-A5-A0GU	1	19	65	60	7.7	0.02	0.02
TCGA-BG-A0M2	1	3	44	39	11.4	0.83	0.03
TCGA-BS-A0V6	1	15	77	75	2.6	0.01	0.05
TCGA-BG-A186	1	6	47	40	14.9	0.08	0.03
TCGA-BK-A0CB	1	6	82	79	3.7	0.09	0.02
TCGA-A5-A0GM	1	5	56	51	8.9	0.05	0.02
TCGA-AP-A0LJ	1	6	56	53	5.4	8.89	0.02
TCGA-B5-A0K0	1	30	25	24	4.0	0.02	0.02
TCGA-BG-A0MC	6	1	76	72	5.3	0.05	0.02
TCGA-A5-A0GV	1	6	69	63	8.7	0.14	0.02
TCGA-B5-A11Q	6	1	54	51	5.6	0.49	0.10
TCGA-D1-A16B	1	15	66	61	7.6	0.02	0.03
TCGA-B5-A11O	6	1	142	133	6.3	0.56	0.30
TCGA-D1-A17L	6	1	87	84	3.4	0.21	0.23
TCGA-B5-A121	1	10	47	42	10.6	0.13	0.03
TCGA-D1-A15X	6	1	2409	2375	1.4	11.04	0.03
TCGA-B5-A0K1	6	1	72	66	8.3	0.06	0.02
TCGA-BG-A0VX	10	1	282	275	2.5	0.08	0.03
TCGA-D1-A16J	2	1	331	325	1.8	0.09	0.03
TCGA-BS-A0WQ	6	1	67	61	9.0	0.06	0.02
TCGA-D1-A16O	6	1	47	43	8.5	0.07	0.03
TCGA-AX-A062	6	1	36	36	0.0	0.15	0.02

Signatures: *POLE* 10 14 | MMR defect 6 15 20 26 | Aging 1 | HRD defect 3 | Other Other NA