

Table SI. List of the 107 differentially expressed genes in the radiotherapy group. A negative correlation was identified between the expression and methylation levels.

Gene	Correlation coefficient
ABCG2	-0.06874
ABHD1	-0.04623
ABO	-0.10276
ACTC1	-0.10224
ADCY2	-0.03229
AK5	-0.01875
ALOX12B	-0.03239
ALOX15B	-0.07402
AMDHD1	-0.06425
ANKS1B	-0.01901
ARC	-0.05317
ATP1A3	-0.10381
BMP3	-0.01507
CCDC136	-0.07873
CCNA1	-0.03357
CD1B	-0.02852
CEND1	-0.07645
CHST13	-0.01306
CHST8	-0.10764
CKM	-0.10068
CPLX3	-0.07739
CRCT1	-0.0841
CRHR1	-0.0201
CRIP3	-0.0074
CRYBA2	-0.0531
CSRNP3	-0.0055
CST6	-0.0961
CXCL5	-0.01025
CYP26A1	-0.00016
CYP4F22	-0.08921
DACH1	-0.0521
DACT2	-0.08399
DPF1	-0.12821
EFCAB6	-0.05882
ELOVL3	-0.10721
FBXO17	-0.05107
FCRLA	-0.152
FIBCD1	-0.08332
FNDC5	-0.11829
FOXC2	-0.02672
GALR2	-0.0282
GOLT1A	-0.0477
GPRIN2	-0.01319
GSTM1	-0.05934
HHIP	-0.04089
HIST1H3C	-0.05535
HIST1H4D	-0.00138
HOXC5	-0.09848
HRK	-0.07883
ICAM5	-0.00654
IHH	-0.07796
IRX6	-0.06953
ITGA8	-0.07493
KCNN1	-0.07224
KISS1R	-0.10574
KLK1	-0.09214
KLK7	-0.03982

Table SI. Continued.

Gene	Correlation coefficient
KLK8	-0.05431
KLRG2	-0.03788
LRAT	-0.06393
LRFN1	-0.00695
LRRC26	-0.05424
LRRN2	-0.05664
MEGF11	-0.03113
MOV10L1	-0.02692
NBEA	-0.03503
NBPF3	-0.09269
NDST3	-0.03182
NEB	-0.04598
NGF	-0.05945
NKAIN1	-0.04599
NOG	-0.01084
NPTX1	-0.03998
NRG2	-0.02687
PACRG	-0.01971
PAIP2B	-0.13272
PGR	-0.08043
PKHD1L1	-0.00917
POMC	-0.02613
PRDM6	-0.02908
PRIMA1	-0.02938
PRRT4	-0.04037
PRSS35	-0.00879
RASL10B	-0.12583
RGL3	-0.04283
RNF182	-0.10085
RTBDN	-0.06192
SEMA3E	-0.00825
SIGLEC15	-0.11174
SIX3	-0.00359
SLC17A7	-0.0182
SLC35F1	-0.11334
SPOCK3	-0.03299
SPSB4	-0.03942
SPTBN4	-0.00272
SYT13	-0.07686
TCL1A	-0.03416
TMEM233	-0.00611
TMEM59L	-0.0254
TMEM63C	-0.00699
TNNI3	-0.06494
USP44	-0.01502
WIF1	-0.14805
ZBTB8B	-0.03209
ZFPM2	-0.07772
ZFYVE28	-0.03899
ZNF502	-0.09462

Table SII. DEGs and DMGs associated with cervical cancer prognosis in the radiotherapy group. A negative correlation was identified between the expression and methylation levels.

DEGs (n=25)		DMGs (n=21)	
Gene	P-value	Gene	P-value
TMEM233	1.30x10 ⁻⁴	SYT13	1.80x10 ⁻³
TCL1A	4.10x10 ⁻⁴	TMEM233	2.45x10 ⁻³
FOXC2	1.00x10 ⁻³	SEMA3E	3.85x10 ⁻³
CXCL5	1.25x10 ⁻³	WIF1	5.00x10 ⁻³
ABHD1	1.85x10 ⁻³	FOXC2	5.50x10 ⁻³
ALOX12B	3.00x10 ⁻³	CRCT1	6.50x10 ⁻³
CYP26A1	3.00x10 ⁻³	NPTX1	8.00x10 ⁻³
RASL10B	5.50x10 ⁻³	CCDC136	9.50x10 ⁻³
CSRNP3	5.50x10 ⁻³	TNNI3	1.05x10 ⁻²
EFCAB6	7.00x10 ⁻³	FIBCD1	1.25x10 ⁻²
HIST1H4D	9.50x10 ⁻³	CXCL5	1.75x10 ⁻²
RTBDN	1.15x10 ⁻²	HHIP	1.90x10 ⁻²
CD1B	1.15x10 ⁻²	ZFPM2	2.30x10 ⁻²
CCDC136	1.35x10 ⁻²	ANKS1B	2.45x10 ⁻²
SYT13	2.60x10 ⁻²	CCNA1	2.85x10 ⁻²
ZNF502	3.60x10 ⁻²	ACTC1	3.05x10 ⁻²
CHST8	3.65x10 ⁻²	LRRC26	3.55x10 ⁻²
ABCG2	3.80x10 ⁻²	ABCG2	3.85x10 ⁻²
TNNI3	3.80x10 ⁻²	CYP4F22	4.25x10 ⁻²
MOV10L1	3.80x10 ⁻²	CYP26A1	4.45x10 ⁻²
TMEM63C	4.20x10 ⁻²	ELOVL3	4.60x10 ⁻²
NGF	4.35x10 ⁻²	-	-
SIX3	4.45x10 ⁻²	-	-
KLRG2	4.65x10 ⁻²	-	-
FBXO17	4.75x10 ⁻²	-	-

-DEGs, differentially expressed genes; DMGs, differentially methylated genes.

Table SIII. Differentially expressed genes between patients with high- and low-risk status based on the 8-gene signature.

Gene	P-value	FDR	logFC
AADACL2	7.75x10 ⁻³	4.49x10 ⁻²	-0.89732
ABCA13	7.24x10 ⁻³	4.28x10 ⁻²	-0.33757
ABCC9	1.40x10 ⁻⁴	3.08x10 ⁻³	0.337939
ACAN	1.59x10 ⁻⁵	7.64x10 ⁻⁴	0.351872
ADAM12	4.68x10 ⁻⁸	2.15x10 ⁻⁵	0.29804
ADAMTS12	4.52x10 ⁻⁸	2.15x10 ⁻⁵	0.598873
ADAMTS15	5.94x10 ⁻⁴	8.11x10 ⁻³	0.506878
ADAMTS16	8.87x10 ⁻⁴	1.07x10 ⁻²	0.52636
ADAMTS2	3.82x10 ⁻⁶	3.18x10 ⁻⁴	0.305284
ADAMTS3	1.86x10 ⁻³	1.72x10 ⁻²	0.378401
ADAMTS5	3.10x10 ⁻⁶	2.71x10 ⁻⁴	0.343539
ADAMTS6	3.51x10 ⁻⁵	1.25x10 ⁻³	0.317886
ADAMTS7	6.87x10 ⁻⁹	1.01x10 ⁻⁵	0.317415
ADCY1	4.46x10 ⁻⁶	3.53x10 ⁻⁴	0.349395
ADH7	6.12x10 ⁻⁴	8.28x10 ⁻³	-0.59035
ADRA2B	5.77x10 ⁻³	3.67x10 ⁻²	-0.28497
AGT	6.42x10 ⁻³	3.94x10 ⁻²	0.357521
AGTR1	3.07x10 ⁻³	2.42x10 ⁻²	0.549842
AIPL1	4.45x10 ⁻³	3.09x10 ⁻²	-0.66126
AKAP2	1.72x10 ⁻⁷	4.36x10 ⁻⁵	0.392922
ALDH3A1	1.19x10 ⁻⁶	1.51x10 ⁻⁴	-0.33006
ALOX15	3.11x10 ⁻³	2.44x10 ⁻²	-0.48373
ALOXE3	5.77x10 ⁻³	3.67x10 ⁻²	-0.32425
ALPK2	9.27x10 ⁻⁴	1.10x10 ⁻²	0.336245
AMH	8.00x10 ⁻³	4.58x10 ⁻²	-0.297
AMPH	4.07x10 ⁻³	2.89x10 ⁻²	0.32207
ANKRD20A3	2.74x10 ⁻³	2.23x10 ⁻²	-0.29925
ANKRD24	6.94x10 ⁻⁶	4.52x10 ⁻⁴	-0.30025
APCDD1L	6.15x10 ⁻⁴	8.30x10 ⁻³	0.536191
APOBEC3H	1.24x10 ⁻³	1.34x10 ⁻²	-0.26673
AQP9	1.44x10 ⁻³	1.46x10 ⁻²	0.284524
AR	7.10x10 ⁻³	4.21x10 ⁻²	0.48275
ARHGAP42	9.90x10 ⁻⁵	2.42x10 ⁻³	0.280025
ARHGEF33	5.98x10 ⁻⁷	1.02x10 ⁻⁴	-0.29464
ARL9	5.17x10 ⁻³	3.40x10 ⁻²	-0.38111
ARRDC5	1.72x10 ⁻³	1.63x10 ⁻²	-0.35198
ASAH2B	5.96x10 ⁻³	3.76x10 ⁻²	0.376727
AVPR1A	2.19x10 ⁻⁴	4.19x10 ⁻³	0.512689
B3GAT2	2.22x10 ⁻³	1.94x10 ⁻²	0.269707
BCL2L14	2.87x10 ⁻³	2.31x10 ⁻²	-0.27735
BEST3	3.33x10 ⁻³	2.56x10 ⁻²	0.805954
BHLHA15	1.00x10 ⁻⁴	2.44x10 ⁻³	0.562517
BICC1	6.44x10 ⁻⁸	2.79x10 ⁻⁵	0.629694
BMP7	7.85x10 ⁻⁵	2.06x10 ⁻³	-0.30184
BTBD19	8.47x10 ⁻⁴	1.04x10 ⁻²	0.327733
C11orf86	5.18x10 ⁻⁴	7.39x10 ⁻³	1.196457
C14orf39	3.92x10 ⁻³	2.82x10 ⁻²	-0.55968
C16orf89	8.16x10 ⁻³	4.63x10 ⁻²	0.618068
C17orf47	3.73x10 ⁻³	2.74x10 ⁻²	0.451486
C17orf64	3.51x10 ⁻⁵	1.25x10 ⁻³	-0.86293
C19orf38	5.19x10 ⁻⁶	3.80x10 ⁻⁴	-0.30184
C19orf45	1.98x10 ⁻³	1.80x10 ⁻²	-0.40556
C22orf31	4.21x10 ⁻⁴	6.41x10 ⁻³	-0.57411
C2orf71	1.59x10 ⁻³	1.55x10 ⁻²	-0.68213
C3orf36	5.43x10 ⁻³	3.52x10 ⁻²	0.276315
C6orf201	7.63x10 ⁻³	4.44x10 ⁻²	0.36535
C8G	5.33x10 ⁻³	3.48x10 ⁻²	-0.32666
C8orf48	4.25x10 ⁻⁴	6.45x10 ⁻³	0.594196
C9orf172	2.43x10 ⁻³	2.06x10 ⁻²	0.275374

Table III. Continued.

Gene	P-value	FDR	logFC
C9orf24	2.64x10 ⁻³	2.19x10 ⁻²	-0.40476
CA8	3.82x10 ⁻⁴	5.94x10 ⁻³	0.831536
CACNA1H	3.70x10 ⁻⁵	1.29x10 ⁻³	0.271938
CALML6	4.80x10 ⁻³	3.23x10 ⁻²	-0.3654
CAMP	8.21x10 ⁻³	4.65x10 ⁻²	-0.54201
CASP14	1.11x10 ⁻³	1.24x10 ⁻²	0.625268
CBWD5	7.46x10 ⁻³	4.37x10 ⁻²	0.616089
CCBE1	2.12x10 ⁻³	1.87x10 ⁻²	0.615604
CCDC155	8.38x10 ⁻³	4.71x10 ⁻²	-0.57403
CCDC68	1.34x10 ⁻⁴	2.97x10 ⁻³	0.298382
CCL19	2.57x10 ⁻³	2.14x10 ⁻²	-0.35121
CD1C	6.99x10 ⁻³	4.17x10 ⁻²	-0.3047
CD1E	3.67x10 ⁻³	2.71x10 ⁻²	-0.36719
CDH2	3.19x10 ⁻⁶	2.78x10 ⁻⁴	0.467391
CDKL5	4.71x10 ⁻⁴	6.89x10 ⁻³	0.357388
CDYL2	1.92x10 ⁻⁵	8.43x10 ⁻⁴	0.348412
CHIT1	6.19x10 ⁻³	3.86x10 ⁻²	-0.37137
CHODL	7.89x10 ⁻⁶	4.82x10 ⁻⁴	-0.49488
CHSY3	4.00x10 ⁻⁵	1.34x10 ⁻³	0.318751
CLDN11	7.32x10 ⁻³	4.30x10 ⁻²	0.264272
CLEC10A	2.66x10 ⁻³	2.20x10 ⁻²	-0.28604
CLECL1	2.62x10 ⁻⁴	4.68x10 ⁻³	-0.40326
CLSTN2	2.24x10 ⁻³	1.95x10 ⁻²	0.337955
CNGB1	5.45x10 ⁻³	3.53x10 ⁻²	0.412079
CNTF	2.40x10 ⁻⁵	9.75x10 ⁻⁴	0.314121
CNTFR	2.46x10 ⁻³	2.07x10 ⁻²	-0.50467
COL11A1	1.48x10 ⁻⁴	3.18x10 ⁻³	0.596191
COL13A1	2.01x10 ⁻⁴	4.01x10 ⁻³	0.307701
COL8A1	8.74x10 ⁻⁸	3.25x10 ⁻⁵	0.392924
COLEC11	5.79x10 ⁻⁵	1.70x10 ⁻³	-0.40288
CORO2B	2.52x10 ⁻³	2.11x10 ⁻²	0.306182
COX6A2	3.18x10 ⁻⁴	5.30x10 ⁻³	-0.74025
CREG2	4.21x10 ⁻³	2.96x10 ⁻²	0.482985
CRTAM	4.55x10 ⁻³	3.12x10 ⁻²	-0.30083
CRYBB3	8.79x10 ⁻³	4.86x10 ⁻²	-0.33766
CSF2	4.29x10 ⁻⁴	6.49x10 ⁻³	0.524039
CSMD2	4.48x10 ⁻³	3.09x10 ⁻²	0.319247
CXCL13	5.34x10 ⁻³	3.48x10 ⁻²	-0.26968
CXCL2	2.41x10 ⁻⁴	4.45x10 ⁻³	0.298442
CXCL3	8.22x10 ⁻⁵	2.12x10 ⁻³	0.371064
CXCL5	1.49x10 ⁻¹¹	1.10x10 ⁻⁷	0.899753
CXCL6	7.66x10 ⁻³	4.45x10 ⁻²	0.299883
CXCR1	6.86x10 ⁻³	4.12x10 ⁻²	0.3767
CYP26A1	3.42x10 ⁻¹¹	1.68x10 ⁻⁷	-1.20765
CYP26C1	2.10x10 ⁻⁸	1.56x10 ⁻⁵	-1.33798
CYP27C1	8.06x10 ⁻³	4.60x10 ⁻²	0.277889
CYP4F12	6.26x10 ⁻⁴	8.41x10 ⁻³	-0.36264
CYTL1	8.79x10 ⁻⁵	2.23x10 ⁻³	0.469865
DAAM2	2.54x10 ⁻⁶	2.40x10 ⁻⁴	0.319035
DCLK1	1.62x10 ⁻³	1.57x10 ⁻²	0.36134
DCLK3	2.36x10 ⁻⁸	1.56x10 ⁻⁵	0.558236
DDIT4L	3.59x10 ⁻³	2.68x10 ⁻²	0.4411
DDR2	1.29x10 ⁻⁵	6.71x10 ⁻⁴	0.389959
DHDH	2.03x10 ⁻⁵	8.73x10 ⁻⁴	-0.308
DKKL1	1.46x10 ⁻⁴	3.15x10 ⁻³	-0.52903
DLK2	1.15x10 ⁻³	1.27x10 ⁻²	-0.30782
DLL3	3.68x10 ⁻³	2.72x10 ⁻²	-0.31673
DMBT1	1.20x10 ⁻³	1.31x10 ⁻²	0.600391
DMRT1	8.95x10 ⁻³	4.91x10 ⁻²	-0.68811

Table III. Continued.

Gene	P-value	FDR	logFC
DMRT2	7.59x10 ⁻⁴	9.67x10 ⁻³	-0.57352
DNAH5	9.03x10 ⁻³	4.93x10 ⁻²	0.273049
DNAJC6	2.76x10 ⁻⁴	4.86x10 ⁻³	0.339983
DNER	3.12x10 ⁻³	2.45x10 ⁻²	0.481219
DOC2A	3.96x10 ⁻³	2.84x10 ⁻²	-0.33183
DOK6	9.89x10 ⁻⁵	2.42x10 ⁻³	0.458769
DPP4	2.21x10 ⁻³	1.93x10 ⁻²	0.273895
DYDC2	3.29x10 ⁻⁴	5.44x10 ⁻³	-0.57942
EDA2R	1.28x10 ⁻⁶	1.54x10 ⁻⁴	0.558478
EDIL3	4.28x10 ⁻⁶	3.42x10 ⁻⁴	0.512038
EME2	1.10x10 ⁻⁶	1.42x10 ⁻⁴	0.332172
EN2	4.99x10 ⁻³	3.32x10 ⁻²	-0.29492
ENHO	1.81x10 ⁻³	1.69x10 ⁻²	-0.34906
ENPP1	3.05x10 ⁻³	2.41x10 ⁻²	0.265739
EREG	3.09x10 ⁻⁴	5.22x10 ⁻³	0.491796
ERN1	1.61x10 ⁻⁵	7.69x10 ⁻⁴	0.270479
ESM1	7.77x10 ⁻⁷	1.12x10 ⁻⁴	0.305381
EXD1	2.66x10 ⁻³	2.19x10 ⁻²	-0.51645
EYS	6.89x10 ⁻⁴	9.03x10 ⁻³	0.291741
FAM131C	6.62x10 ⁻³	4.02x10 ⁻²	-0.27225
FAM13C	1.34x10 ⁻³	1.40x10 ⁻²	0.373734
FAM155A	4.84x10 ⁻³	3.25x10 ⁻²	0.392073
FAM159A	5.81x10 ⁻⁷	1.02x10 ⁻⁴	-0.43932
FAM196B	2.77x10 ⁻⁵	1.08x10 ⁻³	0.923863
FAM26E	4.26x10 ⁻⁵	1.39x10 ⁻³	0.304402
FAM57B	5.13x10 ⁻⁵	1.58x10 ⁻³	-0.42798
FAM71F2	8.66x10 ⁻³	4.81x10 ⁻²	0.293528
FAM90A1	3.54x10 ⁻⁵	1.26x10 ⁻³	-0.37489
FAT4	2.10x10 ⁻⁴	4.11x10 ⁻³	0.2779
FBN2	1.05x10 ⁻⁴	2.52x10 ⁻³	0.409823
FCAR	7.88x10 ⁻⁴	9.91x10 ⁻³	0.735931
FCGR3B	1.61x10 ⁻³	1.56x10 ⁻²	0.34859
FGA	1.45x10 ⁻³	1.46x10 ⁻²	0.896193
FGB	5.26x10 ⁻⁴	7.48x10 ⁻³	1.017918
FGF5	4.13x10 ⁻⁵	1.38x10 ⁻³	1.155971
FGG	5.61x10 ⁻³	3.60x10 ⁻²	1.021629
FGL1	6.60x10 ⁻³	4.01x10 ⁻²	0.823634
FIBIN	3.81x10 ⁻³	2.77x10 ⁻²	0.298552
FIGN	4.97x10 ⁻⁷	9.50x10 ⁻⁵	0.63472
FKBP6	6.84x10 ⁻⁶	4.51x10 ⁻⁴	-0.63202
FLT3	5.49x10 ⁻³	3.54x10 ⁻²	-0.3778
FMN1	5.48x10 ⁻³	3.53x10 ⁻²	0.26474
FNDC1	1.60x10 ⁻⁶	1.78x10 ⁻⁴	0.350421
FNDC4	4.97x10 ⁻⁵	1.55x10 ⁻³	0.263423
FOLH1	2.53x10 ⁻⁴	4.56x10 ⁻³	0.341902
FOXA2	1.41x10 ⁻³	1.45x10 ⁻²	0.852123
FOXC2	4.39x10 ⁻⁹	8.77x10 ⁻⁶	0.847615
FOXD3	5.13x10 ⁻⁴	7.36x10 ⁻³	-0.38489
FOXE1	1.35x10 ⁻³	1.41x10 ⁻²	-0.29221
FOXL1	3.05x10 ⁻⁵	1.16x10 ⁻³	0.364032
FRMD5	3.33x10 ⁻⁴	5.47x10 ⁻³	0.400709
FRMPD1	4.56x10 ⁻³	3.13x10 ⁻²	0.627559
FXYP1	3.00x10 ⁻³	2.39x10 ⁻²	-0.43192
FZD9	3.19x10 ⁻³	2.48x10 ⁻²	-0.28478
GABRP	1.50x10 ⁻³	1.49x10 ⁻²	-0.33042
GABRR2	7.19x10 ⁻⁴	9.32x10 ⁻³	0.592052
GALNT13	1.21x10 ⁻³	1.32x10 ⁻²	0.707226
GARNL3	5.09x10 ⁻⁶	3.76x10 ⁻⁴	-0.26716
GAS2L3	6.18x10 ⁻⁴	8.33x10 ⁻³	0.290159

Table SIII. Continued.

Gene	P-value	FDR	logFC
GFPT2	1.09x10 ⁻⁴	2.59x10 ⁻³	0.280752
GHRL	6.24x10 ⁻³	3.88x10 ⁻²	-0.36935
GLIPR1L2	6.40x10 ⁻³	3.94x10 ⁻²	-0.26736
GNMT	7.53x10 ⁻³	4.40x10 ⁻²	-0.32181
GPC6	3.54x10 ⁻³	2.65x10 ⁻²	0.274592
GPHA2	6.44x10 ⁻⁵	1.82x10 ⁻³	-0.65823
GPR157	1.94x10 ⁻⁴	3.91x10 ⁻³	0.276961
GPR173	6.32x10 ⁻³	3.91x10 ⁻²	0.378487
GPR62	2.90x10 ⁻⁶	2.62x10 ⁻⁴	-0.46866
GPR75	2.00x10 ⁻⁴	3.99x10 ⁻³	0.279186
GPR78	1.31x10 ⁻³	1.38x10 ⁻²	0.695771
GRAMD1B	1.73x10 ⁻³	1.63x10 ⁻²	0.365853
GRIA3	1.89x10 ⁻⁵	8.39x10 ⁻⁴	0.550438
GRIK2	6.73x10 ⁻⁴	8.89x10 ⁻³	0.564626
GRIK3	1.95x10 ⁻⁵	8.51x10 ⁻⁴	0.56056
GRIN2C	1.86x10 ⁻⁷	4.64x10 ⁻⁵	-0.43512
GUCA1A	7.09x10 ⁻³	4.21x10 ⁻²	0.58435
GUCY1A2	2.02x10 ⁻³	1.82x10 ⁻²	0.317261
GXYLT2	9.02x10 ⁻³	4.93x10 ⁻²	0.266808
HAPLN4	7.05x10 ⁻³	4.20x10 ⁻²	0.348151
HEPHL1	1.46x10 ⁻³	1.47x10 ⁻²	0.457044
HHIP	1.06x10 ⁻³	1.20x10 ⁻²	0.82155
HIST1H1B	2.03x10 ⁻⁴	4.03x10 ⁻³	-0.39578
HIST1H1E	7.79x10 ⁻⁴	9.84x10 ⁻³	-0.28255
HIST1H2AH	2.01x10 ⁻³	1.81x10 ⁻²	-0.4101
HIST1H2AJ	1.02x10 ⁻³	1.18x10 ⁻²	-0.3895
HIST1H2BM	1.49x10 ⁻⁵	7.36x10 ⁻⁴	-0.79809
HIST1H3F	8.81x10 ⁻⁴	1.07x10 ⁻²	-0.41456
HLF	3.41x10 ⁻⁴	5.56x10 ⁻³	-0.29
HMSD	2.10x10 ⁻³	1.87x10 ⁻²	-0.33277
HMX2	3.32x10 ⁻³	2.56x10 ⁻²	-0.4645
HOXA6	2.11x10 ⁻⁴	4.12x10 ⁻³	0.382574
HPCA	1.04x10 ⁻³	1.19x10 ⁻²	-0.34365
HRASLS	2.39x10 ⁻³	2.03x10 ⁻²	-0.39391
HRASLS2	7.12x10 ⁻⁶	4.53x10 ⁻⁴	-0.56681
HRH2	2.79x10 ⁻³	2.27x10 ⁻²	0.376715
HS3ST3B1	8.83x10 ⁻⁴	1.07x10 ⁻²	0.37522
HS3ST6	4.36x10 ⁻³	3.04x10 ⁻²	-0.45953
HSD17B2	1.22x10 ⁻⁵	6.48x10 ⁻⁴	0.492287
HSPB3	4.53x10 ⁻³	3.11x10 ⁻²	-0.60977
HUS1B	6.83x10 ⁻³	4.11x10 ⁻²	-0.33146
IBSP	3.48x10 ⁻⁵	1.25x10 ⁻³	0.739162
IGDCC4	3.24x10 ⁻⁵	1.19x10 ⁻³	0.299023
IL12B	4.83x10 ⁻³	3.24x10 ⁻²	-0.42892
IL13RA2	1.28x10 ⁻³	1.36x10 ⁻²	0.531241
IL1A	6.52x10 ⁻³	3.98x10 ⁻²	0.30459
IL1B	3.93x10 ⁻⁵	1.34x10 ⁻³	0.275915
IL22RA2	3.47x10 ⁻³	2.62x10 ⁻²	-0.40812
IL6	3.98x10 ⁻³	2.85x10 ⁻²	0.304169
IL6ST	1.64x10 ⁻⁵	7.71x10 ⁻⁴	0.277959
IMPG1	5.57x10 ⁻⁴	7.77x10 ⁻³	0.488423
INHBA	8.47x10 ⁻⁵	2.16x10 ⁻³	0.352156
ISM2	6.74x10 ⁻³	4.07x10 ⁻²	-0.41776
ITGAD	1.01x10 ⁻³	1.18x10 ⁻²	-0.52061
ITGB3	3.67x10 ⁻⁸	1.86x10 ⁻⁵	0.484377
ITGBL1	6.64x10 ⁻³	4.03x10 ⁻²	0.32817
JPH3	8.58x10 ⁻³	4.78x10 ⁻²	0.432516
KANK4	6.90x10 ⁻⁶	4.52x10 ⁻⁴	0.694757
KCNA6	2.46x10 ⁻³	2.08x10 ⁻²	0.49403

Table SIII. Continued.

Gene	P-value	FDR	logFC
KCNA7	3.20x10 ⁻³	2.49x10 ⁻²	-0.4042
KCND2	5.45x10 ⁻⁵	1.63x10 ⁻³	0.41129
KCNE2	1.19x10 ⁻⁷	3.39x10 ⁻⁵	-0.35685
KCNE4	4.26x10 ⁻⁵	1.39x10 ⁻³	0.298036
KCNF1	2.47x10 ⁻³	2.08x10 ⁻²	0.649179
KCNG3	8.70x10 ⁻⁶	5.20x10 ⁻⁴	-0.40026
KCNJ12	2.70x10 ⁻³	2.21x10 ⁻²	0.319676
KCNK3	1.42x10 ⁻³	1.45x10 ⁻²	0.356402
KCNMB4	3.90x10 ⁻³	2.81x10 ⁻²	0.27269
KCNN2	6.51x10 ⁻³	3.97x10 ⁻²	0.395713
KCNQ3	5.46x10 ⁻⁴	7.65x10 ⁻³	0.571352
KEL	1.04x10 ⁻⁶	1.38x10 ⁻⁴	-0.58961
KIAA0754	5.92x10 ⁻⁵	1.72x10 ⁻³	0.336591
KIAA1257	2.47x10 ⁻⁴	4.50x10 ⁻³	-0.39713
KIAA1644	8.93x10 ⁻⁵	2.25x10 ⁻³	0.325497
KIRREL	1.43x10 ⁻⁶	1.62x10 ⁻⁴	0.381466
KL	1.25x10 ⁻³	1.34x10 ⁻²	0.328989
KLK1	4.42x10 ⁻³	3.07x10 ⁻²	-0.32051
KLRG2	7.94x10 ⁻⁵	2.08x10 ⁻³	-0.38122
KRT83	6.46x10 ⁻³	3.96x10 ⁻²	0.65278
LAMA1	1.06x10 ⁻⁴	2.55x10 ⁻³	0.479449
LCE1C	6.54x10 ⁻³	3.99x10 ⁻²	-0.60325
LDHC	1.14x10 ⁻⁷	3.35x10 ⁻⁵	-0.63295
LDLRAD3	1.72x10 ⁻⁶	1.87x10 ⁻⁴	0.272721
LGALS2	1.30x10 ⁻³	1.37x10 ⁻²	-0.37218
LGALS9C	1.20x10 ⁻⁵	6.47x10 ⁻⁴	-0.28483
LHX4	4.69x10 ⁻⁴	6.88x10 ⁻³	0.321901
LILRA4	3.48x10 ⁻³	2.63x10 ⁻²	-0.42849
LIPG	3.04x10 ⁻⁵	1.16x10 ⁻³	0.28777
LRRC15	5.70x10 ⁻⁴	7.89x10 ⁻³	0.360766
LRRC36	2.03x10 ⁻³	1.83x10 ⁻²	0.364622
LY9	2.24x10 ⁻³	1.95x10 ⁻²	-0.28811
LYVE1	1.10x10 ⁻⁵	6.06x10 ⁻⁴	0.376172
MAGEL2	2.11x10 ⁻³	1.87x10 ⁻²	0.459307
MAMDC2	2.86x10 ⁻³	2.31x10 ⁻²	0.390334
MAPK4	2.50x10 ⁻³	2.10x10 ⁻²	0.685834
MASP2	4.72x10 ⁻³	3.19x10 ⁻²	0.263048
MAT1A	5.42x10 ⁻⁵	1.63x10 ⁻³	-0.55982
MCHR1	2.46x10 ⁻⁴	4.50x10 ⁻³	0.550639
MEI1	2.98x10 ⁻⁴	5.11x10 ⁻³	-0.31329
MGAT5	4.02x10 ⁻⁵	1.34x10 ⁻³	0.271682
MICALCL	6.44x10 ⁻⁷	1.05x10 ⁻⁴	0.377678
MME	2.30x10 ⁻⁵	9.53x10 ⁻⁴	0.397555
MMP1	3.24x10 ⁻⁵	1.19x10 ⁻³	0.334293
MMP16	1.27x10 ⁻⁶	1.54x10 ⁻⁴	0.595007
MMP3	3.41x10 ⁻³	2.59x10 ⁻²	0.302642
MMP8	2.12x10 ⁻⁴	4.12x10 ⁻³	0.865484
MORN3	3.76x10 ⁻³	2.75x10 ⁻²	-0.29297
MSMP	7.82x10 ⁻⁸	3.20x10 ⁻⁵	0.268341
MSX2	7.56x10 ⁻⁴	9.67x10 ⁻³	0.345084
MUC6	3.07x10 ⁻³	2.42x10 ⁻²	0.618538
MYBPC2	8.05x10 ⁻³	4.59x10 ⁻²	-0.6004
MYLPF	3.30x10 ⁻³	2.55x10 ⁻²	-0.49248
MYOCD	1.02x10 ⁻³	1.18x10 ⁻²	0.58648
MYOM3	4.76x10 ⁻³	3.21x10 ⁻²	0.309465
MYOZ3	1.88x10 ⁻⁴	3.82x10 ⁻³	0.426603
MYPN	7.30x10 ⁻³	4.30x10 ⁻²	0.749901
NALCN	3.34x10 ⁻³	2.56x10 ⁻²	0.663515
NEGR1	2.87x10 ⁻³	2.31x10 ⁻²	0.29581

Table III. Continued.

Gene	P-value	FDR	logFC
NFATC2	3.11x10 ⁻³	2.44x10 ⁻²	0.330488
NFE2	2.42x10 ⁻³	2.05x10 ⁻²	0.340092
NHSL2	4.72x10 ⁻³	3.19x10 ⁻²	0.335192
NID2	4.90x10 ⁻¹⁰	1.80x10 ⁻⁶	0.30808
NIPAL1	1.49x10 ⁻³	1.49x10 ⁻²	0.277031
NKD1	1.09x10 ⁻³	1.22x10 ⁻²	0.322054
NKX2-3	5.36x10 ⁻³	3.49x10 ⁻²	-0.62983
NLRP12	3.10x10 ⁻³	2.44x10 ⁻²	0.480027
NOG	5.46x10 ⁻⁴	7.65x10 ⁻³	0.61628
NOS2	9.22x10 ⁻³	4.99x10 ⁻²	-0.43888
NPAS1	7.57x10 ⁻⁴	9.67x10 ⁻³	-0.26943
NPR2	1.68x10 ⁻⁵	7.82x10 ⁻⁴	0.285221
NPTX1	9.84x10 ⁻⁴	1.15x10 ⁻²	0.504191
NTN5	5.73x10 ⁻³	3.65x10 ⁻²	-0.27827
OCLM	5.97x10 ⁻⁷	1.02x10 ⁻⁴	0.572439
OLFM1	1.55x10 ⁻³	1.53x10 ⁻²	-0.28839
OLFM4	2.35x10 ⁻³	2.01x10 ⁻²	0.49839
OPN1SW	1.86x10 ⁻³	1.72x10 ⁻²	0.491306
OR51E1	9.40x10 ⁻⁸	3.25x10 ⁻⁵	0.515679
OTOP2	2.69x10 ⁻³	2.21x10 ⁻²	-0.69866
P4HA3	3.69x10 ⁻⁵	1.29x10 ⁻³	0.299473
PAEP	3.69x10 ⁻⁴	5.81x10 ⁻³	1.065211
PAPPA	6.96x10 ⁻⁵	1.93x10 ⁻³	0.350069
PCP2	4.18x10 ⁻⁷	8.09x10 ⁻⁵	-0.39673
PCSK1	2.35x10 ⁻³	2.01x10 ⁻²	0.349318
PDE3A	5.04x10 ⁻⁶	3.76x10 ⁻⁴	0.679226
PDE6B	2.98x10 ⁻³	2.38x10 ⁻²	-0.26345
PDE6G	8.67x10 ⁻³	4.81x10 ⁻²	-0.26521
PEAR1	4.77x10 ⁻⁹	8.77x10 ⁻⁶	0.321278
PKD1L1	3.41x10 ⁻⁴	5.56x10 ⁻³	0.429485
PLA2G2D	5.07x10 ⁻⁴	7.30x10 ⁻³	-0.46297
PLAC8	2.31x10 ⁻⁶	2.28x10 ⁻⁴	-0.3393
PNMA2	5.21x10 ⁻³	3.42x10 ⁻²	0.406023
PNPLA3	6.77x10 ⁻³	4.08x10 ⁻²	0.289065
POSTN	1.08x10 ⁻⁷	3.35x10 ⁻⁵	0.325058
PPBP	3.36x10 ⁻³	2.57x10 ⁻²	0.660123
PPM1N	5.96x10 ⁻⁷	1.02x10 ⁻⁴	-0.33538
PPP1R3C	1.57x10 ⁻³	1.54x10 ⁻²	0.333219
PRKG1	5.26x10 ⁻⁶	3.83x10 ⁻⁴	0.588843
PROK2	4.20x10 ⁻⁵	1.39x10 ⁻³	0.734228
PRR16	1.42x10 ⁻⁴	3.11x10 ⁻³	0.324525
PRSS12	1.46x10 ⁻⁴	3.15x10 ⁻³	-0.27389
PRTG	5.89x10 ⁻³	3.72x10 ⁻²	0.425418
PRUNE2	4.41x10 ⁻⁴	6.62x10 ⁻³	0.280826
PTGFR	7.69x10 ⁻⁶	4.75x10 ⁻⁴	0.575916
PTPRD	1.32x10 ⁻³	1.38x10 ⁻²	0.462375
PTPRN	5.85x10 ⁻⁴	8.03x10 ⁻³	0.620562
PTTG2	5.35x10 ⁻⁴	7.56x10 ⁻³	-0.49849
PTX3	1.61x10 ⁻⁴	3.39x10 ⁻³	0.524183
PYHIN1	5.04x10 ⁻³	3.35x10 ⁻²	-0.27622
RASGRF2	1.31x10 ⁻⁴	2.94x10 ⁻³	0.264157
RBP7	1.25x10 ⁻⁴	2.84x10 ⁻³	-0.31442
RFX8	1.60x10 ⁻³	1.55x10 ⁻²	0.47868
RHOXF1	8.13x10 ⁻³	4.62x10 ⁻²	-0.51875
RNF180	3.03x10 ⁻³	2.40x10 ⁻²	0.328359
RNF212	1.55x10 ⁻³	1.53x10 ⁻²	-0.30599
ROR1	1.11x10 ⁻⁴	2.63x10 ⁻³	0.457923
RPS28	7.33x10 ⁻³	4.31x10 ⁻²	-0.28479
RUFY4	2.75x10 ⁻⁴	4.85x10 ⁻³	-0.37789

Table III. Continued.

Gene	P-value	FDR	logFC
RUNX1T1	6.04x10 ⁻⁵	1.74x10 ⁻³	0.601233
SALL1	5.57x10 ⁻³	3.58x10 ⁻²	0.297011
SAMD14	9.45x10 ⁻⁶	5.47x10 ⁻⁴	0.328415
SCG2	1.67x10 ⁻⁴	3.48x10 ⁻³	0.436328
SCG5	6.89x10 ⁻⁴	9.03x10 ⁻³	0.274834
SEMA3A	6.21x10 ⁻³	3.86x10 ⁻²	0.294904
SEMA5B	7.77x10 ⁻³	4.50x10 ⁻²	0.278921
SERPINA3	9.52x10 ⁻⁷	1.31x10 ⁻⁴	0.395924
SERPINA5	3.77x10 ⁻³	2.75x10 ⁻²	0.471185
SERPIND1	1.11x10 ⁻⁴	2.63x10 ⁻³	0.908432
SH2D4B	2.39x10 ⁻³	2.03x10 ⁻²	-0.48448
SHANK2	2.49x10 ⁻⁸	1.56x10 ⁻⁵	0.506897
SIRPG	1.62x10 ⁻³	1.56x10 ⁻²	-0.26389
SLC16A11	1.89x10 ⁻⁵	8.39x10 ⁻⁴	-0.39408
SLC16A4	5.02x10 ⁻⁶	3.76x10 ⁻⁴	0.412786
SLC16A8	7.41x10 ⁻⁸	3.11x10 ⁻⁵	-0.38125
SLC19A3	1.64x10 ⁻³	1.57x10 ⁻²	0.551228
SLC1A7	8.65x10 ⁻³	4.81x10 ⁻²	0.455789
SLC22A3	7.25x10 ⁻⁴	9.38x10 ⁻³	0.292808
SLC25A41	2.67x10 ⁻⁵	1.06x10 ⁻³	-0.51875
SLC2A14	1.50x10 ⁻³	1.49x10 ⁻²	0.325002
SLC2A4	3.63x10 ⁻⁴	5.77x10 ⁻³	-0.31513
SLC30A10	1.70x10 ⁻⁴	3.53x10 ⁻³	0.786699
SLC38A4	1.09x10 ⁻³	1.23x10 ⁻²	0.476517
SLC47A2	1.92x10 ⁻³	1.76x10 ⁻²	-0.37736
SLC4A4	1.15x10 ⁻³	1.27x10 ⁻²	0.480145
SLC6A1	3.98x10 ⁻⁷	8.05x10 ⁻⁵	0.510979
SLC6A14	1.08x10 ⁻³	1.22x10 ⁻²	0.298152
SLC6A16	3.94x10 ⁻³	2.84x10 ⁻²	-0.26325
SLC8A3	1.69x10 ⁻⁵	7.82x10 ⁻⁴	0.811118
SLN	4.50x10 ⁻³	3.10x10 ⁻²	0.623811
SMAD9	1.61x10 ⁻³	1.56x10 ⁻²	0.424228
SMC1B	6.96x10 ⁻⁷	1.09x10 ⁻⁴	-0.38676
SMOC1	7.23x10 ⁻⁵	1.97x10 ⁻³	0.492296
SNPH	2.95x10 ⁻⁶	2.65x10 ⁻⁴	0.310518
SORCS2	2.04x10 ⁻³	1.83x10 ⁻²	0.310609
SOX11	8.89x10 ⁻³	4.90x10 ⁻²	0.497378
SOX2	8.89x10 ⁻⁴	1.07x10 ⁻²	-0.30968
SOX30	2.55x10 ⁻³	2.13x10 ⁻²	-0.31227
SP9	4.23x10 ⁻⁴	6.42x10 ⁻³	-0.58928
SPDEF	5.31x10 ⁻³	3.47x10 ⁻²	0.368018
SPIB	7.52x10 ⁻³	4.40x10 ⁻²	-0.29973
SPON1	1.57x10 ⁻³	1.54x10 ⁻²	0.263391
ST6GALNAC5	4.07x10 ⁻³	2.89x10 ⁻²	0.280152
ST8SIA2	3.57x10 ⁻³	2.66x10 ⁻²	0.558115
STAG3	1.06x10 ⁻⁴	2.55x10 ⁻³	-0.36985
STAR	2.68x10 ⁻⁴	4.76x10 ⁻³	-0.38622
STC1	1.12x10 ⁻⁵	6.13x10 ⁻⁴	0.267158
STK32B	3.00x10 ⁻⁴	5.13x10 ⁻³	0.39037
SULT1C4	4.68x10 ⁻⁵	1.47x10 ⁻³	0.582763
SUSD5	1.90x10 ⁻³	1.75x10 ⁻²	0.33824
SYCE2	1.53x10 ⁻⁸	1.56x10 ⁻⁵	-0.36659
SYCP2	3.46x10 ⁻⁵	1.25x10 ⁻³	-0.28225
SYN3	8.93x10 ⁻³	4.91x10 ⁻²	0.623583
SYNGR3	1.78x10 ⁻⁶	1.91x10 ⁻⁴	-0.277
SYT12	3.38x10 ⁻³	2.57x10 ⁻²	0.276088
SYT13	3.07x10 ⁻³	2.42x10 ⁻²	0.678671
TACR2	2.14x10 ⁻⁸	1.56x10 ⁻⁵	-0.37684
TAF7L	2.08x10 ⁻⁴	4.11x10 ⁻³	-0.51576

Table SIII. Continued.

Gene	P-value	FDR	logFC
TAS2R5	2.31x10 ⁻⁴	4.33x10 ⁻³	0.399152
TCP11	7.78x10 ⁻⁶	4.79x10 ⁻⁴	-0.5369
TDO2	1.08x10 ⁻³	1.22x10 ⁻²	0.3282
TEX19	3.91x10 ⁻³	2.82x10 ⁻²	-0.40785
TFF1	4.59x10 ⁻⁵	1.46x10 ⁻³	0.936607
TFPI	7.16x10 ⁻⁷	1.09x10 ⁻⁴	0.29467
TFR2	1.41x10 ⁻⁵	7.13x10 ⁻⁴	-0.26649
TLL1	1.44x10 ⁻⁴	3.12x10 ⁻³	0.444447
TM4SF18	1.20x10 ⁻⁶	1.51x10 ⁻⁴	0.335662
TM6SF2	2.03x10 ⁻³	1.83x10 ⁻²	0.446403
TMEM233	1.22x10 ⁻⁷	3.39x10 ⁻⁵	1.013909
TMEM63C	2.09x10 ⁻³	1.86x10 ⁻²	-0.28785
TNFAIP6	5.17x10 ⁻⁵	1.59x10 ⁻³	0.316027
TNFRSF11B	7.54x10 ⁻⁴	9.66x10 ⁻³	0.369193
TNFRSF13B	7.65x10 ⁻³	4.44x10 ⁻²	-0.40774
TNFRSF13C	1.27x10 ⁻⁵	6.63x10 ⁻⁴	-0.32845
TNFSF11	3.47x10 ⁻⁴	5.61x10 ⁻³	0.407792
TNFSF15	4.48x10 ⁻³	3.09x10 ⁻²	0.285272
TNNI3	2.53x10 ⁻⁸	1.56x10 ⁻⁵	-0.71293
TRAT1	3.52x10 ⁻³	2.64x10 ⁻²	-0.31943
TREM1	1.13x10 ⁻³	1.26x10 ⁻²	0.295335
TRIM50	1.17x10 ⁻³	1.28x10 ⁻²	-0.57963
TRIM74	3.51x10 ⁻⁵	1.25x10 ⁻³	-0.48543
TRPA1	1.20x10 ⁻³	1.31x10 ⁻²	0.522998
TRPC4	3.27x10 ⁻³	2.53x10 ⁻²	0.329031
TSPAN11	5.04x10 ⁻⁶	3.76x10 ⁻⁴	0.298508
TSPAN8	3.15x10 ⁻³	2.46x10 ⁻²	0.590333
TSSK1B	2.50x10 ⁻³	2.09x10 ⁻²	0.44891
TSSK4	3.51x10 ⁻⁴	5.66x10 ⁻³	0.299403
TTC9B	1.57x10 ⁻⁵	7.62x10 ⁻⁴	-0.80051
TUBAL3	8.76x10 ⁻³	4.85x10 ⁻²	-0.32468
TULP1	8.93x10 ⁻⁵	2.25x10 ⁻³	-0.37709
TYRP1	4.21x10 ⁻⁴	6.41x10 ⁻³	0.964526
UBL4B	8.58x10 ⁻³	4.78x10 ⁻²	-0.53133
UGT2A1	8.62x10 ⁻³	4.80x10 ⁻²	-1.09419
UNC5C	2.44x10 ⁻⁴	4.47x10 ⁻³	0.668504
UPB1	3.77x10 ⁻³	2.75x10 ⁻²	-0.43093
USH1G	7.55x10 ⁻³	4.41x10 ⁻²	-0.29882
VAT1L	1.21x10 ⁻⁷	3.39x10 ⁻⁵	0.838979
VGLL3	4.40x10 ⁻⁵	1.42x10 ⁻³	0.337223
VPREB3	3.31x10 ⁻⁴	5.46x10 ⁻³	-0.40596
VSTM2L	4.47x10 ⁻³	3.09x10 ⁻²	0.345322
WBP2NL	2.26x10 ⁻³	1.96x10 ⁻²	-0.42805
WBSCR28	5.55x10 ⁻⁵	1.65x10 ⁻³	-0.57637
WDR86	8.53x10 ⁻⁴	1.04x10 ⁻²	0.316859
WNT3A	1.31x10 ⁻⁵	6.76x10 ⁻⁴	-0.43745
XKR5	2.06x10 ⁻³	1.84x10 ⁻²	-0.42603
XKR9	7.31x10 ⁻³	4.30x10 ⁻²	-0.26701
YBX2	3.96x10 ⁻⁶	3.27x10 ⁻⁴	-0.30651
ZDHHC20	8.73x10 ⁻⁶	5.20x10 ⁻⁴	0.275449
ZFR2	6.49x10 ⁻⁷	1.05x10 ⁻⁴	-0.58086
ZNF134	1.29x10 ⁻⁴	2.91x10 ⁻³	0.30647
ZNF135	3.84x10 ⁻³	2.79x10 ⁻²	0.304737
ZNF229	1.49x10 ⁻³	1.49x10 ⁻²	0.463105
ZNF281	3.60x10 ⁻⁸	1.86x10 ⁻⁵	0.268349
ZNF284	3.73x10 ⁻⁴	5.87x10 ⁻³	0.26402
ZNF304	1.90x10 ⁻⁴	3.84x10 ⁻³	0.27092
ZNF334	1.85x10 ⁻³	1.72x10 ⁻²	0.366672
ZNF354C	6.51x10 ⁻³	3.97x10 ⁻²	0.284631

Table SIII. Continued.

Gene	P-value	FDR	logFC
ZNF423	1.32x10 ⁻⁴	2.95x10 ⁻³	0.321295
ZNF486	6.20x10 ⁻³	3.86x10 ⁻²	0.432278
ZNF491	3.73x10 ⁻⁴	5.86x10 ⁻³	0.377601
ZNF541	7.10x10 ⁻⁷	1.09x10 ⁻⁴	-0.47757
ZNF625	4.06x10 ⁻³	2.89x10 ⁻²	0.436012
ZNF660	2.09x10 ⁻⁴	4.11x10 ⁻³	0.571622
ZNF677	1.53x10 ⁻³	1.51x10 ⁻²	0.44028
ZNF717	2.74x10 ⁻³	2.23x10 ⁻²	0.302428
ZNF772	9.01x10 ⁻⁴	1.08x10 ⁻²	0.335866
ZNF788	2.38x10 ⁻³	2.02x10 ⁻²	0.290738
ZNF813	2.90x10 ⁻⁵	1.12x10 ⁻³	0.409548
ZNF829	2.44x10 ⁻³	2.07x10 ⁻²	0.478054
ZNF85	4.09x10 ⁻³	2.90x10 ⁻²	0.275019
ZNF860	2.10x10 ⁻⁶	2.16x10 ⁻⁴	0.273614
ZNF93	4.63x10 ⁻³	3.16x10 ⁻²	0.321722
ZPLD1	1.60x10 ⁻³	1.55x10 ⁻²	0.763274
ZSCAN23	4.80x10 ⁻³	3.22x10 ⁻²	0.601591
ZYG11A	9.16x10 ⁻⁵	2.29x10 ⁻³	-0.28067

FDR, false discovery rate; FC, fold change.