

Table S1. Sequence identity matrix of DkZF transcription factors.

Seq->	<i>DkZF1</i>	<i>DkZF2</i>	<i>DkZF4</i>	<i>DkZF3</i>	<i>DkZF5</i>	Clust
<i>DkZF1</i>	1	0.261	0.319	0.23	0.248	0
<i>DkZF2</i>	---	1	0.197	0.235	0.143	0
<i>DkZF4</i>	---	---	1	0.227	0.253	0
<i>DkZF3</i>	---	---	---	1	0.171	0
<i>DkZF5</i>	---	---	---	---	1	0
Clust	---	---	---	---	---	0

Table S2: Full length gene primers of DkZF transcription factors:

Genes	Primer type	Primers (5'-3')
<i>DkZF1</i>	Forward Primer	ATGAATAACCCCGACGACCAC
	Reverse Primer	TCAAAGACCCAACCTTAAATCCAAGCTC
<i>DkZF2</i>	Forward Primer	ATGAAGAGAGGAAGAGAAGAAGTTG
	Reverse Primer	TCATCATAAAGAACAATGAATCAT
<i>DkZF3</i>	Forward Primer	ATGATGACCACCAATATTGCCGAGT
	Reverse Primer	TTAATTGTTTAGATCATTGCCAAAATTATC
<i>DkZF4</i>	Forward Primer	ATGTTAGACGACAGCCACAACCAC
	Reverse Primer	TTACTCTCCTTCTCCTTCTGTAATGGCG
<i>DkZF5</i>	Forward Primer	ATGGATCTTAAGAAGGGGTCG
	Reverse Primer	TTAATCAAGATTATTGGAACCTGAGTTACC

Table S3: qRT-PCR primers of DkZF transcription factors

Genes	Primer type	Primers (5'-3')
<i>DkZF1</i>	Forward Primer	GACTCCCTGGATCGTGCTAC
	Reverse Primer	TTTCCTCACTGTCGCTCCTT
<i>DkZF2</i>	Forward Primer	CAGAAGGGGAGATGAGCTTG
	Reverse Primer	ATCTCTTCAACACCGGCACT
<i>DkZF3</i>	Forward Primer	CAACCGGGTAGACCAAGAGA
	Reverse Primer	ATTGTATAGGGCACCGACGA
<i>DkZF4</i>	Forward Primer	CTTACCTCCTCCGAAAATG
	Reverse Primer	GCACACGAACACCCTCTTCT
<i>DkZF5</i>	Forward Primer	TTACGGATGCACATGAGAGG
	Reverse Primer	TCTTGGTGTGGCACCTACTG