

Gene ID	kogid	kogdefine	kogClass	kogGroup	TAIR10	TAIR10_define	Mean number of reads						log2 fold change						padj							
							+AM	-AM	IP +AM	hP +AM	IP -AM	hP -AM	+AM vs -AM	+P-Gi vs -P-Gi	+P-Gi vs +P+Gi	+P+Gi vs -P-Gi	+P+Gi vs -P+Gi	-P+Gi vs +P-Gi	-P+Gi vs -P-Gi	+AM vs -AM	+P-Gi vs -P-Gi	+P-Gi vs +P+Gi	+P+Gi vs -P-Gi	+P+Gi vs -P+Gi	-P+Gi vs +P-Gi	-P+Gi vs -P-Gi
Potri.004G111400	KOG1305	Amino acid transporter protein	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At3g30390	Transmembrane amino acid transporter family prote	9132,2	4260,3	7247,8	10175,9	4790,7	4131,3	-1,1	0,2	1,3	1,1	-0,4	0,9	0,7	0,000	0,916	0,001	0,002	0,615	0,016	0,047
Potri.001G007300	KOG1287	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At3g13620	Amino acid permease family protein	2422,2	1284,3	2132,1	2488,3	1372,6	1315,6	-0,9	0,0	0,9	1,0	-0,2	0,7	0,8	0,002	0,991	0,096	0,000	0,803	0,241	0,008
Potri.001G335200	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At5g40780	lysine histidine transporter 1	174,8	23,3	130,6	202,4	25,0	23,4	-2,6	0,0	2,5	2,8	-0,4	2,0	2,1	0,000	0,990	0,000	0,000	0,731	0,006	0,000
Potri.001G335300	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At5g40780	lysine histidine transporter 1	12148,7	5498,0	13220,6	9941,8	5871,3	5636,1	-1,1	0,0	0,9	0,8	0,4	1,2	1,2	0,000	0,990	0,017	0,023	0,682	0,007	0,006
Potri.002G078300	KOG1289	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At2g01170	bidirectional amino acid transporter 1	301,7	102,0	311,0	264,1	134,6	79,1	-1,5	0,5	1,6	1,1	0,2	1,8	1,2	0,000	0,646	0,001	0,000	0,869	0,002	0,006
Potri.002G079500	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At1g77380	amino acid permease 3	1037,3	130,3	1294,1	682,4	182,0	91,6	-2,5	0,7	2,5	1,8	0,5	3,0	2,3	0,000	0,553	0,000	0,000	NA	0,000	0,000
Potri.003G138100	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At5g41800	Transmembrane amino acid transporter family prote	721,7	294,8	603,1	773,9	427,4	191,9	-1,2	0,8	1,9	0,9	-0,3	1,6	0,6	0,002	0,278	0,000	0,020	0,795	0,002	0,284
Potri.008G036300	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At2g39130	Transmembrane amino acid transporter family prote	165,8	471,0	203,8	112,3	626,3	362,2	1,4	0,6	-1,4	-2,1	0,7	-0,6	-1,4	0,000	0,588	0,014	0,000	0,336	0,294	0,000
Potri.010G221900	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At5g19500	Tryptophan/tyrosine permease	112,2	34,3	110,0	103,8	39,7	32,6	-1,6	0,2	1,6	1,4	0,1	1,7	1,5	0,000	0,920	0,000	0,000	0,956	0,003	0,002
Potri.010G226000	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At2g39130	Transmembrane amino acid transporter family prote	3799,5	1519,8	2992,1	4257,2	1615,2	1565,4	-1,3	0,0	1,4	1,5	-0,4	1,0	1,0	0,000	0,995	0,001	0,000	0,569	0,072	0,004
Potri.013G030900	KOG1286	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At4g21120	amino acid transporter 1	816,5	187,7	658,0	899,8	200,9	192,1	-2,0	0,0	2,2	2,2	-0,3	1,6	1,6	0,000	0,985	0,000	0,000	0,795	0,005	0,002
Potri.002G258700	KOG1237	H+/oligopeptide symporter	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At5g46050	peptide transporter 3	2477,2	543,7	1762,0	2965,7	790,6	351,7	-1,8	0,5	2,4	1,8	-0,5	1,8	1,1	0,000	0,715	0,000	0,000	0,579	0,017	0,065
Potri.002G258900	KOG1237	H+/oligopeptide symporter	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At5g46050	peptide transporter 3	77,5	1,2	71,8	76,1	1,1	1,3	-4,3	0,0	3,4	3,3	0,0	3,7	3,8	0,000	NA	NA	NA	0,983	0,000	0,000
Potri.005G233500	KOG1237	H+/oligopeptide symporter	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At3g54140	peptide transporter 1	702,2	11,7	724,8	614,6	11,4	12,8	-5,1	-0,1	4,1	4,5	0,1	4,8	5,2	0,000	0,968	0,000	0,000	0,922	0,000	0,000
Potri.010G068100	KOG1237	H+/oligopeptide symporter	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At5g46050	peptide transporter 3	1367,5	371,7	1243,4	1364,7	322,6	453,6	-1,8	-0,4	1,6	2,1	-0,1	1,4	1,9	0,000	0,773	0,000	0,000	0,944	0,022	0,000
Potri.001G286600	KOG1330	Sugar transporter/spinster transmembrane	Carbohydrate transport and metabolism	METABOLISM	At5g64500	Major facilitator superfamily protein	1303,7	636,3	1483,6	1001,3	726,2	606,4	-1,0	0,2	0,8	0,6	0,5	1,3	1,1	0,000	0,877	0,040	0,076	0,540	0,002	0,003
Potri.001G111000	KOG1582	UDP-galactose transporter related protein	Carbohydrate transport and metabolism	METABOLISM	At4g23010	UDP-galactose transporter 2	1253,2	549,0	1435,1	953,9	587,1	562,1	-1,1	0,0	0,8	0,8	0,5	1,4	1,4	0,000	0,984	0,022	0,001	0,496	0,002	0,000
Potri.010G194100	KOG4852	Glucose-6-phosphate/phosphate and phosph	Carbohydrate transport and metabolism ;Amino	METABOLISM	At3g11320	Nucleotide-sugar transporter family protein	5671,2	3045,8	6615,1	4195,6	3722,3	2662,1	-0,8	0,4	0,7	0,3	0,5	1,2	0,8	0,040	0,789	0,016	0,505	NA	0,056	0,195
Potri.002G112100	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At5g49630	amino acid permease 6	271,7	935,0	293,8	224,7	733,3	1218,3	1,7	-0,5	-2,0	-1,4	0,3	-1,7	-1,1	0,000	0,721	0,000	0,000	0,685	0,002	0,007
Potri.002G137000	KOG1286	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At1g05940	cationic amino acid transporter 9	1061,3	1601,5	896,2	1128,0	1699,1	1652,4	0,6	0,0	-0,4	-0,4	-0,3	-0,7	-0,7	0,000	0,992	0,077	0,004	0,707	0,066	0,019
Potri.004G172800	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At2g21050	like AUXIN RESISTANT 2	134,0	348,0	120,8	134,6	341,3	386,3	1,3	-0,2	-1,3	-1,1	-0,1	-1,4	-1,2	0,000	0,905	0,001	0,003	0,936	0,009	0,011
Potri.008G017100	KOG1286	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At5g04770	cationic amino acid transporter 6	47,7	149,5	37,8	52,6	117,9	193,9	1,5	-0,4	-1,4	-1,0	-0,3	-1,8	-1,4	0,000	0,788	0,038	0,005	0,754	0,007	0,000
Potri.008G066400	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At2g38120	Transmembrane amino acid transporter family prote	83,3	158,0	52,8	106,4	185,3	145,8	0,9	0,2	-0,3	-0,6	-0,8	-1,2	-1,5	0,015	0,867	0,567	0,109	0,181	0,019	0,000
Potri.010G191000	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At2g38120	Transmembrane amino acid transporter family prote	706,8	1135,0	616,2	732,0	1111,8	1261,8	0,7	-0,2	-0,6	-0,4	-0,2	-0,9	-0,7	0,003	0,784	0,124	0,223	0,850	0,034	0,057
Potri.014G036500	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At1g47670	Transmembrane amino acid transporter family prote	453,8	1105,5	330,0	536,3	1188,4	1125,6	1,2	0,0	-0,9	-1,0	-0,6	-1,5	-1,6	0,000	0,983	0,071	0,000	0,169	0,002	0,000
Potri.017G083700	KOG1303	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At5g15240	Transmembrane amino acid transporter family prote	267,5	1935,0	337,6	172,2	1320,1	2714,1	2,6	-0,8	-3,5	-2,6	0,7	-2,5	-1,6	0,000	0,348	0,000	0,000	0,328	0,000	0,001
Potri.019G039600	KOG1286	Amino acid transporters	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At3g03720	cationic amino acid transporter 4	867,3	3767,5	834,4	819,7	3385,0	4487,4	2,1	-0,4	-2,2	-1,8	0,0	-2,2	-1,8	0,000	0,758	0,000	0,000	0,980	0,000	0,000
Potri.003G088800	KOG1237	H+/oligopeptide symporter	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At1g32450	nitrate transporter 1.5	66,5	318,2	31,0	96,2	350,9	314,9	1,8	0,1	-1,1	-1,4	-1,0	-2,3	-2,9	0,001	0,980	0,218	0,004	0,148	NA	0,000
Potri.014G179400	KOG1237	H+/oligopeptide symporter	Amino acid transport and metabolism	METABOLISM	At1g32450	nitrate transporter 1.5	406,7	2599,7	316,6	459,7	2332,6	3099,9	2,1	-0,2	-1,5	-1,5	-0,3	-2,2	-2,3	0,000	0,928	0,072	0,017	0,845	NA	0,000
Potri.006G015200	KOG0569	Permease of the major facilitator superfami	Carbohydrate transport and metabolism	METABOLISM	At4g16480	inositol transporter 4	402,7	1750,0	404,2	363,6	1577,0	2080,1	2,1	-0,4	-2,3	-1,9	0,1	-2,1	-1,7	0,000	0,378	0,000	0,000	0,871	0,000	0,000
Potri.015G008100	KOG4332	Predicted sugar transporter	Carbohydrate transport and metabolism	METABOLISM	At4g27720	Major facilitator superfamily protein	726,7	1320,5	560,2	826,4	1401,2	1362,3	0,8	0,0	-0,6	-0,6	-0,5	-1,1	-1,1	0,003	0,996	0,260	0,042	0,537	0,033	0,001
Potri.005G075600	KOG2234	Predicted UDP-galactose transporter	Carbohydrate transport and metabolism	METABOLISM	At5g65000	Nucleotide-sugar transporter family protein	491,3	969,8	424,2	512,8	991,2	1037,7	1,0	-0,1	-0,9	-0,8	-0,2	-1,1	-1,0	0,000	0,953	0,017	0,003	0,796	0,007	0,001
Potri.010G180500	KOG2234	Predicted UDP-galactose transporter	Carbohydrate transport and metabolism	METABOLISM	At3g59360	UDP-galactose transporter 6	209,2	345,3	174,3	224,9	348,6	374,1	0,7	-0,1	-0,6	-0,5	-0,3	-0,9	-0,8	0,000	0,905	0,003	0,034	0,697	0,015	0,023