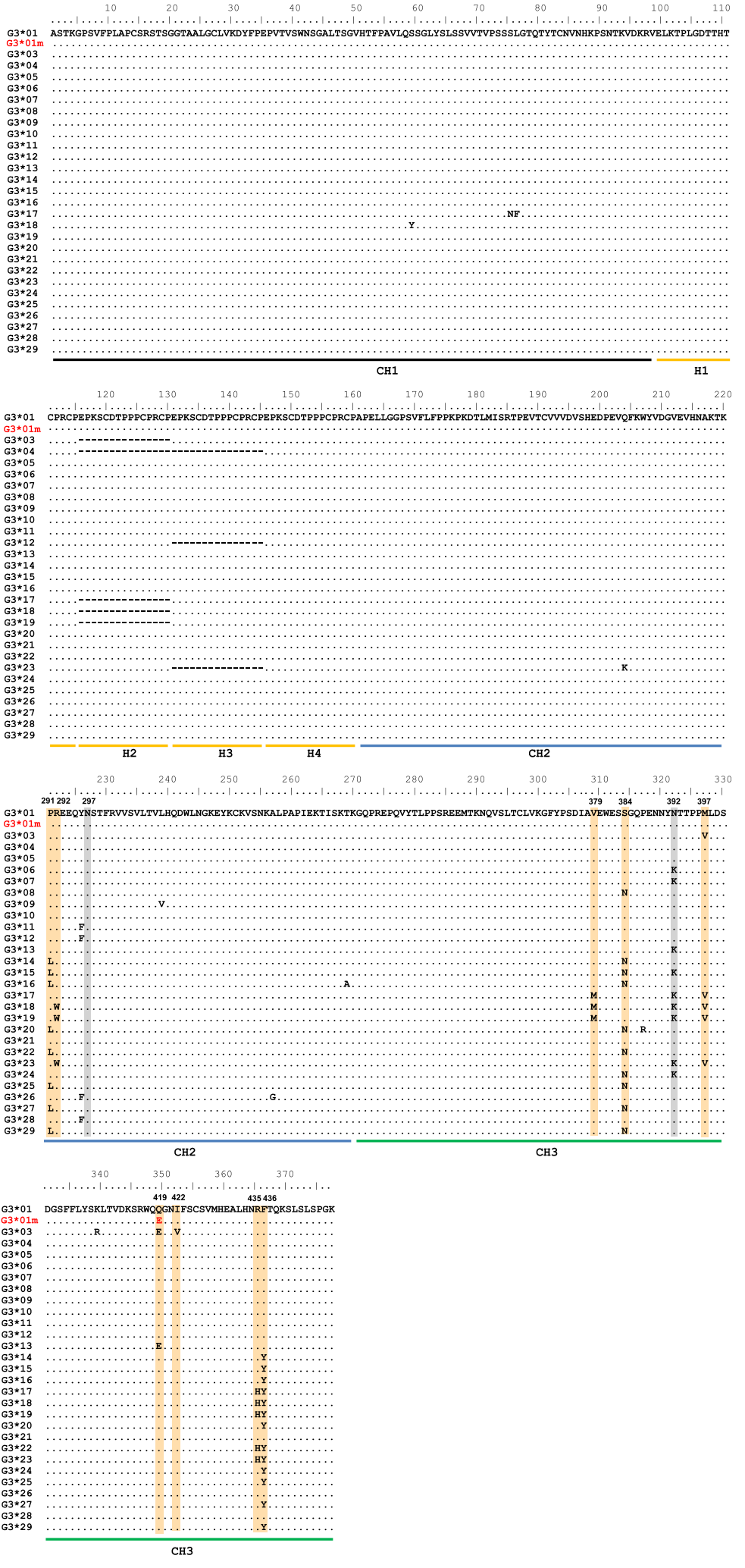
G3*01 ASTKGPSVFPLAPCSRSTSGGTAALGCLVKDYFPEPVTVSWNSGALTSGVHTFPAVLQSSGLYSLSSVVTVPSSSLGTQTYTCNVNHKPSNTKVDKRVELKTPLGDTTHT
G3*01m
G3*03
G3*04
G3*05
G3*06
G3*07
G3*08
G3*09
G3*10
G3*11
G3*12
G3*13
G3*14
G3*15
G3*16
G3*17 NF
G3*18 Y
G3*19
G3*20
G3*21
G3*22
G3*23
G3*24
G3*25
G3*26
G3*27
G3*28
G3*29
CH1
H1
G3*01 CPRCPEPKSCDTPPPCPRCPEPKSCDTPPPCPRCPEPKSCDTPPPCPRCPAPELLGGPSVFLFPPKPKDTLMISRTPEVTCVVVDVSHEDPEVQFKWYVDGVEVHNAKTK
G3*01m
G3*03
G3*04
G3*05
G3*06
G3*07
G3*08
G3*09
G3*10
G3*11
G3*12
G3*13
G3*14
G3*15
G3*16
G3*17
G3*18
G3*19
G3*20
G3*21
G3*22
G3*23 K
G3*24
G3*25
G3*26
G3*27
G3*28
G3*29
H2
H3
H4
CH2
G3*01 PREEQYNSTFRVVSVLTVLHQDWLNGKEYKCKVSNKALPAPIEKTISKTKGQPREPQVYTLPPSREEMTKNQVSLTCLVKGFYPSDIAVEWESSGQPENNYNTTPPMLDS
G3*01m
G3*03 V
G3*04
G3*05
G3*06 K
G3*07 K
G3*08 N
G3*09 V
G3*10
G3*11 F
G3*12 F
G3*13 K
G3*14 L N
G3*15 L N K
G3*16 L A N
G3*17 M K V
G3*18 W M K V
G3*19 W M K V
G3*20 L N R
G3*21
G3*22 L N
G3*23 W K V
G3*24 N K
G3*25 L N
G3*26 F G
G3*27 L N
G3*28 F
G3*29 L N
CH2
CH3
G3*01 DGSFFLYSKLTVDKSRWQQGNIFSCSVMHEALHNRFTQKSLSLSPGK
G3*01m E
G3*03 R E V
G3*04
G3*05
G3*06
G3*07
G3*08
G3*09
G3*10
G3*11
G3*12
G3*13 E
G3*14 Y
G3*15 Y
G3*16 Y
G3*17 HY
G3*18 HY
G3*19 HY
G3*20 Y
G3*21
G3*22 HY
G3*23 HY
G3*24 Y
G3*25 Y
G3*26
G3*27 Y
G3*28
G3*29 Y
CH3