

Supplementary Table SV Homozygosity stretches larger than 1 Mb as called by RareVariantVis.

Sample	Chromosome	start_positions	end_positions	length	var_in_reg	perc_HMZ
GL-I	chr1	48 695 081	58 939 634	10 244 553	315	92.72
GL-I	chr5	61 654 187	101 631 761	39 977 574	760	96.19
GL-I	chr19	33 597 816	40 368 733	6 770 917	581	94.33
GL-I	chr19	44 118 188	54 182 249	10 064 061	1238	93.95
GL-II	chr1	167 403 504	181 732 904	14 329 400	587	95.75
GL-II	chr2	120 204 617	127 811 712	7 607 095	98	87.88
GL-II	chr2	179 623 758	185 802 363	6 178 605	143	86.11
GL-II	chr3	2 925 015	10 088 308	7 163 293	242	96.71
GL-II	chr3	10 258 493	49 725 910	39 467 417	1262	96.83
GL-II	chr3	49 785 133	69 036 678	19 251 545	589	95.25
GL-II	chr3	189 586 876	195 395 328	5 808 452	222	92.38
GL-II	chr4	17 513 498	38 020 205	20 506 707	253	90.16
GL-II	chr4	102 839 008	108 641 317	5 802 309	109	90.91
GL-II	chr4	126 328 453	135 121 066	8 792 613	70	87.32
GL-II	chr7	31 011 349	55 249 063	24 237 714	686	94.47
GL-II	chr8	94 805 245	101 721 709	6 916 464	131	92.42
GL-II	chr8	102 701 136	113 323 584	10 622 448	156	91.08
GL-II	chr9	130 854 461	136 083 580	5 229 119	660	97.73
GL-II	chr13	20 325 337	28 882 948	8 557 611	324	90.46
GL-II	chr13	33 315 186	49 951 310	16 636 124	447	91.96
GL-II	chr16	65 007 127	70 163 504	5 156 377	143	88.19
GL-II	chr16	71 219 021	76 461 273	5 242 252	228	90.83
GL-12	chr4	172 735 897	184 606 653	11 870 756	155	94.23
GL-12	chr5	66 198 350	74 988 395	8 790 045	162	87.73
GL-12	chr5	76 645 529	89 814 604	13 169 075	199	89
GL-12	chr6	142 718 801	149 780 737	7 061 936	110	87.39
GL-12	chr7	8 791 618	16 606 084	7 814 466	156	88.54
GL-12	chr8	20 008 012	36 786 396	16 778 384	605	95.05
GL-12	chr9	27 292 703	33 386 144	6 093 441	55	85.71
GL-12	chr9	33 941 453	66 456 907	32 515 454	289	92.76
GL-12	chr9	71 550 096	77 502 322	5 952 226	166	89.82
GL-12	chr9	97 885 616	111 642 535	13 756 919	278	93.19
GL-12	chr13	36 402 079	43 597 706	7 195 627	189	92.11
GL-12	chr15	29 418 574	38 230 565	8 811 991	262	89.73
GL-12	chr15	50 789 125	60 647 802	9 858 677	365	95.36
GL-13	chr2	45 895	10 183 748	10 137 853	246	94.33
GL-13	chr2	98 195 213	107 450 589	9 255 376	324	94.15
GL-13	chr2	120 199 140	127 808 127	7 608 987	118	86.55
GL-13	chr3	149 686 367	167 218 188	17 531 821	283	92.61
GL-13	chr6	64 694 620	90 334 101	25 639 481	417	95.69
GL-13	chr7	75 044 385	86 800 351	11 755 966	322	88.85
GL-13	chr8	11 163 586	22 019 071	10 855 485	452	91.83
GL-13	chr11	2 991 219	18 318 550	15 327 331	975	97.85
GL-13	chr11	18 319 279	47 644 277	29 324 998	762	97.25
GL-13	chr11	49 075 605	56 143 510	7 067 905	88	89.89
GL-13	chr11	57 081 475	71 280 213	14 198 738	1128	96.19

Continued

Supplementary Table SV Continued.

Sample	Chromosome	start_positions	end_positions	length	var_in_reg	perc_HMZ
GL-13	chr11	71 714 526	82 560 445	10 845 919	387	92.27
GL-13	chr12	92 383 199	103 271 350	10 888 151	345	93.64
GL-13	chr12	119 960 612	129 181 719	9 221 107	537	94.24
GL-13	chr13	24 411 772	36 397 031	11 985 259	446	92.84
GL-13	chr14	88 921 716	96 129 023	7 207 307	399	93.75
GL-13	chr15	65 344 105	90 119 614	24 775 509	996	96.29
GL-13	chr20	8 737 466	23 358 233	14 620 767	340	91.79
GL-19	chr11	49 076 963	56 143 510	7 066 547	89	85.56
GL-2	chr1	48 459 907	60 474 375	12 014 468	337	95.27
GL-2	chr19	14 583 146	33 444 556	18 861 410	836	94.62
GL-2	chr19	33 597 816	40 368 499	6 770 683	587	94.56
GL-2	chr19	41 382 653	49 964 804	8 582 151	968	94.22
GL-2	chr20	12 989 901	25 755 585	12 765 684	359	94.72
GL-2	chr20	30 407 213	39 991 171	9 583 958	400	92.77
GL-3	chr16	58 544 295	66 551 294	8 006 999	66	85.07
GL-4	chr2	197 172 816	218 683 368	21 510 552	641	94.08
GL-4	chr5	76 645 529	101 627 414	24 981 885	460	95.88
GL-4	chr11	94 782 539	114 421 674	19 639 135	481	94.19
GL-4	chr12	52 649 887	78 534 233	25 884 346	915	94.87
GL-4	chr19	15 521 175	33 444 588	17 923 413	739	94.05
GL-4	chr19	34 288 184	39 930 256	5 642 072	427	92.52
GL-4	chr20	56 137 807	62 959 363	6 821 556	483	95.45
GL-8	chr12	32 974 245	40 922 280	7 948 035	126	86.61
ARG13	chr1	180 905 352	206 567 100	25 661 748	761	95.54
ARG13	chr1	206 760 474	236 385 116	29 624 642	812	95.2
ARG13	chr2	45 895	24 300 715	24 254 820	318	95.3
ARG13	chr3	75 786 608	101 431 537	25 644 929	255	92.19
ARG13	chr3	105 260 518	118 913 337	13 652 819	280	94.31
ARG13	chr4	144 467 104	154 506 707	10 039 603	135	90.44
ARG13	chr7	91 645 265	100 612 945	8 967 680	320	93.15
ARG13	chr7	102 668 177	114 562 833	11 894 656	206	89.86
ARG13	chr8	11 606 312	101 719 004	90 112 692	1544	95.53
ARG13	chr9	25 677 698	33 386 399	7 708 701	104	93.33
ARG13	chr9	34 125 258	45 727 961	11 602 703	203	91.67
ARG13	chr9	71 114 312	79 009 106	7 894 794	123	88.71
ARG13	chr11	9 760 043	20 648 556	10 888 513	390	91.05
ARG13	chr12	64 011 878	111 290 599	47 278 721	824	95.27
ARG13	chr15	56 140 995	72 955 060	16 814 065	579	94.31
ARG13	chr15	79 064 143	102 512 706	23 448 563	644	95.04
ARG13	chr16	97 354	8 907 145	8 809 791	609	95.41
ARG13	chr17	6 355 102	11 778 577	5 423 475	476	96.65
ARG13	chr19	14 574 867	22 575 106	8 000 239	804	97.39
ARG13	chr19	22 846 964	33 095 208	10 248 244	98	90.91

Positions refer to genome build GRCh37/hg19.