

## Supplementary information, Table S4

**Table S4** The primers used in this study.

Primers name	Sequence (5'-3')
qPCR	
<i>Cdh15</i> -qPCR-f	GTCACTCAGCCCAATGCTCT
<i>Cdh15</i> -qPCR-r	GAGCAGAGCAGAACCCATTG
<i>Numb</i> -qPCR-f	CTTCCCAGTTAAGTACCTCGGC
<i>Numb</i> -qPCR-r	CCCGTTTTTCCAAAGAAGCCT
<i>Gapdh</i> -qPCR-f	TGTGTCCGTCGTGGATCTGA
<i>Gapdh</i> -qPCR-r	CCTGCTTACCACCTTCTTGAT
<i>Mrf4</i> -qPCR-f	TGAGGGTGCGGATTCCTG
<i>Mrf4</i> -qPCR-r	CACGTTTGCTCCTCCTTCCT
<i>MyoD</i> -qPCR-f	GGCTACGACACCGCCTACTA
<i>MyoD</i> -qPCR-r	GTGGAGATGCGCTCCACTAT
<i>Myogenin</i> -qPCR-f	GAGACATCCCCCTATTTCTACCA
<i>Myogenin</i> -qPCR-r	GCTCAGTCCGTCATAGCC
<i>Myh8</i> -qPCR-f	GGAGAGGATTGAGGCCCAAAA
<i>Myh8</i> -qPCR-r	CACGGTCACTTTCCTCCATC
<i>Myom1</i> -qPCR-f	GCACGACCATGAGCCACTAC
<i>Myom1</i> -qPCR-r	ACCCTTGAGAATGCCGGGA
<i>Myom2</i> -qPCR-f	AAAAGACACAAGCACTTTGACCA
<i>Myom2</i> -qPCR-r	TGGGAGGATGACTGGGTGG
<i>Pax7</i> -qPCR-f	GACGACGAGGAAGGAGACAA
<i>Pax7</i> -qPCR-r	ACATCTGAGCCCTCATCCAG
<i>Sdc3</i> -qPCR-f	AGAGGCCGGTGGATCTTGA
<i>Sdc3</i> -qPCR-r	CTCCTGCTCGAAGTAGCCAGA
CRISPR-Cas9 targeting sequence	
<i>Dmpk</i> -sgRNA-f	CACCGCCATTGCAGCAAGGCTTA
<i>Dmpk</i> -sgRNA-r	AAACTAAGCCTTGCTGCAATGGGC
<i>Six5</i> -sgRNA-f	CACCGTCTGATGGGAACCCACTA
<i>Six5</i> -sgRNA-r	TAGTGGGGTTCCCATCAGAC
<i>Mbnl1</i> -up-sgRNA-f	CACCGCTGCAACACTATCTGTGAT
<i>Mbnl1</i> -up-sgRNA-r	AAACATCACAGATAGTGTTGCAGC
<i>Mbnl1</i> -down-sgRNA-f	CACCGGTACATGGTACTCTAAATT
<i>Mbnl1</i> -down-sgRNA-r	AAACAATTTAGAGTACCATGTACC
<i>Dmwd</i> -sgRNA-f	CACCGGCTTCTACAAGCTGCTCCC
<i>Dmwd</i> -sgRNA-r	AAACGGGAGCAGCTTGTAGAAGCC
Knockout mouse genotyping	
<i>Dmpk</i> -test-f	CACAGCTCCAGTTCGAGGTT
<i>Dmpk</i> -test-r	AGATGACAGCAAGAGGTGGC
<i>Six5</i> -test-f	CCCAGCAGGCTTGTAGAGAC
<i>Six5</i> -test-r	GCCAGGAAGCTCCCATTAC

<i>Mbnl1</i> -test-f	AGAACCAGAGGGAAAGCAGC
<i>Mbnl1</i> -test-r	GAGGCATGGAGTTCGGAGTT
<i>Mbnl1</i> -wt-f	CAGCCTCTGCTTTTGCCCTTG
<i>Mbnl</i> -wt-r	CGTGTGCTCAGTAACCCCTT
<i>Dmwd</i> -test-f	CGCTGTGTGATCGTGTGCAT
<i>Dmwd</i> -test-r	TGGTGTCTTTCTTGATGAGGTC
Splicing analysis	
<i>Ldb3</i> -sp-f	GCGTCAACACAGACACCATGACC
<i>Ldb3</i> -sp-r	TCATCTGGGCCAGGATGCGGAA
<i>Sercal</i> -sp-f	GCTCATGGTCCTCAAGATCTCAC
<i>Sercal</i> -sp-r	GGGTCAGTGCCTCAGCTTTG
<i>m-TTN</i> -sp-f	GTGTGAGTCGCTCCAGAAACG
<i>m-TTN</i> -sp-r	CCACCACAGGACCATGTTATTTT
<i>Trem63b</i> -sp-f	CTGGCTCTGGACTTCATGTGCTTTC
<i>Trem63b</i> -sp-r	GAGACGGAGGTGAGACGCTCATACC
<i>Sorbs1</i> -sp-f	CCAGCTGATTACTTGGAGTCCACAGAAG
<i>Sorbs1</i> -sp-r	GTTACCTTCATACCAGTTCTGGTCAATC
<i>Spag9</i> -sp-f	GGACTGGAAATGGTGTCAATTATCTCCAT
<i>Spag9</i> -sp-r	GGGACTGCCACAAAGAATTTACAG
<i>Dysf</i> -sp-f	CGAAAATCTCTGCTACTGGAGGAG
<i>Dysf</i> -sp-r	TGTGTTGAGCTCTGCATAAGGATC
<i>Mbnl1</i> -sp-f	ACACCTGCAAGCCAAGATCA
<i>Mbnl1</i> -sp-r	TGTTAAAGACTGCGGTGGCA
<i>HSA<sup>LR</sup></i> mice genotype	
MSA-f	TCCTCAGGACGACAATCGAC
MSA-r	CCTAAGGAGTTCACCCAGTCTG
HSA-f	AAACTTACATCTTCCCATGCTCC
HAS-r	GAGACGCCCTCTGAGAAACAG