

S1 Table. Relative abundance of different acidobacterial groups (means \pm standard deviation).

Site1	US	SF	MS
Acidobacteriia;Acidobacteriales Acidobacteriaceae	0,00 \pm 0,01	0,11 \pm 0,04	0,21 \pm 0,02
Acidobacteriia;Acidobacteriales uncultured	0,35 \pm 0,07	0,29 \pm 0,08	0,33 \pm 0,06
Acidobacteriia;Bryobacterales	0,12 \pm 0,04	0,36 \pm 0,09	0,17 \pm 0,06
Acidobacteriia;SD2	0,07 \pm 0,08	0,18 \pm 0,03	0,22 \pm 0,07
Blastocatellia (SD4)	0,31 \pm 0,02	0,04 \pm 0,02	0,07 \pm 0,04
Holophagae;SD7	0,12 \pm 0,01	0,02 \pm 0,01	0,00 \pm 0,01
Other	0,02 \pm 0,01	0,00 \pm 0,00	0,00 \pm 0,00
Site2			
Acidobacteriia;Acidobacteriales Acidobacteriaceae	0,13 \pm 0,05	0,27 \pm 0,08	0,32 \pm 0,08
Acidobacteriia;Acidobacteriales uncultured	0,29 \pm 0,07	0,18 \pm 0,07	0,25 \pm 0,05
Acidobacteriia;Bryobacterales	0,33 \pm 0,06	0,50 \pm 0,04	0,22 \pm 0,04
Acidobacteriia;SD2	0,04 \pm 0,02	0,02 \pm 0,01	0,20 \pm 0,11
Blastocatellia (SD4)	0,14 \pm 0,05	0,03 \pm 0,02	0,00 \pm 0,00
Holophagae;SD7	0,07 \pm 0,03	0,00 \pm 0,00	0,00 \pm 0,00
Other	0,02 \pm 0,03	0,00 \pm 0,00	0,01 \pm 0,01