**S2 Figure.** Heat map showing the relative abundances of well-represented acidobacterial OTUs detected in tundra soils along a gradient of increasing vegetation. The digits in the different boxes indicate the percentage abundance of the particular OTU related to the total number of bacterial ribo-tags affiliated with the *Acidobacteria* in a particular sample.

1-	US		_	SF		MS		
№ OTU	I	II	I	II		I	II	
1	9,0	0,0	0,0	0,0		0,0	0,0	1
2 3	7,0	0,0	0,0	0,0	] [	0,0	0,0	Blastocatellia, SD4
3	3,8	0,0	0,0			0,0	0,0	rsi
4	1,6	0,0	0,0		- ⊢	0,0	0,0	O
5 6	1,6 0,2	0,0	0,0	0,0	- ⊢	0,0	0,0	ca
7	0,0	0,3	0,0	0,0	1	0,0	0,0	te
8	3,6	1.8	0,0	0,0	1	1,4	0,0	Ili
9	3,3	1,6 1,2	0,0	0,0		1,4 2,6 1,7	0,0	a
10	0,0	1,2	0,0			1,7	0,0	S
11	0,4	1,1	0,0	0,0		0,0	0,0	D
12	0,0	1,5	0,2			0,0	0,0	4
13	2,0	1,1	13,	0 0,6	-	5,1 7,3	11,1	
14 15	0,0	0,0	1,9	0,0	<del> </del>	3,5	2,4 0,6	7.0
16	1,0	0,0	0,3		1	1.2	0,0	SD2
17	0,0	0,0	0,0	0,0	1	1,2 1,2 0,0	0,7	)2
18	1,0	0,5	0,0	0,0	] [	0,0	0,0	
19	0,0	0,8	0,5	1,0		1,2	1,5	
20	0,0	0,0	0,0			0,0	1,5 1,2	
21	0,0	0,0	0,0			1,1	1,2	
22	0,0	4,7	0,3	1,1		0,0	0,0	A
23 24	0,0	3,4 2,0	0,7		-	0,0	0,0	ci
25	0,0	1,1	0,0	0.8		1,4	2,9	d
26	0,0	0,0	0,0	4.4	1	0,0	0,0	dc
27	0,0	0,7	0,0	3,2	1	0,0	0,3	ac
28	0,0	0,0	2,3	3 2,3		1,1	1,8	te
29	0,0	0,9	0,0	2,0		0,0	0,0	17
30	0,0	0,0	0,0 5,2	1,3	-	0,0 8,0	0,0	ac
31 32	0,0	0,0	1,0	0,0	H  -	2.6	4,4	e.
33	0,0	0,0	0,0	0,2	1	2.2	2,1	це
34	0,0	0,0	0,0	0,0	1	2,6 2,2 2,8	1,8	70
35	0,0	0,0	0,4	0,2	] [	0,5	1,2	Ĕ
36	0,0	0,0	0,6			1,0	0,0	Acidobacteriaceae, SD1
37	2,1	21,5	0,8	3 1,7		1,3	0,0	
38	9,6	1,8	0,0	0,0	. ⊢	0,0	0,0	uncultured Acidobacter
39 40	2,9 0,2	0,0	5,0 3,1	0,0	-	0,4 7,7	2,1	33
41	0,2	0,0	0,0	0,0	-	2,1	5,2 4,2	111
42	0,0	0,4	0,0		1	1,2	2.0	Η
43	0,0	0,0	0,0	0,1	1 🗆	1,2 0,0	1,8	ec
44	0,0	0,0	0,0			0,0	1,5	7
45	0,6	0,0	4,6	0,0		4,4	1,4 1,3 1,3	c
46 47	0,0	0,0	0,0	0,0		0,7	1,3	id
48	0,0 8,0	0,4	0,0		l	0,7	0,0	g
49	5,1	0,8	0,1		1	0,0	0,0	$a_{\alpha}$
50	3,1	0,8	0,6	0,0		0,0	0,0	te
51	2,4	0,0	0,4			0,0	0,0	179
52	0,0	0,0	4,0	0,0		0,0	0,0	iales, SD1
53	0,0	0,0	1,7		- ⊢	0,0	0,0	es
54 55	0,0	0,0	1,6		H	0,0	0,0	
56	0,0	0,3	1,0		1	1,4	0,0	13
57	0,0	0,0	0,0			1,9	0,6	$\simeq$
58	0,0	0,0	0,0			1,5	0,3	
59	0,0	0,0	0,0		F	1,9 1,5 1,3 1,2	0,3	
60	0,0	0,0	0,0			1,2	0,1	
61 62	4,8 3,4	0,0	0,3		1 -	0,0	0,0	E
63	2,3	0,0	0,4		1	0,0	0,0	10.
64	1,6	0,3	0,0		1	0,3	0,0	$lo_l$
65	1,1	0,0	0,0		1	0,0	0,0	40
66	0,0	0,0	3,6	0,0		0,0	0,0	g
67	0,0	4,8	0,0		1 [	0,0	0,0	Holophagae
68	0,8	1,8	0,0	0,1	J L	0,0	0,0	6
		_				/0	/ \	
					_	(%	0)	
		0			2	1,5		