

**Table S18. Results of the gene-based test of association for same-sex sexual behaviour (performed in MAGMA).**

Gene	Non-heterosexual behaviour					
	Males and females combined		Males		Females	
	Z-statistic	<i>p</i> -value	Z-statistic	<i>p</i> -value	Z-statistic	<i>p</i> -value
ELAVL4	4.96	3.53E-07	4.16	1.59E-05	1.81	3.49E-02
LRCH1	4.86	5.91E-07	3.81	6.87E-05	2.86	2.11E-03
OR5A1	4.79	8.32E-07	5.28	6.57E-08	0.27	3.92E-01
OR4D6	4.48	3.74E-06	4.96	3.51E-07	0.10	4.60E-01
CD276	4.45	4.37E-06	2.60	4.61E-03	3.29	4.97E-04
ADK	4.29	8.75E-06	3.37	3.72E-04	2.02	2.18E-02
CTNNB1	4.25	1.06E-05	4.32	7.89E-06	0.49	3.13E-01
TCF4	4.24	1.11E-05	2.60	4.60E-03	3.23	6.18E-04
OR5AN1	4.17	1.53E-05	4.63	1.81E-06	0.55	2.92E-01
LRRTM4	4.16	1.57E-05	0.65	2.59E-01	5.42	2.92E-08
PRKD1	4.12	1.90E-05	2.61	4.57E-03	2.45	7.18E-03
OR2B2	4.10	2.10E-05	3.24	6.08E-04	2.68	3.72E-03
HIST1H2BN	4.06	2.50E-05	2.16	1.52E-02	3.22	6.43E-04
TMEM258	4.05	2.58E-05	1.27	1.01E-01	4.02	2.87E-05
OSBP2	4.02	2.88E-05	0.94	1.73E-01	3.53	2.10E-04
ATP2A1	4.00	3.22E-05	0.58	2.82E-01	4.57	2.48E-06
DCC	3.92	4.35E-05	1.49	6.83E-02	3.62	1.49E-04
HIST1H3I	3.92	4.37E-05	2.01	2.24E-02	3.21	6.57E-04
OR5A2	3.89	4.97E-05	4.41	5.23E-06	-0.09	5.37E-01
CNTN3	3.86	5.58E-05	2.29	1.10E-02	2.01	2.24E-02
HIST1H4L	3.86	5.67E-05	2.60	4.64E-03	2.53	5.64E-03
HIST1H1B	3.86	5.71E-05	1.83	3.37E-02	3.17	7.75E-04
FADS2	3.81	6.82E-05	1.32	9.41E-02	3.81	7.02E-05
PHF12	3.81	6.82E-05	3.33	4.35E-04	1.30	9.66E-02
FADS1	3.74	9.20E-05	1.26	1.05E-01	3.92	4.37E-05
AGBL4	3.73	9.63E-05	3.50	2.30E-04	1.25	1.06E-01

SH2B1	3.67	1.22E-04	0.60	2.75E-01	4.22	1.23E-05
RERE	3.65	1.31E-04	3.18	7.28E-04	1.07	1.42E-01
ATXN2L	3.64	1.37E-04	0.73	2.33E-01	4.12	1.89E-05
SDCCAG8	3.58	1.73E-04	1.52	6.45E-02	3.10	9.71E-04
TMEM167B	3.55	1.93E-04	2.13	1.67E-02	2.83	2.30E-03
UGT2A2	3.53	2.08E-04	2.30	1.06E-02	2.04	2.05E-02
TUFM	3.52	2.17E-04	0.77	2.19E-01	4.01	3.07E-05
PPFIA2	3.50	2.28E-04	1.74	4.13E-02	3.26	5.51E-04
HIST1H2AL	3.48	2.46E-04	1.23	1.10E-01	3.29	5.08E-04
HIST1H2BL	3.48	2.53E-04	1.60	5.51E-02	3.12	9.19E-04
MRPL52	3.47	2.62E-04	3.26	5.65E-04	0.87	1.93E-01
UGT2A1	3.46	2.72E-04	2.22	1.33E-02	2.04	2.09E-02
UGT2A1	3.43	2.97E-04	2.20	1.40E-02	2.02	2.18E-02
OR10Q1	3.41	3.29E-04	1.92	2.77E-02	2.81	2.51E-03
RABEP2	3.40	3.36E-04	0.09	4.65E-01	4.08	2.22E-05
ZNF841	3.40	3.39E-04	3.71	1.03E-04	-0.15	5.60E-01
ETV6	3.39	3.49E-04	2.37	8.87E-03	0.69	2.44E-01
HIST1H2AJ	3.39	3.51E-04	1.56	5.90E-02	3.16	7.85E-04
BTN3A2	3.37	3.72E-04	2.51	5.97E-03	1.90	2.85E-02
BDNF	3.37	3.72E-04	1.31	9.45E-02	2.61	4.48E-03
SEZ6	3.37	3.75E-04	2.43	7.56E-03	1.75	4.00E-02
NAT1	3.34	4.18E-04	2.84	2.27E-03	1.06	1.45E-01
MYRF	3.34	4.19E-04	1.70	4.45E-02	2.79	2.65E-03
ANGPTL4	3.33	4.33E-04	2.59	4.73E-03	1.42	7.82E-02
KCTD17	3.33	4.36E-04	1.89	2.92E-02	2.25	1.23E-02
OR4S1	3.33	4.42E-04	1.56	5.91E-02	2.97	1.49E-03
BCL11B	3.32	4.49E-04	2.39	8.46E-03	3.18	7.24E-04
TTC39A	3.32	4.56E-04	1.69	4.54E-02	2.14	1.61E-02
SLC29A2	3.31	4.72E-04	2.81	2.51E-03	1.70	4.46E-02
BTN2A1	3.30	4.83E-04	2.85	2.16E-03	0.91	1.83E-01
PNLIPRP1	3.30	4.86E-04	2.66	3.87E-03	2.08	1.87E-02

MCF2L2	3.30	4.90E-04	0.33	3.70E-01	3.66	1.29E-04
RP11-867G23.8	3.29	5.02E-04	2.78	2.69E-03	1.61	5.42E-02
ZNF432	3.27	5.39E-04	3.60	1.60E-04	-0.36	6.42E-01
COL3A1	3.26	5.52E-04	1.19	1.16E-01	2.97	1.50E-03
ASCL3	3.26	5.55E-04	1.25	1.07E-01	2.91	1.82E-03
PARK2	3.25	5.74E-04	1.84	3.27E-02	0.26	3.98E-01
DAPK2	3.24	5.87E-04	1.89	2.97E-02	1.66	4.87E-02
TMEM9B	3.24	5.93E-04	1.60	5.53E-02	2.61	4.52E-03
SLC2A8	3.23	6.14E-04	1.67	4.74E-02	2.28	1.14E-02
MMP14	3.22	6.31E-04	2.02	2.16E-02	1.68	4.69E-02
JMJD4	3.22	6.48E-04	1.88	3.03E-02	1.51	6.61E-02
CD19	3.21	6.70E-04	-0.51	6.96E-01	4.10	2.04E-05
MAD1L1	3.21	6.75E-04	2.07	1.94E-02	2.51	6.08E-03
FOXO6	3.20	6.82E-04	1.56	5.93E-02	2.85	2.19E-03
SULT1A2	3.17	7.66E-04	0.09	4.65E-01	3.88	5.18E-05
TREML4	3.16	7.79E-04	1.29	9.92E-02	2.51	5.98E-03
SRBD1	3.15	8.16E-04	1.64	5.04E-02	1.97	2.44E-02
CNTN5	3.15	8.20E-04	1.80	3.56E-02	2.65	4.04E-03
NGEF	3.14	8.56E-04	1.57	5.78E-02	2.61	4.48E-03
SLC15A5	3.13	8.64E-04	1.93	2.70E-02	1.88	2.98E-02
BRWD1	3.13	8.67E-04	2.43	7.57E-03	1.74	4.10E-02
VTI1A	3.12	8.94E-04	2.89	1.93E-03	1.45	7.34E-02
NPIP8	3.12	8.96E-04	0.04	4.83E-01	4.08	2.23E-05
OR5M3	3.10	9.80E-04	3.17	7.70E-04	0.54	2.94E-01
DACH1	3.09	9.85E-04	2.24	1.25E-02	0.94	1.74E-01
APOBR	3.09	1.01E-03	0.02	4.92E-01	3.86	5.62E-05
BHLHA9	3.08	1.03E-03	1.19	1.16E-01	2.69	3.61E-03
OR8D1	3.07	1.06E-03	3.66	1.27E-04	-0.42	6.64E-01
DUS4L	3.06	1.09E-03	2.43	7.46E-03	1.58	5.75E-02
ZNF280D	3.06	1.09E-03	4.27	9.76E-06	-1.13	8.71E-01
BRMS1	3.06	1.09E-03	2.46	6.97E-03	1.17	1.20E-01

DHRS13	3.06	1.09E-03	2.33	9.84E-03	1.35	8.78E-02
ABCB8	3.06	1.10E-03	2.86	2.10E-03	1.09	1.37E-01
PARD3B	3.03	1.22E-03	1.03	1.51E-01	2.78	2.71E-03
RAP2A	3.02	1.25E-03	1.41	7.99E-02	2.18	1.47E-02
MUC12	3.02	1.28E-03	0.60	2.76E-01	2.93	1.71E-03
LGI4	3.01	1.29E-03	0.93	1.75E-01	2.99	1.40E-03
SPI1	3.00	1.34E-03	2.59	4.77E-03	1.60	5.50E-02
CDH12	3.00	1.34E-03	1.37	8.57E-02	3.16	7.83E-04
CHRD12	3.00	1.35E-03	1.31	9.53E-02	1.71	4.36E-02
CABP7	2.99	1.38E-03	0.08	4.69E-01	3.17	7.68E-04
CEND1	2.99	1.41E-03	1.84	3.27E-02	1.45	7.33E-02
CLN3	2.99	1.42E-03	0.42	3.38E-01	3.57	1.77E-04
ZNF423	2.98	1.42E-03	1.73	4.16E-02	1.84	3.29E-02
ST5	2.98	1.45E-03	0.91	1.81E-01	2.29	1.09E-02
ANKRD33B	2.97	1.48E-03	2.63	4.25E-03	0.41	3.40E-01
STEAP4	2.97	1.48E-03	1.82	3.41E-02	1.80	3.62E-02
CLN3	2.97	1.48E-03	0.19	4.24E-01	3.62	1.45E-04
PSMC3	2.97	1.50E-03	2.55	5.36E-03	1.09	1.38E-01
FEN1	2.97	1.51E-03	0.91	1.83E-01	3.02	1.26E-03
PIWIL3	2.96	1.53E-03	0.72	2.35E-01	2.96	1.54E-03
C11orf16	2.96	1.53E-03	1.13	1.30E-01	2.48	6.48E-03
HSD17B11	2.96	1.54E-03	1.31	9.54E-02	2.13	1.66E-02
PPP1R3A	2.96	1.55E-03	1.42	7.80E-02	2.04	2.04E-02
IGSF6	2.96	1.55E-03	3.41	3.22E-04	-0.86	8.05E-01
CCDC101	2.94	1.62E-03	-0.10	5.38E-01	3.70	1.06E-04
TRIO	2.94	1.63E-03	0.68	2.47E-01	2.40	8.20E-03
OR5M11	2.94	1.66E-03	2.95	1.61E-03	0.68	2.47E-01
ASCC2	2.93	1.69E-03	0.14	4.43E-01	3.08	1.02E-03
GARNL3	2.92	1.76E-03	1.44	7.54E-02	1.26	1.04E-01
CCNJ	2.92	1.78E-03	1.75	3.98E-02	1.78	3.72E-02
SLC39A13	2.92	1.78E-03	2.62	4.40E-03	1.50	6.74E-02

SNAP47	2.90	1.85E-03	1.51	6.54E-02	1.37	8.48E-02
SIPA1	2.90	1.88E-03	2.76	2.86E-03	0.28	3.90E-01
ZMAT5	2.89	1.92E-03	0.27	3.94E-01	3.02	1.26E-03
EIF2AK4	2.89	1.93E-03	1.87	3.06E-02	1.36	8.75E-02
RFX3	2.89	1.95E-03	2.82	2.39E-03	0.64	2.60E-01
HNRNPD	2.88	1.96E-03	3.06	1.10E-03	0.16	4.37E-01
OTOA	2.88	1.97E-03	2.71	3.36E-03	1.53	6.30E-02
MROH2B	2.88	1.99E-03	1.45	7.38E-02	2.38	8.62E-03
RHOH	2.88	2.00E-03	1.20	1.15E-01	2.36	9.25E-03
COL16A1	2.88	2.02E-03	2.23	1.28E-02	1.08	1.40E-01
CEP170	2.87	2.03E-03	1.99	2.36E-02	1.32	9.36E-02
NCAM2	2.87	2.04E-03	2.19	1.44E-02	1.60	5.43E-02
PIPOX	2.87	2.04E-03	1.88	3.00E-02	1.90	2.90E-02
SFTPC	2.87	2.07E-03	2.44	7.40E-03	0.50	3.10E-01
FXYD3	2.86	2.11E-03	0.58	2.81E-01	2.97	1.47E-03
SSR2	2.86	2.12E-03	2.00	2.27E-02	1.75	4.00E-02
DNM3	2.86	2.12E-03	0.67	2.50E-01	1.92	2.75E-02
ATG9B	2.86	2.13E-03	2.80	2.59E-03	-0.28	6.12E-01
CRB1	2.86	2.13E-03	2.11	1.74E-02	1.00	1.59E-01
STOX2	2.86	2.15E-03	2.51	5.96E-03	0.84	2.00E-01
BCAP29	2.85	2.16E-03	1.83	3.34E-02	1.55	6.12E-02
INPP5D	2.85	2.17E-03	0.90	1.83E-01	2.55	5.38E-03
RPS14	2.85	2.17E-03	0.76	2.23E-01	2.72	3.30E-03
ZKSCAN4	2.85	2.22E-03	1.63	5.19E-02	1.53	6.34E-02
TMF1	2.84	2.25E-03	0.83	2.04E-01	2.01	2.23E-02
DMRT1	2.84	2.27E-03	1.87	3.08E-02	1.82	3.43E-02
PIAS1	2.83	2.32E-03	2.57	5.09E-03	0.87	1.93E-01
SOS2	2.83	2.34E-03	1.86	3.17E-02	1.24	1.07E-01
MBTD1	2.83	2.35E-03	2.37	8.98E-03	1.94	2.62E-02
DDX11	2.82	2.38E-03	2.52	5.93E-03	0.49	3.10E-01
PDE4B	2.82	2.38E-03	1.41	7.93E-02	1.01	1.56E-01

MEIS2	2.82	2.39E-03	1.16	1.23E-01	0.73	2.34E-01
NAMPT	2.82	2.41E-03	1.76	3.89E-02	1.47	7.10E-02
UBXN2A	2.81	2.48E-03	2.08	1.88E-02	0.82	2.07E-01
EXD2	2.80	2.52E-03	2.20	1.38E-02	0.87	1.92E-01
YIPF1	2.80	2.55E-03	1.38	8.35E-02	1.85	3.19E-02
PALM2	2.80	2.57E-03	1.33	9.15E-02	0.95	1.70E-01
SERPINA1	2.79	2.60E-03	1.85	3.21E-02	2.11	1.76E-02
LY6D	2.79	2.60E-03	1.66	4.89E-02	1.61	5.36E-02
C12orf55	2.79	2.63E-03	1.11	1.33E-01	2.83	2.36E-03
CCDC88C	2.79	2.63E-03	0.94	1.74E-01	2.53	5.77E-03
HAND1	2.79	2.63E-03	2.07	1.94E-02	1.21	1.12E-01
SNX32	2.79	2.63E-03	2.98	1.43E-03	-0.31	6.23E-01
CTBP1	2.79	2.65E-03	1.18	1.19E-01	3.17	7.50E-04
PSMG1	2.79	2.65E-03	2.15	1.59E-02	1.46	7.24E-02
ZNF620	2.79	2.66E-03	3.06	1.12E-03	0.43	3.33E-01
TENM4	2.78	2.69E-03	2.57	5.08E-03	0.82	2.07E-01
KIRREL3	2.78	2.72E-03	1.94	2.59E-02	1.58	5.74E-02
SUFU	2.77	2.82E-03	2.16	1.54E-02	1.04	1.49E-01
OR6B1	2.77	2.85E-03	1.64	5.00E-02	1.98	2.37E-02
CLCA4	2.76	2.86E-03	1.24	1.08E-01	1.89	2.91E-02
ZSCAN31	2.76	2.87E-03	1.15	1.24E-01	2.20	1.39E-02
SERPINB6	2.75	2.94E-03	1.69	4.57E-02	1.38	8.40E-02
SMC2	2.75	2.99E-03	0.50	3.08E-01	3.15	8.08E-04
TREML2	2.75	3.00E-03	1.88	3.04E-02	2.22	1.31E-02
MSI1	2.75	3.02E-03	2.54	5.58E-03	0.77	2.22E-01
LRRC56	2.75	3.02E-03	0.13	4.50E-01	3.36	3.87E-04
RPRD2	2.74	3.04E-03	1.44	7.50E-02	2.00	2.27E-02
SLC2A13	2.74	3.07E-03	2.57	5.08E-03	-0.12	5.48E-01
SERPINI1	2.74	3.08E-03	1.78	3.79E-02	0.71	2.38E-01
MKLN1	2.73	3.19E-03	2.50	6.22E-03	0.21	4.15E-01
L3MBTL3	2.73	3.19E-03	1.34	8.98E-02	2.21	1.36E-02

BNIPL	2.72	3.28E-03	2.44	7.38E-03	0.15	4.41E-01
LEPREL1	2.72	3.28E-03	0.10	4.60E-01	3.15	8.22E-04
TACR3	2.72	3.29E-03	1.27	1.02E-01	1.46	7.17E-02
L2HGDH	2.72	3.29E-03	2.62	4.46E-03	0.20	4.23E-01
GABRA4	2.71	3.32E-03	1.06	1.46E-01	2.08	1.86E-02
B3GALT4	2.71	3.35E-03	2.12	1.70E-02	1.69	4.53E-02
NRIP3	2.71	3.37E-03	0.52	3.02E-01	2.85	2.19E-03
UPB1	2.71	3.37E-03	0.76	2.22E-01	2.63	4.24E-03
MFSD2B	2.71	3.41E-03	1.50	6.71E-02	1.12	1.32E-01
SIX4	2.70	3.50E-03	1.44	7.52E-02	1.66	4.87E-02
GCN1L1	2.70	3.51E-03	1.43	7.68E-02	1.91	2.83E-02
IGFL2	2.69	3.56E-03	1.77	3.80E-02	1.16	1.22E-01
CCDC77	2.69	3.58E-03	1.77	3.87E-02	0.89	1.87E-01
LRRC47	2.69	3.61E-03	2.87	2.03E-03	1.17	1.22E-01
C1orf56	2.69	3.62E-03	1.59	5.56E-02	1.72	4.25E-02
GALNT3	2.68	3.67E-03	1.32	9.27E-02	1.97	2.42E-02
TMEM178A	2.68	3.70E-03	1.28	9.95E-02	2.29	1.10E-02
TET2	2.68	3.71E-03	2.55	5.34E-03	2.26	1.18E-02
ZNF804A	2.68	3.71E-03	2.15	1.57E-02	2.58	5.00E-03
SKAP2	2.67	3.74E-03	2.22	1.31E-02	0.75	2.26E-01
OR5AR1	2.67	3.74E-03	2.65	4.01E-03	0.46	3.21E-01
MSH4	2.67	3.76E-03	1.18	1.18E-01	2.05	2.02E-02
MNAT1	2.67	3.77E-03	1.86	3.14E-02	0.56	2.87E-01
ADAM11	2.67	3.84E-03	2.17	1.51E-02	1.23	1.10E-01
ACSL5	2.67	3.85E-03	1.43	7.69E-02	1.62	5.22E-02
PHRF1	2.66	3.89E-03	0.89	1.86E-01	3.08	1.05E-03
AP3M1	2.66	3.92E-03	2.30	1.06E-02	0.63	2.65E-01
GIPR	2.66	3.93E-03	1.71	4.39E-02	1.10	1.36E-01
ALLC	2.66	3.95E-03	0.39	3.48E-01	2.91	1.80E-03
HIST1H2BF	2.65	4.01E-03	1.62	5.24E-02	2.55	5.43E-03
SLC4A2	2.65	4.01E-03	1.87	3.05E-02	0.97	1.66E-01

CFL1	2.65	4.05E-03	2.77	2.81E-03	-0.41	6.59E-01
MAML3	2.65	4.06E-03	2.91	1.80E-03	-0.65	7.42E-01
CDRT1	2.64	4.11E-03	2.29	1.11E-02	0.81	2.09E-01
DMRTC2	2.64	4.13E-03	1.12	1.32E-01	2.09	1.84E-02
FGF9	2.64	4.14E-03	1.46	7.25E-02	1.54	6.14E-02
BTBD11	2.64	4.16E-03	0.61	2.72E-01	2.16	1.54E-02
CC2D2B	2.63	4.21E-03	0.39	3.47E-01	2.45	7.14E-03
MRAP	2.63	4.24E-03	1.07	1.42E-01	1.75	3.97E-02
ISL1	2.63	4.29E-03	2.05	2.04E-02	0.66	2.56E-01
SCAF11	2.62	4.38E-03	0.87	1.91E-01	2.14	1.62E-02
SMARCD3	2.62	4.38E-03	-0.85	8.03E-01	3.17	7.72E-04
MUS81	2.62	4.41E-03	2.81	2.44E-03	0.19	4.25E-01
SNTG1	2.61	4.50E-03	2.26	1.19E-02	1.03	1.51E-01
ATAD2B	2.61	4.51E-03	1.86	3.14E-02	0.80	2.12E-01
OR8H2	2.61	4.52E-03	2.58	4.91E-03	0.46	3.22E-01
PPARD	2.61	4.55E-03	-0.12	5.47E-01	2.85	2.17E-03
KDM4B	2.61	4.57E-03	0.86	1.94E-01	1.81	3.53E-02
SPNS1	2.60	4.69E-03	-0.92	8.21E-01	3.67	1.23E-04
KIAA1462	2.60	4.72E-03	0.45	3.27E-01	2.54	5.47E-03
ACSF3	2.59	4.83E-03	2.50	6.13E-03	0.09	4.63E-01
IL27	2.59	4.84E-03	0.48	3.14E-01	2.95	1.58E-03
GPR158	2.59	4.85E-03	-0.23	5.93E-01	3.84	6.08E-05
ZNF536	2.58	4.87E-03	0.24	4.06E-01	2.54	5.55E-03
OR5T2	2.58	4.87E-03	2.56	5.28E-03	0.46	3.24E-01
CADM2	2.58	4.88E-03	3.10	9.68E-04	0.11	4.57E-01
CSRNP3	2.58	4.89E-03	0.32	3.73E-01	2.98	1.45E-03
TANC2	2.58	4.91E-03	1.22	1.10E-01	1.74	4.08E-02
IQGAP3	2.58	4.94E-03	0.81	2.09E-01	2.60	4.65E-03
AKT3	2.58	4.96E-03	1.72	4.29E-02	1.23	1.09E-01
ATP2A3	2.58	4.98E-03	1.06	1.45E-01	1.60	5.48E-02
C4orf40	2.58	4.98E-03	1.45	7.39E-02	1.23	1.10E-01



SLC30A7	2.57	5.05E-03	2.25	1.21E-02	0.55	2.93E-01
TNRC6C	2.57	5.08E-03	2.77	2.79E-03	0.44	3.30E-01
ARID2	2.57	5.11E-03	1.05	1.47E-01	1.93	2.70E-02
FAM20C	2.57	5.11E-03	2.78	2.74E-03	-0.01	5.05E-01
DNAH11	2.57	5.13E-03	2.26	1.20E-02	2.03	2.13E-02
DDO	2.57	5.14E-03	0.23	4.10E-01	3.29	4.94E-04
WWP2	2.56	5.18E-03	2.85	2.20E-03	0.63	2.65E-01
CLN6	2.56	5.20E-03	2.30	1.07E-02	0.90	1.85E-01
MTHFR	2.56	5.23E-03	-1.29	9.02E-01	3.58	1.74E-04
CACNA2D4	2.56	5.27E-03	1.29	9.90E-02	1.63	5.19E-02
ZNF330	2.56	5.27E-03	1.89	2.97E-02	1.15	1.24E-01
RIN1	2.56	5.30E-03	2.25	1.24E-02	0.30	3.81E-01
ALDH9A1	2.55	5.32E-03	1.13	1.30E-01	2.15	1.59E-02
APTX	2.55	5.36E-03	2.22	1.33E-02	0.72	2.35E-01
EHBP1	2.55	5.38E-03	2.36	9.19E-03	0.10	4.60E-01
BRINP1	2.55	5.38E-03	0.89	1.86E-01	1.34	9.05E-02
CDHR5	2.55	5.39E-03	1.05	1.47E-01	2.75	2.96E-03
SAP30L	2.55	5.46E-03	1.48	7.01E-02	1.08	1.39E-01
HCN1	2.54	5.48E-03	0.55	2.91E-01	2.62	4.40E-03
TARS2	2.54	5.51E-03	1.28	1.00E-01	1.82	3.47E-02
ACAD8	2.54	5.52E-03	0.30	3.83E-01	2.44	7.42E-03
NFATC2IP	2.54	5.53E-03	-0.62	7.33E-01	3.46	2.72E-04
SLC12A3	2.54	5.58E-03	0.82	2.05E-01	2.11	1.76E-02
VAX1	2.54	5.61E-03	1.05	1.47E-01	2.26	1.18E-02
ATP8B3	2.54	5.62E-03	3.27	5.30E-04	-0.71	7.60E-01
DYNC1LI1	2.53	5.64E-03	2.20	1.38E-02	0.38	3.50E-01
PRPF3	2.53	5.65E-03	1.20	1.14E-01	1.80	3.62E-02
TCF7	2.53	5.66E-03	1.56	6.00E-02	1.51	6.54E-02
CCNJL	2.53	5.67E-03	1.63	5.17E-02	1.19	1.17E-01
LRRC55	2.53	5.71E-03	0.03	4.89E-01	2.91	1.82E-03
POLR2A	2.52	5.85E-03	0.99	1.60E-01	1.67	4.72E-02

PPARA	2.52	5.95E-03	0.04	4.85E-01	2.44	7.31E-03
KIAA1522	2.51	5.97E-03	1.49	6.77E-02	1.61	5.36E-02
GALK1	2.51	5.97E-03	0.84	2.00E-01	2.23	1.28E-02
VKORC1	2.51	5.99E-03	3.08	1.03E-03	-0.32	6.27E-01
NDC80	2.51	6.01E-03	0.93	1.75E-01	1.71	4.38E-02
SOD1	2.51	6.01E-03	1.35	8.87E-02	2.00	2.28E-02
CXXC4	2.51	6.05E-03	2.59	4.77E-03	0.53	2.97E-01
PRMT5	2.51	6.07E-03	0.72	2.37E-01	2.40	8.27E-03
DGCR2	2.51	6.10E-03	1.49	6.76E-02	1.11	1.33E-01
WDR36	2.50	6.16E-03	1.22	1.12E-01	2.35	9.36E-03
HIST1H2BJ	2.50	6.23E-03	1.35	8.89E-02	1.58	5.72E-02
SLC44A5	2.50	6.25E-03	0.77	2.19E-01	2.40	8.17E-03
CDK12	2.50	6.27E-03	2.73	3.15E-03	-0.12	5.47E-01
SP9	2.49	6.31E-03	1.65	4.94E-02	0.89	1.86E-01
RAB11B	2.49	6.33E-03	1.24	1.08E-01	1.77	3.83E-02
MLANA	2.49	6.35E-03	2.24	1.27E-02	0.65	2.56E-01
LSM7	2.49	6.35E-03	1.43	7.63E-02	1.05	1.46E-01
CALML4	2.49	6.44E-03	2.31	1.05E-02	0.82	2.06E-01
AC062017.1	2.49	6.45E-03	-0.12	5.49E-01	3.18	7.48E-04
C12orf66	2.49	6.45E-03	0.85	1.97E-01	2.41	7.90E-03
FGFR1	2.49	6.45E-03	1.20	1.15E-01	2.29	1.09E-02
ERBB4	2.49	6.46E-03	1.55	6.05E-02	1.44	7.48E-02
CLCN6	2.48	6.50E-03	-1.38	9.17E-01	3.78	7.73E-05
CKS2	2.48	6.58E-03	0.93	1.75E-01	0.99	1.62E-01
ZNF615	2.48	6.64E-03	3.93	4.24E-05	-0.62	7.31E-01
FBXL20	2.48	6.65E-03	2.59	4.87E-03	0.07	4.72E-01
IQSEC3	2.47	6.68E-03	1.68	4.63E-02	2.27	1.15E-02
RPL35A	2.47	6.71E-03	1.60	5.50E-02	1.48	6.95E-02
LEMD2	2.47	6.75E-03	1.19	1.17E-01	1.18	1.19E-01
LCN6	2.47	6.78E-03	1.38	8.32E-02	1.70	4.49E-02
OR5F1	2.47	6.79E-03	2.43	7.50E-03	0.49	3.12E-01

OR5M8	2.46	6.86E-03	2.39	8.44E-03	0.72	2.37E-01
MAP2K2	2.46	6.90E-03	-0.99	8.39E-01	2.97	1.47E-03
SULT1A1	2.46	6.92E-03	-0.43	6.67E-01	3.40	3.33E-04
KIAA0195	2.46	6.98E-03	1.63	5.14E-02	0.93	1.75E-01
SNRPN	2.46	6.99E-03	-0.20	5.81E-01	1.52	6.38E-02
OXGR1	2.46	7.00E-03	1.02	1.53E-01	2.23	1.27E-02
KIF17	2.46	7.03E-03	2.16	1.54E-02	-0.49	6.88E-01
TPD52L3	2.46	7.03E-03	-1.07	8.58E-01	4.04	2.62E-05
TCF12	2.45	7.08E-03	4.44	4.43E-06	-1.09	8.62E-01
RPLP0	2.45	7.13E-03	1.16	1.22E-01	1.52	6.41E-02
OR52B6	2.45	7.20E-03	1.39	8.27E-02	1.71	4.40E-02
OR8J1	2.45	7.20E-03	2.40	8.30E-03	0.46	3.22E-01
ADCY2	2.45	7.23E-03	1.47	7.12E-02	2.31	1.04E-02
CECR1	2.44	7.28E-03	0.68	2.47E-01	1.93	2.66E-02
CALHM1	2.44	7.30E-03	2.09	1.83E-02	0.69	2.44E-01
RBM23	2.44	7.32E-03	1.09	1.38E-01	2.01	2.22E-02
SP8	2.44	7.34E-03	1.26	1.04E-01	2.02	2.17E-02
VCPKMT	2.44	7.38E-03	1.42	7.74E-02	1.23	1.09E-01
CTSK	2.44	7.40E-03	-0.28	6.10E-01	2.82	2.37E-03
KIAA1598	2.43	7.52E-03	0.48	3.15E-01	2.10	1.79E-02
ABT1	2.43	7.54E-03	1.54	6.22E-02	1.33	9.23E-02
SCARF2	2.43	7.57E-03	2.26	1.18E-02	0.83	2.03E-01
DTHD1	2.43	7.61E-03	1.71	4.34E-02	0.54	2.94E-01
SH3BP2	2.43	7.61E-03	1.92	2.75E-02	0.92	1.78E-01
AMN1	2.43	7.63E-03	2.28	1.12E-02	0.52	3.00E-01
MGST3	2.43	7.65E-03	2.72	3.24E-03	-0.59	7.21E-01
LCN10	2.42	7.68E-03	1.45	7.30E-02	1.72	4.31E-02
URB1	2.42	7.77E-03	1.49	6.78E-02	1.51	6.61E-02
ANO10	2.42	7.79E-03	1.49	6.75E-02	1.20	1.15E-01
CCDC174	2.42	7.82E-03	1.75	4.01E-02	1.01	1.56E-01
RASSF7	2.42	7.85E-03	0.15	4.42E-01	2.85	2.17E-03

NKAPL	2.41	7.87E-03	1.45	7.28E-02	1.49	6.82E-02
PHYHIP	2.41	7.97E-03	1.94	2.60E-02	0.01	4.97E-01
FAM227B	2.41	7.97E-03	-0.21	5.82E-01	2.86	2.13E-03
TSPAN32	2.41	8.02E-03	1.23	1.10E-01	1.40	8.01E-02
C9orf163	2.41	8.04E-03	0.85	1.98E-01	1.51	6.56E-02
GALNT7	2.41	8.05E-03	2.12	1.68E-02	1.22	1.12E-01
HSD17B4	2.41	8.06E-03	2.56	5.28E-03	-0.10	5.41E-01
OR10D3	2.40	8.10E-03	3.10	9.83E-04	-0.51	6.93E-01
OR8K5	2.40	8.11E-03	2.49	6.40E-03	0.42	3.37E-01
LRRC39	2.40	8.11E-03	1.93	2.71E-02	-0.09	5.35E-01
HYDIN	2.40	8.12E-03	2.41	7.95E-03	-0.21	5.82E-01
METTL15	2.40	8.13E-03	3.47	2.63E-04	-0.51	6.97E-01
CLEC10A	2.40	8.14E-03	1.54	6.22E-02	0.97	1.66E-01
PGBD1	2.40	8.17E-03	2.03	2.12E-02	1.09	1.38E-01
DBT	2.40	8.18E-03	1.91	2.81E-02	0.35	3.62E-01
IBTK	2.40	8.20E-03	1.74	4.07E-02	0.74	2.29E-01
MLNR	2.39	8.32E-03	1.45	7.40E-02	1.59	5.64E-02
HMGN1	2.39	8.34E-03	1.88	2.97E-02	0.76	2.23E-01
WDFY4	2.39	8.40E-03	-0.49	6.87E-01	2.09	1.84E-02
SKP1	2.39	8.41E-03	1.64	5.04E-02	1.45	7.35E-02
FBXO6	2.39	8.47E-03	1.31	9.43E-02	0.93	1.76E-01
OR5M9	2.39	8.51E-03	2.32	1.01E-02	0.74	2.29E-01
FXYD1	2.39	8.54E-03	0.82	2.06E-01	2.36	9.26E-03
MYBPC3	2.38	8.54E-03	1.49	6.81E-02	1.98	2.38E-02
BNC2	2.38	8.57E-03	2.06	1.99E-02	1.12	1.32E-01
SLC25A22	2.38	8.58E-03	1.82	3.42E-02	0.38	3.53E-01
HAUS4	2.38	8.65E-03	0.71	2.37E-01	2.08	1.86E-02
NRXN2	2.38	8.66E-03	3.37	3.73E-04	0.02	4.91E-01
COL24A1	2.38	8.69E-03	2.47	6.76E-03	-0.13	5.53E-01
ALDH16A1	2.38	8.73E-03	1.25	1.05E-01	1.29	9.87E-02
CLCA1	2.38	8.75E-03	1.80	3.61E-02	0.63	2.65E-01

RECK	2.37	8.80E-03	0.45	3.26E-01	2.94	1.66E-03
MIF	2.37	8.90E-03	0.88	1.89E-01	1.57	5.78E-02
SLC2A9	2.37	8.90E-03	0.35	3.62E-01	2.74	3.05E-03
ATP1A3	2.37	8.98E-03	1.32	9.34E-02	1.40	8.01E-02
RASGRP4	2.37	8.98E-03	2.16	1.55E-02	0.63	2.64E-01
CTAGE1	2.37	8.99E-03	1.79	3.71E-02	1.25	1.05E-01
NFXL1	2.37	9.00E-03	1.84	3.32E-02	0.36	3.59E-01
AMICA1	2.37	9.01E-03	2.43	7.45E-03	2.22	1.31E-02
CCDC41	2.36	9.05E-03	1.08	1.40E-01	1.18	1.20E-01
MGLL	2.36	9.20E-03	1.60	5.46E-02	1.15	1.25E-01
RAB21	2.35	9.30E-03	-0.49	6.89E-01	2.96	1.52E-03
OR52I2	2.35	9.30E-03	2.46	6.94E-03	0.07	4.70E-01
OR5T3	2.35	9.35E-03	2.44	7.35E-03	0.38	3.51E-01
RELA	2.35	9.36E-03	1.78	3.76E-02	0.38	3.52E-01
SERPINA6	2.35	9.49E-03	1.02	1.55E-01	1.78	3.73E-02
ERAL1	2.34	9.52E-03	1.53	6.34E-02	1.74	4.08E-02
TMEM39A	2.34	9.61E-03	2.56	5.25E-03	-0.15	5.61E-01
ISCA1	2.34	9.65E-03	2.13	1.65E-02	-0.14	5.56E-01
FOLH1	2.34	9.69E-03	1.47	7.09E-02	0.68	2.47E-01
UTP18	2.34	9.70E-03	2.26	1.18E-02	1.60	5.54E-02
FAM222B	2.34	9.70E-03	1.24	1.07E-01	1.78	3.76E-02
DACT1	2.33	9.82E-03	1.22	1.12E-01	1.48	6.89E-02
SVIL	2.33	9.83E-03	1.29	9.79E-02	1.53	6.27E-02
AMPH	2.33	9.86E-03	1.09	1.38E-01	1.08	1.40E-01
DNAJA1	2.33	9.90E-03	1.98	2.36E-02	0.50	3.07E-01
ASCC3	2.33	9.92E-03	0.90	1.85E-01	1.74	4.10E-02
SHPRH	2.33	9.93E-03	1.78	3.76E-02	0.93	1.76E-01
OR5AS1	2.33	9.98E-03	2.36	9.25E-03	0.38	3.51E-01
ZDHHC20	2.33	1.00E-02	0.35	3.64E-01	1.60	5.46E-02
ZNF79	2.32	1.01E-02	0.57	2.83E-01	1.77	3.85E-02
VCL	2.32	1.01E-02	2.09	1.81E-02	0.24	4.05E-01

ARAP3	2.32	1.01E-02	2.74	3.06E-03	-0.29	6.15E-01
DYNAP	2.32	1.02E-02	1.02	1.53E-01	2.01	2.25E-02
DPPA2	2.32	1.02E-02	0.60	2.75E-01	1.93	2.68E-02
ZNF28	2.32	1.02E-02	2.34	9.53E-03	0.15	4.39E-01
LRRN2	2.32	1.02E-02	0.54	2.96E-01	2.00	2.28E-02
WDTC1	2.32	1.03E-02	1.89	2.94E-02	0.05	4.79E-01
C1RL	2.32	1.03E-02	0.32	3.73E-01	2.27	1.15E-02
OR10J1	2.31	1.03E-02	0.57	2.83E-01	1.78	3.79E-02
RPL12	2.31	1.03E-02	0.61	2.72E-01	1.85	3.23E-02
AKIP1	2.31	1.04E-02	0.38	3.51E-01	2.20	1.39E-02
TRIML1	2.31	1.04E-02	1.60	5.47E-02	0.44	3.28E-01
RASGEF1B	2.31	1.05E-02	-0.16	5.63E-01	2.54	5.58E-03
NAV2	2.31	1.05E-02	0.52	3.01E-01	0.51	3.03E-01
C8orf74	2.31	1.06E-02	1.97	2.45E-02	0.48	3.17E-01
KCNK15	2.30	1.06E-02	1.39	8.25E-02	0.94	1.74E-01
WDR25	2.30	1.07E-02	2.50	6.30E-03	-0.35	6.36E-01
WNT9B	2.30	1.07E-02	0.53	2.99E-01	2.10	1.77E-02
OR8I2	2.30	1.07E-02	2.33	9.85E-03	0.25	3.99E-01
ERRFI1	2.30	1.07E-02	1.63	5.14E-02	0.94	1.74E-01
OOEP	2.30	1.08E-02	2.54	5.55E-03	-0.54	7.04E-01
LINC01118	2.30	1.08E-02	2.22	1.32E-02	-0.03	5.11E-01
OR10G3	2.29	1.09E-02	3.52	2.15E-04	-0.63	7.36E-01
LOX	2.29	1.09E-02	1.02	1.53E-01	1.59	5.56E-02
C11orf88	2.29	1.10E-02	1.90	2.84E-02	1.06	1.44E-01
GFRA2	2.29	1.10E-02	1.07	1.42E-01	1.34	9.00E-02
C1orf185	2.29	1.10E-02	1.69	4.57E-02	0.93	1.75E-01
GOLIM4	2.29	1.10E-02	2.79	2.63E-03	0.09	4.62E-01
CHMP1A	2.29	1.10E-02	1.10	1.35E-01	1.49	6.82E-02
SEMA5A	2.29	1.11E-02	2.46	7.03E-03	0.37	3.55E-01
RNF7	2.28	1.12E-02	1.92	2.76E-02	0.88	1.89E-01
OR2T4	2.28	1.12E-02	1.56	5.96E-02	1.32	9.30E-02

C19orf12	2.28	1.12E-02	2.97	1.48E-03	0.65	2.58E-01
C2orf73	2.28	1.12E-02	2.60	4.63E-03	0.19	4.25E-01
CMTM7	2.28	1.12E-02	2.52	5.84E-03	-0.01	5.06E-01
ZNF614	2.28	1.13E-02	3.36	3.91E-04	-1.61	9.47E-01
GSTA3	2.28	1.13E-02	2.29	1.11E-02	0.25	4.01E-01
CCDC121	2.28	1.13E-02	1.29	9.90E-02	1.53	6.26E-02
RFX8	2.28	1.13E-02	1.50	6.73E-02	1.55	6.06E-02
USP28	2.28	1.14E-02	0.76	2.23E-01	2.13	1.66E-02
OR10AG1	2.28	1.14E-02	2.35	9.49E-03	0.38	3.52E-01
YBX2	2.28	1.14E-02	1.72	4.28E-02	0.71	2.37E-01
BCAS1	2.28	1.14E-02	0.18	4.29E-01	1.69	4.59E-02
LPXN	2.27	1.15E-02	0.00	4.99E-01	3.31	4.70E-04
GPM6A	2.27	1.15E-02	2.07	1.92E-02	-0.55	7.08E-01
POM121L2	2.27	1.16E-02	0.08	4.69E-01	2.75	3.00E-03
WDR24	2.27	1.17E-02	1.54	6.23E-02	1.00	1.58E-01
PRR25	2.27	1.17E-02	0.08	4.69E-01	3.64	1.34E-04
APPL1	2.27	1.17E-02	0.14	4.45E-01	2.22	1.34E-02
ZNF76	2.27	1.17E-02	0.52	3.01E-01	2.00	2.27E-02
AJUBA	2.26	1.18E-02	0.43	3.35E-01	2.20	1.39E-02
SLFN12L	2.26	1.19E-02	1.48	6.92E-02	0.74	2.28E-01
CNBP	2.26	1.19E-02	-0.81	7.92E-01	3.32	4.47E-04
MOB4	2.26	1.20E-02	1.57	5.87E-02	1.19	1.17E-01
EXO5	2.26	1.20E-02	1.59	5.56E-02	1.46	7.21E-02
TMEM19	2.25	1.21E-02	-0.11	5.43E-01	2.53	5.69E-03
SAMD5	2.25	1.21E-02	1.00	1.58E-01	0.32	3.75E-01
SLIT2	2.25	1.21E-02	2.63	4.32E-03	0.01	4.95E-01
OR51M1	2.25	1.22E-02	1.62	5.27E-02	1.43	7.63E-02
AP3D1	2.25	1.22E-02	1.32	9.37E-02	0.38	3.52E-01
UBE3A	2.25	1.22E-02	1.66	4.82E-02	0.83	2.02E-01
C16orf97	2.25	1.23E-02	2.36	9.03E-03	-0.56	7.13E-01
GLRA3	2.25	1.23E-02	2.25	1.22E-02	0.21	4.17E-01

DEF6	2.25	1.23E-02	-0.01	5.05E-01	2.29	1.11E-02
ZCCHC10	2.25	1.23E-02	1.14	1.26E-01	1.57	5.84E-02
NFATC2	2.25	1.23E-02	3.09	9.91E-04	0.82	2.06E-01
PARD3	2.25	1.24E-02	1.35	8.81E-02	0.62	2.69E-01
NCOA3	2.24	1.25E-02	1.89	2.92E-02	0.66	2.55E-01
SRP54	2.24	1.25E-02	1.51	6.50E-02	0.91	1.80E-01
SLC7A14	2.24	1.25E-02	1.48	6.93E-02	0.66	2.54E-01
SLC22A16	2.24	1.25E-02	0.08	4.68E-01	2.93	1.67E-03
POLR2L	2.24	1.26E-02	1.60	5.49E-02	1.08	1.40E-01
CCL21	2.24	1.27E-02	1.09	1.39E-01	1.92	2.76E-02
CD151	2.23	1.28E-02	1.66	4.87E-02	1.02	1.53E-01
CTD-2117L12.1	2.23	1.29E-02	2.92	1.75E-03	-0.32	6.25E-01
IRF7	2.23	1.29E-02	1.13	1.29E-01	2.03	2.10E-02
KCNJ13	2.23	1.29E-02	1.10	1.37E-01	1.51	6.50E-02
EPM2A	2.23	1.29E-02	1.94	2.65E-02	0.52	3.03E-01
DPH5	2.23	1.29E-02	1.70	4.46E-02	0.72	2.36E-01
MUC5B	2.23	1.30E-02	-0.31	6.23E-01	2.56	5.18E-03
NMNAT3	2.23	1.30E-02	1.38	8.38E-02	1.86	3.13E-02
ZXDC	2.22	1.31E-02	2.89	1.91E-03	1.76	3.93E-02
WDR90	2.22	1.31E-02	1.29	9.80E-02	1.34	8.96E-02
SLC38A6	2.22	1.32E-02	1.74	4.08E-02	0.07	4.73E-01
OR5W2	2.22	1.32E-02	2.32	1.00E-02	-0.15	5.60E-01
GABPB2	2.22	1.34E-02	2.10	1.79E-02	0.10	4.61E-01
ZCCHC6	2.22	1.34E-02	1.92	2.72E-02	-0.07	5.28E-01
REM2	2.21	1.34E-02	1.17	1.22E-01	2.04	2.06E-02
KCNAB1	2.21	1.34E-02	1.78	3.76E-02	0.50	3.10E-01
ATRNL1	2.21	1.34E-02	1.93	2.69E-02	1.54	6.15E-02
LAMC3	2.21	1.34E-02	1.22	1.12E-01	0.83	2.04E-01
ASGR2	2.21	1.34E-02	0.51	3.04E-01	2.15	1.59E-02
ARVCF	2.21	1.35E-02	0.63	2.65E-01	1.91	2.83E-02
JOSD2	2.21	1.36E-02	1.81	3.48E-02	0.48	3.17E-01



PCDH9	2.21	1.36E-02	2.43	7.48E-03	-0.04	5.16E-01
TSNARE1	2.21	1.37E-02	-0.41	6.60E-01	2.88	2.00E-03
TEX22	2.21	1.37E-02	0.62	2.67E-01	2.24	1.26E-02
NTN1	2.21	1.37E-02	0.24	4.05E-01	1.69	4.52E-02
BHLHE22	2.20	1.38E-02	2.16	1.55E-02	0.05	4.78E-01
OR5AK2	2.20	1.38E-02	0.12	4.51E-01	2.52	5.86E-03
CDV3	2.20	1.38E-02	0.81	2.09E-01	1.68	4.63E-02
KCNK10	2.20	1.38E-02	1.72	4.32E-02	0.45	3.25E-01
TOP2B	2.20	1.38E-02	1.42	7.73E-02	0.91	1.81E-01
PGPEP1	2.20	1.39E-02	1.21	1.13E-01	1.67	4.72E-02
ZFP64	2.20	1.39E-02	1.34	9.05E-02	0.93	1.76E-01
ZDHHHC6	2.20	1.39E-02	0.67	2.50E-01	1.94	2.61E-02
ATP5S	2.20	1.39E-02	2.37	8.88E-03	-0.22	5.89E-01
CALB1	2.20	1.39E-02	0.49	3.11E-01	2.64	4.12E-03
NFAT5	2.20	1.40E-02	2.21	1.37E-02	1.40	8.03E-02
PBX3	2.20	1.40E-02	3.54	2.04E-04	-1.19	8.83E-01
NAA30	2.20	1.41E-02	2.11	1.75E-02	0.43	3.33E-01
PTDSS2	2.20	1.41E-02	0.20	4.19E-01	3.18	7.31E-04
C10orf54	2.19	1.41E-02	2.45	7.11E-03	0.34	3.68E-01
GUCY1B3	2.19	1.41E-02	1.21	1.13E-01	0.92	1.79E-01
OR8H3	2.19	1.42E-02	2.30	1.08E-02	-0.19	5.73E-01
FSHR	2.19	1.42E-02	0.23	4.08E-01	1.52	6.40E-02
INO80D	2.19	1.44E-02	0.44	3.28E-01	1.63	5.17E-02
POU4F2	2.19	1.44E-02	0.71	2.39E-01	1.44	7.47E-02
RNF139	2.19	1.44E-02	1.78	3.75E-02	-0.19	5.75E-01
ASB14	2.19	1.44E-02	-0.12	5.48E-01	2.56	5.23E-03
FYTTD1	2.18	1.45E-02	2.36	9.07E-03	0.35	3.63E-01
OVCA2	2.18	1.45E-02	0.88	1.89E-01	2.02	2.17E-02
GPR56	2.18	1.45E-02	0.71	2.39E-01	1.82	3.40E-02
HSPE1-MOB4	2.18	1.45E-02	1.38	8.41E-02	1.32	9.27E-02
C11orf96	2.18	1.46E-02	1.96	2.48E-02	0.51	3.03E-01

PA2G4	2.18	1.46E-02	0.48	3.17E-01	1.67	4.75E-02
PLEKHA7	2.18	1.47E-02	0.06	4.76E-01	2.07	1.93E-02
ISOC2	2.18	1.48E-02	0.10	4.59E-01	1.96	2.51E-02
LAIR2	2.18	1.48E-02	1.42	7.74E-02	1.22	1.11E-01
HS3ST4	2.18	1.48E-02	2.79	2.64E-03	1.15	1.25E-01
NCKIPSD	2.17	1.48E-02	0.38	3.51E-01	2.79	2.61E-03
ACO1	2.17	1.49E-02	0.42	3.39E-01	0.99	1.61E-01
SECISBP2	2.17	1.49E-02	1.35	8.78E-02	0.64	2.62E-01
PPP3R2	2.17	1.51E-02	0.98	1.63E-01	1.50	6.65E-02
MED1	2.17	1.51E-02	2.32	1.03E-02	0.08	4.68E-01
N4BP1	2.17	1.51E-02	1.37	8.57E-02	1.08	1.40E-01
OR5I1	2.17	1.51E-02	2.37	8.97E-03	-0.19	5.77E-01
ACTR1A	2.17	1.52E-02	1.52	6.41E-02	1.05	1.47E-01
ATXN1L	2.16	1.52E-02	0.72	2.37E-01	1.93	2.66E-02
TGDS	2.16	1.53E-02	1.46	7.20E-02	1.48	7.00E-02
PRSS8	2.16	1.53E-02	2.33	9.89E-03	-0.22	5.89E-01
PCNXL3	2.16	1.54E-02	2.19	1.43E-02	-0.76	7.76E-01
CCDC151	2.16	1.54E-02	2.16	1.54E-02	0.30	3.81E-01
CNGA3	2.16	1.54E-02	2.27	1.16E-02	-0.04	5.18E-01
XRRA1	2.16	1.54E-02	-0.53	7.02E-01	2.61	4.48E-03
CDPF1	2.16	1.54E-02	0.15	4.39E-01	2.27	1.15E-02
KAT8	2.16	1.55E-02	2.89	1.90E-03	0.02	4.91E-01
RGS16	2.16	1.55E-02	0.08	4.69E-01	2.29	1.11E-02
URM1	2.16	1.55E-02	0.89	1.88E-01	2.55	5.43E-03
C14orf93	2.16	1.55E-02	0.20	4.21E-01	2.00	2.29E-02
ZNF574	2.16	1.55E-02	1.52	6.44E-02	0.77	2.20E-01
SGCZ	2.16	1.55E-02	2.29	1.09E-02	-1.51	9.34E-01
IZUMO2	2.16	1.55E-02	0.00	4.99E-01	2.12	1.71E-02
LIPN	2.16	1.55E-02	0.69	2.45E-01	1.32	9.38E-02
GALNT16	2.15	1.56E-02	1.28	9.96E-02	0.74	2.29E-01
NDUFS1	2.15	1.56E-02	0.05	4.78E-01	2.51	6.09E-03

ESRRG	2.15	1.56E-02	-0.04	5.16E-01	1.63	5.18E-02
LRRC18	2.15	1.57E-02	-0.13	5.52E-01	1.81	3.51E-02
EIF4G3	2.15	1.57E-02	0.90	1.83E-01	1.39	8.22E-02
NKX2-1	2.15	1.58E-02	2.32	1.01E-02	0.10	4.60E-01
EPHX3	2.15	1.58E-02	0.25	4.03E-01	2.20	1.40E-02
DBH	2.15	1.60E-02	0.94	1.73E-01	1.40	8.07E-02
RNF151	2.14	1.60E-02	2.30	1.08E-02	0.11	4.57E-01
LSM14A	2.14	1.60E-02	1.46	7.26E-02	0.75	2.28E-01
CCDC80	2.14	1.60E-02	1.43	7.68E-02	-0.12	5.50E-01
KIF13A	2.14	1.60E-02	1.20	1.14E-01	0.84	2.00E-01
LRCH3	2.14	1.61E-02	2.30	1.07E-02	0.66	2.54E-01
COX7B2	2.14	1.61E-02	0.64	2.60E-01	1.44	7.47E-02
RHOT2	2.14	1.62E-02	0.79	2.13E-01	1.33	9.10E-02
CDKL3	2.14	1.62E-02	0.38	3.50E-01	2.26	1.19E-02
ZKSCAN3	2.14	1.63E-02	1.05	1.47E-01	2.42	7.87E-03
UBAP2	2.14	1.63E-02	1.61	5.42E-02	0.27	3.95E-01
INSL6	2.14	1.63E-02	1.97	2.43E-02	0.69	2.44E-01
TNP1	2.14	1.63E-02	1.82	3.43E-02	0.83	2.02E-01
SMUG1	2.14	1.63E-02	0.89	1.87E-01	1.51	6.59E-02
POU2F3	2.14	1.64E-02	1.63	5.19E-02	0.69	2.44E-01
GPR180	2.13	1.65E-02	2.13	1.64E-02	0.04	4.83E-01
NEK4	2.13	1.65E-02	1.84	3.30E-02	0.39	3.47E-01
UBE2B	2.13	1.66E-02	0.38	3.53E-01	1.96	2.52E-02
SYTL1	2.13	1.67E-02	1.89	2.93E-02	-0.11	5.43E-01
CCDC53	2.12	1.69E-02	1.45	7.33E-02	0.94	1.74E-01
CHID1	2.12	1.69E-02	1.86	3.11E-02	0.57	2.85E-01
SMOC2	2.12	1.69E-02	1.75	3.97E-02	0.30	3.84E-01
EDEM2	2.12	1.69E-02	1.56	5.94E-02	0.54	2.93E-01
ARNT2	2.12	1.69E-02	2.70	3.50E-03	-0.32	6.27E-01
RAB27B	2.12	1.70E-02	1.87	3.10E-02	0.56	2.87E-01
HSBP1	2.12	1.70E-02	0.30	3.82E-01	1.83	3.38E-02

WAPAL	2.12	1.70E-02	1.54	6.16E-02	0.88	1.88E-01
ZNF292	2.12	1.71E-02	0.95	1.70E-01	1.36	8.70E-02
ACADS	2.12	1.71E-02	1.57	5.84E-02	0.07	4.72E-01
FGF7	2.11	1.73E-02	-0.15	5.58E-01	2.62	4.37E-03
TRIM66	2.11	1.73E-02	1.75	3.98E-02	-0.50	6.93E-01
BRD7	2.11	1.74E-02	2.12	1.72E-02	0.12	4.53E-01
RNF144A	2.11	1.74E-02	0.50	3.10E-01	1.56	5.97E-02
CD164	2.11	1.74E-02	0.17	4.32E-01	2.36	9.05E-03
IGFL4	2.11	1.75E-02	1.62	5.26E-02	0.06	4.77E-01
ZNF821	2.11	1.75E-02	0.82	2.05E-01	1.76	3.89E-02
SRP14	2.11	1.75E-02	1.42	7.85E-02	0.18	4.28E-01
ZNF652	2.11	1.75E-02	-0.07	5.28E-01	2.23	1.29E-02
MYO1C	2.11	1.75E-02	1.54	6.14E-02	1.02	1.55E-01
TDG	2.11	1.75E-02	0.18	4.30E-01	1.81	3.55E-02
CDK5	2.11	1.76E-02	1.67	4.76E-02	0.75	2.26E-01
RTN2	2.11	1.76E-02	1.14	1.28E-01	1.75	4.05E-02
SLC35B1	2.11	1.76E-02	1.85	3.18E-02	0.23	4.09E-01
TAF4B	2.11	1.76E-02	2.17	1.50E-02	1.15	1.26E-01
GK2	2.10	1.77E-02	1.14	1.26E-01	1.29	9.77E-02
IGF1	2.10	1.77E-02	1.58	5.75E-02	0.28	3.88E-01
TMEM200B	2.10	1.78E-02	1.24	1.07E-01	0.78	2.17E-01
RSPO4	2.10	1.78E-02	0.17	4.33E-01	1.84	3.31E-02
SPOPL	2.10	1.78E-02	1.37	8.53E-02	0.76	2.25E-01
ERBB3	2.10	1.79E-02	2.24	1.27E-02	1.34	9.00E-02
SLC17A6	2.10	1.79E-02	-0.07	5.28E-01	1.94	2.65E-02
CACNB4	2.10	1.80E-02	-0.20	5.81E-01	2.23	1.28E-02
DYRK1A	2.10	1.81E-02	1.88	3.04E-02	0.23	4.08E-01
ACAN	2.09	1.81E-02	0.37	3.55E-01	2.22	1.32E-02
TPST1	2.09	1.81E-02	2.31	1.05E-02	-0.10	5.41E-01
CD248	2.09	1.82E-02	2.23	1.28E-02	0.96	1.69E-01
FBXW8	2.09	1.82E-02	2.60	4.73E-03	-1.03	8.48E-01

SCRN3	2.09	1.83E-02	1.50	6.63E-02	0.61	2.69E-01
LDHD	2.09	1.83E-02	1.42	7.77E-02	1.06	1.45E-01
IQCG	2.09	1.83E-02	1.35	8.82E-02	1.10	1.35E-01
CELSR3	2.09	1.83E-02	0.05	4.81E-01	2.83	2.32E-03
TRMT13	2.09	1.83E-02	1.91	2.80E-02	-0.37	6.43E-01
C1orf167	2.09	1.84E-02	-1.18	8.81E-01	2.71	3.36E-03
LAYN	2.09	1.84E-02	2.56	5.30E-03	1.03	1.52E-01
PCBP2	2.09	1.84E-02	2.45	7.14E-03	0.03	4.89E-01
TSLP	2.09	1.84E-02	0.88	1.89E-01	1.95	2.54E-02
PDCD6IP	2.09	1.84E-02	1.25	1.06E-01	1.70	4.44E-02
ZNF547	2.09	1.85E-02	1.31	9.54E-02	0.95	1.70E-01
PDLIM2	2.09	1.85E-02	0.88	1.89E-01	1.66	4.80E-02
SASS6	2.09	1.85E-02	1.85	3.25E-02	-0.33	6.29E-01
LRSAM1	2.08	1.86E-02	-0.02	5.08E-01	1.63	5.12E-02
S100PBP	2.08	1.87E-02	0.69	2.45E-01	1.78	3.75E-02
NEGR1	2.08	1.87E-02	-0.33	6.28E-01	3.14	8.57E-04
KCNK7	2.08	1.87E-02	1.69	4.56E-02	0.49	3.11E-01
ZNF608	2.08	1.88E-02	1.91	2.81E-02	-0.28	6.09E-01
LMOD2	2.08	1.89E-02	2.47	6.70E-03	0.36	3.60E-01
ZNF621	2.08	1.89E-02	2.46	7.00E-03	-0.12	5.47E-01
RPS18	2.08	1.89E-02	0.92	1.79E-01	1.99	2.34E-02
RNH1	2.08	1.89E-02	0.21	4.16E-01	3.52	2.15E-04
MARK3	2.08	1.90E-02	0.57	2.83E-01	1.62	5.22E-02
PRUNE	2.07	1.90E-02	1.23	1.09E-01	0.22	4.14E-01
VPS52	2.07	1.91E-02	0.50	3.08E-01	2.07	1.91E-02
PRPF4B	2.07	1.91E-02	1.37	8.59E-02	0.87	1.91E-01
HAPLN2	2.07	1.91E-02	-0.02	5.09E-01	2.46	6.98E-03
TMEM51	2.07	1.91E-02	0.19	4.26E-01	2.36	9.11E-03
LSM4	2.07	1.92E-02	0.10	4.61E-01	2.15	1.58E-02
TRIM27	2.07	1.92E-02	1.50	6.70E-02	0.98	1.64E-01
C16orf96	2.07	1.92E-02	2.19	1.42E-02	-0.10	5.42E-01

HBG2	2.07	1.92E-02	1.52	6.46E-02	0.38	3.52E-01
TRAM1	2.07	1.92E-02	2.66	3.91E-03	0.17	4.34E-01
SPATA17	2.07	1.93E-02	0.33	3.72E-01	1.47	7.02E-02
FBLN5	2.07	1.93E-02	2.22	1.33E-02	0.38	3.51E-01
SLC35F4	2.07	1.93E-02	1.28	1.00E-01	2.27	1.16E-02
ASCL4	2.07	1.94E-02	1.94	2.63E-02	0.97	1.66E-01
SF3B1	2.07	1.94E-02	1.40	8.06E-02	1.15	1.26E-01
ZNF311	2.07	1.94E-02	2.24	1.25E-02	0.79	2.14E-01
SPTBN5	2.06	1.95E-02	0.74	2.31E-01	0.55	2.91E-01
SLC6A2	2.06	1.95E-02	1.14	1.27E-01	0.92	1.79E-01
POGLUT1	2.06	1.95E-02	2.12	1.71E-02	0.40	3.45E-01
CYTL1	2.06	1.96E-02	0.54	2.94E-01	2.17	1.50E-02
ZSCAN1	2.06	1.96E-02	1.01	1.57E-01	1.59	5.62E-02
QARS	2.06	1.96E-02	0.09	4.64E-01	3.30	4.75E-04
SRC	2.06	1.96E-02	-0.26	6.02E-01	2.04	2.09E-02
AFAP1	2.06	1.96E-02	2.30	1.08E-02	1.62	5.23E-02
MTMR3	2.06	1.96E-02	-0.26	6.04E-01	2.29	1.10E-02
QKI	2.06	1.96E-02	2.28	1.12E-02	0.30	3.81E-01
PCSK7	2.06	1.97E-02	-0.12	5.46E-01	2.01	2.22E-02
HIST1H4H	2.06	1.98E-02	1.41	7.87E-02	0.67	2.53E-01
PPM1N	2.06	1.98E-02	0.81	2.08E-01	1.95	2.53E-02
CCDC180	2.06	1.98E-02	0.00	4.99E-01	1.52	6.48E-02
MSMO1	2.06	1.99E-02	0.05	4.81E-01	2.62	4.34E-03
OR5T1	2.05	2.00E-02	1.91	2.81E-02	0.38	3.53E-01
PARK7	2.05	2.01E-02	1.79	3.70E-02	0.69	2.45E-01
FAM114A1	2.05	2.01E-02	1.09	1.37E-01	1.62	5.21E-02
CHRN2	2.05	2.01E-02	0.01	4.96E-01	2.74	3.03E-03
KRTAP1-5	2.05	2.01E-02	1.26	1.03E-01	0.77	2.20E-01
THSD7A	2.05	2.02E-02	0.68	2.49E-01	1.32	9.37E-02
CNGB1	2.05	2.02E-02	1.23	1.09E-01	1.07	1.43E-01
TUSC5	2.05	2.03E-02	2.68	3.68E-03	-0.32	6.24E-01

ZNF675	2.05	2.03E-02	3.26	5.62E-04	-1.38	9.17E-01
TMTC4	2.05	2.03E-02	2.42	7.79E-03	1.00	1.59E-01
HDAC4	2.05	2.03E-02	0.28	3.91E-01	3.32	4.50E-04
SPO11	2.05	2.04E-02	0.05	4.78E-01	2.56	5.29E-03
TMEM132E	2.05	2.04E-02	-0.72	7.63E-01	3.42	3.17E-04
MLLT11	2.04	2.05E-02	1.83	3.40E-02	-0.04	5.17E-01
ZNF717	2.04	2.05E-02	2.04	2.06E-02	0.45	3.27E-01
FAM221A	2.04	2.05E-02	1.13	1.28E-01	0.44	3.31E-01
GYPC	2.04	2.05E-02	1.69	4.54E-02	0.67	2.51E-01
PPP5D1	2.04	2.05E-02	1.84	3.28E-02	-0.16	5.62E-01
TRMT5	2.04	2.06E-02	1.42	7.77E-02	0.56	2.89E-01
DMBT1	2.04	2.06E-02	1.29	9.86E-02	0.91	1.82E-01
CLASRP	2.04	2.06E-02	0.29	3.85E-01	2.00	2.25E-02
CASKIN2	2.04	2.06E-02	2.23	1.28E-02	-0.45	6.73E-01
LRP1B	2.04	2.06E-02	1.23	1.10E-01	1.02	1.53E-01
C11orf68	2.04	2.06E-02	1.08	1.40E-01	1.63	5.17E-02
DGCR8	2.04	2.07E-02	0.74	2.30E-01	2.03	2.12E-02
ENO4	2.04	2.07E-02	0.33	3.72E-01	2.20	1.38E-02
SMPD1	2.04	2.07E-02	1.29	9.77E-02	1.05	1.48E-01
FBXO5	2.04	2.07E-02	2.16	1.55E-02	0.66	2.55E-01
VWA5B1	2.04	2.08E-02	0.10	4.61E-01	2.05	2.02E-02
GPC6	2.04	2.08E-02	1.25	1.05E-01	0.71	2.40E-01
PRKAR1B	2.04	2.08E-02	1.71	4.33E-02	0.56	2.87E-01
SIRT4	2.04	2.08E-02	1.28	1.01E-01	0.94	1.72E-01
DGKI	2.04	2.09E-02	0.34	3.66E-01	1.40	8.06E-02
TIAL1	2.04	2.09E-02	0.27	3.92E-01	1.79	3.68E-02
OSGIN2	2.03	2.12E-02	1.61	5.41E-02	0.95	1.71E-01
GIGYF2	2.03	2.12E-02	0.87	1.92E-01	1.89	2.91E-02
OR51B2	2.03	2.12E-02	1.80	3.56E-02	0.21	4.15E-01
OR11G2	2.03	2.12E-02	2.41	7.97E-03	-0.59	7.23E-01
MRPS18C	2.03	2.13E-02	0.81	2.08E-01	1.39	8.23E-02

PRKCA	2.03	2.14E-02	0.83	2.05E-01	0.77	2.21E-01
DPYD	2.03	2.14E-02	0.53	2.98E-01	0.79	2.16E-01
C12orf40	2.02	2.16E-02	2.58	4.99E-03	-0.67	7.48E-01
PP13439	2.02	2.18E-02	1.83	3.36E-02	1.85	3.22E-02
DCAF5	2.02	2.18E-02	1.32	9.29E-02	0.28	3.88E-01
SMIM8	2.02	2.18E-02	0.74	2.31E-01	1.90	2.86E-02
PLA2G1B	2.02	2.18E-02	1.18	1.20E-01	0.86	1.95E-01
NPPA	2.02	2.18E-02	0.25	4.03E-01	2.86	2.12E-03
PTPRD	2.02	2.19E-02	2.01	2.24E-02	0.67	2.50E-01
DCK	2.02	2.19E-02	1.30	9.71E-02	0.99	1.61E-01
AZIN1	2.01	2.21E-02	1.33	9.14E-02	1.40	8.14E-02
C1QTNF9	2.01	2.21E-02	0.99	1.60E-01	1.11	1.34E-01
SEMA4B	2.01	2.23E-02	1.76	3.94E-02	-0.11	5.44E-01
NUP93	2.01	2.23E-02	2.24	1.25E-02	-0.30	6.16E-01
EEF2K	2.01	2.23E-02	1.89	2.96E-02	0.42	3.37E-01
RGS18	2.01	2.23E-02	1.72	4.27E-02	0.83	2.04E-01
ACP2	2.01	2.24E-02	0.60	2.76E-01	1.65	4.96E-02
SPEF1	2.00	2.25E-02	2.45	7.18E-03	-0.60	7.26E-01
BTN1A1	2.00	2.25E-02	2.11	1.74E-02	0.34	3.67E-01
LAT	2.00	2.26E-02	-0.43	6.68E-01	3.05	1.14E-03
TTC26	2.00	2.26E-02	1.12	1.31E-01	1.12	1.31E-01
RBM45	2.00	2.26E-02	0.53	2.99E-01	1.87	3.04E-02
ZPLD1	2.00	2.27E-02	1.25	1.06E-01	1.30	9.60E-02
LRTM2	2.00	2.28E-02	0.52	3.03E-01	1.87	3.10E-02
TSPAN4	2.00	2.28E-02	1.08	1.40E-01	0.77	2.21E-01
GJC1	2.00	2.29E-02	2.23	1.30E-02	-0.16	5.63E-01
BBX	2.00	2.30E-02	0.95	1.71E-01	0.95	1.70E-01
ITGAM	1.99	2.30E-02	0.33	3.72E-01	1.65	4.94E-02
LYPD3	1.99	2.31E-02	0.26	3.99E-01	1.76	3.91E-02
FIBCD1	1.99	2.31E-02	0.46	3.23E-01	1.00	1.58E-01
TRIM32	1.99	2.31E-02	1.63	5.14E-02	1.12	1.31E-01



MED30	1.99	2.31E-02	2.50	6.17E-03	-0.81	7.92E-01
PLA2G10	1.99	2.32E-02	0.36	3.60E-01	2.01	2.24E-02
TMPPRSS5	1.99	2.32E-02	-0.49	6.89E-01	1.97	2.43E-02
VWC2L	1.99	2.32E-02	2.03	2.10E-02	-0.23	5.92E-01
CCNA1	1.99	2.33E-02	2.76	2.87E-03	-0.40	6.54E-01
SMIM4	1.99	2.33E-02	1.67	4.75E-02	0.50	3.07E-01
DHX36	1.99	2.33E-02	2.00	2.30E-02	-0.29	6.15E-01
GPX6	1.99	2.33E-02	0.26	3.99E-01	2.06	1.96E-02
NUPL2	1.99	2.34E-02	1.42	7.79E-02	0.94	1.73E-01
HTR1F	1.99	2.34E-02	0.78	2.17E-01	1.57	5.82E-02
CTD-2203A3.1	1.99	2.34E-02	2.16	1.52E-02	0.09	4.63E-01
IST1	1.99	2.34E-02	0.58	2.82E-01	1.66	4.84E-02
UBQLN4	1.99	2.34E-02	1.16	1.22E-01	1.26	1.03E-01
ANXA4	1.99	2.35E-02	2.69	3.55E-03	-0.61	7.28E-01
UQCR10	1.99	2.35E-02	0.03	4.89E-01	1.80	3.58E-02
TMEM14E	1.99	2.36E-02	0.95	1.72E-01	1.56	5.98E-02
ANGPT2	1.98	2.36E-02	1.27	1.03E-01	1.02	1.54E-01
PROCR	1.98	2.36E-02	2.01	2.23E-02	0.16	4.35E-01
TRAF4	1.98	2.36E-02	1.00	1.59E-01	1.44	7.44E-02
CHST3	1.98	2.36E-02	0.16	4.38E-01	2.00	2.29E-02
TOLLIP	1.98	2.36E-02	0.47	3.20E-01	1.58	5.71E-02
GPAM	1.98	2.37E-02	2.46	7.04E-03	0.63	2.63E-01
C15orf26	1.98	2.37E-02	1.75	4.03E-02	-0.21	5.85E-01
AFAP1L2	1.98	2.37E-02	2.85	2.18E-03	-0.37	6.43E-01
SETDB1	1.98	2.37E-02	-0.59	7.21E-01	2.58	4.94E-03
CDCA7	1.98	2.38E-02	1.31	9.50E-02	1.77	3.80E-02
CD3D	1.98	2.38E-02	1.50	6.63E-02	1.07	1.42E-01
CREB3L1	1.98	2.38E-02	1.45	7.40E-02	1.90	2.87E-02
DEPDC1B	1.98	2.38E-02	0.48	3.16E-01	2.45	7.18E-03
SYDE2	1.98	2.39E-02	0.69	2.46E-01	1.27	1.03E-01
PARN	1.98	2.39E-02	0.46	3.22E-01	1.83	3.36E-02

C5orf42	1.98	2.39E-02	0.86	1.96E-01	1.73	4.22E-02
OMA1	1.98	2.39E-02	0.63	2.66E-01	1.10	1.35E-01
BCKDK	1.98	2.40E-02	2.56	5.19E-03	0.26	3.96E-01
FAM200B	1.98	2.40E-02	1.57	5.79E-02	0.10	4.61E-01
OR2T6	1.98	2.40E-02	1.67	4.77E-02	0.43	3.34E-01
DRD4	1.98	2.40E-02	1.14	1.27E-01	1.49	6.79E-02
TNFRSF21	1.98	2.40E-02	1.02	1.55E-01	0.33	3.70E-01
PEF1	1.98	2.41E-02	1.33	9.23E-02	1.13	1.30E-01
ZNF257	1.98	2.41E-02	2.98	1.45E-03	-0.66	7.45E-01
NBN	1.97	2.42E-02	-0.25	5.99E-01	3.01	1.32E-03
MCM3	1.97	2.42E-02	1.96	2.50E-02	-0.05	5.19E-01
ZNF626	1.97	2.43E-02	1.19	1.17E-01	0.57	2.84E-01
FBXO30	1.97	2.43E-02	1.83	3.38E-02	-0.02	5.10E-01
RPL30	1.97	2.44E-02	3.07	1.07E-03	-1.02	8.45E-01
FEZF1	1.97	2.45E-02	0.53	2.97E-01	2.94	1.64E-03
PSMB6	1.97	2.45E-02	2.26	1.20E-02	0.05	4.81E-01
TMPRSS11E	1.97	2.46E-02	0.71	2.39E-01	1.38	8.42E-02
PXN	1.97	2.46E-02	0.76	2.23E-01	1.17	1.21E-01
OR2J3	1.97	2.46E-02	1.79	3.71E-02	0.88	1.89E-01
OR4C3	1.97	2.47E-02	1.05	1.47E-01	1.17	1.21E-01
UNC119B	1.97	2.47E-02	1.11	1.34E-01	0.55	2.91E-01
ANXA9	1.96	2.47E-02	0.97	1.65E-01	1.03	1.52E-01
RNFT2	1.96	2.47E-02	1.27	1.02E-01	0.88	1.89E-01
ANKRD9	1.96	2.47E-02	2.32	1.01E-02	0.20	4.23E-01
IDH3B	1.96	2.48E-02	1.20	1.15E-01	2.25	1.23E-02
METTL9	1.96	2.48E-02	2.15	1.58E-02	-0.49	6.87E-01
LIPK	1.96	2.48E-02	0.74	2.28E-01	1.57	5.79E-02
CD226	1.96	2.49E-02	0.72	2.36E-01	2.18	1.45E-02
CDK17	1.96	2.49E-02	1.60	5.47E-02	0.62	2.68E-01
CD81	1.96	2.49E-02	1.83	3.33E-02	0.42	3.38E-01
HSPBP1	1.96	2.49E-02	1.54	6.15E-02	0.54	2.93E-01

SAT2	1.96	2.49E-02	2.89	1.92E-03	-0.70	7.59E-01
TCEB3B	1.96	2.50E-02	1.05	1.47E-01	0.74	2.31E-01
GRIN3A	1.96	2.50E-02	0.80	2.11E-01	0.54	2.96E-01
MLEC	1.96	2.50E-02	1.10	1.36E-01	0.36	3.58E-01
SRF	1.96	2.50E-02	0.49	3.10E-01	2.13	1.64E-02
ARL6IP5	1.96	2.52E-02	0.00	5.01E-01	1.74	4.08E-02
RBP3	1.96	2.52E-02	1.01	1.57E-01	0.36	3.60E-01
BOD1L2	1.96	2.52E-02	1.76	3.95E-02	2.17	1.49E-02
EHD3	1.96	2.52E-02	2.28	1.12E-02	-0.87	8.08E-01
CTNNA2	1.96	2.52E-02	2.15	1.59E-02	0.19	4.26E-01
TAS1R1	1.96	2.52E-02	1.53	6.29E-02	1.47	7.07E-02
NUPR1	1.96	2.53E-02	-0.41	6.60E-01	2.45	7.05E-03
LAP3	1.96	2.53E-02	1.47	7.10E-02	0.63	2.65E-01
NOTCH1	1.95	2.53E-02	1.48	6.91E-02	-0.18	5.71E-01
GRB14	1.95	2.53E-02	0.09	4.63E-01	1.43	7.68E-02
APH1A	1.95	2.54E-02	0.95	1.71E-01	1.45	7.33E-02
GPR15	1.95	2.55E-02	-0.61	7.30E-01	2.71	3.36E-03
METTL20	1.95	2.57E-02	1.38	8.40E-02	0.67	2.53E-01
GPX5	1.95	2.57E-02	-0.09	5.36E-01	2.31	1.06E-02
HPCAL4	1.95	2.57E-02	1.92	2.75E-02	0.56	2.87E-01
RBP1	1.95	2.57E-02	2.77	2.76E-03	1.28	1.01E-01
DEFB113	1.95	2.58E-02	1.83	3.33E-02	0.46	3.23E-01
LEAP2	1.95	2.59E-02	1.08	1.41E-01	0.66	2.56E-01
CD79A	1.94	2.59E-02	0.50	3.10E-01	1.48	6.89E-02
SEMA3A	1.94	2.59E-02	-0.32	6.26E-01	1.77	3.83E-02
OR4X1	1.94	2.60E-02	0.97	1.65E-01	1.26	1.04E-01
ZNF350	1.94	2.60E-02	3.29	5.00E-04	0.16	4.37E-01
SP6	1.94	2.60E-02	0.85	1.97E-01	1.02	1.54E-01
GPSM1	1.94	2.61E-02	1.03	1.52E-01	0.41	3.41E-01
SI	1.94	2.61E-02	0.62	2.67E-01	1.00	1.59E-01
EPDR1	1.94	2.61E-02	0.69	2.44E-01	1.54	6.13E-02

LIMD1	1.94	2.62E-02	0.48	3.15E-01	0.98	1.65E-01
PDCD1	1.94	2.62E-02	0.09	4.65E-01	2.14	1.62E-02
SPICE1	1.94	2.62E-02	2.05	2.03E-02	-0.96	8.31E-01
OR5M10	1.94	2.62E-02	1.74	4.08E-02	0.42	3.37E-01
BAZ1A	1.94	2.63E-02	1.23	1.09E-01	0.74	2.29E-01
CD68	1.94	2.63E-02	1.36	8.62E-02	0.40	3.46E-01
JMJD8	1.94	2.63E-02	1.19	1.17E-01	1.26	1.03E-01
UBN2	1.94	2.63E-02	1.78	3.77E-02	-0.29	6.15E-01
SURF1	1.94	2.64E-02	0.68	2.49E-01	1.25	1.05E-01
EHF	1.94	2.64E-02	1.14	1.27E-01	0.84	2.01E-01
FOSL1	1.94	2.65E-02	2.00	2.28E-02	-0.36	6.42E-01
EEF1B2	1.93	2.68E-02	0.19	4.23E-01	2.23	1.29E-02
GHRHR	1.93	2.69E-02	0.25	4.00E-01	2.14	1.62E-02
RHOT1	1.93	2.69E-02	2.30	1.08E-02	-0.12	5.47E-01
HIGD1A	1.93	2.70E-02	1.24	1.08E-01	1.46	7.22E-02
PPIL6	1.93	2.70E-02	0.08	4.69E-01	2.38	8.54E-03
RPS2	1.93	2.70E-02	1.52	6.46E-02	0.61	2.72E-01
APOBEC2	1.93	2.71E-02	0.56	2.87E-01	1.80	3.56E-02
MAST1	1.92	2.71E-02	1.07	1.41E-01	1.12	1.31E-01
DHRS2	1.92	2.72E-02	1.96	2.50E-02	-0.04	5.15E-01
LYRM9	1.92	2.72E-02	0.74	2.30E-01	1.64	5.10E-02
CXCR1	1.92	2.72E-02	1.91	2.81E-02	0.19	4.24E-01
NOP56	1.92	2.73E-02	1.93	2.69E-02	1.85	3.19E-02
ACLY	1.92	2.73E-02	1.47	7.13E-02	0.67	2.52E-01
RPS6KA5	1.92	2.73E-02	1.14	1.26E-01	1.72	4.27E-02
ZFP69	1.92	2.73E-02	1.25	1.06E-01	1.29	9.77E-02
ANXA13	1.92	2.73E-02	0.35	3.62E-01	1.59	5.62E-02
SDR42E2	1.92	2.74E-02	1.95	2.55E-02	0.57	2.86E-01
CYP11B1	1.92	2.74E-02	1.59	5.63E-02	0.53	2.99E-01
TREM1	1.92	2.74E-02	1.68	4.64E-02	0.71	2.38E-01
TIFA	1.92	2.74E-02	0.64	2.62E-01	1.88	2.99E-02

C3orf33	1.92	2.75E-02	0.09	4.65E-01	1.32	9.29E-02
QPCTL	1.92	2.75E-02	0.00	4.99E-01	1.57	5.88E-02
PRKAR2A	1.92	2.75E-02	-0.15	5.59E-01	2.59	4.75E-03
ARNT	1.92	2.76E-02	-0.65	7.41E-01	2.21	1.34E-02
LARP1B	1.92	2.77E-02	2.84	2.29E-03	-0.69	7.56E-01
KIF20B	1.91	2.78E-02	0.77	2.21E-01	1.48	6.97E-02
PIFO	1.91	2.78E-02	1.42	7.82E-02	0.86	1.96E-01
COG5	1.91	2.78E-02	1.66	4.86E-02	1.65	4.93E-02
AF165138.7	1.91	2.79E-02	1.45	7.41E-02	0.45	3.25E-01
SHC3	1.91	2.80E-02	1.46	7.28E-02	0.75	2.27E-01
OR4D2	1.91	2.80E-02	1.04	1.49E-01	1.25	1.06E-01
CDKN2B	1.91	2.80E-02	2.01	2.20E-02	-0.35	6.38E-01
GCC1	1.91	2.81E-02	1.64	5.04E-02	1.11	1.33E-01
RAE1	1.91	2.81E-02	-0.10	5.38E-01	2.46	7.03E-03
OARD1	1.91	2.82E-02	0.45	3.25E-01	1.83	3.39E-02
EYS	1.91	2.82E-02	-1.50	9.33E-01	3.58	1.71E-04
EVL	1.91	2.84E-02	2.87	2.06E-03	-1.82	9.66E-01
PDIA6	1.91	2.84E-02	0.98	1.63E-01	1.78	3.78E-02
ALDH5A1	1.91	2.84E-02	1.43	7.70E-02	1.20	1.15E-01
OR51E1	1.90	2.86E-02	0.45	3.27E-01	1.85	3.25E-02
AMBRA1	1.90	2.86E-02	0.20	4.22E-01	1.92	2.77E-02
GLT8D1	1.90	2.86E-02	1.45	7.33E-02	0.31	3.79E-01
SLITRK5	1.90	2.87E-02	2.34	9.77E-03	-0.72	7.65E-01
C14orf183	1.90	2.87E-02	1.44	7.53E-02	0.53	2.98E-01
CCDC6	1.90	2.87E-02	0.91	1.81E-01	1.51	6.60E-02
OR8H1	1.90	2.88E-02	1.91	2.82E-02	-0.40	6.55E-01
ZNF684	1.90	2.88E-02	0.78	2.17E-01	1.51	6.53E-02
KIAA0586	1.90	2.88E-02	1.43	7.59E-02	0.75	2.26E-01
NXPE1	1.90	2.88E-02	0.83	2.04E-01	1.39	8.22E-02
SEMA6C	1.90	2.89E-02	1.42	7.82E-02	0.35	3.62E-01
C12orf56	1.89	2.91E-02	1.49	6.82E-02	0.54	2.96E-01

MRPL2	1.89	2.91E-02	0.83	2.04E-01	1.35	8.81E-02
WDR66	1.89	2.91E-02	1.68	4.69E-02	0.09	4.63E-01
NFYA	1.89	2.91E-02	0.14	4.46E-01	2.42	7.67E-03
SAMM50	1.89	2.91E-02	1.27	1.03E-01	1.18	1.20E-01
OR2B6	1.89	2.92E-02	3.14	8.36E-04	-0.19	5.77E-01
PID1	1.89	2.92E-02	1.47	7.08E-02	0.89	1.88E-01
CENPW	1.89	2.93E-02	1.58	5.67E-02	0.21	4.17E-01
FGL1	1.89	2.93E-02	0.97	1.65E-01	0.91	1.83E-01
RAB8B	1.89	2.93E-02	0.92	1.79E-01	0.55	2.91E-01
NPTXR	1.89	2.93E-02	0.85	1.97E-01	0.33	3.70E-01
FBXL5	1.89	2.94E-02	1.45	7.41E-02	0.26	3.98E-01
BEAN1	1.89	2.95E-02	-0.81	7.90E-01	1.95	2.53E-02
IRX5	1.89	2.95E-02	1.42	7.76E-02	0.49	3.13E-01
GPLD1	1.89	2.96E-02	2.33	9.99E-03	-0.36	6.40E-01
BOD1L1	1.89	2.97E-02	1.26	1.04E-01	0.46	3.24E-01
WHAMM	1.88	2.98E-02	0.52	3.02E-01	1.78	3.74E-02
EDNRB	1.88	2.98E-02	1.33	9.24E-02	0.28	3.90E-01
TRIM51	1.88	2.98E-02	1.75	4.04E-02	-0.40	6.55E-01
LHX9	1.88	2.99E-02	0.19	4.26E-01	1.20	1.15E-01
KLK9	1.88	3.00E-02	0.98	1.65E-01	1.63	5.14E-02
UVRAG	1.88	3.00E-02	1.47	7.08E-02	0.46	3.24E-01
EPB41L4A	1.88	3.00E-02	1.82	3.46E-02	1.21	1.13E-01
GRM1	1.88	3.00E-02	1.17	1.21E-01	0.21	4.18E-01
FHL3	1.88	3.00E-02	1.63	5.19E-02	0.33	3.70E-01
FSCN3	1.88	3.00E-02	0.96	1.69E-01	1.18	1.19E-01
TEAD3	1.88	3.00E-02	-0.11	5.44E-01	2.02	2.18E-02
CTTN	1.88	3.01E-02	0.04	4.83E-01	1.88	2.98E-02
FAM170A	1.88	3.01E-02	2.05	2.01E-02	-0.09	5.35E-01
LINC01119	1.88	3.01E-02	0.22	4.13E-01	1.63	5.17E-02
DDX43	1.88	3.02E-02	2.28	1.12E-02	-0.74	7.69E-01
WDR6	1.88	3.03E-02	0.01	4.97E-01	2.42	7.69E-03

ARF5	1.88	3.03E-02	0.58	2.80E-01	1.60	5.45E-02
PBRM1	1.88	3.03E-02	1.38	8.46E-02	0.61	2.71E-01
KLHL33	1.88	3.04E-02	1.09	1.38E-01	0.79	2.13E-01
FOS	1.88	3.04E-02	2.15	1.59E-02	-0.28	6.09E-01
STX8	1.88	3.04E-02	-0.29	6.14E-01	1.54	6.14E-02
CCSER1	1.87	3.04E-02	1.83	3.38E-02	0.11	4.57E-01
CXCL13	1.87	3.04E-02	0.66	2.55E-01	1.63	5.20E-02
MICAL1	1.87	3.04E-02	0.30	3.82E-01	2.12	1.72E-02
PTMA	1.87	3.05E-02	2.71	3.37E-03	-0.43	6.67E-01
PRR16	1.87	3.05E-02	-0.41	6.60E-01	1.43	7.63E-02
AURKAIP1	1.87	3.05E-02	0.98	1.63E-01	1.13	1.29E-01
SPATA33	1.87	3.05E-02	0.48	3.15E-01	1.22	1.11E-01
SNX29	1.87	3.06E-02	1.10	1.36E-01	1.70	4.44E-02
MLYCD	1.87	3.06E-02	1.61	5.32E-02	0.37	3.55E-01
ESYT1	1.87	3.07E-02	0.65	2.56E-01	1.05	1.47E-01
NEDD1	1.87	3.07E-02	-0.43	6.66E-01	3.03	1.24E-03
CGA	1.87	3.09E-02	1.22	1.12E-01	0.84	2.02E-01
YBX1	1.87	3.10E-02	0.34	3.66E-01	1.33	9.10E-02
RUNDC1	1.87	3.10E-02	0.80	2.11E-01	1.24	1.08E-01
HRAS	1.87	3.11E-02	0.92	1.79E-01	1.77	3.83E-02
NCDN	1.86	3.11E-02	0.57	2.84E-01	1.29	9.87E-02
C11orf87	1.86	3.12E-02	-0.24	5.95E-01	2.23	1.30E-02
HSPE1	1.86	3.12E-02	0.54	2.95E-01	1.52	6.43E-02
TALDO1	1.86	3.13E-02	0.21	4.16E-01	1.26	1.04E-01
SLC26A6	1.86	3.13E-02	-0.36	6.39E-01	2.70	3.46E-03
FSD1	1.86	3.14E-02	1.31	9.54E-02	0.23	4.08E-01
GAPT	1.86	3.14E-02	3.01	1.29E-03	-0.65	7.43E-01
AP1AR	1.86	3.14E-02	0.43	3.32E-01	1.81	3.54E-02
JAK2	1.86	3.14E-02	1.61	5.32E-02	0.61	2.70E-01
CLCN2	1.86	3.14E-02	1.30	9.76E-02	1.18	1.18E-01
EFCAB4A	1.86	3.15E-02	1.24	1.08E-01	0.34	3.67E-01

TRIM42	1.86	3.15E-02	1.36	8.62E-02	0.48	3.15E-01
RUNX1	1.86	3.15E-02	0.41	3.40E-01	1.79	3.70E-02
CDC42SE1	1.86	3.15E-02	1.95	2.55E-02	-0.84	8.00E-01
LCN8	1.86	3.16E-02	1.06	1.44E-01	0.78	2.19E-01
PAXBP1	1.86	3.16E-02	0.17	4.31E-01	1.21	1.13E-01
IPMK	1.86	3.17E-02	2.51	6.10E-03	-0.73	7.68E-01
ATP8A1	1.85	3.19E-02	-0.10	5.41E-01	2.15	1.57E-02
OR4K17	1.85	3.20E-02	1.16	1.24E-01	0.32	3.73E-01
WBP4	1.85	3.20E-02	1.60	5.43E-02	-0.35	6.37E-01
XRCC5	1.85	3.21E-02	0.57	2.85E-01	1.32	9.40E-02
WFDC2	1.85	3.21E-02	0.14	4.43E-01	1.55	6.11E-02
ENAH	1.85	3.22E-02	1.80	3.60E-02	-0.15	5.59E-01
UFM1	1.85	3.22E-02	0.87	1.93E-01	1.35	8.78E-02
TMSB10	1.85	3.23E-02	1.21	1.14E-01	0.75	2.28E-01
OR4C46	1.85	3.23E-02	1.19	1.18E-01	0.82	2.05E-01
FBXL17	1.85	3.23E-02	1.69	4.58E-02	1.14	1.27E-01
C15orf52	1.85	3.24E-02	-0.39	6.50E-01	1.93	2.68E-02
QRICH1	1.85	3.24E-02	-0.43	6.67E-01	2.43	7.64E-03
C21orf119	1.85	3.24E-02	1.28	1.01E-01	0.96	1.69E-01
LYST	1.85	3.24E-02	0.86	1.95E-01	1.58	5.76E-02
ULK4	1.85	3.24E-02	2.38	8.73E-03	-1.35	9.12E-01
SETD8	1.84	3.25E-02	1.15	1.26E-01	1.11	1.34E-01
CCR2	1.84	3.26E-02	0.95	1.71E-01	0.81	2.08E-01
TOM1	1.84	3.27E-02	1.46	7.17E-02	0.24	4.04E-01
TSC2	1.84	3.27E-02	1.41	7.91E-02	0.44	3.29E-01
ABCG2	1.84	3.28E-02	0.75	2.27E-01	1.54	6.13E-02
PGF	1.84	3.28E-02	1.80	3.59E-02	0.29	3.87E-01
LCE5A	1.84	3.28E-02	1.16	1.23E-01	0.69	2.46E-01
TP63	1.84	3.29E-02	2.50	6.15E-03	-0.93	8.23E-01
GTSE1	1.84	3.29E-02	-1.08	8.59E-01	2.56	5.22E-03
ARRDC3	1.84	3.29E-02	0.32	3.73E-01	1.77	3.85E-02



DENND1B	1.84	3.30E-02	1.47	7.05E-02	0.57	2.83E-01
CSMD3	1.84	3.30E-02	2.85	2.22E-03	-1.01	8.44E-01
SYNRG	1.84	3.30E-02	1.29	9.91E-02	-0.14	5.55E-01
IFT27	1.84	3.32E-02	-0.76	7.75E-01	2.62	4.36E-03
NEU3	1.84	3.32E-02	-0.42	6.64E-01	2.50	6.15E-03
A4GALT	1.84	3.32E-02	-0.20	5.79E-01	1.30	9.63E-02
UBE2J1	1.83	3.33E-02	0.44	3.30E-01	0.69	2.45E-01
RMND5B	1.83	3.33E-02	1.41	7.88E-02	0.51	3.06E-01
TMEM41B	1.83	3.34E-02	0.26	3.96E-01	1.69	4.58E-02
SMOX	1.83	3.35E-02	2.13	1.65E-02	-0.11	5.45E-01
PGRMC2	1.83	3.35E-02	3.04	1.18E-03	0.51	3.05E-01
ZSCAN12	1.83	3.35E-02	1.32	9.40E-02	2.23	1.28E-02
TRMU	1.83	3.36E-02	-0.78	7.81E-01	2.37	8.79E-03
SMIM2	1.83	3.37E-02	1.78	3.75E-02	0.25	4.00E-01
FAM81A	1.83	3.37E-02	1.06	1.45E-01	0.70	2.42E-01
PLXNC1	1.83	3.37E-02	-0.63	7.36E-01	1.83	3.34E-02
ARIH2	1.83	3.37E-02	-0.05	5.20E-01	2.60	4.67E-03
THAP2	1.83	3.37E-02	0.10	4.62E-01	1.79	3.65E-02
CRYM	1.83	3.38E-02	-0.38	6.50E-01	2.57	5.05E-03
C1orf168	1.83	3.39E-02	0.23	4.08E-01	3.04	1.17E-03
ST3GAL2	1.83	3.39E-02	2.36	9.09E-03	0.66	2.55E-01
TMEM8C	1.83	3.39E-02	0.62	2.67E-01	1.05	1.46E-01
PAK4	1.83	3.39E-02	0.89	1.86E-01	1.12	1.32E-01
PRDM4	1.83	3.39E-02	1.47	7.03E-02	0.51	3.07E-01
ADORA2A	1.83	3.40E-02	0.24	4.05E-01	1.68	4.68E-02
RBBP8	1.83	3.40E-02	0.07	4.73E-01	2.25	1.23E-02
HESX1	1.82	3.40E-02	0.12	4.52E-01	1.27	1.01E-01
LYSMD1	1.82	3.41E-02	1.17	1.21E-01	0.31	3.77E-01
CERS2	1.82	3.41E-02	-0.83	7.96E-01	2.23	1.29E-02
STON1	1.82	3.41E-02	2.29	1.11E-02	-1.82	9.65E-01
PTGES3L-AARSD1	1.82	3.42E-02	0.65	2.58E-01	1.22	1.11E-01

DNLZ	1.82	3.42E-02	1.84	3.30E-02	-0.56	7.11E-01
ZFP28	1.82	3.43E-02	1.48	6.90E-02	-0.14	5.54E-01
MLN	1.82	3.43E-02	0.69	2.45E-01	0.74	2.30E-01
NDUFB9	1.82	3.43E-02	0.86	1.94E-01	1.78	3.76E-02
CSF2RB	1.82	3.43E-02	1.50	6.66E-02	0.11	4.58E-01
TFAP2E	1.82	3.44E-02	0.20	4.20E-01	1.26	1.04E-01
CTTNBP2	1.82	3.45E-02	1.20	1.14E-01	1.15	1.25E-01
ESYT3	1.82	3.45E-02	0.78	2.19E-01	0.66	2.55E-01
ZBTB24	1.82	3.45E-02	0.31	3.77E-01	2.17	1.49E-02
SMCO3	1.82	3.45E-02	0.54	2.93E-01	1.07	1.41E-01
GPR1	1.82	3.46E-02	-0.30	6.16E-01	2.30	1.07E-02
RAB35	1.82	3.46E-02	0.17	4.32E-01	1.42	7.81E-02
GTF2E1	1.82	3.46E-02	1.70	4.45E-02	1.01	1.57E-01
RPS10	1.82	3.47E-02	0.61	2.71E-01	1.70	4.43E-02
FHAD1	1.82	3.47E-02	-0.96	8.32E-01	3.40	3.36E-04
TTC38	1.82	3.47E-02	-0.72	7.64E-01	2.43	7.56E-03
HSPA12B	1.81	3.48E-02	1.03	1.53E-01	0.42	3.38E-01
VDR	1.81	3.48E-02	1.50	6.73E-02	0.66	2.55E-01
PTGES3L	1.81	3.48E-02	0.59	2.78E-01	1.35	8.91E-02
GML	1.81	3.49E-02	1.44	7.49E-02	0.84	2.01E-01
LBP	1.81	3.49E-02	1.57	5.77E-02	-0.06	5.23E-01
ZFP91	1.81	3.49E-02	-0.47	6.80E-01	2.79	2.66E-03
RPL27A	1.81	3.50E-02	0.48	3.16E-01	0.74	2.30E-01
PCM1	1.81	3.50E-02	0.90	1.85E-01	0.81	2.10E-01
CCL2	1.81	3.50E-02	1.62	5.27E-02	0.11	4.55E-01
VWA3A	1.81	3.50E-02	2.42	7.78E-03	0.07	4.73E-01
BRINP2	1.81	3.50E-02	1.42	7.76E-02	1.17	1.21E-01
PDE6H	1.81	3.51E-02	0.96	1.69E-01	1.06	1.45E-01
43160	1.81	3.51E-02	1.11	1.33E-01	2.24	1.25E-02
SCUBE3	1.81	3.53E-02	-0.05	5.20E-01	1.58	5.67E-02
PRKRIR	1.81	3.53E-02	-0.12	5.47E-01	2.76	2.89E-03

CACFD1	1.81	3.53E-02	-0.48	6.86E-01	1.43	7.67E-02
FAM193A	1.81	3.54E-02	0.60	2.73E-01	1.14	1.27E-01
ZBTB34	1.81	3.55E-02	0.96	1.68E-01	0.47	3.19E-01
SLC25A20	1.80	3.55E-02	-0.22	5.85E-01	2.37	8.88E-03
UBA3	1.80	3.55E-02	0.26	3.96E-01	1.42	7.75E-02
ASL	1.80	3.56E-02	1.83	3.39E-02	-0.10	5.40E-01
ZNF788	1.80	3.56E-02	0.82	2.06E-01	1.49	6.78E-02
SUGP2	1.80	3.59E-02	1.71	4.39E-02	0.01	4.94E-01
CRCT1	1.80	3.60E-02	0.90	1.84E-01	1.35	8.80E-02
KLK10	1.80	3.60E-02	1.53	6.28E-02	0.36	3.61E-01
FNDC3A	1.80	3.61E-02	0.37	3.54E-01	1.30	9.74E-02
HORMAD1	1.80	3.61E-02	-0.23	5.91E-01	2.05	2.01E-02
SLC22A12	1.80	3.62E-02	2.53	5.71E-03	-0.23	5.90E-01
TMEM63C	1.80	3.62E-02	1.31	9.52E-02	0.11	4.58E-01
RFTN2	1.80	3.63E-02	0.67	2.50E-01	1.53	6.32E-02
COL1A2	1.79	3.63E-02	1.29	9.81E-02	1.07	1.43E-01
COX7A1	1.79	3.64E-02	2.20	1.40E-02	0.42	3.36E-01
OTX1	1.79	3.64E-02	0.96	1.68E-01	1.11	1.34E-01
ZFP91-CNTF	1.79	3.64E-02	-0.53	7.01E-01	2.81	2.47E-03
HCRTR1	1.79	3.65E-02	1.28	1.01E-01	0.86	1.96E-01
CCT6A	1.79	3.65E-02	1.08	1.41E-01	2.28	1.14E-02
SLC25A28	1.79	3.65E-02	1.81	3.50E-02	-0.48	6.83E-01
TMPRSS2	1.79	3.65E-02	1.96	2.48E-02	0.13	4.49E-01
ZNF214	1.79	3.66E-02	2.68	3.69E-03	-0.59	7.23E-01
UCP3	1.79	3.66E-02	-0.48	6.83E-01	2.01	2.23E-02
FBL	1.79	3.67E-02	2.98	1.43E-03	-0.72	7.65E-01
KCNQ2	1.79	3.67E-02	0.81	2.08E-01	1.96	2.51E-02
SUMF2	1.79	3.67E-02	2.27	1.17E-02	0.28	3.88E-01
TMEM222	1.79	3.67E-02	1.91	2.78E-02	-0.88	8.12E-01
DENND3	1.79	3.67E-02	2.11	1.76E-02	0.24	4.04E-01
KIF18A	1.79	3.68E-02	2.97	1.49E-03	-0.54	7.05E-01

MTRNR2L2	1.79	3.68E-02	1.37	8.51E-02	0.45	3.26E-01
CINP	1.79	3.69E-02	1.13	1.29E-01	1.15	1.24E-01
43169	1.79	3.69E-02	2.09	1.83E-02	-0.89	8.13E-01
C8orf37	1.79	3.69E-02	1.14	1.28E-01	1.79	3.66E-02
C17orf89	1.79	3.70E-02	0.20	4.21E-01	1.22	1.12E-01
USP19	1.79	3.70E-02	-0.82	7.93E-01	2.42	7.80E-03
NAA60	1.79	3.71E-02	2.00	2.29E-02	1.49	6.77E-02
GPR25	1.79	3.71E-02	0.29	3.86E-01	1.42	7.73E-02
HELQ	1.79	3.71E-02	0.63	2.63E-01	1.70	4.47E-02
NUDT14	1.78	3.71E-02	0.50	3.07E-01	1.59	5.54E-02
ANKRD63	1.78	3.72E-02	1.08	1.40E-01	1.05	1.46E-01
TRPM3	1.78	3.72E-02	0.28	3.91E-01	1.14	1.28E-01
COX5B	1.78	3.72E-02	1.05	1.48E-01	1.09	1.37E-01
NPNT	1.78	3.72E-02	2.09	1.82E-02	-0.81	7.91E-01
MACROD2	1.78	3.76E-02	1.02	1.53E-01	0.91	1.81E-01
CISD1	1.78	3.76E-02	2.42	7.77E-03	-0.66	7.45E-01
P4HTM	1.78	3.76E-02	-0.26	6.02E-01	2.11	1.74E-02
ISY1	1.78	3.77E-02	-1.38	9.16E-01	3.09	1.01E-03
ZNF23	1.78	3.77E-02	-0.66	7.45E-01	2.28	1.13E-02
CALD1	1.78	3.77E-02	1.19	1.17E-01	0.13	4.47E-01
FBXL16	1.78	3.78E-02	1.22	1.12E-01	0.97	1.67E-01
MTRNR2L3	1.78	3.78E-02	-0.04	5.18E-01	2.30	1.08E-02
OR5D13	1.78	3.78E-02	1.12	1.30E-01	0.72	2.36E-01
EIF5A	1.78	3.78E-02	0.93	1.77E-01	0.66	2.55E-01
UHMK1	1.78	3.79E-02	-1.14	8.74E-01	2.89	1.93E-03
C6orf1	1.78	3.79E-02	0.88	1.89E-01	1.00	1.59E-01
RPL3L	1.78	3.79E-02	1.27	1.03E-01	0.19	4.23E-01
TAS2R46	1.78	3.79E-02	1.35	8.91E-02	0.13	4.50E-01
ANKS1A	1.77	3.80E-02	-1.31	9.06E-01	2.45	7.13E-03
SORT1	1.77	3.80E-02	-0.92	8.21E-01	3.30	4.89E-04
CYSTM1	1.77	3.80E-02	1.33	9.24E-02	0.61	2.70E-01

CXCL6	1.77	3.81E-02	0.16	4.36E-01	1.52	6.38E-02
DGKZ	1.77	3.81E-02	0.36	3.60E-01	1.89	2.95E-02
RPS23	1.77	3.82E-02	-0.31	6.20E-01	1.91	2.78E-02
HAVCR2	1.77	3.83E-02	0.16	4.37E-01	1.02	1.53E-01
PPM1A	1.77	3.83E-02	1.25	1.06E-01	0.61	2.71E-01
OLFML3	1.77	3.83E-02	1.69	4.56E-02	0.69	2.45E-01
ACSS3	1.77	3.84E-02	0.69	2.46E-01	1.03	1.52E-01
ACSM2B	1.77	3.84E-02	1.02	1.55E-01	0.55	2.93E-01
SWAP70	1.77	3.84E-02	1.45	7.37E-02	0.57	2.83E-01
SERTAD3	1.77	3.84E-02	2.32	1.01E-02	-0.38	6.47E-01
SNAPC3	1.77	3.86E-02	1.77	3.81E-02	-0.10	5.39E-01
RNF20	1.77	3.86E-02	0.60	2.74E-01	0.66	2.56E-01
SLC17A7	1.77	3.86E-02	1.44	7.52E-02	1.25	1.06E-01
C10orf62	1.77	3.86E-02	0.11	4.58E-01	2.20	1.40E-02
BTN3A3	1.77	3.88E-02	1.16	1.23E-01	0.46	3.23E-01
ARSI	1.76	3.89E-02	0.25	4.02E-01	1.31	9.57E-02
UNC5D	1.76	3.89E-02	0.20	4.20E-01	2.08	1.87E-02
THYN1	1.76	3.89E-02	0.12	4.51E-01	1.81	3.51E-02
RND3	1.76	3.90E-02	2.61	4.55E-03	-1.11	8.65E-01
DEFB136	1.76	3.90E-02	0.18	4.30E-01	2.33	9.94E-03
KPTN	1.76	3.90E-02	1.67	4.76E-02	1.14	1.28E-01
SURF4	1.76	3.91E-02	0.27	3.93E-01	1.31	9.43E-02
TAS2R30	1.76	3.92E-02	1.78	3.74E-02	0.31	3.76E-01
TRIM38	1.76	3.92E-02	1.13	1.29E-01	0.09	4.64E-01
ZNF75A	1.76	3.93E-02	1.54	6.15E-02	0.38	3.50E-01
ASB17	1.76	3.93E-02	0.84	2.01E-01	0.71	2.38E-01
GLOD4	1.76	3.93E-02	1.08	1.41E-01	0.47	3.19E-01
MUC19	1.76	3.94E-02	0.10	4.61E-01	1.39	8.16E-02
SLC25A31	1.76	3.94E-02	2.24	1.25E-02	-0.10	5.41E-01
SERTAD1	1.76	3.94E-02	2.31	1.06E-02	-0.83	7.96E-01
ECT2	1.76	3.95E-02	2.14	1.64E-02	-0.21	5.82E-01

INSL4	1.76	3.95E-02	1.87	3.09E-02	0.32	3.76E-01
SV2A	1.76	3.95E-02	1.36	8.76E-02	0.20	4.19E-01
TMCO1	1.76	3.95E-02	2.68	3.67E-03	-1.39	9.18E-01
NLRP12	1.75	3.96E-02	1.52	6.37E-02	0.47	3.19E-01
GPBAR1	1.75	3.97E-02	1.21	1.13E-01	0.71	2.40E-01
SF1	1.75	3.97E-02	0.43	3.34E-01	1.69	4.52E-02
ANKS4B	1.75	3.98E-02	0.82	2.05E-01	1.47	7.13E-02
NKX2-2	1.75	3.99E-02	-0.70	7.59E-01	2.10	1.81E-02
DAB1	1.75	3.99E-02	0.47	3.17E-01	0.31	3.77E-01
LRRC46	1.75	4.00E-02	0.30	3.83E-01	2.04	2.06E-02
OTX2	1.75	4.01E-02	0.23	4.07E-01	1.43	7.68E-02
FUCA2	1.75	4.01E-02	0.13	4.49E-01	1.49	6.87E-02
OR2T12	1.75	4.02E-02	0.86	1.95E-01	0.92	1.78E-01
RIT1	1.75	4.02E-02	1.81	3.51E-02	0.27	3.93E-01
TDRP	1.75	4.03E-02	0.34	3.67E-01	1.47	7.07E-02
KSR2	1.75	4.03E-02	1.97	2.42E-02	0.75	2.27E-01
ZNF197	1.75	4.03E-02	0.74	2.29E-01	1.10	1.36E-01
TMEM59L	1.75	4.04E-02	3.28	5.15E-04	0.05	4.79E-01
MYOZ3	1.75	4.05E-02	1.36	8.68E-02	0.44	3.31E-01
C8orf17	1.74	4.05E-02	0.72	2.36E-01	0.91	1.82E-01
FAF1	1.74	4.06E-02	-0.30	6.17E-01	2.13	1.66E-02
CTSS	1.74	4.06E-02	-0.59	7.22E-01	2.12	1.68E-02
SLC13A1	1.74	4.06E-02	1.02	1.53E-01	0.96	1.69E-01
XCR1	1.74	4.07E-02	0.55	2.93E-01	1.02	1.53E-01
FABP7	1.74	4.08E-02	1.42	7.83E-02	0.42	3.38E-01
KLHL41	1.74	4.09E-02	-0.14	5.55E-01	1.92	2.77E-02
PNPLA3	1.74	4.10E-02	1.15	1.25E-01	0.62	2.67E-01
TLR6	1.74	4.10E-02	1.33	9.12E-02	1.13	1.29E-01
BAZ2B	1.74	4.11E-02	1.33	9.23E-02	0.77	2.20E-01
RPP25L	1.74	4.11E-02	2.06	1.95E-02	0.35	3.64E-01
CPXM1	1.74	4.12E-02	1.43	7.68E-02	-0.15	5.61E-01

LSM1	1.74	4.12E-02	0.26	3.99E-01	2.75	2.96E-03
CABYR	1.74	4.12E-02	1.19	1.18E-01	0.35	3.62E-01
SLC38A7	1.74	4.12E-02	0.86	1.95E-01	0.05	4.81E-01
NEURL4	1.74	4.13E-02	0.73	2.33E-01	1.23	1.09E-01
CHURC1-FNTB	1.74	4.13E-02	0.23	4.09E-01	1.03	1.52E-01
NOL9	1.74	4.13E-02	0.86	1.94E-01	1.25	1.06E-01
CDH5	1.74	4.14E-02	0.29	3.86E-01	1.04	1.49E-01
FZD3	1.74	4.14E-02	-0.89	8.13E-01	2.51	6.01E-03
REV3L	1.73	4.14E-02	0.89	1.86E-01	1.59	5.59E-02
MLTK	1.73	4.15E-02	0.59	2.78E-01	0.26	3.96E-01
DUSP14	1.73	4.16E-02	1.01	1.56E-01	0.54	2.95E-01
GSTCD	1.73	4.16E-02	0.57	2.84E-01	1.47	7.02E-02
RING1	1.73	4.16E-02	2.25	1.21E-02	-0.54	7.07E-01
THUMPD2	1.73	4.16E-02	1.08	1.41E-01	1.27	1.02E-01
FER	1.73	4.17E-02	0.33	3.70E-01	1.00	1.59E-01
SH3RF1	1.73	4.19E-02	2.41	8.06E-03	1.19	1.18E-01
LRRTM1	1.73	4.19E-02	1.30	9.62E-02	0.35	3.63E-01
LYNX1	1.73	4.19E-02	-0.15	5.60E-01	1.46	7.27E-02
RASD2	1.73	4.19E-02	-0.44	6.70E-01	2.47	6.78E-03
LIPJ	1.73	4.19E-02	-0.54	7.07E-01	2.36	9.13E-03
TP53I3	1.73	4.20E-02	1.58	5.70E-02	0.01	4.97E-01
PLA2G2F	1.73	4.21E-02	1.56	5.96E-02	0.20	4.20E-01
FNTB	1.73	4.21E-02	0.22	4.13E-01	1.02	1.55E-01
HERC2	1.73	4.21E-02	0.75	2.28E-01	1.18	1.20E-01
COPS7B	1.73	4.21E-02	2.80	2.53E-03	-0.98	8.38E-01
NMRAL1	1.73	4.21E-02	2.11	1.73E-02	-0.07	5.26E-01
GHDC	1.73	4.22E-02	1.57	5.88E-02	-0.06	5.23E-01
IFIH1	1.72	4.23E-02	1.59	5.62E-02	0.32	3.76E-01
FYCO1	1.72	4.23E-02	0.88	1.90E-01	0.46	3.24E-01
RP11-944C7.1	1.72	4.23E-02	0.93	1.77E-01	0.82	2.05E-01
CDC42BPA	1.72	4.23E-02	0.86	1.96E-01	1.63	5.16E-02

AIF1L	1.72	4.23E-02	0.73	2.33E-01	1.20	1.14E-01
BUB1	1.72	4.23E-02	1.14	1.26E-01	0.76	2.24E-01
TUBA3C	1.72	4.24E-02	0.03	4.87E-01	1.71	4.36E-02
MAGI1	1.72	4.24E-02	1.20	1.15E-01	-0.46	6.76E-01
WDR46	1.72	4.24E-02	1.66	4.82E-02	0.86	1.94E-01
RAB39A	1.72	4.25E-02	1.22	1.12E-01	0.70	2.41E-01
ZW10	1.72	4.25E-02	-0.49	6.87E-01	2.03	2.13E-02
FAM173A	1.72	4.25E-02	1.77	3.82E-02	-0.07	5.29E-01
NQO1	1.72	4.25E-02	2.16	1.54E-02	0.44	3.31E-01
HMGXB4	1.72	4.26E-02	1.51	6.56E-02	0.53	2.99E-01
MED22	1.72	4.27E-02	1.55	6.08E-02	0.31	3.78E-01
CD4	1.72	4.27E-02	2.21	1.35E-02	-0.47	6.82E-01
NUP37	1.72	4.29E-02	0.71	2.38E-01	0.95	1.70E-01
UVSSA	1.72	4.30E-02	0.41	3.40E-01	2.30	1.08E-02
BTBD18	1.72	4.30E-02	1.03	1.52E-01	0.93	1.77E-01
LAT2	1.72	4.31E-02	1.03	1.51E-01	1.59	5.62E-02
GPN1	1.72	4.31E-02	0.24	4.04E-01	1.73	4.18E-02
TADA2A	1.72	4.31E-02	0.84	2.00E-01	0.62	2.67E-01
PRICKLE2	1.71	4.32E-02	0.00	4.98E-01	0.73	2.33E-01
ASTN1	1.71	4.32E-02	1.48	6.98E-02	1.80	3.62E-02
SPPL3	1.71	4.34E-02	1.15	1.24E-01	0.69	2.45E-01
IP6K2	1.71	4.34E-02	-0.10	5.40E-01	2.48	6.60E-03
MPHOSPH9	1.71	4.34E-02	0.62	2.69E-01	1.45	7.40E-02
OR10G6	1.71	4.34E-02	1.52	6.37E-02	-0.14	5.57E-01
UBE2R2	1.71	4.35E-02	1.16	1.22E-01	-0.05	5.20E-01
ITGA8	1.71	4.35E-02	0.32	3.75E-01	0.96	1.69E-01
ANKRD10	1.71	4.36E-02	1.51	6.51E-02	0.66	2.53E-01
INPP5E	1.71	4.36E-02	0.54	2.93E-01	0.91	1.82E-01
MTMR10	1.71	4.37E-02	0.63	2.65E-01	0.82	2.07E-01
ENO1	1.71	4.37E-02	2.11	1.75E-02	-0.81	7.90E-01
UPF1	1.71	4.37E-02	2.41	7.91E-03	-1.03	8.49E-01



MSANTD1	1.71	4.37E-02	2.98	1.46E-03	-0.32	6.24E-01
SMYD2	1.71	4.38E-02	1.56	5.96E-02	0.93	1.76E-01
INTS12	1.71	4.38E-02	0.60	2.75E-01	1.43	7.69E-02
OR5D18	1.71	4.39E-02	2.08	1.85E-02	0.40	3.46E-01
PTPRE	1.71	4.39E-02	0.19	4.23E-01	1.27	1.02E-01
ISY1-RAB43	1.71	4.39E-02	-1.14	8.74E-01	2.93	1.69E-03
OR2M2	1.71	4.39E-02	-0.45	6.74E-01	2.28	1.13E-02
DCP1B	1.71	4.40E-02	1.90	2.88E-02	-0.16	5.64E-01
LRRC45	1.71	4.40E-02	2.48	6.62E-03	0.33	3.71E-01
C6orf163	1.71	4.41E-02	0.68	2.49E-01	1.27	1.01E-01
RPL15	1.70	4.42E-02	1.79	3.70E-02	-1.02	8.47E-01
ZSWIM2	1.70	4.42E-02	0.71	2.38E-01	1.01	1.56E-01
AK3	1.70	4.42E-02	-0.47	6.80E-01	2.01	2.20E-02
TRIM65	1.70	4.43E-02	0.83	2.03E-01	1.96	2.48E-02
DNMT1	1.70	4.43E-02	-0.05	5.22E-01	1.63	5.17E-02
TNFRSF10A	1.70	4.43E-02	0.71	2.39E-01	1.78	3.79E-02
ZNF17	1.70	4.44E-02	1.16	1.22E-01	0.73	2.31E-01
CXCR6	1.70	4.44E-02	0.98	1.64E-01	0.50	3.08E-01
ERLIN1	1.70	4.45E-02	0.81	2.10E-01	0.84	1.99E-01
PCDP1	1.70	4.45E-02	1.01	1.56E-01	0.36	3.61E-01
SLC36A3	1.70	4.45E-02	-0.32	6.25E-01	2.72	3.23E-03
PSMB2	1.70	4.46E-02	0.10	4.62E-01	1.36	8.69E-02
CRK	1.70	4.46E-02	0.76	2.23E-01	0.77	2.22E-01
SEC11C	1.70	4.46E-02	-0.03	5.11E-01	2.61	4.50E-03
SRFBP1	1.70	4.47E-02	0.17	4.33E-01	1.72	4.28E-02
DNPH1	1.70	4.47E-02	0.41	3.41E-01	1.91	2.80E-02
LYZL4	1.70	4.47E-02	2.14	1.60E-02	0.65	2.58E-01
C1orf54	1.70	4.47E-02	0.72	2.37E-01	1.28	1.01E-01
ACVR1	1.70	4.48E-02	1.02	1.53E-01	0.64	2.60E-01
MEAF6	1.70	4.48E-02	0.79	2.14E-01	2.53	5.65E-03
SACM1L	1.70	4.48E-02	-0.34	6.33E-01	2.19	1.43E-02

LCORL	1.70	4.50E-02	1.53	6.35E-02	0.94	1.73E-01
IPO5	1.70	4.50E-02	1.51	6.62E-02	-0.04	5.15E-01
CDS2	1.70	4.50E-02	2.04	2.07E-02	-0.14	5.54E-01
C7	1.70	4.50E-02	2.40	8.30E-03	-0.89	8.15E-01
APOLD1	1.70	4.50E-02	0.39	3.47E-01	1.73	4.18E-02
GNGT1	1.69	4.51E-02	1.79	3.67E-02	0.89	1.86E-01
KIAA0895	1.69	4.51E-02	0.58	2.81E-01	0.31	3.79E-01
SFT2D2	1.69	4.51E-02	1.70	4.47E-02	-0.35	6.35E-01
FDFT1	1.69	4.51E-02	-0.45	6.72E-01	3.15	8.04E-04
C15orf53	1.69	4.52E-02	1.59	5.61E-02	0.52	3.00E-01
TPM1	1.69	4.52E-02	-0.27	6.05E-01	1.80	3.62E-02
KLHL40	1.69	4.54E-02	0.44	3.31E-01	1.48	6.91E-02
PAXIP1	1.69	4.54E-02	1.98	2.36E-02	-0.48	6.84E-01
KANSL1L	1.69	4.54E-02	2.21	1.36E-02	-0.79	7.85E-01
TMEM180	1.69	4.54E-02	1.09	1.38E-01	0.54	2.94E-01
CETP	1.69	4.56E-02	1.12	1.31E-01	0.81	2.09E-01
KHNYN	1.69	4.59E-02	0.15	4.41E-01	1.67	4.79E-02
KIAA2026	1.69	4.60E-02	1.70	4.49E-02	-0.03	5.13E-01
PDP1	1.68	4.62E-02	-0.60	7.25E-01	2.40	8.21E-03
BMPR1B	1.68	4.62E-02	1.46	7.27E-02	-0.61	7.28E-01
PTER	1.68	4.63E-02	-1.57	9.42E-01	2.92	1.76E-03
PVRL3	1.68	4.63E-02	1.46	7.19E-02	-0.25	5.99E-01
OR2M3	1.68	4.63E-02	0.91	1.82E-01	1.02	1.54E-01
TMEM132D	1.68	4.64E-02	2.10	1.78E-02	0.01	4.96E-01
AGRN	1.68	4.64E-02	1.29	9.80E-02	0.95	1.72E-01
C10orf111	1.68	4.64E-02	0.58	2.82E-01	0.87	1.93E-01
C12orf39	1.68	4.64E-02	1.17	1.22E-01	1.23	1.09E-01
YTHDF1	1.68	4.64E-02	2.10	1.80E-02	-0.66	7.45E-01
PPP2R5D	1.68	4.64E-02	1.63	5.15E-02	0.32	3.75E-01
SRXN1	1.68	4.65E-02	0.26	3.99E-01	0.75	2.27E-01
LIX1	1.68	4.65E-02	-0.70	7.57E-01	2.12	1.71E-02

IFITM3	1.68	4.65E-02	1.44	7.43E-02	0.90	1.85E-01
XRCC1	1.68	4.65E-02	0.77	2.21E-01	0.97	1.66E-01
FOSB	1.68	4.66E-02	1.05	1.46E-01	1.05	1.48E-01
PPP2R2D	1.68	4.66E-02	1.69	4.58E-02	0.18	4.27E-01
EEF1E1	1.68	4.67E-02	1.06	1.45E-01	0.55	2.90E-01
SNAPC4	1.68	4.68E-02	1.26	1.04E-01	-0.02	5.07E-01
ATF7IP2	1.68	4.68E-02	1.17	1.20E-01	-0.17	5.69E-01
METTL7A	1.68	4.69E-02	1.35	8.83E-02	0.18	4.27E-01
ECM1	1.68	4.69E-02	0.75	2.27E-01	0.98	1.64E-01
POP5	1.68	4.69E-02	1.36	8.67E-02	0.05	4.80E-01
OR1E1	1.68	4.69E-02	0.35	3.61E-01	1.80	3.57E-02
SMPD2	1.68	4.69E-02	0.11	4.57E-01	2.13	1.67E-02
MEF2D	1.67	4.71E-02	1.56	5.97E-02	0.18	4.27E-01
GJD2	1.67	4.72E-02	1.70	4.48E-02	0.37	3.57E-01
ZNF512	1.67	4.72E-02	0.08	4.68E-01	1.66	4.86E-02
NIPAL1	1.67	4.72E-02	0.86	1.96E-01	0.32	3.74E-01
TRMT61A	1.67	4.73E-02	0.26	3.97E-01	1.52	6.37E-02
SLC35A1	1.67	4.73E-02	0.25	4.03E-01	1.24	1.08E-01
BFAR	1.67	4.73E-02	0.40	3.45E-01	1.65	4.90E-02
SCNN1B	1.67	4.74E-02	1.07	1.43E-01	0.34	3.67E-01
CACNG5	1.67	4.74E-02	0.43	3.34E-01	1.56	5.92E-02
OR6C76	1.67	4.77E-02	0.32	3.76E-01	1.74	4.07E-02
CLDN10	1.67	4.77E-02	0.13	4.47E-01	1.54	6.24E-02
PCSK2	1.67	4.77E-02	1.32	9.34E-02	0.22	4.14E-01
MDM4	1.67	4.77E-02	-0.75	7.73E-01	2.27	1.15E-02
WDR1	1.67	4.77E-02	0.54	2.96E-01	1.53	6.32E-02
LGI1	1.67	4.78E-02	1.92	2.77E-02	2.29	1.10E-02
COX19	1.67	4.78E-02	1.02	1.53E-01	1.73	4.19E-02
SCN2A	1.67	4.79E-02	0.01	4.97E-01	1.73	4.19E-02
PWP1	1.67	4.80E-02	1.52	6.46E-02	0.33	3.71E-01
C8orf58	1.66	4.80E-02	-0.06	5.26E-01	1.70	4.48E-02

RINL	1.66	4.81E-02	1.45	7.32E-02	0.12	4.53E-01
HIST1H4A	1.66	4.81E-02	1.54	6.17E-02	0.56	2.87E-01
NOTUM	1.66	4.81E-02	2.47	6.70E-03	-1.50	9.33E-01
ZNF527	1.66	4.81E-02	1.35	8.77E-02	0.05	4.80E-01
NOB1	1.66	4.82E-02	2.49	6.42E-03	0.26	3.96E-01
ZNF737	1.66	4.82E-02	1.17	1.20E-01	0.37	3.55E-01
GGT5	1.66	4.83E-02	-0.72	7.65E-01	2.63	4.24E-03
EPSTI1	1.66	4.83E-02	0.03	4.86E-01	1.53	6.25E-02
PSMA5	1.66	4.83E-02	-1.58	9.43E-01	3.22	6.38E-04
IL23R	1.66	4.84E-02	0.40	3.44E-01	0.44	3.31E-01
SWI5	1.66	4.84E-02	2.65	4.01E-03	-1.25	8.94E-01
TSSC1	1.66	4.86E-02	0.67	2.52E-01	0.58	2.82E-01
MTMR11	1.66	4.86E-02	1.29	9.90E-02	0.37	3.56E-01
SHISA3	1.66	4.86E-02	0.27	3.93E-01	2.03	2.10E-02
IKZF4	1.66	4.86E-02	0.51	3.06E-01	1.52	6.49E-02
SNIP1	1.66	4.86E-02	1.45	7.39E-02	1.78	3.79E-02
BCL10	1.66	4.86E-02	1.58	5.70E-02	-0.92	8.21E-01
CYP11B2	1.66	4.87E-02	1.59	5.60E-02	0.36	3.59E-01
C12orf65	1.66	4.88E-02	0.84	2.00E-01	1.33	9.21E-02
C11orf71	1.66	4.88E-02	0.50	3.07E-01	0.50	3.08E-01
COMMD10	1.66	4.88E-02	1.87	3.04E-02	-0.20	5.78E-01
CLCNKB	1.66	4.88E-02	2.12	1.69E-02	-1.02	8.47E-01
ZNF800	1.66	4.90E-02	2.08	1.89E-02	0.16	4.35E-01
FSTL3	1.66	4.90E-02	2.22	1.32E-02	0.19	4.26E-01
CACNG2	1.65	4.90E-02	-0.78	7.81E-01	1.98	2.37E-02
SLC22A23	1.65	4.90E-02	1.03	1.51E-01	0.57	2.83E-01
DUS1L	1.65	4.90E-02	2.26	1.19E-02	-1.13	8.71E-01
COL23A1	1.65	4.90E-02	1.46	7.17E-02	-0.23	5.91E-01
SMCHD1	1.65	4.91E-02	0.11	4.55E-01	2.14	1.60E-02
RPL10A	1.65	4.91E-02	0.78	2.18E-01	2.18	1.45E-02
MRPL19	1.65	4.94E-02	2.19	1.41E-02	1.66	4.81E-02

SCAF4	1.65	4.94E-02	1.18	1.19E-01	1.51	6.52E-02
NUDT9	1.65	4.94E-02	-0.67	7.48E-01	2.70	3.43E-03
SDK2	1.65	4.94E-02	1.21	1.14E-01	-0.35	6.36E-01
OR10A4	1.65	4.94E-02	1.09	1.37E-01	1.71	4.36E-02
PBOV1	1.65	4.95E-02	-1.10	8.65E-01	2.39	8.50E-03
POLR3D	1.65	4.95E-02	1.29	9.83E-02	0.04	4.82E-01
RABL3	1.65	4.95E-02	1.51	6.59E-02	1.09	1.38E-01
TMIGD2	1.65	4.95E-02	0.41	3.41E-01	0.89	1.87E-01
KLC1	1.65	4.96E-02	0.81	2.10E-01	1.08	1.41E-01
ATE1	1.65	4.96E-02	2.42	7.78E-03	0.96	1.69E-01
MAP1S	1.65	4.96E-02	0.78	2.17E-01	0.88	1.88E-01
AARSD1	1.65	4.96E-02	0.78	2.18E-01	0.86	1.95E-01
SEC16A	1.65	4.97E-02	0.08	4.67E-01	1.04	1.49E-01
SRCIN1	1.65	4.97E-02	0.36	3.59E-01	1.06	1.46E-01
LYSMD4	1.65	4.97E-02	1.46	7.18E-02	-0.18	5.72E-01
PCDH15	1.65	4.98E-02	-0.25	6.00E-01	2.04	2.09E-02
GABRA5	1.65	4.98E-02	1.47	7.03E-02	-0.43	6.66E-01
DCTN4	1.65	4.98E-02	1.23	1.10E-01	0.41	3.41E-01
NKX6-3	1.65	4.98E-02	0.95	1.70E-01	1.06	1.46E-01
CDKN2C	1.65	4.99E-02	-0.42	6.61E-01	1.90	2.88E-02
SIDT1	1.65	5.00E-02	1.81	3.55E-02	-1.30	9.03E-01
GUSB	1.64	5.00E-02	0.46	3.22E-01	1.23	1.10E-01
LY6H	1.64	5.01E-02	0.91	1.81E-01	1.15	1.26E-01
OR2F2	1.64	5.02E-02	-0.05	5.21E-01	1.64	5.08E-02
PRPS1L1	1.64	5.03E-02	2.56	5.27E-03	-1.37	9.15E-01
CDH7	1.64	5.03E-02	0.18	4.29E-01	2.93	1.70E-03
DECR1	1.64	5.03E-02	0.33	3.70E-01	1.98	2.38E-02
OR8G5	1.64	5.03E-02	1.91	2.78E-02	-0.48	6.85E-01
HSD17B8	1.64	5.05E-02	1.61	5.38E-02	0.44	3.31E-01
DDX47	1.64	5.05E-02	-0.15	5.60E-01	1.43	7.60E-02
FAM170B	1.64	5.05E-02	0.06	4.75E-01	1.12	1.31E-01

ZNF788	1.64	5.06E-02	0.75	2.27E-01	1.25	1.06E-01
UGT2B7	1.64	5.07E-02	0.79	2.15E-01	0.45	3.26E-01
PLAC9	1.64	5.07E-02	0.34	3.66E-01	1.53	6.28E-02
NCAM1	1.64	5.07E-02	0.29	3.86E-01	0.51	3.04E-01
GBAS	1.64	5.08E-02	1.97	2.47E-02	-0.50	6.93E-01
TBK1	1.64	5.09E-02	0.35	3.62E-01	0.88	1.89E-01
TMPRSS7	1.64	5.09E-02	0.16	4.35E-01	1.75	4.03E-02
GOLPH3L	1.64	5.10E-02	-0.60	7.26E-01	2.00	2.30E-02
FUK	1.63	5.10E-02	1.83	3.33E-02	-0.07	5.28E-01
NHLH2	1.63	5.10E-02	0.89	1.86E-01	0.53	2.99E-01
TMEM144	1.63	5.11E-02	0.49	3.12E-01	0.84	2.02E-01
VIT	1.63	5.11E-02	0.95	1.71E-01	3.12	9.10E-04
43161	1.63	5.11E-02	0.88	1.89E-01	0.79	2.15E-01
GNG13	1.63	5.11E-02	1.51	6.54E-02	0.04	4.86E-01
TATDN1	1.63	5.11E-02	1.38	8.38E-02	-0.65	7.42E-01
KCNQ1	1.63	5.11E-02	0.91	1.82E-01	0.54	2.93E-01
LRFN4	1.63	5.12E-02	1.14	1.26E-01	1.23	1.09E-01
TRPC1	1.63	5.12E-02	0.17	4.31E-01	1.78	3.72E-02
NBEA	1.63	5.12E-02	1.96	2.49E-02	-1.33	9.08E-01
GPR141	1.63	5.13E-02	0.32	3.73E-01	1.52	6.47E-02
KLHL11	1.63	5.13E-02	1.55	6.03E-02	-0.07	5.27E-01
CDH8	1.63	5.13E-02	1.44	7.47E-02	0.94	1.75E-01
CUL7	1.63	5.13E-02	1.41	7.97E-02	0.89	1.87E-01
SLC7A9	1.63	5.13E-02	2.02	2.19E-02	-0.56	7.12E-01
RSF1	1.63	5.14E-02	1.11	1.34E-01	1.16	1.24E-01
SESTD1	1.63	5.14E-02	1.41	7.96E-02	0.31	3.79E-01
REEP3	1.63	5.14E-02	-0.41	6.58E-01	3.25	5.73E-04
FANCE	1.63	5.15E-02	0.41	3.40E-01	1.78	3.78E-02
NDUFB10	1.63	5.15E-02	1.26	1.04E-01	0.58	2.81E-01
PEG10	1.63	5.15E-02	2.22	1.31E-02	-0.54	7.06E-01
SCAND3	1.63	5.15E-02	-0.16	5.63E-01	2.56	5.18E-03

BCL7A	1.63	5.16E-02	1.16	1.23E-01	-0.06	5.24E-01
FAM20B	1.63	5.16E-02	0.98	1.63E-01	0.49	3.12E-01
ARHGEF2	1.63	5.16E-02	1.47	7.13E-02	-0.19	5.77E-01
TFDP2	1.63	5.16E-02	0.16	4.37E-01	1.15	1.26E-01
MTF1	1.63	5.17E-02	0.14	4.43E-01	2.24	1.25E-02
OR4C15	1.63	5.17E-02	1.49	6.78E-02	0.47	3.20E-01
CTSL	1.63	5.19E-02	0.51	3.06E-01	1.12	1.31E-01
MCM8	1.63	5.19E-02	1.26	1.04E-01	0.08	4.69E-01
BTF3	1.63	5.19E-02	0.82	2.05E-01	0.78	2.18E-01
SRSF9	1.63	5.19E-02	0.95	1.71E-01	0.52	3.00E-01
GATC	1.63	5.20E-02	1.15	1.25E-01	-0.06	5.22E-01
AC090616.2	1.63	5.20E-02	1.84	3.27E-02	-0.31	6.24E-01
OR5H1	1.62	5.22E-02	1.34	9.08E-02	0.37	3.54E-01
ADCY7	1.62	5.23E-02	1.58	5.72E-02	-0.03	5.10E-01
KAT5	1.62	5.23E-02	1.33	9.17E-02	-0.31	6.22E-01
MYEOV2	1.62	5.24E-02	0.15	4.40E-01	1.71	4.40E-02
NDUFB5	1.62	5.24E-02	0.64	2.60E-01	1.02	1.54E-01
HMGA1	1.62	5.24E-02	0.89	1.88E-01	1.26	1.04E-01
RBM25	1.62	5.24E-02	1.08	1.40E-01	0.81	2.10E-01
HIST1H3J	1.62	5.24E-02	0.57	2.84E-01	0.68	2.48E-01
PLXNA2	1.62	5.26E-02	2.36	9.03E-03	-0.72	7.63E-01
RAD23B	1.62	5.26E-02	1.97	2.46E-02	-0.54	7.05E-01
LACTB2	1.62	5.26E-02	2.69	3.54E-03	-0.94	8.26E-01
CLRN3	1.62	5.27E-02	-0.63	7.35E-01	1.89	2.91E-02
POMGNT2	1.62	5.27E-02	-1.20	8.85E-01	2.24	1.26E-02
ARMC6	1.62	5.27E-02	1.44	7.45E-02	0.07	4.71E-01
UTRN	1.62	5.27E-02	-0.22	5.86E-01	2.24	1.25E-02
OR14C36	1.62	5.27E-02	0.45	3.25E-01	1.40	8.04E-02
NHSL1	1.62	5.27E-02	1.09	1.37E-01	0.47	3.20E-01
HINT2	1.62	5.27E-02	-0.09	5.36E-01	2.11	1.74E-02
SUSD4	1.62	5.27E-02	-0.03	5.11E-01	3.10	9.77E-04

CDK2AP1	1.62	5.29E-02	0.77	2.21E-01	0.98	1.63E-01
RIMS1	1.62	5.29E-02	1.74	4.12E-02	-0.50	6.92E-01
GRIK5	1.62	5.29E-02	0.96	1.67E-01	0.57	2.85E-01
CHN1	1.62	5.29E-02	0.76	2.23E-01	0.98	1.63E-01
MYL6	1.62	5.30E-02	0.16	4.35E-01	1.55	6.01E-02
MGA	1.62	5.30E-02	0.66	2.55E-01	0.27	3.92E-01
PARPBP	1.62	5.30E-02	1.41	7.95E-02	0.68	2.49E-01
CLNS1A	1.62	5.30E-02	1.77	3.85E-02	-0.60	7.27E-01
OR4A5	1.62	5.30E-02	1.66	4.83E-02	-0.34	6.35E-01
TGS1	1.62	5.30E-02	-0.13	5.51E-01	1.72	4.24E-02
HDLBP	1.62	5.30E-02	-0.13	5.51E-01	1.27	1.03E-01
FAM101B	1.61	5.33E-02	0.61	2.72E-01	0.70	2.41E-01
CHRD	1.61	5.34E-02	0.31	3.77E-01	0.93	1.76E-01
ZNF691	1.61	5.34E-02	1.38	8.33E-02	0.85	1.97E-01
APOC4	1.61	5.35E-02	0.27	3.92E-01	1.19	1.16E-01
APOC4-APOC2	1.61	5.35E-02	0.27	3.92E-01	1.19	1.16E-01
MAP3K12	1.61	5.35E-02	0.71	2.39E-01	0.41	3.42E-01
PSD2	1.61	5.35E-02	-0.48	6.84E-01	2.01	2.24E-02
CHIA	1.61	5.36E-02	0.77	2.19E-01	0.61	2.71E-01
PEX3	1.61	5.36E-02	-0.10	5.40E-01	1.30	9.60E-02
C2orf44	1.61	5.37E-02	1.24	1.08E-01	-0.06	5.25E-01
LMBRD1	1.61	5.37E-02	1.48	6.92E-02	0.09	4.62E-01
PPP4R1L	1.61	5.37E-02	0.12	4.52E-01	1.30	9.73E-02
SIM1	1.61	5.38E-02	0.32	3.75E-01	1.52	6.43E-02
SF3B14	1.61	5.38E-02	1.23	1.10E-01	0.44	3.29E-01
SERPINE2	1.61	5.39E-02	-0.81	7.91E-01	2.32	1.01E-02
MAP1A	1.61	5.39E-02	1.72	4.26E-02	0.35	3.63E-01
FAM217A	1.61	5.39E-02	1.18	1.18E-01	0.26	3.98E-01
ARNTL2	1.61	5.39E-02	2.02	2.17E-02	-0.68	7.52E-01
STX11	1.61	5.40E-02	-0.67	7.47E-01	2.02	2.15E-02
RPL41	1.61	5.40E-02	0.38	3.52E-01	1.31	9.49E-02



PLAUR	1.61	5.40E-02	-0.50	6.92E-01	2.04	2.06E-02
OR52A1	1.61	5.40E-02	1.58	5.70E-02	-0.62	7.32E-01
ZNF571	1.61	5.41E-02	1.15	1.25E-01	0.27	3.92E-01
CRCP	1.61	5.42E-02	1.59	5.55E-02	-0.04	5.15E-01
COMP	1.61	5.42E-02	2.46	6.91E-03	0.79	2.15E-01
DNAL4	1.61	5.42E-02	0.73	2.32E-01	0.27	3.94E-01
EIF2B3	1.60	5.43E-02	2.82	2.42E-03	-0.65	7.43E-01
HMOX2	1.60	5.43E-02	2.02	2.19E-02	0.02	4.92E-01
LRRC58	1.60	5.44E-02	2.57	5.04E-03	-1.96	9.75E-01
F3	1.60	5.44E-02	1.35	8.79E-02	0.58	2.82E-01
TSPAN5	1.60	5.44E-02	0.47	3.18E-01	0.90	1.84E-01
AGPAT3	1.60	5.45E-02	1.81	3.50E-02	2.16	1.52E-02
PLA2G4B	1.60	5.45E-02	0.58	2.81E-01	0.37	3.54E-01
JMJD7-PLA2G4B	1.60	5.45E-02	0.58	2.81E-01	0.37	3.54E-01
SNRNP35	1.60	5.45E-02	1.24	1.07E-01	0.31	3.80E-01
PLEKHH2	1.60	5.45E-02	1.14	1.27E-01	0.60	2.75E-01
SLC26A9	1.60	5.46E-02	0.34	3.68E-01	0.93	1.77E-01
PINLYP	1.60	5.46E-02	0.69	2.44E-01	1.40	8.03E-02
WBP11	1.60	5.46E-02	0.31	3.79E-01	1.32	9.39E-02
NPM1	1.60	5.47E-02	1.11	1.34E-01	0.16	4.35E-01
GDF15	1.60	5.47E-02	0.23	4.09E-01	1.37	8.55E-02
SLC25A3	1.60	5.48E-02	2.77	2.80E-03	-0.46	6.79E-01
RAB6B	1.60	5.48E-02	3.31	4.58E-04	-0.45	6.75E-01
LYPD4	1.60	5.49E-02	1.00	1.60E-01	0.78	2.18E-01
PSD3	1.60	5.49E-02	2.44	7.41E-03	-0.75	7.75E-01
ACVRL1	1.60	5.49E-02	0.93	1.75E-01	0.54	2.95E-01
TCHHL1	1.60	5.49E-02	1.34	9.06E-02	0.51	3.06E-01
RAB43	1.60	5.50E-02	-0.89	8.14E-01	2.75	2.99E-03
LETMD1	1.60	5.50E-02	2.33	9.96E-03	0.72	2.35E-01
CALHM3	1.60	5.52E-02	1.95	2.55E-02	-0.20	5.81E-01
ZNF668	1.60	5.53E-02	2.20	1.40E-02	-0.54	7.07E-01

KLHL22	1.60	5.53E-02	1.85	3.23E-02	-0.11	5.46E-01
EFTUD1	1.59	5.54E-02	0.22	4.12E-01	1.39	8.16E-02
PROM1	1.59	5.54E-02	2.78	2.72E-03	-0.23	5.91E-01
CREG2	1.59	5.55E-02	0.90	1.85E-01	0.90	1.85E-01
KLK9	1.59	5.55E-02	0.85	1.97E-01	2.08	1.88E-02
KIAA0513	1.59	5.56E-02	0.53	3.00E-01	0.36	3.58E-01
MYCN	1.59	5.56E-02	0.63	2.66E-01	0.88	1.90E-01
VSTM5	1.59	5.58E-02	0.94	1.74E-01	0.27	3.92E-01
NCCRP1	1.59	5.58E-02	1.32	9.38E-02	0.41	3.41E-01
NDUFB4	1.59	5.58E-02	0.83	2.04E-01	1.03	1.52E-01
RP11-477N12.3	1.59	5.59E-02	-0.15	5.58E-01	1.29	9.87E-02
MRGPRG	1.59	5.59E-02	-0.12	5.49E-01	1.97	2.43E-02
CCDC37	1.59	5.59E-02	1.19	1.17E-01	1.62	5.29E-02
GNL2	1.59	5.60E-02	1.61	5.36E-02	1.76	3.91E-02
C9orf153	1.59	5.61E-02	0.89	1.86E-01	1.25	1.06E-01
SOAT1	1.59	5.61E-02	0.83	2.03E-01	0.69	2.46E-01
CNGA1	1.59	5.62E-02	0.80	2.13E-01	0.21	4.15E-01
CACNA2D3	1.59	5.62E-02	2.46	6.87E-03	0.94	1.73E-01
A1CF	1.59	5.63E-02	0.65	2.56E-01	0.58	2.81E-01
AP3B2	1.59	5.63E-02	1.22	1.11E-01	1.41	7.97E-02
SPCS2	1.59	5.63E-02	-0.77	7.81E-01	2.04	2.06E-02
OGFOD2	1.59	5.64E-02	0.73	2.32E-01	0.94	1.73E-01
ZNF540	1.59	5.64E-02	1.07	1.43E-01	0.30	3.82E-01
THBS2	1.59	5.65E-02	0.59	2.77E-01	2.87	2.05E-03
ADAP1	1.59	5.65E-02	1.32	9.36E-02	0.44	3.29E-01
AMD1	1.58	5.65E-02	0.18	4.30E-01	1.70	4.45E-02
ADAMTS16	1.58	5.65E-02	2.13	1.68E-02	-0.25	6.00E-01
GDF1	1.58	5.66E-02	2.50	6.18E-03	-1.18	8.81E-01
CERS1	1.58	5.66E-02	2.50	6.18E-03	-1.18	8.81E-01
PSIP1	1.58	5.67E-02	1.47	7.02E-02	0.20	4.19E-01
NGB	1.58	5.67E-02	0.69	2.45E-01	0.01	4.94E-01

SMAD9	1.58	5.68E-02	0.49	3.14E-01	0.87	1.93E-01
MYB	1.58	5.69E-02	1.30	9.66E-02	-0.04	5.16E-01
TMEM38A	1.58	5.69E-02	0.20	4.20E-01	0.90	1.85E-01
WDR33	1.58	5.70E-02	0.45	3.28E-01	1.36	8.65E-02
PLA2G12A	1.58	5.70E-02	0.96	1.69E-01	0.57	2.83E-01
PIK3CG	1.58	5.71E-02	1.86	3.12E-02	0.73	2.31E-01
PSMA8	1.58	5.71E-02	-0.65	7.43E-01	1.95	2.53E-02
STK38L	1.58	5.71E-02	1.75	4.02E-02	-0.94	8.27E-01
PATL2	1.58	5.73E-02	0.31	3.78E-01	1.02	1.54E-01
LILRA4	1.58	5.74E-02	0.37	3.56E-01	1.34	9.04E-02
ZC3H10	1.58	5.74E-02	0.32	3.74E-01	1.32	9.40E-02
CCDC13	1.58	5.76E-02	1.02	1.53E-01	0.90	1.83E-01
HNMT	1.58	5.76E-02	0.28	3.89E-01	1.31	9.53E-02
KLHDC3	1.57	5.77E-02	0.70	2.43E-01	1.12	1.32E-01
GCH1	1.57	5.77E-02	1.77	3.80E-02	-0.14	5.55E-01
TMEM60	1.57	5.77E-02	0.35	3.61E-01	1.15	1.25E-01
CPOX	1.57	5.78E-02	-0.32	6.27E-01	1.54	6.17E-02
NME1-NME2	1.57	5.78E-02	1.43	7.63E-02	1.04	1.50E-01
NME2	1.57	5.78E-02	1.43	7.63E-02	1.04	1.50E-01
TRABD	1.57	5.78E-02	2.22	1.32E-02	-0.28	6.09E-01
ATP8B1	1.57	5.78E-02	0.79	2.15E-01	-0.04	5.16E-01
FHIT	1.57	5.79E-02	1.59	5.63E-02	1.16	1.24E-01
FILIP1	1.57	5.79E-02	2.07	1.92E-02	-0.62	7.32E-01
CORIN	1.57	5.80E-02	0.82	2.07E-01	1.10	1.37E-01
DNAJC7	1.57	5.81E-02	0.68	2.49E-01	0.91	1.82E-01
OLFM3	1.57	5.81E-02	1.23	1.09E-01	0.75	2.27E-01
FAM155A	1.57	5.81E-02	0.08	4.66E-01	1.07	1.41E-01
RPS6KL1	1.57	5.81E-02	1.81	3.49E-02	0.05	4.80E-01
ZIC2	1.57	5.82E-02	0.76	2.24E-01	0.61	2.72E-01
CCDC141	1.57	5.82E-02	1.15	1.26E-01	1.45	7.30E-02
PAXIP1-AS2	1.57	5.83E-02	1.93	2.68E-02	-0.72	7.64E-01

RASL10B	1.57	5.83E-02	0.26	3.97E-01	1.07	1.42E-01
RALBP1	1.57	5.84E-02	1.49	6.77E-02	0.27	3.93E-01
GJB7	1.57	5.84E-02	0.68	2.47E-01	1.09	1.38E-01
XKR9	1.57	5.84E-02	2.36	9.05E-03	-0.99	8.39E-01
IGJ	1.57	5.84E-02	0.69	2.45E-01	1.09	1.38E-01
TMBIM4	1.57	5.84E-02	1.43	7.60E-02	-0.40	6.54E-01
TMBIM4	1.57	5.84E-02	1.43	7.60E-02	-0.40	6.54E-01
LMNB1	1.57	5.85E-02	3.51	2.23E-04	-0.43	6.68E-01
RHOC	1.57	5.85E-02	2.21	1.37E-02	-1.48	9.31E-01
KLHDC7A	1.57	5.85E-02	0.87	1.93E-01	0.58	2.80E-01
GAMT	1.57	5.86E-02	1.86	3.13E-02	-0.80	7.88E-01
TNS3	1.57	5.86E-02	-0.33	6.28E-01	0.57	2.86E-01
MUCL1	1.57	5.86E-02	2.70	3.45E-03	0.60	2.74E-01
ATP5G2	1.56	5.88E-02	0.62	2.66E-01	0.82	2.05E-01
C3	1.56	5.88E-02	2.78	2.72E-03	-0.30	6.20E-01
IGSF11	1.56	5.88E-02	0.16	4.37E-01	0.89	1.87E-01
SIPA1L3	1.56	5.89E-02	0.61	2.72E-01	0.55	2.91E-01
NLRP14	1.56	5.90E-02	2.43	7.49E-03	-1.08	8.59E-01
CHORDC1	1.56	5.90E-02	1.65	4.92E-02	-0.08	5.31E-01
ZNF611	1.56	5.91E-02	-0.11	5.42E-01	1.84	3.26E-02
CTC1	1.56	5.91E-02	1.24	1.08E-01	1.14	1.28E-01
PKP1	1.56	5.91E-02	-0.27	6.06E-01	1.83	3.34E-02
ABCA5	1.56	5.92E-02	1.33	9.16E-02	0.65	2.58E-01
ARL6IP6	1.56	5.92E-02	1.99	2.35E-02	-0.08	5.33E-01
OR4M2	1.56	5.92E-02	0.62	2.69E-01	1.23	1.10E-01
APOPT1	1.56	5.93E-02	0.49	3.13E-01	1.51	6.54E-02
SEC22C	1.56	5.93E-02	0.48	3.17E-01	0.97	1.66E-01
POLR2H	1.56	5.94E-02	2.43	7.53E-03	0.60	2.74E-01
TNFRSF14	1.56	5.94E-02	2.02	2.18E-02	0.62	2.68E-01
OR6X1	1.56	5.95E-02	1.53	6.26E-02	-0.46	6.75E-01
BIRC8	1.56	5.95E-02	1.54	6.19E-02	-0.39	6.51E-01

ICAM5	1.56	5.95E-02	2.35	9.35E-03	1.12	1.32E-01
CEP104	1.56	5.95E-02	1.37	8.60E-02	0.69	2.44E-01
GRID1	1.56	5.95E-02	0.01	4.96E-01	1.35	8.88E-02
ZNF263	1.56	5.95E-02	1.33	9.25E-02	0.24	4.04E-01
HMGN4	1.56	5.96E-02	1.87	3.06E-02	-0.32	6.25E-01
PCOLCE	1.56	5.96E-02	0.52	3.01E-01	1.33	9.25E-02
OR12D3	1.56	5.97E-02	0.12	4.52E-01	1.48	6.95E-02
NCR1	1.56	5.98E-02	1.21	1.13E-01	-0.05	5.19E-01
CTR9	1.56	5.98E-02	1.18	1.18E-01	0.58	2.81E-01
TFPT	1.56	5.99E-02	0.90	1.84E-01	0.31	3.77E-01
LMAN2	1.55	6.00E-02	1.43	7.66E-02	-0.20	5.80E-01
AIM1	1.55	6.00E-02	1.98	2.40E-02	-0.66	7.45E-01
C1orf137	1.55	6.01E-02	0.80	2.12E-01	0.34	3.66E-01
FABP9	1.55	6.01E-02	1.39	8.23E-02	1.40	8.12E-02
IMPA1	1.55	6.02E-02	0.77	2.20E-01	1.64	5.02E-02
DDB2	1.55	6.02E-02	0.45	3.28E-01	1.49	6.78E-02
CHUK	1.55	6.03E-02	0.80	2.12E-01	0.84	2.01E-01
WASL	1.55	6.03E-02	2.23	1.28E-02	0.33	3.69E-01
PLXNA4	1.55	6.04E-02	0.51	3.06E-01	-0.76	7.75E-01
CHCHD3	1.55	6.04E-02	1.11	1.33E-01	1.93	2.71E-02
ABTB2	1.55	6.04E-02	1.74	4.09E-02	-1.61	9.46E-01
CYP4A22	1.55	6.05E-02	0.43	3.35E-01	0.96	1.68E-01
HSPD1	1.55	6.05E-02	0.64	2.62E-01	1.25	1.06E-01
SURF2	1.55	6.05E-02	-0.04	5.15E-01	1.52	6.45E-02
NME1	1.55	6.07E-02	1.42	7.72E-02	0.18	4.27E-01
RBAK-RBAKDN	1.55	6.07E-02	0.46	3.23E-01	1.76	3.92E-02
MFNG	1.55	6.07E-02	1.59	5.64E-02	-0.51	6.94E-01
TAS2R31	1.55	6.07E-02	1.77	3.86E-02	0.18	4.30E-01
LYZ	1.55	6.08E-02	0.23	4.11E-01	1.08	1.40E-01
GPX2	1.55	6.08E-02	-0.25	5.99E-01	1.51	6.58E-02
SPTLC1	1.55	6.09E-02	0.82	2.07E-01	0.93	1.76E-01

GAREML	1.55	6.09E-02	2.77	2.81E-03	-0.09	5.35E-01
MAP3K11	1.55	6.10E-02	2.12	1.70E-02	-1.40	9.18E-01
AMN	1.55	6.10E-02	2.05	2.02E-02	0.09	4.63E-01
TTC3	1.55	6.11E-02	0.54	2.93E-01	0.88	1.90E-01
TCF7L2	1.55	6.12E-02	0.41	3.41E-01	0.82	2.07E-01
ARL6IP4	1.55	6.12E-02	0.92	1.79E-01	0.92	1.78E-01
KTN1	1.54	6.12E-02	2.04	2.07E-02	-0.10	5.41E-01
MFSD4	1.54	6.13E-02	0.68	2.47E-01	1.48	6.97E-02
TUB	1.54	6.13E-02	0.71	2.39E-01	1.59	5.62E-02
HIST1H2BC	1.54	6.14E-02	0.50	3.10E-01	0.54	2.95E-01
TRIM29	1.54	6.14E-02	2.03	2.12E-02	0.87	1.92E-01
AQP11	1.54	6.15E-02	1.70	4.48E-02	-0.41	6.61E-01
SAMD7	1.54	6.16E-02	2.03	2.11E-02	0.73	2.34E-01
GCOM1	1.54	6.17E-02	-0.37	6.44E-01	2.05	2.04E-02
CSNK1D	1.54	6.18E-02	1.05	1.47E-01	0.31	3.79E-01
ROR2	1.54	6.19E-02	-0.27	6.08E-01	1.93	2.67E-02
INTS4	1.54	6.22E-02	0.08	4.67E-01	1.86	3.18E-02
SIGLEC6	1.54	6.23E-02	1.80	3.58E-02	-0.46	6.79E-01
WDPCP	1.54	6.23E-02	1.48	6.97E-02	-0.59	7.22E-01
ZNF20	1.53	6.24E-02	0.68	2.47E-01	1.14	1.26E-01
CAP2	1.53	6.24E-02	0.43	3.34E-01	0.96	1.70E-01
FAM69B	1.53	6.25E-02	0.32	3.76E-01	1.57	5.80E-02
ENTPD7	1.53	6.25E-02	1.42	7.74E-02	-0.33	6.29E-01
OR2A14	1.53	6.26E-02	0.49	3.13E-01	1.35	8.81E-02
ADAR	1.53	6.27E-02	1.48	6.97E-02	0.73	2.32E-01
PPIP5K2	1.53	6.27E-02	1.66	4.82E-02	-0.34	6.33E-01
ZDBF2	1.53	6.27E-02	1.48	6.91E-02	-0.12	5.48E-01
GNRH2	1.53	6.28E-02	0.89	1.86E-01	0.36	3.59E-01
ADRA2C	1.53	6.28E-02	1.70	4.49E-02	1.67	4.77E-02
STRA13	1.53	6.28E-02	2.94	1.63E-03	0.28	3.90E-01
TMEM128	1.53	6.28E-02	0.67	2.51E-01	1.37	8.51E-02

ABCB11	1.53	6.29E-02	1.53	6.26E-02	-0.93	8.23E-01
NIPBL	1.53	6.29E-02	0.54	2.96E-01	1.65	4.98E-02
XRCC3	1.53	6.29E-02	0.56	2.89E-01	1.26	1.04E-01
CAMTA1	1.53	6.29E-02	0.26	3.97E-01	0.91	1.83E-01
OR8J3	1.53	6.30E-02	1.25	1.05E-01	0.40	3.46E-01
LRRC25	1.53	6.30E-02	0.25	4.03E-01	1.80	3.60E-02
RP1L1	1.53	6.31E-02	1.89	2.97E-02	0.48	3.15E-01
SPECC1L-ADORA2A	1.53	6.31E-02	0.35	3.62E-01	1.14	1.27E-01
OR4A15	1.53	6.31E-02	0.94	1.73E-01	0.93	1.76E-01
PLA2G2C	1.53	6.32E-02	0.92	1.79E-01	0.32	3.76E-01
PSMD9	1.53	6.34E-02	1.40	8.04E-02	0.07	4.71E-01
STAMBP	1.53	6.34E-02	0.89	1.88E-01	-0.01	5.04E-01
FGFRL1	1.53	6.35E-02	0.37	3.56E-01	1.81	3.55E-02
TMED8	1.53	6.35E-02	-0.03	5.13E-01	0.74	2.30E-01
C2CD2L	1.53	6.35E-02	2.31	1.04E-02	-1.54	9.39E-01
ETV3	1.53	6.35E-02	0.49	3.11E-01	0.94	1.74E-01
MED13L	1.53	6.36E-02	0.73	2.33E-01	1.17	1.22E-01
MAP2K4	1.53	6.36E-02	1.23	1.09E-01	-0.25	6.01E-01
CSF3	1.53	6.36E-02	0.81	2.10E-01	0.27	3.94E-01
MRPS21	1.52	6.37E-02	0.49	3.13E-01	1.23	1.09E-01
PRKCD	1.52	6.37E-02	0.14	4.43E-01	1.99	2.32E-02
CDH22	1.52	6.37E-02	0.71	2.38E-01	0.02	4.94E-01
BARX2	1.52	6.37E-02	1.18	1.19E-01	0.73	2.34E-01
ZNF18	1.52	6.37E-02	1.47	7.08E-02	-0.38	6.49E-01
TACSTD2	1.52	6.38E-02	0.73	2.34E-01	0.62	2.69E-01
DNAJB11	1.52	6.38E-02	-0.16	5.62E-01	1.19	1.18E-01
KLK12	1.52	6.38E-02	0.07	4.74E-01	1.52	6.44E-02
DCTPP1	1.52	6.39E-02	1.05	1.48E-01	0.52	3.01E-01
EFCC1	1.52	6.39E-02	1.12	1.31E-01	0.08	4.68E-01
SF3B4	1.52	6.40E-02	1.12	1.32E-01	0.25	4.03E-01
B3GAT1	1.52	6.40E-02	1.80	3.57E-02	-0.61	7.28E-01

PIH1D1	1.52	6.40E-02	0.51	3.04E-01	0.92	1.80E-01
CYP20A1	1.52	6.42E-02	0.40	3.43E-01	0.87	1.92E-01
INPP5B	1.52	6.42E-02	0.07	4.71E-01	2.03	2.14E-02
AUTS2	1.52	6.42E-02	1.07	1.42E-01	0.61	2.70E-01
DNTTIP1	1.52	6.44E-02	0.72	2.36E-01	0.96	1.69E-01
TMCO3	1.52	6.44E-02	-0.14	5.54E-01	1.41	7.93E-02
HAVCR1	1.52	6.45E-02	-0.19	5.75E-01	1.97	2.42E-02
CCDC78	1.52	6.45E-02	1.59	5.65E-02	-0.44	6.69E-01
PHKG1	1.52	6.45E-02	1.80	3.57E-02	0.94	1.75E-01
OR8K1	1.52	6.46E-02	1.22	1.12E-01	0.13	4.49E-01
EDAR	1.52	6.46E-02	1.19	1.16E-01	0.15	4.39E-01
WNK1	1.52	6.46E-02	0.40	3.44E-01	1.10	1.36E-01
CDK10	1.52	6.46E-02	0.72	2.37E-01	0.87	1.92E-01
SPIC	1.52	6.46E-02	0.60	2.75E-01	1.29	9.90E-02
ADD1	1.52	6.47E-02	0.34	3.67E-01	0.77	2.21E-01
EGR1	1.52	6.48E-02	-0.16	5.64E-01	1.74	4.06E-02
C21orf88	1.52	6.48E-02	1.17	1.22E-01	0.82	2.07E-01
NFAM1	1.52	6.48E-02	1.02	1.54E-01	1.22	1.11E-01
MRPL32	1.51	6.50E-02	1.58	5.65E-02	0.03	4.88E-01
DIRC2	1.51	6.50E-02	1.54	6.14E-02	0.59	2.79E-01
PERP	1.51	6.51E-02	-0.31	6.23E-01	1.52	6.45E-02
CEACAM3	1.51	6.51E-02	1.14	1.28E-01	0.18	4.28E-01
MYZAP	1.51	6.51E-02	-0.39	6.53E-01	2.06	1.97E-02
DISP1	1.51	6.52E-02	0.83	2.02E-01	0.64	2.61E-01
CCDC126	1.51	6.52E-02	1.29	9.91E-02	0.13	4.47E-01
C22orf29	1.51	6.53E-02	1.74	4.13E-02	-0.74	7.70E-01
THAP4	1.51	6.53E-02	2.19	1.44E-02	-0.45	6.75E-01
RRM2B	1.51	6.55E-02	0.16	4.37E-01	1.27	1.01E-01
TROVE2	1.51	6.55E-02	-0.27	6.08E-01	2.44	7.35E-03
RSPO1	1.51	6.55E-02	1.53	6.26E-02	1.70	4.48E-02
MFSD5	1.51	6.56E-02	1.33	9.24E-02	0.22	4.12E-01



C6orf89	1.51	6.56E-02	0.52	3.01E-01	0.47	3.20E-01
PIAS2	1.51	6.56E-02	1.10	1.35E-01	-0.14	5.54E-01
ZNF596	1.51	6.56E-02	1.01	1.57E-01	1.02	1.53E-01
GPR155	1.51	6.57E-02	0.77	2.21E-01	0.25	4.01E-01
PRMT1	1.51	6.57E-02	0.13	4.48E-01	1.01	1.57E-01
TFAP2B	1.51	6.58E-02	1.52	6.46E-02	0.82	2.07E-01
TERF2IP	1.51	6.59E-02	0.90	1.85E-01	1.14	1.28E-01
SDS	1.51	6.59E-02	1.83	3.34E-02	-0.35	6.36E-01
RP11-247C2.2	1.51	6.60E-02	0.69	2.45E-01	1.26	1.03E-01
TAS2R14	1.51	6.61E-02	1.41	7.93E-02	0.80	2.12E-01
TOR3A	1.51	6.61E-02	0.20	4.22E-01	0.85	1.97E-01
MCYP11	1.50	6.63E-02	0.75	2.26E-01	0.45	3.27E-01
IFI35	1.50	6.63E-02	0.56	2.87E-01	0.91	1.81E-01
PTPRQ	1.50	6.64E-02	1.28	1.01E-01	0.05	4.80E-01
LSAMP	1.50	6.64E-02	1.92	2.75E-02	0.38	3.53E-01
UPK1A	1.50	6.65E-02	-0.08	5.32E-01	1.82	3.45E-02
ETNPPL	1.50	6.65E-02	-0.54	7.05E-01	1.67	4.76E-02
MRPL11	1.50	6.66E-02	1.88	2.99E-02	-1.38	9.16E-01
CEP120	1.50	6.66E-02	1.73	4.16E-02	-0.71	7.61E-01
NXPH2	1.50	6.67E-02	1.53	6.28E-02	0.00	5.00E-01
STX4	1.50	6.67E-02	2.04	2.05E-02	-0.58	7.19E-01
PHF21B	1.50	6.67E-02	-0.71	7.62E-01	0.84	1.99E-01
MAP3K7	1.50	6.68E-02	0.48	3.16E-01	0.60	2.74E-01
GJA1	1.50	6.69E-02	0.85	1.98E-01	1.53	6.31E-02
NRG3	1.50	6.69E-02	0.92	1.79E-01	3.12	9.15E-04
TMEM42	1.50	6.71E-02	0.85	1.97E-01	0.58	2.80E-01
ZNF213	1.50	6.71E-02	-0.76	7.76E-01	1.95	2.58E-02
CD200	1.50	6.72E-02	1.28	1.00E-01	-0.25	5.99E-01
NDC1	1.50	6.72E-02	0.97	1.65E-01	0.44	3.30E-01
SLC16A11	1.50	6.72E-02	0.06	4.74E-01	1.53	6.30E-02
EPHX2	1.50	6.72E-02	0.87	1.93E-01	0.40	3.43E-01

HEPHL1	1.50	6.72E-02	2.22	1.33E-02	-1.72	9.57E-01
HOMER2	1.50	6.73E-02	0.99	1.62E-01	1.83	3.36E-02
ROBO2	1.49	6.75E-02	0.96	1.68E-01	-0.07	5.29E-01
NCEH1	1.49	6.76E-02	2.12	1.68E-02	-0.06	5.25E-01
NCAN	1.49	6.76E-02	0.85	1.97E-01	0.87	1.91E-01
IMMP2L	1.49	6.76E-02	1.77	3.85E-02	1.17	1.20E-01
NANOS3	1.49	6.77E-02	-0.19	5.75E-01	1.80	3.58E-02
TRIM8	1.49	6.77E-02	0.93	1.75E-01	1.35	8.91E-02
ZNF322	1.49	6.78E-02	1.56	5.99E-02	0.13	4.48E-01
PREP	1.49	6.78E-02	-1.32	9.07E-01	2.74	3.06E-03
CNTF	1.49	6.78E-02	-0.89	8.14E-01	3.06	1.09E-03
TAF4	1.49	6.78E-02	2.25	1.23E-02	-0.37	6.44E-01
RPL39L	1.49	6.79E-02	0.74	2.29E-01	1.22	1.11E-01
CLASP2	1.49	6.80E-02	-1.01	8.44E-01	2.59	4.86E-03
CASP6	1.49	6.80E-02	1.06	1.45E-01	0.20	4.20E-01
FGFBP2	1.49	6.81E-02	0.50	3.08E-01	1.13	1.29E-01
ZNF548	1.49	6.81E-02	1.37	8.49E-02	-0.19	5.75E-01
PITX1	1.49	6.81E-02	0.43	3.34E-01	1.26	1.03E-01
LSMEM1	1.49	6.81E-02	1.59	5.60E-02	-0.50	6.90E-01
CDKN2AIPNL	1.49	6.82E-02	0.57	2.86E-01	1.28	1.01E-01
PENK	1.49	6.83E-02	1.96	2.51E-02	0.33	3.72E-01
STK40	1.49	6.83E-02	0.25	4.03E-01	1.09	1.38E-01
SPOCD1	1.49	6.83E-02	0.28	3.90E-01	1.28	9.97E-02
ANKRD55	1.49	6.85E-02	1.57	5.78E-02	-0.49	6.87E-01
BTNL8	1.49	6.85E-02	0.35	3.64E-01	0.92	1.79E-01
KAT6A	1.49	6.86E-02	0.36	3.60E-01	0.98	1.64E-01
TULP4	1.49	6.86E-02	2.46	6.88E-03	-0.76	7.75E-01
PROSC	1.49	6.86E-02	0.05	4.79E-01	1.62	5.28E-02
TESPA1	1.49	6.86E-02	-0.64	7.38E-01	2.29	1.10E-02
KLC4	1.48	6.88E-02	0.80	2.11E-01	0.83	2.02E-01
RUFY4	1.48	6.88E-02	2.12	1.71E-02	-0.87	8.08E-01

ASRGL1	1.48	6.89E-02	0.67	2.53E-01	1.78	3.72E-02
PI15	1.48	6.90E-02	1.31	9.48E-02	0.12	4.54E-01
GPFR1	1.48	6.90E-02	-0.52	6.97E-01	2.06	1.97E-02
C5orf66	1.48	6.91E-02	-0.06	5.24E-01	1.64	5.07E-02
STUB1	1.48	6.91E-02	1.14	1.28E-01	0.82	2.06E-01
SMIM3	1.48	6.92E-02	1.76	3.89E-02	0.37	3.57E-01
LRRK2	1.48	6.92E-02	0.61	2.71E-01	0.27	3.94E-01
DCHS1	1.48	6.93E-02	0.76	2.23E-01	0.41	3.40E-01
OR4A16	1.48	6.93E-02	0.48	3.15E-01	1.95	2.53E-02
CHURC1	1.48	6.94E-02	-0.42	6.62E-01	1.42	7.85E-02
HTR4	1.48	6.94E-02	0.64	2.62E-01	0.92	1.80E-01
FRMD6	1.48	6.94E-02	0.29	3.88E-01	0.40	3.46E-01
43166	1.48	6.95E-02	1.23	1.09E-01	0.18	4.28E-01
RAPH1	1.48	6.95E-02	0.53	2.99E-01	0.54	2.95E-01
LCE1F	1.48	6.95E-02	-0.09	5.34E-01	1.31	9.48E-02
SLC13A2	1.48	6.96E-02	-0.48	6.84E-01	1.45	7.37E-02
PRSS3	1.48	6.96E-02	0.70	2.42E-01	-0.08	5.31E-01
NT5DC2	1.48	6.97E-02	1.01	1.57E-01	0.40	3.43E-01
UQCRFS1	1.48	6.97E-02	1.95	2.59E-02	0.58	2.80E-01
ARIH1	1.48	6.97E-02	1.05	1.47E-01	0.52	3.01E-01
DNASE2	1.48	6.97E-02	0.90	1.85E-01	0.16	4.37E-01
KIFC3	1.48	6.97E-02	0.90	1.83E-01	-0.78	7.82E-01
ZNF135	1.48	6.98E-02	0.26	3.99E-01	0.86	1.96E-01
TFCP2	1.48	6.98E-02	2.02	2.16E-02	0.56	2.89E-01
BMP3	1.48	6.99E-02	0.34	3.68E-01	0.97	1.65E-01
EDEM3	1.48	6.99E-02	0.28	3.90E-01	0.75	2.25E-01
RNF4	1.48	7.00E-02	-0.24	5.95E-01	1.11	1.34E-01
OR4C16	1.48	7.00E-02	1.27	1.02E-01	0.83	2.02E-01
GLI1	1.48	7.00E-02	0.72	2.34E-01	0.53	2.97E-01
CDHR2	1.48	7.01E-02	1.04	1.48E-01	0.26	3.99E-01
PSMA2	1.47	7.02E-02	1.14	1.27E-01	0.39	3.50E-01

FAM175A	1.47	7.04E-02	0.12	4.54E-01	1.47	7.11E-02
SF3A3	1.47	7.04E-02	0.90	1.85E-01	1.19	1.18E-01
SLFN13	1.47	7.05E-02	1.25	1.06E-01	-0.12	5.49E-01
ZNF471	1.47	7.05E-02	0.31	3.77E-01	0.54	2.96E-01
UBD	1.47	7.05E-02	0.55	2.92E-01	0.82	2.06E-01
WFDC10B	1.47	7.06E-02	0.81	2.09E-01	0.31	3.79E-01
WFDC6	1.47	7.07E-02	0.35	3.63E-01	0.62	2.68E-01
AGAP1	1.47	7.08E-02	0.19	4.23E-01	3.67	1.23E-04
MYBPHL	1.47	7.08E-02	-1.12	8.69E-01	3.07	1.07E-03
OAT	1.47	7.08E-02	0.39	3.49E-01	1.53	6.24E-02
SS18L2	1.47	7.08E-02	0.75	2.28E-01	0.33	3.71E-01
ACTG2	1.47	7.08E-02	1.20	1.14E-01	-0.06	5.24E-01
ODF2	1.47	7.08E-02	0.78	2.18E-01	0.60	2.73E-01
UCHL5	1.47	7.09E-02	-0.36	6.42E-01	2.31	1.05E-02
TRMT2A	1.47	7.10E-02	0.43	3.35E-01	1.93	2.68E-02
PRODH2	1.47	7.12E-02	-0.04	5.16E-01	1.04	1.49E-01
NKD2	1.47	7.12E-02	-0.49	6.89E-01	3.12	8.97E-04
TRIM48	1.47	7.12E-02	1.44	7.56E-02	-0.24	5.93E-01
MPC1	1.47	7.14E-02	0.90	1.83E-01	0.93	1.76E-01
TMEM161B	1.47	7.14E-02	0.41	3.39E-01	0.56	2.89E-01
TIGIT	1.47	7.14E-02	1.12	1.31E-01	0.75	2.27E-01
NT5C1A	1.47	7.15E-02	1.86	3.17E-02	0.80	2.11E-01
NAA60	1.46	7.15E-02	1.02	1.53E-01	1.23	1.09E-01
RBM7	1.46	7.15E-02	0.41	3.40E-01	0.33	3.70E-01
PMPCA	1.46	7.16E-02	0.50	3.08E-01	0.30	3.83E-01
PNMA1	1.46	7.18E-02	1.88	3.00E-02	0.93	1.77E-01
PAX4	1.46	7.18E-02	1.07	1.43E-01	0.25	4.02E-01
ANKRD6	1.46	7.18E-02	0.27	3.95E-01	0.86	1.95E-01
SEC24B	1.46	7.18E-02	0.97	1.65E-01	0.26	3.98E-01
MRPL44	1.46	7.20E-02	1.00	1.58E-01	0.65	2.59E-01
CARD9	1.46	7.21E-02	1.25	1.05E-01	-0.56	7.12E-01

ORC1	1.46	7.21E-02	0.95	1.70E-01	0.98	1.63E-01
ALS2	1.46	7.22E-02	0.82	2.07E-01	-0.05	5.19E-01
HMHA1	1.46	7.23E-02	0.17	4.32E-01	0.55	2.91E-01
SDSL	1.46	7.23E-02	1.88	2.99E-02	-0.51	6.96E-01
PYGM	1.46	7.23E-02	0.09	4.66E-01	1.57	5.85E-02
PSMA2	1.46	7.24E-02	1.32	9.40E-02	0.33	3.70E-01
VSTM4	1.46	7.24E-02	-0.11	5.42E-01	1.02	1.55E-01
C17orf78	1.46	7.25E-02	1.70	4.42E-02	-0.47	6.82E-01
HP1BP3	1.45	7.30E-02	0.52	3.03E-01	0.90	1.83E-01
FANCL	1.45	7.30E-02	-0.50	6.90E-01	1.44	7.46E-02
CCR6	1.45	7.30E-02	0.48	3.15E-01	3.33	4.37E-04
FOXJ3	1.45	7.31E-02	-0.14	5.57E-01	1.53	6.27E-02
SULT2B1	1.45	7.31E-02	1.34	9.04E-02	1.01	1.57E-01
CD3E	1.45	7.32E-02	-0.24	5.94E-01	1.92	2.76E-02
ABCC10	1.45	7.32E-02	1.78	3.73E-02	0.43	3.33E-01
CCL8	1.45	7.32E-02	-0.46	6.79E-01	1.98	2.40E-02
INSL5	1.45	7.32E-02	0.63	2.66E-01	0.72	2.36E-01
PTPLB	1.45	7.32E-02	1.40	8.09E-02	-0.21	5.81E-01
ZNF829	1.45	7.32E-02	0.41	3.42E-01	0.93	1.76E-01
SLC22A1	1.45	7.33E-02	2.48	6.54E-03	0.56	2.89E-01
MTRNR2L7	1.45	7.33E-02	0.90	1.85E-01	0.26	3.96E-01
TRAPPC11	1.45	7.33E-02	1.63	5.15E-02	-0.49	6.87E-01
MAP1LC3C	1.45	7.33E-02	1.20	1.14E-01	0.61	2.70E-01
ZNF668	1.45	7.34E-02	1.40	8.11E-02	0.17	4.32E-01
ELTD1	1.45	7.34E-02	1.55	6.06E-02	1.62	5.26E-02
HBE1	1.45	7.35E-02	1.05	1.47E-01	-0.31	6.23E-01
EMR3	1.45	7.35E-02	-0.15	5.61E-01	1.95	2.54E-02
CCDC135	1.45	7.36E-02	0.71	2.40E-01	0.27	3.95E-01
SMU1	1.45	7.36E-02	1.26	1.04E-01	-0.38	6.47E-01
ABCA9	1.45	7.38E-02	1.73	4.19E-02	-1.27	8.98E-01
ZNF844	1.45	7.38E-02	0.95	1.70E-01	0.44	3.31E-01

DSCR3	1.45	7.38E-02	1.14	1.27E-01	1.01	1.55E-01
REXO4	1.45	7.38E-02	0.08	4.68E-01	1.19	1.17E-01
AQR	1.45	7.38E-02	2.52	5.94E-03	-1.00	8.42E-01
ALCAM	1.45	7.38E-02	-0.20	5.79E-01	2.07	1.93E-02
DPP9	1.45	7.39E-02	1.65	4.92E-02	-0.51	6.96E-01
OR2J1	1.45	7.39E-02	1.71	4.38E-02	0.43	3.35E-01
ZC3H14	1.45	7.39E-02	0.60	2.74E-01	1.38	8.41E-02
ZMYM4	1.45	7.40E-02	0.39	3.49E-01	0.65	2.58E-01
RFPL3S	1.45	7.41E-02	0.85	1.97E-01	0.59	2.78E-01
LCN6	1.45	7.42E-02	0.51	3.07E-01	0.96	1.69E-01
AMIGO1	1.44	7.42E-02	0.34	3.67E-01	2.17	1.50E-02
COL6A5	1.44	7.43E-02	-0.41	6.60E-01	1.41	7.94E-02
MAP4K2	1.44	7.43E-02	0.63	2.65E-01	0.97	1.65E-01
RNF11	1.44	7.44E-02	1.03	1.53E-01	0.38	3.53E-01
TRMT1L	1.44	7.44E-02	-0.12	5.48E-01	1.61	5.36E-02
KLRG2	1.44	7.45E-02	1.33	9.25E-02	1.18	1.19E-01
COG4	1.44	7.47E-02	2.48	6.52E-03	-0.59	7.23E-01
FAM178B	1.44	7.47E-02	1.05	1.47E-01	0.27	3.94E-01
IGFN1	1.44	7.47E-02	0.62	2.69E-01	0.53	2.99E-01
SLC50A1	1.44	7.47E-02	0.74	2.30E-01	0.14	4.43E-01
SPECC1L	1.44	7.48E-02	0.37	3.54E-01	1.01	1.57E-01
PRSS21	1.44	7.48E-02	0.92	1.78E-01	0.25	4.01E-01
COX15	1.44	7.49E-02	1.20	1.15E-01	-0.48	6.84E-01
CH25H	1.44	7.49E-02	1.10	1.35E-01	0.02	4.90E-01
GLRX2	1.44	7.49E-02	-0.05	5.19E-01	2.34	9.58E-03
MRPS17	1.44	7.50E-02	2.13	1.67E-02	-0.43	6.68E-01
RAB1B	1.44	7.51E-02	1.28	1.01E-01	0.09	4.63E-01
COG2	1.44	7.52E-02	0.82	2.07E-01	0.47	3.18E-01
RP11-758M4.1	1.44	7.52E-02	1.77	3.86E-02	0.19	4.24E-01
SOCS5	1.44	7.52E-02	0.47	3.18E-01	1.38	8.38E-02
DICER1	1.44	7.53E-02	1.96	2.51E-02	-0.81	7.91E-01

BRSK2	1.44	7.53E-02	0.91	1.81E-01	1.17	1.21E-01
ANO3	1.44	7.53E-02	0.53	2.98E-01	0.12	4.52E-01
EXTL2	1.44	7.55E-02	1.20	1.16E-01	-0.48	6.85E-01
DBNL	1.44	7.55E-02	1.37	8.55E-02	-0.34	6.32E-01
PCBP1	1.44	7.56E-02	1.65	4.92E-02	-0.20	5.79E-01
LINC01101	1.44	7.56E-02	0.95	1.70E-01	0.47	3.21E-01
KPRP	1.44	7.56E-02	-0.17	5.66E-01	1.46	7.21E-02
RAB15	1.44	7.56E-02	-0.14	5.56E-01	1.25	1.05E-01
C1orf111	1.44	7.56E-02	0.00	5.01E-01	1.02	1.54E-01
TRH	1.44	7.57E-02	-0.19	5.77E-01	1.31	9.46E-02
C15orf59	1.43	7.57E-02	0.40	3.43E-01	0.62	2.68E-01
BBS5	1.43	7.58E-02	0.07	4.73E-01	0.70	2.41E-01
SLC39A12	1.43	7.59E-02	0.03	4.89E-01	0.75	2.26E-01
RETNLB	1.43	7.59E-02	0.54	2.95E-01	1.03	1.50E-01
ZNF787	1.43	7.61E-02	1.77	3.87E-02	-1.30	9.04E-01
METTL4	1.43	7.63E-02	-0.04	5.14E-01	1.11	1.33E-01
PITPNM2	1.43	7.63E-02	0.48	3.14E-01	0.88	1.91E-01
STRAP	1.43	7.63E-02	-1.07	8.57E-01	2.00	2.29E-02
MYO18A	1.43	7.63E-02	-0.51	6.94E-01	2.37	8.87E-03
TRAF3IP2	1.43	7.63E-02	0.79	2.15E-01	0.08	4.68E-01
TBC1D14	1.43	7.64E-02	1.31	9.44E-02	-0.84	8.00E-01
ZNF623	1.43	7.64E-02	1.34	8.97E-02	-0.51	6.95E-01
ADAM28	1.43	7.65E-02	1.24	1.08E-01	-0.14	5.55E-01
DNM1	1.43	7.65E-02	1.73	4.14E-02	0.64	2.60E-01
OPALIN	1.43	7.66E-02	1.08	1.40E-01	0.08	4.68E-01
RP11-382J12.1	1.43	7.67E-02	2.43	7.65E-03	-1.13	8.71E-01
FAM167A	1.43	7.67E-02	0.70	2.41E-01	0.62	2.67E-01
MYO18B	1.43	7.67E-02	1.24	1.08E-01	-0.55	7.08E-01
MAPKAPK2	1.43	7.68E-02	2.23	1.28E-02	-1.38	9.16E-01
ENHO	1.43	7.68E-02	-0.26	6.04E-01	1.86	3.14E-02
TMEM177	1.43	7.68E-02	-0.42	6.62E-01	1.70	4.43E-02

DBF4B	1.43	7.70E-02	1.80	3.59E-02	0.60	2.75E-01
MAFB	1.43	7.70E-02	1.00	1.58E-01	0.79	2.15E-01
C11orf35	1.43	7.70E-02	-0.11	5.43E-01	2.40	8.26E-03
KLK15	1.43	7.71E-02	-0.28	6.10E-01	1.94	2.59E-02
ACADL	1.42	7.71E-02	1.91	2.82E-02	-0.83	7.96E-01
CAST	1.42	7.73E-02	0.97	1.67E-01	1.14	1.28E-01
APOC2	1.42	7.73E-02	0.01	4.96E-01	1.12	1.32E-01
PKMYT1	1.42	7.73E-02	0.68	2.49E-01	1.13	1.30E-01
CLEC11A	1.42	7.74E-02	-0.71	7.60E-01	2.07	1.91E-02
RAB5B	1.42	7.74E-02	1.46	7.28E-02	1.90	2.84E-02
CCDC130	1.42	7.74E-02	2.25	1.22E-02	-0.83	7.96E-01
PBK	1.42	7.74E-02	1.96	2.48E-02	-1.50	9.33E-01
NSMCE4A	1.42	7.75E-02	0.10	4.61E-01	2.09	1.84E-02
PEBP4	1.42	7.75E-02	0.65	2.59E-01	0.70	2.41E-01
C10orf53	1.42	7.76E-02	1.05	1.47E-01	0.05	4.82E-01
BTBD19	1.42	7.76E-02	2.36	9.06E-03	-1.07	8.59E-01
TIPRL	1.42	7.77E-02	0.98	1.63E-01	0.39	3.47E-01
SRI	1.42	7.77E-02	0.98	1.64E-01	0.16	4.38E-01
PLBD2	1.42	7.77E-02	1.98	2.40E-02	-0.69	7.55E-01
SPG11	1.42	7.78E-02	0.35	3.64E-01	0.54	2.96E-01
GNGT2	1.42	7.78E-02	-1.54	9.38E-01	2.67	3.81E-03
PCP4	1.42	7.80E-02	0.58	2.83E-01	1.32	9.35E-02
CPA6	1.42	7.80E-02	-0.35	6.37E-01	1.90	2.85E-02
MEX3D	1.42	7.81E-02	0.95	1.70E-01	0.67	2.52E-01
RPH3AL	1.42	7.81E-02	1.62	5.29E-02	-0.45	6.74E-01
SECISBP2L	1.42	7.81E-02	-0.34	6.35E-01	1.79	3.65E-02
SLC30A5	1.42	7.83E-02	1.25	1.05E-01	0.07	4.72E-01
EXTL3	1.42	7.83E-02	-0.70	7.59E-01	1.67	4.75E-02
KCNJ3	1.42	7.84E-02	1.88	3.02E-02	-0.60	7.26E-01
GABRB3	1.42	7.84E-02	2.75	2.98E-03	-0.66	7.46E-01
FURIN	1.42	7.84E-02	1.46	7.25E-02	0.09	4.64E-01



CIR1	1.42	7.84E-02	0.89	1.88E-01	-0.02	5.06E-01
ZBTB20	1.42	7.85E-02	1.48	6.93E-02	1.04	1.48E-01
TADA1	1.42	7.85E-02	0.91	1.82E-01	0.39	3.47E-01
SOCS4	1.41	7.86E-02	0.01	4.97E-01	1.88	3.03E-02
MRPS23	1.41	7.86E-02	1.36	8.77E-02	0.00	5.02E-01
LBR	1.41	7.87E-02	0.42	3.38E-01	0.64	2.61E-01
SMIM7	1.41	7.87E-02	0.24	4.04E-01	0.64	2.60E-01
SCAF8	1.41	7.88E-02	0.32	3.76E-01	1.99	2.32E-02
KCNA6	1.41	7.88E-02	1.00	1.59E-01	0.32	3.73E-01
ATG13	1.41	7.89E-02	-0.18	5.71E-01	1.83	3.38E-02
C14orf80	1.41	7.89E-02	1.66	4.88E-02	0.05	4.79E-01
OSBPL7	1.41	7.89E-02	0.23	4.08E-01	1.04	1.48E-01
LCE1E	1.41	7.89E-02	0.72	2.37E-01	0.80	2.13E-01
OR6N2	1.41	7.90E-02	-0.11	5.44E-01	1.51	6.54E-02
ZNF575	1.41	7.90E-02	1.41	8.00E-02	0.27	3.95E-01
GATA2	1.41	7.92E-02	1.05	1.48E-01	1.19	1.16E-01
PSMB11	1.41	7.93E-02	0.09	4.64E-01	1.08	1.40E-01
MICU3	1.41	7.93E-02	1.53	6.28E-02	0.61	2.72E-01
OR5B17	1.41	7.94E-02	1.38	8.44E-02	0.23	4.11E-01
C12orf73	1.41	7.95E-02	0.34	3.68E-01	0.66	2.54E-01
BLOC1S3	1.41	7.95E-02	-0.58	7.20E-01	1.90	2.87E-02
PPP6R2	1.41	7.95E-02	0.54	2.95E-01	0.67	2.51E-01
FAM49A	1.41	7.95E-02	1.25	1.06E-01	1.49	6.76E-02
ZFYVE16	1.41	7.95E-02	0.52	3.02E-01	0.59	2.79E-01
ABCG4	1.41	7.96E-02	1.86	3.16E-02	-0.66	7.47E-01
GDF9	1.41	7.96E-02	1.21	1.12E-01	0.00	4.99E-01
TIGD7	1.41	7.97E-02	1.01	1.57E-01	0.11	4.55E-01
CA13	1.41	7.97E-02	0.02	4.94E-01	1.23	1.09E-01
NRG2	1.41	7.97E-02	0.45	3.25E-01	0.40	3.46E-01
TRAPPC9	1.41	7.97E-02	1.71	4.40E-02	-1.01	8.44E-01
LNPEP	1.41	7.99E-02	0.30	3.83E-01	1.08	1.39E-01

SLK	1.41	7.99E-02	1.18	1.19E-01	0.08	4.68E-01
C1orf162	1.40	8.00E-02	0.15	4.40E-01	1.03	1.51E-01
DAGLA	1.40	8.01E-02	1.32	9.32E-02	-0.96	8.31E-01
KDM4C	1.40	8.01E-02	1.33	9.11E-02	0.89	1.87E-01
UBXN1	1.40	8.02E-02	1.89	2.91E-02	-1.48	9.30E-01
PRUNE2	1.40	8.02E-02	0.44	3.29E-01	2.39	8.34E-03
NARG2	1.40	8.02E-02	1.78	3.78E-02	-0.80	7.87E-01
KIAA1919	1.40	8.02E-02	1.20	1.15E-01	0.35	3.65E-01
ATP5L	1.40	8.03E-02	0.89	1.86E-01	0.14	4.46E-01
FES	1.40	8.03E-02	1.01	1.57E-01	-0.14	5.56E-01
HSD11B1L	1.40	8.03E-02	0.26	3.99E-01	1.61	5.41E-02
RNASEH2C	1.40	8.03E-02	1.31	9.54E-02	-0.60	7.24E-01
EFEMP2	1.40	8.03E-02	1.38	8.37E-02	-0.25	6.00E-01
ZBTB4	1.40	8.04E-02	0.19	4.24E-01	0.66	2.56E-01
NUBPL	1.40	8.05E-02	0.18	4.30E-01	2.41	7.99E-03
ZNF184	1.40	8.05E-02	1.67	4.72E-02	1.01	1.57E-01
LINS	1.40	8.05E-02	0.23	4.09E-01	0.53	2.98E-01
OR1M1	1.40	8.06E-02	0.16	4.38E-01	0.95	1.70E-01
NKAIN1	1.40	8.06E-02	1.01	1.56E-01	0.21	4.17E-01
JAG2	1.40	8.06E-02	-0.23	5.92E-01	1.57	5.81E-02
BTN3A1	1.40	8.07E-02	1.02	1.53E-01	0.30	3.81E-01
C3orf62	1.40	8.07E-02	-0.71	7.61E-01	2.58	4.91E-03
TRAPPC6A	1.40	8.07E-02	-0.41	6.59E-01	1.92	2.75E-02
PAH	1.40	8.07E-02	1.13	1.29E-01	1.94	2.60E-02
PHF21A	1.40	8.08E-02	1.73	4.22E-02	1.57	5.78E-02
HIAT1	1.40	8.09E-02	1.32	9.38E-02	-0.86	8.04E-01
EFTUD2	1.40	8.09E-02	2.16	1.53E-02	-0.01	5.05E-01
CCDC102A	1.40	8.09E-02	-0.08	5.33E-01	1.36	8.67E-02
SLC25A12	1.40	8.10E-02	1.28	1.00E-01	-0.26	6.01E-01
C21orf62	1.40	8.11E-02	0.42	3.38E-01	0.78	2.18E-01
JAK1	1.40	8.11E-02	-0.17	5.69E-01	1.53	6.27E-02

IGFBP2	1.40	8.12E-02	1.83	3.35E-02	-0.95	8.29E-01
FAM184B	1.40	8.12E-02	0.97	1.66E-01	0.14	4.44E-01
STK33	1.40	8.12E-02	1.41	7.98E-02	-0.96	8.32E-01
ENDOD1	1.40	8.13E-02	1.56	5.89E-02	-0.52	6.97E-01
CC2D2A	1.40	8.13E-02	1.87	3.10E-02	-0.94	8.25E-01
LRRC32	1.40	8.13E-02	-1.45	9.26E-01	3.06	1.10E-03
TRUB2	1.40	8.13E-02	1.57	5.84E-02	0.59	2.78E-01
PIIP5K1	1.40	8.13E-02	1.71	4.33E-02	0.05	4.80E-01
MOSPD3	1.40	8.13E-02	0.91	1.82E-01	0.69	2.45E-01
GLE1	1.40	8.14E-02	0.77	2.22E-01	0.64	2.62E-01
HSP90B1	1.40	8.15E-02	0.07	4.74E-01	0.44	3.30E-01
CD47	1.40	8.15E-02	0.87	1.93E-01	-0.30	6.19E-01
MCHR2	1.40	8.15E-02	0.77	2.20E-01	0.53	2.99E-01
SPINK5	1.39	8.15E-02	0.45	3.27E-01	1.16	1.24E-01
ENTPD1	1.39	8.16E-02	-0.46	6.76E-01	2.33	9.93E-03
CCRL2	1.39	8.16E-02	1.33	9.22E-02	0.91	1.82E-01
SLC35F2	1.39	8.17E-02	1.75	4.01E-02	-0.05	5.19E-01
LYRM2	1.39	8.17E-02	-0.06	5.25E-01	0.91	1.81E-01
LIPF	1.39	8.17E-02	0.39	3.49E-01	1.06	1.45E-01
SLC17A1	1.39	8.18E-02	1.20	1.16E-01	-0.52	6.99E-01
C3orf30	1.39	8.19E-02	0.57	2.84E-01	1.09	1.38E-01
TCAP	1.39	8.20E-02	0.66	2.54E-01	1.24	1.08E-01
SH2D4B	1.39	8.20E-02	0.25	4.00E-01	0.09	4.66E-01
TPSAB1	1.39	8.21E-02	2.36	9.22E-03	-0.64	7.40E-01
BLVRB	1.39	8.21E-02	1.23	1.09E-01	0.24	4.07E-01
FOCAD	1.39	8.22E-02	0.39	3.48E-01	0.09	4.62E-01
C2orf16	1.39	8.22E-02	-0.33	6.29E-01	1.63	5.17E-02
INSR	1.39	8.22E-02	0.29	3.86E-01	0.27	3.93E-01
EHBP1L1	1.39	8.22E-02	1.23	1.10E-01	-0.25	5.99E-01
C19orf57	1.39	8.23E-02	-0.23	5.93E-01	1.73	4.19E-02
SLC6A15	1.39	8.23E-02	0.89	1.88E-01	1.12	1.32E-01

EMB	1.39	8.23E-02	-0.68	7.51E-01	2.28	1.13E-02
TAAR2	1.39	8.24E-02	2.55	5.40E-03	0.18	4.30E-01
STARD4	1.39	8.24E-02	1.40	8.06E-02	-0.20	5.79E-01
MYSM1	1.39	8.25E-02	1.06	1.44E-01	1.21	1.14E-01
GJA10	1.39	8.26E-02	-0.21	5.84E-01	1.52	6.45E-02
ZNF713	1.39	8.26E-02	2.02	2.15E-02	-0.46	6.77E-01
IDO1	1.39	8.26E-02	1.09	1.37E-01	-0.08	5.32E-01
SPTLC2	1.39	8.26E-02	1.18	1.20E-01	-0.09	5.35E-01
TFAP2C	1.39	8.26E-02	0.79	2.15E-01	-0.17	5.66E-01
GPR111	1.39	8.27E-02	1.57	5.81E-02	-0.94	8.27E-01
C1orf210	1.39	8.28E-02	0.81	2.08E-01	0.42	3.39E-01
ZNF781	1.39	8.28E-02	0.95	1.70E-01	-0.15	5.59E-01
HORMAD2	1.39	8.29E-02	-0.88	8.10E-01	1.94	2.64E-02
SCP2D1	1.39	8.29E-02	1.35	8.79E-02	0.08	4.68E-01
GFY	1.38	8.31E-02	1.84	3.29E-02	-0.44	6.70E-01
NANOS1	1.38	8.31E-02	0.68	2.47E-01	0.69	2.44E-01
NXPH3	1.38	8.32E-02	1.27	1.02E-01	-0.33	6.27E-01
MC4R	1.38	8.33E-02	0.72	2.37E-01	0.84	2.00E-01
FAN1	1.38	8.33E-02	0.22	4.14E-01	0.55	2.93E-01
ECE1	1.38	8.35E-02	0.78	2.19E-01	0.00	5.02E-01
SYNJ1	1.38	8.35E-02	-0.42	6.62E-01	1.29	9.81E-02
CTDSP1	1.38	8.35E-02	-0.49	6.89E-01	1.67	4.70E-02
SLC25A42	1.38	8.36E-02	1.06	1.45E-01	-0.28	6.09E-01
C11orf73	1.38	8.36E-02	2.83	2.35E-03	-0.26	6.01E-01
RNF169	1.38	8.36E-02	-0.21	5.83E-01	1.66	4.89E-02
MRPS17	1.38	8.36E-02	1.75	4.01E-02	0.01	4.97E-01
POC5	1.38	8.37E-02	0.77	2.22E-01	1.32	9.41E-02
CUL9	1.38	8.37E-02	-0.19	5.75E-01	2.00	2.30E-02
PEAR1	1.38	8.38E-02	-0.90	8.16E-01	2.32	1.01E-02
FAP	1.38	8.38E-02	1.42	7.81E-02	-0.03	5.13E-01
GPA33	1.38	8.39E-02	1.66	4.83E-02	0.52	3.03E-01

C7orf25	1.38	8.39E-02	1.71	4.36E-02	0.01	4.94E-01
SLC25A46	1.38	8.40E-02	-0.95	8.28E-01	2.67	3.75E-03
TMEM212	1.38	8.40E-02	0.94	1.73E-01	-0.09	5.36E-01
UBE4A	1.38	8.40E-02	0.83	2.03E-01	0.17	4.31E-01
FKBP11	1.38	8.40E-02	-0.02	5.10E-01	1.24	1.08E-01
NF2	1.38	8.41E-02	-0.53	7.03E-01	1.77	3.80E-02
LGI3	1.38	8.41E-02	0.13	4.50E-01	1.51	6.54E-02
HCRTR2	1.38	8.41E-02	1.58	5.70E-02	0.20	4.21E-01
ABCA8	1.38	8.41E-02	1.15	1.26E-01	-0.20	5.78E-01
ISYNA1	1.38	8.43E-02	-0.08	5.33E-01	1.54	6.21E-02
PRKCG	1.38	8.43E-02	0.94	1.73E-01	0.24	4.05E-01
CC2D1A	1.38	8.43E-02	-0.18	5.73E-01	1.44	7.49E-02
CCL24	1.38	8.44E-02	1.27	1.01E-01	-0.73	7.67E-01
TCTB	1.38	8.44E-02	1.89	2.92E-02	-0.84	8.01E-01
TMEM252	1.38	8.44E-02	0.73	2.32E-01	0.55	2.92E-01
AC010536.1	1.38	8.45E-02	1.35	8.80E-02	-0.09	5.34E-01
ELK3	1.38	8.46E-02	1.47	7.11E-02	0.52	3.03E-01
C2CD4A	1.37	8.46E-02	0.01	4.96E-01	1.26	1.05E-01
VWA3B	1.37	8.47E-02	0.29	3.86E-01	0.13	4.50E-01
RNMTL1	1.37	8.50E-02	1.20	1.15E-01	0.18	4.28E-01
BTBD1	1.37	8.50E-02	-1.62	9.48E-01	3.17	7.62E-04
SHC4	1.37	8.50E-02	0.65	2.59E-01	0.66	2.54E-01
PHLDB3	1.37	8.51E-02	1.16	1.24E-01	0.34	3.68E-01
VAMP3	1.37	8.51E-02	0.73	2.31E-01	0.64	2.62E-01
HHLA2	1.37	8.51E-02	1.74	4.08E-02	0.10	4.61E-01
TAS1R3	1.37	8.52E-02	1.17	1.21E-01	0.14	4.44E-01
LAMA2	1.37	8.52E-02	1.47	7.12E-02	-1.06	8.55E-01
TMEM71	1.37	8.52E-02	0.32	3.74E-01	1.23	1.10E-01
FMO4	1.37	8.53E-02	0.13	4.49E-01	1.41	7.91E-02
EIF5A11	1.37	8.54E-02	-0.30	6.20E-01	1.97	2.41E-02
ATP6C	1.37	8.54E-02	0.80	2.11E-01	0.73	2.33E-01

TCERG1L	1.37	8.54E-02	-0.09	5.35E-01	0.55	2.90E-01
PTPN11	1.37	8.55E-02	-0.17	5.68E-01	1.37	8.59E-02
MIOS	1.37	8.55E-02	1.83	3.37E-02	-0.34	6.35E-01
CCDC109B	1.37	8.56E-02	1.47	7.08E-02	-1.03	8.48E-01
MMP7	1.37	8.56E-02	-1.27	8.97E-01	2.30	1.07E-02
ACBD6	1.37	8.56E-02	-0.19	5.76E-01	2.72	3.29E-03
AGBL2	1.37	8.57E-02	2.11	1.73E-02	-0.63	7.35E-01
ZKSCAN8	1.37	8.57E-02	0.53	2.99E-01	0.44	3.29E-01
PTPN4	1.37	8.58E-02	0.21	4.15E-01	0.62	2.69E-01
THEM6	1.37	8.58E-02	-0.49	6.89E-01	1.57	5.84E-02
C10orf90	1.37	8.59E-02	1.01	1.56E-01	1.43	7.70E-02
RCL1	1.37	8.61E-02	2.19	1.44E-02	0.17	4.32E-01
NKG7	1.37	8.61E-02	0.79	2.15E-01	0.68	2.50E-01
ARHGAP40	1.36	8.62E-02	1.48	6.95E-02	-0.29	6.15E-01
SLC17A5	1.36	8.62E-02	1.51	6.52E-02	-0.73	7.67E-01
RPS10-NUDT3	1.36	8.62E-02	0.66	2.55E-01	0.84	2.00E-01
ACTL8	1.36	8.62E-02	0.22	4.13E-01	0.78	2.19E-01
ACTG1	1.36	8.62E-02	0.90	1.84E-01	-0.09	5.36E-01
GPR115	1.36	8.63E-02	1.52	6.41E-02	-1.10	8.65E-01
TBR1	1.36	8.63E-02	1.04	1.48E-01	0.32	3.76E-01
SHBG	1.36	8.64E-02	2.20	1.38E-02	0.65	2.58E-01
DIS3L2	1.36	8.65E-02	0.76	2.24E-01	0.91	1.83E-01
ZNF470	1.36	8.66E-02	1.67	4.73E-02	-1.14	8.72E-01
WDR52	1.36	8.66E-02	1.44	7.47E-02	-1.56	9.41E-01
CLIC5	1.36	8.67E-02	2.09	1.84E-02	0.49	3.14E-01
SYCP1	1.36	8.67E-02	0.14	4.44E-01	0.61	2.72E-01
ZSCAN9	1.36	8.69E-02	0.68	2.47E-01	0.12	4.53E-01
SPAST	1.36	8.69E-02	-0.56	7.14E-01	1.67	4.78E-02
PSAP	1.36	8.70E-02	2.51	6.10E-03	-1.58	9.43E-01
FXYD2	1.36	8.70E-02	-0.40	6.57E-01	1.08	1.40E-01
GIGYF1	1.36	8.72E-02	0.67	2.52E-01	0.86	1.95E-01

ASIC3	1.36	8.72E-02	0.83	2.03E-01	0.20	4.22E-01
ADCK3	1.36	8.72E-02	0.44	3.29E-01	1.71	4.39E-02
SLC35G6	1.36	8.72E-02	-0.43	6.65E-01	1.04	1.49E-01
EOGT	1.36	8.73E-02	0.08	4.68E-01	0.27	3.92E-01
TOM1L2	1.36	8.73E-02	2.04	2.07E-02	-1.22	8.88E-01
MAEA	1.36	8.74E-02	1.17	1.22E-01	2.54	5.48E-03
MPLKIP	1.36	8.74E-02	1.14	1.27E-01	-0.02	5.06E-01
AGAP3	1.36	8.75E-02	0.96	1.70E-01	-0.53	7.01E-01
HFM1	1.36	8.76E-02	0.50	3.08E-01	0.54	2.96E-01
GPR89B	1.36	8.76E-02	0.83	2.03E-01	0.63	2.64E-01
BBC3	1.35	8.77E-02	1.51	6.60E-02	-0.42	6.63E-01
NME8	1.35	8.77E-02	0.50	3.08E-01	0.80	2.13E-01
MTF2	1.35	8.78E-02	0.70	2.42E-01	1.38	8.35E-02
CERCAM	1.35	8.80E-02	0.54	2.95E-01	0.69	2.45E-01
OR5B12	1.35	8.80E-02	0.38	3.52E-01	1.15	1.24E-01
SLC16A12	1.35	8.80E-02	1.40	8.10E-02	-0.78	7.83E-01
EML2	1.35	8.80E-02	1.04	1.50E-01	-0.18	5.72E-01
OR10A2	1.35	8.81E-02	1.83	3.33E-02	-0.33	6.29E-01
C12orf42	1.35	8.81E-02	0.49	3.11E-01	0.23	4.11E-01
RPS3A	1.35	8.81E-02	0.83	2.02E-01	0.67	2.51E-01
C9orf84	1.35	8.81E-02	0.73	2.33E-01	0.97	1.66E-01
PTCH1	1.35	8.81E-02	-0.02	5.08E-01	0.92	1.79E-01
SPINK1	1.35	8.83E-02	1.43	7.57E-02	-0.42	6.61E-01
MPV17L2	1.35	8.84E-02	2.21	1.36E-02	-0.71	7.62E-01
PARVA	1.35	8.84E-02	-0.86	8.05E-01	1.84	3.29E-02
HNRNPA2B1	1.35	8.84E-02	-1.25	8.94E-01	2.12	1.71E-02
ZFP30	1.35	8.84E-02	0.81	2.08E-01	0.05	4.81E-01
HOXD4	1.35	8.85E-02	-0.96	8.32E-01	2.79	2.65E-03
PGS1	1.35	8.85E-02	-0.15	5.61E-01	1.99	2.31E-02
FAM43B	1.35	8.86E-02	1.02	1.53E-01	0.49	3.14E-01
DCN	1.35	8.86E-02	1.51	6.61E-02	-0.77	7.79E-01

ESCO2	1.35	8.86E-02	1.98	2.37E-02	-1.80	9.64E-01
CHMP1B	1.35	8.86E-02	-0.20	5.78E-01	1.40	8.05E-02
HKR1	1.35	8.88E-02	0.87	1.92E-01	-0.17	5.68E-01
C2orf82	1.35	8.88E-02	0.19	4.25E-01	1.57	5.81E-02
ARHGEF1	1.35	8.89E-02	0.88	1.89E-01	0.95	1.70E-01
BDKRB1	1.35	8.89E-02	1.15	1.24E-01	0.84	1.99E-01
PDZD3	1.35	8.90E-02	1.58	5.74E-02	-0.51	6.97E-01
PHOSPHO2	1.35	8.91E-02	0.37	3.55E-01	2.20	1.39E-02
GDPD5	1.35	8.91E-02	0.62	2.69E-01	0.61	2.72E-01
TNIK	1.35	8.92E-02	0.77	2.22E-01	1.65	4.93E-02
SYT13	1.35	8.93E-02	0.08	4.70E-01	1.07	1.43E-01
ROBO1	1.34	8.94E-02	1.69	4.55E-02	1.77	3.84E-02
PARP2	1.34	8.94E-02	1.19	1.18E-01	-0.07	5.29E-01
TLX1	1.34	8.94E-02	0.11	4.56E-01	1.58	5.76E-02
CLDN11	1.34	8.94E-02	0.88	1.90E-01	-0.47	6.82E-01
GGACT	1.34	8.95E-02	0.79	2.16E-01	1.24	1.08E-01
APOH	1.34	8.99E-02	1.27	1.02E-01	-0.15	5.60E-01
OTUD7B	1.34	9.01E-02	1.14	1.28E-01	-0.29	6.15E-01
YEATS4	1.34	9.01E-02	-0.17	5.69E-01	1.19	1.18E-01
RPEL1	1.34	9.03E-02	-0.32	6.25E-01	1.08	1.40E-01
ZNF43	1.34	9.03E-02	0.70	2.42E-01	0.07	4.72E-01
RPL31	1.34	9.03E-02	1.37	8.56E-02	0.42	3.37E-01
CLU	1.34	9.05E-02	0.74	2.31E-01	0.24	4.04E-01
WBP2	1.34	9.05E-02	-0.03	5.12E-01	2.20	1.40E-02
TM4SF18	1.34	9.05E-02	0.29	3.86E-01	0.02	4.92E-01
UNK	1.34	9.05E-02	0.46	3.24E-01	1.66	4.84E-02
KLHL10	1.34	9.06E-02	1.61	5.34E-02	-0.19	5.75E-01
TMEM121	1.34	9.07E-02	1.00	1.58E-01	0.20	4.23E-01
NBEAL1	1.34	9.07E-02	0.27	3.92E-01	0.48	3.15E-01
WBP1L	1.34	9.08E-02	-0.54	7.07E-01	1.73	4.18E-02
B4GALNT4	1.34	9.09E-02	-0.02	5.07E-01	1.19	1.17E-01



GSG1L	1.33	9.10E-02	1.72	4.29E-02	-1.81	9.65E-01
PDIA3	1.33	9.11E-02	1.91	2.80E-02	-0.39	6.53E-01
MRPL43	1.33	9.11E-02	-0.14	5.56E-01	1.47	7.12E-02
RNF10	1.33	9.11E-02	0.87	1.91E-01	-0.03	5.12E-01
NKTR	1.33	9.11E-02	0.71	2.38E-01	0.34	3.65E-01
AADAC	1.33	9.11E-02	1.32	9.27E-02	-0.41	6.59E-01
OSGEP	1.33	9.12E-02	-0.45	6.74E-01	1.54	6.20E-02
CDCA7L	1.33	9.12E-02	1.56	5.98E-02	0.52	3.02E-01
RBM22	1.33	9.12E-02	1.17	1.21E-01	0.11	4.58E-01
SH3PXD2A	1.33	9.12E-02	2.21	1.35E-02	-0.10	5.41E-01
TIAM2	1.33	9.13E-02	0.27	3.93E-01	0.80	2.12E-01
LLPH	1.33	9.13E-02	1.18	1.19E-01	-0.29	6.15E-01
ARFGAP1	1.33	9.14E-02	-0.07	5.27E-01	1.40	8.04E-02
NEK2	1.33	9.14E-02	0.92	1.79E-01	0.65	2.57E-01
ELAVL2	1.33	9.14E-02	1.15	1.25E-01	-1.01	8.43E-01
OR2M5	1.33	9.15E-02	-0.07	5.29E-01	2.55	5.35E-03
PRDM9	1.33	9.16E-02	1.24	1.07E-01	0.08	4.66E-01
IL8	1.33	9.16E-02	0.81	2.10E-01	0.60	2.73E-01
HEATR5A	1.33	9.16E-02	1.49	6.75E-02	0.81	2.09E-01
RPRM	1.33	9.16E-02	-0.91	8.20E-01	1.93	2.70E-02
MEI4	1.33	9.16E-02	1.46	7.23E-02	-0.29	6.13E-01
LY6K	1.33	9.16E-02	-0.48	6.85E-01	1.60	5.43E-02
GPRC5B	1.33	9.16E-02	-0.68	7.51E-01	2.17	1.50E-02
OR4D5	1.33	9.17E-02	0.83	2.03E-01	0.70	2.43E-01
ISOC1	1.33	9.20E-02	0.88	1.90E-01	0.12	4.53E-01
FCER1A	1.33	9.20E-02	1.51	6.59E-02	0.00	4.98E-01
OR6F1	1.33	9.21E-02	1.90	2.87E-02	-1.33	9.09E-01
ZBTB32	1.33	9.21E-02	-0.13	5.53E-01	1.58	5.73E-02
ZNF585B	1.33	9.22E-02	-0.02	5.09E-01	1.14	1.27E-01
BATF2	1.33	9.23E-02	0.16	4.37E-01	1.10	1.35E-01
IGF2	1.33	9.23E-02	1.39	8.17E-02	-0.89	8.14E-01

RPS19	1.33	9.24E-02	0.84	1.99E-01	0.51	3.05E-01
HOXC9	1.33	9.25E-02	-0.29	6.13E-01	1.38	8.31E-02
SOX9	1.33	9.25E-02	0.36	3.60E-01	0.73	2.33E-01
MED28	1.32	9.26E-02	0.95	1.71E-01	0.19	4.24E-01
ASPRV1	1.32	9.26E-02	0.00	5.00E-01	0.90	1.85E-01
ACTR2	1.32	9.27E-02	0.67	2.52E-01	0.15	4.39E-01
PTPN1	1.32	9.28E-02	-0.96	8.32E-01	1.76	3.91E-02
OR2T8	1.32	9.28E-02	1.13	1.29E-01	0.11	4.57E-01
RNASEL	1.32	9.28E-02	-0.82	7.95E-01	1.59	5.63E-02
TBX15	1.32	9.29E-02	-0.14	5.56E-01	0.58	2.80E-01
SLC27A4	1.32	9.31E-02	1.37	8.53E-02	1.24	1.07E-01
SPATA7	1.32	9.31E-02	1.69	4.57E-02	0.56	2.87E-01
SRSF1	1.32	9.32E-02	0.49	3.12E-01	0.90	1.84E-01
TBPL2	1.32	9.32E-02	1.56	5.89E-02	-0.62	7.32E-01
DNALI1	1.32	9.33E-02	1.95	2.58E-02	1.53	6.24E-02
GNB1L	1.32	9.33E-02	1.99	2.34E-02	-0.41	6.61E-01
ALX1	1.32	9.33E-02	0.68	2.47E-01	0.24	4.06E-01
IGSF21	1.32	9.34E-02	2.03	2.13E-02	0.78	2.17E-01
CCDC83	1.32	9.34E-02	0.96	1.70E-01	0.02	4.93E-01
ASB15	1.32	9.34E-02	2.64	4.14E-03	-1.16	8.77E-01
PKN3	1.32	9.34E-02	0.23	4.11E-01	0.71	2.40E-01
HIST1H2AH	1.32	9.34E-02	0.23	4.09E-01	1.15	1.25E-01
DSTYK	1.32	9.35E-02	1.46	7.24E-02	-0.29	6.12E-01
ZNF607	1.32	9.35E-02	1.16	1.22E-01	-0.34	6.32E-01
NAA11	1.32	9.35E-02	1.78	3.76E-02	0.20	4.22E-01
CREB3L2	1.32	9.35E-02	0.48	3.14E-01	0.25	4.01E-01
RAPSN	1.32	9.36E-02	1.93	2.67E-02	1.37	8.53E-02
EML5	1.32	9.36E-02	0.02	4.93E-01	1.67	4.72E-02
ZNF239	1.32	9.37E-02	1.52	6.38E-02	-0.73	7.67E-01
HPD	1.32	9.37E-02	1.45	7.30E-02	-0.29	6.13E-01
SP7	1.32	9.38E-02	0.30	3.84E-01	0.79	2.14E-01

CDC73	1.32	9.38E-02	0.05	4.79E-01	2.65	4.01E-03
ADAM18	1.32	9.38E-02	0.50	3.08E-01	0.01	4.96E-01
EDN1	1.32	9.38E-02	1.88	3.00E-02	-0.52	7.00E-01
SLC2A10	1.32	9.39E-02	1.34	9.00E-02	-0.41	6.60E-01
SMARCC2	1.32	9.39E-02	-0.18	5.71E-01	1.40	8.02E-02
RBM44	1.32	9.39E-02	0.76	2.24E-01	0.26	3.97E-01
ZRANB1	1.32	9.40E-02	1.31	9.51E-02	0.60	2.74E-01
FAM63A	1.32	9.41E-02	-0.12	5.50E-01	0.82	2.06E-01
FNBP4	1.32	9.41E-02	1.88	3.02E-02	-0.26	6.03E-01
C11orf40	1.32	9.41E-02	1.65	4.97E-02	1.27	1.02E-01
ARHGAP25	1.32	9.41E-02	1.09	1.38E-01	-0.09	5.37E-01
AKR1B10	1.32	9.41E-02	1.69	4.54E-02	-0.02	5.08E-01
IFI44	1.32	9.42E-02	-0.23	5.91E-01	2.61	4.55E-03
PRDM11	1.32	9.42E-02	-0.20	5.78E-01	0.88	1.90E-01
FAM175B	1.31	9.43E-02	0.69	2.44E-01	0.08	4.68E-01
CMTM4	1.31	9.44E-02	-1.32	9.07E-01	2.84	2.23E-03
POU5F1B	1.31	9.45E-02	0.05	4.81E-01	1.33	9.21E-02
SLC9C1	1.31	9.45E-02	1.40	8.09E-02	0.77	2.21E-01
NDUFA7	1.31	9.45E-02	0.44	3.32E-01	0.98	1.63E-01
TMPRSS4	1.31	9.47E-02	0.57	2.85E-01	0.25	4.02E-01
DYNLL1	1.31	9.47E-02	0.99	1.61E-01	0.02	4.91E-01
RHBDD2	1.31	9.47E-02	1.18	1.19E-01	-0.03	5.13E-01
MRFAP1	1.31	9.48E-02	0.75	2.28E-01	0.61	2.72E-01
SPINT3	1.31	9.48E-02	0.83	2.04E-01	0.28	3.90E-01
STAM2	1.31	9.48E-02	-0.57	7.17E-01	1.22	1.10E-01
LOXL4	1.31	9.49E-02	-0.02	5.07E-01	1.43	7.63E-02
SEMA4G	1.31	9.50E-02	-0.31	6.24E-01	1.44	7.53E-02
RPL7A	1.31	9.50E-02	-0.26	6.03E-01	1.23	1.09E-01
NDUFA7	1.31	9.51E-02	0.44	3.30E-01	0.97	1.66E-01
SEPHS2	1.31	9.51E-02	1.64	5.03E-02	-1.12	8.68E-01
CD164L2	1.31	9.51E-02	0.47	3.18E-01	0.84	2.02E-01

KLK8	1.31	9.52E-02	0.66	2.56E-01	2.13	1.65E-02
MBNL2	1.31	9.54E-02	-0.65	7.43E-01	0.98	1.64E-01
LINC01100	1.31	9.54E-02	1.30	9.61E-02	-0.13	5.50E-01
OR11H6	1.31	9.55E-02	-0.78	7.83E-01	2.23	1.28E-02
XPO6	1.31	9.55E-02	-0.16	5.65E-01	1.21	1.13E-01
H3F3B	1.31	9.56E-02	1.39	8.27E-02	1.45	7.31E-02
UBE2C	1.31	9.57E-02	0.67	2.52E-01	0.98	1.64E-01
ADAM29	1.31	9.57E-02	0.97	1.67E-01	0.26	3.97E-01
DEFA4	1.31	9.57E-02	1.90	2.85E-02	-0.77	7.80E-01
SERP2	1.31	9.57E-02	1.43	7.64E-02	-0.56	7.14E-01
STYXL1	1.31	9.58E-02	-1.40	9.19E-01	2.28	1.12E-02
C7orf50	1.31	9.58E-02	-0.12	5.49E-01	1.87	3.09E-02
NCOA6	1.31	9.59E-02	0.57	2.83E-01	0.71	2.39E-01
BARD1	1.30	9.60E-02	0.30	3.84E-01	1.47	7.09E-02
DSC3	1.30	9.62E-02	-1.32	9.07E-01	2.48	6.65E-03
XPO4	1.30	9.63E-02	0.07	4.73E-01	1.41	7.88E-02
C9orf96	1.30	9.64E-02	-0.13	5.52E-01	1.24	1.07E-01
GPR160	1.30	9.64E-02	-0.87	8.07E-01	2.20	1.38E-02
FFAR1	1.30	9.65E-02	0.57	2.84E-01	0.88	1.89E-01
NFE2L3	1.30	9.65E-02	-1.31	9.04E-01	1.94	2.61E-02
UBQLNL	1.30	9.66E-02	-0.26	6.03E-01	1.30	9.60E-02
DKK2	1.30	9.68E-02	1.94	2.63E-02	-0.83	7.98E-01
LRRCS3	1.30	9.68E-02	-0.40	6.56E-01	1.42	7.74E-02
PKP4	1.30	9.69E-02	0.78	2.17E-01	0.07	4.70E-01
AIM1L	1.30	9.69E-02	1.13	1.30E-01	-0.58	7.18E-01
ELOVL2	1.30	9.70E-02	0.80	2.10E-01	0.18	4.30E-01
GTF2H5	1.30	9.70E-02	-0.06	5.23E-01	1.47	7.05E-02
CD320	1.30	9.70E-02	0.25	4.02E-01	0.95	1.70E-01
AKAP6	1.30	9.71E-02	1.09	1.39E-01	-0.22	5.88E-01
SYT1	1.30	9.71E-02	3.36	3.85E-04	0.48	3.16E-01
TP53INP2	1.30	9.72E-02	0.81	2.08E-01	0.76	2.24E-01

DYTN	1.30	9.72E-02	1.57	5.87E-02	1.39	8.30E-02
SNRNP27	1.30	9.72E-02	1.58	5.75E-02	-0.23	5.91E-01
MEF2A	1.30	9.73E-02	2.12	1.69E-02	-0.10	5.42E-01
RBAK	1.30	9.74E-02	0.88	1.89E-01	1.76	3.89E-02
PAPSS2	1.30	9.75E-02	-0.91	8.18E-01	1.55	6.11E-02
RNF148	1.30	9.75E-02	-0.64	7.39E-01	1.89	2.93E-02
PTPLAD1	1.30	9.76E-02	2.61	4.51E-03	-0.14	5.57E-01
ISLR	1.30	9.76E-02	0.09	4.63E-01	1.36	8.71E-02
ZNF775	1.30	9.76E-02	0.41	3.41E-01	-0.05	5.21E-01
KIAA0319	1.29	9.77E-02	0.32	3.75E-01	0.51	3.05E-01
TRIM6	1.29	9.78E-02	0.26	3.97E-01	2.04	2.08E-02
METAP2	1.29	9.78E-02	0.59	2.78E-01	0.78	2.17E-01
PRR4	1.29	9.79E-02	1.32	9.39E-02	0.66	2.56E-01
MTRNR2L13	1.29	9.79E-02	0.89	1.87E-01	-0.02	5.07E-01
NEK11	1.29	9.79E-02	2.15	1.59E-02	-1.29	9.01E-01
SCRN2	1.29	9.80E-02	0.41	3.42E-01	0.87	1.93E-01
MTPN	1.29	9.80E-02	1.19	1.17E-01	0.35	3.62E-01
MB21D1	1.29	9.82E-02	1.81	3.51E-02	-0.84	8.00E-01
KDM3A	1.29	9.82E-02	0.99	1.60E-01	0.02	4.93E-01
ARHGAP44	1.29	9.82E-02	-0.32	6.27E-01	1.60	5.44E-02
DGCR14	1.29	9.82E-02	1.15	1.26E-01	-0.68	7.53E-01
MAL	1.29	9.82E-02	-0.50	6.93E-01	1.75	3.98E-02
SRRT	1.29	9.83E-02	0.78	2.18E-01	0.32	3.76E-01
FBXO25	1.29	9.84E-02	1.69	4.54E-02	-0.08	5.33E-01
KRT26	1.29	9.84E-02	-0.12	5.48E-01	0.87	1.93E-01
TXNRD1	1.29	9.85E-02	0.95	1.72E-01	-0.08	5.31E-01
CTSB	1.29	9.86E-02	0.34	3.67E-01	2.55	5.38E-03
CDKN2A	1.29	9.86E-02	1.74	4.08E-02	-0.97	8.33E-01
PET117	1.29	9.86E-02	0.73	2.31E-01	0.99	1.61E-01
APLNR	1.29	9.87E-02	-1.66	9.51E-01	2.17	1.49E-02
CISH	1.29	9.87E-02	1.32	9.31E-02	-0.25	6.00E-01

ETHE1	1.29	9.88E-02	1.20	1.15E-01	0.04	4.84E-01
COQ3	1.29	9.88E-02	-0.07	5.26E-01	1.10	1.35E-01
ADAM9	1.29	9.89E-02	1.92	2.72E-02	-1.03	8.48E-01
SH3BGRL2	1.29	9.89E-02	1.86	3.12E-02	-0.62	7.31E-01
TRIM56	1.29	9.90E-02	-0.06	5.25E-01	2.30	1.07E-02
IL17C	1.29	9.91E-02	1.04	1.50E-01	0.39	3.47E-01
NABP2	1.29	9.91E-02	1.65	4.96E-02	0.52	3.02E-01
OR6C6	1.29	9.92E-02	0.34	3.67E-01	1.09	1.38E-01
DUSP27	1.29	9.92E-02	1.84	3.32E-02	-0.73	7.67E-01
CIITA	1.29	9.93E-02	0.87	1.91E-01	0.14	4.45E-01
PIWIL2	1.29	9.93E-02	1.67	4.74E-02	-0.81	7.92E-01
FGF5	1.28	9.94E-02	1.43	7.62E-02	-0.26	6.03E-01
RRS1	1.28	9.95E-02	-1.05	8.54E-01	1.59	5.62E-02
WBSCR16	1.28	9.95E-02	0.94	1.74E-01	0.52	3.02E-01
OCLN	1.28	9.96E-02	0.68	2.50E-01	1.11	1.34E-01
RBP5	1.28	9.96E-02	0.58	2.81E-01	2.32	1.03E-02
VLDLR	1.28	9.97E-02	1.51	6.56E-02	0.38	3.51E-01
GPX7	1.28	9.97E-02	-0.04	5.17E-01	2.66	3.91E-03
AKAP12	1.28	9.97E-02	-0.26	6.03E-01	0.71	2.39E-01
CACNA1C	1.28	1.00E-01	1.89	2.93E-02	1.80	3.59E-02
TEX10	1.28	1.00E-01	0.77	2.20E-01	0.13	4.49E-01
ORC3	1.28	1.00E-01	-0.19	5.76E-01	1.27	1.02E-01
SS18	1.28	1.00E-01	-0.60	7.26E-01	1.46	7.20E-02
AHDC1	1.28	1.00E-01	0.58	2.80E-01	1.37	8.61E-02
TMBIM6	1.28	1.00E-01	1.70	4.49E-02	-0.32	6.24E-01
SCN3A	1.28	1.00E-01	1.19	1.18E-01	-0.41	6.58E-01
CLMP	1.28	1.00E-01	0.05	4.82E-01	0.57	2.84E-01
MCF2L	1.28	1.00E-01	0.43	3.34E-01	1.08	1.40E-01
LIMS2	1.28	1.00E-01	-0.97	8.35E-01	2.44	7.43E-03
MTURN	1.28	1.00E-01	0.81	2.08E-01	0.46	3.22E-01
PDZD8	1.28	1.00E-01	0.40	3.45E-01	0.87	1.91E-01

COL19A1	1.28	1.00E-01	-0.96	8.30E-01	1.24	1.07E-01
ACOT2	1.28	1.01E-01	0.66	2.55E-01	2.28	1.14E-02
ADSS	1.28	1.01E-01	0.65	2.59E-01	1.67	4.70E-02
HIGD1B	1.28	1.01E-01	0.69	2.45E-01	0.68	2.49E-01
GYS2	1.28	1.01E-01	0.53	3.00E-01	1.40	8.09E-02
SH2D4A	1.28	1.01E-01	1.50	6.64E-02	-0.40	6.55E-01
SLC22A8	1.28	1.01E-01	1.91	2.83E-02	-0.06	5.23E-01
BAI3	1.28	1.01E-01	-0.36	6.42E-01	0.44	3.28E-01
MYBPC1	1.28	1.01E-01	0.94	1.73E-01	0.31	3.78E-01
TSPAN3	1.28	1.01E-01	-0.09	5.34E-01	0.90	1.85E-01
DVL3	1.28	1.01E-01	0.54	2.94E-01	0.61	2.70E-01
STIM2	1.28	1.01E-01	-0.35	6.36E-01	1.01	1.57E-01
C19orf24	1.28	1.01E-01	0.13	4.49E-01	1.16	1.24E-01
CBLN3	1.28	1.01E-01	-0.38	6.47E-01	1.77	3.84E-02
LBX1	1.27	1.01E-01	1.29	9.84E-02	0.20	4.22E-01
CCDC65	1.27	1.01E-01	0.17	4.31E-01	0.96	1.69E-01
TMPRSS11F	1.27	1.01E-01	1.04	1.50E-01	-0.04	5.17E-01
OR13D1	1.27	1.01E-01	0.40	3.43E-01	0.53	2.98E-01
RMDN2	1.27	1.01E-01	1.22	1.11E-01	0.87	1.92E-01
FAM222A	1.27	1.01E-01	1.56	5.93E-02	-1.02	8.46E-01
CABP1	1.27	1.01E-01	1.24	1.08E-01	1.03	1.53E-01
IL12RB2	1.27	1.01E-01	-0.69	7.54E-01	1.46	7.16E-02
CCDC71	1.27	1.02E-01	-1.46	9.28E-01	2.28	1.13E-02
DNAJC19	1.27	1.02E-01	0.42	3.39E-01	2.19	1.42E-02
METTL21A	1.27	1.02E-01	0.68	2.47E-01	1.03	1.51E-01
ARSJ	1.27	1.02E-01	1.19	1.17E-01	-0.30	6.19E-01
TCEB1	1.27	1.02E-01	0.46	3.22E-01	1.16	1.24E-01
STX6	1.27	1.02E-01	0.16	4.37E-01	1.75	4.00E-02
RSL24D1	1.27	1.02E-01	0.41	3.41E-01	0.58	2.81E-01
INPP5F	1.27	1.02E-01	1.62	5.30E-02	0.24	4.04E-01
HTR3B	1.27	1.02E-01	-0.23	5.90E-01	2.50	6.13E-03

EDIL3		1.27	1.03E-01	1.40	8.02E-02	-0.42	6.64E-01
RFNG		1.27	1.03E-01	2.43	7.64E-03	-0.28	6.11E-01
TUBB2B		1.27	1.03E-01	0.20	4.23E-01	1.07	1.43E-01
RALGAPA1		1.27	1.03E-01	-0.15	5.61E-01	1.10	1.36E-01
DYNC2H1		1.27	1.03E-01	0.99	1.61E-01	-0.10	5.40E-01
KCTD7		1.27	1.03E-01	1.71	4.35E-02	0.47	3.20E-01
ZNF678		1.27	1.03E-01	0.15	4.39E-01	0.42	3.36E-01
MDH2		1.26	1.03E-01	-1.60	9.46E-01	2.14	1.63E-02
CRTAC1		1.26	1.03E-01	0.18	4.29E-01	1.43	7.67E-02
CCDC113		1.26	1.03E-01	1.82	3.46E-02	-0.63	7.36E-01
DCDC1		1.26	1.03E-01	-0.03	5.11E-01	1.10	1.36E-01
C1QL1		1.26	1.03E-01	1.83	3.37E-02	1.09	1.38E-01
PLK2		1.26	1.03E-01	0.59	2.79E-01	1.02	1.54E-01
NIPSNAP3A		1.26	1.03E-01	0.63	2.64E-01	0.80	2.12E-01
KLK11		1.26	1.03E-01	-0.88	8.10E-01	1.37	8.57E-02
RELL2		1.26	1.04E-01	2.51	6.10E-03	0.43	3.35E-01
CDIP1		1.26	1.04E-01	1.17	1.21E-01	0.68	2.47E-01
PFN2		1.26	1.04E-01	1.41	7.99E-02	2.67	3.77E-03
DNAJC3		1.26	1.04E-01	1.27	1.03E-01	0.18	4.29E-01
PLA2G7		1.26	1.04E-01	1.49	6.84E-02	0.03	4.86E-01
CSMD2		1.26	1.04E-01	0.90	1.85E-01	0.30	3.81E-01
ING1		1.26	1.04E-01	-0.86	8.04E-01	1.80	3.61E-02
	PDZD7	1.26	1.04E-01	0.80	2.11E-01	0.11	4.56E-01
SLC35A5		1.26	1.04E-01	0.79	2.16E-01	0.36	3.59E-01
CSNK1A1L		1.26	1.04E-01	-0.55	7.07E-01	1.49	6.77E-02
CDH13		1.26	1.04E-01	0.30	3.84E-01	-0.21	5.84E-01
CCDC36		1.26	1.04E-01	-1.27	8.98E-01	2.65	4.08E-03
UPK1B		1.26	1.04E-01	0.92	1.78E-01	0.66	2.54E-01
SLC22A11		1.26	1.04E-01	-0.03	5.10E-01	1.58	5.70E-02
STAB1		1.26	1.04E-01	1.05	1.46E-01	0.18	4.30E-01
MTA1		1.25	1.05E-01	1.09	1.37E-01	0.01	4.95E-01



LTBP1	1.25	1.05E-01	-1.59	9.44E-01	2.81	2.44E-03
DHPS	1.25	1.05E-01	-0.84	7.99E-01	1.46	7.19E-02
PDE10A	1.25	1.05E-01	1.71	4.34E-02	-0.98	8.37E-01
FAM169A	1.25	1.05E-01	0.36	3.59E-01	0.43	3.32E-01
RARG	1.25	1.05E-01	0.53	2.98E-01	0.01	4.97E-01
GFAP	1.25	1.05E-01	2.03	2.13E-02	-0.04	5.18E-01
ABHD12B	1.25	1.05E-01	1.59	5.54E-02	-0.65	7.42E-01
HOXD3	1.25	1.05E-01	1.07	1.42E-01	2.17	1.48E-02
GCA	1.25	1.05E-01	1.54	6.13E-02	-0.26	6.04E-01
MADD	1.25	1.05E-01	0.80	2.13E-01	1.32	9.37E-02
SLC24A3	1.25	1.05E-01	2.45	7.05E-03	1.06	1.44E-01
LELP1	1.25	1.05E-01	-0.73	7.69E-01	3.12	8.93E-04
JADE1	1.25	1.05E-01	1.47	7.01E-02	-0.18	5.71E-01
OR52E6	1.25	1.05E-01	0.41	3.40E-01	0.90	1.84E-01
HNRNPL	1.25	1.05E-01	1.71	4.37E-02	0.57	2.85E-01
FMNL2	1.25	1.05E-01	0.02	4.91E-01	0.41	3.42E-01
GP2	1.25	1.05E-01	-0.03	5.11E-01	1.04	1.49E-01
SMIM1	1.25	1.06E-01	0.98	1.64E-01	0.35	3.64E-01
ZP4	1.25	1.06E-01	0.14	4.43E-01	1.24	1.08E-01
KRTAP10-10	1.25	1.06E-01	1.41	7.96E-02	-0.86	8.05E-01
UHRF2	1.25	1.06E-01	-1.58	9.42E-01	3.03	1.21E-03
ADAMTS13	1.25	1.06E-01	-0.76	7.78E-01	0.88	1.88E-01
CLRN2	1.25	1.06E-01	1.12	1.31E-01	-0.70	7.58E-01
HARBI1	1.25	1.06E-01	0.01	4.94E-01	1.44	7.50E-02
C1orf141	1.25	1.06E-01	0.53	3.00E-01	0.39	3.48E-01
HAT1	1.25	1.06E-01	1.10	1.35E-01	0.04	4.85E-01
TAS2R19	1.25	1.06E-01	2.02	2.18E-02	-0.15	5.60E-01
ARHGAP23	1.25	1.06E-01	-0.30	6.17E-01	0.87	1.91E-01
GTF2B	1.25	1.06E-01	-0.92	8.20E-01	2.32	1.01E-02
B3GALT6	1.25	1.06E-01	-0.74	7.72E-01	1.36	8.66E-02
MXD1	1.25	1.06E-01	1.64	5.03E-02	-0.55	7.10E-01

SPINK4	1.25	1.06E-01	1.72	4.25E-02	-0.83	7.96E-01
TTC21B	1.25	1.06E-01	-0.98	8.37E-01	2.03	2.10E-02
HEYL	1.25	1.06E-01	1.09	1.37E-01	0.30	3.82E-01
STAC	1.25	1.06E-01	0.25	4.00E-01	0.68	2.48E-01
HOXD1	1.25	1.06E-01	-0.23	5.91E-01	2.22	1.33E-02
ZNF660	1.25	1.06E-01	0.34	3.66E-01	1.01	1.57E-01
MCOLN1	1.25	1.06E-01	1.84	3.31E-02	0.41	3.41E-01
PFN4	1.25	1.07E-01	1.28	9.97E-02	-0.61	7.31E-01
CCDC64	1.25	1.07E-01	-0.26	6.01E-01	1.48	7.00E-02
THY1	1.25	1.07E-01	1.95	2.56E-02	-0.34	6.31E-01
MDFI	1.24	1.07E-01	-0.99	8.39E-01	2.30	1.07E-02
WFDC9	1.24	1.07E-01	0.93	1.77E-01	-0.63	7.36E-01
BEST4	1.24	1.07E-01	1.73	4.16E-02	-1.04	8.50E-01
DHRS4	1.24	1.07E-01	-0.48	6.84E-01	1.37	8.58E-02
GPR114	1.24	1.07E-01	0.23	4.08E-01	0.73	2.33E-01
SFMBT2	1.24	1.07E-01	-0.17	5.67E-01	2.29	1.11E-02
SEMA4D	1.24	1.07E-01	-0.53	7.03E-01	1.96	2.50E-02
RRP7A	1.24	1.07E-01	-1.00	8.41E-01	1.93	2.71E-02
FAM173B	1.24	1.07E-01	0.92	1.79E-01	0.93	1.76E-01
KCTD16	1.24	1.07E-01	0.83	2.02E-01	-0.41	6.58E-01
SLC17A2	1.24	1.07E-01	0.96	1.68E-01	-0.35	6.36E-01
POLR1D	1.24	1.07E-01	2.12	1.68E-02	-0.93	8.24E-01
TECPR2	1.24	1.07E-01	1.95	2.55E-02	1.29	9.88E-02
TMEM40	1.24	1.07E-01	1.18	1.19E-01	0.31	3.79E-01
REM1	1.24	1.07E-01	2.03	2.12E-02	1.74	4.09E-02
WNT10B	1.24	1.07E-01	0.00	5.00E-01	0.88	1.90E-01
NOTCH3	1.24	1.07E-01	-0.62	7.32E-01	2.18	1.45E-02
SLC45A1	1.24	1.07E-01	0.96	1.68E-01	-0.02	5.09E-01
CHMP3	1.24	1.08E-01	0.31	3.79E-01	0.26	3.98E-01
PDHB	1.24	1.08E-01	1.57	5.78E-02	-0.12	5.47E-01
WBSCR17	1.24	1.08E-01	-0.32	6.26E-01	2.24	1.24E-02

RAB25	1.24	1.08E-01	0.87	1.93E-01	0.40	3.43E-01
ISG15	1.24	1.08E-01	1.01	1.57E-01	0.04	4.85E-01
TTC8	1.24	1.08E-01	0.13	4.48E-01	1.77	3.81E-02
ZNF697	1.24	1.08E-01	1.01	1.56E-01	-0.41	6.60E-01
ARL8B	1.24	1.08E-01	2.05	2.01E-02	-1.16	8.76E-01
INSIG1	1.24	1.08E-01	1.33	9.17E-02	0.31	3.80E-01
DRD3	1.24	1.08E-01	1.83	3.34E-02	-0.59	7.23E-01
COX7C	1.24	1.08E-01	1.51	6.60E-02	-0.50	6.90E-01
AFF4	1.24	1.08E-01	0.43	3.35E-01	0.39	3.48E-01
HCAR3	1.24	1.08E-01	1.57	5.83E-02	-1.03	8.49E-01
ASNSD1	1.24	1.08E-01	0.66	2.54E-01	1.47	7.11E-02
C6orf165	1.24	1.08E-01	-0.05	5.19E-01	1.42	7.78E-02
CADPS	1.24	1.08E-01	0.75	2.27E-01	1.14	1.28E-01
SLC24A1	1.23	1.08E-01	2.54	5.61E-03	-0.18	5.71E-01
ANKRD44	1.23	1.09E-01	0.00	5.00E-01	1.57	5.81E-02
CDH10	1.23	1.09E-01	2.52	5.90E-03	-1.58	9.43E-01
FH	1.23	1.09E-01	-1.14	8.72E-01	2.31	1.04E-02
RP11-599B13.6	1.23	1.09E-01	0.60	2.73E-01	0.61	2.70E-01
GDNF	1.23	1.09E-01	-0.41	6.59E-01	2.69	3.56E-03
CCDC28B	1.23	1.09E-01	-1.56	9.40E-01	2.10	1.80E-02
C5orf15	1.23	1.09E-01	1.18	1.19E-01	-0.08	5.33E-01
CRYGD	1.23	1.09E-01	-0.86	8.04E-01	2.27	1.15E-02
NDUFA10	1.23	1.09E-01	0.02	4.92E-01	0.77	2.21E-01
GPD2	1.23	1.09E-01	0.93	1.75E-01	0.16	4.35E-01
TESC	1.23	1.09E-01	1.26	1.04E-01	-0.14	5.55E-01
TXLNB	1.23	1.09E-01	2.59	4.84E-03	-0.58	7.20E-01
OAF	1.23	1.09E-01	1.68	4.65E-02	-0.58	7.18E-01
MVB12A	1.23	1.09E-01	0.48	3.15E-01	-0.41	6.59E-01
LDOC1L	1.23	1.09E-01	1.87	3.06E-02	-1.97	9.76E-01
ADGB	1.23	1.09E-01	1.15	1.24E-01	0.18	4.27E-01
CSF3R	1.23	1.09E-01	1.88	3.02E-02	-0.93	8.25E-01

KCNA10	1.23	1.09E-01	1.31	9.54E-02	0.45	3.25E-01
APBA2	1.23	1.10E-01	-0.22	5.87E-01	1.31	9.51E-02
PXK	1.23	1.10E-01	1.73	4.17E-02	-0.68	7.53E-01
AMHR2	1.23	1.10E-01	-0.09	5.37E-01	1.17	1.22E-01
LUC7L2	1.23	1.10E-01	0.44	3.31E-01	0.52	3.01E-01
C3orf35	1.23	1.10E-01	0.84	2.00E-01	0.07	4.72E-01
LMLN	1.23	1.10E-01	0.28	3.89E-01	1.08	1.40E-01
MRGPRX3	1.23	1.10E-01	2.98	1.45E-03	0.99	1.60E-01
CHD4	1.23	1.10E-01	1.83	3.38E-02	-1.40	9.20E-01
APEH	1.23	1.10E-01	0.18	4.28E-01	2.97	1.48E-03
NRBF2	1.23	1.10E-01	0.38	3.52E-01	1.74	4.09E-02
LTA4H	1.23	1.10E-01	0.20	4.21E-01	1.65	4.98E-02
C14orf2	1.23	1.10E-01	1.59	5.61E-02	-0.73	7.66E-01
AAMDC	1.23	1.10E-01	0.38	3.51E-01	1.45	7.34E-02
CEP152	1.22	1.10E-01	0.61	2.70E-01	1.40	8.06E-02
ABHD12	1.22	1.11E-01	-0.11	5.45E-01	1.23	1.10E-01
SNRPB2	1.22	1.11E-01	-0.13	5.53E-01	1.96	2.50E-02
FLT1	1.22	1.11E-01	2.47	6.77E-03	0.47	3.21E-01
FAM71B	1.22	1.11E-01	-0.18	5.73E-01	0.76	2.25E-01
YPEL4	1.22	1.11E-01	0.06	4.75E-01	1.39	8.21E-02
SLC35D1	1.22	1.11E-01	1.39	8.28E-02	0.46	3.23E-01
ZNF629	1.22	1.11E-01	0.39	3.49E-01	0.98	1.63E-01
C17orf105	1.22	1.11E-01	2.28	1.12E-02	-0.84	7.99E-01
APOA2	1.22	1.11E-01	0.87	1.92E-01	2.26	1.20E-02
EIF4E3	1.22	1.11E-01	1.85	3.22E-02	-2.16	9.85E-01
FAM228B	1.22	1.11E-01	0.96	1.68E-01	-0.40	6.57E-01
DEFB134	1.22	1.11E-01	0.44	3.31E-01	0.99	1.61E-01
SNRNP40	1.22	1.11E-01	-0.88	8.09E-01	1.46	7.20E-02
C1orf194	1.22	1.11E-01	0.57	2.84E-01	0.69	2.44E-01
YARS	1.22	1.11E-01	0.70	2.41E-01	1.45	7.36E-02
FCRL6	1.22	1.11E-01	0.71	2.38E-01	-0.31	6.22E-01

CADM1	1.22	1.11E-01	0.52	3.00E-01	-0.34	6.32E-01
SEL1L3	1.22	1.11E-01	1.03	1.52E-01	1.95	2.57E-02
DNAJB12	1.22	1.11E-01	0.61	2.72E-01	0.65	2.57E-01
CR1	1.22	1.11E-01	1.16	1.23E-01	0.83	2.02E-01
PTPRH	1.22	1.11E-01	1.76	3.93E-02	-1.28	9.00E-01
ART4	1.22	1.11E-01	-0.14	5.54E-01	0.90	1.83E-01
FAM195A	1.22	1.11E-01	0.74	2.31E-01	0.02	4.93E-01
DNAJC15	1.22	1.12E-01	-1.12	8.68E-01	2.60	4.64E-03
ANXA11	1.22	1.12E-01	1.26	1.05E-01	0.79	2.14E-01
PPP2R1B	1.22	1.12E-01	1.69	4.55E-02	0.75	2.27E-01
TNKS1BP1	1.22	1.12E-01	-0.77	7.79E-01	1.60	5.46E-02
VIP	1.22	1.12E-01	-0.05	5.21E-01	0.61	2.70E-01
KRTAP2-2	1.22	1.12E-01	1.20	1.16E-01	0.05	4.80E-01
KIF26B	1.22	1.12E-01	-0.29	6.14E-01	1.00	1.59E-01
SLC2A6	1.22	1.12E-01	-1.21	8.88E-01	1.24	1.08E-01
PAQR4	1.22	1.12E-01	0.81	2.08E-01	0.57	2.84E-01
NDUF57	1.22	1.12E-01	2.02	2.16E-02	-0.58	7.20E-01
ZNF234	1.22	1.12E-01	1.61	5.42E-02	0.03	4.87E-01
SLPI	1.22	1.12E-01	1.03	1.51E-01	-0.38	6.49E-01
G6PC2	1.21	1.12E-01	-0.28	6.11E-01	1.36	8.62E-02
TRIM2	1.21	1.12E-01	1.15	1.25E-01	0.83	2.02E-01
DLG2	1.21	1.12E-01	1.24	1.08E-01	-0.13	5.50E-01
C3orf58	1.21	1.12E-01	1.09	1.38E-01	-0.09	5.34E-01
C7orf55-LUC7L2	1.21	1.12E-01	0.42	3.36E-01	0.52	3.03E-01
AKR1C3	1.21	1.13E-01	0.91	1.82E-01	-1.06	8.54E-01
ZNF569	1.21	1.13E-01	0.77	2.22E-01	-0.24	5.94E-01
ZNF518B	1.21	1.13E-01	-0.13	5.53E-01	1.28	1.01E-01
ASB4	1.21	1.13E-01	2.22	1.31E-02	-0.71	7.60E-01
C3orf55	1.21	1.13E-01	1.41	7.99E-02	0.32	3.75E-01
FAM186B	1.21	1.13E-01	0.75	2.26E-01	0.13	4.50E-01
NSF	1.21	1.13E-01	1.09	1.38E-01	0.25	3.99E-01

EBF3	1.21	1.13E-01	0.96	1.68E-01	1.63	5.12E-02
MED19	1.21	1.13E-01	1.59	5.61E-02	-0.10	5.41E-01
C10orf128	1.21	1.13E-01	-0.99	8.38E-01	0.83	2.04E-01
C11orf80	1.21	1.13E-01	1.52	6.39E-02	-0.16	5.64E-01
CHD6	1.21	1.13E-01	1.58	5.75E-02	0.39	3.49E-01
REEP4	1.21	1.13E-01	1.26	1.03E-01	0.27	3.95E-01
CXXC11	1.21	1.13E-01	0.05	4.79E-01	1.22	1.12E-01
RNF103-CHMP3	1.21	1.13E-01	0.30	3.84E-01	0.23	4.10E-01
SYT3	1.21	1.13E-01	0.64	2.62E-01	0.87	1.93E-01
PRNT	1.21	1.13E-01	1.24	1.08E-01	-0.60	7.26E-01
RABGGTB	1.21	1.13E-01	-0.38	6.49E-01	1.69	4.59E-02
NT5C3B	1.21	1.13E-01	1.53	6.34E-02	-0.44	6.71E-01
EPM2AIP1	1.21	1.14E-01	0.20	4.19E-01	0.94	1.73E-01
DNAJC11	1.21	1.14E-01	1.12	1.30E-01	0.45	3.25E-01
ACTR10	1.21	1.14E-01	0.61	2.70E-01	1.53	6.29E-02
TREM2	1.21	1.14E-01	0.31	3.80E-01	1.58	5.68E-02
GPR22	1.21	1.14E-01	1.38	8.45E-02	1.69	4.54E-02
ZNF521	1.21	1.14E-01	1.60	5.47E-02	1.91	2.82E-02
NRCAM	1.21	1.14E-01	1.66	4.89E-02	0.11	4.56E-01
LCLAT1	1.20	1.14E-01	1.10	1.36E-01	0.07	4.72E-01
MNT	1.20	1.14E-01	-0.01	5.04E-01	1.50	6.70E-02
DDC	1.20	1.14E-01	0.69	2.44E-01	0.59	2.79E-01
CNST	1.20	1.14E-01	1.61	5.41E-02	-1.63	9.48E-01
RNF2	1.20	1.15E-01	-0.58	7.19E-01	1.67	4.72E-02
CRYBA4	1.20	1.15E-01	1.79	3.67E-02	-0.16	5.64E-01
TMEM179	1.20	1.15E-01	-0.65	7.43E-01	1.54	6.23E-02
ACTA1	1.20	1.15E-01	-1.20	8.84E-01	1.95	2.53E-02
CLNK	1.20	1.15E-01	0.15	4.41E-01	0.82	2.06E-01
UNC13A	1.20	1.15E-01	0.06	4.74E-01	0.89	1.87E-01
BLACE	1.20	1.15E-01	1.33	9.11E-02	-0.67	7.50E-01
FAM187B	1.20	1.15E-01	2.06	1.96E-02	-0.70	7.57E-01

RNF19B	1.20	1.15E-01	-0.77	7.79E-01	1.56	5.99E-02
MBD2	1.20	1.15E-01	1.11	1.34E-01	-0.22	5.85E-01
PLD2	1.20	1.15E-01	1.39	8.22E-02	-0.24	5.94E-01
TNRC6B	1.20	1.15E-01	0.54	2.95E-01	0.51	3.05E-01
ZKSCAN7	1.20	1.15E-01	0.14	4.44E-01	1.17	1.22E-01
NUP210	1.20	1.15E-01	1.61	5.33E-02	-1.43	9.24E-01
KCNH8	1.20	1.15E-01	-1.24	8.93E-01	2.61	4.58E-03
CBX3	1.20	1.15E-01	-1.51	9.34E-01	1.99	2.36E-02
CHTF18	1.20	1.15E-01	1.69	4.53E-02	-0.42	6.64E-01
KIAA0319L	1.20	1.15E-01	0.29	3.84E-01	0.29	3.88E-01
TRAF5	1.20	1.15E-01	1.37	8.54E-02	-0.12	5.49E-01
BAG4	1.20	1.15E-01	-0.06	5.24E-01	2.87	2.07E-03
IRX6	1.20	1.15E-01	-1.28	8.99E-01	1.80	3.57E-02
SERPINF1	1.20	1.15E-01	0.41	3.41E-01	-0.02	5.09E-01
LARP6	1.20	1.15E-01	0.92	1.79E-01	-0.04	5.16E-01
ITCH	1.20	1.16E-01	0.69	2.44E-01	0.45	3.26E-01
TMEM246	1.20	1.16E-01	0.72	2.35E-01	0.16	4.35E-01
SCYL1	1.20	1.16E-01	0.78	2.17E-01	-0.31	6.21E-01
SYCE1	1.20	1.16E-01	1.82	3.44E-02	-1.27	8.98E-01
TLL1	1.20	1.16E-01	0.63	2.65E-01	1.78	3.73E-02
C2orf57	1.20	1.16E-01	1.25	1.07E-01	-0.06	5.23E-01
RNF138	1.20	1.16E-01	0.28	3.91E-01	0.45	3.26E-01
LRP4	1.20	1.16E-01	0.45	3.27E-01	1.43	7.70E-02
CCNH	1.20	1.16E-01	1.42	7.76E-02	-0.85	8.03E-01
SMOC1	1.20	1.16E-01	0.65	2.59E-01	-0.87	8.08E-01
IMPG1	1.20	1.16E-01	0.30	3.81E-01	-0.05	5.19E-01
VWA9	1.20	1.16E-01	2.43	7.47E-03	-0.34	6.32E-01
DPAGT1	1.19	1.16E-01	1.83	3.40E-02	-1.41	9.21E-01
YTHDC2	1.19	1.16E-01	0.51	3.04E-01	0.27	3.94E-01
KATNAL2	1.19	1.16E-01	0.59	2.78E-01	-0.17	5.68E-01
MYO1A	1.19	1.16E-01	-0.10	5.42E-01	1.56	5.88E-02

PRPF40B	1.19	1.16E-01	0.89	1.87E-01	0.01	4.94E-01
POSTN	1.19	1.16E-01	0.80	2.12E-01	-0.39	6.53E-01
FUT8	1.19	1.16E-01	1.70	4.50E-02	-0.03	5.12E-01
AP006621.5	1.19	1.17E-01	0.42	3.39E-01	0.03	4.87E-01
MCMBP	1.19	1.17E-01	0.98	1.63E-01	0.43	3.32E-01
PEX11B	1.19	1.17E-01	0.38	3.52E-01	1.24	1.08E-01
TLE1	1.19	1.17E-01	2.30	1.08E-02	-0.50	6.93E-01
TMEM68	1.19	1.17E-01	-0.08	5.30E-01	0.99	1.62E-01
RAB38	1.19	1.17E-01	-1.89	9.71E-01	3.37	3.70E-04
RSPH3	1.19	1.17E-01	1.04	1.50E-01	0.03	4.89E-01
GPHA2	1.19	1.17E-01	0.58	2.81E-01	0.46	3.24E-01
OR2A25	1.19	1.17E-01	-0.21	5.84E-01	1.22	1.10E-01
ZNF770	1.19	1.17E-01	1.80	3.60E-02	0.79	2.15E-01
MARVELD3	1.19	1.17E-01	0.39	3.48E-01	1.26	1.04E-01
GPR26	1.19	1.17E-01	0.29	3.85E-01	0.37	3.55E-01
ALS2CR11	1.19	1.17E-01	-0.22	5.87E-01	1.33	9.15E-02
PSME4	1.19	1.17E-01	1.03	1.52E-01	-0.60	7.25E-01
GUCD1	1.19	1.17E-01	0.24	4.06E-01	0.89	1.86E-01
TRPM6	1.19	1.17E-01	0.79	2.14E-01	2.06	1.95E-02
BARHL2	1.19	1.17E-01	1.02	1.53E-01	1.55	6.10E-02
SMCO2	1.19	1.17E-01	-0.08	5.31E-01	3.49	2.43E-04
CPE	1.19	1.17E-01	0.16	4.37E-01	1.26	1.04E-01
GRAMD3	1.19	1.17E-01	1.26	1.04E-01	1.47	7.11E-02
SLC12A8	1.19	1.17E-01	1.68	4.67E-02	1.44	7.45E-02
KIF15	1.19	1.17E-01	0.66	2.54E-01	0.36	3.58E-01
ZNF503	1.19	1.17E-01	1.10	1.36E-01	-0.04	5.17E-01
GLDN	1.19	1.18E-01	0.16	4.38E-01	1.20	1.15E-01
OR2V2	1.19	1.18E-01	1.09	1.37E-01	-0.38	6.49E-01
C11orf45	1.19	1.18E-01	0.53	2.98E-01	0.43	3.34E-01
SLC35E2	1.19	1.18E-01	0.91	1.81E-01	0.16	4.36E-01
TTBK1	1.19	1.18E-01	-1.06	8.55E-01	1.86	3.17E-02



SDC3	1.19	1.18E-01	0.19	4.24E-01	0.56	2.86E-01
NAALADL2	1.19	1.18E-01	1.50	6.71E-02	1.50	6.73E-02
SLC22A15	1.19	1.18E-01	0.34	3.66E-01	0.30	3.81E-01
CDK11B	1.19	1.18E-01	1.43	7.70E-02	-0.64	7.39E-01
RCAN3	1.18	1.18E-01	-0.21	5.84E-01	1.46	7.24E-02
C1QTNF4	1.18	1.18E-01	0.83	2.03E-01	0.53	3.00E-01
ZBTB7A	1.18	1.18E-01	-1.87	9.70E-01	2.67	3.76E-03
FAM154B	1.18	1.18E-01	-0.49	6.89E-01	1.22	1.12E-01
MYLPF	1.18	1.18E-01	0.87	1.92E-01	0.53	3.00E-01
CIDEA	1.18	1.18E-01	-0.55	7.08E-01	1.35	8.81E-02
HSPA4L	1.18	1.18E-01	1.06	1.44E-01	0.26	3.99E-01
PSPH	1.18	1.18E-01	1.29	9.83E-02	1.23	1.10E-01
C19orf60	1.18	1.18E-01	2.22	1.34E-02	-0.95	8.30E-01
TPTE2	1.18	1.18E-01	1.21	1.12E-01	0.47	3.20E-01
NAIP	1.18	1.19E-01	1.95	2.55E-02	-0.80	7.89E-01
SLC38A8	1.18	1.19E-01	-0.40	6.55E-01	1.45	7.40E-02
UBALD2	1.18	1.19E-01	1.24	1.07E-01	0.55	2.91E-01
GPS2	1.18	1.19E-01	1.14	1.28E-01	-0.36	6.39E-01
EPB41	1.18	1.19E-01	0.14	4.43E-01	0.26	3.96E-01
IGF2BP3	1.18	1.19E-01	1.03	1.52E-01	0.42	3.38E-01
XPR1	1.18	1.19E-01	0.90	1.85E-01	1.61	5.32E-02
SALL3	1.18	1.19E-01	-0.28	6.10E-01	1.28	1.00E-01
DHFRL1	1.18	1.19E-01	0.32	3.73E-01	0.25	4.02E-01
CASP5	1.18	1.19E-01	-0.15	5.58E-01	0.52	3.02E-01
RRP1	1.18	1.19E-01	0.00	4.98E-01	1.40	8.03E-02
SIGMAR1	1.18	1.19E-01	1.25	1.05E-01	0.81	2.09E-01
DNASE2B	1.18	1.19E-01	-0.02	5.10E-01	1.21	1.14E-01
BAG5	1.18	1.19E-01	-0.18	5.70E-01	1.62	5.30E-02
ORM2	1.18	1.19E-01	0.86	1.96E-01	0.11	4.57E-01
CRLF1	1.18	1.19E-01	2.21	1.36E-02	-0.73	7.66E-01
EYA2	1.18	1.19E-01	1.61	5.37E-02	0.11	4.54E-01

PROSER2	1.18	1.20E-01	1.21	1.13E-01	-0.89	8.13E-01
KIAA0907	1.18	1.20E-01	1.26	1.04E-01	-0.13	5.53E-01
MOV10	1.18	1.20E-01	1.48	6.91E-02	-0.84	7.99E-01
IDH1	1.18	1.20E-01	1.46	7.19E-02	-0.38	6.49E-01
GPR52	1.18	1.20E-01	0.88	1.90E-01	0.49	3.11E-01
U2AF1	1.18	1.20E-01	-0.84	7.99E-01	1.55	6.09E-02
B3GALT2	1.18	1.20E-01	0.23	4.10E-01	2.47	6.77E-03
TNNT1	1.18	1.20E-01	1.30	9.69E-02	-0.38	6.47E-01
TTI1	1.18	1.20E-01	0.83	2.03E-01	-0.40	6.57E-01
VPS8	1.18	1.20E-01	0.69	2.44E-01	-0.18	5.71E-01
OR6C65	1.18	1.20E-01	0.13	4.50E-01	1.34	8.94E-02
LCE1C	1.18	1.20E-01	-0.29	6.16E-01	1.45	7.31E-02
FMNL3	1.18	1.20E-01	1.04	1.50E-01	0.11	4.56E-01
KLHL42	1.18	1.20E-01	0.04	4.82E-01	0.41	3.40E-01
TNRC18	1.18	1.20E-01	0.26	3.98E-01	1.02	1.54E-01
POLR2M	1.17	1.20E-01	-0.21	5.82E-01	1.60	5.50E-02
COL27A1	1.17	1.20E-01	0.57	2.83E-01	-0.87	8.09E-01
SBK1	1.17	1.20E-01	-0.90	8.16E-01	1.98	2.38E-02
RXFP1	1.17	1.20E-01	0.79	2.15E-01	-0.27	6.07E-01
VWA5A	1.17	1.20E-01	2.45	7.17E-03	-0.98	8.37E-01
SOHLH2	1.17	1.20E-01	2.15	1.58E-02	-0.95	8.30E-01
CCDC169-SOHLH2	1.17	1.20E-01	2.15	1.58E-02	-0.95	8.30E-01
MYLK2	1.17	1.20E-01	-1.03	8.49E-01	2.33	9.80E-03
KLHL12	1.17	1.20E-01	-0.56	7.13E-01	1.10	1.36E-01
WNT16	1.17	1.20E-01	-0.33	6.30E-01	0.99	1.60E-01
DTX4	1.17	1.21E-01	1.38	8.40E-02	-0.71	7.62E-01
THUMPD3	1.17	1.21E-01	0.94	1.74E-01	0.62	2.69E-01
ITGAL	1.17	1.21E-01	1.44	7.53E-02	-1.47	9.29E-01
SLC17A4	1.17	1.21E-01	0.82	2.05E-01	-0.15	5.58E-01
NKIRAS2	1.17	1.21E-01	0.82	2.06E-01	0.27	3.94E-01
CCR5	1.17	1.21E-01	2.05	2.04E-02	-0.28	6.12E-01

RDH16	1.17	1.21E-01	-1.09	8.63E-01	1.83	3.38E-02
RP11-111M22.2	1.17	1.21E-01	0.51	3.04E-01	0.68	2.49E-01
OR11L1	1.17	1.21E-01	1.26	1.04E-01	-0.26	6.03E-01
MANEAL	1.17	1.21E-01	-0.98	8.37E-01	1.56	5.97E-02
C7orf60	1.17	1.21E-01	1.54	6.18E-02	-0.20	5.79E-01
CELF1	1.17	1.21E-01	1.94	2.65E-02	0.26	3.96E-01
SEC62	1.17	1.21E-01	0.84	2.01E-01	0.31	3.78E-01
FOXN3	1.17	1.21E-01	0.39	3.48E-01	0.71	2.39E-01
KCNIP3	1.17	1.21E-01	0.40	3.43E-01	0.74	2.28E-01
CCR7	1.17	1.21E-01	1.59	5.58E-02	-0.13	5.50E-01
COBL	1.17	1.21E-01	0.16	4.35E-01	0.96	1.69E-01
RAX2	1.17	1.21E-01	-0.47	6.80E-01	1.04	1.49E-01
PLEKHO1	1.17	1.21E-01	0.93	1.77E-01	-0.02	5.06E-01
DYRK3	1.17	1.21E-01	1.89	2.96E-02	-2.33	9.90E-01
NHP2	1.17	1.22E-01	0.84	1.99E-01	-0.06	5.23E-01
ATP9B	1.17	1.22E-01	1.56	5.89E-02	0.18	4.30E-01
NAGS	1.17	1.22E-01	1.39	8.27E-02	-1.17	8.79E-01
GNL3	1.17	1.22E-01	0.67	2.51E-01	0.30	3.84E-01
TRA2B	1.17	1.22E-01	0.76	2.22E-01	1.19	1.17E-01
ASPDH	1.17	1.22E-01	1.77	3.85E-02	-0.38	6.49E-01
ABCB9	1.17	1.22E-01	0.67	2.50E-01	0.01	4.94E-01
DOK1	1.17	1.22E-01	0.46	3.24E-01	0.51	3.06E-01
HOXC11	1.17	1.22E-01	-0.58	7.21E-01	1.37	8.53E-02
SH3TC1	1.17	1.22E-01	1.63	5.11E-02	-0.06	5.25E-01
GBA	1.17	1.22E-01	0.27	3.95E-01	0.63	2.66E-01
SLC2A1	1.17	1.22E-01	0.33	3.71E-01	0.73	2.32E-01
PLEKHD1	1.17	1.22E-01	0.49	3.11E-01	0.71	2.39E-01
CYP2E1	1.16	1.22E-01	1.74	4.06E-02	-0.68	7.51E-01
TMEM232	1.16	1.22E-01	-0.88	8.10E-01	2.37	8.90E-03
ANK2	1.16	1.22E-01	0.32	3.74E-01	0.40	3.45E-01
MATN2	1.16	1.22E-01	2.70	3.48E-03	-0.55	7.09E-01

KMT2A	1.16	1.22E-01	0.47	3.19E-01	0.50	3.10E-01
WASF2	1.16	1.23E-01	0.07	4.71E-01	0.93	1.76E-01
LRP10	1.16	1.23E-01	0.80	2.10E-01	0.30	3.81E-01
CHST9	1.16	1.23E-01	2.61	4.57E-03	-0.83	7.97E-01
SCNM1	1.16	1.23E-01	0.48	3.15E-01	-0.46	6.76E-01
SLIT1	1.16	1.23E-01	0.84	2.00E-01	0.19	4.23E-01
RP11-664D7.4	1.16	1.23E-01	1.25	1.06E-01	0.39	3.48E-01
C21orf49	1.16	1.23E-01	0.27	3.94E-01	1.15	1.26E-01
BTRC	1.16	1.23E-01	0.58	2.80E-01	0.29	3.86E-01
AC003101.1	1.16	1.23E-01	0.85	1.98E-01	0.05	4.79E-01
SPHAR	1.16	1.23E-01	-0.11	5.46E-01	1.09	1.37E-01
OR2G6	1.16	1.23E-01	0.37	3.55E-01	0.69	2.45E-01
EEF1E1-BLOC1S5	1.16	1.23E-01	2.16	1.56E-02	0.10	4.61E-01
RASGEF1C	1.16	1.23E-01	2.42	7.86E-03	-1.97	9.75E-01
MAN1A1	1.16	1.23E-01	-0.09	5.35E-01	0.47	3.19E-01
KRT82	1.16	1.23E-01	-0.47	6.82E-01	1.02	1.53E-01
NCSTN	1.16	1.23E-01	0.86	1.94E-01	0.42	3.38E-01
ZBTB14	1.16	1.23E-01	0.35	3.63E-01	0.42	3.39E-01
MAP2K6	1.16	1.24E-01	0.67	2.52E-01	-0.08	5.33E-01
CNRIP1	1.16	1.24E-01	1.17	1.20E-01	-1.01	8.43E-01
ACCS	1.16	1.24E-01	2.18	1.45E-02	-0.15	5.58E-01
ILDR2	1.16	1.24E-01	1.26	1.04E-01	-1.11	8.66E-01
ZFP14	1.16	1.24E-01	1.58	5.66E-02	0.86	1.95E-01
VEGFA	1.16	1.24E-01	-1.55	9.39E-01	2.22	1.32E-02
WDR16	1.16	1.24E-01	1.48	6.93E-02	0.96	1.68E-01
C12orf36	1.16	1.24E-01	0.10	4.58E-01	1.64	5.06E-02
RRAGD	1.16	1.24E-01	-0.34	6.33E-01	0.64	2.60E-01
MMP16	1.16	1.24E-01	0.46	3.23E-01	-1.18	8.82E-01
STAT4	1.16	1.24E-01	-0.11	5.44E-01	1.88	2.99E-02
DPP8	1.16	1.24E-01	2.29	1.11E-02	-0.07	5.30E-01
ZNF19	1.15	1.24E-01	-0.81	7.91E-01	1.72	4.26E-02

DTNB	1.15	1.24E-01	0.70	2.42E-01	0.94	1.74E-01
HPSE	1.15	1.24E-01	2.76	2.93E-03	0.29	3.84E-01
TUBAL3	1.15	1.24E-01	0.90	1.83E-01	-0.71	7.61E-01
SSBP4	1.15	1.24E-01	-0.13	5.52E-01	1.19	1.16E-01
NPY1R	1.15	1.24E-01	0.69	2.45E-01	0.62	2.66E-01
WFDC11	1.15	1.24E-01	0.60	2.73E-01	0.19	4.24E-01
PPP1R36	1.15	1.25E-01	0.61	2.73E-01	0.61	2.72E-01
PSME3	1.15	1.25E-01	0.27	3.92E-01	0.71	2.39E-01
NUP160	1.15	1.25E-01	1.84	3.30E-02	-0.76	7.77E-01
RPS11	1.15	1.25E-01	0.25	4.03E-01	1.13	1.30E-01
ARL15	1.15	1.25E-01	0.73	2.32E-01	0.07	4.71E-01
CITED2	1.15	1.25E-01	1.97	2.46E-02	0.53	2.98E-01
USP46	1.15	1.25E-01	0.09	4.64E-01	0.88	1.88E-01
TTC39C	1.15	1.25E-01	1.68	4.65E-02	1.75	4.02E-02
DUSP12	1.15	1.25E-01	0.55	2.92E-01	0.06	4.75E-01
CPEB1	1.15	1.25E-01	1.07	1.42E-01	1.50	6.64E-02
MAPKAPK3	1.15	1.25E-01	0.77	2.19E-01	0.04	4.84E-01
ODF3	1.15	1.25E-01	1.51	6.57E-02	-0.45	6.74E-01
NKX2-3	1.15	1.25E-01	1.27	1.02E-01	0.32	3.76E-01
RPP38	1.15	1.25E-01	0.75	2.27E-01	-0.65	7.42E-01
NCF4	1.15	1.26E-01	-0.48	6.83E-01	1.53	6.33E-02
FAM177A1	1.15	1.26E-01	0.31	3.77E-01	0.74	2.29E-01
GIN1	1.15	1.26E-01	0.50	3.07E-01	0.65	2.58E-01
PPP2R3A	1.15	1.26E-01	2.33	9.97E-03	-1.21	8.87E-01
MYADML2	1.15	1.26E-01	2.23	1.30E-02	-0.50	6.93E-01
SPDYE1	1.15	1.26E-01	-0.15	5.60E-01	1.46	7.17E-02
NPHS2	1.15	1.26E-01	0.36	3.61E-01	0.57	2.83E-01
NOS2	1.15	1.26E-01	-0.09	5.37E-01	2.44	7.43E-03
DMRTB1	1.15	1.26E-01	0.48	3.16E-01	0.95	1.71E-01
CCR9	1.15	1.26E-01	-0.01	5.02E-01	0.60	2.73E-01
WT1	1.15	1.26E-01	-0.18	5.70E-01	1.35	8.78E-02

C11orf21	1.15	1.26E-01	0.80	2.13E-01	-0.52	6.99E-01
RPLP1	1.15	1.26E-01	1.35	8.82E-02	0.25	4.01E-01
EML1	1.14	1.26E-01	0.93	1.77E-01	-0.93	8.24E-01
SP1	1.14	1.26E-01	-0.05	5.19E-01	1.01	1.56E-01
BLOC1S2	1.14	1.26E-01	0.66	2.56E-01	0.35	3.65E-01
CGN	1.14	1.26E-01	0.81	2.08E-01	0.52	3.03E-01
CRLS1	1.14	1.27E-01	0.86	1.94E-01	0.52	3.03E-01
RNPEP	1.14	1.27E-01	0.02	4.92E-01	0.62	2.67E-01
KHDRBS2	1.14	1.27E-01	-0.36	6.41E-01	1.51	6.60E-02
IFI27L2	1.14	1.27E-01	-1.19	8.84E-01	1.98	2.40E-02
MSLN	1.14	1.27E-01	1.10	1.35E-01	-0.21	5.82E-01
KCNK13	1.14	1.27E-01	0.23	4.08E-01	-0.35	6.37E-01
RPS26	1.14	1.27E-01	1.13	1.29E-01	1.96	2.50E-02
WASF3	1.14	1.27E-01	0.81	2.10E-01	0.91	1.83E-01
IGSF3	1.14	1.27E-01	0.38	3.54E-01	0.17	4.33E-01
NUP214	1.14	1.27E-01	1.39	8.28E-02	-0.81	7.90E-01
TRIM4	1.14	1.27E-01	1.53	6.35E-02	-0.78	7.82E-01
GLTSCR1L	1.14	1.27E-01	-0.74	7.69E-01	1.71	4.37E-02
PSEN1	1.14	1.27E-01	0.91	1.82E-01	0.42	3.36E-01
ZNF66	1.14	1.27E-01	0.39	3.49E-01	0.34	3.66E-01
AP1G1	1.14	1.27E-01	-0.09	5.35E-01	1.62	5.25E-02
VRK1	1.14	1.27E-01	1.36	8.74E-02	0.59	2.77E-01
KANSL1	1.14	1.27E-01	1.76	3.94E-02	-1.20	8.84E-01
PDXDC1	1.14	1.27E-01	1.55	6.04E-02	-0.16	5.63E-01
GFRA1	1.14	1.27E-01	2.07	1.94E-02	-1.37	9.14E-01
SDIM1	1.14	1.27E-01	0.21	4.17E-01	0.90	1.85E-01
EIF3A	1.14	1.28E-01	-0.48	6.84E-01	1.28	9.99E-02
CTSH	1.14	1.28E-01	0.76	2.24E-01	0.44	3.30E-01
ABCA4	1.14	1.28E-01	-0.78	7.83E-01	1.34	8.96E-02
GRINA	1.14	1.28E-01	2.33	9.81E-03	-0.65	7.43E-01
RAD51AP2	1.14	1.28E-01	-1.43	9.23E-01	2.11	1.73E-02

PRPF31	1.14	1.28E-01	0.27	3.93E-01	-0.12	5.47E-01
NPAS3	1.14	1.28E-01	0.67	2.50E-01	1.92	2.76E-02
TRERF1	1.14	1.28E-01	-0.15	5.58E-01	0.98	1.64E-01
NSG1	1.14	1.28E-01	-0.48	6.84E-01	0.44	3.29E-01
MTHFD1L	1.14	1.28E-01	1.23	1.10E-01	-0.53	7.01E-01
MLXIP	1.14	1.28E-01	1.26	1.04E-01	-0.40	6.56E-01
MTRNR2L4	1.14	1.28E-01	-0.03	5.10E-01	1.00	1.59E-01
GNAI2	1.14	1.28E-01	2.76	2.87E-03	-0.60	7.25E-01
MGST1	1.14	1.28E-01	1.19	1.17E-01	-0.82	7.93E-01
PYGB	1.14	1.28E-01	0.19	4.25E-01	1.01	1.56E-01
NR1H3	1.14	1.28E-01	0.63	2.66E-01	0.85	1.97E-01
NEURL1B	1.14	1.28E-01	0.01	4.97E-01	0.37	3.55E-01
SLC52A3	1.14	1.28E-01	-0.50	6.90E-01	1.57	5.78E-02
PROM2	1.14	1.28E-01	0.67	2.50E-01	0.59	2.76E-01
SERINC2	1.13	1.28E-01	-0.20	5.80E-01	0.76	2.23E-01
AKAP8	1.13	1.28E-01	2.15	1.57E-02	-0.51	6.96E-01
SLC30A6	1.13	1.28E-01	-0.65	7.41E-01	1.59	5.58E-02
SCGB1D1	1.13	1.28E-01	1.66	4.88E-02	-0.89	8.12E-01
CTSW	1.13	1.28E-01	1.22	1.12E-01	-0.37	6.44E-01
TACC1	1.13	1.29E-01	1.10	1.36E-01	0.23	4.07E-01
PPIH	1.13	1.29E-01	-0.06	5.22E-01	0.43	3.33E-01
RCE1	1.13	1.29E-01	1.33	9.14E-02	0.11	4.55E-01
TMEM176A	1.13	1.29E-01	-0.39	6.50E-01	0.82	2.06E-01
LRRFIP2	1.13	1.29E-01	0.33	3.71E-01	0.68	2.49E-01
TYRO3	1.13	1.29E-01	1.02	1.53E-01	-0.45	6.74E-01
RAX	1.13	1.29E-01	2.50	6.24E-03	-0.33	6.31E-01
PSKH2	1.13	1.29E-01	0.33	3.72E-01	0.11	4.56E-01
KIAA1324	1.13	1.29E-01	-0.51	6.96E-01	1.09	1.38E-01
RALYL	1.13	1.29E-01	0.30	3.84E-01	0.22	4.12E-01
PRSS54	1.13	1.29E-01	0.67	2.52E-01	0.63	2.65E-01
SALL2	1.13	1.29E-01	0.48	3.17E-01	0.29	3.86E-01

THEMIS	1.13	1.29E-01	0.03	4.90E-01	0.23	4.08E-01
ZNF501	1.13	1.29E-01	1.03	1.52E-01	-0.35	6.36E-01
ARL3	1.13	1.29E-01	1.42	7.76E-02	0.79	2.15E-01
TAS2R20	1.13	1.29E-01	-0.69	7.56E-01	1.39	8.23E-02
CDH23	1.13	1.29E-01	2.08	1.90E-02	-0.35	6.35E-01
KIFC1	1.13	1.29E-01	1.06	1.45E-01	-0.37	6.45E-01
WDR61	1.13	1.29E-01	-0.20	5.79E-01	2.67	3.83E-03
RP11-552I14.1	1.13	1.29E-01	-0.06	5.22E-01	1.25	1.05E-01
RP11-463J10.2	1.13	1.29E-01	1.49	6.76E-02	-0.55	7.10E-01
KRT19	1.13	1.29E-01	0.88	1.90E-01	0.03	4.89E-01
METTL7B	1.13	1.29E-01	2.54	5.59E-03	-1.37	9.14E-01
MAF	1.13	1.29E-01	-0.79	7.84E-01	1.16	1.24E-01
OR5K2	1.13	1.30E-01	0.05	4.79E-01	1.08	1.39E-01
PLCB2	1.13	1.30E-01	0.00	5.01E-01	1.11	1.34E-01
AL590708.2	1.13	1.30E-01	1.20	1.14E-01	0.01	4.97E-01
TTLL1	1.13	1.30E-01	0.33	3.69E-01	1.50	6.68E-02
SLC6A13	1.13	1.30E-01	1.17	1.20E-01	-0.12	5.49E-01
DMRT2	1.13	1.30E-01	1.18	1.19E-01	0.28	3.91E-01
PRRC2C	1.13	1.30E-01	0.27	3.93E-01	0.37	3.56E-01
IGFLR1	1.13	1.30E-01	-0.94	8.27E-01	2.03	2.12E-02
EEF1D	1.13	1.30E-01	0.70	2.43E-01	0.69	2.45E-01
EID3	1.13	1.30E-01	0.42	3.39E-01	1.02	1.53E-01
HSPA8	1.13	1.30E-01	0.59	2.79E-01	0.68	2.47E-01
MDN1	1.13	1.30E-01	-0.21	5.85E-01	1.06	1.45E-01
MRM1	1.12	1.30E-01	0.57	2.84E-01	0.43	3.35E-01
CSMD1	1.12	1.30E-01	1.22	1.12E-01	-0.34	6.35E-01
ATF7IP	1.12	1.30E-01	-0.56	7.11E-01	2.57	5.06E-03
RGS9BP	1.12	1.31E-01	1.48	6.94E-02	0.96	1.68E-01
ITGB1BP1	1.12	1.31E-01	0.00	5.01E-01	1.48	7.00E-02
CCAR2	1.12	1.31E-01	-0.75	7.74E-01	1.41	7.98E-02
SLC18A3	1.12	1.31E-01	1.20	1.15E-01	-0.49	6.89E-01



THSD7B	1.12	1.31E-01	0.84	2.02E-01	1.42	7.80E-02
BOLL	1.12	1.31E-01	0.59	2.77E-01	0.60	2.73E-01
OR6C2	1.12	1.31E-01	0.08	4.68E-01	1.33	9.17E-02
ARFIP1	1.12	1.31E-01	-0.10	5.41E-01	0.56	2.87E-01
MPP4	1.12	1.31E-01	1.02	1.54E-01	-0.42	6.62E-01
MEX3C	1.12	1.31E-01	-0.72	7.65E-01	1.39	8.26E-02
ST3GAL3	1.12	1.31E-01	2.09	1.82E-02	-1.16	8.77E-01
EFHD1	1.12	1.31E-01	0.99	1.61E-01	0.09	4.63E-01
KRT5	1.12	1.31E-01	-0.32	6.24E-01	0.94	1.75E-01
ESPN	1.12	1.31E-01	2.16	1.52E-02	-1.24	8.92E-01
CRIPAK	1.12	1.31E-01	-0.10	5.41E-01	1.63	5.20E-02
ADAM2	1.12	1.31E-01	-0.36	6.41E-01	0.75	2.27E-01
OR2C1	1.12	1.32E-01	0.26	3.98E-01	0.49	3.12E-01
ITGB8	1.12	1.32E-01	-0.59	7.21E-01	1.55	6.04E-02
PKHD1	1.12	1.32E-01	-0.39	6.52E-01	0.95	1.71E-01
IMPACT	1.12	1.32E-01	-0.70	7.58E-01	1.97	2.43E-02
DYRK4	1.12	1.32E-01	0.80	2.12E-01	0.55	2.92E-01
SFT2D3	1.12	1.32E-01	-0.78	7.83E-01	1.36	8.73E-02
THAP3	1.12	1.32E-01	1.48	6.88E-02	0.24	4.04E-01
SLC4A8	1.12	1.32E-01	0.76	2.22E-01	0.25	4.01E-01
WNT3	1.12	1.32E-01	1.16	1.23E-01	-0.53	7.03E-01
CYB561	1.12	1.32E-01	-0.38	6.50E-01	1.33	9.11E-02
SCN11A	1.12	1.32E-01	0.06	4.75E-01	0.42	3.36E-01
DIDO1	1.11	1.33E-01	1.83	3.39E-02	-0.10	5.40E-01
SDCCAG3	1.11	1.33E-01	0.18	4.27E-01	0.24	4.04E-01
SHISA9	1.11	1.33E-01	0.08	4.68E-01	1.25	1.06E-01
OSBPL8	1.11	1.33E-01	-0.80	7.88E-01	1.45	7.35E-02
RASGRP2	1.11	1.33E-01	-0.43	6.66E-01	1.32	9.27E-02
NUCB2	1.11	1.33E-01	0.55	2.91E-01	0.85	1.97E-01
TP53BP1	1.11	1.33E-01	1.07	1.43E-01	1.24	1.08E-01
BCL2L10	1.11	1.33E-01	1.67	4.74E-02	-1.41	9.20E-01

OR5B3	1.11	1.33E-01	1.27	1.02E-01	0.05	4.80E-01
PSENN	1.11	1.33E-01	-0.01	5.03E-01	1.33	9.24E-02
RNASE10	1.11	1.33E-01	0.95	1.72E-01	-0.16	5.65E-01
BCAR1	1.11	1.33E-01	-0.65	7.41E-01	1.40	8.05E-02
IRF6	1.11	1.33E-01	-0.29	6.14E-01	1.12	1.31E-01
HNF4G	1.11	1.33E-01	-1.12	8.69E-01	2.33	9.89E-03
RSAD1	1.11	1.33E-01	1.79	3.65E-02	-1.68	9.53E-01
TPSD1	1.11	1.33E-01	0.58	2.79E-01	0.40	3.46E-01
SLC11A1	1.11	1.33E-01	1.44	7.54E-02	-1.07	8.58E-01
CHRN3	1.11	1.33E-01	-0.11	5.44E-01	1.38	8.36E-02
AP2A2	1.11	1.33E-01	0.24	4.04E-01	0.92	1.78E-01
PEX6	1.11	1.33E-01	0.78	2.19E-01	0.18	4.27E-01
C3orf20	1.11	1.33E-01	0.29	3.85E-01	0.23	4.11E-01
MYT1L	1.11	1.34E-01	-0.46	6.77E-01	1.97	2.45E-02
GMCL1	1.11	1.34E-01	1.54	6.19E-02	0.39	3.49E-01
ANXA2	1.11	1.34E-01	1.88	3.04E-02	-0.48	6.85E-01
FND5	1.11	1.34E-01	0.02	4.91E-01	0.87	1.93E-01
FAM3C	1.11	1.34E-01	-0.41	6.57E-01	1.16	1.22E-01
WDR87	1.11	1.34E-01	-0.14	5.57E-01	0.67	2.50E-01
OR1411	1.11	1.34E-01	2.17	1.50E-02	-0.67	7.49E-01
MRPS24	1.11	1.34E-01	0.69	2.44E-01	0.20	4.23E-01
PTGIR	1.11	1.34E-01	0.79	2.13E-01	0.35	3.64E-01
MMD2	1.11	1.34E-01	0.19	4.25E-01	1.64	5.05E-02
TMEM255B	1.11	1.34E-01	1.13	1.30E-01	-0.06	5.24E-01
DGAT2	1.11	1.34E-01	0.64	2.60E-01	0.30	3.81E-01
SES3	1.11	1.34E-01	2.12	1.71E-02	0.08	4.69E-01
TMEM178B	1.11	1.34E-01	0.84	2.00E-01	-0.29	6.16E-01
DPF1	1.11	1.34E-01	1.27	1.03E-01	-1.10	8.64E-01
ZNF646	1.11	1.34E-01	1.96	2.49E-02	-0.34	6.32E-01
ETS1	1.11	1.34E-01	-0.73	7.68E-01	0.80	2.10E-01
FCGRT	1.11	1.34E-01	0.81	2.10E-01	0.57	2.85E-01

LDLRAD3	1.11	1.34E-01	-0.46	6.79E-01	2.08	1.89E-02
ITGB4	1.11	1.34E-01	0.63	2.63E-01	1.65	4.96E-02
HTT	1.11	1.34E-01	2.20	1.40E-02	-0.20	5.80E-01
HMGB2	1.11	1.35E-01	2.52	5.92E-03	-0.06	5.22E-01
POLM	1.10	1.35E-01	1.15	1.24E-01	-0.27	6.08E-01
KRT15	1.10	1.35E-01	0.74	2.30E-01	-0.05	5.20E-01
OR8B4	1.10	1.35E-01	0.94	1.73E-01	-0.80	7.89E-01
CEP170B	1.10	1.35E-01	-1.09	8.61E-01	1.47	7.05E-02
SERF2	1.10	1.35E-01	1.60	5.53E-02	-0.03	5.10E-01
DYRK1B	1.10	1.35E-01	3.24	6.03E-04	0.68	2.48E-01
HSH2D	1.10	1.35E-01	-0.88	8.10E-01	1.20	1.14E-01
RPL6	1.10	1.35E-01	-0.42	6.63E-01	1.06	1.44E-01
RCOR1	1.10	1.35E-01	0.54	2.94E-01	-0.20	5.79E-01
PYCR1	1.10	1.35E-01	2.14	1.62E-02	-0.50	6.90E-01
OR5R1	1.10	1.36E-01	1.14	1.28E-01	-0.79	7.85E-01
MFAP1	1.10	1.36E-01	1.61	5.42E-02	-0.09	5.36E-01
SP110	1.10	1.36E-01	0.12	4.52E-01	1.18	1.19E-01
C15orf39	1.10	1.36E-01	1.85	3.24E-02	-1.71	9.57E-01
COQ4	1.10	1.36E-01	1.17	1.22E-01	1.36	8.69E-02
ARHGAP1	1.10	1.36E-01	0.06	4.76E-01	0.81	2.09E-01
KIAA2018	1.10	1.36E-01	1.64	5.08E-02	-0.60	7.26E-01
DMXL2	1.10	1.36E-01	-0.49	6.89E-01	1.54	6.18E-02
KLHL26	1.10	1.36E-01	1.58	5.66E-02	0.13	4.48E-01
RABGEF1	1.10	1.36E-01	1.61	5.37E-02	0.46	3.21E-01
FBXL7	1.10	1.36E-01	2.09	1.85E-02	-0.78	7.81E-01
C3orf49	1.10	1.36E-01	1.19	1.18E-01	1.87	3.05E-02
TEKT3	1.10	1.36E-01	0.88	1.90E-01	0.86	1.95E-01
APOL3	1.10	1.36E-01	1.59	5.55E-02	0.86	1.96E-01
OR52H1	1.10	1.36E-01	-0.13	5.52E-01	0.91	1.80E-01
TMEM107	1.10	1.36E-01	1.06	1.44E-01	0.92	1.78E-01
INS-IGF2	1.10	1.36E-01	0.90	1.85E-01	-0.26	6.01E-01

LRRC3B	1.10	1.36E-01	1.65	4.96E-02	0.34	3.68E-01
UBL4B	1.10	1.36E-01	-0.58	7.20E-01	1.48	6.97E-02
NKPD1	1.10	1.36E-01	-1.56	9.40E-01	2.42	7.86E-03
TTLL4	1.10	1.37E-01	-0.97	8.33E-01	1.92	2.74E-02
RANBP1	1.10	1.37E-01	0.54	2.95E-01	1.79	3.69E-02
FKBP1B	1.10	1.37E-01	1.19	1.17E-01	-0.74	7.71E-01
TST	1.10	1.37E-01	0.96	1.68E-01	-0.72	7.65E-01
PACRG	1.09	1.37E-01	-0.27	6.06E-01	0.33	3.72E-01
TENM2	1.09	1.37E-01	0.98	1.63E-01	-0.82	7.95E-01
PPP1R17	1.09	1.37E-01	0.50	3.10E-01	1.22	1.11E-01
FOXO3	1.09	1.37E-01	-0.21	5.84E-01	1.14	1.28E-01
YPEL5	1.09	1.37E-01	-0.27	6.07E-01	0.79	2.15E-01
TARSL2	1.09	1.37E-01	0.90	1.84E-01	-0.31	6.23E-01
ZG16B	1.09	1.37E-01	0.79	2.13E-01	0.10	4.60E-01
MANBAL	1.09	1.37E-01	-0.25	6.00E-01	1.05	1.48E-01
POGK	1.09	1.37E-01	0.95	1.72E-01	0.31	3.77E-01
PCOLCE2	1.09	1.37E-01	-0.50	6.91E-01	2.87	2.03E-03
ZDHHCS	1.09	1.37E-01	1.43	7.62E-02	0.49	3.11E-01
ACPP	1.09	1.37E-01	0.57	2.85E-01	-0.15	5.61E-01
RTN4IP1	1.09	1.37E-01	1.39	8.27E-02	-0.74	7.69E-01
CPPED1	1.09	1.37E-01	0.77	2.20E-01	-0.54	7.05E-01
TMEM126A	1.09	1.37E-01	0.79	2.14E-01	0.43	3.35E-01
PRPH	1.09	1.37E-01	1.85	3.24E-02	-1.80	9.64E-01
PTPRC	1.09	1.37E-01	-0.65	7.42E-01	1.14	1.28E-01
PSMD14	1.09	1.37E-01	0.86	1.95E-01	0.26	3.97E-01
ZNF839	1.09	1.37E-01	0.79	2.14E-01	-0.17	5.66E-01
OSMR	1.09	1.38E-01	1.02	1.55E-01	-0.53	7.02E-01
CCL7	1.09	1.38E-01	0.57	2.85E-01	0.39	3.49E-01
CHPF2	1.09	1.38E-01	0.42	3.37E-01	0.33	3.72E-01
TMEM196	1.09	1.38E-01	-0.39	6.52E-01	1.03	1.51E-01
FAM98A	1.09	1.38E-01	0.51	3.05E-01	0.34	3.68E-01

NTAN1	1.09	1.38E-01	1.26	1.04E-01	0.02	4.91E-01
DEGS2	1.09	1.38E-01	1.94	2.60E-02	-0.87	8.09E-01
MED17	1.09	1.38E-01	0.81	2.08E-01	0.28	3.92E-01
MRPL20	1.09	1.38E-01	0.66	2.54E-01	0.29	3.88E-01
NUDT22	1.09	1.38E-01	-0.28	6.10E-01	1.12	1.32E-01
LMO7	1.09	1.38E-01	2.21	1.34E-02	-1.86	9.69E-01
GLRX5	1.09	1.38E-01	-0.41	6.59E-01	0.89	1.86E-01
C9orf116	1.09	1.38E-01	0.57	2.83E-01	0.41	3.42E-01
ABL2	1.09	1.38E-01	-0.03	5.13E-01	0.61	2.69E-01
SLC6A6	1.09	1.38E-01	1.09	1.37E-01	-0.56	7.12E-01
APOL4	1.09	1.38E-01	0.17	4.34E-01	0.56	2.87E-01
OR2G2	1.09	1.38E-01	1.43	7.61E-02	-0.77	7.78E-01
DUOXA1	1.09	1.38E-01	1.32	9.30E-02	-0.61	7.30E-01
FDX1	1.09	1.39E-01	1.12	1.32E-01	-0.32	6.26E-01
CCDC169	1.09	1.39E-01	1.99	2.35E-02	-0.87	8.08E-01
GBE1	1.09	1.39E-01	2.36	9.23E-03	-0.84	8.01E-01
CDC37	1.09	1.39E-01	-0.68	7.52E-01	1.76	3.89E-02
CDC42BPG	1.09	1.39E-01	-0.54	7.06E-01	1.32	9.38E-02
HAGHL	1.09	1.39E-01	1.10	1.36E-01	-0.43	6.67E-01
N4BP3	1.09	1.39E-01	0.99	1.62E-01	1.29	9.84E-02
SLC23A3	1.09	1.39E-01	0.25	4.00E-01	1.13	1.28E-01
MRPL37	1.08	1.39E-01	0.66	2.53E-01	0.48	3.17E-01
SYT6	1.08	1.39E-01	-0.53	7.03E-01	-0.19	5.77E-01
ENPP2	1.08	1.39E-01	0.04	4.83E-01	0.96	1.68E-01
PCDH17	1.08	1.39E-01	2.61	4.53E-03	-0.13	5.50E-01
RFPL3	1.08	1.39E-01	0.16	4.35E-01	1.34	8.94E-02
PCDH1	1.08	1.39E-01	1.72	4.25E-02	0.30	3.82E-01
SLC25A18	1.08	1.39E-01	1.07	1.42E-01	-0.86	8.06E-01
NHEJ1	1.08	1.39E-01	0.29	3.84E-01	1.08	1.40E-01
SDC1	1.08	1.39E-01	-0.40	6.55E-01	1.75	3.97E-02
FCN3	1.08	1.39E-01	1.51	6.52E-02	1.41	7.95E-02

RRP36	1.08	1.39E-01	0.93	1.75E-01	0.28	3.91E-01
ZNF208	1.08	1.39E-01	2.82	2.43E-03	0.03	4.89E-01
TMEM52	1.08	1.39E-01	1.66	4.87E-02	0.37	3.57E-01
TFDP1	1.08	1.40E-01	-0.03	5.14E-01	1.13	1.28E-01
IRAK3	1.08	1.40E-01	1.06	1.45E-01	-0.87	8.08E-01
MRPL16	1.08	1.40E-01	2.08	1.90E-02	-0.47	6.81E-01
SVEP1	1.08	1.40E-01	0.67	2.51E-01	0.26	3.97E-01
HTR1D	1.08	1.40E-01	1.89	2.93E-02	0.31	3.79E-01
RP11-723G8.2	1.08	1.40E-01	0.79	2.15E-01	0.28	3.90E-01
PATL1	1.08	1.40E-01	1.24	1.08E-01	-0.48	6.84E-01
RILPL2	1.08	1.40E-01	0.38	3.53E-01	0.46	3.22E-01
TNIP2	1.08	1.40E-01	0.00	4.99E-01	0.53	2.98E-01
RAB36	1.08	1.40E-01	-0.62	7.31E-01	1.09	1.38E-01
TAGLN3	1.08	1.40E-01	0.35	3.64E-01	-0.31	6.22E-01
CREB1	1.08	1.40E-01	0.66	2.56E-01	1.22	1.12E-01
ZNF165	1.08	1.40E-01	0.37	3.54E-01	0.57	2.85E-01
TEX15	1.08	1.40E-01	1.02	1.53E-01	-0.23	5.92E-01
CMTR2	1.08	1.40E-01	1.25	1.06E-01	-1.14	8.72E-01
LCMT1	1.08	1.40E-01	0.58	2.81E-01	1.09	1.39E-01
PDHA2	1.08	1.40E-01	1.99	2.31E-02	-0.90	8.16E-01
DHX58	1.08	1.40E-01	0.85	1.97E-01	-0.32	6.26E-01
ZFYVE1	1.08	1.40E-01	0.96	1.69E-01	1.27	1.02E-01
AC079341.1	1.08	1.40E-01	0.82	2.06E-01	0.72	2.36E-01
TAF8	1.08	1.40E-01	-0.11	5.45E-01	1.16	1.23E-01
TMEM136	1.08	1.40E-01	0.70	2.42E-01	0.39	3.48E-01
RAP1GDS1	1.08	1.40E-01	0.99	1.61E-01	-0.22	5.86E-01
RPE	1.08	1.40E-01	1.28	1.00E-01	0.06	4.78E-01
CYB561D1	1.08	1.40E-01	-0.72	7.65E-01	2.59	4.75E-03
PPP4R4	1.08	1.40E-01	0.15	4.39E-01	1.56	5.96E-02
CYB5D2	1.08	1.40E-01	0.44	3.30E-01	0.57	2.83E-01
S BSPON	1.08	1.41E-01	0.46	3.21E-01	-0.17	5.67E-01

HIST1H2AA	1.08	1.41E-01	0.18	4.30E-01	0.74	2.30E-01
TIMM8B	1.08	1.41E-01	-1.74	9.59E-01	1.98	2.38E-02
ATP5EP2	1.08	1.41E-01	1.12	1.31E-01	-0.03	5.13E-01
CHEK1	1.08	1.41E-01	0.56	2.88E-01	0.30	3.83E-01
LY75-CD302	1.08	1.41E-01	0.21	4.15E-01	0.06	4.74E-01
LY75	1.08	1.41E-01	0.21	4.15E-01	0.06	4.74E-01
CDCP1	1.08	1.41E-01	0.02	4.93E-01	1.67	4.72E-02
CHDH	1.08	1.41E-01	1.98	2.37E-02	-1.13	8.72E-01
HOXA1	1.08	1.41E-01	-1.31	9.04E-01	1.79	3.67E-02
MAGEL2	1.08	1.41E-01	2.02	2.19E-02	-1.10	8.64E-01
ZNF667	1.08	1.41E-01	-0.40	6.55E-01	0.82	2.07E-01
CTC-429P9.4	1.08	1.41E-01	-0.27	6.05E-01	0.23	4.10E-01
VWF	1.08	1.41E-01	0.83	2.04E-01	0.73	2.34E-01
PAQR8	1.08	1.41E-01	0.22	4.14E-01	1.03	1.53E-01
TRIM24	1.07	1.41E-01	0.00	4.99E-01	1.37	8.58E-02
MUTYH	1.07	1.41E-01	0.53	2.98E-01	-0.42	6.62E-01
SLC12A7	1.07	1.41E-01	-0.64	7.37E-01	1.93	2.66E-02
ZNF248	1.07	1.42E-01	1.20	1.15E-01	-0.11	5.44E-01
MAPKAP1	1.07	1.42E-01	2.37	8.95E-03	-0.91	8.19E-01
NDUFA4	1.07	1.42E-01	-0.57	7.16E-01	1.16	1.23E-01
GIN51	1.07	1.42E-01	-0.08	5.31E-01	1.10	1.36E-01
SPC24	1.07	1.42E-01	1.61	5.41E-02	0.50	3.09E-01
COL12A1	1.07	1.42E-01	1.30	9.74E-02	-1.22	8.88E-01
NDUFAF2	1.07	1.42E-01	-0.72	7.63E-01	2.19	1.41E-02
RPS28	1.07	1.42E-01	0.28	3.89E-01	0.50	3.09E-01
VSIG2	1.07	1.42E-01	0.08	4.67E-01	1.54	6.15E-02
MUC17	1.07	1.42E-01	-0.48	6.84E-01	1.44	7.46E-02
FAM132A	1.07	1.42E-01	-0.29	6.16E-01	1.23	1.09E-01
ITGAX	1.07	1.42E-01	-0.89	8.14E-01	0.88	1.88E-01
SLC14A2	1.07	1.42E-01	-0.21	5.85E-01	-0.13	5.50E-01
SLC22A31	1.07	1.42E-01	1.22	1.10E-01	-0.50	6.92E-01

CCNL1	1.07	1.43E-01	1.15	1.25E-01	-0.03	5.13E-01
NAPG	1.07	1.43E-01	1.26	1.03E-01	-0.77	7.78E-01
RASSF3	1.07	1.43E-01	1.27	1.02E-01	-0.45	6.72E-01
FMO3	1.07	1.43E-01	1.15	1.26E-01	0.19	4.23E-01
AC006547.14	1.07	1.43E-01	0.29	3.86E-01	1.56	5.99E-02
HTR3A	1.07	1.43E-01	-0.38	6.50E-01	0.95	1.72E-01
OR2G3	1.07	1.43E-01	0.08	4.70E-01	0.31	3.78E-01
ACTL7A	1.07	1.43E-01	0.57	2.83E-01	-0.05	5.19E-01
SPATA8	1.07	1.43E-01	-0.17	5.66E-01	0.93	1.77E-01
TDRD9	1.07	1.43E-01	0.99	1.60E-01	-0.21	5.84E-01
MBNL1	1.07	1.43E-01	1.21	1.13E-01	0.45	3.26E-01
PEA15	1.07	1.43E-01	1.50	6.66E-02	-1.05	8.53E-01
AADACL2	1.07	1.43E-01	1.13	1.28E-01	0.48	3.16E-01
STK24	1.07	1.43E-01	1.21	1.13E-01	-0.25	5.97E-01
PHF13	1.07	1.43E-01	0.62	2.69E-01	0.94	1.73E-01
RPL27	1.07	1.43E-01	0.52	3.02E-01	0.28	3.89E-01
EPHA6	1.07	1.43E-01	-0.37	6.45E-01	0.15	4.41E-01
TBC1D9B	1.06	1.43E-01	0.85	1.97E-01	-0.54	7.05E-01
FOXD1	1.06	1.43E-01	0.47	3.19E-01	0.57	2.85E-01
PAPLN	1.06	1.44E-01	1.26	1.04E-01	0.87	1.92E-01
PFAS	1.06	1.44E-01	0.24	4.04E-01	1.44	7.56E-02
IRX4	1.06	1.44E-01	0.77	2.21E-01	0.96	1.70E-01
C16orf45	1.06	1.44E-01	-0.58	7.19E-01	2.95	1.59E-03
PMP22	1.06	1.44E-01	0.16	4.38E-01	1.01	1.56E-01
CWF19L1	1.06	1.44E-01	0.77	2.20E-01	0.55	2.92E-01
VAT1L	1.06	1.44E-01	0.93	1.77E-01	-0.52	6.97E-01
SLC2A4	1.06	1.44E-01	0.12	4.53E-01	0.84	2.00E-01
NEK10	1.06	1.44E-01	1.28	1.00E-01	-0.72	7.63E-01
ZNF728	1.06	1.44E-01	0.24	4.05E-01	0.76	2.23E-01
SAAL1	1.06	1.44E-01	1.28	1.00E-01	0.56	2.88E-01
CCDC81	1.06	1.44E-01	0.87	1.93E-01	-1.44	9.25E-01



GPR133	1.06	1.44E-01	0.89	1.86E-01	1.80	3.60E-02
HSD17B13	1.06	1.44E-01	-0.47	6.82E-01	1.13	1.29E-01
CDH1	1.06	1.44E-01	0.15	4.42E-01	0.28	3.92E-01
ACTL6B	1.06	1.44E-01	0.43	3.35E-01	0.33	3.70E-01
ELL	1.06	1.44E-01	-0.02	5.08E-01	1.15	1.24E-01
PPP1R12A	1.06	1.44E-01	0.81	2.09E-01	0.04	4.85E-01
SERPINI2	1.06	1.44E-01	0.96	1.69E-01	0.17	4.33E-01
CASP16	1.06	1.44E-01	-1.04	8.51E-01	1.73	4.20E-02
TNFRSF8	1.06	1.44E-01	0.84	2.02E-01	1.65	4.99E-02
ELOVL3	1.06	1.44E-01	0.87	1.93E-01	0.32	3.76E-01
OR2T1	1.06	1.44E-01	0.85	1.97E-01	0.22	4.12E-01
VWA1	1.06	1.45E-01	1.25	1.06E-01	-0.60	7.26E-01
MOB1B	1.06	1.45E-01	0.56	2.88E-01	0.23	4.09E-01
KCNA2	1.06	1.45E-01	1.18	1.20E-01	-0.14	5.56E-01
C8orf76	1.06	1.45E-01	1.87	3.05E-02	0.19	4.24E-01
CEP57	1.06	1.45E-01	-0.53	7.01E-01	2.01	2.24E-02
GPR75	1.06	1.45E-01	1.01	1.56E-01	-1.02	8.47E-01
OR52D1	1.06	1.45E-01	1.62	5.23E-02	-1.64	9.49E-01
NSUN2	1.06	1.45E-01	-0.32	6.24E-01	1.43	7.58E-02
KIF23	1.06	1.45E-01	0.61	2.71E-01	0.19	4.24E-01
LEF1	1.06	1.45E-01	1.74	4.10E-02	-1.03	8.48E-01
GADD45G	1.06	1.45E-01	0.10	4.60E-01	0.03	4.89E-01
B4GALNT2	1.06	1.45E-01	-0.70	7.59E-01	1.16	1.24E-01
SRSF3	1.06	1.45E-01	0.64	2.60E-01	0.71	2.40E-01
CENPJ	1.06	1.45E-01	0.23	4.08E-01	0.27	3.92E-01
DYNLRB1	1.06	1.45E-01	0.62	2.67E-01	0.13	4.49E-01
KATNAL1	1.06	1.46E-01	1.62	5.28E-02	-0.81	7.92E-01
TIMMDC1	1.06	1.46E-01	1.13	1.29E-01	0.86	1.94E-01
HERC6	1.06	1.46E-01	0.85	1.99E-01	0.76	2.22E-01
CLP1	1.06	1.46E-01	1.35	8.85E-02	0.18	4.29E-01
CTNBL1	1.06	1.46E-01	1.39	8.25E-02	-0.14	5.55E-01

ZBTB47	1.06	1.46E-01	1.01	1.57E-01	0.16	4.36E-01
CPA4	1.06	1.46E-01	1.36	8.72E-02	1.40	8.11E-02
PPDPF	1.05	1.46E-01	-0.63	7.35E-01	1.45	7.35E-02
DIO1	1.05	1.46E-01	-0.46	6.79E-01	0.83	2.04E-01
TRPV5	1.05	1.46E-01	0.48	3.17E-01	1.20	1.15E-01
CTHRC1	1.05	1.46E-01	0.47	3.18E-01	0.37	3.58E-01
QSOX2	1.05	1.46E-01	0.67	2.50E-01	-0.90	8.17E-01
HIST1H2BD	1.05	1.46E-01	0.94	1.73E-01	-0.51	6.95E-01
AIMP1	1.05	1.46E-01	0.53	2.98E-01	0.44	3.30E-01
TMEM26	1.05	1.46E-01	2.39	8.43E-03	-1.08	8.60E-01
PLEC	1.05	1.46E-01	1.87	3.09E-02	-0.96	8.33E-01
ZNF25	1.05	1.46E-01	0.75	2.26E-01	0.24	4.05E-01
P2RX3	1.05	1.46E-01	0.46	3.24E-01	1.90	2.87E-02
RICTOR	1.05	1.46E-01	0.64	2.61E-01	0.39	3.48E-01
GCFC2	1.05	1.46E-01	2.00	2.25E-02	1.27	1.01E-01
CSTF2T	1.05	1.47E-01	-0.36	6.42E-01	1.19	1.18E-01
MFSD10	1.05	1.47E-01	-0.18	5.71E-01	0.71	2.39E-01
C1orf216	1.05	1.47E-01	0.29	3.84E-01	0.93	1.77E-01
OR51E2	1.05	1.47E-01	0.60	2.74E-01	-0.23	5.92E-01
HIST1H2AC	1.05	1.47E-01	-0.09	5.36E-01	-0.02	5.08E-01
ZCCHC11	1.05	1.47E-01	0.28	3.91E-01	0.88	1.90E-01
HSPB2	1.05	1.47E-01	1.68	4.69E-02	-0.59	7.22E-01
RARS2	1.05	1.47E-01	-0.07	5.28E-01	1.12	1.32E-01
GNA11	1.05	1.47E-01	0.68	2.48E-01	-0.39	6.53E-01
SRPR	1.05	1.47E-01	-0.99	8.40E-01	2.01	2.21E-02
KDM5A	1.05	1.47E-01	0.84	2.02E-01	-0.51	6.93E-01
CELF2	1.05	1.47E-01	0.06	4.75E-01	1.07	1.43E-01
VPS26B	1.05	1.47E-01	-0.23	5.91E-01	0.89	1.88E-01
C1R	1.05	1.47E-01	-0.53	7.03E-01	1.85	3.21E-02
ABRACL	1.05	1.48E-01	0.73	2.33E-01	0.81	2.08E-01
SLC35E1	1.05	1.48E-01	-0.13	5.52E-01	0.23	4.09E-01

CDH18	1.05	1.48E-01	1.00	1.58E-01	0.16	4.36E-01
DFFB	1.05	1.48E-01	0.15	4.42E-01	0.01	4.95E-01
TBXAS1	1.05	1.48E-01	2.10	1.81E-02	-0.80	7.90E-01
RP4-758J18.2	1.05	1.48E-01	1.22	1.11E-01	-0.43	6.67E-01
CAMK2N1	1.05	1.48E-01	0.33	3.71E-01	0.52	3.02E-01
PSMB7	1.05	1.48E-01	0.90	1.84E-01	-0.92	8.22E-01
C14orf105	1.05	1.48E-01	0.16	4.36E-01	1.21	1.13E-01
TMEM161A	1.04	1.48E-01	0.14	4.46E-01	0.49	3.11E-01
CLEC3A	1.04	1.48E-01	0.92	1.79E-01	0.19	4.26E-01
HOOK2	1.04	1.48E-01	0.02	4.91E-01	0.47	3.18E-01
ANKDD1B	1.04	1.48E-01	1.01	1.55E-01	0.02	4.90E-01
HIPK1	1.04	1.48E-01	1.06	1.45E-01	0.61	2.73E-01
OR51A2	1.04	1.48E-01	-0.49	6.87E-01	1.42	7.73E-02
ANO2	1.04	1.48E-01	0.34	3.66E-01	0.67	2.50E-01
C11orf86	1.04	1.48E-01	0.32	3.74E-01	0.30	3.81E-01
SEC23IP	1.04	1.48E-01	0.94	1.75E-01	0.18	4.28E-01
TMA16	1.04	1.48E-01	1.12	1.32E-01	-0.53	7.02E-01
TM4SF19	1.04	1.48E-01	-0.96	8.31E-01	1.59	5.62E-02
ANO9	1.04	1.49E-01	0.03	4.89E-01	2.52	5.92E-03
DCAF11	1.04	1.49E-01	0.51	3.05E-01	-0.01	5.03E-01
AQP3	1.04	1.49E-01	-0.62	7.32E-01	1.20	1.16E-01
ARHGEF12	1.04	1.49E-01	0.77	2.19E-01	-0.14	5.54E-01
CEP70	1.04	1.49E-01	0.42	3.38E-01	0.05	4.78E-01
COX18	1.04	1.49E-01	1.10	1.35E-01	-0.29	6.13E-01
HIST1H1D	1.04	1.49E-01	-0.24	5.96E-01	2.70	3.51E-03
STX1B	1.04	1.49E-01	1.43	7.69E-02	-0.60	7.27E-01
SPON2	1.04	1.49E-01	-0.14	5.55E-01	1.48	6.89E-02
ELOVL4	1.04	1.49E-01	0.20	4.19E-01	0.91	1.82E-01
C12orf44	1.04	1.49E-01	0.21	4.15E-01	0.18	4.29E-01
DDX18	1.04	1.50E-01	1.54	6.16E-02	-0.67	7.49E-01
CHERP	1.04	1.50E-01	-0.35	6.37E-01	0.28	3.88E-01

MSH2	1.04	1.50E-01	0.53	2.97E-01	-0.02	5.08E-01
PDZRN4	1.04	1.50E-01	1.52	6.47E-02	-0.81	7.91E-01
LINGO3	1.04	1.50E-01	-0.64	7.39E-01	0.87	1.91E-01
FBXO33	1.04	1.50E-01	0.43	3.33E-01	1.45	7.39E-02
ALG3	1.04	1.50E-01	0.51	3.04E-01	-0.05	5.18E-01
SYPL2	1.04	1.50E-01	-0.02	5.07E-01	2.88	1.99E-03
MIEF2	1.04	1.50E-01	1.85	3.24E-02	-1.54	9.38E-01
ZFP69B	1.04	1.50E-01	0.31	3.80E-01	0.42	3.36E-01
FRY	1.04	1.50E-01	-0.30	6.16E-01	0.15	4.40E-01
ANKRD17	1.04	1.50E-01	0.97	1.66E-01	-0.03	5.14E-01
ADCY6	1.04	1.50E-01	-0.30	6.17E-01	0.87	1.92E-01
LOXL3	1.04	1.50E-01	0.16	4.38E-01	0.44	3.28E-01
SCARF1	1.04	1.50E-01	-0.37	6.44E-01	0.94	1.74E-01
ZNF573	1.04	1.50E-01	0.57	2.84E-01	0.06	4.77E-01
ARHGAP11B	1.03	1.50E-01	1.30	9.65E-02	-1.38	9.16E-01
SORCS1	1.03	1.50E-01	-0.12	5.48E-01	0.39	3.49E-01
AKIRIN2	1.03	1.50E-01	-0.54	7.06E-01	1.11	1.33E-01
RSRC1	1.03	1.50E-01	0.15	4.41E-01	0.26	3.98E-01
GJB6	1.03	1.51E-01	2.41	7.90E-03	-0.11	5.42E-01
OR5V1	1.03	1.51E-01	0.41	3.43E-01	0.62	2.66E-01
HMX3	1.03	1.51E-01	1.29	9.89E-02	-0.45	6.73E-01
PLG	1.03	1.51E-01	-0.26	6.02E-01	0.47	3.19E-01
SNTN	1.03	1.51E-01	-0.17	5.69E-01	0.80	2.12E-01
SATB2	1.03	1.51E-01	0.32	3.74E-01	1.24	1.07E-01
HTRA4	1.03	1.51E-01	1.79	3.69E-02	-1.51	9.34E-01
INF2	1.03	1.51E-01	1.06	1.45E-01	-0.05	5.21E-01
MCOLN3	1.03	1.51E-01	0.92	1.80E-01	-0.29	6.13E-01
SLC16A10	1.03	1.51E-01	1.31	9.49E-02	-1.17	8.79E-01
FAM174B	1.03	1.51E-01	1.17	1.21E-01	-1.12	8.68E-01
NPPC	1.03	1.51E-01	1.67	4.73E-02	-0.80	7.87E-01
PKD1	1.03	1.51E-01	0.89	1.88E-01	0.07	4.71E-01

HS3ST1	1.03	1.51E-01	1.32	9.39E-02	-0.16	5.65E-01
WISP2	1.03	1.51E-01	0.13	4.49E-01	0.27	3.92E-01
SPTY2D1	1.03	1.51E-01	-1.17	8.79E-01	2.60	4.60E-03
AL031666.2	1.03	1.52E-01	-0.23	5.92E-01	1.16	1.22E-01
CALM2	1.03	1.52E-01	2.65	3.97E-03	-0.50	6.93E-01
FXR1	1.03	1.52E-01	0.01	4.96E-01	3.20	6.87E-04
OR6B2	1.03	1.52E-01	0.96	1.68E-01	-0.22	5.86E-01
KHDC1	1.03	1.52E-01	1.26	1.04E-01	-1.00	8.41E-01
SYNE4	1.03	1.52E-01	2.15	1.56E-02	-1.54	9.38E-01
TRPV2	1.03	1.52E-01	0.94	1.74E-01	0.32	3.73E-01
CACNG7	1.03	1.52E-01	-0.13	5.51E-01	0.88	1.89E-01
ACTL10	1.03	1.52E-01	1.40	8.02E-02	-0.72	7.64E-01
TMEM82	1.03	1.52E-01	0.61	2.71E-01	-0.12	5.47E-01
NET1	1.03	1.52E-01	0.62	2.67E-01	-0.04	5.15E-01
RGMA	1.03	1.52E-01	0.36	3.61E-01	-0.09	5.37E-01
PARP9	1.03	1.52E-01	0.70	2.41E-01	0.50	3.08E-01
LDB2	1.03	1.52E-01	-0.32	6.26E-01	1.67	4.73E-02
MMD	1.03	1.52E-01	0.60	2.73E-01	1.31	9.55E-02
GPBP1	1.03	1.52E-01	0.71	2.40E-01	-0.43	6.65E-01
KRT83	1.03	1.52E-01	0.56	2.88E-01	0.20	4.21E-01
PANX2	1.03	1.52E-01	1.32	9.34E-02	0.52	3.02E-01
OR4D10	1.03	1.52E-01	1.21	1.13E-01	-0.24	5.93E-01
LRRCS2	1.03	1.52E-01	1.86	3.12E-02	-1.03	8.49E-01
CDH24	1.03	1.52E-01	-0.94	8.25E-01	1.41	7.90E-02
C22orf31	1.03	1.52E-01	-0.80	7.87E-01	0.97	1.66E-01
CBFA2T3	1.03	1.52E-01	0.79	2.16E-01	-0.08	5.30E-01
LUZP2	1.03	1.53E-01	2.15	1.59E-02	-1.63	9.48E-01
FGF22	1.03	1.53E-01	-0.56	7.12E-01	1.01	1.57E-01
TAAR1	1.03	1.53E-01	1.18	1.19E-01	0.18	4.29E-01
FKBP3	1.03	1.53E-01	1.32	9.41E-02	0.11	4.56E-01
EPGN	1.03	1.53E-01	-0.60	7.25E-01	1.16	1.24E-01

ENAM	1.02	1.53E-01	-0.48	6.84E-01	1.25	1.07E-01
CYP27A1	1.02	1.53E-01	-0.83	7.96E-01	2.04	2.05E-02
AEBP2	1.02	1.53E-01	2.40	8.09E-03	-1.32	9.06E-01
MICU2	1.02	1.53E-01	0.31	3.79E-01	0.46	3.22E-01
BOLA1	1.02	1.53E-01	0.96	1.69E-01	-0.39	6.50E-01
CYBRD1	1.02	1.53E-01	-0.65	7.41E-01	1.05	1.47E-01
BTG4	1.02	1.53E-01	0.83	2.04E-01	0.78	2.18E-01
NEK1	1.02	1.53E-01	0.51	3.04E-01	1.00	1.59E-01
AAMP	1.02	1.53E-01	0.48	3.16E-01	0.21	4.17E-01
DERL1	1.02	1.53E-01	1.04	1.49E-01	0.24	4.06E-01
TIE1	1.02	1.53E-01	0.90	1.84E-01	-0.37	6.46E-01
GABRD	1.02	1.54E-01	-0.77	7.80E-01	1.48	6.99E-02
AMIGO2	1.02	1.54E-01	-0.13	5.50E-01	0.67	2.50E-01
OR8B2	1.02	1.54E-01	1.72	4.30E-02	-1.57	9.42E-01
ALKBH6	1.02	1.54E-01	2.59	4.80E-03	-0.27	6.08E-01
TBCA	1.02	1.54E-01	-0.10	5.38E-01	0.79	2.15E-01
C2orf91	1.02	1.54E-01	-1.48	9.31E-01	1.71	4.40E-02
ANKRD37	1.02	1.54E-01	0.34	3.66E-01	0.08	4.69E-01
FAM229B	1.02	1.54E-01	0.86	1.94E-01	0.39	3.48E-01
RNF126	1.02	1.54E-01	0.53	2.99E-01	0.13	4.50E-01
DEFB129	1.02	1.54E-01	0.54	2.94E-01	0.29	3.85E-01
EIF4G1	1.02	1.54E-01	-1.17	8.80E-01	2.00	2.28E-02
RUNX3	1.02	1.54E-01	0.88	1.89E-01	-0.12	5.47E-01
TMC7	1.02	1.54E-01	-0.29	6.14E-01	0.60	2.74E-01
NUDT5	1.02	1.54E-01	1.81	3.53E-02	0.31	3.78E-01
ZNF296	1.02	1.54E-01	0.97	1.65E-01	0.02	4.92E-01
C1orf52	1.02	1.54E-01	0.87	1.92E-01	-0.07	5.27E-01
SLC9A2	1.02	1.54E-01	-1.29	9.01E-01	2.01	2.24E-02
KLK14	1.02	1.54E-01	1.39	8.25E-02	-0.70	7.59E-01
SSTR2	1.02	1.54E-01	-0.52	7.00E-01	1.31	9.47E-02
NKX2-8	1.02	1.54E-01	1.83	3.37E-02	-0.69	7.56E-01

GSTZ1	1.02	1.54E-01	-0.06	5.23E-01	-0.10	5.40E-01
OR10W1	1.02	1.54E-01	0.76	2.23E-01	0.73	2.32E-01
TMED9	1.02	1.55E-01	1.88	3.02E-02	-0.12	5.49E-01
SDHD	1.02	1.55E-01	0.32	3.73E-01	1.00	1.58E-01
FBXO41	1.02	1.55E-01	1.21	1.13E-01	-0.21	5.82E-01
NCS1	1.02	1.55E-01	1.65	4.99E-02	-1.47	9.29E-01
TMEM17	1.02	1.55E-01	0.59	2.79E-01	1.59	5.63E-02
FCRLB	1.02	1.55E-01	0.95	1.71E-01	-1.56	9.41E-01
ZNF33A	1.01	1.55E-01	0.64	2.62E-01	0.22	4.14E-01
ZDHHHC13	1.01	1.55E-01	1.32	9.28E-02	0.67	2.51E-01
DLX4	1.01	1.55E-01	1.14	1.27E-01	0.77	2.21E-01
ODF2L	1.01	1.55E-01	1.51	6.51E-02	-1.20	8.85E-01
ISLR2	1.01	1.55E-01	0.52	3.02E-01	0.63	2.64E-01
AKAP8L	1.01	1.55E-01	2.05	2.01E-02	-0.42	6.62E-01
ZNF654	1.01	1.56E-01	0.44	3.29E-01	0.09	4.63E-01
PSCA	1.01	1.56E-01	-1.03	8.48E-01	1.68	4.63E-02
ECH1	1.01	1.56E-01	1.30	9.71E-02	0.96	1.68E-01
INVS	1.01	1.56E-01	0.57	2.85E-01	0.54	2.95E-01
MPRIP	1.01	1.56E-01	1.42	7.78E-02	-1.71	9.56E-01
AGPAT9	1.01	1.56E-01	0.51	3.05E-01	1.56	5.92E-02
MTCH2	1.01	1.56E-01	1.64	5.05E-02	-1.11	8.67E-01
TPH1	1.01	1.56E-01	1.89	2.96E-02	-0.34	6.32E-01
RGS12	1.01	1.56E-01	1.94	2.59E-02	-0.28	6.12E-01
GSC2	1.01	1.56E-01	0.82	2.06E-01	-0.12	5.47E-01
C1orf65	1.01	1.56E-01	0.65	2.56E-01	0.35	3.65E-01
CACTIN	1.01	1.56E-01	1.05	1.47E-01	-0.29	6.14E-01
FCER2	1.01	1.56E-01	2.33	1.00E-02	-0.79	7.85E-01
MYH7B	1.01	1.56E-01	1.23	1.09E-01	-0.58	7.20E-01
SS18L1	1.01	1.56E-01	0.58	2.80E-01	0.01	4.95E-01
CHODL	1.01	1.56E-01	-0.12	5.47E-01	0.54	2.94E-01
CPSF3	1.01	1.56E-01	-0.11	5.43E-01	1.83	3.37E-02

TSSK4	1.01	1.56E-01	0.59	2.77E-01	0.84	2.00E-01
FAM220A	1.01	1.56E-01	-0.89	8.13E-01	1.74	4.11E-02
GPR171	1.01	1.56E-01	1.29	9.83E-02	-0.47	6.79E-01
ZEB2	1.01	1.56E-01	0.32	3.74E-01	1.11	1.34E-01
FAXC	1.01	1.56E-01	-0.59	7.22E-01	0.86	1.94E-01
SERPINA4	1.01	1.57E-01	1.27	1.02E-01	-1.10	8.64E-01
OR6S1	1.01	1.57E-01	1.25	1.06E-01	-0.92	8.22E-01
RASL12	1.01	1.57E-01	0.83	2.02E-01	1.07	1.42E-01
RSPRY1	1.01	1.57E-01	0.24	4.06E-01	0.75	2.27E-01
NARFL	1.01	1.57E-01	0.92	1.78E-01	-0.32	6.24E-01
C16orf74	1.01	1.57E-01	-0.25	6.00E-01	1.12	1.32E-01
CHST13	1.01	1.57E-01	0.05	4.79E-01	0.44	3.31E-01
SENP8	1.01	1.57E-01	0.19	4.23E-01	0.68	2.47E-01
ZNF385A	1.01	1.57E-01	-0.01	5.06E-01	1.24	1.08E-01
XRN2	1.01	1.57E-01	1.08	1.41E-01	0.39	3.48E-01
DLST	1.01	1.57E-01	1.25	1.06E-01	0.26	3.96E-01
C18orf54	1.01	1.57E-01	0.18	4.27E-01	0.58	2.81E-01
ASB5	1.01	1.57E-01	1.37	8.53E-02	-0.68	7.52E-01
TRIQQ	1.01	1.57E-01	0.71	2.38E-01	-0.45	6.74E-01
SMEK1	1.01	1.57E-01	-1.16	8.78E-01	1.81	3.54E-02
LITAF	1.01	1.57E-01	2.56	5.20E-03	-0.53	7.01E-01
AMPD2	1.01	1.57E-01	1.78	3.78E-02	-1.11	8.66E-01
TIMD4	1.01	1.57E-01	-0.54	7.05E-01	1.91	2.78E-02
KDM7A	1.00	1.58E-01	-1.22	8.88E-01	1.35	8.77E-02
CNGA4	1.00	1.58E-01	1.46	7.16E-02	-1.05	8.54E-01
TMEM2	1.00	1.58E-01	-0.91	8.19E-01	1.60	5.50E-02
ZFPM1	1.00	1.58E-01	-0.55	7.10E-01	1.76	3.88E-02
MAPT	1.00	1.58E-01	1.61	5.36E-02	-0.93	8.23E-01
PTN	1.00	1.58E-01	-0.10	5.40E-01	1.10	1.36E-01
KEAP1	1.00	1.58E-01	0.66	2.54E-01	0.05	4.78E-01
LSM5	1.00	1.58E-01	0.25	4.01E-01	0.65	2.59E-01



SERPINA5	1.00	1.58E-01	1.14	1.28E-01	-1.40	9.19E-01
HERPUD2	1.00	1.58E-01	0.39	3.49E-01	0.00	5.00E-01
TANK	1.00	1.58E-01	1.67	4.73E-02	-0.39	6.53E-01
DCAF13	1.00	1.58E-01	1.18	1.18E-01	-0.28	6.12E-01
EHD4	1.00	1.58E-01	-0.54	7.06E-01	0.33	3.69E-01
TRIB1	1.00	1.58E-01	0.20	4.19E-01	0.41	3.39E-01
HUS1	1.00	1.58E-01	-0.77	7.79E-01	1.36	8.63E-02
MAMSTR	1.00	1.58E-01	-0.15	5.59E-01	0.92	1.78E-01
EDN3	1.00	1.58E-01	0.64	2.62E-01	0.78	2.18E-01
TBC1D5	1.00	1.58E-01	-0.77	7.78E-01	1.80	3.58E-02
C20orf141	1.00	1.58E-01	0.86	1.96E-01	-0.10	5.39E-01
EPB41L5	1.00	1.58E-01	0.87	1.93E-01	0.22	4.12E-01
MRPL10	1.00	1.58E-01	0.17	4.31E-01	0.85	1.96E-01
ESPL1	1.00	1.59E-01	1.25	1.05E-01	-0.63	7.36E-01
RAB3IL1	1.00	1.59E-01	-0.84	7.99E-01	1.34	9.09E-02
IRX2	1.00	1.59E-01	0.26	3.98E-01	0.75	2.26E-01
HMCN1	1.00	1.59E-01	0.88	1.90E-01	-0.06	5.25E-01
ITM2B	1.00	1.59E-01	-0.72	7.65E-01	1.13	1.29E-01
TNFAIP8L3	1.00	1.59E-01	0.77	2.22E-01	0.11	4.57E-01
IKBKAP	1.00	1.59E-01	1.49	6.81E-02	-1.57	9.41E-01
SLC6A1	1.00	1.59E-01	0.29	3.87E-01	1.33	9.20E-02
C5orf30	1.00	1.59E-01	-0.15	5.60E-01	1.14	1.27E-01
USP44	1.00	1.59E-01	1.16	1.23E-01	-0.22	5.88E-01
CDH20	1.00	1.59E-01	-0.62	7.32E-01	0.29	3.88E-01
ZNF616	1.00	1.59E-01	-0.53	7.01E-01	0.96	1.68E-01
SLC10A5	1.00	1.59E-01	0.27	3.93E-01	1.14	1.27E-01
ZNF48	1.00	1.59E-01	0.66	2.54E-01	0.14	4.42E-01
CTDP1	1.00	1.59E-01	0.45	3.27E-01	1.59	5.60E-02
FAM192A	1.00	1.59E-01	0.62	2.66E-01	0.54	2.95E-01
C6orf201	1.00	1.59E-01	1.32	9.40E-02	0.16	4.38E-01
ABLIM2	1.00	1.59E-01	0.05	4.78E-01	1.59	5.54E-02

KRT20	1.00	1.59E-01	-0.35	6.38E-01	1.09	1.38E-01
ACPT	1.00	1.59E-01	0.36	3.58E-01	0.84	2.01E-01
ZSCAN16	1.00	1.59E-01	0.61	2.72E-01	0.58	2.80E-01
EPS15	1.00	1.59E-01	-1.01	8.43E-01	1.24	1.07E-01
POLDIP3	1.00	1.60E-01	0.27	3.94E-01	0.77	2.20E-01
ASPH	1.00	1.60E-01	0.67	2.53E-01	0.46	3.23E-01
COLEC12	1.00	1.60E-01	-0.54	7.05E-01	0.15	4.40E-01
KIF18B	1.00	1.60E-01	0.84	2.01E-01	-0.03	5.10E-01
SFXN2	1.00	1.60E-01	0.14	4.44E-01	1.36	8.76E-02
NBAS	1.00	1.60E-01	0.68	2.49E-01	0.14	4.46E-01
ADH7	0.99	1.60E-01	0.13	4.47E-01	-0.27	6.08E-01
ZNRF1	0.99	1.60E-01	0.31	3.77E-01	0.86	1.94E-01
OTOS	0.99	1.60E-01	-0.67	7.48E-01	1.54	6.21E-02
USP43	0.99	1.60E-01	0.01	4.95E-01	-0.06	5.23E-01
ABHD5	0.99	1.60E-01	-0.44	6.70E-01	0.76	2.23E-01
CUX1	0.99	1.60E-01	0.36	3.61E-01	0.72	2.36E-01
GRIK2	0.99	1.60E-01	1.04	1.50E-01	-1.56	9.40E-01
TMEM217	0.99	1.60E-01	0.91	1.81E-01	2.72	3.28E-03
MYO1F	0.99	1.60E-01	-0.34	6.32E-01	1.13	1.28E-01
TLX1NB	0.99	1.60E-01	0.10	4.59E-01	0.53	2.98E-01
TXN2	0.99	1.60E-01	0.15	4.42E-01	1.05	1.47E-01
CCDC97	0.99	1.60E-01	1.00	1.58E-01	-0.82	7.95E-01
PSMD2	0.99	1.61E-01	0.37	3.54E-01	0.38	3.54E-01
CCR1	0.99	1.61E-01	0.35	3.62E-01	0.36	3.60E-01
C6orf100	0.99	1.61E-01	1.26	1.04E-01	0.57	2.85E-01
HS6ST3	0.99	1.61E-01	-0.01	5.05E-01	0.45	3.27E-01
SYNPO	0.99	1.61E-01	0.33	3.71E-01	0.22	4.14E-01
BAP1	0.99	1.61E-01	0.09	4.64E-01	1.40	8.07E-02
RAD23A	0.99	1.61E-01	-0.50	6.93E-01	1.12	1.31E-01
ZNF85	0.99	1.61E-01	-0.06	5.24E-01	0.91	1.81E-01
OR6T1	0.99	1.61E-01	0.43	3.34E-01	0.51	3.04E-01

RASA1	0.99	1.61E-01	1.42	7.82E-02	-1.50	9.33E-01
43161	0.99	1.61E-01	0.34	3.67E-01	0.45	3.28E-01
UNC80	0.99	1.61E-01	1.61	5.33E-02	-1.32	9.07E-01
STK31	0.99	1.61E-01	-0.22	5.87E-01	2.07	1.92E-02
FAM118A	0.99	1.61E-01	0.78	2.18E-01	0.07	4.72E-01
FIG4	0.99	1.61E-01	-0.16	5.62E-01	1.61	5.35E-02
CCL1	0.99	1.61E-01	-1.07	8.58E-01	1.37	8.48E-02
STARD3	0.99	1.61E-01	-0.09	5.36E-01	1.18	1.18E-01
CD8B	0.99	1.61E-01	-0.88	8.11E-01	1.73	4.22E-02
PRRC1	0.99	1.61E-01	1.86	3.13E-02	-0.81	7.92E-01
RQCD1	0.99	1.61E-01	-0.69	7.54E-01	1.96	2.51E-02
ERMN	0.99	1.61E-01	-0.40	6.55E-01	1.73	4.16E-02
TRIML2	0.99	1.61E-01	1.85	3.22E-02	0.66	2.56E-01
LIN37	0.99	1.62E-01	-0.85	8.02E-01	1.88	3.01E-02
TAOK1	0.99	1.62E-01	1.54	6.14E-02	0.72	2.35E-01
CCDC125	0.99	1.62E-01	-1.16	8.77E-01	1.39	8.26E-02
FKBP15	0.99	1.62E-01	0.42	3.37E-01	1.75	3.97E-02
VPS37C	0.99	1.62E-01	0.46	3.24E-01	0.10	4.59E-01
SPG200S	0.99	1.62E-01	2.06	1.98E-02	-1.10	8.65E-01
EN1	0.99	1.62E-01	-0.15	5.61E-01	1.58	5.65E-02
SLC17A3	0.99	1.62E-01	0.77	2.21E-01	-0.62	7.31E-01
PLEKHJ1	0.99	1.62E-01	0.90	1.85E-01	-0.39	6.50E-01
OR2A12	0.99	1.62E-01	0.79	2.16E-01	0.14	4.44E-01
EBI3	0.99	1.62E-01	-0.80	7.89E-01	1.78	3.77E-02
NMRK2	0.99	1.62E-01	-1.71	9.56E-01	1.64	5.01E-02
ELF1	0.99	1.62E-01	0.71	2.40E-01	-0.78	7.83E-01
TRAF6	0.99	1.62E-01	-0.77	7.79E-01	1.56	5.88E-02
NTRK3	0.99	1.62E-01	0.28	3.91E-01	-0.81	7.90E-01
EIF2D	0.99	1.62E-01	1.79	3.63E-02	0.32	3.75E-01
UCKL1	0.99	1.62E-01	1.17	1.21E-01	-1.14	8.72E-01
SFSWAP	0.98	1.62E-01	2.99	1.38E-03	-1.04	8.51E-01

HMGN3	0.98	1.63E-01	0.68	2.49E-01	0.64	2.61E-01
KBTBD13	0.98	1.63E-01	0.91	1.81E-01	0.16	4.36E-01
C11orf85	0.98	1.63E-01	-0.83	7.97E-01	1.25	1.06E-01
C2orf42	0.98	1.63E-01	0.62	2.69E-01	0.04	4.84E-01
SH3BP5L	0.98	1.63E-01	1.26	1.04E-01	-0.74	7.71E-01
YWHAQ	0.98	1.63E-01	-1.43	9.23E-01	2.76	2.85E-03
DNAAF3	0.98	1.63E-01	1.92	2.77E-02	-1.11	8.66E-01
SLAIN1	0.98	1.63E-01	0.23	4.08E-01	-0.35	6.35E-01
GRK6	0.98	1.63E-01	1.65	4.93E-02	-0.67	7.47E-01
ZNF426	0.98	1.63E-01	-1.31	9.05E-01	1.86	3.14E-02
OR52B4	0.98	1.63E-01	-0.15	5.61E-01	1.16	1.22E-01
SYT5	0.98	1.63E-01	1.84	3.28E-02	-1.42	9.22E-01
RAD21L1	0.98	1.63E-01	0.84	2.00E-01	0.89	1.87E-01
CRYBB1	0.98	1.63E-01	1.64	5.00E-02	-0.98	8.37E-01
ABI1	0.98	1.63E-01	0.90	1.85E-01	-0.79	7.84E-01
MIA2	0.98	1.63E-01	-0.17	5.67E-01	1.40	8.11E-02
FAM83A	0.98	1.63E-01	1.20	1.14E-01	-0.41	6.57E-01
NAB2	0.98	1.63E-01	2.40	8.21E-03	-0.27	6.05E-01
CYP1B1	0.98	1.63E-01	0.53	2.97E-01	0.68	2.48E-01
AVPR1A	0.98	1.63E-01	1.87	3.06E-02	1.85	3.19E-02
PRPF40A	0.98	1.64E-01	1.47	7.03E-02	-0.63	7.37E-01
DCBLD2	0.98	1.64E-01	-0.09	5.37E-01	2.32	1.02E-02
FAM162B	0.98	1.64E-01	1.04	1.50E-01	-0.36	6.39E-01
TLR1	0.98	1.64E-01	1.06	1.44E-01	0.73	2.34E-01
DAPL1	0.98	1.64E-01	1.39	8.15E-02	0.20	4.20E-01
MIB2	0.98	1.64E-01	0.73	2.33E-01	-0.33	6.28E-01
TSHB	0.98	1.64E-01	0.25	4.00E-01	0.32	3.73E-01
C14orf28	0.98	1.64E-01	0.24	4.06E-01	0.70	2.42E-01
CECR2	0.98	1.64E-01	0.13	4.47E-01	0.05	4.81E-01
DRG2	0.98	1.64E-01	1.46	7.24E-02	-0.61	7.30E-01
FAM124A	0.98	1.64E-01	-0.71	7.62E-01	1.15	1.24E-01

PIGK	0.98	1.64E-01	0.71	2.40E-01	1.01	1.57E-01
REXO2	0.98	1.64E-01	0.70	2.42E-01	-0.35	6.36E-01
SLC5A5	0.98	1.64E-01	-1.01	8.43E-01	1.30	9.64E-02
PIK3R1	0.98	1.64E-01	0.31	3.80E-01	0.78	2.17E-01
PRMT6	0.98	1.64E-01	-0.55	7.09E-01	1.66	4.83E-02
CCL11	0.98	1.64E-01	0.60	2.75E-01	0.47	3.19E-01
STK36	0.98	1.64E-01	-0.96	8.32E-01	1.67	4.75E-02
AC131097.4	0.98	1.64E-01	0.05	4.78E-01	1.23	1.10E-01
PMM2	0.98	1.64E-01	0.08	4.67E-01	1.65	4.91E-02
PSPC1	0.98	1.65E-01	1.20	1.16E-01	-0.63	7.34E-01
MSTN	0.98	1.65E-01	0.78	2.19E-01	0.26	3.96E-01
TFPI	0.98	1.65E-01	0.78	2.19E-01	1.32	9.34E-02
POR	0.97	1.65E-01	-0.74	7.71E-01	1.38	8.41E-02
MAP3K13	0.97	1.65E-01	1.01	1.57E-01	0.38	3.52E-01
KRTAP3-2	0.97	1.65E-01	1.71	4.32E-02	0.96	1.69E-01
HR	0.97	1.65E-01	1.01	1.55E-01	-0.18	5.70E-01
COQ5	0.97	1.65E-01	0.58	2.80E-01	-0.15	5.60E-01
RPL17	0.97	1.65E-01	0.70	2.41E-01	0.71	2.38E-01
PGM5	0.97	1.65E-01	0.28	3.91E-01	0.66	2.54E-01
APC2	0.97	1.65E-01	2.01	2.20E-02	-0.62	7.32E-01
STH	0.97	1.65E-01	1.65	4.98E-02	-2.22	9.87E-01
BCL2	0.97	1.65E-01	-0.12	5.50E-01	0.47	3.20E-01
SEC61G	0.97	1.65E-01	-0.28	6.12E-01	1.26	1.05E-01
LAPTM4B	0.97	1.66E-01	1.51	6.60E-02	0.14	4.44E-01
PDE3B	0.97	1.66E-01	0.64	2.62E-01	0.58	2.80E-01
MEA1	0.97	1.66E-01	1.94	2.59E-02	0.13	4.49E-01
TMEM30B	0.97	1.66E-01	0.35	3.65E-01	1.59	5.63E-02
HOXC8	0.97	1.66E-01	0.03	4.86E-01	0.81	2.09E-01
TMEM18	0.97	1.66E-01	1.72	4.25E-02	-1.84	9.67E-01
PIP5K1C	0.97	1.66E-01	1.39	8.24E-02	-1.04	8.50E-01
TM4SF19	0.97	1.66E-01	-1.01	8.44E-01	1.52	6.48E-02

HYAL4	0.97	1.66E-01	0.78	2.19E-01	0.41	3.41E-01
HIST2H2BE	0.97	1.66E-01	0.86	1.95E-01	-0.35	6.36E-01
DCUN1D5	0.97	1.66E-01	0.26	3.99E-01	0.56	2.87E-01
CDH15	0.97	1.66E-01	1.04	1.50E-01	-0.22	5.87E-01
TYW3	0.97	1.66E-01	-0.11	5.42E-01	1.12	1.32E-01
NUDT3	0.97	1.66E-01	0.51	3.04E-01	0.39	3.49E-01
NAPA	0.97	1.66E-01	1.88	3.00E-02	-0.74	7.71E-01
RPSAP58	0.97	1.66E-01	1.85	3.25E-02	-1.44	9.25E-01
ZFYVE9	0.97	1.66E-01	0.42	3.38E-01	0.45	3.25E-01
MRAP2	0.97	1.67E-01	0.83	2.02E-01	-0.25	5.97E-01
BBS4	0.97	1.67E-01	1.65	4.92E-02	1.07	1.41E-01
NXPE4	0.97	1.67E-01	0.60	2.75E-01	0.11	4.57E-01
BICC1	0.97	1.67E-01	0.27	3.95E-01	0.42	3.39E-01
R3HCC1L	0.97	1.67E-01	0.61	2.70E-01	0.81	2.09E-01
DDA1	0.97	1.67E-01	2.14	1.63E-02	-0.12	5.48E-01
RNF207	0.97	1.67E-01	1.31	9.44E-02	-0.94	8.25E-01
CBWD1	0.97	1.67E-01	0.96	1.68E-01	-0.37	6.45E-01
RAB37	0.97	1.67E-01	1.26	1.03E-01	-1.36	9.13E-01
HIGD2B	0.97	1.67E-01	2.15	1.56E-02	1.39	8.19E-02
RGL2	0.97	1.67E-01	0.68	2.49E-01	0.94	1.73E-01
KMT2C	0.97	1.67E-01	0.93	1.76E-01	0.01	4.95E-01
SLC5A2	0.97	1.67E-01	-0.11	5.45E-01	0.68	2.48E-01
WHSC1	0.96	1.67E-01	0.22	4.14E-01	0.16	4.37E-01
BCL2L1	0.96	1.67E-01	-1.15	8.76E-01	2.05	2.02E-02
MC3R	0.96	1.68E-01	0.68	2.47E-01	0.25	4.02E-01
PHYHIP1L	0.96	1.68E-01	-0.78	7.82E-01	1.35	8.84E-02
GFM2	0.96	1.68E-01	0.39	3.47E-01	-0.16	5.62E-01
RAG1	0.96	1.68E-01	-1.49	9.32E-01	1.78	3.78E-02
ZCWPW2	0.96	1.68E-01	-0.08	5.34E-01	1.45	7.40E-02
TRMT12	0.96	1.68E-01	0.28	3.89E-01	-0.16	5.62E-01
RNF223	0.96	1.68E-01	1.43	7.64E-02	-0.73	7.66E-01

PTPRO	0.96	1.68E-01	0.68	2.50E-01	-0.54	7.07E-01
VPS45	0.96	1.68E-01	1.02	1.53E-01	-0.51	6.96E-01
DDX52	0.96	1.68E-01	1.02	1.53E-01	-0.85	8.02E-01
ZNF90	0.96	1.68E-01	0.21	4.15E-01	-0.08	5.32E-01
TRIM77	0.96	1.68E-01	0.37	3.57E-01	0.49	3.12E-01
SFRP4	0.96	1.68E-01	0.50	3.09E-01	0.62	2.69E-01
ARPC2	0.96	1.68E-01	0.31	3.77E-01	0.07	4.71E-01
43345	0.96	1.68E-01	-0.62	7.33E-01	0.44	3.29E-01
PLK4	0.96	1.69E-01	1.01	1.57E-01	0.53	2.99E-01
KLC2	0.96	1.69E-01	1.00	1.59E-01	-0.05	5.19E-01
ARHGAP9	0.96	1.69E-01	0.55	2.91E-01	-0.39	6.51E-01
PIANP	0.96	1.69E-01	-0.08	5.33E-01	0.89	1.88E-01
ZNF709	0.96	1.69E-01	0.19	4.25E-01	-0.15	5.62E-01
MMP17	0.96	1.69E-01	2.22	1.30E-02	0.17	4.32E-01
PATE4	0.96	1.69E-01	0.77	2.21E-01	-0.88	8.10E-01
GJE1	0.96	1.69E-01	-0.25	6.00E-01	0.86	1.95E-01
GEMIN2	0.96	1.69E-01	-0.56	7.14E-01	1.84	3.29E-02
CYB5D1	0.96	1.69E-01	2.00	2.26E-02	0.82	2.06E-01
ELOVL7	0.96	1.70E-01	-0.72	7.65E-01	1.84	3.26E-02
BSPH1	0.96	1.70E-01	1.16	1.22E-01	0.13	4.49E-01
SF3B2	0.95	1.70E-01	0.88	1.88E-01	-0.78	7.84E-01
CEP55	0.95	1.70E-01	-0.81	7.91E-01	1.42	7.80E-02
ZNF229	0.95	1.70E-01	0.67	2.52E-01	0.31	3.79E-01
IGF2BP1	0.95	1.70E-01	1.56	5.97E-02	-0.66	7.46E-01
RALGPS2	0.95	1.70E-01	1.24	1.08E-01	-0.05	5.20E-01
ART1	0.95	1.70E-01	1.49	6.85E-02	0.19	4.24E-01
P2RX1	0.95	1.70E-01	0.91	1.82E-01	-0.34	6.32E-01
SLC10A6	0.95	1.70E-01	1.57	5.80E-02	-0.79	7.84E-01
PEPD	0.95	1.70E-01	1.07	1.43E-01	-1.27	8.97E-01
SLC5A3	0.95	1.70E-01	1.62	5.23E-02	0.16	4.37E-01
SLC5A3	0.95	1.70E-01	1.62	5.23E-02	0.16	4.37E-01

CKAP5	0.95	1.70E-01	0.32	3.74E-01	1.36	8.73E-02
C1orf134	0.95	1.70E-01	0.21	4.16E-01	0.39	3.47E-01
ZNF138	0.95	1.70E-01	1.02	1.53E-01	-1.10	8.63E-01
OR6K2	0.95	1.70E-01	-1.04	8.50E-01	1.74	4.07E-02
TRIM50	0.95	1.70E-01	-0.12	5.49E-01	1.33	9.22E-02
SCUBE2	0.95	1.70E-01	-0.71	7.61E-01	1.29	9.83E-02
FAM13C	0.95	1.71E-01	0.37	3.57E-01	1.05	1.46E-01
CRHR1	0.95	1.71E-01	1.67	4.76E-02	-1.20	8.84E-01
CAB39L	0.95	1.71E-01	1.82	3.41E-02	-1.69	9.55E-01
CT62	0.95	1.71E-01	-0.05	5.21E-01	0.48	3.16E-01
SLC18A2	0.95	1.71E-01	0.79	2.13E-01	-0.22	5.88E-01
AMH	0.95	1.71E-01	0.79	2.14E-01	0.25	4.01E-01
ZNF589	0.95	1.71E-01	1.71	4.35E-02	-0.91	8.18E-01
CCDC88A	0.95	1.71E-01	0.11	4.56E-01	0.23	4.09E-01
GALK2	0.95	1.71E-01	-0.34	6.32E-01	0.64	2.62E-01
KRT38	0.95	1.71E-01	0.52	3.03E-01	-0.41	6.61E-01
IPO13	0.95	1.71E-01	1.95	2.55E-02	-1.03	8.49E-01
FAM184A	0.95	1.71E-01	-0.08	5.33E-01	2.29	1.09E-02
C12orf60	0.95	1.71E-01	-0.24	5.93E-01	0.66	2.55E-01
ADAMTSL2	0.95	1.71E-01	0.79	2.15E-01	-0.52	6.98E-01
UTP3	0.95	1.71E-01	0.43	3.34E-01	0.50	3.10E-01
FAM84A	0.95	1.71E-01	1.63	5.11E-02	-0.84	7.99E-01
MBTPS1	0.95	1.71E-01	1.10	1.36E-01	0.79	2.16E-01
CDON	0.95	1.71E-01	-0.70	7.57E-01	0.66	2.56E-01
ALOX15	0.95	1.71E-01	-0.42	6.63E-01	1.26	1.04E-01
ZNF121	0.95	1.71E-01	-0.88	8.12E-01	1.78	3.72E-02
VGLL4	0.95	1.71E-01	1.48	6.94E-02	-1.19	8.84E-01
LZTS2	0.95	1.71E-01	-0.50	6.90E-01	1.10	1.35E-01
PLA2G2A	0.95	1.71E-01	-0.05	5.18E-01	1.64	5.01E-02
SHCBP1	0.95	1.71E-01	0.46	3.23E-01	0.14	4.43E-01
ABCC9	0.95	1.71E-01	1.41	7.87E-02	-0.83	7.95E-01



TDRD5	0.95	1.71E-01	-0.67	7.48E-01	2.05	2.00E-02
ZMYND10	0.95	1.71E-01	1.59	5.58E-02	-1.65	9.51E-01
C1QTNF2	0.95	1.72E-01	-0.14	5.56E-01	0.86	1.95E-01
TPX2	0.95	1.72E-01	-1.43	9.23E-01	2.11	1.73E-02
SH3GL3	0.95	1.72E-01	0.04	4.86E-01	0.89	1.86E-01
CALML6	0.95	1.72E-01	1.41	7.93E-02	0.61	2.72E-01
HMX2	0.95	1.72E-01	1.17	1.21E-01	-0.55	7.09E-01
PARP10	0.95	1.72E-01	2.23	1.30E-02	-0.47	6.82E-01
PLEKHS1	0.95	1.72E-01	-1.41	9.21E-01	1.31	9.53E-02
CHKB-CPT1B	0.95	1.72E-01	0.27	3.95E-01	0.72	2.36E-01
CEP164	0.95	1.72E-01	0.70	2.43E-01	-0.79	7.86E-01
CPT1B	0.95	1.72E-01	0.26	3.97E-01	0.66	2.54E-01
EIF4H	0.95	1.72E-01	-0.01	5.05E-01	1.45	7.37E-02
C6	0.95	1.72E-01	1.57	5.87E-02	-0.68	7.51E-01
PNISR	0.94	1.72E-01	0.58	2.83E-01	0.15	4.40E-01
FAM211A	0.94	1.72E-01	1.37	8.53E-02	0.61	2.71E-01
DALRD3	0.94	1.72E-01	-0.58	7.20E-01	1.67	4.73E-02
WAC	0.94	1.73E-01	1.51	6.59E-02	-0.37	6.46E-01
SND1	0.94	1.73E-01	1.17	1.22E-01	-0.04	5.16E-01
SLN	0.94	1.73E-01	1.24	1.07E-01	-0.28	6.10E-01
HECTD1	0.94	1.73E-01	1.05	1.47E-01	0.05	4.81E-01
IRF3	0.94	1.73E-01	-0.22	5.85E-01	0.94	1.74E-01
SEMA5B	0.94	1.73E-01	1.56	5.90E-02	0.02	4.90E-01
RNF133	0.94	1.73E-01	0.59	2.78E-01	-0.07	5.29E-01
PSMB5	0.94	1.73E-01	-0.04	5.16E-01	0.48	3.14E-01
SNRK	0.94	1.73E-01	0.06	4.78E-01	1.44	7.54E-02
SCAF1	0.94	1.73E-01	-0.41	6.58E-01	0.81	2.08E-01
MGME1	0.94	1.73E-01	0.77	2.22E-01	-0.18	5.71E-01
ACYP2	0.94	1.73E-01	0.55	2.92E-01	-0.16	5.64E-01
FBXL3	0.94	1.73E-01	1.63	5.12E-02	-0.85	8.03E-01
TBC1D15	0.94	1.73E-01	1.15	1.25E-01	0.52	3.02E-01

CRYL1	0.94	1.73E-01	1.33	9.16E-02	-1.15	8.75E-01
PTPLA	0.94	1.73E-01	1.14	1.27E-01	-1.27	8.98E-01
COQ6	0.94	1.73E-01	-0.17	5.67E-01	0.55	2.90E-01
INHBA	0.94	1.73E-01	0.45	3.26E-01	0.45	3.27E-01
USP37	0.94	1.73E-01	-0.67	7.49E-01	2.01	2.24E-02
COL8A1	0.94	1.73E-01	0.63	2.64E-01	-0.59	7.21E-01
CD300LF	0.94	1.73E-01	1.39	8.29E-02	-1.40	9.19E-01
PKDREJ	0.94	1.73E-01	-1.41	9.20E-01	1.52	6.41E-02
ZNF142	0.94	1.73E-01	-1.01	8.43E-01	1.81	3.54E-02
PPP1R1B	0.94	1.74E-01	0.76	2.23E-01	0.02	4.94E-01
FNDC7	0.94	1.74E-01	0.10	4.60E-01	0.06	4.75E-01
LUC7L3	0.94	1.74E-01	0.74	2.30E-01	-0.51	6.94E-01
DDX19A	0.94	1.74E-01	1.84	3.27E-02	-0.40	6.54E-01
MAPK10	0.94	1.74E-01	2.37	8.86E-03	-0.82	7.94E-01
ZNF771	0.94	1.74E-01	0.37	3.57E-01	-0.01	5.04E-01
ANKRD1	0.94	1.74E-01	0.53	2.99E-01	0.82	2.06E-01
SBF1	0.94	1.74E-01	-1.05	8.53E-01	0.80	2.12E-01
CKMT1A	0.94	1.74E-01	1.45	7.37E-02	-0.26	6.02E-01
FSD2	0.94	1.74E-01	0.76	2.25E-01	0.91	1.82E-01
SYTL2	0.94	1.74E-01	0.95	1.71E-01	-0.74	7.70E-01
CD28	0.94	1.74E-01	1.47	7.14E-02	-1.51	9.34E-01
VPS13C	0.94	1.74E-01	-0.49	6.89E-01	0.49	3.12E-01
GNMT	0.94	1.74E-01	0.36	3.58E-01	0.23	4.07E-01
NKX3-2	0.94	1.74E-01	0.92	1.78E-01	-0.67	7.48E-01
TGFB1	0.94	1.74E-01	1.02	1.55E-01	-0.21	5.83E-01
UROS	0.94	1.74E-01	1.15	1.26E-01	-0.63	7.37E-01
MYO3A	0.94	1.74E-01	2.22	1.33E-02	-1.33	9.09E-01
CDK3	0.94	1.74E-01	0.42	3.38E-01	0.93	1.76E-01
PPIL2	0.94	1.74E-01	-1.49	9.32E-01	2.69	3.54E-03
SDR9C7	0.94	1.74E-01	-0.12	5.47E-01	0.79	2.14E-01
AFM	0.94	1.74E-01	0.46	3.24E-01	-0.16	5.65E-01

FAM124B	0.94	1.75E-01	0.79	2.15E-01	0.60	2.74E-01
TRPC4	0.94	1.75E-01	0.52	3.02E-01	-1.11	8.66E-01
MED4	0.94	1.75E-01	-1.33	9.08E-01	2.13	1.65E-02
PSMB3	0.94	1.75E-01	2.01	2.20E-02	-1.61	9.46E-01
KCNS3	0.94	1.75E-01	0.47	3.20E-01	-0.34	6.34E-01
PPP2CA	0.94	1.75E-01	0.95	1.72E-01	1.84	3.27E-02
CCDC166	0.93	1.75E-01	1.54	6.14E-02	-0.62	7.32E-01
STON1-GTF2A1L	0.93	1.75E-01	1.11	1.34E-01	-1.81	9.65E-01
H2AFJ	0.93	1.75E-01	0.86	1.96E-01	0.54	2.94E-01
LIPT1	0.93	1.75E-01	-0.42	6.63E-01	0.97	1.66E-01
MAPKBP1	0.93	1.75E-01	0.69	2.44E-01	-0.49	6.86E-01
MYRFL	0.93	1.75E-01	1.63	5.13E-02	-1.46	9.27E-01
PAG1	0.93	1.75E-01	-1.33	9.08E-01	2.56	5.17E-03
MAPRE2	0.93	1.75E-01	-1.44	9.24E-01	2.38	8.67E-03
RSPO2	0.93	1.75E-01	0.62	2.68E-01	-0.89	8.13E-01
UBN1	0.93	1.75E-01	0.71	2.40E-01	0.83	2.05E-01
C2orf66	0.93	1.75E-01	1.18	1.20E-01	-0.04	5.17E-01
DOK5	0.93	1.75E-01	-0.85	8.01E-01	1.22	1.12E-01
IFNAR1	0.93	1.76E-01	1.04	1.49E-01	-1.28	8.99E-01
MPZL2	0.93	1.76E-01	1.45	7.38E-02	0.45	3.25E-01
APCDD1	0.93	1.76E-01	0.86	1.95E-01	-0.52	6.99E-01
WFDC10A	0.93	1.76E-01	0.76	2.24E-01	-0.54	7.07E-01
CCDC94	0.93	1.76E-01	-0.80	7.89E-01	1.63	5.17E-02
SIAH1	0.93	1.76E-01	-0.38	6.47E-01	0.74	2.30E-01
NIN	0.93	1.76E-01	0.36	3.59E-01	0.46	3.21E-01
C11orf74	0.93	1.76E-01	-0.92	8.21E-01	1.58	5.66E-02
DVL2	0.93	1.76E-01	-0.32	6.27E-01	1.55	6.04E-02
HIVEP3	0.93	1.76E-01	0.59	2.78E-01	-0.05	5.21E-01
CASP7	0.93	1.76E-01	-0.20	5.81E-01	0.24	4.05E-01
SPDYE3	0.93	1.76E-01	0.53	2.97E-01	-0.25	5.97E-01
YIF1B	0.93	1.76E-01	0.39	3.49E-01	-0.29	6.16E-01

MAGI2	0.93	1.76E-01	0.22	4.11E-01	-0.07	5.28E-01
SOX17	0.93	1.76E-01	-0.40	6.56E-01	0.95	1.70E-01
CTNND2	0.93	1.76E-01	0.00	5.00E-01	1.57	5.86E-02
TPRX2P	0.93	1.76E-01	2.72	3.30E-03	-0.35	6.38E-01
PELI3	0.93	1.76E-01	1.52	6.42E-02	-0.71	7.60E-01
FOXN2	0.93	1.76E-01	1.70	4.45E-02	-1.08	8.61E-01
PTPN13	0.93	1.77E-01	1.90	2.90E-02	-0.73	7.68E-01
PYGL	0.93	1.77E-01	1.20	1.15E-01	-0.14	5.56E-01
OR5K4	0.93	1.77E-01	1.07	1.41E-01	-0.37	6.44E-01
ZNF318	0.93	1.77E-01	-0.28	6.10E-01	1.37	8.60E-02
SAMD4A	0.93	1.77E-01	0.77	2.22E-01	0.33	3.70E-01
MORN4	0.93	1.77E-01	0.60	2.74E-01	0.37	3.56E-01
GRIN2A	0.93	1.77E-01	0.37	3.55E-01	0.89	1.88E-01
MAD2L2	0.93	1.77E-01	-0.09	5.36E-01	0.02	4.90E-01
CXCL10	0.93	1.77E-01	0.25	4.01E-01	0.56	2.86E-01
MAMDC2	0.93	1.77E-01	-0.51	6.93E-01	0.67	2.50E-01
NRG1	0.93	1.77E-01	1.12	1.31E-01	0.82	2.07E-01
MCRS1	0.93	1.77E-01	0.74	2.29E-01	-0.35	6.37E-01
NME6	0.93	1.77E-01	1.55	6.03E-02	-1.32	9.07E-01
SLC25A29	0.93	1.77E-01	1.01	1.56E-01	-0.62	7.34E-01
FLYWCH1	0.93	1.77E-01	0.27	3.95E-01	0.54	2.94E-01
SLA	0.93	1.77E-01	-1.31	9.05E-01	1.75	4.03E-02
TDRD3	0.93	1.77E-01	-0.04	5.14E-01	0.56	2.88E-01
QRSL1	0.92	1.78E-01	0.99	1.61E-01	-0.11	5.45E-01
ZNF345	0.92	1.78E-01	-0.31	6.20E-01	0.58	2.82E-01
IRF9	0.92	1.78E-01	-0.52	6.99E-01	0.42	3.38E-01
MMAA	0.92	1.78E-01	1.22	1.11E-01	-0.49	6.87E-01
PRR23B	0.92	1.78E-01	1.04	1.49E-01	-0.35	6.38E-01
DBNDD2	0.92	1.78E-01	0.63	2.64E-01	0.17	4.31E-01
MPZL3	0.92	1.78E-01	1.17	1.20E-01	2.22	1.32E-02
ARRDC5	0.92	1.78E-01	0.64	2.62E-01	1.01	1.57E-01

RGS8	0.92	1.78E-01	-0.11	5.43E-01	-0.12	5.48E-01
ZKSCAN5	0.92	1.78E-01	-0.29	6.14E-01	0.59	2.76E-01
DBN1	0.92	1.78E-01	1.70	4.49E-02	0.14	4.43E-01
EPHA5	0.92	1.78E-01	0.27	3.92E-01	0.56	2.86E-01
FKBP10	0.92	1.78E-01	0.88	1.90E-01	-0.25	5.97E-01
CD1E	0.92	1.78E-01	-0.32	6.25E-01	1.23	1.10E-01
43344	0.92	1.78E-01	0.53	2.99E-01	0.22	4.14E-01
SUB1	0.92	1.78E-01	-0.24	5.95E-01	0.11	4.54E-01
PHACTR1	0.92	1.78E-01	1.30	9.75E-02	0.16	4.37E-01
KRTAP3-3	0.92	1.78E-01	1.40	8.02E-02	1.01	1.55E-01
MYCT1	0.92	1.78E-01	2.61	4.52E-03	-0.39	6.51E-01
C10orf2	0.92	1.79E-01	-0.84	8.00E-01	1.38	8.33E-02
DPH1	0.92	1.79E-01	0.64	2.61E-01	0.40	3.44E-01
LPHN3	0.92	1.79E-01	-1.82	9.65E-01	1.52	6.37E-02
TOX2	0.92	1.79E-01	1.47	7.08E-02	0.40	3.44E-01
MX1	0.92	1.79E-01	1.45	7.37E-02	0.14	4.45E-01
ZNF835	0.92	1.79E-01	-1.45	9.27E-01	1.26	1.03E-01
KRTCAP3	0.92	1.79E-01	1.49	6.80E-02	1.94	2.63E-02
GAS7	0.92	1.79E-01	1.05	1.46E-01	0.45	3.27E-01
RHOQ	0.92	1.79E-01	-0.74	7.71E-01	1.03	1.51E-01
DAPK1	0.92	1.79E-01	0.50	3.09E-01	0.48	3.15E-01
TMEM239	0.92	1.79E-01	0.44	3.30E-01	0.30	3.81E-01
DACT2	0.92	1.79E-01	1.62	5.23E-02	-1.26	8.96E-01
IQCF5	0.92	1.79E-01	1.59	5.54E-02	-1.13	8.70E-01
RFX5	0.92	1.79E-01	0.20	4.19E-01	0.14	4.44E-01
SDHAF1	0.92	1.79E-01	-0.17	5.69E-01	0.71	2.38E-01
SVOPL	0.92	1.79E-01	-0.02	5.09E-01	0.73	2.33E-01
GSG1	0.92	1.79E-01	0.15	4.41E-01	0.54	2.94E-01
PRDM2	0.92	1.79E-01	-0.52	6.99E-01	0.95	1.72E-01
SPARCL1	0.92	1.80E-01	1.28	1.01E-01	-0.46	6.77E-01
SAMD12	0.92	1.80E-01	0.73	2.31E-01	0.22	4.15E-01

TMEM126B	0.92	1.80E-01	0.43	3.33E-01	0.81	2.09E-01
SHISA6	0.92	1.80E-01	1.16	1.24E-01	-0.68	7.51E-01
RBM24	0.92	1.80E-01	1.33	9.25E-02	-1.05	8.53E-01
HSD3B2	0.92	1.80E-01	-1.22	8.89E-01	2.14	1.61E-02
ZDHHC16	0.92	1.80E-01	0.76	2.25E-01	1.21	1.12E-01
SERPINH1	0.92	1.80E-01	1.35	8.84E-02	0.12	4.50E-01
B3GNT5	0.92	1.80E-01	0.82	2.05E-01	1.36	8.65E-02
PAM	0.92	1.80E-01	0.73	2.34E-01	-0.58	7.20E-01
ERP44	0.92	1.80E-01	-0.01	5.03E-01	1.63	5.14E-02
IGF2BP2	0.91	1.80E-01	1.27	1.03E-01	1.06	1.44E-01
LZTS3	0.91	1.80E-01	0.11	4.56E-01	-0.41	6.59E-01
STC2	0.91	1.80E-01	0.15	4.39E-01	0.51	3.06E-01
HADH	0.91	1.80E-01	1.20	1.16E-01	-0.31	6.23E-01
MED12L	0.91	1.80E-01	1.32	9.31E-02	-1.10	8.64E-01
MALRD1	0.91	1.80E-01	1.47	7.04E-02	0.35	3.63E-01
TNFSF10	0.91	1.80E-01	-0.06	5.22E-01	0.63	2.64E-01
TBX4	0.91	1.81E-01	0.73	2.32E-01	-0.56	7.13E-01
SRGAP1	0.91	1.81E-01	0.22	4.12E-01	0.84	2.01E-01
RNF182	0.91	1.81E-01	0.99	1.60E-01	-0.13	5.54E-01
BCDIN3D	0.91	1.81E-01	0.27	3.94E-01	0.26	3.97E-01
FDXACB1	0.91	1.81E-01	1.57	5.82E-02	-0.22	5.89E-01
CGNL1	0.91	1.81E-01	0.41	3.42E-01	-0.94	8.28E-01
SMAP2	0.91	1.81E-01	0.71	2.38E-01	0.07	4.71E-01
HIST1H4C	0.91	1.81E-01	-0.24	5.96E-01	0.49	3.12E-01
CHRNA10	0.91	1.81E-01	-0.35	6.37E-01	1.29	9.85E-02
ZNF468	0.91	1.81E-01	1.05	1.48E-01	-0.44	6.71E-01
SPNS2	0.91	1.81E-01	0.13	4.47E-01	0.43	3.34E-01
FASN	0.91	1.81E-01	-0.01	5.05E-01	0.37	3.54E-01
SLC12A1	0.91	1.82E-01	3.07	1.06E-03	1.23	1.10E-01
GOLGA4	0.91	1.82E-01	0.78	2.17E-01	-0.24	5.95E-01
KYNU	0.91	1.82E-01	0.22	4.12E-01	1.39	8.24E-02

NPFF	0.91	1.82E-01	0.46	3.24E-01	0.15	4.40E-01
RAVER1	0.91	1.82E-01	-0.60	7.25E-01	1.11	1.33E-01
OR6V1	0.91	1.82E-01	1.03	1.52E-01	-0.93	8.24E-01
TMEM115	0.91	1.82E-01	1.49	6.86E-02	0.16	4.36E-01
C8orf34	0.91	1.82E-01	1.05	1.47E-01	0.26	3.97E-01
KLF1	0.91	1.82E-01	0.02	4.92E-01	0.86	1.94E-01
ASB3	0.91	1.82E-01	1.28	1.01E-01	-0.99	8.38E-01
OR8D4	0.91	1.82E-01	0.76	2.23E-01	0.40	3.44E-01
PTK7	0.91	1.82E-01	0.61	2.72E-01	0.41	3.39E-01
UFSP1	0.91	1.82E-01	0.43	3.35E-01	0.23	4.10E-01
RPS13	0.91	1.82E-01	0.22	4.14E-01	1.07	1.43E-01
ARHGAP27	0.91	1.82E-01	1.13	1.29E-01	-0.80	7.88E-01
HIST1H2BE	0.91	1.82E-01	0.13	4.46E-01	0.56	2.87E-01
43344	0.91	1.82E-01	0.42	3.39E-01	0.59	2.78E-01
AK9	0.91	1.82E-01	-0.38	6.47E-01	1.06	1.45E-01
LPCAT1	0.91	1.82E-01	-0.60	7.27E-01	0.41	3.41E-01
RTN1	0.91	1.82E-01	0.21	4.16E-01	3.25	5.81E-04
PRAME	0.91	1.83E-01	0.05	4.81E-01	0.41	3.40E-01
MOV10L1	0.91	1.83E-01	0.71	2.39E-01	-0.40	6.56E-01
ABCB5	0.91	1.83E-01	0.05	4.79E-01	0.24	4.06E-01
TMOD4	0.91	1.83E-01	-0.46	6.77E-01	0.62	2.68E-01
NPVF	0.91	1.83E-01	1.27	1.02E-01	1.73	4.19E-02
MESDC1	0.91	1.83E-01	-0.11	5.44E-01	0.76	2.25E-01
SLC35A3	0.90	1.83E-01	0.91	1.81E-01	-0.96	8.32E-01
MEX3A	0.90	1.83E-01	1.23	1.09E-01	-0.83	7.97E-01
VAPB	0.90	1.83E-01	0.04	4.83E-01	1.60	5.50E-02
AKR1D1	0.90	1.83E-01	-1.34	9.10E-01	2.01	2.22E-02
GLDC	0.90	1.83E-01	-0.98	8.37E-01	1.34	9.02E-02
EPS8L2	0.90	1.83E-01	0.76	2.22E-01	-0.49	6.90E-01
MAPK1IP1L	0.90	1.83E-01	0.21	4.15E-01	0.84	2.00E-01
ZMYM6	0.90	1.83E-01	-1.12	8.68E-01	1.25	1.07E-01

SPATA5	0.90	1.83E-01	-0.46	6.78E-01	0.82	2.06E-01
ZSCAN29	0.90	1.83E-01	0.77	2.20E-01	1.52	6.47E-02
FIBP	0.90	1.83E-01	1.60	5.49E-02	-1.12	8.68E-01
PROX2	0.90	1.83E-01	0.75	2.26E-01	0.36	3.58E-01
FAM71E2	0.90	1.83E-01	1.46	7.22E-02	0.20	4.20E-01
CA6	0.90	1.83E-01	-0.05	5.19E-01	-0.24	5.97E-01
LONP2	0.90	1.84E-01	-0.63	7.37E-01	1.09	1.39E-01
TM2D2	0.90	1.84E-01	1.84	3.28E-02	-1.33	9.09E-01
SPINK8	0.90	1.84E-01	1.64	5.09E-02	-0.92	8.22E-01
STMN4	0.90	1.84E-01	1.95	2.59E-02	1.53	6.29E-02
MYO16	0.90	1.84E-01	-0.01	5.03E-01	1.12	1.32E-01
C11orf57	0.90	1.84E-01	-0.59	7.22E-01	1.13	1.29E-01
RPS8	0.90	1.84E-01	2.03	2.10E-02	-0.66	7.44E-01
SFXN1	0.90	1.84E-01	1.02	1.55E-01	-0.44	6.68E-01
LRRC40	0.90	1.84E-01	0.59	2.78E-01	-0.09	5.35E-01
ERVMER34-1	0.90	1.84E-01	0.00	5.00E-01	0.74	2.31E-01
CCDC110	0.90	1.84E-01	0.54	2.95E-01	-0.33	6.28E-01
OR6C3	0.90	1.84E-01	-0.07	5.29E-01	1.11	1.34E-01
MYL6B	0.90	1.84E-01	-0.46	6.77E-01	0.75	2.26E-01
ZDHHC14	0.90	1.84E-01	0.86	1.95E-01	-0.22	5.87E-01
LEPROT	0.90	1.84E-01	0.29	3.85E-01	-0.10	5.40E-01
HYPK	0.90	1.84E-01	1.37	8.58E-02	-0.33	6.31E-01
CCL23	0.90	1.84E-01	2.08	1.86E-02	-0.16	5.64E-01
AKR1B15	0.90	1.84E-01	1.62	5.31E-02	0.49	3.11E-01
SMIM18	0.90	1.84E-01	0.37	3.56E-01	0.22	4.12E-01
PIK3C2A	0.90	1.84E-01	0.31	3.78E-01	2.08	1.87E-02
COPB1	0.90	1.84E-01	1.00	1.58E-01	-0.17	5.66E-01
GDAP1L1	0.90	1.84E-01	0.80	2.12E-01	0.43	3.33E-01
HDHD3	0.90	1.84E-01	0.98	1.64E-01	-0.87	8.08E-01
GABARAPL3	0.90	1.84E-01	0.35	3.64E-01	0.61	2.69E-01
ZNF706	0.90	1.85E-01	-0.88	8.09E-01	1.18	1.18E-01



OR5D16	0.90	1.85E-01	1.29	9.87E-02	-0.53	7.01E-01
MYADM	0.90	1.85E-01	0.17	4.31E-01	0.76	2.23E-01
PFKP	0.90	1.85E-01	0.21	4.17E-01	1.28	1.01E-01
DSC1	0.90	1.85E-01	0.47	3.18E-01	-0.44	6.69E-01
AXL	0.90	1.85E-01	-0.06	5.24E-01	1.61	5.35E-02
L3MBTL1	0.90	1.85E-01	0.43	3.35E-01	0.60	2.74E-01
SULT1E1	0.90	1.85E-01	0.06	4.77E-01	-0.63	7.35E-01
PLAU	0.90	1.85E-01	1.56	5.95E-02	-1.63	9.49E-01
KIAA1731	0.90	1.85E-01	0.64	2.60E-01	-0.17	5.68E-01
SEMA4A	0.90	1.85E-01	0.02	4.92E-01	0.61	2.72E-01
ZNF366	0.90	1.85E-01	0.83	2.02E-01	-1.39	9.17E-01
MATK	0.90	1.85E-01	0.59	2.78E-01	1.70	4.48E-02
FAM115A	0.90	1.85E-01	-0.47	6.81E-01	1.61	5.37E-02
ZC3H18	0.90	1.85E-01	0.65	2.57E-01	-0.28	6.10E-01
ZNF560	0.89	1.85E-01	-0.20	5.81E-01	1.04	1.48E-01
SLC12A9	0.89	1.86E-01	1.03	1.52E-01	-0.24	5.96E-01
IQGAP1	0.89	1.86E-01	-0.27	6.08E-01	0.86	1.95E-01
PIN1	0.89	1.86E-01	-0.57	7.15E-01	1.25	1.05E-01
CDKN2D	0.89	1.86E-01	0.06	4.76E-01	0.26	3.99E-01
FAIM	0.89	1.86E-01	0.27	3.93E-01	0.02	4.92E-01
ZNF273	0.89	1.86E-01	0.46	3.24E-01	0.37	3.56E-01
MPST	0.89	1.86E-01	-0.02	5.08E-01	0.45	3.28E-01
C5orf64	0.89	1.86E-01	1.15	1.26E-01	0.43	3.33E-01
ACTL6A	0.89	1.86E-01	0.06	4.77E-01	1.01	1.57E-01
ITSN1	0.89	1.86E-01	1.38	8.36E-02	1.10	1.35E-01
BMP1	0.89	1.86E-01	0.05	4.78E-01	0.36	3.60E-01
PLCD4	0.89	1.86E-01	-0.92	8.20E-01	1.65	4.90E-02
THAP6	0.89	1.86E-01	0.28	3.89E-01	1.43	7.60E-02
ZMYM6NB	0.89	1.86E-01	-1.36	9.13E-01	1.20	1.14E-01
TSPYL1	0.89	1.86E-01	1.69	4.58E-02	-0.90	8.17E-01
MGP	0.89	1.86E-01	-0.11	5.44E-01	0.68	2.49E-01

ABCF3	0.89	1.86E-01	-0.15	5.61E-01	-0.06	5.24E-01
EPHX1	0.89	1.86E-01	-0.87	8.08E-01	0.56	2.87E-01
OSBP	0.89	1.86E-01	1.06	1.44E-01	-0.39	6.51E-01
OR2H2	0.89	1.86E-01	0.32	3.75E-01	-0.05	5.19E-01
LCA5L	0.89	1.87E-01	1.03	1.52E-01	0.45	3.26E-01
HIST1H2AG	0.89	1.87E-01	1.19	1.16E-01	0.18	4.28E-01
BACE1	0.89	1.87E-01	0.80	2.11E-01	-0.11	5.43E-01
UNC13C	0.89	1.87E-01	1.64	5.03E-02	0.54	2.93E-01
MMS19	0.89	1.87E-01	0.65	2.58E-01	1.67	4.79E-02
UBE2E2	0.89	1.87E-01	0.81	2.10E-01	-0.65	7.43E-01
IQCJ	0.89	1.87E-01	1.04	1.48E-01	0.48	3.16E-01
DPY30	0.89	1.87E-01	-0.44	6.72E-01	0.86	1.95E-01
C15orf38	0.89	1.87E-01	0.95	1.71E-01	-1.00	8.41E-01
BMP2	0.89	1.87E-01	1.65	4.99E-02	1.29	9.90E-02
DTWD1	0.89	1.87E-01	-0.76	7.77E-01	1.15	1.24E-01
CCDC39	0.89	1.87E-01	-0.12	5.49E-01	3.25	5.77E-04
NEK3	0.89	1.87E-01	1.22	1.12E-01	2.41	7.94E-03
MRPL4	0.89	1.87E-01	1.13	1.29E-01	-0.13	5.53E-01
PER1	0.89	1.87E-01	1.41	7.90E-02	0.70	2.41E-01
COPE	0.89	1.87E-01	1.51	6.50E-02	-0.59	7.22E-01
APH1B	0.89	1.87E-01	-0.04	5.16E-01	0.28	3.88E-01
MEMO1	0.89	1.87E-01	-0.47	6.80E-01	0.89	1.86E-01
KLHL7	0.89	1.88E-01	0.39	3.47E-01	0.59	2.76E-01
TMEM237	0.89	1.88E-01	-0.69	7.54E-01	0.86	1.96E-01
EPHX4	0.89	1.88E-01	0.70	2.43E-01	-0.84	7.99E-01
ANO7	0.89	1.88E-01	0.86	1.95E-01	-1.04	8.51E-01
GPR149	0.89	1.88E-01	1.22	1.10E-01	-1.10	8.64E-01
C9orf57	0.89	1.88E-01	0.08	4.69E-01	1.03	1.51E-01
SCRIB	0.88	1.88E-01	0.56	2.89E-01	-0.19	5.75E-01
CRABP1	0.88	1.88E-01	0.34	3.66E-01	0.09	4.63E-01
ATAD1	0.88	1.88E-01	0.36	3.59E-01	0.44	3.31E-01

FAH	0.88	1.88E-01	0.86	1.94E-01	-0.71	7.62E-01
UBE2E3	0.88	1.88E-01	0.86	1.96E-01	-0.37	6.43E-01
RPP40	0.88	1.88E-01	0.36	3.58E-01	-0.20	5.80E-01
UAP1	0.88	1.88E-01	0.46	3.21E-01	2.19	1.43E-02
USP6NL	0.88	1.88E-01	0.87	1.93E-01	-1.17	8.80E-01
SGCE	0.88	1.88E-01	2.14	1.62E-02	-0.53	7.00E-01
ANTXRL	0.88	1.88E-01	0.24	4.06E-01	-0.39	6.50E-01
EXOC6	0.88	1.89E-01	0.83	2.02E-01	0.50	3.08E-01
BGLAP	0.88	1.89E-01	0.29	3.87E-01	0.38	3.51E-01
CATSPER1	0.88	1.89E-01	0.99	1.60E-01	-0.67	7.49E-01
ROGDI	0.88	1.89E-01	1.51	6.51E-02	-0.31	6.22E-01
GEMIN4	0.88	1.89E-01	0.13	4.49E-01	1.60	5.47E-02
DOCK3	0.88	1.89E-01	0.82	2.07E-01	-0.55	7.10E-01
NME9	0.88	1.89E-01	-0.45	6.75E-01	0.93	1.75E-01
SUCLG2	0.88	1.89E-01	0.66	2.54E-01	0.02	4.93E-01
IL31	0.88	1.89E-01	0.71	2.39E-01	-0.43	6.66E-01
GTF3C5	0.88	1.89E-01	-0.53	7.03E-01	1.64	5.10E-02
PSMD3	0.88	1.89E-01	0.69	2.44E-01	-0.29	6.15E-01
DHRS4-AS1	0.88	1.90E-01	-1.06	8.55E-01	1.21	1.13E-01
ZNF768	0.88	1.90E-01	1.64	5.05E-02	-1.21	8.87E-01
AQP4	0.88	1.90E-01	1.46	7.19E-02	0.27	3.93E-01
B4GALT7	0.88	1.90E-01	1.43	7.57E-02	-0.14	5.57E-01
PAPOLA	0.88	1.90E-01	-1.08	8.60E-01	1.98	2.40E-02
ARHGEF38	0.88	1.90E-01	0.58	2.80E-01	0.90	1.84E-01
CELF5	0.88	1.90E-01	0.33	3.70E-01	-0.13	5.52E-01
GRAMD2	0.88	1.90E-01	0.04	4.84E-01	0.65	2.56E-01
CCDC173	0.88	1.90E-01	-0.36	6.39E-01	2.26	1.19E-02
SLC22A7	0.88	1.90E-01	0.47	3.18E-01	0.85	1.99E-01
DEPDC7	0.88	1.90E-01	-0.60	7.25E-01	0.88	1.89E-01
ZNF385C	0.88	1.90E-01	0.75	2.26E-01	-0.23	5.91E-01
HOXD13	0.88	1.90E-01	-0.95	8.30E-01	2.13	1.67E-02

PSMA1	0.88	1.90E-01	1.01	1.57E-01	-0.13	5.51E-01
ADAMTS17	0.88	1.90E-01	0.49	3.13E-01	0.49	3.12E-01
MIER1	0.88	1.90E-01	0.59	2.77E-01	0.67	2.52E-01
PIGP	0.88	1.90E-01	0.06	4.75E-01	0.35	3.64E-01
VSNL1	0.88	1.90E-01	-1.24	8.93E-01	2.70	3.51E-03
GPR144	0.88	1.90E-01	0.90	1.85E-01	-0.37	6.45E-01
ARHGAP28	0.88	1.90E-01	1.80	3.60E-02	-1.11	8.66E-01
SNPH	0.88	1.90E-01	1.17	1.21E-01	0.77	2.21E-01
ZNF605	0.88	1.90E-01	1.55	6.01E-02	0.57	2.85E-01
FOXL1	0.88	1.90E-01	-0.75	7.74E-01	1.27	1.03E-01
HIST1H2AB	0.88	1.90E-01	0.41	3.40E-01	-0.15	5.60E-01
GBF1	0.88	1.90E-01	-0.42	6.62E-01	0.76	2.25E-01
SERGEF	0.88	1.90E-01	2.38	8.70E-03	-1.20	8.86E-01
OTOL1	0.87	1.91E-01	-0.01	5.03E-01	1.42	7.77E-02
DPEP2	0.87	1.91E-01	-1.10	8.65E-01	2.09	1.85E-02
GBX1	0.87	1.91E-01	-0.34	6.31E-01	0.53	2.97E-01
HCN2	0.87	1.91E-01	2.11	1.74E-02	-0.73	7.66E-01
CUTC	0.87	1.91E-01	0.52	3.02E-01	-0.78	7.82E-01
CNTNAP4	0.87	1.91E-01	2.27	1.17E-02	-0.01	5.03E-01
TNFRSF13B	0.87	1.91E-01	-1.77	9.61E-01	1.73	4.22E-02
ATXN7L1	0.87	1.91E-01	0.73	2.32E-01	-0.35	6.38E-01
C1orf145	0.87	1.92E-01	1.30	9.71E-02	-0.62	7.33E-01
AMT	0.87	1.92E-01	-0.87	8.07E-01	2.50	6.21E-03
HAUS5	0.87	1.92E-01	1.38	8.41E-02	-0.02	5.07E-01
KIAA1549L	0.87	1.92E-01	0.54	2.96E-01	0.33	3.69E-01
BSX	0.87	1.92E-01	-0.36	6.39E-01	0.94	1.74E-01
LEP	0.87	1.92E-01	-0.87	8.07E-01	1.02	1.54E-01
TNIP1	0.87	1.92E-01	0.36	3.59E-01	0.92	1.80E-01
DSC2	0.87	1.92E-01	0.86	1.94E-01	-0.09	5.37E-01
UPK3B	0.87	1.92E-01	-0.10	5.38E-01	2.79	2.67E-03
TGM6	0.87	1.92E-01	-0.34	6.32E-01	0.83	2.04E-01

KDM2B	0.87	1.92E-01	0.14	4.43E-01	0.51	3.04E-01
FOXQ1	0.87	1.92E-01	-0.39	6.53E-01	0.64	2.63E-01
SYNGR3	0.87	1.92E-01	1.23	1.09E-01	-1.10	8.65E-01
NEUROD2	0.87	1.92E-01	0.59	2.79E-01	0.47	3.21E-01
TBC1D31	0.87	1.92E-01	1.10	1.36E-01	0.05	4.81E-01
ALKBH2	0.87	1.93E-01	-0.29	6.13E-01	0.47	3.18E-01
ZNF460	0.87	1.93E-01	-0.22	5.86E-01	0.70	2.41E-01
DSCC1	0.87	1.93E-01	-0.07	5.28E-01	0.24	4.06E-01
LGALS9	0.87	1.93E-01	-0.45	6.73E-01	0.92	1.78E-01
ZNF709	0.87	1.93E-01	-0.03	5.14E-01	-0.19	5.75E-01
OR1A2	0.87	1.93E-01	0.24	4.05E-01	0.10	4.59E-01
POLI	0.87	1.93E-01	-0.62	7.34E-01	1.47	7.06E-02
COL4A3	0.87	1.93E-01	-1.18	8.82E-01	1.33	9.26E-02
TMEM66	0.87	1.93E-01	0.68	2.49E-01	-0.25	5.97E-01
CKMT2	0.87	1.93E-01	0.67	2.50E-01	0.74	2.29E-01
IL12B	0.87	1.93E-01	0.92	1.78E-01	-0.29	6.16E-01
COX16	0.87	1.93E-01	1.40	8.10E-02	-0.01	5.02E-01
COPRS	0.87	1.93E-01	2.54	5.58E-03	-0.57	7.17E-01
TTLL13	0.87	1.93E-01	-0.03	5.12E-01	0.26	3.96E-01
COQ10B	0.87	1.93E-01	1.17	1.22E-01	0.38	3.52E-01
PTH2R	0.87	1.93E-01	0.20	4.22E-01	1.44	7.45E-02
DUT	0.87	1.93E-01	2.32	1.02E-02	0.31	3.77E-01
VANGL2	0.86	1.94E-01	0.59	2.78E-01	-0.26	6.04E-01
PSG6	0.86	1.94E-01	1.42	7.76E-02	-1.18	8.82E-01
STRA6	0.86	1.94E-01	-0.16	5.65E-01	0.45	3.28E-01
EED	0.86	1.94E-01	1.64	5.04E-02	-0.18	5.73E-01
CLCA2	0.86	1.94E-01	1.26	1.03E-01	-1.09	8.61E-01
CCL17	0.86	1.94E-01	0.76	2.23E-01	-0.52	6.99E-01
MYEF2	0.86	1.94E-01	0.58	2.80E-01	0.13	4.48E-01
MCM5	0.86	1.94E-01	0.16	4.38E-01	0.25	4.02E-01
TRIM43	0.86	1.94E-01	0.79	2.15E-01	-0.06	5.26E-01

BIN3	0.86	1.94E-01	-1.27	8.99E-01	1.31	9.52E-02
ACN9	0.86	1.94E-01	1.38	8.42E-02	0.41	3.39E-01
RUNX2	0.86	1.94E-01	0.58	2.81E-01	-1.19	8.83E-01
ZNF514	0.86	1.94E-01	0.62	2.66E-01	0.20	4.20E-01
IHH	0.86	1.94E-01	-0.05	5.22E-01	0.95	1.71E-01
STX2	0.86	1.94E-01	-0.15	5.59E-01	0.94	1.73E-01
SLC45A2	0.86	1.94E-01	0.31	3.77E-01	0.37	3.57E-01
BBOX1	0.86	1.95E-01	0.30	3.81E-01	0.09	4.66E-01
MDH1	0.86	1.95E-01	1.10	1.36E-01	-0.81	7.92E-01
RNF17	0.86	1.95E-01	0.47	3.19E-01	-0.36	6.40E-01
H2AFX	0.86	1.95E-01	0.90	1.85E-01	0.01	4.96E-01
WIPI1	0.86	1.95E-01	1.07	1.42E-01	0.43	3.35E-01
RP11-597K23.2	0.86	1.95E-01	-0.20	5.79E-01	0.66	2.54E-01
KCNJ2	0.86	1.95E-01	-0.49	6.89E-01	0.53	2.97E-01
BNIP2	0.86	1.95E-01	1.16	1.24E-01	-1.16	8.77E-01
C15orf43	0.86	1.95E-01	1.89	2.96E-02	-0.16	5.63E-01
VAMP2	0.86	1.95E-01	-0.20	5.80E-01	0.72	2.37E-01
GRIK4	0.86	1.95E-01	0.12	4.51E-01	0.46	3.24E-01
PRED57	0.86	1.95E-01	-0.18	5.73E-01	0.40	3.46E-01
SLC25A32	0.86	1.96E-01	0.93	1.77E-01	-0.09	5.36E-01
HIST1H1A	0.86	1.96E-01	0.46	3.22E-01	-0.44	6.71E-01
MLH1	0.86	1.96E-01	0.05	4.78E-01	0.52	3.02E-01
TP73	0.86	1.96E-01	-1.08	8.59E-01	1.63	5.16E-02
PDDC1	0.86	1.96E-01	-0.34	6.35E-01	0.52	3.03E-01
METAP1	0.86	1.96E-01	0.55	2.91E-01	-0.24	5.94E-01
AHSP	0.86	1.96E-01	-0.32	6.26E-01	0.27	3.94E-01
SMC5	0.86	1.96E-01	-0.47	6.82E-01	0.87	1.92E-01
OR10J5	0.86	1.96E-01	-1.34	9.09E-01	1.17	1.22E-01
FLJ45079	0.86	1.96E-01	0.05	4.79E-01	0.37	3.57E-01
TBCCD1	0.86	1.96E-01	-1.17	8.79E-01	0.81	2.09E-01
ATP2C2	0.86	1.96E-01	2.06	1.97E-02	0.19	4.23E-01

FPGT-TNNI3K	0.86	1.96E-01	0.24	4.05E-01	1.07	1.42E-01
TNNI3K	0.86	1.96E-01	0.24	4.05E-01	1.07	1.42E-01
FZD9	0.85	1.96E-01	-0.63	7.36E-01	0.74	2.29E-01
THOC7	0.85	1.96E-01	1.16	1.23E-01	1.34	8.99E-02
SULF2	0.85	1.96E-01	1.96	2.49E-02	-0.76	7.76E-01
TPM2	0.85	1.96E-01	0.95	1.72E-01	-0.64	7.37E-01
TRIM47	0.85	1.96E-01	0.46	3.24E-01	1.13	1.29E-01
POLD4	0.85	1.96E-01	2.50	6.18E-03	-0.10	5.40E-01
CLPS	0.85	1.97E-01	-2.16	9.85E-01	1.67	4.72E-02
P2RY12	0.85	1.97E-01	0.64	2.61E-01	-0.44	6.71E-01
ERCC8	0.85	1.97E-01	-0.72	7.63E-01	1.64	5.05E-02
KLLN	0.85	1.97E-01	1.14	1.27E-01	-1.96	9.75E-01
UNC5CL	0.85	1.97E-01	0.35	3.64E-01	-0.15	5.59E-01
JPH1	0.85	1.97E-01	2.39	8.47E-03	-0.78	7.81E-01
CD302	0.85	1.97E-01	0.64	2.60E-01	-0.11	5.43E-01
TARBP2	0.85	1.97E-01	1.72	4.31E-02	-1.11	8.67E-01
NR1I3	0.85	1.97E-01	-1.06	8.54E-01	1.35	8.84E-02
LILRB5	0.85	1.97E-01	0.53	2.98E-01	-0.05	5.18E-01
JTB	0.85	1.97E-01	-0.15	5.58E-01	1.81	3.51E-02
IFT20	0.85	1.97E-01	0.11	4.55E-01	0.30	3.82E-01
GLT8D2	0.85	1.97E-01	-0.83	7.95E-01	0.68	2.49E-01
DAG1	0.85	1.97E-01	-1.09	8.63E-01	2.37	8.91E-03
VIL1	0.85	1.98E-01	-0.49	6.89E-01	2.15	1.56E-02
ZNF37A	0.85	1.98E-01	0.17	4.32E-01	0.21	4.16E-01
ABHD8	0.85	1.98E-01	1.17	1.20E-01	-0.44	6.70E-01
EFNA2	0.85	1.98E-01	0.21	4.16E-01	0.37	3.55E-01
RASSF5	0.85	1.98E-01	1.04	1.50E-01	0.75	2.26E-01
HIST1H4E	0.85	1.98E-01	0.05	4.79E-01	2.47	6.84E-03
ATP6V1A	0.85	1.98E-01	1.31	9.49E-02	-0.69	7.54E-01
DSCAML1	0.85	1.98E-01	-1.67	9.53E-01	0.53	2.97E-01
ZNF619	0.85	1.98E-01	1.54	6.16E-02	-1.00	8.41E-01

HSPB8	0.85	1.98E-01	0.81	2.09E-01	-1.59	9.44E-01
STT3A	0.85	1.98E-01	0.52	3.02E-01	0.32	3.76E-01
HTR5A	0.85	1.98E-01	1.76	3.90E-02	-1.40	9.20E-01
MYF6	0.85	1.98E-01	0.90	1.84E-01	-0.77	7.78E-01
HIST1H3D	0.85	1.98E-01	0.00	5.01E-01	1.69	4.55E-02
ACOT12	0.85	1.98E-01	0.49	3.12E-01	0.54	2.95E-01
OR6Y1	0.85	1.98E-01	1.07	1.42E-01	-0.71	7.60E-01
KRT71	0.85	1.99E-01	-0.36	6.39E-01	0.76	2.24E-01
AP2B1	0.85	1.99E-01	-0.66	7.46E-01	0.77	2.20E-01
C19orf26	0.85	1.99E-01	0.28	3.89E-01	0.07	4.72E-01
SOX15	0.85	1.99E-01	1.27	1.02E-01	-0.63	7.36E-01
VPREB3	0.85	1.99E-01	-0.36	6.39E-01	2.46	7.03E-03
UQCR11	0.85	1.99E-01	-0.41	6.58E-01	1.01	1.56E-01
MS4A2	0.85	1.99E-01	-0.59	7.23E-01	0.87	1.91E-01
AADAT	0.85	1.99E-01	0.96	1.68E-01	-1.28	9.00E-01
JMJD1C	0.84	1.99E-01	0.06	4.75E-01	1.91	2.84E-02
GGTLC1	0.84	1.99E-01	2.32	1.02E-02	0.38	3.51E-01
TMEM14C	0.84	1.99E-01	0.84	2.01E-01	-0.33	6.31E-01
PDE6D	0.84	1.99E-01	2.03	2.11E-02	-1.07	8.57E-01
POM121L12	0.84	1.99E-01	0.32	3.76E-01	0.72	2.36E-01
GTF2A2	0.84	1.99E-01	1.23	1.09E-01	-1.32	9.07E-01
RNF165	0.84	1.99E-01	0.31	3.76E-01	1.39	8.29E-02
KLHDC2	0.84	1.99E-01	0.43	3.32E-01	-0.07	5.27E-01
ATG3	0.84	1.99E-01	0.59	2.79E-01	0.25	4.00E-01
TLE3	0.84	2.00E-01	1.36	8.72E-02	-0.99	8.38E-01
NEMF	0.84	2.00E-01	0.07	4.73E-01	0.18	4.27E-01
TNFRSF10C	0.84	2.00E-01	1.41	7.88E-02	-0.77	7.78E-01
DARC	0.84	2.00E-01	-2.08	9.81E-01	2.17	1.51E-02
PARP14	0.84	2.00E-01	1.18	1.20E-01	-0.22	5.86E-01
PCBD1	0.84	2.00E-01	0.25	4.02E-01	-0.79	7.87E-01
CPAMD8	0.84	2.00E-01	0.01	4.95E-01	0.95	1.71E-01



AP1S3	0.84	2.00E-01	-0.77	7.81E-01	1.33	9.17E-02
LIME1	0.84	2.00E-01	1.10	1.35E-01	0.75	2.28E-01
HPSE2	0.84	2.00E-01	0.35	3.63E-01	1.38	8.37E-02
CHAT	0.84	2.00E-01	1.47	7.02E-02	-0.92	8.20E-01
TRPV4	0.84	2.00E-01	1.65	4.91E-02	-0.78	7.83E-01
FAM19A4	0.84	2.00E-01	1.09	1.37E-01	0.07	4.73E-01
PUM2	0.84	2.00E-01	0.14	4.44E-01	0.32	3.74E-01
PEX16	0.84	2.00E-01	0.79	2.14E-01	2.99	1.39E-03
ALG6	0.84	2.00E-01	1.05	1.47E-01	-1.43	9.23E-01
NECAB1	0.84	2.01E-01	1.58	5.69E-02	-1.29	9.01E-01
CSGALNACT2	0.84	2.01E-01	-1.37	9.15E-01	1.26	1.04E-01
ITGA2	0.84	2.01E-01	-0.65	7.43E-01	0.58	2.82E-01
EID2	0.84	2.01E-01	1.01	1.56E-01	-1.20	8.85E-01
TMED4	0.84	2.01E-01	0.61	2.69E-01	1.73	4.20E-02
VRK2	0.84	2.01E-01	-0.68	7.51E-01	1.99	2.35E-02
RP11-986E7.7	0.84	2.01E-01	0.98	1.63E-01	-1.17	8.79E-01
ADCY5	0.84	2.01E-01	-0.25	5.98E-01	0.67	2.50E-01
NEIL2	0.84	2.01E-01	-0.89	8.12E-01	2.91	1.81E-03
IQCF2	0.84	2.01E-01	1.55	6.02E-02	-1.15	8.76E-01
SAP30BP	0.84	2.01E-01	-0.44	6.70E-01	1.62	5.26E-02
FRMD4B	0.84	2.01E-01	0.55	2.91E-01	0.02	4.93E-01
MAP4K4	0.84	2.01E-01	-1.73	9.58E-01	1.63	5.18E-02
C6orf229	0.84	2.01E-01	0.53	2.98E-01	-0.26	6.04E-01
TAAR5	0.84	2.01E-01	0.90	1.85E-01	-0.10	5.39E-01
RTP1	0.84	2.01E-01	1.91	2.79E-02	0.54	2.93E-01
AARS	0.84	2.01E-01	1.43	7.58E-02	0.35	3.64E-01
TMPRSS13	0.84	2.01E-01	-0.60	7.25E-01	0.72	2.35E-01
FAM206A	0.84	2.01E-01	1.88	3.03E-02	-1.34	9.10E-01
PPFIA1	0.84	2.01E-01	0.48	3.16E-01	0.08	4.69E-01
PSMD4	0.84	2.02E-01	0.36	3.61E-01	0.20	4.21E-01
ARMC12	0.84	2.02E-01	0.15	4.42E-01	1.04	1.50E-01

PDS5A	0.84	2.02E-01	0.95	1.72E-01	0.97	1.65E-01
MRPL36	0.84	2.02E-01	0.09	4.64E-01	0.19	4.23E-01
NPR2	0.83	2.02E-01	0.81	2.08E-01	-0.39	6.51E-01
TOMM7	0.83	2.02E-01	0.53	3.00E-01	0.30	3.82E-01
NRAP	0.83	2.02E-01	0.21	4.16E-01	-0.26	6.02E-01
CACNA2D2	0.83	2.02E-01	1.03	1.51E-01	-0.18	5.71E-01
KCNG4	0.83	2.02E-01	0.85	1.97E-01	0.09	4.65E-01
HEXA	0.83	2.02E-01	0.08	4.67E-01	0.51	3.06E-01
FGF23	0.83	2.02E-01	-0.26	6.01E-01	0.22	4.12E-01
CPA5	0.83	2.02E-01	-0.55	7.10E-01	0.98	1.63E-01
ZFR2	0.83	2.02E-01	1.62	5.28E-02	-1.28	8.99E-01
NR3C2	0.83	2.02E-01	1.67	4.74E-02	-1.41	9.20E-01
MTO1	0.83	2.02E-01	1.19	1.17E-01	-0.41	6.57E-01
ARF3	0.83	2.02E-01	-0.26	6.02E-01	0.74	2.29E-01
DCLRE1A	0.83	2.02E-01	0.10	4.62E-01	0.58	2.82E-01
RGS13	0.83	2.02E-01	0.86	1.94E-01	-0.57	7.16E-01
C6orf164	0.83	2.02E-01	0.10	4.60E-01	0.88	1.90E-01
SNX3	0.83	2.03E-01	1.33	9.20E-02	-0.22	5.86E-01
ADPGK	0.83	2.03E-01	2.10	1.79E-02	1.13	1.29E-01
ECI2	0.83	2.03E-01	1.12	1.31E-01	0.12	4.53E-01
WDR27	0.83	2.03E-01	-0.96	8.31E-01	1.04	1.49E-01
PLA2G4C	0.83	2.03E-01	-0.01	5.04E-01	1.84	3.29E-02
GPR31	0.83	2.03E-01	0.48	3.16E-01	0.31	3.79E-01
C1orf51	0.83	2.03E-01	0.42	3.38E-01	0.60	2.75E-01
CST7	0.83	2.03E-01	-1.08	8.60E-01	1.73	4.20E-02
CCDC24	0.83	2.03E-01	1.14	1.27E-01	-0.77	7.80E-01
ANO8	0.83	2.03E-01	2.05	2.00E-02	0.43	3.34E-01
GABRA1	0.83	2.03E-01	1.17	1.21E-01	-0.88	8.12E-01
SNCAIP	0.83	2.04E-01	0.98	1.65E-01	0.22	4.11E-01
ACTC1	0.83	2.04E-01	-0.52	6.98E-01	0.69	2.46E-01
ERCC3	0.83	2.04E-01	-0.60	7.25E-01	0.70	2.41E-01

PTPRJ	0.83	2.04E-01	0.77	2.22E-01	-0.34	6.34E-01
UGT2B4	0.83	2.04E-01	-0.24	5.96E-01	0.63	2.64E-01
ANGPTL1	0.83	2.04E-01	1.35	8.87E-02	0.08	4.68E-01
ABI2	0.83	2.04E-01	0.32	3.75E-01	-0.38	6.47E-01
SLC25A39	0.83	2.04E-01	0.59	2.78E-01	-0.81	7.91E-01
OR2A2	0.83	2.04E-01	-0.06	5.23E-01	0.60	2.74E-01
WNT10A	0.83	2.04E-01	2.12	1.69E-02	0.15	4.40E-01
FAM178A	0.83	2.04E-01	0.57	2.84E-01	0.42	3.36E-01
PPP1R37	0.83	2.04E-01	-1.04	8.51E-01	2.19	1.42E-02
RADIL	0.83	2.04E-01	1.12	1.31E-01	-1.31	9.06E-01
C1orf21	0.83	2.04E-01	0.91	1.81E-01	0.91	1.80E-01
CNPY4	0.83	2.04E-01	0.07	4.72E-01	0.77	2.21E-01
EVI2A	0.83	2.04E-01	-0.36	6.39E-01	1.89	2.95E-02
NPBWR2	0.83	2.04E-01	0.65	2.58E-01	0.36	3.59E-01
KIAA1755	0.83	2.04E-01	1.53	6.29E-02	-1.37	9.15E-01
PACS1	0.83	2.05E-01	1.19	1.18E-01	-0.90	8.17E-01
ZBTB43	0.83	2.05E-01	-1.11	8.67E-01	1.42	7.80E-02
SLC35E2B	0.83	2.05E-01	0.84	2.00E-01	-0.27	6.07E-01
DHRS7	0.82	2.05E-01	0.00	5.02E-01	0.56	2.86E-01
KCNH7	0.82	2.05E-01	0.89	1.87E-01	0.62	2.67E-01
C10orf120	0.82	2.05E-01	0.54	2.96E-01	-0.11	5.42E-01
ZBBX	0.82	2.05E-01	0.86	1.94E-01	-0.84	8.00E-01
NHLRC2	0.82	2.05E-01	-0.13	5.51E-01	0.77	2.20E-01
CFI	0.82	2.05E-01	1.64	5.04E-02	0.20	4.20E-01
RAG2	0.82	2.05E-01	-0.65	7.41E-01	1.59	5.62E-02
PC	0.82	2.05E-01	0.22	4.13E-01	0.83	2.03E-01
COX6B1	0.82	2.05E-01	-1.12	8.70E-01	1.50	6.70E-02
TRAF3IP3	0.82	2.05E-01	-0.21	5.83E-01	1.62	5.31E-02
CCDC28A	0.82	2.05E-01	0.21	4.16E-01	0.06	4.74E-01
FHDC1	0.82	2.05E-01	-0.75	7.72E-01	0.06	4.77E-01
GPR3	0.82	2.05E-01	0.13	4.49E-01	0.15	4.42E-01

AGRP	0.82	2.05E-01	-1.77	9.62E-01	1.64	5.03E-02
ZNRF4	0.82	2.05E-01	0.83	2.04E-01	0.17	4.34E-01
PLN	0.82	2.05E-01	0.49	3.13E-01	0.10	4.60E-01
TNS1	0.82	2.05E-01	2.26	1.19E-02	-1.50	9.33E-01
SPPL2C	0.82	2.05E-01	1.53	6.27E-02	-1.40	9.20E-01
CDYL2	0.82	2.06E-01	-0.60	7.26E-01	0.70	2.42E-01
CHCHD6	0.82	2.06E-01	0.84	1.99E-01	-0.04	5.17E-01
ZCCHC2	0.82	2.06E-01	0.54	2.96E-01	0.10	4.59E-01
TRMT6	0.82	2.06E-01	0.79	2.14E-01	-0.05	5.21E-01
HRK	0.82	2.06E-01	0.86	1.95E-01	-0.88	8.10E-01
ZFP82	0.82	2.06E-01	0.90	1.85E-01	1.77	3.82E-02
BCL2L11	0.82	2.06E-01	1.80	3.58E-02	-1.19	8.83E-01
GKN2	0.82	2.06E-01	-0.18	5.70E-01	2.45	7.08E-03
ATP2C1	0.82	2.06E-01	1.56	5.90E-02	-0.94	8.27E-01
ILK	0.82	2.06E-01	-0.20	5.81E-01	0.66	2.55E-01
WWTR1	0.82	2.06E-01	1.05	1.48E-01	1.67	4.74E-02
ANKRD7	0.82	2.06E-01	1.36	8.72E-02	-0.63	7.36E-01
OR2B11	0.82	2.06E-01	0.72	2.37E-01	-0.68	7.52E-01
MEN1	0.82	2.06E-01	-0.95	8.29E-01	1.41	7.99E-02
LPPR5	0.82	2.06E-01	1.29	9.85E-02	-1.42	9.22E-01
CLEC4G	0.82	2.06E-01	1.94	2.59E-02	-0.08	5.30E-01
IFI16	0.82	2.07E-01	0.01	4.96E-01	0.15	4.41E-01
BANF2	0.82	2.07E-01	0.73	2.34E-01	1.74	4.10E-02
ZSWIM8	0.82	2.07E-01	0.43	3.32E-01	-0.14	5.54E-01
SELENBP1	0.82	2.07E-01	0.54	2.95E-01	0.41	3.40E-01
RPL17-C18orf32	0.82	2.07E-01	0.48	3.14E-01	0.65	2.58E-01
ZNF35	0.82	2.07E-01	-0.31	6.21E-01	1.04	1.49E-01
ZNF30	0.82	2.07E-01	-1.14	8.73E-01	1.15	1.24E-01
TMEM184A	0.82	2.07E-01	-1.06	8.54E-01	1.40	8.01E-02
TGIF1	0.82	2.07E-01	0.58	2.82E-01	0.42	3.36E-01
OR9G1	0.82	2.07E-01	1.51	6.59E-02	-1.74	9.59E-01

SRPK1	0.82	2.07E-01	-0.06	5.23E-01	0.44	3.31E-01
SETD6	0.82	2.07E-01	-0.33	6.29E-01	1.35	8.93E-02
C2orf70	0.82	2.07E-01	0.82	2.07E-01	-0.42	6.62E-01
WFIKKN1	0.82	2.07E-01	0.89	1.87E-01	-0.62	7.34E-01
FAM160A2	0.82	2.07E-01	1.55	6.01E-02	-1.42	9.22E-01
CELA1	0.82	2.07E-01	0.66	2.55E-01	-0.55	7.09E-01
TSPYL6	0.82	2.08E-01	1.10	1.35E-01	0.35	3.64E-01
GDF2	0.82	2.08E-01	0.67	2.51E-01	0.08	4.70E-01
LINGO2	0.81	2.08E-01	1.85	3.19E-02	-0.91	8.17E-01
SPINK14	0.81	2.08E-01	0.38	3.50E-01	0.15	4.39E-01
MREG	0.81	2.08E-01	0.78	2.18E-01	1.26	1.03E-01
CC2D1B	0.81	2.08E-01	0.42	3.36E-01	0.20	4.19E-01
MSMP	0.81	2.08E-01	0.16	4.38E-01	-0.54	7.07E-01
PGLYRP1	0.81	2.08E-01	0.98	1.63E-01	-0.55	7.08E-01
UTS2R	0.81	2.08E-01	0.20	4.19E-01	0.72	2.37E-01
USP48	0.81	2.08E-01	0.17	4.34E-01	-0.16	5.62E-01
RNF150	0.81	2.08E-01	0.44	3.31E-01	-0.22	5.88E-01
SERAC1	0.81	2.08E-01	-0.28	6.08E-01	1.02	1.53E-01
FRMPD2	0.81	2.08E-01	-0.15	5.61E-01	1.67	4.77E-02
DLG1	0.81	2.08E-01	-0.35	6.38E-01	0.67	2.51E-01
SLC38A11	0.81	2.08E-01	-0.06	5.23E-01	-0.08	5.33E-01
CSNK2A1	0.81	2.08E-01	0.39	3.50E-01	0.07	4.71E-01
CCT7	0.81	2.08E-01	0.18	4.28E-01	0.43	3.33E-01
KHDC3L	0.81	2.08E-01	1.05	1.46E-01	0.21	4.18E-01
SCGN	0.81	2.08E-01	0.31	3.76E-01	-0.55	7.08E-01
PPP2R5B	0.81	2.08E-01	-1.22	8.89E-01	1.45	7.37E-02
AIM2	0.81	2.08E-01	0.03	4.88E-01	-0.13	5.51E-01
EIF2B5	0.81	2.09E-01	-0.24	5.95E-01	0.80	2.12E-01
TRPA1	0.81	2.09E-01	1.30	9.66E-02	-0.77	7.81E-01
PNMAL1	0.81	2.09E-01	-0.79	7.85E-01	1.31	9.54E-02
CAMK2G	0.81	2.09E-01	0.64	2.62E-01	0.59	2.76E-01

CRP	0.81	2.09E-01	1.03	1.51E-01	-0.58	7.19E-01
RGP1	0.81	2.09E-01	0.13	4.46E-01	-0.10	5.42E-01
ZNF283	0.81	2.09E-01	0.19	4.26E-01	0.05	4.79E-01
CTSF	0.81	2.09E-01	0.91	1.80E-01	-1.03	8.49E-01
PIAS4	0.81	2.09E-01	-0.69	7.56E-01	0.74	2.30E-01
TYRP1	0.81	2.09E-01	1.19	1.17E-01	-1.01	8.43E-01
PTPRZ1	0.81	2.09E-01	-0.39	6.51E-01	1.42	7.84E-02
CHCHD2	0.81	2.09E-01	0.81	2.09E-01	0.55	2.90E-01
FCRLA	0.81	2.09E-01	0.99	1.60E-01	-1.60	9.45E-01
SCRT1	0.81	2.09E-01	1.65	4.97E-02	-1.19	8.83E-01
FLT3	0.81	2.09E-01	-0.06	5.22E-01	0.32	3.73E-01
GNPTAB	0.81	2.09E-01	0.52	3.02E-01	0.54	2.96E-01
PTGER2	0.81	2.09E-01	1.44	7.49E-02	-1.28	8.99E-01
FCRL5	0.81	2.09E-01	0.84	2.00E-01	-0.17	5.67E-01
CLN5	0.81	2.10E-01	1.54	6.14E-02	-0.34	6.34E-01
GRXCR2	0.81	2.10E-01	0.59	2.79E-01	-0.20	5.78E-01
PLA2R1	0.81	2.10E-01	-0.05	5.19E-01	0.24	4.04E-01
CD209	0.81	2.10E-01	1.79	3.71E-02	-0.88	8.11E-01
ZNF384	0.81	2.10E-01	-0.37	6.43E-01	0.73	2.33E-01
43162	0.81	2.10E-01	2.87	2.03E-03	0.58	2.80E-01
HEATR4	0.81	2.10E-01	0.99	1.61E-01	1.62	5.22E-02
CD1D	0.81	2.10E-01	1.29	9.81E-02	-0.29	6.14E-01
LPCAT3	0.81	2.10E-01	-0.85	8.02E-01	2.08	1.89E-02
RP11-404L6.2	0.81	2.10E-01	1.30	9.72E-02	-0.13	5.52E-01
PI4KA	0.81	2.10E-01	-0.43	6.67E-01	1.58	5.72E-02
TRIM11	0.81	2.10E-01	-0.29	6.15E-01	1.95	2.58E-02
LINC01124	0.81	2.10E-01	-0.46	6.77E-01	0.85	1.97E-01
EMG1	0.81	2.10E-01	-0.87	8.07E-01	1.96	2.50E-02
ARHGAP33	0.81	2.10E-01	-0.71	7.60E-01	1.22	1.12E-01
CNIH2	0.81	2.10E-01	1.21	1.12E-01	-0.35	6.37E-01
SUZ12	0.81	2.10E-01	1.40	8.03E-02	-0.92	8.22E-01

RILPL1	0.81	2.10E-01	1.61	5.41E-02	-0.19	5.75E-01
C5	0.81	2.10E-01	0.29	3.86E-01	-0.54	7.05E-01
ZNF337	0.80	2.11E-01	0.66	2.56E-01	0.72	2.35E-01
SPATA20	0.80	2.11E-01	0.24	4.06E-01	0.35	3.61E-01
OR8B3	0.80	2.11E-01	1.87	3.08E-02	-1.58	9.43E-01
CA14	0.80	2.11E-01	-0.97	8.35E-01	1.38	8.38E-02
FIGN	0.80	2.11E-01	-0.60	7.25E-01	0.48	3.16E-01
MKRN2	0.80	2.11E-01	0.22	4.12E-01	0.12	4.52E-01
NCAPH	0.80	2.11E-01	0.60	2.75E-01	-0.70	7.59E-01
RPN2	0.80	2.11E-01	2.30	1.07E-02	-0.64	7.40E-01
43351	0.80	2.11E-01	0.30	3.82E-01	2.91	1.78E-03
UQCRH	0.80	2.11E-01	0.48	3.14E-01	0.66	2.55E-01
CCDC74A	0.80	2.11E-01	0.05	4.79E-01	0.75	2.27E-01
PROS1	0.80	2.11E-01	-0.02	5.08E-01	0.06	4.77E-01
CEACAM6	0.80	2.11E-01	0.73	2.31E-01	-1.14	8.72E-01
YIF1A	0.80	2.11E-01	0.66	2.54E-01	-0.05	5.20E-01
RTCA	0.80	2.11E-01	0.43	3.32E-01	-0.35	6.36E-01
AK7	0.80	2.12E-01	-0.83	7.96E-01	1.48	6.97E-02
COX6B2	0.80	2.12E-01	0.40	3.46E-01	0.26	3.96E-01
SLC38A10	0.80	2.12E-01	-0.71	7.62E-01	1.70	4.47E-02
IGLL1	0.80	2.12E-01	1.07	1.41E-01	-0.65	7.42E-01
ARV1	0.80	2.12E-01	0.45	3.26E-01	-0.14	5.55E-01
LSM3	0.80	2.12E-01	0.27	3.95E-01	0.33	3.71E-01
MTERFD2	0.80	2.12E-01	0.77	2.22E-01	-0.85	8.03E-01
WIZ	0.80	2.12E-01	1.50	6.68E-02	-0.43	6.67E-01
ASCL1	0.80	2.12E-01	1.42	7.81E-02	-0.73	7.67E-01
SERPINF2	0.80	2.12E-01	-0.22	5.89E-01	0.49	3.11E-01
KLF6	0.80	2.12E-01	0.26	3.97E-01	0.52	3.03E-01
HOXA3	0.80	2.12E-01	1.24	1.08E-01	-0.10	5.41E-01
SLC25A11	0.80	2.12E-01	0.00	5.00E-01	0.63	2.65E-01
L1TD1	0.80	2.12E-01	1.64	5.04E-02	-1.19	8.83E-01

TMCO5A	0.80	2.12E-01	0.03	4.88E-01	0.72	2.37E-01
C11orf82	0.80	2.12E-01	-0.07	5.28E-01	2.12	1.70E-02
ACPL2	0.80	2.13E-01	1.00	1.59E-01	-0.08	5.30E-01
RALGAPB	0.80	2.13E-01	0.07	4.71E-01	0.95	1.70E-01
UGT2B11	0.80	2.13E-01	1.34	9.09E-02	-0.15	5.58E-01
ARMC5	0.80	2.13E-01	-0.20	5.79E-01	0.49	3.14E-01
SSRP1	0.80	2.13E-01	-0.23	5.93E-01	0.60	2.73E-01
MRPL30	0.80	2.13E-01	-0.08	5.31E-01	0.88	1.90E-01
RABIF	0.80	2.13E-01	-0.91	8.19E-01	0.91	1.81E-01
PABPC3	0.80	2.13E-01	0.68	2.47E-01	-0.16	5.64E-01
DCAF8	0.80	2.13E-01	0.47	3.18E-01	-0.03	5.10E-01
C10orf12	0.80	2.13E-01	0.04	4.84E-01	0.22	4.14E-01
CYP2R1	0.80	2.13E-01	0.48	3.14E-01	-0.72	7.64E-01
ANP32D	0.79	2.13E-01	0.65	2.59E-01	0.16	4.36E-01
TDGF1	0.79	2.13E-01	-0.64	7.39E-01	0.79	2.16E-01
KIAA1524	0.79	2.13E-01	0.43	3.34E-01	0.38	3.52E-01
AMOTL2	0.79	2.13E-01	-0.02	5.09E-01	0.05	4.80E-01
HYAL2	0.79	2.14E-01	2.13	1.65E-02	-1.08	8.59E-01
RSAD2	0.79	2.14E-01	0.63	2.63E-01	0.49	3.13E-01
COLGALT2	0.79	2.14E-01	0.92	1.80E-01	0.39	3.48E-01
RCBTB1	0.79	2.14E-01	0.60	2.75E-01	1.53	6.27E-02
LACE1	0.79	2.14E-01	0.24	4.05E-01	-0.47	6.82E-01
GOLT1B	0.79	2.14E-01	-0.03	5.12E-01	-0.21	5.84E-01
AMDHD2	0.79	2.14E-01	0.93	1.77E-01	0.20	4.20E-01
MBD3	0.79	2.14E-01	-0.49	6.86E-01	1.05	1.47E-01
FBN2	0.79	2.14E-01	-0.18	5.73E-01	0.73	2.33E-01
C1orf100	0.79	2.14E-01	0.07	4.73E-01	-0.10	5.40E-01
ABCF2	0.79	2.14E-01	0.15	4.40E-01	-0.20	5.79E-01
PATE2	0.79	2.14E-01	0.66	2.56E-01	-0.82	7.93E-01
MCOLN2	0.79	2.14E-01	0.92	1.80E-01	-0.13	5.53E-01
CDC123	0.79	2.14E-01	1.69	4.58E-02	-0.05	5.19E-01



SCG5	0.79	2.14E-01	-0.08	5.30E-01	1.53	6.34E-02
KMO	0.79	2.14E-01	-0.65	7.43E-01	1.55	6.06E-02
G2E3	0.79	2.14E-01	0.14	4.44E-01	1.20	1.14E-01
PTBP3	0.79	2.14E-01	0.50	3.07E-01	0.57	2.83E-01
FCHO1	0.79	2.14E-01	-0.21	5.82E-01	1.56	5.88E-02
OVGP1	0.79	2.14E-01	-0.01	5.04E-01	1.63	5.11E-02
ITIH1	0.79	2.14E-01	0.17	4.32E-01	0.21	4.16E-01
HOXD9	0.79	2.15E-01	1.38	8.42E-02	-1.59	9.44E-01
TRIM45	0.79	2.15E-01	0.19	4.26E-01	0.49	3.13E-01
XKR3	0.79	2.15E-01	0.27	3.94E-01	0.22	4.14E-01
TBCK	0.79	2.15E-01	0.33	3.70E-01	0.15	4.40E-01
FAM57A	0.79	2.15E-01	0.27	3.94E-01	1.35	8.87E-02
LIM2	0.79	2.15E-01	-0.75	7.74E-01	1.53	6.30E-02
C1orf61	0.79	2.15E-01	-0.53	7.04E-01	0.34	3.66E-01
ERLIN2	0.79	2.15E-01	0.16	4.38E-01	0.49	3.12E-01
CCDC105	0.79	2.15E-01	0.34	3.66E-01	0.60	2.73E-01
PCDH20	0.79	2.15E-01	-1.04	8.50E-01	1.09	1.38E-01
B3GAT3	0.79	2.15E-01	-1.00	8.42E-01	1.55	6.11E-02
FAM45A	0.79	2.15E-01	-0.65	7.44E-01	1.01	1.57E-01
FASTKD1	0.79	2.15E-01	0.81	2.09E-01	1.39	8.25E-02
CNP	0.79	2.15E-01	0.34	3.67E-01	0.19	4.23E-01
PILRB	0.79	2.15E-01	0.43	3.33E-01	-0.18	5.72E-01
AADA4L4	0.79	2.15E-01	-0.88	8.10E-01	2.11	1.74E-02
FBLN2	0.79	2.16E-01	1.09	1.38E-01	-1.14	8.73E-01
DYNC1I2	0.79	2.16E-01	0.87	1.91E-01	-0.50	6.92E-01
TBX1	0.79	2.16E-01	0.66	2.54E-01	-0.77	7.80E-01
OR2AE1	0.79	2.16E-01	1.45	7.29E-02	-0.96	8.31E-01
STIM1	0.79	2.16E-01	-0.10	5.41E-01	0.20	4.21E-01
ZNF789	0.79	2.16E-01	-0.76	7.77E-01	0.57	2.84E-01
MALT1	0.79	2.16E-01	1.28	9.94E-02	-1.55	9.40E-01
SHF	0.79	2.16E-01	-0.07	5.28E-01	0.84	2.00E-01

VAC14	0.79	2.16E-01	0.88	1.89E-01	0.81	2.08E-01
CHRND	0.79	2.16E-01	-0.60	7.25E-01	0.73	2.32E-01
HADHA	0.78	2.16E-01	2.31	1.05E-02	0.41	3.41E-01
MRPL24	0.78	2.16E-01	1.25	1.05E-01	0.75	2.25E-01
ABCB4	0.78	2.16E-01	1.67	4.71E-02	-1.18	8.81E-01
GNAO1	0.78	2.16E-01	0.55	2.89E-01	-0.82	7.93E-01
WVOX	0.78	2.17E-01	2.65	3.98E-03	-0.50	6.92E-01
COQ7	0.78	2.17E-01	-0.04	5.16E-01	0.08	4.66E-01
AC005481.5	0.78	2.17E-01	0.42	3.36E-01	0.28	3.90E-01
ZNF225	0.78	2.17E-01	-0.39	6.52E-01	0.73	2.32E-01
TROAP	0.78	2.17E-01	2.27	1.16E-02	-0.55	7.09E-01
C10orf55	0.78	2.17E-01	1.55	6.05E-02	-1.52	9.36E-01
AUH	0.78	2.17E-01	-0.19	5.75E-01	-0.05	5.18E-01
CFD	0.78	2.17E-01	-1.25	8.95E-01	1.10	1.35E-01
SPOCK2	0.78	2.17E-01	-0.66	7.45E-01	1.18	1.19E-01
PLD1	0.78	2.17E-01	0.85	1.98E-01	1.76	3.89E-02
KCNA1	0.78	2.17E-01	1.53	6.25E-02	-1.30	9.03E-01
DIRC3	0.78	2.17E-01	-0.04	5.18E-01	0.57	2.83E-01
LCP1	0.78	2.17E-01	0.81	2.10E-01	0.85	1.97E-01
STK11	0.78	2.18E-01	-0.07	5.29E-01	0.00	5.00E-01
RP11-41O4.1	0.78	2.18E-01	-0.49	6.87E-01	0.81	2.08E-01
OR2D3	0.78	2.18E-01	0.51	3.04E-01	-0.11	5.43E-01
GPR4	0.78	2.18E-01	0.51	3.04E-01	0.38	3.52E-01
MMRN1	0.78	2.18E-01	-0.71	7.60E-01	1.40	8.01E-02
CSTA	0.78	2.18E-01	1.55	6.10E-02	-1.12	8.68E-01
SPRYD7	0.78	2.18E-01	-1.51	9.35E-01	1.93	2.67E-02
ZNF726	0.78	2.18E-01	0.95	1.71E-01	-0.63	7.37E-01
BLZF1	0.78	2.18E-01	0.72	2.35E-01	1.02	1.53E-01
MLLT10	0.78	2.18E-01	0.32	3.75E-01	-0.79	7.85E-01
PITX2	0.78	2.18E-01	1.02	1.54E-01	-1.33	9.08E-01
EXT1	0.78	2.18E-01	0.11	4.56E-01	0.09	4.66E-01

ZNF880	0.78	2.18E-01	0.05	4.78E-01	1.50	6.63E-02
ARHGEF7	0.78	2.18E-01	1.27	1.03E-01	0.35	3.63E-01
PRIM2	0.78	2.18E-01	0.07	4.71E-01	2.24	1.24E-02
KCTD10	0.78	2.18E-01	0.81	2.08E-01	-0.88	8.11E-01
MAX	0.78	2.18E-01	1.41	8.00E-02	-1.31	9.05E-01
RFC2	0.78	2.18E-01	-0.38	6.49E-01	1.59	5.60E-02
RP11-574K11.31	0.78	2.18E-01	0.28	3.89E-01	-0.14	5.54E-01
SALL1	0.78	2.18E-01	-0.55	7.10E-01	0.59	2.76E-01
WDR63	0.78	2.18E-01	0.00	4.99E-01	0.01	4.98E-01
RP11-399J13.3	0.78	2.18E-01	1.30	9.67E-02	-0.21	5.82E-01
NANOS2	0.78	2.18E-01	2.43	7.58E-03	-0.20	5.79E-01
PTX4	0.78	2.18E-01	-0.90	8.16E-01	1.16	1.23E-01
THPO	0.78	2.18E-01	0.99	1.60E-01	-0.47	6.82E-01
CLVS1	0.78	2.19E-01	2.65	3.97E-03	-0.03	5.11E-01
ACOXL	0.78	2.19E-01	0.15	4.40E-01	-0.45	6.75E-01
NUP133	0.78	2.19E-01	-0.84	8.01E-01	1.48	6.94E-02
FKBP6	0.78	2.19E-01	0.08	4.67E-01	1.20	1.14E-01
TRIM25	0.78	2.19E-01	-0.21	5.83E-01	0.32	3.76E-01
CCRN4L	0.78	2.19E-01	0.37	3.54E-01	0.01	4.98E-01
IGFBP5	0.78	2.19E-01	1.16	1.22E-01	-1.01	8.43E-01
KHDRBS3	0.78	2.19E-01	1.48	6.98E-02	-0.79	7.86E-01
ZNF554	0.78	2.19E-01	0.42	3.38E-01	-0.24	5.94E-01
SNAP29	0.78	2.19E-01	-0.55	7.08E-01	1.79	3.67E-02
MRPL17	0.78	2.19E-01	0.50	3.07E-01	-0.02	5.09E-01
CASP3	0.78	2.19E-01	-0.73	7.68E-01	1.27	1.03E-01
ATP6V1B2	0.78	2.19E-01	0.49	3.12E-01	0.13	4.48E-01
OXLD1	0.77	2.19E-01	1.25	1.05E-01	-0.92	8.22E-01
C1orf50	0.77	2.19E-01	1.40	8.01E-02	-0.13	5.52E-01
ERVV-2	0.77	2.19E-01	-0.53	7.02E-01	0.69	2.46E-01
SLC25A35	0.77	2.20E-01	-0.24	5.94E-01	1.09	1.37E-01
HIPK2	0.77	2.20E-01	2.01	2.24E-02	-1.03	8.48E-01

ASTL	0.77	2.20E-01	0.59	2.79E-01	0.01	4.95E-01
ZMYM1	0.77	2.20E-01	0.26	3.97E-01	0.58	2.81E-01
C16orf87	0.77	2.20E-01	1.34	9.07E-02	-0.37	6.43E-01
TBL3	0.77	2.20E-01	0.59	2.79E-01	-0.59	7.24E-01
HDAC9	0.77	2.20E-01	0.84	2.02E-01	-0.04	5.15E-01
CCR3	0.77	2.20E-01	-0.08	5.33E-01	0.59	2.78E-01
PPAP2C	0.77	2.20E-01	0.99	1.60E-01	-1.35	9.11E-01
PPP2CB	0.77	2.20E-01	0.22	4.14E-01	-0.08	5.32E-01
RSBN1L	0.77	2.20E-01	-0.19	5.77E-01	0.97	1.67E-01
CDC42EP4	0.77	2.20E-01	0.85	1.98E-01	-0.01	5.03E-01
DCAF8	0.77	2.20E-01	0.47	3.19E-01	-0.03	5.13E-01
NMT2	0.77	2.20E-01	0.83	2.03E-01	-0.45	6.74E-01
IFNG	0.77	2.20E-01	-0.58	7.20E-01	0.60	2.75E-01
SMYD5	0.77	2.20E-01	-0.13	5.50E-01	0.99	1.62E-01
HSPB7	0.77	2.20E-01	0.31	3.77E-01	-0.34	6.32E-01
NOP2	0.77	2.20E-01	1.22	1.11E-01	-0.74	7.70E-01
PLEKHM1	0.77	2.21E-01	1.01	1.56E-01	-0.73	7.69E-01
PGAM2	0.77	2.21E-01	1.10	1.35E-01	-0.93	8.23E-01
RAB20	0.77	2.21E-01	0.81	2.10E-01	0.06	4.77E-01
MEP1A	0.77	2.21E-01	0.80	2.11E-01	0.70	2.42E-01
ETNK1	0.77	2.21E-01	0.67	2.51E-01	-0.22	5.88E-01
ZBTB44	0.77	2.21E-01	0.57	2.83E-01	-0.46	6.78E-01
RPS25	0.77	2.21E-01	-0.75	7.74E-01	1.23	1.10E-01
MC5R	0.77	2.21E-01	-0.50	6.90E-01	0.81	2.09E-01
CDCP2	0.77	2.21E-01	0.13	4.47E-01	0.36	3.58E-01
POLE4	0.77	2.21E-01	0.82	2.06E-01	-1.19	8.83E-01
MRPL34	0.77	2.21E-01	0.80	2.13E-01	-0.40	6.56E-01
PRL	0.77	2.21E-01	1.35	8.85E-02	-1.22	8.89E-01
CARD11	0.77	2.21E-01	-0.42	6.61E-01	0.79	2.14E-01
PPP6R1	0.77	2.21E-01	1.14	1.26E-01	-0.20	5.78E-01
ZCCHC17	0.77	2.22E-01	-0.86	8.04E-01	1.13	1.29E-01

COPS6	0.77	2.22E-01	1.21	1.13E-01	-0.28	6.10E-01
SLC27A2	0.77	2.22E-01	1.40	8.03E-02	-0.22	5.88E-01
FGL2	0.77	2.22E-01	1.42	7.82E-02	-0.81	7.91E-01
BCKDHB	0.77	2.22E-01	0.00	5.01E-01	2.45	7.22E-03
KCNJ1	0.77	2.22E-01	0.70	2.43E-01	0.44	3.28E-01
SPG7	0.77	2.22E-01	0.26	3.96E-01	-0.09	5.38E-01
ZNF814	0.77	2.22E-01	0.52	3.02E-01	-0.18	5.72E-01
MTOR	0.77	2.22E-01	0.42	3.39E-01	0.01	4.98E-01
C20orf78	0.77	2.22E-01	0.04	4.84E-01	-0.06	5.24E-01
VNN3	0.77	2.22E-01	-0.16	5.64E-01	0.57	2.85E-01
C7orf55	0.77	2.22E-01	0.21	4.17E-01	0.33	3.69E-01
PDE5A	0.76	2.22E-01	0.29	3.87E-01	-0.22	5.85E-01
TAF11	0.76	2.22E-01	-1.75	9.60E-01	1.87	3.09E-02
MRS2	0.76	2.22E-01	0.95	1.70E-01	-0.54	7.07E-01
SEPSECS	0.76	2.23E-01	0.80	2.12E-01	-0.37	6.42E-01
NSD1	0.76	2.23E-01	-0.30	6.18E-01	0.23	4.11E-01
EPHA3	0.76	2.23E-01	-0.61	7.28E-01	0.72	2.35E-01
GRHL2	0.76	2.23E-01	0.21	4.19E-01	2.31	1.06E-02
CAMK1D	0.76	2.23E-01	0.89	1.86E-01	0.38	3.52E-01
CHN2	0.76	2.23E-01	-0.75	7.72E-01	0.58	2.80E-01
TUBA1C	0.76	2.23E-01	1.63	5.15E-02	-0.95	8.29E-01
SLC38A4	0.76	2.23E-01	-1.00	8.42E-01	1.49	6.78E-02
DCUN1D2	0.76	2.23E-01	-0.45	6.75E-01	0.53	3.00E-01
C17orf58	0.76	2.23E-01	0.63	2.65E-01	-0.39	6.52E-01
CD40	0.76	2.23E-01	1.36	8.62E-02	0.29	3.88E-01
DUOX1	0.76	2.23E-01	0.15	4.42E-01	0.71	2.40E-01
SOX12	0.76	2.23E-01	2.71	3.41E-03	0.83	2.03E-01
ULK1	0.76	2.23E-01	-1.39	9.18E-01	1.27	1.03E-01
FAM198B	0.76	2.23E-01	0.30	3.82E-01	1.44	7.55E-02
UBP1	0.76	2.23E-01	0.19	4.26E-01	1.87	3.10E-02
SH3D19	0.76	2.23E-01	-0.02	5.08E-01	0.45	3.27E-01

ATP6V1H	0.76	2.23E-01	2.11	1.74E-02	-0.01	5.04E-01
DDX19B	0.76	2.23E-01	1.17	1.21E-01	1.19	1.17E-01
SERPINB12	0.76	2.23E-01	-2.40	9.92E-01	1.85	3.18E-02
KLHDC8B	0.76	2.23E-01	-1.77	9.62E-01	2.12	1.72E-02
TM4SF4	0.76	2.23E-01	0.15	4.39E-01	1.08	1.40E-01
RPSA	0.76	2.23E-01	1.58	5.72E-02	-0.59	7.21E-01
KIAA1549	0.76	2.23E-01	2.09	1.83E-02	-0.92	8.21E-01
KLRG1	0.76	2.23E-01	-0.67	7.47E-01	1.10	1.36E-01
LPO	0.76	2.23E-01	0.85	1.98E-01	-0.25	5.98E-01
ZNF570	0.76	2.24E-01	0.55	2.90E-01	-0.56	7.11E-01
CIRBP	0.76	2.24E-01	-0.63	7.35E-01	1.15	1.26E-01
TNFSF14	0.76	2.24E-01	0.40	3.43E-01	-0.75	7.73E-01
PAX5	0.76	2.24E-01	0.72	2.35E-01	1.66	4.88E-02
MOBP	0.76	2.24E-01	0.11	4.57E-01	0.11	4.56E-01
DCAF4	0.76	2.24E-01	0.26	3.96E-01	1.43	7.63E-02
CNR2	0.76	2.24E-01	-0.67	7.50E-01	1.66	4.82E-02
GSTA1	0.76	2.24E-01	-0.33	6.29E-01	0.67	2.52E-01
ALKBH5	0.76	2.24E-01	-0.06	5.24E-01	1.03	1.52E-01
CLSPN	0.76	2.24E-01	0.22	4.12E-01	0.65	2.58E-01
HNRNPA3	0.76	2.24E-01	0.46	3.24E-01	1.63	5.14E-02
HIST1H4B	0.76	2.24E-01	0.89	1.87E-01	-0.78	7.81E-01
HACL1	0.76	2.24E-01	-0.32	6.27E-01	0.59	2.78E-01
AC009365.3	0.76	2.24E-01	1.95	2.59E-02	-1.66	9.52E-01
IRGM	0.76	2.24E-01	2.25	1.21E-02	-0.36	6.42E-01
CCDC178	0.76	2.24E-01	0.33	3.71E-01	0.08	4.68E-01
JMJD7	0.76	2.24E-01	0.13	4.47E-01	-0.36	6.41E-01
SYNE1	0.76	2.24E-01	0.82	2.07E-01	-0.49	6.88E-01
RGL3	0.76	2.24E-01	0.36	3.61E-01	-0.07	5.26E-01
HSPB2-C11orf52	0.76	2.25E-01	1.31	9.53E-02	-0.71	7.62E-01
BTF3L4	0.76	2.25E-01	0.08	4.69E-01	0.26	3.96E-01
HNF1A	0.76	2.25E-01	-0.50	6.91E-01	1.07	1.43E-01

ASAP3	0.76	2.25E-01	1.50	6.64E-02	1.55	6.09E-02
GPC5	0.76	2.25E-01	-0.51	6.94E-01	1.23	1.10E-01
ACSBG2	0.76	2.25E-01	1.28	9.99E-02	-1.10	8.63E-01
TMEM260	0.76	2.25E-01	1.25	1.05E-01	-0.23	5.91E-01
MALSU1	0.76	2.25E-01	0.52	3.00E-01	-0.24	5.95E-01
OR6M1	0.76	2.25E-01	0.82	2.06E-01	-0.28	6.12E-01
PLCH2	0.76	2.25E-01	-0.90	8.16E-01	1.05	1.47E-01
C11orf89	0.76	2.25E-01	-0.04	5.16E-01	0.05	4.78E-01
HFE	0.76	2.25E-01	-0.05	5.20E-01	-0.38	6.46E-01
DNAJA4	0.76	2.25E-01	-0.54	7.04E-01	2.03	2.10E-02
NEFH	0.76	2.25E-01	-0.82	7.94E-01	1.70	4.46E-02
SLC12A2	0.75	2.25E-01	0.41	3.39E-01	-0.06	5.23E-01
LPAR5	0.75	2.25E-01	1.04	1.49E-01	-0.37	6.44E-01
COPG1	0.75	2.25E-01	-0.64	7.40E-01	1.65	4.91E-02
LEPR	0.75	2.25E-01	0.94	1.73E-01	-0.30	6.17E-01
ANAPC15	0.75	2.25E-01	0.62	2.67E-01	0.00	5.00E-01
CDK19	0.75	2.25E-01	0.84	2.01E-01	0.68	2.50E-01
ZNF577	0.75	2.25E-01	-1.24	8.93E-01	1.07	1.43E-01
C4orf29	0.75	2.25E-01	0.94	1.73E-01	0.20	4.21E-01
FIBIN	0.75	2.26E-01	1.00	1.58E-01	-1.14	8.73E-01
PHLPP2	0.75	2.26E-01	0.08	4.69E-01	1.34	9.05E-02
CARS2	0.75	2.26E-01	0.67	2.50E-01	0.86	1.96E-01
ZSCAN32	0.75	2.26E-01	-0.34	6.32E-01	0.68	2.49E-01
NFIC	0.75	2.26E-01	1.03	1.52E-01	0.75	2.27E-01
ST3GAL6	0.75	2.26E-01	-0.67	7.49E-01	2.10	1.80E-02
SERPINA10	0.75	2.26E-01	-0.18	5.71E-01	1.35	8.90E-02
CRYAB	0.75	2.26E-01	1.42	7.72E-02	-0.84	7.98E-01
PLL	0.75	2.26E-01	0.23	4.08E-01	0.78	2.18E-01
MS4A3	0.75	2.26E-01	0.25	4.02E-01	0.02	4.90E-01
C14orf64	0.75	2.26E-01	0.37	3.56E-01	0.75	2.26E-01
PEX5	0.75	2.26E-01	0.07	4.73E-01	0.21	4.18E-01

GNG2	0.75	2.26E-01	0.97	1.66E-01	0.06	4.76E-01
MFI2	0.75	2.26E-01	0.99	1.60E-01	-0.91	8.18E-01
SNURF	0.75	2.26E-01	-0.09	5.36E-01	0.00	5.01E-01
C16orf52	0.75	2.26E-01	1.14	1.28E-01	0.59	2.79E-01
PLAG1	0.75	2.26E-01	0.27	3.92E-01	0.64	2.61E-01
KCNJ6	0.75	2.26E-01	0.18	4.30E-01	0.81	2.08E-01
THRSP	0.75	2.26E-01	0.07	4.73E-01	0.11	4.55E-01
OR1Q1	0.75	2.26E-01	0.13	4.50E-01	0.04	4.84E-01
COL15A1	0.75	2.26E-01	2.12	1.70E-02	0.68	2.49E-01
MRPS6	0.75	2.26E-01	1.40	8.05E-02	-0.07	5.26E-01
EMC9	0.75	2.26E-01	0.01	4.94E-01	0.29	3.85E-01
FUT11	0.75	2.27E-01	0.26	3.99E-01	0.44	3.29E-01
ASAH2B	0.75	2.27E-01	0.36	3.59E-01	-0.50	6.92E-01
ZMIZ1	0.75	2.27E-01	0.04	4.83E-01	0.85	1.98E-01
WHSC1L1	0.75	2.27E-01	0.12	4.52E-01	2.40	8.16E-03
KIAA1715	0.75	2.27E-01	-1.03	8.49E-01	1.01	1.57E-01
ING2	0.75	2.27E-01	0.19	4.23E-01	1.10	1.36E-01
ZFHX4	0.75	2.27E-01	0.61	2.70E-01	-0.25	5.98E-01
SYNPR	0.75	2.27E-01	-0.08	5.31E-01	0.30	3.82E-01
DDHD2	0.75	2.27E-01	0.08	4.67E-01	2.48	6.53E-03
ABCA6	0.75	2.27E-01	1.02	1.54E-01	-0.34	6.33E-01
RNF6	0.75	2.27E-01	-0.06	5.25E-01	0.21	4.15E-01
LRRC4C	0.75	2.27E-01	1.61	5.37E-02	0.33	3.71E-01
SNX7	0.75	2.27E-01	0.06	4.77E-01	0.95	1.71E-01
LRRC37B	0.75	2.27E-01	1.41	8.00E-02	-0.10	5.41E-01
PTPN21	0.75	2.27E-01	0.82	2.06E-01	0.05	4.80E-01
KIF26A	0.75	2.27E-01	0.48	3.17E-01	0.89	1.87E-01
UST	0.75	2.27E-01	-0.27	6.06E-01	-0.12	5.49E-01
KRTAP5-10	0.75	2.27E-01	-0.04	5.18E-01	0.24	4.04E-01
YIPF4	0.75	2.27E-01	-0.30	6.19E-01	0.43	3.33E-01
U2AF1L4	0.75	2.27E-01	-0.69	7.55E-01	1.79	3.66E-02



PCK2	0.75	2.27E-01	0.00	5.00E-01	-0.27	6.06E-01
MANBA	0.75	2.28E-01	0.49	3.12E-01	-0.15	5.59E-01
FXR2	0.75	2.28E-01	1.96	2.52E-02	0.77	2.19E-01
HIST1H3C	0.75	2.28E-01	0.35	3.65E-01	-0.39	6.50E-01
SLC43A1	0.75	2.28E-01	0.69	2.45E-01	0.16	4.37E-01
UGGT2	0.75	2.28E-01	0.94	1.74E-01	0.19	4.26E-01
PELI2	0.75	2.28E-01	0.92	1.78E-01	2.22	1.32E-02
BIRC6	0.75	2.28E-01	0.14	4.43E-01	0.25	4.03E-01
TIA1	0.75	2.28E-01	0.72	2.34E-01	-0.35	6.36E-01
ABHD3	0.75	2.28E-01	1.42	7.77E-02	-1.83	9.67E-01
SREBF1	0.75	2.28E-01	2.11	1.76E-02	0.00	4.99E-01
ANKRD65	0.74	2.28E-01	1.05	1.47E-01	-0.02	5.09E-01
ACHE	0.74	2.28E-01	0.33	3.70E-01	-0.26	6.02E-01
HOGA1	0.74	2.28E-01	-1.46	9.28E-01	1.41	7.90E-02
GINS2	0.74	2.28E-01	0.46	3.22E-01	0.43	3.32E-01
ENPP3	0.74	2.28E-01	0.09	4.64E-01	0.43	3.35E-01
ZNF587	0.74	2.28E-01	0.15	4.39E-01	-0.05	5.21E-01
DRD5	0.74	2.29E-01	-0.83	7.96E-01	1.70	4.46E-02
C9orf40	0.74	2.29E-01	-0.38	6.49E-01	1.15	1.25E-01
APOBEC1	0.74	2.29E-01	0.90	1.83E-01	-0.20	5.79E-01
SMC1B	0.74	2.29E-01	0.69	2.46E-01	-0.05	5.18E-01
WWP1	0.74	2.29E-01	0.90	1.83E-01	-0.64	7.40E-01
GLYAT	0.74	2.29E-01	0.85	1.98E-01	2.60	4.61E-03
CRYGS	0.74	2.29E-01	-0.49	6.90E-01	0.87	1.91E-01
GPRC6A	0.74	2.29E-01	0.92	1.80E-01	-0.73	7.67E-01
SIRPB2	0.74	2.29E-01	0.74	2.28E-01	-1.02	8.47E-01
NPY2R	0.74	2.29E-01	0.76	2.24E-01	-0.93	8.25E-01
DOT1L	0.74	2.29E-01	-0.42	6.64E-01	0.37	3.57E-01
PIK3C2B	0.74	2.29E-01	0.25	4.02E-01	0.74	2.31E-01
NPR1	0.74	2.29E-01	-1.56	9.41E-01	1.64	5.06E-02
INTS1	0.74	2.29E-01	1.17	1.21E-01	-0.89	8.15E-01

MDGA2	0.74	2.30E-01	0.03	4.89E-01	1.78	3.74E-02
CYTH1	0.74	2.30E-01	0.10	4.60E-01	0.52	3.01E-01
PLK3	0.74	2.30E-01	2.43	7.59E-03	-0.20	5.78E-01
CARTPT	0.74	2.30E-01	-0.15	5.59E-01	0.16	4.37E-01
GRK4	0.74	2.30E-01	0.03	4.87E-01	0.38	3.52E-01
TCP10L2	0.74	2.30E-01	1.32	9.36E-02	1.65	4.96E-02
PSMC6	0.74	2.30E-01	1.16	1.23E-01	-0.92	8.22E-01
MDGA2	0.74	2.30E-01	0.03	4.90E-01	1.78	3.77E-02
GNAZ	0.74	2.30E-01	0.14	4.42E-01	0.74	2.29E-01
FAM76B	0.74	2.30E-01	-0.99	8.40E-01	1.84	3.27E-02
FOXN1	0.74	2.30E-01	0.64	2.62E-01	-0.67	7.47E-01
RSU1	0.74	2.30E-01	1.24	1.07E-01	-1.41	9.21E-01
PKN2	0.74	2.30E-01	-1.42	9.22E-01	1.64	5.09E-02
CSN3	0.74	2.30E-01	0.23	4.09E-01	-0.36	6.39E-01
SMARCA5	0.74	2.31E-01	-0.65	7.41E-01	1.07	1.42E-01
IPO8	0.74	2.31E-01	-0.78	7.83E-01	1.68	4.62E-02
MSLNL	0.74	2.31E-01	0.84	2.01E-01	-0.38	6.47E-01
TECTA	0.74	2.31E-01	0.48	3.14E-01	-0.25	5.98E-01
KIAA1244	0.74	2.31E-01	-0.24	5.96E-01	1.57	5.83E-02
LETM2	0.74	2.31E-01	-0.50	6.92E-01	2.13	1.67E-02
ZBTB11	0.74	2.31E-01	-0.70	7.57E-01	1.01	1.56E-01
CTSG	0.74	2.31E-01	-0.55	7.07E-01	1.43	7.60E-02
NUDT6	0.74	2.31E-01	-0.98	8.37E-01	1.27	1.02E-01
LRRC6	0.74	2.31E-01	1.21	1.13E-01	0.51	3.06E-01
CMIP	0.74	2.31E-01	1.80	3.57E-02	0.59	2.78E-01
NCAPG	0.73	2.31E-01	1.43	7.57E-02	0.79	2.14E-01
TMEM86A	0.73	2.31E-01	-0.77	7.79E-01	0.77	2.21E-01
KIAA1143	0.73	2.31E-01	1.06	1.44E-01	0.19	4.24E-01
TM6SF1	0.73	2.31E-01	0.61	2.70E-01	2.16	1.52E-02
ZNF394	0.73	2.32E-01	-0.66	7.45E-01	0.60	2.74E-01
TAF10	0.73	2.32E-01	-0.72	7.63E-01	0.97	1.65E-01

LRRN4	0.73	2.32E-01	-0.56	7.12E-01	1.12	1.32E-01
RP11-307N16.6	0.73	2.32E-01	0.57	2.84E-01	0.05	4.79E-01
FAM177B	0.73	2.32E-01	0.33	3.70E-01	-0.42	6.64E-01
MRPL30	0.73	2.32E-01	0.21	4.19E-01	0.74	2.30E-01
TPH2	0.73	2.32E-01	2.26	1.19E-02	-1.13	8.71E-01
ACSM5	0.73	2.32E-01	1.27	1.02E-01	-0.72	7.65E-01
NAB1	0.73	2.32E-01	0.35	3.64E-01	-0.54	7.07E-01
YWHAE	0.73	2.32E-01	-0.56	7.11E-01	0.27	3.95E-01
TFPI2	0.73	2.32E-01	-0.41	6.58E-01	0.58	2.80E-01
LHFPL5	0.73	2.32E-01	0.08	4.68E-01	0.16	4.36E-01
NAALADL1	0.73	2.32E-01	2.75	2.97E-03	0.78	2.17E-01
ZNF496	0.73	2.33E-01	-0.65	7.41E-01	0.98	1.64E-01
PLD5	0.73	2.33E-01	-0.35	6.36E-01	1.69	4.59E-02
MBLAC1	0.73	2.33E-01	-0.55	7.10E-01	0.67	2.53E-01
CCDC61	0.73	2.33E-01	0.42	3.38E-01	0.37	3.55E-01
ZBTB38	0.73	2.33E-01	-0.71	7.61E-01	1.21	1.12E-01
PSTPIP2	0.73	2.33E-01	-0.14	5.56E-01	0.54	2.95E-01
HUNK	0.73	2.33E-01	1.15	1.25E-01	0.80	2.12E-01
ATP4B	0.73	2.33E-01	0.18	4.30E-01	-0.16	5.62E-01
PALM3	0.73	2.33E-01	0.83	2.03E-01	-0.04	5.17E-01
TBC1D19	0.73	2.33E-01	-0.03	5.14E-01	0.09	4.63E-01
SLC35F6	0.73	2.33E-01	0.23	4.08E-01	0.11	4.56E-01
C1QTNF3	0.73	2.33E-01	1.78	3.74E-02	-1.01	8.43E-01
LCOR	0.73	2.33E-01	0.51	3.05E-01	-0.19	5.74E-01
C5orf58	0.73	2.33E-01	0.03	4.87E-01	0.04	4.83E-01
CSNK1E	0.73	2.33E-01	-0.25	5.99E-01	0.86	1.96E-01
CERS3	0.73	2.33E-01	-0.56	7.12E-01	0.46	3.24E-01
ADAMTSL1	0.73	2.33E-01	0.04	4.85E-01	0.73	2.32E-01
IFI30	0.73	2.33E-01	0.82	2.06E-01	-0.54	7.05E-01
PRR7	0.73	2.33E-01	1.48	7.00E-02	-0.06	5.25E-01
NIPSNAP3B	0.73	2.33E-01	0.43	3.33E-01	0.62	2.67E-01

FGFBP1	0.73	2.33E-01	-0.26	6.03E-01	0.27	3.95E-01
ERGIC2	0.73	2.33E-01	-0.95	8.29E-01	1.84	3.28E-02
UPK2	0.73	2.33E-01	-0.60	7.26E-01	2.48	6.50E-03
SEC23A	0.73	2.34E-01	-0.46	6.77E-01	1.70	4.49E-02
CYC1	0.73	2.34E-01	0.42	3.38E-01	0.13	4.50E-01
CHAC2	0.73	2.34E-01	0.63	2.63E-01	-1.01	8.44E-01
DDN	0.73	2.34E-01	-0.37	6.44E-01	0.44	3.31E-01
CEL	0.73	2.34E-01	-1.78	9.63E-01	2.06	1.99E-02
PAQR9	0.73	2.34E-01	1.48	7.00E-02	-0.41	6.60E-01
SPCS1	0.73	2.34E-01	-0.44	6.69E-01	0.34	3.68E-01
RD3L	0.73	2.34E-01	1.11	1.34E-01	-1.18	8.80E-01
APMAP	0.73	2.34E-01	-1.24	8.93E-01	1.64	5.08E-02
FAM213A	0.73	2.34E-01	-0.15	5.59E-01	0.78	2.18E-01
IL11	0.73	2.34E-01	0.59	2.76E-01	0.15	4.42E-01
FGF1	0.73	2.34E-01	1.05	1.47E-01	0.21	4.15E-01
MINA	0.73	2.34E-01	1.05	1.48E-01	-0.92	8.20E-01
HOXD8	0.73	2.34E-01	1.27	1.01E-01	-2.00	9.77E-01
CENPU	0.72	2.34E-01	-0.07	5.27E-01	0.76	2.22E-01
LRRC36	0.72	2.34E-01	-1.40	9.19E-01	1.34	8.96E-02
SGSM1	0.72	2.34E-01	1.63	5.14E-02	0.14	4.45E-01
TBC1D2	0.72	2.34E-01	1.10	1.35E-01	-0.46	6.76E-01
RAD51C	0.72	2.34E-01	1.42	7.83E-02	-0.41	6.58E-01
MFSD9	0.72	2.34E-01	0.30	3.80E-01	0.75	2.27E-01
FRK	0.72	2.35E-01	1.40	8.09E-02	-0.63	7.36E-01
GPR98	0.72	2.35E-01	0.58	2.81E-01	-0.89	8.13E-01
RHOJ	0.72	2.35E-01	0.26	3.98E-01	0.80	2.11E-01
PRCP	0.72	2.35E-01	-0.28	6.09E-01	2.43	7.65E-03
SP140	0.72	2.35E-01	-0.72	7.65E-01	2.96	1.56E-03
C9orf170	0.72	2.35E-01	1.54	6.12E-02	-1.35	9.11E-01
ZNF793	0.72	2.35E-01	0.35	3.62E-01	-0.36	6.41E-01
PEX19	0.72	2.35E-01	1.03	1.50E-01	-0.61	7.30E-01

EXOC4	0.72	2.35E-01	2.00	2.26E-02	0.15	4.40E-01
CDCA5	0.72	2.35E-01	2.07	1.94E-02	-0.48	6.83E-01
WDR5B	0.72	2.35E-01	0.78	2.17E-01	-0.31	6.21E-01
C6orf118	0.72	2.35E-01	0.39	3.47E-01	-0.62	7.33E-01
DLGAP2	0.72	2.35E-01	0.58	2.80E-01	0.38	3.51E-01
OR9K2	0.72	2.35E-01	-1.35	9.11E-01	1.10	1.35E-01
HIST1H2BA	0.72	2.35E-01	-0.66	7.46E-01	0.87	1.92E-01
RIMKLB	0.72	2.35E-01	-0.75	7.72E-01	1.17	1.21E-01
ETNK2	0.72	2.35E-01	1.31	9.44E-02	1.50	6.74E-02
KDM4A	0.72	2.35E-01	0.70	2.41E-01	-0.54	7.06E-01
HEXB	0.72	2.35E-01	-0.65	7.42E-01	1.00	1.58E-01
STK25	0.72	2.35E-01	0.50	3.10E-01	-0.44	6.71E-01
SLC29A4	0.72	2.35E-01	-0.35	6.37E-01	0.27	3.93E-01
GJC3	0.72	2.35E-01	0.84	2.00E-01	-0.10	5.38E-01
MDH1B	0.72	2.35E-01	0.03	4.88E-01	0.92	1.78E-01
ATF7	0.72	2.35E-01	0.25	4.03E-01	-0.40	6.55E-01
LRTOMT	0.72	2.36E-01	0.77	2.20E-01	-0.22	5.89E-01
TSSK2	0.72	2.36E-01	0.95	1.71E-01	-1.18	8.81E-01
FTSJ2	0.72	2.36E-01	-0.21	5.84E-01	1.63	5.21E-02
ASB10	0.72	2.36E-01	-0.11	5.43E-01	0.00	4.99E-01
CORO1A	0.72	2.36E-01	1.16	1.23E-01	-0.48	6.85E-01
TMX2-CTNND1	0.72	2.36E-01	1.24	1.08E-01	0.27	3.94E-01
C9orf172	0.72	2.36E-01	1.75	3.97E-02	-0.63	7.35E-01
ERCC1	0.72	2.36E-01	0.41	3.42E-01	-0.03	5.14E-01
C3orf22	0.72	2.36E-01	-0.42	6.63E-01	0.40	3.44E-01
NAT14	0.72	2.36E-01	0.46	3.24E-01	-0.33	6.31E-01
TIAF1	0.72	2.36E-01	-0.75	7.72E-01	1.92	2.73E-02
WNT7A	0.72	2.36E-01	0.88	1.88E-01	0.92	1.79E-01
NPSR1	0.72	2.36E-01	0.08	4.69E-01	1.89	2.93E-02
HERC5	0.72	2.36E-01	1.02	1.54E-01	0.66	2.54E-01
RBM38	0.72	2.36E-01	-0.83	7.96E-01	1.19	1.16E-01

ABCA10	0.72	2.36E-01	1.27	1.03E-01	-0.43	6.67E-01
PNMAL2	0.72	2.37E-01	0.68	2.49E-01	0.24	4.05E-01
ZNF443	0.72	2.37E-01	-0.12	5.48E-01	0.15	4.39E-01
GTF3C1	0.72	2.37E-01	0.76	2.23E-01	-0.81	7.90E-01
ZBED6	0.72	2.37E-01	-0.16	5.64E-01	-0.05	5.19E-01
CTNNAL1	0.72	2.37E-01	1.80	3.60E-02	-1.51	9.35E-01
ARL14EPL	0.72	2.37E-01	0.72	2.37E-01	-0.64	7.38E-01
TSKS	0.72	2.37E-01	0.41	3.42E-01	-0.26	6.01E-01
AFF3	0.72	2.37E-01	1.89	2.95E-02	-0.56	7.12E-01
ATG16L2	0.72	2.37E-01	-0.07	5.30E-01	0.40	3.45E-01
RELB	0.72	2.37E-01	0.03	4.86E-01	-0.24	5.96E-01
MARCO	0.72	2.37E-01	0.64	2.60E-01	-0.83	7.97E-01
CHST11	0.72	2.37E-01	-1.20	8.85E-01	2.85	2.18E-03
C11orf31	0.72	2.37E-01	2.11	1.76E-02	-0.15	5.59E-01
CA10	0.72	2.37E-01	1.16	1.23E-01	0.08	4.70E-01
DND1	0.72	2.37E-01	0.00	4.99E-01	0.52	3.03E-01
AGT	0.72	2.37E-01	0.76	2.24E-01	-0.33	6.28E-01
MATN1	0.71	2.37E-01	1.54	6.23E-02	-0.37	6.43E-01
BUB3	0.71	2.37E-01	1.29	9.90E-02	-1.39	9.18E-01
C2orf15	0.71	2.37E-01	0.33	3.71E-01	0.41	3.41E-01
LRWD1	0.71	2.38E-01	1.61	5.41E-02	-0.40	6.55E-01
CMTM8	0.71	2.38E-01	0.77	2.22E-01	0.03	4.87E-01
C5orf48	0.71	2.38E-01	-1.82	9.65E-01	1.52	6.43E-02
MRPL3	0.71	2.38E-01	1.19	1.17E-01	-1.12	8.69E-01
TRA2A	0.71	2.38E-01	-0.95	8.28E-01	1.30	9.70E-02
CD101	0.71	2.38E-01	0.36	3.61E-01	1.66	4.81E-02
OTUD6B	0.71	2.38E-01	0.27	3.94E-01	0.42	3.35E-01
PALLD	0.71	2.38E-01	0.43	3.35E-01	-0.80	7.87E-01
ZSCAN22	0.71	2.38E-01	2.23	1.28E-02	0.73	2.34E-01
TMEM179B	0.71	2.38E-01	0.35	3.65E-01	0.42	3.39E-01
LACTB	0.71	2.38E-01	0.06	4.76E-01	1.32	9.26E-02

DHRS12	0.71	2.39E-01	0.29	3.86E-01	-0.19	5.73E-01
ETV1	0.71	2.39E-01	-0.50	6.91E-01	0.39	3.48E-01
GGT7	0.71	2.39E-01	0.34	3.67E-01	0.23	4.08E-01
NRSN2	0.71	2.39E-01	0.91	1.81E-01	-0.06	5.25E-01
ATP6V1C2	0.71	2.39E-01	1.68	4.62E-02	0.73	2.33E-01
CNOT6L	0.71	2.39E-01	1.22	1.12E-01	-0.67	7.48E-01
OR10Z1	0.71	2.39E-01	0.67	2.52E-01	-1.10	8.63E-01
NPHP1	0.71	2.39E-01	1.33	9.16E-02	-1.54	9.38E-01
ZNF622	0.71	2.39E-01	-0.04	5.18E-01	0.64	2.62E-01
PRKCE	0.71	2.39E-01	-0.97	8.34E-01	1.46	7.21E-02
HOXC10	0.71	2.39E-01	-0.08	5.33E-01	0.17	4.33E-01
APBB1	0.71	2.39E-01	0.55	2.91E-01	-0.49	6.88E-01
NAA38	0.71	2.39E-01	1.33	9.22E-02	-1.23	8.91E-01
PCNXL4	0.71	2.39E-01	-0.17	5.69E-01	0.51	3.06E-01
KIAA1875	0.71	2.39E-01	0.30	3.81E-01	0.23	4.11E-01
C16orf89	0.71	2.39E-01	-0.95	8.29E-01	1.06	1.45E-01
OR6C74	0.71	2.39E-01	-0.62	7.34E-01	1.15	1.25E-01
TTC24	0.71	2.39E-01	-0.57	7.14E-01	1.81	3.51E-02
ZNF383	0.71	2.39E-01	-0.22	5.87E-01	0.43	3.33E-01
CGRRF1	0.71	2.39E-01	1.06	1.44E-01	-1.19	8.83E-01
SPATA31D1	0.71	2.39E-01	-0.44	6.69E-01	0.05	4.80E-01
PLEKHA1	0.71	2.39E-01	-0.46	6.78E-01	0.77	2.20E-01
ATP13A3	0.71	2.40E-01	-0.47	6.81E-01	0.76	2.24E-01
CLEC5A	0.71	2.40E-01	1.35	8.90E-02	-0.94	8.26E-01
PRSS42	0.71	2.40E-01	0.39	3.48E-01	0.38	3.53E-01
MCAT	0.71	2.40E-01	0.95	1.71E-01	-0.66	7.46E-01
SLC37A1	0.71	2.40E-01	-0.61	7.31E-01	1.18	1.19E-01
HSPBAP1	0.71	2.40E-01	0.66	2.56E-01	0.06	4.78E-01
DDX23	0.71	2.40E-01	-2.01	9.78E-01	1.65	4.99E-02
PRX	0.71	2.40E-01	1.26	1.04E-01	0.97	1.65E-01
IVL	0.71	2.40E-01	0.48	3.15E-01	0.20	4.22E-01

PMS1	0.71	2.40E-01	0.70	2.41E-01	0.20	4.20E-01
PMP2	0.71	2.40E-01	1.04	1.48E-01	1.78	3.75E-02
QRFP	0.71	2.40E-01	1.37	8.53E-02	-1.07	8.58E-01
UPF2	0.71	2.40E-01	0.83	2.04E-01	-0.04	5.15E-01
GGNBP1	0.71	2.40E-01	1.26	1.05E-01	-0.28	6.12E-01
KIT	0.71	2.40E-01	1.29	9.81E-02	-0.68	7.52E-01
FZD8	0.71	2.40E-01	0.77	2.20E-01	-0.94	8.26E-01
ABHD2	0.71	2.40E-01	0.26	3.97E-01	1.29	9.87E-02
GNPNAT1	0.71	2.40E-01	1.36	8.69E-02	-1.21	8.87E-01
DPYSL2	0.70	2.40E-01	0.90	1.83E-01	-0.33	6.28E-01
EIF4A2	0.70	2.41E-01	0.60	2.76E-01	-0.67	7.47E-01
UBALD1	0.70	2.41E-01	0.73	2.32E-01	-0.38	6.47E-01
KLHL21	0.70	2.41E-01	0.59	2.77E-01	0.26	3.96E-01
OR8D2	0.70	2.41E-01	-0.19	5.75E-01	0.44	3.30E-01
OR2W3	0.70	2.41E-01	0.92	1.79E-01	-0.37	6.44E-01
RAB40B	0.70	2.41E-01	0.25	4.02E-01	-0.17	5.69E-01
MAST3	0.70	2.41E-01	0.49	3.11E-01	0.32	3.73E-01
OR2F1	0.70	2.41E-01	0.11	4.58E-01	1.95	2.58E-02
KLF2	0.70	2.41E-01	0.92	1.80E-01	0.19	4.25E-01
SLC7A11	0.70	2.41E-01	0.39	3.48E-01	-0.32	6.26E-01
LYZL2	0.70	2.41E-01	-0.34	6.32E-01	1.56	5.89E-02
AKAP3	0.70	2.41E-01	0.18	4.30E-01	0.88	1.91E-01
SPACA3	0.70	2.41E-01	0.92	1.78E-01	1.16	1.23E-01
VSTM2A	0.70	2.41E-01	0.43	3.33E-01	-0.29	6.13E-01
PIGF	0.70	2.42E-01	-0.89	8.14E-01	0.46	3.23E-01
SYCE3	0.70	2.42E-01	-0.43	6.67E-01	0.40	3.43E-01
43357	0.70	2.42E-01	1.10	1.37E-01	0.25	4.02E-01
TGM2	0.70	2.42E-01	-0.18	5.72E-01	-0.02	5.07E-01
PFDN1	0.70	2.42E-01	0.52	3.01E-01	0.38	3.50E-01
TRABD2A	0.70	2.42E-01	0.94	1.75E-01	0.92	1.80E-01
CMTM6	0.70	2.42E-01	0.75	2.27E-01	-0.73	7.68E-01



A1BG	0.70	2.42E-01	2.20	1.38E-02	0.71	2.39E-01
NTN5	0.70	2.42E-01	0.01	4.96E-01	2.06	1.95E-02
ZHX2	0.70	2.42E-01	-0.91	8.19E-01	0.19	4.26E-01
ATP6V1E1	0.70	2.42E-01	0.12	4.53E-01	0.36	3.59E-01
C6ORF165	0.70	2.42E-01	-0.12	5.48E-01	1.32	9.42E-02
ERMAP	0.70	2.42E-01	1.15	1.25E-01	0.36	3.60E-01
AP5Z1	0.70	2.42E-01	0.15	4.39E-01	0.70	2.42E-01
PRIMPOL	0.70	2.42E-01	0.22	4.11E-01	0.50	3.07E-01
MDFIC	0.70	2.42E-01	-1.37	9.15E-01	2.36	9.17E-03
SF3B3	0.70	2.43E-01	1.88	2.97E-02	-0.24	5.97E-01
FAM109B	0.70	2.43E-01	0.92	1.78E-01	-0.54	7.04E-01
SNX33	0.70	2.43E-01	0.58	2.82E-01	-0.74	7.71E-01
HLF	0.70	2.43E-01	-0.10	5.38E-01	-0.11	5.42E-01
SMC3	0.70	2.43E-01	-0.28	6.11E-01	0.23	4.09E-01
DPF3	0.70	2.43E-01	-0.42	6.63E-01	-0.22	5.87E-01
PP2D1	0.70	2.43E-01	0.15	4.39E-01	0.72	2.36E-01
TSSK3	0.70	2.43E-01	0.49	3.11E-01	0.18	4.28E-01
UCHL3	0.70	2.43E-01	0.08	4.66E-01	-0.05	5.21E-01
AKT1	0.70	2.43E-01	-1.35	9.11E-01	1.01	1.55E-01
C5orf56	0.70	2.43E-01	0.61	2.70E-01	1.42	7.82E-02
ST8SIA4	0.70	2.43E-01	0.75	2.27E-01	-0.60	7.24E-01
RYR3	0.70	2.43E-01	-0.82	7.92E-01	-0.32	6.27E-01
C4orf32	0.70	2.43E-01	-0.60	7.25E-01	0.48	3.15E-01
RAB11A	0.70	2.43E-01	1.20	1.14E-01	-0.74	7.70E-01
GAREM	0.70	2.43E-01	-0.29	6.15E-01	1.29	9.85E-02
SDE2	0.70	2.43E-01	-0.14	5.56E-01	1.65	4.90E-02
FOXP4	0.70	2.43E-01	0.24	4.04E-01	0.40	3.46E-01
TRIM44	0.70	2.43E-01	0.92	1.79E-01	1.12	1.31E-01
DPP3	0.70	2.43E-01	0.92	1.79E-01	-0.71	7.60E-01
PDZRN3	0.70	2.44E-01	-0.35	6.38E-01	-0.46	6.77E-01
SLC25A21	0.69	2.44E-01	0.39	3.47E-01	-0.77	7.78E-01

SOX1	0.69	2.44E-01	-0.46	6.78E-01	0.79	2.14E-01
SENP6	0.69	2.44E-01	-0.08	5.32E-01	0.95	1.71E-01
COL4A1	0.69	2.44E-01	-1.40	9.20E-01	1.64	5.06E-02
CFL2	0.69	2.44E-01	-0.16	5.65E-01	0.27	3.94E-01
NDST4	0.69	2.44E-01	-0.83	7.96E-01	1.48	6.96E-02
HPCA	0.69	2.44E-01	0.76	2.22E-01	1.80	3.59E-02
POU3F3	0.69	2.44E-01	1.46	7.16E-02	-1.66	9.52E-01
FAM161A	0.69	2.44E-01	-0.05	5.21E-01	0.16	4.36E-01
MCL1	0.69	2.44E-01	0.12	4.52E-01	0.86	1.94E-01
TCTN3	0.69	2.44E-01	-0.04	5.16E-01	0.95	1.71E-01
AP2M1	0.69	2.44E-01	-0.26	6.04E-01	0.20	4.19E-01
IL1RAP	0.69	2.44E-01	-1.03	8.48E-01	0.15	4.42E-01
HDC	0.69	2.44E-01	1.81	3.55E-02	-0.24	5.95E-01
PPP6C	0.69	2.44E-01	0.22	4.13E-01	0.01	4.97E-01
ALDH4A1	0.69	2.44E-01	-0.42	6.64E-01	0.47	3.18E-01
SIRT3	0.69	2.44E-01	1.28	1.00E-01	-1.34	9.10E-01
LRRC1	0.69	2.44E-01	1.23	1.09E-01	-1.30	9.02E-01
PAICS	0.69	2.44E-01	0.77	2.22E-01	0.56	2.89E-01
ACRV1	0.69	2.44E-01	-0.70	7.57E-01	0.63	2.63E-01
SOX21	0.69	2.44E-01	-2.47	9.93E-01	1.82	3.42E-02
PTPRT	0.69	2.44E-01	-0.23	5.90E-01	0.22	4.12E-01
CCNL2	0.69	2.44E-01	0.32	3.73E-01	-0.10	5.40E-01
GPR32	0.69	2.44E-01	0.25	4.00E-01	0.36	3.60E-01
C8orf4	0.69	2.45E-01	0.49	3.11E-01	-0.51	6.94E-01
CXCL9	0.69	2.45E-01	-0.16	5.62E-01	0.09	4.65E-01
SMTNL1	0.69	2.45E-01	0.53	2.98E-01	-0.50	6.92E-01
NLGN1	0.69	2.45E-01	1.90	2.87E-02	-0.42	6.63E-01
CTD-307407.11	0.69	2.45E-01	0.94	1.74E-01	-0.88	8.11E-01
NEU2	0.69	2.45E-01	-1.58	9.43E-01	1.25	1.06E-01
TBC1D32	0.69	2.45E-01	-1.00	8.42E-01	0.79	2.15E-01
BRPF3	0.69	2.45E-01	1.52	6.49E-02	-1.70	9.55E-01

ZNF576	0.69	2.45E-01	-0.19	5.76E-01	-0.71	7.60E-01
HYOU1	0.69	2.45E-01	-0.54	7.05E-01	1.98	2.36E-02
CRYZ	0.69	2.45E-01	-0.60	7.26E-01	1.14	1.27E-01
TMEM225	0.69	2.45E-01	0.07	4.72E-01	-0.18	5.70E-01
OR5111	0.69	2.45E-01	-1.27	8.99E-01	1.33	9.15E-02
STK10	0.69	2.45E-01	0.90	1.85E-01	-0.43	6.66E-01
C10orf118	0.69	2.45E-01	0.54	2.96E-01	0.25	4.02E-01
MED6	0.69	2.45E-01	2.36	9.03E-03	-0.37	6.44E-01
PPM1J	0.69	2.45E-01	1.22	1.11E-01	0.08	4.69E-01
PANX1	0.69	2.45E-01	1.09	1.38E-01	-1.43	9.23E-01
SSH3	0.69	2.45E-01	2.19	1.44E-02	-0.74	7.69E-01
PAOX	0.69	2.45E-01	-0.50	6.91E-01	2.57	5.09E-03
C16orf58	0.69	2.45E-01	0.06	4.78E-01	-0.18	5.69E-01
C18orf64	0.69	2.45E-01	1.43	7.57E-02	-0.32	6.24E-01
LYPD6B	0.69	2.46E-01	0.73	2.33E-01	0.38	3.52E-01
EPHA10	0.69	2.46E-01	0.06	4.77E-01	2.55	5.41E-03
MS4A10	0.69	2.46E-01	1.09	1.39E-01	-1.16	8.78E-01
ATG10	0.69	2.46E-01	-0.05	5.18E-01	1.40	8.09E-02
EP400	0.69	2.46E-01	0.26	3.99E-01	0.35	3.64E-01
STX3	0.69	2.46E-01	1.00	1.59E-01	-0.67	7.48E-01
CUL5	0.69	2.46E-01	0.61	2.71E-01	-0.17	5.66E-01
SNX8	0.69	2.46E-01	-0.73	7.68E-01	2.28	1.14E-02
IFI6	0.69	2.46E-01	-1.54	9.38E-01	1.30	9.66E-02
CCDC42	0.69	2.46E-01	-0.64	7.40E-01	0.30	3.81E-01
BMP10	0.69	2.46E-01	0.36	3.61E-01	-0.31	6.22E-01
SOX6	0.69	2.46E-01	1.77	3.82E-02	-1.18	8.81E-01
PROCA1	0.69	2.46E-01	-0.52	6.99E-01	0.87	1.92E-01
NDNF	0.69	2.46E-01	1.75	4.00E-02	-1.24	8.93E-01
LRRC4	0.69	2.46E-01	1.82	3.46E-02	-1.44	9.25E-01
CYR61	0.69	2.46E-01	1.17	1.20E-01	-0.06	5.24E-01
PI4K2A	0.69	2.47E-01	-0.50	6.92E-01	0.70	2.42E-01

PSEN2	0.69	2.47E-01	0.67	2.51E-01	-0.89	8.12E-01
NRP2	0.69	2.47E-01	0.29	3.85E-01	0.31	3.79E-01
TRAPPC6B	0.69	2.47E-01	-0.36	6.40E-01	1.76	3.89E-02
MRC1L1	0.68	2.47E-01	-1.68	9.53E-01	1.36	8.77E-02
YRDC	0.68	2.47E-01	-0.18	5.71E-01	1.56	5.98E-02
P2RY14	0.68	2.47E-01	1.08	1.41E-01	-1.42	9.22E-01
LEMD3	0.68	2.47E-01	0.27	3.93E-01	0.37	3.57E-01
GRIN1	0.68	2.47E-01	-0.42	6.62E-01	1.96	2.49E-02
COL14A1	0.68	2.47E-01	-0.66	7.44E-01	0.25	4.01E-01
RPS27L	0.68	2.47E-01	-0.17	5.67E-01	0.53	2.99E-01
BZRAP1	0.68	2.47E-01	-1.09	8.62E-01	1.13	1.29E-01
MUSK	0.68	2.47E-01	1.33	9.25E-02	-1.15	8.75E-01
NDUFS6	0.68	2.47E-01	0.09	4.62E-01	-0.35	6.38E-01
ECSIT	0.68	2.47E-01	-0.80	7.88E-01	0.80	2.12E-01
PNPLA5	0.68	2.47E-01	1.83	3.38E-02	-0.73	7.68E-01
PTCH2	0.68	2.47E-01	1.74	4.05E-02	-0.43	6.65E-01
GRM5	0.68	2.47E-01	0.10	4.60E-01	0.25	4.02E-01
HTR2A	0.68	2.47E-01	0.52	3.02E-01	-0.87	8.08E-01
SLC25A26	0.68	2.47E-01	0.02	4.90E-01	1.11	1.33E-01
PRND	0.68	2.47E-01	0.71	2.40E-01	-1.13	8.71E-01
MRPS11	0.68	2.48E-01	-0.87	8.07E-01	0.91	1.82E-01
SPRN	0.68	2.48E-01	1.45	7.36E-02	-0.63	7.35E-01
ARHGAP17	0.68	2.48E-01	1.05	1.48E-01	-0.06	5.24E-01
HOXA13	0.68	2.48E-01	1.12	1.31E-01	-0.69	7.56E-01
CIZ1	0.68	2.48E-01	0.18	4.28E-01	-0.12	5.49E-01
USP4	0.68	2.48E-01	-1.28	9.00E-01	1.67	4.73E-02
DEFB123	0.68	2.48E-01	2.19	1.41E-02	-0.21	5.82E-01
ZNF396	0.68	2.48E-01	-1.34	9.09E-01	2.04	2.08E-02
LDLR	0.68	2.48E-01	0.79	2.15E-01	0.95	1.72E-01
TKTL2	0.68	2.48E-01	-0.45	6.74E-01	2.41	7.89E-03
STX1A	0.68	2.48E-01	0.44	3.30E-01	0.40	3.44E-01

LCN15	0.68	2.48E-01	1.00	1.58E-01	0.41	3.40E-01
FBXO44	0.68	2.48E-01	0.06	4.76E-01	0.18	4.30E-01
WDR34	0.68	2.48E-01	0.11	4.55E-01	0.04	4.83E-01
NDST2	0.68	2.48E-01	0.24	4.06E-01	-0.32	6.25E-01
MITD1	0.68	2.48E-01	-0.25	5.97E-01	0.89	1.87E-01
SMG6	0.68	2.48E-01	-0.36	6.41E-01	1.20	1.15E-01
PNMA2	0.68	2.48E-01	0.47	3.20E-01	0.00	5.01E-01
FAM187A	0.68	2.49E-01	1.64	5.08E-02	-0.68	7.52E-01
ZDHHHC7	0.68	2.49E-01	0.16	4.37E-01	0.18	4.28E-01
MRPL1	0.68	2.49E-01	0.70	2.42E-01	-0.80	7.87E-01
ESAM	0.68	2.49E-01	0.10	4.59E-01	1.13	1.30E-01
ZKSCAN1	0.68	2.49E-01	0.21	4.17E-01	1.50	6.72E-02
KIAA0930	0.68	2.49E-01	1.07	1.42E-01	-1.11	8.66E-01
PHF1	0.68	2.49E-01	1.14	1.27E-01	-0.82	7.95E-01
TUBB2A	0.68	2.49E-01	-1.24	8.93E-01	1.13	1.30E-01
C8orf86	0.68	2.49E-01	-0.43	6.65E-01	0.21	4.16E-01
HADHB	0.68	2.49E-01	2.33	1.00E-02	0.58	2.82E-01
RNF152	0.68	2.49E-01	1.35	8.92E-02	-0.64	7.39E-01
SLC16A3	0.68	2.49E-01	-0.25	5.99E-01	0.33	3.69E-01
NCOA1	0.68	2.49E-01	0.96	1.69E-01	1.22	1.10E-01
RBM43	0.68	2.50E-01	-0.40	6.56E-01	1.71	4.34E-02
DUSP6	0.68	2.50E-01	0.90	1.83E-01	-1.06	8.55E-01
DHX38	0.67	2.50E-01	0.13	4.48E-01	1.00	1.58E-01
SNX31	0.67	2.50E-01	-0.64	7.39E-01	1.38	8.45E-02
RPL13A	0.67	2.50E-01	-0.25	5.99E-01	0.71	2.40E-01
FUBP3	0.67	2.50E-01	0.82	2.07E-01	0.32	3.73E-01
FAAH	0.67	2.50E-01	0.42	3.39E-01	1.84	3.26E-02
ZNF597	0.67	2.50E-01	-0.43	6.67E-01	0.83	2.04E-01
KCTD3	0.67	2.50E-01	0.75	2.28E-01	-1.19	8.82E-01
BTLA	0.67	2.50E-01	0.62	2.66E-01	-0.63	7.36E-01
ZSCAN23	0.67	2.50E-01	-0.03	5.13E-01	1.17	1.20E-01

POMZP3	0.67	2.50E-01	0.91	1.80E-01	-0.46	6.77E-01
F7	0.67	2.50E-01	-0.22	5.86E-01	0.31	3.77E-01
CMTM3	0.67	2.51E-01	-1.39	9.18E-01	1.84	3.32E-02
PHF11	0.67	2.51E-01	0.30	3.82E-01	0.68	2.49E-01
PCSK1	0.67	2.51E-01	-0.25	5.99E-01	0.52	3.02E-01
GPR132	0.67	2.51E-01	-0.15	5.59E-01	1.15	1.25E-01
SIGIRR	0.67	2.51E-01	0.55	2.92E-01	0.74	2.29E-01
OR7D2	0.67	2.51E-01	0.73	2.34E-01	0.15	4.41E-01
SNX15	0.67	2.51E-01	1.33	9.11E-02	-0.33	6.28E-01
WDR26	0.67	2.51E-01	0.53	3.00E-01	-0.15	5.61E-01
SLC6A5	0.67	2.51E-01	0.27	3.95E-01	0.17	4.33E-01
DAPK3	0.67	2.51E-01	0.24	4.04E-01	1.41	7.91E-02
CDK5R2	0.67	2.51E-01	1.93	2.70E-02	0.49	3.13E-01
ZNF438	0.67	2.51E-01	0.66	2.55E-01	0.16	4.35E-01
GALNT11	0.67	2.51E-01	1.35	8.89E-02	-1.21	8.88E-01
DDRGK1	0.67	2.51E-01	-1.22	8.88E-01	0.69	2.44E-01
ST7	0.67	2.51E-01	2.00	2.27E-02	-1.03	8.48E-01
IL34	0.67	2.51E-01	1.28	1.00E-01	-0.54	7.06E-01
GPR75-ASB3	0.67	2.51E-01	1.43	7.64E-02	-1.50	9.33E-01
GPRIN1	0.67	2.51E-01	1.08	1.40E-01	-0.27	6.05E-01
FAIM3	0.67	2.51E-01	1.20	1.14E-01	-0.16	5.64E-01
ATP2B2	0.67	2.51E-01	0.39	3.49E-01	0.39	3.47E-01
NECAB3	0.67	2.51E-01	1.04	1.50E-01	-0.75	7.74E-01
SLC11A2	0.67	2.51E-01	0.93	1.76E-01	0.18	4.29E-01
PODXL2	0.67	2.52E-01	0.03	4.87E-01	-0.34	6.34E-01
EMR2	0.67	2.52E-01	-0.39	6.52E-01	1.13	1.29E-01
SLC2A14	0.67	2.52E-01	1.95	2.55E-02	-0.90	8.15E-01
PRPF39	0.67	2.52E-01	0.84	2.02E-01	0.11	4.55E-01
GALNT8	0.67	2.52E-01	0.58	2.82E-01	0.32	3.76E-01
DZIP3	0.67	2.52E-01	0.24	4.06E-01	-0.06	5.24E-01
TMPRSS11B	0.67	2.52E-01	-0.39	6.52E-01	0.48	3.16E-01

STK4	0.67	2.52E-01	0.00	4.99E-01	-0.17	5.69E-01
MUC4	0.67	2.52E-01	0.10	4.61E-01	-0.20	5.78E-01
CEBPB	0.67	2.52E-01	0.63	2.64E-01	-0.60	7.26E-01
HEMK1	0.67	2.52E-01	0.83	2.03E-01	-0.88	8.10E-01
DAND5	0.67	2.52E-01	-0.04	5.16E-01	1.81	3.50E-02
RASL11B	0.67	2.52E-01	1.14	1.28E-01	-1.30	9.04E-01
PTK6	0.67	2.52E-01	0.67	2.52E-01	1.57	5.86E-02
STC1	0.67	2.52E-01	-0.72	7.63E-01	1.32	9.40E-02
RABAC1	0.67	2.52E-01	0.43	3.35E-01	1.50	6.65E-02
P2RY1	0.67	2.53E-01	0.25	4.00E-01	0.44	3.31E-01
RBMS3	0.67	2.53E-01	-0.26	6.03E-01	1.26	1.03E-01
C19orf44	0.67	2.53E-01	-0.39	6.53E-01	-0.05	5.21E-01
CD2BP2	0.67	2.53E-01	0.62	2.67E-01	-1.04	8.51E-01
PDE4C	0.67	2.53E-01	1.17	1.21E-01	-0.25	5.97E-01
MTMR2	0.67	2.53E-01	0.20	4.22E-01	1.57	5.83E-02
COL4A3BP	0.66	2.53E-01	0.06	4.76E-01	1.18	1.18E-01
PRICKLE1	0.66	2.53E-01	2.45	7.23E-03	0.23	4.08E-01
SPTBN1	0.66	2.53E-01	0.87	1.92E-01	-0.14	5.54E-01
SUV420H2	0.66	2.53E-01	0.20	4.22E-01	-0.58	7.20E-01
CDK15	0.66	2.53E-01	0.38	3.51E-01	-0.67	7.48E-01
SPRY4	0.66	2.53E-01	-0.09	5.36E-01	0.61	2.72E-01
IER2	0.66	2.53E-01	2.53	5.66E-03	0.62	2.67E-01
POLK	0.66	2.53E-01	0.31	3.79E-01	0.99	1.62E-01
GPR88	0.66	2.53E-01	0.47	3.17E-01	0.60	2.73E-01
NACC2	0.66	2.54E-01	-0.41	6.58E-01	1.57	5.80E-02
MCM7	0.66	2.54E-01	-0.27	6.05E-01	0.69	2.45E-01
RARS	0.66	2.54E-01	-0.06	5.25E-01	0.16	4.37E-01
SLMO2	0.66	2.54E-01	-0.27	6.08E-01	0.53	2.98E-01
NXNL2	0.66	2.54E-01	0.18	4.30E-01	0.19	4.25E-01
ETV3L	0.66	2.54E-01	0.35	3.63E-01	-1.09	8.62E-01
RAB8A	0.66	2.54E-01	0.23	4.10E-01	0.50	3.10E-01

NCKAP1L	0.66	2.54E-01	0.93	1.77E-01	0.49	3.12E-01
COMMD6	0.66	2.54E-01	0.20	4.19E-01	-0.22	5.89E-01
TTF1	0.66	2.54E-01	0.70	2.43E-01	-0.54	7.07E-01
LGR5	0.66	2.54E-01	-1.14	8.73E-01	1.02	1.54E-01
SBSN	0.66	2.54E-01	0.63	2.64E-01	-0.32	6.25E-01
CLVS2	0.66	2.54E-01	-0.17	5.68E-01	0.38	3.51E-01
PRADC1	0.66	2.54E-01	0.40	3.45E-01	-0.03	5.12E-01
GLG1	0.66	2.54E-01	1.42	7.72E-02	-1.53	9.37E-01
APOL2	0.66	2.54E-01	0.82	2.07E-01	0.42	3.37E-01
IYD	0.66	2.55E-01	0.85	1.96E-01	1.38	8.35E-02
LL22NC03-63E9.3	0.66	2.55E-01	-0.16	5.62E-01	0.40	3.44E-01
FKTN	0.66	2.55E-01	0.85	1.97E-01	-0.38	6.49E-01
MTNR1B	0.66	2.55E-01	-2.41	9.92E-01	1.44	7.48E-02
SH2B2	0.66	2.55E-01	-0.34	6.34E-01	1.39	8.17E-02
GYLTL1B	0.66	2.55E-01	0.67	2.53E-01	2.88	1.98E-03
KCNRG	0.66	2.55E-01	-0.74	7.71E-01	2.14	1.61E-02
BCL2L12	0.66	2.55E-01	-0.88	8.12E-01	0.89	1.86E-01
SLC7A7	0.66	2.55E-01	0.50	3.07E-01	0.36	3.59E-01
LRRC41	0.66	2.55E-01	0.64	2.63E-01	1.04	1.50E-01
CCNG1	0.66	2.56E-01	0.21	4.16E-01	0.09	4.64E-01
SERPIND1	0.66	2.56E-01	-0.82	7.94E-01	1.62	5.21E-02
CWF19L2	0.66	2.56E-01	1.08	1.40E-01	-1.10	8.65E-01
LMO3	0.66	2.56E-01	-0.95	8.29E-01	0.58	2.82E-01
CDK7	0.66	2.56E-01	-0.74	7.70E-01	0.92	1.78E-01
ITGB1	0.66	2.56E-01	0.54	2.95E-01	0.62	2.67E-01
TMEM213	0.66	2.56E-01	-0.09	5.37E-01	0.88	1.89E-01
ZNF568	0.66	2.56E-01	0.12	4.52E-01	1.37	8.59E-02
ZNF696	0.66	2.56E-01	-0.75	7.72E-01	1.40	8.15E-02
CD86	0.66	2.56E-01	0.34	3.69E-01	-0.81	7.90E-01
NADK	0.66	2.56E-01	0.62	2.68E-01	0.85	1.99E-01
STRC	0.66	2.56E-01	1.44	7.51E-02	-0.71	7.61E-01



POMT2	0.66	2.56E-01	-0.32	6.24E-01	-0.68	7.51E-01
SSBP3	0.66	2.56E-01	1.00	1.60E-01	-1.00	8.42E-01
AC008271.1	0.66	2.56E-01	0.41	3.42E-01	0.50	3.10E-01
CSF1R	0.66	2.56E-01	-0.71	7.61E-01	0.29	3.86E-01
INSRR	0.66	2.56E-01	1.35	8.79E-02	-1.15	8.75E-01
KIAA1430	0.66	2.56E-01	0.94	1.75E-01	-1.16	8.77E-01
DIXDC1	0.65	2.56E-01	1.24	1.08E-01	-0.56	7.12E-01
ATP6V0D2	0.65	2.56E-01	-0.37	6.46E-01	-0.30	6.17E-01
NAA20	0.65	2.56E-01	0.89	1.88E-01	-0.96	8.31E-01
KIAA0040	0.65	2.56E-01	1.78	3.73E-02	-0.57	7.16E-01
LGALS8	0.65	2.56E-01	-0.50	6.90E-01	1.08	1.41E-01
TPGS1	0.65	2.56E-01	0.01	4.98E-01	0.07	4.70E-01
GTF3C6	0.65	2.57E-01	0.95	1.72E-01	-0.47	6.82E-01
C19orf10	0.65	2.57E-01	0.52	3.00E-01	-0.42	6.62E-01
C15orf60	0.65	2.57E-01	-0.45	6.74E-01	0.51	3.05E-01
NBPF3	0.65	2.57E-01	-0.15	5.60E-01	-0.01	5.03E-01
TOX	0.65	2.57E-01	0.79	2.14E-01	-1.10	8.64E-01
ZFP1	0.65	2.57E-01	0.26	3.99E-01	-0.04	5.17E-01
SERINC4	0.65	2.57E-01	1.07	1.43E-01	-0.73	7.69E-01
ATP6V0D1	0.65	2.57E-01	-2.02	9.78E-01	1.64	5.09E-02
KLK1	0.65	2.57E-01	0.10	4.61E-01	0.65	2.59E-01
C3orf83	0.65	2.57E-01	-0.09	5.35E-01	0.55	2.91E-01
GLIPR2	0.65	2.57E-01	-0.99	8.39E-01	2.36	9.21E-03
DLAT	0.65	2.57E-01	1.38	8.32E-02	-0.91	8.20E-01
CEP89	0.65	2.57E-01	0.88	1.89E-01	-0.73	7.66E-01
MYL12A	0.65	2.58E-01	-0.27	6.08E-01	0.90	1.83E-01
IFNB1	0.65	2.58E-01	0.31	3.77E-01	0.03	4.87E-01
GTF2E2	0.65	2.58E-01	0.46	3.23E-01	-0.21	5.84E-01
KBTBD6	0.65	2.58E-01	0.91	1.82E-01	0.77	2.22E-01
CSRP2BP	0.65	2.58E-01	0.15	4.41E-01	0.24	4.06E-01
SBNO1	0.65	2.58E-01	0.68	2.48E-01	0.47	3.20E-01

SMCO4	0.65	2.58E-01	-0.27	6.06E-01	1.45	7.36E-02
BLNK	0.65	2.58E-01	-0.34	6.33E-01	0.45	3.27E-01
PITX3	0.65	2.58E-01	0.23	4.08E-01	0.75	2.28E-01
ZFAND1	0.65	2.58E-01	1.20	1.16E-01	0.57	2.86E-01
DLEU2L	0.65	2.58E-01	0.56	2.88E-01	-0.76	7.77E-01
TAF2	0.65	2.58E-01	-0.07	5.28E-01	0.01	4.94E-01
CD55	0.65	2.58E-01	1.55	6.11E-02	-0.76	7.77E-01
PSG11	0.65	2.58E-01	-0.94	8.26E-01	0.92	1.78E-01
PPP1R12C	0.65	2.58E-01	-0.02	5.09E-01	2.65	4.04E-03
AP1M2	0.65	2.58E-01	-0.20	5.81E-01	-0.04	5.14E-01
MRPS36	0.65	2.58E-01	-0.38	6.50E-01	1.03	1.51E-01
CPEB2	0.65	2.59E-01	1.45	7.31E-02	-0.16	5.62E-01
DENND4A	0.65	2.59E-01	1.20	1.15E-01	-0.64	7.40E-01
NUMA1	0.65	2.59E-01	0.67	2.52E-01	-0.18	5.71E-01
PLCL1	0.65	2.59E-01	-0.69	7.54E-01	-0.28	6.09E-01
EPPIN-WFDC6	0.65	2.59E-01	0.18	4.30E-01	-0.45	6.73E-01
ACBD3	0.65	2.59E-01	-1.51	9.35E-01	1.57	5.87E-02
XYLT1	0.65	2.59E-01	0.78	2.19E-01	-0.24	5.95E-01
CDC25A	0.65	2.59E-01	1.77	3.85E-02	-0.60	7.26E-01
HOXC6	0.65	2.59E-01	-0.85	8.01E-01	0.98	1.65E-01
TFR2	0.64	2.59E-01	0.08	4.67E-01	0.03	4.88E-01
ITGA5	0.64	2.60E-01	-0.62	7.32E-01	1.63	5.14E-02
SAE1	0.64	2.60E-01	0.29	3.86E-01	-0.34	6.32E-01
USP34	0.64	2.60E-01	0.35	3.62E-01	-0.25	5.99E-01
ASTE1	0.64	2.60E-01	1.66	4.87E-02	-0.82	7.93E-01
SLC12A6	0.64	2.60E-01	0.63	2.64E-01	-0.38	6.48E-01
HIST1H2BK	0.64	2.60E-01	0.54	2.94E-01	1.45	7.34E-02
FZD10	0.64	2.60E-01	0.06	4.74E-01	0.56	2.88E-01
KCNMB1	0.64	2.60E-01	1.06	1.44E-01	0.01	4.97E-01
SERHL2	0.64	2.60E-01	0.72	2.34E-01	0.19	4.23E-01
C3orf56	0.64	2.60E-01	0.97	1.65E-01	0.75	2.27E-01

OCSTAMP	0.64	2.60E-01	-0.60	7.24E-01	0.98	1.63E-01
RSPH9	0.64	2.60E-01	0.62	2.68E-01	-1.29	9.01E-01
BET1L	0.64	2.60E-01	0.41	3.42E-01	-0.37	6.43E-01
ETV2	0.64	2.60E-01	0.95	1.72E-01	0.43	3.34E-01
LYPD2	0.64	2.60E-01	0.25	4.01E-01	-0.04	5.17E-01
CORO7	0.64	2.60E-01	0.61	2.72E-01	0.42	3.36E-01
SLC37A2	0.64	2.61E-01	0.20	4.22E-01	-0.63	7.34E-01
PHTF2	0.64	2.61E-01	0.06	4.77E-01	1.01	1.57E-01
GMPS	0.64	2.61E-01	0.46	3.22E-01	0.21	4.16E-01
XPOT	0.64	2.61E-01	-0.34	6.33E-01	0.08	4.66E-01
SPTLC3	0.64	2.61E-01	-0.41	6.59E-01	0.54	2.96E-01
BOD1	0.64	2.61E-01	0.02	4.91E-01	0.45	3.27E-01
PI4K2A	0.64	2.61E-01	-0.54	7.06E-01	0.71	2.40E-01
ZNF473	0.64	2.61E-01	-1.41	9.20E-01	2.31	1.05E-02
GTDC1	0.64	2.61E-01	0.85	1.97E-01	0.38	3.52E-01
PROC	0.64	2.61E-01	-1.32	9.07E-01	1.46	7.18E-02
NUP98	0.64	2.61E-01	0.43	3.32E-01	0.54	2.94E-01
PLA1A	0.64	2.61E-01	0.69	2.46E-01	0.28	3.90E-01
C12orf75	0.64	2.61E-01	1.10	1.35E-01	-0.74	7.70E-01
MAPK11	0.64	2.61E-01	0.68	2.47E-01	0.18	4.30E-01
PRKCH	0.64	2.61E-01	1.71	4.39E-02	1.59	5.57E-02
ARAP2	0.64	2.62E-01	0.50	3.07E-01	1.52	6.45E-02
EBF4	0.64	2.62E-01	-0.04	5.14E-01	0.36	3.58E-01
C10orf91	0.64	2.62E-01	0.08	4.69E-01	0.15	4.40E-01
ZNF282	0.64	2.62E-01	0.11	4.57E-01	1.59	5.54E-02
LRRC9	0.64	2.62E-01	0.40	3.43E-01	0.43	3.32E-01
PUF60	0.64	2.62E-01	0.60	2.75E-01	-0.41	6.60E-01
GPR107	0.64	2.62E-01	0.63	2.65E-01	-0.26	6.04E-01
BEND4	0.64	2.62E-01	-0.07	5.29E-01	0.84	2.02E-01
TMX2	0.64	2.62E-01	1.24	1.08E-01	-0.05	5.21E-01
PAFAH1B3	0.64	2.62E-01	-0.16	5.62E-01	0.75	2.27E-01

C1orf222	0.64	2.62E-01	0.54	2.93E-01	1.61	5.42E-02
CSRNP2	0.64	2.62E-01	1.89	2.96E-02	0.16	4.37E-01
LAMB3	0.64	2.62E-01	0.12	4.54E-01	0.01	4.98E-01
ODF3L2	0.64	2.62E-01	-0.44	6.69E-01	1.49	6.85E-02
PCNT	0.64	2.62E-01	-1.66	9.51E-01	2.59	4.83E-03
ZGPAT	0.64	2.62E-01	0.76	2.24E-01	0.72	2.36E-01
CDK14	0.64	2.62E-01	0.09	4.62E-01	0.93	1.76E-01
GJA3	0.64	2.62E-01	0.36	3.58E-01	1.44	7.55E-02
PCYOX1	0.64	2.63E-01	0.53	2.99E-01	-0.17	5.66E-01
PPAPDC1B	0.64	2.63E-01	-0.23	5.91E-01	2.17	1.52E-02
BIK	0.64	2.63E-01	1.06	1.45E-01	-1.64	9.50E-01
EGLN1	0.64	2.63E-01	1.28	1.01E-01	-0.66	7.46E-01
PANX3	0.63	2.63E-01	0.35	3.63E-01	-0.08	5.31E-01
DEFB124	0.63	2.63E-01	2.44	7.35E-03	1.47	7.04E-02
CGGBP1	0.63	2.63E-01	0.53	3.00E-01	-0.69	7.54E-01
BBS1	0.63	2.63E-01	0.90	1.84E-01	-0.99	8.38E-01
GCLC	0.63	2.63E-01	0.06	4.74E-01	0.18	4.29E-01
CORO2B	0.63	2.63E-01	2.54	5.58E-03	0.17	4.31E-01
CFH	0.63	2.63E-01	1.37	8.47E-02	0.14	4.45E-01
MESDC2	0.63	2.63E-01	-0.53	7.03E-01	0.55	2.91E-01
KCNJ16	0.63	2.63E-01	-0.37	6.45E-01	0.66	2.55E-01
ITGA10	0.63	2.63E-01	-0.04	5.17E-01	0.43	3.34E-01
VEPH1	0.63	2.63E-01	0.48	3.14E-01	0.04	4.82E-01
TLN2	0.63	2.63E-01	0.39	3.49E-01	0.50	3.08E-01
SSR3	0.63	2.63E-01	0.81	2.09E-01	-0.45	6.75E-01
CRH	0.63	2.63E-01	-1.01	8.43E-01	0.87	1.93E-01
COPA	0.63	2.63E-01	0.43	3.35E-01	-0.06	5.25E-01
SLITRK1	0.63	2.63E-01	-0.37	6.46E-01	-0.06	5.22E-01
PIK3R2	0.63	2.63E-01	1.07	1.42E-01	0.43	3.33E-01
CALCRL	0.63	2.64E-01	-0.64	7.40E-01	0.94	1.72E-01
GPNMB	0.63	2.64E-01	0.02	4.90E-01	0.04	4.83E-01

C15orf32	0.63	2.64E-01	0.07	4.74E-01	1.24	1.08E-01
ZNF284	0.63	2.64E-01	1.11	1.33E-01	-1.03	8.49E-01
TMEM70	0.63	2.64E-01	-0.18	5.73E-01	0.17	4.32E-01
ARHGEF5	0.63	2.64E-01	0.64	2.61E-01	-0.63	7.36E-01
LAMTOR1	0.63	2.64E-01	0.77	2.20E-01	-0.35	6.38E-01
SYT17	0.63	2.64E-01	-0.31	6.22E-01	0.33	3.69E-01
VPS13B	0.63	2.64E-01	0.86	1.96E-01	-1.06	8.55E-01
SLC51B	0.63	2.64E-01	1.61	5.42E-02	0.94	1.75E-01
MTBP	0.63	2.64E-01	-0.75	7.72E-01	1.37	8.48E-02
EDN2	0.63	2.64E-01	-0.24	5.94E-01	1.20	1.14E-01
BDH2	0.63	2.64E-01	1.08	1.40E-01	-0.66	7.46E-01
TRPC4AP	0.63	2.64E-01	0.78	2.18E-01	-0.54	7.06E-01
LNX1	0.63	2.64E-01	0.25	4.01E-01	0.33	3.71E-01
NPRL2	0.63	2.64E-01	-1.18	8.81E-01	1.57	5.82E-02
RRP12	0.63	2.65E-01	1.05	1.47E-01	-0.67	7.49E-01
NID1	0.63	2.65E-01	0.17	4.33E-01	0.16	4.35E-01
C2orf27B	0.63	2.65E-01	-1.26	8.96E-01	1.71	4.39E-02
AP4S1	0.63	2.65E-01	1.14	1.27E-01	2.56	5.22E-03
LANCL2	0.63	2.65E-01	-0.44	6.71E-01	0.57	2.84E-01
KCNA3	0.63	2.65E-01	-0.99	8.38E-01	0.99	1.61E-01
JMY	0.63	2.65E-01	0.46	3.24E-01	0.78	2.17E-01
ZFAND6	0.63	2.65E-01	2.30	1.08E-02	-1.36	9.13E-01
NSFL1C	0.63	2.65E-01	0.03	4.87E-01	-0.04	5.15E-01
NOXO1	0.63	2.65E-01	1.11	1.35E-01	-1.75	9.60E-01
ZDHHC8	0.63	2.65E-01	0.31	3.78E-01	1.68	4.61E-02
IGSF5	0.63	2.65E-01	0.32	3.74E-01	0.12	4.50E-01
CLDND1	0.63	2.66E-01	-0.95	8.29E-01	0.70	2.41E-01
ITPR3	0.63	2.66E-01	-0.12	5.49E-01	0.53	2.97E-01
HIC1	0.63	2.66E-01	0.60	2.75E-01	1.19	1.18E-01
SLC24A2	0.63	2.66E-01	2.01	2.20E-02	-0.87	8.09E-01
RAP2B	0.63	2.66E-01	0.26	3.96E-01	-0.87	8.08E-01

FUS	0.63	2.66E-01	0.40	3.44E-01	0.76	2.24E-01
NARS	0.63	2.66E-01	1.45	7.41E-02	1.51	6.55E-02
RAB3B	0.63	2.66E-01	-0.37	6.45E-01	0.32	3.73E-01
RNASE6	0.62	2.66E-01	1.16	1.23E-01	1.36	8.65E-02
BSN	0.62	2.66E-01	-1.21	8.88E-01	2.22	1.33E-02
STYX	0.62	2.66E-01	1.13	1.29E-01	-1.09	8.63E-01
YPEL1	0.62	2.66E-01	-1.70	9.56E-01	2.54	5.51E-03
C1QTNF9B	0.62	2.66E-01	-0.19	5.77E-01	0.34	3.66E-01
NKIRAS1	0.62	2.66E-01	0.59	2.78E-01	-0.98	8.36E-01
TACR2	0.62	2.66E-01	0.26	3.99E-01	0.74	2.29E-01
SUMO3	0.62	2.66E-01	0.06	4.77E-01	-0.56	7.13E-01
C9orf24	0.62	2.67E-01	-0.64	7.38E-01	1.00	1.59E-01
ZNF276	0.62	2.67E-01	-0.22	5.86E-01	1.29	9.78E-02
TPRG1L	0.62	2.67E-01	-0.44	6.70E-01	0.09	4.64E-01
SHARPIN	0.62	2.67E-01	0.27	3.93E-01	0.13	4.49E-01
VPS72	0.62	2.67E-01	0.33	3.69E-01	-0.14	5.56E-01
ZDHHC1	0.62	2.67E-01	-1.97	9.76E-01	1.44	7.56E-02
ATP5E	0.62	2.67E-01	-1.27	8.98E-01	0.92	1.78E-01
LUZPP1	0.62	2.67E-01	0.34	3.66E-01	-0.66	7.44E-01
CCND3	0.62	2.67E-01	0.53	2.96E-01	-1.53	9.37E-01
AGPAT5	0.62	2.67E-01	-0.21	5.84E-01	1.37	8.60E-02
SLC7A4	0.62	2.67E-01	0.86	1.94E-01	0.35	3.63E-01
PTP4A2	0.62	2.67E-01	0.45	3.25E-01	0.77	2.21E-01
TP53TG5	0.62	2.67E-01	0.18	4.27E-01	0.19	4.26E-01
TAF15	0.62	2.67E-01	-1.03	8.49E-01	0.89	1.87E-01
ZDHHC24	0.62	2.67E-01	0.91	1.82E-01	-0.79	7.84E-01
C22orf15	0.62	2.68E-01	-0.44	6.72E-01	1.94	2.64E-02
TOE1	0.62	2.68E-01	-0.20	5.80E-01	0.31	3.78E-01
RP11-368I7.4	0.62	2.68E-01	0.51	3.06E-01	0.08	4.68E-01
OR6C70	0.62	2.68E-01	-1.02	8.46E-01	1.01	1.55E-01
NPLOC4	0.62	2.68E-01	-0.16	5.64E-01	0.40	3.45E-01

MED26	0.62	2.68E-01	-0.40	6.56E-01	0.06	4.76E-01
UBE2J2	0.62	2.68E-01	0.10	4.60E-01	0.68	2.49E-01
ALKBH3	0.62	2.68E-01	1.23	1.10E-01	-2.22	9.87E-01
NAA16	0.62	2.68E-01	0.51	3.06E-01	-0.30	6.17E-01
VPS13D	0.62	2.68E-01	0.39	3.48E-01	-0.74	7.70E-01
KLHL14	0.62	2.68E-01	1.15	1.25E-01	-0.96	8.32E-01
PFKFB2	0.62	2.68E-01	0.84	1.99E-01	-0.85	8.03E-01
PRKCQ	0.62	2.68E-01	1.42	7.81E-02	1.34	8.95E-02
SLC15A1	0.62	2.68E-01	0.42	3.37E-01	0.59	2.76E-01
SHOC2	0.62	2.68E-01	0.89	1.87E-01	0.37	3.54E-01
COL9A1	0.62	2.68E-01	0.40	3.44E-01	0.78	2.18E-01
PRLHR	0.62	2.68E-01	-1.04	8.52E-01	0.86	1.96E-01
ST8SIA2	0.62	2.69E-01	-0.25	5.98E-01	1.40	8.09E-02
ZNF106	0.62	2.69E-01	1.65	4.94E-02	-1.12	8.68E-01
IL17F	0.62	2.69E-01	1.44	7.43E-02	-0.82	7.94E-01
TIMELESS	0.62	2.69E-01	0.00	5.00E-01	0.46	3.23E-01
ZNF267	0.62	2.69E-01	0.90	1.84E-01	-0.99	8.39E-01
MYOM3	0.62	2.69E-01	0.01	4.96E-01	1.23	1.10E-01
USP24	0.62	2.69E-01	0.35	3.63E-01	0.06	4.75E-01
HIPK3	0.62	2.69E-01	0.09	4.65E-01	0.41	3.41E-01
RRAS2	0.62	2.69E-01	0.71	2.40E-01	-0.74	7.71E-01
KLHL35	0.62	2.69E-01	0.07	4.72E-01	-0.57	7.14E-01
SNRPD2	0.62	2.69E-01	0.25	4.00E-01	0.19	4.25E-01
MMP24	0.62	2.69E-01	-0.40	6.57E-01	0.15	4.40E-01
ESCO1	0.61	2.69E-01	0.85	1.96E-01	-0.93	8.24E-01
ESR1	0.61	2.69E-01	1.11	1.33E-01	1.17	1.22E-01
OR6C68	0.61	2.69E-01	-0.21	5.84E-01	1.12	1.32E-01
RP4-583P15.15	0.61	2.69E-01	0.83	2.04E-01	0.67	2.53E-01
ENTPD4	0.61	2.70E-01	-0.17	5.68E-01	0.54	2.94E-01
COX6A1P2	0.61	2.70E-01	0.24	4.05E-01	-0.32	6.25E-01
MRPS18A	0.61	2.70E-01	0.41	3.41E-01	-1.04	8.51E-01

ALG2	0.61	2.70E-01	0.28	3.89E-01	-0.11	5.45E-01
FAM204A	0.61	2.70E-01	-0.05	5.20E-01	0.01	4.95E-01
MAPK12	0.61	2.70E-01	-0.17	5.66E-01	0.21	4.15E-01
AP4E1	0.61	2.70E-01	-0.04	5.15E-01	-0.27	6.06E-01
HNRNPUL1	0.61	2.70E-01	1.43	7.70E-02	-0.21	5.83E-01
FOXL2	0.61	2.70E-01	0.97	1.66E-01	-0.90	8.15E-01
PPIG	0.61	2.70E-01	1.70	4.46E-02	1.33	9.24E-02
RTCB	0.61	2.70E-01	0.58	2.83E-01	-0.22	5.88E-01
FGFR1OP	0.61	2.70E-01	1.20	1.15E-01	1.89	2.93E-02
ASIP	0.61	2.70E-01	-0.61	7.29E-01	1.24	1.08E-01
PKIA	0.61	2.70E-01	1.13	1.29E-01	1.00	1.58E-01
GRIA1	0.61	2.70E-01	0.36	3.61E-01	0.21	4.17E-01
STMN2	0.61	2.70E-01	0.10	4.59E-01	-0.25	5.99E-01
CCDC154	0.61	2.70E-01	0.63	2.65E-01	-0.71	7.61E-01
PRDM10	0.61	2.70E-01	-0.22	5.89E-01	0.28	3.88E-01
CPSF6	0.61	2.70E-01	0.08	4.70E-01	0.55	2.92E-01
RFXANK	0.61	2.70E-01	0.69	2.44E-01	0.95	1.70E-01
RORA	0.61	2.71E-01	1.35	8.92E-02	-1.24	8.92E-01
PES1	0.61	2.71E-01	0.95	1.72E-01	-1.06	8.56E-01
GNB4	0.61	2.71E-01	0.66	2.56E-01	-1.44	9.25E-01
VPS11	0.61	2.71E-01	0.40	3.43E-01	0.02	4.93E-01
NR1D2	0.61	2.71E-01	0.61	2.71E-01	-1.56	9.41E-01
ACTBL2	0.61	2.71E-01	-0.63	7.37E-01	0.71	2.38E-01
CCL5	0.61	2.71E-01	-0.60	7.27E-01	0.63	2.64E-01
KIAA1239	0.61	2.71E-01	1.12	1.30E-01	1.17	1.22E-01
NCOA7	0.61	2.71E-01	-0.56	7.11E-01	0.50	3.09E-01
NPAS4	0.61	2.71E-01	0.70	2.42E-01	-0.95	8.28E-01
EVPL	0.61	2.71E-01	0.36	3.59E-01	1.06	1.46E-01
KRTAP5-4	0.61	2.71E-01	0.51	3.07E-01	-0.29	6.14E-01
MED7	0.61	2.71E-01	-0.33	6.29E-01	-0.15	5.58E-01
SNRPD1	0.61	2.71E-01	1.18	1.20E-01	-1.11	8.67E-01



HBCBP	0.61	2.71E-01	-1.18	8.80E-01	1.33	9.12E-02
TMEM98	0.61	2.72E-01	-1.11	8.67E-01	1.30	9.75E-02
RHOA	0.61	2.72E-01	-0.57	7.17E-01	2.23	1.29E-02
RAET1L	0.61	2.72E-01	-0.57	7.14E-01	0.76	2.23E-01
VMO1	0.61	2.72E-01	-1.63	9.48E-01	1.09	1.39E-01
IRGQ	0.61	2.72E-01	-0.66	7.45E-01	0.34	3.66E-01
SNRPC	0.61	2.72E-01	-0.75	7.73E-01	2.17	1.51E-02
CCNB1	0.61	2.72E-01	-0.28	6.12E-01	0.88	1.91E-01
TGFBR3	0.61	2.72E-01	0.49	3.14E-01	-0.24	5.96E-01
FBXO48	0.61	2.72E-01	-1.57	9.42E-01	1.79	3.65E-02
NIT2	0.61	2.72E-01	0.19	4.24E-01	0.06	4.77E-01
IQCF3	0.61	2.72E-01	1.68	4.70E-02	-0.65	7.43E-01
FAM160B2	0.61	2.72E-01	0.49	3.11E-01	0.32	3.76E-01
CXCR5	0.61	2.72E-01	0.80	2.13E-01	-1.23	8.90E-01
RECQL5	0.61	2.72E-01	-0.49	6.89E-01	1.41	7.94E-02
FAM107A	0.61	2.72E-01	2.56	5.24E-03	0.46	3.24E-01
TMX3	0.61	2.72E-01	0.98	1.63E-01	-1.62	9.47E-01
TUBE1	0.61	2.72E-01	0.65	2.57E-01	0.39	3.49E-01
ELMSAN1	0.61	2.72E-01	-0.19	5.76E-01	0.29	3.87E-01
SCFD1	0.60	2.73E-01	0.29	3.86E-01	0.70	2.43E-01
SCN5A	0.60	2.73E-01	-0.27	6.05E-01	0.44	3.30E-01
PKD2	0.60	2.73E-01	-0.53	7.03E-01	0.44	3.31E-01
HIST1H1C	0.60	2.73E-01	-0.71	7.61E-01	0.38	3.52E-01
OPA3	0.60	2.73E-01	-0.87	8.09E-01	1.64	5.08E-02
MMADHC	0.60	2.73E-01	0.71	2.40E-01	-0.76	7.77E-01
HOXA5	0.60	2.73E-01	0.21	4.17E-01	0.99	1.61E-01
MAF1	0.60	2.73E-01	0.26	3.99E-01	0.12	4.54E-01
NAA50	0.60	2.73E-01	1.32	9.40E-02	-1.10	8.64E-01
TUBGCP4	0.60	2.73E-01	0.65	2.57E-01	1.01	1.56E-01
EEA1	0.60	2.73E-01	-0.03	5.10E-01	-0.15	5.60E-01
PRRX2	0.60	2.73E-01	0.52	3.01E-01	0.52	3.03E-01

TMEM151A	0.60	2.73E-01	0.99	1.60E-01	-0.59	7.21E-01
COX6C	0.60	2.73E-01	0.12	4.50E-01	-0.47	6.81E-01
SSTR3	0.60	2.73E-01	-0.44	6.70E-01	0.83	2.04E-01
RNF41	0.60	2.73E-01	0.86	1.94E-01	0.07	4.73E-01
ATP13A5	0.60	2.73E-01	-0.33	6.31E-01	-0.06	5.23E-01
RNF112	0.60	2.74E-01	1.03	1.51E-01	-1.12	8.69E-01
SFTPA1	0.60	2.74E-01	0.52	3.03E-01	-0.28	6.11E-01
BID	0.60	2.74E-01	0.60	2.73E-01	0.61	2.70E-01
GYPB	0.60	2.74E-01	1.22	1.11E-01	-0.04	5.15E-01
IDH2	0.60	2.74E-01	0.11	4.55E-01	-0.16	5.64E-01
UBE2F	0.60	2.74E-01	0.14	4.45E-01	-0.08	5.33E-01
PKD2L1	0.60	2.74E-01	0.12	4.52E-01	1.39	8.16E-02
MSI2	0.60	2.74E-01	1.10	1.36E-01	0.66	2.56E-01
RNF166	0.60	2.74E-01	0.08	4.67E-01	-0.43	6.66E-01
CRISP1	0.60	2.74E-01	1.33	9.19E-02	-0.35	6.35E-01
NAP1L1	0.60	2.74E-01	1.01	1.56E-01	-0.83	7.96E-01
ZNF721	0.60	2.74E-01	1.31	9.56E-02	-2.37	9.91E-01
ASPCR1	0.60	2.74E-01	0.67	2.52E-01	0.44	3.31E-01
ASCL5	0.60	2.74E-01	-1.01	8.43E-01	1.06	1.45E-01
IZUMO1	0.60	2.74E-01	0.10	4.62E-01	0.39	3.48E-01
HES2	0.60	2.74E-01	1.31	9.59E-02	-1.91	9.72E-01
BNC1	0.60	2.74E-01	-0.02	5.09E-01	1.93	2.68E-02
UBE2V2	0.60	2.74E-01	1.92	2.72E-02	0.85	1.99E-01
MRPS34	0.60	2.74E-01	0.66	2.53E-01	1.02	1.53E-01
SORCS2	0.60	2.74E-01	0.29	3.85E-01	1.85	3.22E-02
UBA7	0.60	2.75E-01	-1.64	9.49E-01	1.41	7.95E-02
CRIP1	0.60	2.75E-01	1.11	1.34E-01	-0.89	8.13E-01
CRIP1	0.60	2.75E-01	1.11	1.34E-01	-0.89	8.13E-01
TDRD7	0.60	2.75E-01	0.59	2.76E-01	-0.13	5.50E-01
RAD52	0.60	2.75E-01	-0.35	6.37E-01	0.26	3.97E-01
ZNF736	0.60	2.75E-01	0.50	3.07E-01	0.07	4.71E-01

CCNG2	0.60	2.75E-01	0.92	1.79E-01	0.28	3.90E-01
TNFAIP8L1	0.60	2.75E-01	0.53	2.99E-01	-0.05	5.22E-01
IGFBP3	0.60	2.75E-01	0.15	4.41E-01	0.04	4.85E-01
SNAPC1	0.60	2.75E-01	-0.59	7.23E-01	1.43	7.66E-02
TMCC2	0.60	2.75E-01	0.64	2.60E-01	-0.59	7.23E-01
FUCA1	0.60	2.75E-01	-1.10	8.65E-01	1.39	8.22E-02
RNF8	0.60	2.75E-01	0.68	2.49E-01	-0.67	7.48E-01
SNURF	0.60	2.75E-01	-0.55	7.08E-01	0.26	3.98E-01
C15orf38-AP3S2	0.60	2.75E-01	0.46	3.24E-01	-0.65	7.42E-01
SLC35F1	0.60	2.75E-01	-0.46	6.79E-01	0.65	2.57E-01
MTRF2	0.60	2.75E-01	1.27	1.02E-01	-0.70	7.59E-01
ANKRD39	0.60	2.75E-01	2.25	1.23E-02	0.79	2.14E-01
RRP9	0.60	2.75E-01	0.19	4.23E-01	0.11	4.55E-01
PKM	0.60	2.75E-01	-0.25	5.97E-01	0.49	3.13E-01
MPPED1	0.60	2.75E-01	1.12	1.30E-01	0.25	4.02E-01
STK3	0.60	2.75E-01	0.97	1.66E-01	-1.84	9.67E-01
CAND2	0.60	2.76E-01	1.51	6.56E-02	-1.10	8.65E-01
ANK1	0.60	2.76E-01	0.60	2.73E-01	-0.03	5.11E-01
TCTEX1D4	0.60	2.76E-01	2.36	9.25E-03	-0.04	5.15E-01
NPTN	0.60	2.76E-01	-0.56	7.14E-01	0.36	3.59E-01
C9orf171	0.60	2.76E-01	0.50	3.07E-01	-0.13	5.51E-01
LSMD1	0.60	2.76E-01	0.80	2.13E-01	-0.26	6.02E-01
DRD1	0.60	2.76E-01	0.89	1.86E-01	-0.55	7.08E-01
LENG9	0.60	2.76E-01	0.79	2.16E-01	-0.31	6.22E-01
ZIC5	0.59	2.76E-01	0.59	2.78E-01	1.46	7.16E-02
PDGFB	0.59	2.76E-01	-0.43	6.67E-01	0.78	2.17E-01
SLC2A4RG	0.59	2.76E-01	0.66	2.53E-01	0.86	1.94E-01
FABP4	0.59	2.76E-01	-0.15	5.58E-01	0.71	2.40E-01
HBP1	0.59	2.76E-01	0.59	2.78E-01	1.59	5.61E-02
C3orf84	0.59	2.76E-01	-1.86	9.69E-01	1.69	4.59E-02
FOXC1	0.59	2.76E-01	-0.78	7.84E-01	1.94	2.64E-02

CLSTN2	0.59	2.76E-01	0.04	4.85E-01	0.29	3.88E-01
ALOX5AP	0.59	2.76E-01	-0.41	6.60E-01	0.50	3.08E-01
TANC1	0.59	2.76E-01	0.74	2.30E-01	0.71	2.39E-01
WFDC8	0.59	2.76E-01	0.21	4.19E-01	0.00	5.02E-01
BLOC1S5	0.59	2.76E-01	2.16	1.53E-02	-0.12	5.48E-01
POLR2C	0.59	2.76E-01	0.39	3.50E-01	0.02	4.92E-01
UTP14C	0.59	2.76E-01	-0.19	5.77E-01	1.93	2.65E-02
CD2AP	0.59	2.76E-01	0.88	1.89E-01	-1.06	8.56E-01
HDDC2	0.59	2.76E-01	-0.11	5.43E-01	1.46	7.16E-02
FBXO46	0.59	2.76E-01	0.44	3.31E-01	1.01	1.55E-01
HAO2	0.59	2.77E-01	-0.88	8.11E-01	1.83	3.38E-02
BEND5	0.59	2.77E-01	0.65	2.59E-01	-0.44	6.68E-01
MYH15	0.59	2.77E-01	0.66	2.54E-01	0.10	4.60E-01
DDX60L	0.59	2.77E-01	0.27	3.92E-01	-0.10	5.39E-01
TRIM6-TRIM34	0.59	2.77E-01	0.50	3.07E-01	1.48	7.00E-02
SSTR5	0.59	2.77E-01	0.48	3.15E-01	-0.62	7.32E-01
RAB13	0.59	2.77E-01	0.04	4.84E-01	1.52	6.37E-02
KPNA3	0.59	2.77E-01	1.10	1.36E-01	0.75	2.28E-01
GBP2	0.59	2.77E-01	0.76	2.24E-01	-0.25	6.00E-01
AGTRAP	0.59	2.77E-01	-0.20	5.78E-01	0.19	4.25E-01
ZSWIM6	0.59	2.77E-01	-1.70	9.55E-01	1.61	5.40E-02
TTC36	0.59	2.77E-01	0.90	1.84E-01	0.06	4.74E-01
FGG	0.59	2.77E-01	1.54	6.20E-02	-1.12	8.69E-01
PVALB	0.59	2.77E-01	0.26	3.98E-01	0.05	4.79E-01
ZNF408	0.59	2.77E-01	-0.82	7.93E-01	0.80	2.11E-01
CCDC103	0.59	2.77E-01	1.58	5.71E-02	-0.77	7.81E-01
CD247	0.59	2.77E-01	-0.27	6.05E-01	0.89	1.88E-01
CD3G	0.59	2.77E-01	0.38	3.50E-01	-0.57	7.17E-01
PIP5K1A	0.59	2.78E-01	0.10	4.62E-01	0.05	4.79E-01
TULP3	0.59	2.78E-01	1.50	6.63E-02	-0.51	6.95E-01
ULBP3	0.59	2.78E-01	0.67	2.52E-01	0.63	2.63E-01

GPR183	0.59	2.78E-01	0.17	4.33E-01	0.68	2.49E-01
ZNF799	0.59	2.78E-01	-1.43	9.23E-01	1.20	1.15E-01
FECH	0.59	2.78E-01	1.43	7.68E-02	0.33	3.70E-01
TCTA	0.59	2.78E-01	-1.18	8.81E-01	1.93	2.67E-02
RNF157	0.59	2.78E-01	0.95	1.70E-01	0.98	1.63E-01
OR2M7	0.59	2.78E-01	-0.36	6.41E-01	0.42	3.38E-01
CRYGC	0.59	2.78E-01	-0.66	7.44E-01	0.85	1.97E-01
SAMSN1	0.59	2.78E-01	0.83	2.04E-01	-0.96	8.30E-01
ARFGEF1	0.59	2.78E-01	0.61	2.70E-01	-1.21	8.87E-01
EXOSC1	0.59	2.78E-01	-0.10	5.41E-01	0.52	3.02E-01
ARHGAP15	0.59	2.78E-01	1.63	5.14E-02	0.21	4.16E-01
MED21	0.59	2.79E-01	-0.12	5.48E-01	0.03	4.88E-01
OCEL1	0.59	2.79E-01	-0.44	6.71E-01	0.13	4.48E-01
KIAA1033	0.59	2.79E-01	1.14	1.27E-01	-0.65	7.41E-01
HSPB1	0.59	2.79E-01	-0.03	5.11E-01	0.71	2.38E-01
RASGEF1A	0.59	2.79E-01	-1.46	9.28E-01	0.81	2.09E-01
ANHX	0.59	2.79E-01	0.77	2.22E-01	-0.66	7.47E-01
GNA14	0.59	2.79E-01	0.47	3.21E-01	0.66	2.55E-01
VKORC1L1	0.59	2.79E-01	-0.13	5.50E-01	0.42	3.36E-01
TMCO2	0.59	2.79E-01	-0.41	6.60E-01	0.72	2.37E-01
ALOX5	0.59	2.79E-01	0.87	1.93E-01	-0.52	7.00E-01
HIST1H2BG	0.59	2.79E-01	0.27	3.94E-01	2.09	1.83E-02
RAC1	0.58	2.79E-01	0.66	2.55E-01	0.70	2.41E-01
DNER	0.58	2.79E-01	-0.96	8.32E-01	1.61	5.36E-02
FRMD8	0.58	2.79E-01	0.72	2.37E-01	-1.20	8.85E-01
AP2S1	0.58	2.79E-01	1.54	6.20E-02	-0.35	6.36E-01
MN1	0.58	2.80E-01	-0.75	7.73E-01	0.39	3.48E-01
C1orf115	0.58	2.80E-01	0.55	2.90E-01	-0.06	5.24E-01
CERS4	0.58	2.80E-01	-0.94	8.27E-01	0.83	2.02E-01
S100A11	0.58	2.80E-01	1.10	1.36E-01	-1.68	9.54E-01
BTG2	0.58	2.80E-01	0.05	4.78E-01	-0.58	7.20E-01

ADAMTS9	0.58	2.80E-01	0.36	3.60E-01	1.74	4.13E-02
ITGA1	0.58	2.80E-01	0.76	2.23E-01	1.21	1.13E-01
CDH19	0.58	2.80E-01	0.24	4.05E-01	-0.76	7.76E-01
RLTPR	0.58	2.80E-01	-0.59	7.21E-01	1.72	4.26E-02
GALNS	0.58	2.80E-01	0.82	2.05E-01	1.18	1.19E-01
OR3A2	0.58	2.80E-01	-1.07	8.57E-01	0.98	1.64E-01
SPP2	0.58	2.80E-01	1.28	1.00E-01	-0.48	6.86E-01
OR2C3	0.58	2.80E-01	1.20	1.15E-01	-0.93	8.24E-01
CCDC153	0.58	2.80E-01	0.00	5.00E-01	-0.20	5.78E-01
STRADB	0.58	2.80E-01	1.30	9.62E-02	0.41	3.42E-01
CMKLR1	0.58	2.80E-01	1.19	1.17E-01	-0.23	5.91E-01
ATP6AP1L	0.58	2.80E-01	-0.79	7.87E-01	0.60	2.73E-01
ANAPC1	0.58	2.80E-01	-0.75	7.73E-01	1.86	3.14E-02
CD96	0.58	2.80E-01	0.92	1.80E-01	-1.80	9.64E-01
FRZB	0.58	2.80E-01	0.05	4.78E-01	-0.12	5.46E-01
ADAM17	0.58	2.80E-01	-0.49	6.86E-01	1.72	4.31E-02
ZFP42	0.58	2.81E-01	0.19	4.25E-01	-0.79	7.85E-01
SNRPD3	0.58	2.81E-01	0.87	1.92E-01	-0.17	5.69E-01
CSNK1A1	0.58	2.81E-01	0.57	2.85E-01	0.80	2.11E-01
KRTAP4-12	0.58	2.81E-01	1.91	2.83E-02	-0.13	5.54E-01
PEX13	0.58	2.81E-01	0.54	2.94E-01	0.27	3.94E-01
MSX1	0.58	2.81E-01	-0.18	5.73E-01	-0.36	6.42E-01
PRKCZ	0.58	2.81E-01	1.07	1.41E-01	-0.74	7.70E-01
JRKL	0.58	2.81E-01	-0.26	6.04E-01	1.48	7.00E-02
CD44	0.58	2.81E-01	0.71	2.39E-01	-0.58	7.20E-01
FBXO16	0.58	2.81E-01	0.33	3.69E-01	0.69	2.45E-01
GPR182	0.58	2.81E-01	-1.18	8.81E-01	1.28	1.01E-01
WSB2	0.58	2.81E-01	1.38	8.36E-02	-0.53	7.01E-01
TSTD1	0.58	2.81E-01	-2.64	9.96E-01	1.73	4.22E-02
F2	0.58	2.81E-01	-0.02	5.09E-01	1.68	4.60E-02
RPA2	0.58	2.81E-01	0.06	4.76E-01	0.36	3.61E-01

TFF3	0.58	2.81E-01	2.47	6.73E-03	0.67	2.51E-01
SNRPG	0.58	2.81E-01	0.55	2.90E-01	-0.22	5.86E-01
AC007557.1	0.58	2.81E-01	0.15	4.39E-01	1.28	1.01E-01
OR10G7	0.58	2.81E-01	0.56	2.86E-01	-0.25	6.00E-01
OR5M1	0.58	2.81E-01	0.43	3.34E-01	-0.79	7.85E-01
FMN1	0.58	2.81E-01	-0.28	6.11E-01	0.41	3.40E-01
ATP6V1B1	0.58	2.81E-01	0.55	2.90E-01	-0.21	5.82E-01
FCER1G	0.58	2.81E-01	0.21	4.15E-01	0.23	4.07E-01
METTL12	0.58	2.81E-01	-1.13	8.70E-01	0.92	1.80E-01
SLC7A13	0.58	2.81E-01	0.74	2.30E-01	-0.73	7.67E-01
MTRNR2L6	0.58	2.82E-01	-0.95	8.29E-01	0.91	1.83E-01
CLPTM1L	0.58	2.82E-01	-0.17	5.66E-01	0.14	4.44E-01
FARP2	0.58	2.82E-01	-0.55	7.07E-01	0.04	4.86E-01
ACOX2	0.58	2.82E-01	1.23	1.09E-01	-0.19	5.76E-01
NPY5R	0.58	2.82E-01	-0.02	5.07E-01	1.38	8.42E-02
ART3	0.58	2.82E-01	-0.06	5.23E-01	0.10	4.60E-01
ACSS2	0.58	2.82E-01	1.25	1.06E-01	-0.77	7.80E-01
CES4A	0.58	2.82E-01	-0.50	6.91E-01	0.55	2.92E-01
ARFRP1	0.58	2.82E-01	0.97	1.67E-01	0.83	2.04E-01
C14orf144	0.58	2.82E-01	1.33	9.16E-02	1.33	9.20E-02
E2F6	0.58	2.82E-01	0.30	3.83E-01	-0.54	7.07E-01
PGPEP1L	0.58	2.82E-01	1.52	6.48E-02	-1.11	8.66E-01
AP3S2	0.58	2.82E-01	0.33	3.71E-01	-0.53	7.00E-01
DDX20	0.57	2.83E-01	-0.38	6.47E-01	0.10	4.61E-01
SNTG2	0.57	2.83E-01	-0.78	7.83E-01	0.93	1.76E-01
HS3ST5	0.57	2.83E-01	-0.41	6.59E-01	2.21	1.35E-02
CYP2J2	0.57	2.83E-01	0.25	4.00E-01	-0.34	6.33E-01
SLC22A24	0.57	2.83E-01	1.42	7.79E-02	-1.08	8.60E-01
FABP3	0.57	2.83E-01	-1.23	8.91E-01	0.72	2.35E-01
CLCF1	0.57	2.83E-01	2.26	1.19E-02	0.45	3.25E-01
ARL13B	0.57	2.83E-01	-0.31	6.21E-01	0.03	4.89E-01

PHB2	0.57	2.83E-01	-1.56	9.41E-01	1.88	3.04E-02
FAM71D	0.57	2.83E-01	0.69	2.45E-01	-0.63	7.36E-01
CDCA4	0.57	2.83E-01	1.36	8.70E-02	-1.24	8.93E-01
CBX7	0.57	2.83E-01	-0.65	7.41E-01	1.95	2.59E-02
KCNA5	0.57	2.83E-01	0.69	2.46E-01	-0.75	7.73E-01
FREM3	0.57	2.83E-01	1.19	1.17E-01	1.54	6.19E-02
SP3	0.57	2.84E-01	0.91	1.82E-01	1.80	3.60E-02
THBD	0.57	2.84E-01	0.82	2.07E-01	-0.48	6.83E-01
OR5D14	0.57	2.84E-01	0.64	2.61E-01	-0.21	5.83E-01
SEC61A1	0.57	2.84E-01	-1.46	9.27E-01	1.08	1.40E-01
ARSK	0.57	2.84E-01	0.59	2.79E-01	0.61	2.70E-01
RPRD1B	0.57	2.84E-01	0.22	4.13E-01	-0.26	6.04E-01
PRSS58	0.57	2.84E-01	-1.12	8.68E-01	1.09	1.37E-01
RAD9A	0.57	2.84E-01	2.07	1.94E-02	1.49	6.81E-02
KRTAP13-1	0.57	2.84E-01	-0.74	7.71E-01	0.90	1.83E-01
LRRN1	0.57	2.84E-01	1.45	7.31E-02	0.22	4.14E-01
NR4A1	0.57	2.84E-01	-0.74	7.69E-01	1.66	4.86E-02
FAM131A	0.57	2.84E-01	-0.39	6.52E-01	1.09	1.37E-01
PCDH7	0.57	2.84E-01	1.52	6.40E-02	-1.31	9.05E-01
RPS3	0.57	2.84E-01	0.32	3.73E-01	-0.29	6.14E-01
CENPH	0.57	2.84E-01	-0.20	5.78E-01	0.82	2.07E-01
UGT2A3	0.57	2.84E-01	-0.14	5.56E-01	-0.19	5.75E-01
ZNF160	0.57	2.84E-01	0.91	1.82E-01	0.51	3.05E-01
FCHSD1	0.57	2.84E-01	1.87	3.08E-02	0.36	3.60E-01
STK32C	0.57	2.84E-01	0.93	1.75E-01	-1.03	8.50E-01
GLTPD2	0.57	2.84E-01	-1.86	9.69E-01	1.04	1.50E-01
PRPF38A	0.57	2.84E-01	-0.15	5.58E-01	0.30	3.84E-01
MYO9A	0.57	2.85E-01	-0.10	5.39E-01	0.28	3.91E-01
GSTK1	0.57	2.85E-01	-0.32	6.26E-01	0.13	4.48E-01
ENTPD3	0.57	2.85E-01	1.31	9.55E-02	-0.53	7.03E-01
GUCY1A3	0.57	2.85E-01	-0.19	5.74E-01	0.21	4.18E-01



ZNF544	0.57	2.85E-01	0.34	3.66E-01	-0.78	7.83E-01
SAC3D1	0.57	2.85E-01	2.48	6.54E-03	1.37	8.53E-02
TIMP4	0.57	2.85E-01	-0.38	6.46E-01	1.82	3.46E-02
AOX1	0.57	2.85E-01	0.81	2.09E-01	0.08	4.68E-01
MMP3	0.57	2.85E-01	-0.88	8.11E-01	0.78	2.18E-01
PTP4A3	0.57	2.85E-01	0.46	3.24E-01	-0.32	6.27E-01
CARM1	0.57	2.85E-01	1.33	9.10E-02	-1.12	8.69E-01
DEFB118	0.57	2.85E-01	1.40	8.02E-02	1.31	9.43E-02
CNNM2	0.57	2.85E-01	-0.18	5.71E-01	-0.30	6.19E-01
COMMD8	0.57	2.85E-01	0.68	2.48E-01	-0.59	7.21E-01
ADAM10	0.57	2.85E-01	0.41	3.42E-01	-0.29	6.15E-01
HMG20B	0.57	2.85E-01	0.06	4.76E-01	0.41	3.40E-01
RNF26	0.57	2.85E-01	1.26	1.04E-01	-1.96	9.75E-01
NDNL2	0.57	2.85E-01	-0.47	6.79E-01	0.84	2.01E-01
GRIA4	0.57	2.85E-01	0.78	2.19E-01	-0.44	6.69E-01
OR51J1	0.57	2.86E-01	1.02	1.53E-01	-0.68	7.52E-01
ALG11	0.57	2.86E-01	0.19	4.23E-01	1.62	5.28E-02
MYL1	0.57	2.86E-01	1.44	7.46E-02	-1.22	8.89E-01
CNIH4	0.57	2.86E-01	0.56	2.89E-01	-0.26	6.01E-01
RBM19	0.57	2.86E-01	-0.19	5.75E-01	-0.56	7.13E-01
ZSCAN21	0.57	2.86E-01	1.34	9.07E-02	0.99	1.61E-01
EPS8L3	0.57	2.86E-01	0.49	3.11E-01	0.01	4.95E-01
KCNK3	0.57	2.86E-01	0.01	4.97E-01	-0.11	5.46E-01
DHTKD1	0.57	2.86E-01	1.13	1.30E-01	-1.52	9.35E-01
TANGO2	0.57	2.86E-01	-0.31	6.21E-01	0.17	4.32E-01
ZKSCAN2	0.57	2.86E-01	0.85	1.98E-01	0.91	1.81E-01
GSDMD	0.56	2.86E-01	0.89	1.88E-01	0.36	3.58E-01
ALPL	0.56	2.86E-01	1.59	5.63E-02	-1.83	9.66E-01
PLOD2	0.56	2.86E-01	0.33	3.70E-01	-0.36	6.40E-01
SLC25A37	0.56	2.86E-01	-0.47	6.80E-01	-0.17	5.67E-01
WNK4	0.56	2.86E-01	0.13	4.50E-01	-0.20	5.79E-01

CLPTM1	0.56	2.87E-01	0.02	4.93E-01	-0.17	5.66E-01
SELO	0.56	2.87E-01	1.27	1.03E-01	-0.48	6.84E-01
ADO	0.56	2.87E-01	-0.74	7.69E-01	2.40	8.20E-03
AP1S1	0.56	2.87E-01	0.14	4.45E-01	1.40	8.04E-02
NIPA2	0.56	2.87E-01	0.41	3.42E-01	0.03	4.89E-01
SERBP1	0.56	2.87E-01	-0.13	5.50E-01	0.46	3.23E-01
TEX33	0.56	2.87E-01	0.82	2.06E-01	-0.82	7.95E-01
EEF2	0.56	2.87E-01	-0.83	7.97E-01	0.54	2.93E-01
SYS1-DBNDD2	0.56	2.87E-01	0.10	4.59E-01	0.16	4.36E-01
KCNMB4	0.56	2.87E-01	1.21	1.13E-01	0.57	2.83E-01
LRRC2	0.56	2.87E-01	-0.10	5.41E-01	-0.56	7.12E-01
CD7	0.56	2.87E-01	0.33	3.70E-01	-0.02	5.08E-01
SLC35B2	0.56	2.87E-01	0.04	4.85E-01	-0.05	5.19E-01
BCL9L	0.56	2.87E-01	-0.29	6.13E-01	1.03	1.52E-01
DEPTOR	0.56	2.87E-01	-0.42	6.64E-01	-0.03	5.11E-01
ZNF677	0.56	2.87E-01	0.65	2.57E-01	-1.17	8.79E-01
GPR161	0.56	2.87E-01	0.03	4.88E-01	0.35	3.63E-01
IL1R1	0.56	2.87E-01	0.21	4.17E-01	-0.17	5.69E-01
SLC41A3	0.56	2.87E-01	1.52	6.42E-02	0.15	4.40E-01
TTYH3	0.56	2.88E-01	0.37	3.57E-01	0.33	3.72E-01
DCXR	0.56	2.88E-01	1.14	1.27E-01	-1.15	8.75E-01
WNT11	0.56	2.88E-01	-0.46	6.78E-01	1.47	7.10E-02
ME3	0.56	2.88E-01	-1.15	8.74E-01	0.81	2.10E-01
NEDD9	0.56	2.88E-01	-0.17	5.67E-01	-0.17	5.69E-01
HELB	0.56	2.88E-01	-1.47	9.29E-01	1.03	1.52E-01
PTPRK	0.56	2.88E-01	1.42	7.72E-02	-0.22	5.88E-01
RMI2	0.56	2.88E-01	0.46	3.24E-01	0.25	4.03E-01
RP11-72304.6	0.56	2.88E-01	1.47	7.06E-02	-0.15	5.58E-01
TEX29	0.56	2.88E-01	0.66	2.54E-01	-1.25	8.95E-01
ZNF83	0.56	2.88E-01	-0.51	6.96E-01	1.55	6.11E-02
SUOX	0.56	2.88E-01	0.36	3.58E-01	1.83	3.34E-02

ZNF91	0.56	2.88E-01	0.53	3.00E-01	-1.32	9.07E-01
TEX2	0.56	2.88E-01	-0.03	5.12E-01	-0.06	5.22E-01
ZNF205	0.56	2.88E-01	-1.31	9.05E-01	1.72	4.29E-02
SYNM	0.56	2.88E-01	-0.24	5.96E-01	0.17	4.32E-01
CARHSP1	0.56	2.88E-01	0.02	4.90E-01	0.95	1.70E-01
ADPRHL1	0.56	2.89E-01	-0.42	6.63E-01	0.03	4.87E-01
CCDC18	0.56	2.89E-01	0.43	3.33E-01	1.55	6.05E-02
DENND5A	0.56	2.89E-01	-0.05	5.19E-01	0.49	3.14E-01
CCDC171	0.56	2.89E-01	0.61	2.70E-01	0.24	4.05E-01
DNAH10	0.56	2.89E-01	0.73	2.32E-01	1.01	1.56E-01
KCNV1	0.56	2.89E-01	-0.32	6.27E-01	0.66	2.55E-01
TRIP10	0.56	2.89E-01	1.99	2.32E-02	0.97	1.67E-01
CCNYL1	0.56	2.89E-01	-0.67	7.50E-01	2.11	1.73E-02
PTPN14	0.56	2.89E-01	0.43	3.34E-01	0.62	2.66E-01
ZNF774	0.56	2.89E-01	-0.07	5.28E-01	0.43	3.33E-01
CCNY	0.56	2.89E-01	-0.40	6.54E-01	1.54	6.23E-02
ASIC2	0.55	2.89E-01	-0.71	7.61E-01	1.11	1.34E-01
TMEM45A	0.55	2.90E-01	-0.92	8.22E-01	1.30	9.76E-02
GJB4	0.55	2.90E-01	-0.06	5.25E-01	0.61	2.71E-01
ACOT6	0.55	2.90E-01	0.70	2.41E-01	1.35	8.86E-02
SP4	0.55	2.90E-01	-0.26	6.01E-01	0.21	4.17E-01
ALG9	0.55	2.90E-01	1.70	4.48E-02	-0.72	7.63E-01
PIGZ	0.55	2.90E-01	0.66	2.56E-01	-0.07	5.28E-01
CALY	0.55	2.90E-01	-1.48	9.30E-01	2.05	2.04E-02
ENTPD5	0.55	2.90E-01	-0.19	5.77E-01	0.00	5.02E-01
DCLK1	0.55	2.90E-01	-0.45	6.74E-01	1.36	8.63E-02
ABHD4	0.55	2.90E-01	-0.11	5.44E-01	1.50	6.66E-02
HTR1B	0.55	2.90E-01	-0.63	7.37E-01	0.32	3.76E-01
CD163L1	0.55	2.90E-01	0.94	1.74E-01	0.27	3.94E-01
TMEM75	0.55	2.90E-01	-0.24	5.95E-01	0.27	3.95E-01
UQCC1	0.55	2.90E-01	-0.14	5.56E-01	-0.19	5.75E-01

MROH1	0.55	2.90E-01	-1.31	9.06E-01	1.24	1.07E-01
PKP3	0.55	2.91E-01	-0.57	7.16E-01	0.98	1.64E-01
PHC1	0.55	2.91E-01	-0.96	8.31E-01	0.72	2.35E-01
FBXW7	0.55	2.91E-01	-0.05	5.21E-01	0.86	1.95E-01
ANTXR1	0.55	2.91E-01	0.27	3.95E-01	0.91	1.81E-01
OR2L5	0.55	2.91E-01	-0.62	7.32E-01	0.85	1.98E-01
HDAC1	0.55	2.91E-01	-0.28	6.12E-01	1.29	9.80E-02
TTK	0.55	2.91E-01	0.61	2.72E-01	1.13	1.28E-01
LIN7C	0.55	2.91E-01	-0.27	6.06E-01	0.58	2.80E-01
ZNF398	0.55	2.91E-01	0.63	2.65E-01	0.46	3.23E-01
PPP1R8	0.55	2.91E-01	-0.36	6.42E-01	0.55	2.91E-01
ACIN1	0.55	2.91E-01	0.08	4.66E-01	0.05	4.81E-01
PCCA	0.55	2.91E-01	-0.21	5.83E-01	-0.13	5.52E-01
KLHDC4	0.55	2.91E-01	0.87	1.91E-01	0.50	3.08E-01
MED31	0.55	2.91E-01	2.10	1.79E-02	-0.79	7.86E-01
GLB1L3	0.55	2.91E-01	0.10	4.61E-01	0.72	2.35E-01
LEPRE1	0.55	2.91E-01	0.48	3.16E-01	-1.31	9.04E-01
ZFP41	0.55	2.91E-01	0.25	4.01E-01	2.36	9.21E-03
PNRC1	0.55	2.92E-01	-1.78	9.63E-01	0.94	1.73E-01
PADI4	0.55	2.92E-01	-1.30	9.03E-01	1.08	1.41E-01
ADCY8	0.55	2.92E-01	-0.75	7.73E-01	1.07	1.43E-01
NKX1-2	0.55	2.92E-01	0.18	4.28E-01	1.21	1.13E-01
OVOL1	0.55	2.92E-01	0.82	2.06E-01	-1.64	9.50E-01
TUBG1	0.55	2.92E-01	-0.17	5.66E-01	0.27	3.92E-01
ZNF565	0.55	2.92E-01	1.64	5.10E-02	0.54	2.94E-01
ASB1	0.55	2.92E-01	0.44	3.30E-01	0.43	3.35E-01
SEPHS1	0.55	2.92E-01	-0.13	5.53E-01	-0.07	5.29E-01
KRTAP9-7	0.55	2.92E-01	0.86	1.96E-01	-1.28	9.00E-01
ARTN	0.55	2.92E-01	1.68	4.67E-02	-2.08	9.81E-01
RLN1	0.55	2.92E-01	-1.03	8.48E-01	1.32	9.33E-02
ATG2A	0.55	2.92E-01	-0.83	7.96E-01	0.62	2.69E-01

CHAD	0.55	2.92E-01	1.20	1.16E-01	-0.99	8.40E-01
AHCY	0.55	2.92E-01	-1.78	9.62E-01	1.53	6.24E-02
RASIP1	0.55	2.92E-01	-0.22	5.87E-01	0.23	4.09E-01
SPDYC	0.55	2.92E-01	1.51	6.53E-02	-0.92	8.21E-01
DENND6B	0.55	2.92E-01	-0.37	6.43E-01	0.65	2.57E-01
CCDC89	0.55	2.92E-01	0.76	2.25E-01	-0.31	6.21E-01
GPR123	0.55	2.92E-01	-0.76	7.77E-01	0.61	2.72E-01
C1orf106	0.55	2.92E-01	-0.18	5.72E-01	0.40	3.44E-01
DHRS11	0.55	2.92E-01	0.05	4.79E-01	-0.08	5.30E-01
OSR2	0.55	2.93E-01	1.37	8.53E-02	-1.42	9.23E-01
CSNK2A3	0.55	2.93E-01	-0.49	6.88E-01	0.69	2.45E-01
PRSS56	0.55	2.93E-01	-0.28	6.11E-01	-0.17	5.66E-01
N6AMT2	0.55	2.93E-01	0.26	3.96E-01	-0.12	5.50E-01
RHOBTB2	0.55	2.93E-01	-0.64	7.39E-01	1.33	9.25E-02
GPAA1	0.55	2.93E-01	0.45	3.27E-01	-0.27	6.06E-01
CYLC2	0.54	2.93E-01	-0.36	6.41E-01	0.68	2.49E-01
TDP2	0.54	2.93E-01	-0.59	7.22E-01	0.57	2.85E-01
THBS1	0.54	2.93E-01	1.24	1.08E-01	-0.12	5.49E-01
SPATA18	0.54	2.93E-01	1.38	8.34E-02	-0.21	5.85E-01
TAS2R50	0.54	2.93E-01	1.05	1.46E-01	0.63	2.64E-01
CNTN4	0.54	2.93E-01	0.98	1.64E-01	0.53	2.97E-01
SUN2	0.54	2.93E-01	0.27	3.95E-01	0.09	4.64E-01
OR52R1	0.54	2.93E-01	0.54	2.93E-01	1.25	1.05E-01
CHMP4A	0.54	2.93E-01	0.51	3.04E-01	-0.40	6.56E-01
FZD5	0.54	2.93E-01	-0.78	7.81E-01	1.34	9.08E-02
HAL	0.54	2.94E-01	-1.22	8.88E-01	0.85	1.97E-01
TEX101	0.54	2.94E-01	-0.21	5.83E-01	0.11	4.55E-01
TAC3	0.54	2.94E-01	-0.22	5.86E-01	1.44	7.47E-02
LAMB4	0.54	2.94E-01	1.11	1.33E-01	0.46	3.22E-01
SLCO4A1	0.54	2.94E-01	-0.24	5.94E-01	1.12	1.31E-01
SLC45A3	0.54	2.94E-01	-0.54	7.05E-01	1.80	3.56E-02

ZNF217	0.54	2.94E-01	0.47	3.19E-01	-0.40	6.54E-01
WDR11	0.54	2.94E-01	0.53	2.98E-01	0.32	3.74E-01
SCIMP	0.54	2.94E-01	0.93	1.75E-01	-1.58	9.43E-01
FRMD1	0.54	2.94E-01	-1.52	9.35E-01	0.97	1.66E-01
RASGRF1	0.54	2.94E-01	-0.04	5.17E-01	0.11	4.57E-01
ANTXR2	0.54	2.94E-01	-0.54	7.06E-01	0.46	3.23E-01
MYH13	0.54	2.94E-01	1.86	3.15E-02	-0.52	6.98E-01
OXSM	0.54	2.94E-01	1.69	4.60E-02	-1.12	8.68E-01
TMEM209	0.54	2.94E-01	1.28	9.95E-02	-2.14	9.84E-01
GRSF1	0.54	2.95E-01	-0.31	6.22E-01	0.28	3.89E-01
DGKE	0.54	2.95E-01	-1.10	8.64E-01	0.77	2.20E-01
RAB40C	0.54	2.95E-01	0.47	3.19E-01	-0.71	7.60E-01
ME1	0.54	2.95E-01	2.13	1.66E-02	-0.23	5.91E-01
PATE1	0.54	2.95E-01	0.60	2.73E-01	-1.36	9.14E-01
SPINT1	0.54	2.95E-01	0.80	2.13E-01	-1.09	8.61E-01
ATP6V1E2	0.54	2.95E-01	-0.28	6.09E-01	1.20	1.16E-01
PXT1	0.54	2.95E-01	0.26	3.96E-01	0.33	3.69E-01
MYH9	0.54	2.95E-01	1.24	1.08E-01	-1.49	9.32E-01
KRTAP22-1	0.54	2.95E-01	-1.66	9.52E-01	1.45	7.34E-02
SCEL	0.54	2.95E-01	0.98	1.63E-01	-0.73	7.66E-01
ZMYND8	0.54	2.95E-01	-0.36	6.39E-01	0.37	3.57E-01
NSA2	0.54	2.95E-01	-0.14	5.57E-01	-0.23	5.91E-01
PSG9	0.54	2.96E-01	1.58	5.72E-02	0.53	2.99E-01
POU2F2	0.54	2.96E-01	1.13	1.30E-01	-0.65	7.41E-01
TRPM7	0.54	2.96E-01	0.18	4.30E-01	-0.72	7.65E-01
TYW1	0.54	2.96E-01	1.64	5.08E-02	-0.96	8.32E-01
C8orf59	0.54	2.96E-01	-0.07	5.30E-01	0.18	4.29E-01
OXA1L	0.54	2.96E-01	0.21	4.16E-01	0.85	1.97E-01
SEC61B	0.54	2.96E-01	-0.14	5.54E-01	0.22	4.14E-01
CCDC176	0.54	2.96E-01	-0.35	6.37E-01	0.85	1.97E-01
LRRFIP1	0.54	2.96E-01	-0.80	7.89E-01	0.11	4.56E-01

DPEP1	0.54	2.96E-01	-1.25	8.95E-01	1.18	1.19E-01
OR2M4	0.54	2.96E-01	-1.10	8.64E-01	1.02	1.53E-01
OGDHL	0.54	2.96E-01	0.56	2.88E-01	-0.77	7.80E-01
AIPL1	0.54	2.96E-01	0.68	2.47E-01	1.41	7.88E-02
ASS1	0.53	2.96E-01	0.41	3.41E-01	0.41	3.40E-01
AP3M2	0.53	2.96E-01	0.07	4.71E-01	-0.24	5.93E-01
AGAP5	0.53	2.96E-01	-0.44	6.69E-01	0.44	3.29E-01
ZBTB17	0.53	2.96E-01	-0.91	8.19E-01	-0.18	5.72E-01
RMDN1	0.53	2.97E-01	0.93	1.76E-01	-0.62	7.33E-01
PTPLAD2	0.53	2.97E-01	-0.13	5.52E-01	-0.42	6.63E-01
ICA1L	0.53	2.97E-01	0.00	4.99E-01	-0.30	6.17E-01
DDAH1	0.53	2.97E-01	0.96	1.68E-01	-0.20	5.78E-01
OPTN	0.53	2.97E-01	0.06	4.77E-01	-0.33	6.29E-01
HAUS1	0.53	2.97E-01	0.03	4.87E-01	0.81	2.09E-01
ANGEL2	0.53	2.97E-01	0.47	3.19E-01	-0.60	7.26E-01
COG6	0.53	2.97E-01	0.88	1.89E-01	-0.96	8.30E-01
F10	0.53	2.97E-01	0.57	2.85E-01	-0.41	6.59E-01
NAGPA	0.53	2.97E-01	-0.53	7.01E-01	1.09	1.38E-01
OLIG2	0.53	2.97E-01	0.03	4.88E-01	-0.63	7.35E-01
DNMBP	0.53	2.97E-01	0.48	3.16E-01	0.04	4.83E-01
CTU1	0.53	2.97E-01	-0.53	7.00E-01	0.36	3.60E-01
POLR2I	0.53	2.97E-01	0.50	3.08E-01	-1.05	8.53E-01
DIO3	0.53	2.97E-01	2.12	1.71E-02	0.45	3.27E-01
RASSF1	0.53	2.97E-01	1.65	4.99E-02	-1.63	9.48E-01
WLS	0.53	2.97E-01	0.89	1.86E-01	0.13	4.47E-01
CFTR	0.53	2.97E-01	0.22	4.13E-01	0.88	1.88E-01
C11orf49	0.53	2.97E-01	0.11	4.56E-01	-0.03	5.14E-01
OR5K1	0.53	2.97E-01	1.01	1.56E-01	-0.15	5.58E-01
GMPR2	0.53	2.97E-01	-0.07	5.27E-01	-0.07	5.26E-01
RAPGEF5	0.53	2.97E-01	0.74	2.31E-01	-0.29	6.14E-01
RAD1	0.53	2.97E-01	1.59	5.60E-02	-1.70	9.56E-01

FOPNL	0.53	2.97E-01	1.33	9.10E-02	-0.37	6.46E-01
DBX1	0.53	2.97E-01	0.17	4.33E-01	-0.03	5.13E-01
HIST4H4	0.53	2.97E-01	-0.87	8.08E-01	1.79	3.66E-02
CBLC	0.53	2.97E-01	0.61	2.71E-01	1.63	5.13E-02
CA12	0.53	2.97E-01	-0.33	6.29E-01	0.12	4.51E-01
PEX2	0.53	2.97E-01	-0.19	5.75E-01	-0.10	5.39E-01
OCA2	0.53	2.98E-01	-0.52	6.97E-01	0.40	3.46E-01
ZNF729	0.53	2.98E-01	0.55	2.93E-01	-0.40	6.56E-01
GUCA2B	0.53	2.98E-01	-1.08	8.59E-01	0.31	3.77E-01
UBXN7	0.53	2.98E-01	-0.71	7.62E-01	0.70	2.41E-01
RPF2	0.53	2.98E-01	-0.34	6.32E-01	0.82	2.06E-01
GRIK3	0.53	2.98E-01	2.10	1.79E-02	0.96	1.70E-01
LILRA1	0.53	2.98E-01	0.11	4.57E-01	1.04	1.49E-01
IFI27	0.53	2.98E-01	-1.86	9.69E-01	1.78	3.77E-02
TIGD4	0.53	2.98E-01	-1.21	8.88E-01	0.50	3.07E-01
DIRAS3	0.53	2.98E-01	1.33	9.21E-02	-1.40	9.19E-01
PTH1R	0.53	2.98E-01	-0.96	8.32E-01	1.12	1.31E-01
CCL26	0.53	2.98E-01	-1.18	8.82E-01	1.36	8.72E-02
RNF222	0.53	2.98E-01	0.83	2.03E-01	-0.14	5.57E-01
ITIH3	0.53	2.99E-01	-0.22	5.86E-01	-0.54	7.06E-01
NGLY1	0.53	2.99E-01	1.64	5.09E-02	-0.79	7.85E-01
PSMC3IP	0.53	2.99E-01	-0.10	5.39E-01	0.18	4.30E-01
ARL4A	0.53	2.99E-01	0.03	4.87E-01	-0.55	7.07E-01
GPRC5C	0.53	2.99E-01	0.08	4.68E-01	1.22	1.12E-01
GATS	0.53	2.99E-01	-0.78	7.83E-01	0.23	4.08E-01
CYP46A1	0.53	2.99E-01	0.11	4.57E-01	0.51	3.07E-01
C7orf33	0.53	2.99E-01	1.61	5.41E-02	-0.49	6.89E-01
KLHDC10	0.53	2.99E-01	0.53	2.98E-01	-0.65	7.42E-01
RAB5A	0.53	2.99E-01	0.43	3.35E-01	1.03	1.51E-01
CD93	0.53	2.99E-01	1.87	3.04E-02	-1.51	9.35E-01
SETDB2	0.53	2.99E-01	0.44	3.30E-01	0.61	2.71E-01



LARS2	0.53	2.99E-01	1.15	1.26E-01	-1.74	9.59E-01
FAM46C	0.53	2.99E-01	0.18	4.28E-01	-0.68	7.51E-01
FERMT1	0.53	2.99E-01	-0.79	7.84E-01	0.81	2.09E-01
SCN10A	0.53	2.99E-01	1.52	6.38E-02	-1.17	8.79E-01
GABBR1	0.53	2.99E-01	0.40	3.43E-01	1.29	9.90E-02
CDKN1C	0.53	3.00E-01	0.81	2.09E-01	-1.89	9.70E-01
RBMXL2	0.53	3.00E-01	0.82	2.05E-01	-1.46	9.27E-01
SYPL1	0.53	3.00E-01	-0.73	7.67E-01	0.67	2.53E-01
SH2D5	0.53	3.00E-01	0.14	4.43E-01	-0.51	6.94E-01
LCMT2	0.53	3.00E-01	0.37	3.57E-01	1.30	9.72E-02
GSK3A	0.53	3.00E-01	0.83	2.02E-01	0.77	2.22E-01
PDZD2	0.52	3.00E-01	0.20	4.19E-01	0.21	4.15E-01
PPL	0.52	3.00E-01	0.78	2.19E-01	0.73	2.33E-01
TMEM37	0.52	3.00E-01	0.32	3.75E-01	-0.14	5.57E-01
MAP2	0.52	3.00E-01	1.61	5.34E-02	-0.71	7.60E-01
CCT4	0.52	3.00E-01	0.03	4.86E-01	0.29	3.85E-01
TFAP2A	0.52	3.00E-01	0.59	2.77E-01	-0.87	8.09E-01
MFSD8	0.52	3.00E-01	0.51	3.05E-01	0.17	4.31E-01
NDUFA3	0.52	3.00E-01	-0.22	5.88E-01	0.08	4.66E-01
RCSD1	0.52	3.00E-01	-0.07	5.27E-01	-0.69	7.54E-01
KIR3DX1	0.52	3.00E-01	-0.52	6.97E-01	0.54	2.93E-01
CXCL11	0.52	3.00E-01	-0.15	5.60E-01	0.39	3.49E-01
AGL	0.52	3.00E-01	0.20	4.21E-01	-1.02	8.46E-01
SOBP	0.52	3.00E-01	-0.23	5.90E-01	-0.04	5.18E-01
CAPN9	0.52	3.00E-01	-0.19	5.75E-01	1.46	7.28E-02
EIF5	0.52	3.00E-01	-0.93	8.23E-01	0.95	1.70E-01
CCDC172	0.52	3.01E-01	-0.26	6.02E-01	0.76	2.25E-01
SPATA9	0.52	3.01E-01	0.14	4.42E-01	0.58	2.81E-01
TMEM211	0.52	3.01E-01	0.33	3.69E-01	-0.22	5.86E-01
GENE	0.52	3.01E-01	-0.59	7.23E-01	0.08	4.69E-01
B4GALT4	0.52	3.01E-01	0.86	1.94E-01	-0.97	8.33E-01

IFT74	0.52	3.01E-01	0.91	1.80E-01	-0.16	5.62E-01
DDC8	0.52	3.01E-01	0.20	4.20E-01	0.42	3.39E-01
NDRG1	0.52	3.01E-01	-0.57	7.15E-01	0.76	2.24E-01
KCNB2	0.52	3.01E-01	-0.64	7.38E-01	1.12	1.31E-01
FAHD2A	0.52	3.01E-01	0.12	4.53E-01	0.36	3.60E-01
TUBB4A	0.52	3.01E-01	-0.13	5.50E-01	0.23	4.10E-01
ECHS1	0.52	3.01E-01	-1.07	8.58E-01	2.35	9.42E-03
KIF5C	0.52	3.01E-01	-0.27	6.08E-01	0.45	3.27E-01
TDRD12	0.52	3.01E-01	1.18	1.20E-01	0.22	4.13E-01
YTHDF3	0.52	3.01E-01	0.25	4.00E-01	0.00	5.00E-01
CD27	0.52	3.01E-01	-0.03	5.14E-01	-0.31	6.23E-01
ERN1	0.52	3.01E-01	1.11	1.34E-01	-0.99	8.38E-01
FEM1B	0.52	3.01E-01	0.79	2.14E-01	-0.17	5.68E-01
MKRN1	0.52	3.01E-01	0.35	3.63E-01	-0.02	5.09E-01
FSD1L	0.52	3.02E-01	0.76	2.23E-01	-0.31	6.23E-01
CPNE3	0.52	3.02E-01	0.73	2.32E-01	-0.61	7.29E-01
C11orf52	0.52	3.02E-01	1.15	1.26E-01	-1.01	8.44E-01
GAR1	0.52	3.02E-01	-0.33	6.31E-01	0.57	2.86E-01
PPP1R16B	0.52	3.02E-01	2.08	1.86E-02	4.51	3.18E-06
DNAJC17	0.52	3.02E-01	0.88	1.90E-01	-1.16	8.77E-01
IL24	0.52	3.02E-01	0.87	1.91E-01	0.01	4.95E-01
SPDL1	0.52	3.02E-01	0.16	4.36E-01	-0.51	6.93E-01
RNASEK	0.52	3.02E-01	0.21	4.16E-01	0.24	4.06E-01
PPIL1	0.52	3.02E-01	-0.38	6.47E-01	-0.19	5.74E-01
C1orf186	0.52	3.02E-01	-0.37	6.45E-01	0.40	3.44E-01
NUTF2	0.52	3.02E-01	-0.16	5.63E-01	1.58	5.73E-02
ATP4A	0.52	3.02E-01	-0.13	5.52E-01	0.40	3.43E-01
PHGR1	0.52	3.03E-01	1.25	1.07E-01	-0.32	6.24E-01
XYLT2	0.52	3.03E-01	0.33	3.69E-01	-0.83	7.96E-01
GINS4	0.52	3.03E-01	0.05	4.82E-01	-0.80	7.87E-01
C21orf2	0.52	3.03E-01	1.09	1.39E-01	-0.05	5.21E-01

GSKIP	0.52	3.03E-01	0.32	3.74E-01	1.05	1.47E-01
COLEC11	0.52	3.03E-01	0.35	3.64E-01	0.65	2.57E-01
SUCLA2	0.52	3.03E-01	-0.88	8.12E-01	0.91	1.81E-01
PJA2	0.52	3.03E-01	-0.12	5.50E-01	-0.16	5.64E-01
DDX1	0.52	3.03E-01	0.35	3.63E-01	-0.09	5.35E-01
AGBL3	0.52	3.03E-01	-1.02	8.46E-01	1.03	1.51E-01
HPGDS	0.52	3.03E-01	0.36	3.60E-01	1.58	5.66E-02
METTL24	0.52	3.03E-01	1.09	1.38E-01	-1.10	8.65E-01
NLRP7	0.51	3.03E-01	-0.82	7.95E-01	1.41	7.99E-02
POLR3GL	0.51	3.03E-01	-0.24	5.97E-01	0.49	3.13E-01
FAR2	0.51	3.04E-01	-0.22	5.88E-01	0.26	3.98E-01
RAB19	0.51	3.04E-01	-0.15	5.61E-01	0.25	4.01E-01
SRCAP	0.51	3.04E-01	0.47	3.21E-01	-0.01	5.02E-01
DCAF12	0.51	3.04E-01	1.56	5.89E-02	0.42	3.36E-01
PLAA	0.51	3.04E-01	1.21	1.13E-01	-0.27	6.08E-01
BTBD8	0.51	3.04E-01	0.60	2.74E-01	-0.57	7.14E-01
OXR1	0.51	3.04E-01	0.17	4.31E-01	0.27	3.95E-01
GNAQ	0.51	3.04E-01	-0.39	6.50E-01	0.86	1.94E-01
PAQR6	0.51	3.04E-01	0.91	1.81E-01	-0.45	6.75E-01
NUDT15	0.51	3.04E-01	-1.12	8.69E-01	1.52	6.40E-02
CTNND1	0.51	3.04E-01	0.84	2.00E-01	0.40	3.46E-01
KRTAP9-9	0.51	3.04E-01	0.80	2.13E-01	-1.24	8.92E-01
SRMS	0.51	3.04E-01	0.59	2.76E-01	1.58	5.73E-02
SLIT3	0.51	3.04E-01	-0.79	7.86E-01	0.15	4.41E-01
KRT12	0.51	3.04E-01	0.37	3.57E-01	0.32	3.73E-01
ARL2BP	0.51	3.05E-01	0.57	2.86E-01	-0.97	8.35E-01
RPS6KA1	0.51	3.05E-01	0.19	4.26E-01	-0.47	6.82E-01
NUP43	0.51	3.05E-01	-0.59	7.21E-01	0.57	2.83E-01
MUC8	0.51	3.05E-01	0.74	2.31E-01	-0.22	5.86E-01
ARID3C	0.51	3.05E-01	0.54	2.95E-01	0.26	3.97E-01
CBX5	0.51	3.05E-01	-0.29	6.13E-01	0.58	2.82E-01

ZNHIT3	0.51	3.05E-01	-0.51	6.94E-01	0.41	3.41E-01
RNF167	0.51	3.05E-01	1.16	1.23E-01	0.83	2.03E-01
TUBGCP2	0.51	3.05E-01	-0.43	6.66E-01	2.01	2.24E-02
SNX18	0.51	3.05E-01	0.78	2.19E-01	-0.48	6.83E-01
ATP7B	0.51	3.05E-01	0.33	3.72E-01	2.47	6.70E-03
PRR14	0.51	3.05E-01	0.37	3.56E-01	-0.23	5.89E-01
GZMH	0.51	3.05E-01	0.28	3.91E-01	0.16	4.36E-01
ERLEC1	0.51	3.05E-01	0.32	3.75E-01	-0.54	7.07E-01
ATP5J2-PTCD1	0.51	3.05E-01	-0.21	5.83E-01	-0.07	5.30E-01
OR4K15	0.51	3.05E-01	0.18	4.28E-01	-0.02	5.10E-01
DNTT	0.51	3.06E-01	0.42	3.37E-01	-0.66	7.45E-01
ZP1	0.51	3.06E-01	-0.59	7.22E-01	0.54	2.95E-01
PURG	0.51	3.06E-01	-0.11	5.43E-01	0.11	4.56E-01
KHSRP	0.51	3.06E-01	-0.86	8.06E-01	0.91	1.83E-01
CCNE1	0.51	3.06E-01	0.75	2.28E-01	-0.30	6.19E-01
HEPACAM	0.51	3.06E-01	0.03	4.89E-01	0.04	4.83E-01
C3orf70	0.51	3.06E-01	0.16	4.35E-01	1.04	1.50E-01
TLR4	0.51	3.06E-01	-0.54	7.06E-01	2.81	2.47E-03
SMO	0.51	3.06E-01	1.18	1.20E-01	1.12	1.32E-01
PRB1	0.51	3.06E-01	0.58	2.81E-01	-0.71	7.60E-01
KRT6B	0.51	3.06E-01	-0.04	5.14E-01	1.56	5.93E-02
PIK3R2	0.51	3.06E-01	0.92	1.79E-01	0.84	1.99E-01
CRX	0.51	3.06E-01	2.06	1.98E-02	-0.25	5.98E-01
STAG1	0.51	3.06E-01	1.08	1.41E-01	-0.44	6.69E-01
NECAB2	0.51	3.06E-01	0.81	2.08E-01	-0.69	7.55E-01
OR7C1	0.51	3.06E-01	0.98	1.64E-01	2.68	3.70E-03
RP11-676J12.7	0.51	3.06E-01	-1.33	9.09E-01	1.26	1.04E-01
RAB3A	0.51	3.06E-01	1.50	6.71E-02	-0.45	6.74E-01
SRSF11	0.51	3.06E-01	-0.19	5.76E-01	0.25	4.02E-01
C19orf45	0.51	3.07E-01	1.25	1.06E-01	-0.80	7.88E-01
ABCD2	0.51	3.07E-01	0.01	4.96E-01	-0.06	5.24E-01

GCNT2	0.51	3.07E-01	1.19	1.17E-01	-0.19	5.77E-01
PPP2R1A	0.51	3.07E-01	0.57	2.86E-01	-1.29	9.01E-01
INSL3	0.51	3.07E-01	1.56	5.99E-02	-1.35	9.12E-01
BIRC5	0.51	3.07E-01	1.31	9.58E-02	-0.72	7.65E-01
SART1	0.51	3.07E-01	-0.20	5.79E-01	-0.01	5.06E-01
DMWD	0.50	3.07E-01	0.24	4.04E-01	0.46	3.24E-01
C19orf83	0.50	3.07E-01	-0.68	7.52E-01	0.25	4.03E-01
C1orf64	0.50	3.07E-01	-0.33	6.31E-01	0.16	4.36E-01
DNAJA3	0.50	3.07E-01	0.60	2.74E-01	0.18	4.27E-01
MDGA1	0.50	3.07E-01	0.04	4.86E-01	-0.25	5.98E-01
TAS2R9	0.50	3.07E-01	-0.04	5.14E-01	0.18	4.28E-01
LRRC43	0.50	3.07E-01	0.42	3.37E-01	-0.88	8.10E-01
LILRA2	0.50	3.08E-01	0.20	4.22E-01	1.12	1.31E-01
SLC31A2	0.50	3.08E-01	0.13	4.47E-01	0.57	2.85E-01
RAD54L	0.50	3.08E-01	0.26	3.98E-01	0.73	2.31E-01
TLDC1	0.50	3.08E-01	0.85	1.99E-01	-1.32	9.07E-01
AP5S1	0.50	3.08E-01	-0.89	8.14E-01	0.73	2.32E-01
PFDN6	0.50	3.08E-01	0.80	2.12E-01	0.39	3.47E-01
DOCK4	0.50	3.08E-01	0.11	4.57E-01	1.47	7.14E-02
PLEKHA6	0.50	3.08E-01	-0.09	5.34E-01	0.62	2.68E-01
SMTNL2	0.50	3.08E-01	0.97	1.66E-01	0.70	2.41E-01
PDP2	0.50	3.08E-01	0.02	4.93E-01	0.77	2.20E-01
KRT85	0.50	3.08E-01	0.11	4.58E-01	-0.02	5.07E-01
ATAD3C	0.50	3.08E-01	0.06	4.74E-01	-0.03	5.12E-01
C1orf116	0.50	3.08E-01	1.47	7.05E-02	-0.82	7.95E-01
SLC5A8	0.50	3.08E-01	-0.09	5.34E-01	0.07	4.74E-01
TBC1D10B	0.50	3.08E-01	0.49	3.11E-01	-0.67	7.48E-01
MYOZ1	0.50	3.08E-01	-0.18	5.73E-01	0.06	4.78E-01
GDF5	0.50	3.08E-01	-0.29	6.15E-01	-0.40	6.55E-01
C15orf40	0.50	3.08E-01	-0.93	8.23E-01	2.17	1.50E-02
EXT2	0.50	3.09E-01	0.37	3.55E-01	0.49	3.11E-01

BABAM1	0.50	3.09E-01	0.59	2.78E-01	0.17	4.32E-01
GMFG	0.50	3.09E-01	-0.69	7.56E-01	1.12	1.32E-01
DCLK2	0.50	3.09E-01	0.39	3.49E-01	-1.03	8.48E-01
ALG9	0.50	3.09E-01	1.66	4.88E-02	-0.69	7.54E-01
IL18BP	0.50	3.09E-01	0.34	3.66E-01	0.05	4.81E-01
TRAPPC1	0.50	3.09E-01	0.37	3.56E-01	0.14	4.44E-01
HTR5A-AS1	0.50	3.09E-01	0.99	1.61E-01	-0.81	7.90E-01
WDR5	0.50	3.09E-01	-0.07	5.27E-01	-0.58	7.19E-01
PIK3R3	0.50	3.09E-01	1.54	6.22E-02	-1.50	9.33E-01
SNX5	0.50	3.09E-01	0.41	3.41E-01	-0.35	6.36E-01
OCM	0.50	3.09E-01	-0.67	7.49E-01	2.21	1.35E-02
PLEKHF1	0.50	3.09E-01	1.14	1.27E-01	-0.09	5.34E-01
SWT1	0.50	3.10E-01	0.76	2.24E-01	-0.16	5.65E-01
EBF2	0.50	3.10E-01	1.16	1.23E-01	0.30	3.83E-01
PARD6A	0.50	3.10E-01	0.26	3.97E-01	2.19	1.43E-02
STAP2	0.50	3.10E-01	-0.29	6.13E-01	-0.07	5.28E-01
CNOT1	0.50	3.10E-01	0.04	4.85E-01	1.16	1.23E-01
IK	0.50	3.10E-01	-0.18	5.70E-01	0.25	4.02E-01
CRNKL1	0.50	3.10E-01	0.75	2.26E-01	-0.76	7.77E-01
EMC4	0.50	3.10E-01	-0.44	6.70E-01	0.00	4.98E-01
ALG5	0.50	3.10E-01	0.05	4.78E-01	-0.94	8.27E-01
MRGPRD	0.50	3.10E-01	-0.06	5.26E-01	0.27	3.92E-01
TICAM1	0.50	3.10E-01	0.39	3.49E-01	-0.26	6.01E-01
GPR116	0.50	3.10E-01	-0.55	7.08E-01	-0.19	5.74E-01
CYP4Z1	0.50	3.10E-01	0.76	2.23E-01	-1.68	9.53E-01
ZSCAN18	0.50	3.10E-01	0.58	2.82E-01	0.42	3.38E-01
RAB3GAP2	0.50	3.10E-01	-0.39	6.52E-01	-0.06	5.22E-01
DSG1	0.50	3.10E-01	0.21	4.16E-01	-0.46	6.77E-01
PIGQ	0.49	3.10E-01	0.36	3.60E-01	-0.30	6.19E-01
LYVE1	0.49	3.11E-01	0.75	2.26E-01	1.21	1.13E-01
PER3	0.49	3.11E-01	0.62	2.68E-01	-0.47	6.82E-01

PPP1R21	0.49	3.11E-01	1.09	1.37E-01	-0.29	6.13E-01
GRK7	0.49	3.11E-01	1.43	7.64E-02	-0.87	8.08E-01
GSC	0.49	3.11E-01	0.78	2.17E-01	-0.82	7.93E-01
CALM1	0.49	3.11E-01	-0.05	5.18E-01	-0.83	7.96E-01
RFX2	0.49	3.11E-01	1.67	4.75E-02	-1.02	8.46E-01
RSC1A1	0.49	3.11E-01	-0.05	5.21E-01	0.10	4.60E-01
NACA	0.49	3.11E-01	0.73	2.32E-01	-1.31	9.05E-01
MAPK13	0.49	3.11E-01	1.06	1.45E-01	-1.35	9.12E-01
SLC29A3	0.49	3.11E-01	0.77	2.21E-01	-0.15	5.61E-01
GNPDA2	0.49	3.11E-01	0.33	3.69E-01	-0.30	6.17E-01
OXCT1	0.49	3.11E-01	1.60	5.47E-02	-0.50	6.92E-01
UBQLN3	0.49	3.11E-01	0.31	3.77E-01	-0.41	6.58E-01
SRRM2	0.49	3.11E-01	0.02	4.91E-01	-0.54	7.06E-01
ZNF845	0.49	3.12E-01	-0.14	5.54E-01	0.63	2.63E-01
MAPK9	0.49	3.12E-01	-0.39	6.53E-01	0.81	2.08E-01
ZNF445	0.49	3.12E-01	-0.52	7.00E-01	0.76	2.25E-01
CUL3	0.49	3.12E-01	1.20	1.16E-01	-0.61	7.29E-01
COP55	0.49	3.12E-01	0.17	4.32E-01	-0.31	6.22E-01
PDLIM1	0.49	3.12E-01	1.25	1.06E-01	-1.82	9.65E-01
INCENP	0.49	3.12E-01	1.43	7.66E-02	0.07	4.72E-01
OR2AK2	0.49	3.12E-01	0.58	2.82E-01	-1.14	8.72E-01
TRAF3IP1	0.49	3.12E-01	0.35	3.64E-01	-0.08	5.31E-01
WFDC3	0.49	3.12E-01	0.46	3.22E-01	0.40	3.46E-01
GTPBP8	0.49	3.12E-01	0.36	3.61E-01	-0.96	8.31E-01
EDEM1	0.49	3.12E-01	1.23	1.09E-01	-0.37	6.45E-01
SORBS2	0.49	3.12E-01	0.13	4.49E-01	0.48	3.17E-01
NUDT1	0.49	3.12E-01	-0.26	6.03E-01	1.47	7.10E-02
PITPNM3	0.49	3.12E-01	-0.67	7.47E-01	3.36	3.94E-04
WNT5A	0.49	3.12E-01	1.88	3.03E-02	-1.03	8.48E-01
GALNT13	0.49	3.13E-01	-0.02	5.07E-01	-0.51	6.93E-01
ARHGAP42	0.49	3.13E-01	-0.52	7.00E-01	0.54	2.94E-01

EPHB3	0.49	3.13E-01	-1.16	8.77E-01	0.60	2.74E-01
TCF15	0.49	3.13E-01	0.20	4.20E-01	0.37	3.58E-01
CYFIP2	0.49	3.13E-01	-0.36	6.40E-01	0.31	3.77E-01
CGREF1	0.49	3.13E-01	1.65	4.98E-02	0.05	4.81E-01
CCDC158	0.49	3.13E-01	-0.17	5.67E-01	0.32	3.75E-01
DEDD2	0.49	3.13E-01	1.55	6.09E-02	-0.73	7.69E-01
CNTLN	0.49	3.13E-01	0.14	4.44E-01	0.01	4.98E-01
BPIFB4	0.49	3.13E-01	-1.24	8.93E-01	0.66	2.56E-01
SEC24C	0.49	3.13E-01	0.03	4.87E-01	0.14	4.45E-01
ADAL	0.49	3.13E-01	1.02	1.54E-01	1.12	1.32E-01
APPL2	0.49	3.13E-01	0.73	2.32E-01	-0.65	7.43E-01
ACBD7	0.49	3.13E-01	-0.24	5.95E-01	-0.29	6.14E-01
WRB	0.49	3.13E-01	0.77	2.22E-01	-0.30	6.18E-01
TAF6	0.49	3.13E-01	-1.11	8.67E-01	1.94	2.62E-02
SLBP	0.49	3.13E-01	1.16	1.23E-01	-1.82	9.65E-01
RGCC	0.49	3.13E-01	2.10	1.80E-02	-0.97	8.34E-01
LSM12	0.49	3.13E-01	0.72	2.37E-01	-1.02	8.45E-01
ARHGDIB	0.49	3.13E-01	-0.57	7.14E-01	0.29	3.86E-01
EXOSC8	0.49	3.13E-01	0.60	2.76E-01	-1.03	8.48E-01
BACE2	0.49	3.13E-01	0.48	3.16E-01	-0.24	5.93E-01
CDK2	0.49	3.13E-01	0.84	2.01E-01	1.02	1.53E-01
PROKR1	0.49	3.13E-01	-0.74	7.71E-01	0.67	2.51E-01
KCNH3	0.49	3.13E-01	0.28	3.91E-01	0.30	3.80E-01
SLC16A1	0.49	3.13E-01	0.50	3.10E-01	-0.35	6.36E-01
LRRC19	0.49	3.13E-01	1.20	1.15E-01	-0.25	5.99E-01
KPNA7	0.49	3.13E-01	0.73	2.33E-01	-0.69	7.54E-01
PDE6G	0.49	3.14E-01	0.81	2.08E-01	-0.78	7.81E-01
BICD1	0.49	3.14E-01	-0.62	7.31E-01	1.52	6.40E-02
HRH1	0.49	3.14E-01	-0.41	6.59E-01	0.49	3.12E-01
SLC29A1	0.49	3.14E-01	0.28	3.91E-01	-0.73	7.69E-01
UBE2F-SCLY	0.48	3.14E-01	0.16	4.36E-01	-0.19	5.76E-01



PTBP2	0.48	3.14E-01	0.36	3.59E-01	0.60	2.74E-01
HFE2	0.48	3.14E-01	0.41	3.41E-01	0.04	4.83E-01
OR4B1	0.48	3.14E-01	0.50	3.08E-01	0.41	3.42E-01
KRT80	0.48	3.14E-01	2.11	1.73E-02	0.00	4.99E-01
GPR146	0.48	3.14E-01	0.23	4.08E-01	0.92	1.79E-01
ZNF541	0.48	3.14E-01	1.36	8.67E-02	-1.24	8.92E-01
C9orf43	0.48	3.14E-01	-0.15	5.59E-01	1.32	9.33E-02
CSNK2A2	0.48	3.14E-01	1.91	2.81E-02	-0.30	6.20E-01
GADL1	0.48	3.14E-01	-0.58	7.21E-01	0.56	2.87E-01
PRKDC	0.48	3.14E-01	1.60	5.47E-02	0.73	2.33E-01
SLC9A8	0.48	3.14E-01	0.66	2.55E-01	-1.16	8.76E-01
TMEM158	0.48	3.15E-01	0.32	3.73E-01	0.57	2.83E-01
RNPC3	0.48	3.15E-01	0.48	3.15E-01	-0.13	5.54E-01
FAM136A	0.48	3.15E-01	0.60	2.74E-01	-0.29	6.13E-01
HNRNPLL	0.48	3.15E-01	0.44	3.31E-01	-0.12	5.47E-01
KRTAP4-9	0.48	3.15E-01	1.81	3.52E-02	-0.11	5.45E-01
LMO4	0.48	3.15E-01	0.86	1.95E-01	-0.96	8.33E-01
HIST1H3G	0.48	3.15E-01	-0.51	6.93E-01	0.58	2.82E-01
IKZF1	0.48	3.15E-01	0.73	2.33E-01	-0.17	5.68E-01
WDR91	0.48	3.15E-01	0.00	5.01E-01	0.47	3.19E-01
KIAA1257	0.48	3.15E-01	1.33	9.18E-02	-0.28	6.11E-01
FZD1	0.48	3.15E-01	0.31	3.80E-01	-0.45	6.74E-01
SLC25A15	0.48	3.15E-01	0.44	3.29E-01	-0.54	7.07E-01
CEP85L	0.48	3.15E-01	0.13	4.48E-01	-0.11	5.45E-01
PRF1	0.48	3.15E-01	1.02	1.55E-01	-0.74	7.71E-01
RAB3IP	0.48	3.15E-01	0.86	1.96E-01	0.71	2.38E-01
RAD51B	0.48	3.15E-01	0.68	2.47E-01	-0.50	6.92E-01
MSRB2	0.48	3.15E-01	-0.85	8.03E-01	0.75	2.28E-01
TNFRSF17	0.48	3.15E-01	0.78	2.18E-01	-1.13	8.71E-01
DUSP2	0.48	3.15E-01	0.88	1.89E-01	-1.84	9.67E-01
CCR10	0.48	3.15E-01	-0.79	7.84E-01	0.53	2.97E-01

GBP1	0.48	3.15E-01	0.93	1.77E-01	-1.67	9.53E-01
RND1	0.48	3.15E-01	-0.56	7.14E-01	1.56	5.92E-02
PAF1	0.48	3.15E-01	0.61	2.71E-01	-0.51	6.94E-01
SLC39A8	0.48	3.15E-01	0.05	4.80E-01	1.02	1.54E-01
ARHGAP31	0.48	3.15E-01	-0.04	5.16E-01	0.50	3.10E-01
RAB18	0.48	3.15E-01	0.91	1.82E-01	-1.19	8.83E-01
CLDN7	0.48	3.15E-01	-0.08	5.33E-01	-0.07	5.28E-01
ZNF155	0.48	3.16E-01	0.86	1.95E-01	0.16	4.38E-01
MKS1	0.48	3.16E-01	0.52	3.03E-01	0.16	4.38E-01
OR51D1	0.48	3.16E-01	-0.60	7.25E-01	1.22	1.11E-01
THG1L	0.48	3.16E-01	0.77	2.20E-01	-0.40	6.57E-01
OSBPL9	0.48	3.16E-01	-0.66	7.45E-01	0.14	4.46E-01
C3orf27	0.48	3.16E-01	1.03	1.52E-01	-0.69	7.54E-01
CAMK4	0.48	3.16E-01	0.07	4.73E-01	-0.65	7.41E-01
TTC37	0.48	3.16E-01	0.75	2.27E-01	0.48	3.15E-01
SUGCT	0.48	3.16E-01	-0.30	6.18E-01	-0.62	7.31E-01
C1orf105	0.48	3.16E-01	-0.48	6.83E-01	1.45	7.38E-02
IFRD2	0.48	3.16E-01	2.44	7.28E-03	-0.39	6.50E-01
RDM1	0.48	3.16E-01	-1.05	8.53E-01	0.80	2.12E-01
CDH2	0.48	3.16E-01	0.67	2.52E-01	-1.01	8.44E-01
EVI2B	0.48	3.16E-01	-0.26	6.03E-01	1.79	3.64E-02
CTD-2207O23.3	0.48	3.17E-01	-0.80	7.87E-01	0.81	2.09E-01
TWISTNB	0.48	3.17E-01	-0.19	5.76E-01	2.45	7.05E-03
SPRED2	0.48	3.17E-01	-0.57	7.15E-01	-0.31	6.23E-01
TTF2	0.48	3.17E-01	-0.96	8.31E-01	0.66	2.55E-01
CACNA1S	0.48	3.17E-01	-1.04	8.50E-01	0.78	2.17E-01
TAMM41	0.48	3.17E-01	0.14	4.44E-01	-0.07	5.27E-01
KPNA1	0.48	3.17E-01	0.66	2.56E-01	-0.39	6.52E-01
ACOX3	0.48	3.17E-01	0.92	1.80E-01	0.17	4.32E-01
ZNF511	0.48	3.17E-01	-1.70	9.55E-01	2.11	1.74E-02
GABRR2	0.48	3.17E-01	-1.33	9.09E-01	1.10	1.35E-01

TP53	0.48	3.17E-01	-0.44	6.72E-01	0.88	1.90E-01
KLK13	0.48	3.17E-01	1.31	9.51E-02	-1.19	8.83E-01
TRIM16	0.48	3.17E-01	0.88	1.90E-01	2.76	2.90E-03
NCK1	0.47	3.17E-01	0.87	1.92E-01	-1.30	9.04E-01
KLF7	0.47	3.17E-01	0.34	3.67E-01	0.55	2.90E-01
PRKG1	0.47	3.18E-01	1.23	1.09E-01	2.43	7.49E-03
RAB4A	0.47	3.18E-01	-0.16	5.65E-01	0.47	3.18E-01
AFF1	0.47	3.18E-01	0.61	2.69E-01	-0.41	6.58E-01
CASD1	0.47	3.18E-01	0.63	2.64E-01	-0.95	8.30E-01
CNTFR	0.47	3.18E-01	1.47	7.07E-02	-0.31	6.23E-01
ZNF264	0.47	3.18E-01	1.35	8.85E-02	-0.45	6.72E-01
SIPA1L1	0.47	3.18E-01	-0.22	5.88E-01	1.22	1.11E-01
C16orf86	0.47	3.18E-01	0.21	4.16E-01	2.12	1.71E-02
TNFAIP3	0.47	3.18E-01	-0.33	6.31E-01	-0.11	5.43E-01
COPS2	0.47	3.18E-01	-0.83	7.98E-01	0.50	3.09E-01
MYBPC2	0.47	3.18E-01	-0.43	6.65E-01	0.36	3.61E-01
ATP10D	0.47	3.18E-01	0.46	3.22E-01	1.30	9.70E-02
IGFL3	0.47	3.19E-01	0.28	3.90E-01	-0.66	7.46E-01
GEMIN7	0.47	3.19E-01	-0.85	8.01E-01	0.85	1.99E-01
GNB2	0.47	3.19E-01	0.55	2.90E-01	0.21	4.16E-01
UBE2D4	0.47	3.19E-01	0.32	3.76E-01	-0.13	5.51E-01
NLRC4	0.47	3.19E-01	-0.78	7.81E-01	0.92	1.79E-01
ZFP41	0.47	3.19E-01	0.10	4.61E-01	1.99	2.31E-02
GAS2L3	0.47	3.19E-01	1.20	1.15E-01	-0.35	6.38E-01
BAHD1	0.47	3.19E-01	1.47	7.02E-02	-1.61	9.47E-01
POLR2D	0.47	3.19E-01	0.76	2.23E-01	-0.69	7.56E-01
CTNS	0.47	3.19E-01	0.69	2.44E-01	0.00	5.00E-01
MCUR1	0.47	3.19E-01	-0.99	8.40E-01	1.38	8.32E-02
LYN	0.47	3.19E-01	-0.03	5.11E-01	-0.04	5.17E-01
MYO6	0.47	3.19E-01	0.53	2.97E-01	-0.72	7.63E-01
ZSWIM4	0.47	3.20E-01	1.62	5.26E-02	-1.03	8.49E-01

KCNMB2	0.47	3.20E-01	0.02	4.92E-01	1.65	4.99E-02
POLR3B	0.47	3.20E-01	0.69	2.47E-01	-1.05	8.53E-01
DPY19L2	0.47	3.20E-01	0.90	1.85E-01	1.94	2.65E-02
USP36	0.47	3.20E-01	0.72	2.36E-01	-0.04	5.16E-01
OR13C3	0.47	3.20E-01	-0.67	7.50E-01	0.71	2.38E-01
PYGO1	0.47	3.20E-01	1.09	1.37E-01	0.29	3.86E-01
ITSN2	0.47	3.20E-01	-0.09	5.36E-01	0.26	3.99E-01
APLP1	0.47	3.20E-01	-0.23	5.92E-01	0.41	3.40E-01
GPC2	0.47	3.20E-01	0.27	3.94E-01	0.49	3.12E-01
KLF4	0.47	3.21E-01	0.04	4.83E-01	-0.12	5.48E-01
NSUN3	0.47	3.21E-01	-0.27	6.05E-01	0.47	3.20E-01
EPCAM	0.47	3.21E-01	0.41	3.40E-01	0.20	4.21E-01
DVL1	0.47	3.21E-01	0.41	3.41E-01	-0.36	6.39E-01
C20orf195	0.47	3.21E-01	0.94	1.74E-01	-0.46	6.76E-01
ESM1	0.46	3.21E-01	1.81	3.54E-02	-0.56	7.11E-01
TMEM170A	0.46	3.21E-01	0.78	2.18E-01	0.11	4.55E-01
RGPD4	0.46	3.21E-01	1.43	7.63E-02	-1.49	9.32E-01
SCARB1	0.46	3.21E-01	-0.34	6.35E-01	-0.48	6.84E-01
PDZK1IP1	0.46	3.21E-01	1.55	6.04E-02	0.22	4.13E-01
CCDC27	0.46	3.21E-01	0.31	3.80E-01	0.66	2.56E-01
THOC1	0.46	3.21E-01	0.70	2.41E-01	0.62	2.67E-01
SCN2B	0.46	3.21E-01	1.81	3.50E-02	0.58	2.82E-01
UNC50	0.46	3.22E-01	-1.09	8.63E-01	0.77	2.19E-01
FPR3	0.46	3.22E-01	0.60	2.75E-01	0.11	4.55E-01
HSP90AB1	0.46	3.22E-01	0.70	2.43E-01	-0.75	7.72E-01
NAT9	0.46	3.22E-01	0.39	3.49E-01	0.08	4.68E-01
BASP1	0.46	3.22E-01	-0.78	7.82E-01	0.54	2.95E-01
ANKMY2	0.46	3.22E-01	-0.52	7.00E-01	0.88	1.91E-01
ULK2	0.46	3.22E-01	-0.49	6.86E-01	0.62	2.69E-01
RXFP3	0.46	3.22E-01	-0.62	7.32E-01	0.79	2.14E-01
AMY2B	0.46	3.22E-01	0.93	1.77E-01	-0.39	6.53E-01

GAP43	0.46	3.22E-01	0.45	3.26E-01	-0.22	5.88E-01
DCUN1D1	0.46	3.22E-01	1.46	7.15E-02	0.72	2.35E-01
CCDC102B	0.46	3.22E-01	-0.86	8.06E-01	0.95	1.70E-01
VIPAS39	0.46	3.22E-01	-0.96	8.33E-01	0.48	3.14E-01
IL1RL2	0.46	3.22E-01	0.38	3.53E-01	-0.47	6.80E-01
TUBGCP6	0.46	3.23E-01	1.64	5.09E-02	-0.61	7.31E-01
SMIM23	0.46	3.23E-01	0.66	2.56E-01	-0.75	7.75E-01
SLFN12	0.46	3.23E-01	0.23	4.10E-01	-0.77	7.79E-01
TBCC	0.46	3.23E-01	-2.01	9.78E-01	1.30	9.64E-02
SIGLEC11	0.46	3.23E-01	-0.86	8.06E-01	1.98	2.38E-02
EIF3B	0.46	3.23E-01	0.51	3.07E-01	0.51	3.06E-01
KRTAP20-1	0.46	3.23E-01	-0.35	6.36E-01	0.27	3.92E-01
OR5B2	0.46	3.23E-01	0.08	4.70E-01	1.74	4.08E-02
MROH8	0.46	3.23E-01	1.74	4.09E-02	-1.46	9.28E-01
SLC23A2	0.46	3.23E-01	0.44	3.29E-01	0.28	3.90E-01
RTDR1	0.46	3.23E-01	0.21	4.16E-01	0.63	2.66E-01
NANS	0.46	3.23E-01	0.25	4.02E-01	-0.08	5.31E-01
OR13F1	0.46	3.23E-01	0.88	1.89E-01	0.10	4.58E-01
TEP1	0.46	3.23E-01	-0.94	8.27E-01	0.06	4.75E-01
CST11	0.46	3.24E-01	0.11	4.57E-01	-0.33	6.28E-01
MIPEP	0.46	3.24E-01	0.86	1.95E-01	0.34	3.67E-01
CDK8	0.46	3.24E-01	0.24	4.04E-01	-0.75	7.73E-01
SMIM17	0.46	3.24E-01	-0.71	7.60E-01	0.17	4.34E-01
ATP1B2	0.46	3.24E-01	-0.31	6.23E-01	0.03	4.89E-01
PIWIL4	0.46	3.24E-01	0.61	2.72E-01	-0.37	6.45E-01
EXO1	0.46	3.24E-01	1.24	1.08E-01	0.84	2.00E-01
STRN	0.46	3.24E-01	2.41	8.07E-03	-0.15	5.61E-01
IMPDH2	0.46	3.24E-01	0.37	3.57E-01	1.64	5.07E-02
GLI4	0.46	3.24E-01	0.04	4.84E-01	1.59	5.60E-02
C11orf70	0.46	3.24E-01	0.93	1.75E-01	-1.48	9.31E-01
SYT7	0.46	3.24E-01	-1.03	8.47E-01	1.46	7.19E-02

DLGAP5	0.46	3.24E-01	0.44	3.28E-01	0.60	2.75E-01
RRAS	0.46	3.24E-01	0.06	4.77E-01	0.12	4.54E-01
WTIP	0.46	3.24E-01	0.45	3.25E-01	-0.47	6.81E-01
GUF1	0.46	3.24E-01	0.48	3.15E-01	-0.43	6.68E-01
MRPL13	0.46	3.24E-01	-0.65	7.43E-01	1.00	1.58E-01
PSME2	0.46	3.25E-01	-0.57	7.15E-01	0.52	3.02E-01
ALG10	0.45	3.25E-01	0.10	4.60E-01	0.59	2.76E-01
GSTA2	0.45	3.25E-01	-0.32	6.26E-01	0.36	3.59E-01
HMBS	0.45	3.25E-01	0.48	3.15E-01	0.53	2.98E-01
OR6A2	0.45	3.25E-01	1.24	1.07E-01	-2.44	9.93E-01
TAF5L	0.45	3.25E-01	0.37	3.57E-01	-1.01	8.44E-01
WDHD1	0.45	3.25E-01	-0.91	8.17E-01	1.45	7.41E-02
DDX56	0.45	3.25E-01	0.53	2.98E-01	0.94	1.72E-01
COL22A1	0.45	3.25E-01	-0.08	5.34E-01	0.73	2.31E-01
STXBP3	0.45	3.25E-01	0.17	4.33E-01	0.05	4.79E-01
SEC23B	0.45	3.25E-01	-0.69	7.54E-01	1.49	6.81E-02
PCK1	0.45	3.25E-01	1.02	1.53E-01	-2.10	9.82E-01
NDUFA2	0.45	3.25E-01	-0.35	6.38E-01	-0.02	5.07E-01
OR5AP2	0.45	3.25E-01	1.10	1.36E-01	-1.79	9.63E-01
NUP155	0.45	3.25E-01	-0.10	5.42E-01	0.21	4.16E-01
ZNF764	0.45	3.26E-01	0.72	2.36E-01	0.68	2.50E-01
SRPRB	0.45	3.26E-01	1.07	1.43E-01	-0.73	7.67E-01
FAM26F	0.45	3.26E-01	1.49	6.78E-02	-1.33	9.08E-01
BTBD7	0.45	3.26E-01	-0.13	5.51E-01	0.17	4.34E-01
CNNM3	0.45	3.26E-01	2.13	1.67E-02	0.66	2.55E-01
ZNF628	0.45	3.26E-01	0.59	2.78E-01	-1.02	8.45E-01
HMGCL	0.45	3.26E-01	-0.51	6.93E-01	0.68	2.48E-01
MYL10	0.45	3.26E-01	-0.80	7.87E-01	0.37	3.56E-01
SPAG16	0.45	3.26E-01	0.97	1.66E-01	-0.40	6.56E-01
SPTAN1	0.45	3.26E-01	0.59	2.78E-01	-0.79	7.86E-01
APBB1IP	0.45	3.26E-01	1.44	7.54E-02	1.64	5.05E-02

ATAD3A	0.45	3.26E-01	1.37	8.48E-02	-0.72	7.65E-01
MVB12B	0.45	3.26E-01	0.91	1.81E-01	-0.62	7.33E-01
TNKS2	0.45	3.26E-01	-0.11	5.46E-01	0.51	3.06E-01
PRSS16	0.45	3.26E-01	0.93	1.77E-01	-1.03	8.48E-01
SNX16	0.45	3.26E-01	0.84	2.01E-01	-1.06	8.56E-01
NT5C2	0.45	3.27E-01	-0.30	6.18E-01	-0.50	6.90E-01
LY86	0.45	3.27E-01	1.25	1.05E-01	-0.59	7.23E-01
AC110619.2	0.45	3.27E-01	0.50	3.09E-01	-0.11	5.45E-01
OR10G2	0.45	3.27E-01	0.52	3.00E-01	-1.23	8.90E-01
PPFIA4	0.45	3.27E-01	0.47	3.18E-01	-0.93	8.24E-01
VPS18	0.45	3.27E-01	0.12	4.52E-01	-0.24	5.95E-01
PRDM13	0.45	3.27E-01	-0.43	6.65E-01	1.45	7.40E-02
CBL	0.45	3.27E-01	0.39	3.49E-01	-0.84	8.00E-01
ADAMTS19	0.45	3.27E-01	-0.80	7.89E-01	0.28	3.89E-01
MCAM	0.45	3.27E-01	1.12	1.31E-01	-0.59	7.24E-01
OR14J1	0.45	3.27E-01	-0.31	6.20E-01	0.23	4.09E-01
KRTAP4-11	0.45	3.27E-01	1.86	3.14E-02	-0.35	6.38E-01
KCNG1	0.45	3.27E-01	0.47	3.18E-01	2.23	1.28E-02
C2ORF15	0.45	3.27E-01	0.21	4.17E-01	0.42	3.36E-01
CCDC38	0.45	3.27E-01	0.35	3.62E-01	0.49	3.12E-01
SPDYE4	0.45	3.27E-01	-0.45	6.73E-01	0.30	3.80E-01
SLC25A24	0.45	3.27E-01	1.66	4.82E-02	-1.10	8.64E-01
FAM65B	0.45	3.27E-01	1.02	1.54E-01	0.95	1.70E-01
RELN	0.45	3.27E-01	0.56	2.86E-01	-1.98	9.76E-01
TMEM64	0.45	3.27E-01	-0.07	5.28E-01	0.21	4.18E-01
ENY2	0.45	3.27E-01	-0.84	7.99E-01	0.30	3.81E-01
RNF212	0.45	3.27E-01	1.00	1.58E-01	-1.42	9.22E-01
FAM161B	0.45	3.27E-01	-0.61	7.30E-01	0.15	4.41E-01
ATO8	0.45	3.28E-01	-0.46	6.77E-01	0.65	2.59E-01
ZNF613	0.45	3.28E-01	2.28	1.14E-02	0.98	1.64E-01
AASS	0.45	3.28E-01	-0.68	7.52E-01	0.48	3.17E-01

INS	0.45	3.28E-01	0.40	3.44E-01	-0.16	5.65E-01
CDKN3	0.45	3.28E-01	-1.56	9.40E-01	0.86	1.94E-01
C8orf48	0.45	3.28E-01	0.95	1.71E-01	0.30	3.81E-01
CASS4	0.45	3.28E-01	-0.88	8.10E-01	0.75	2.27E-01
SCNN1A	0.45	3.28E-01	0.09	4.66E-01	-0.70	7.58E-01
ZBTB39	0.45	3.28E-01	-0.68	7.51E-01	0.91	1.81E-01
WDR76	0.45	3.28E-01	1.28	1.00E-01	-0.43	6.68E-01
SERPINB13	0.44	3.28E-01	-2.05	9.80E-01	1.33	9.10E-02
MPHOSPH8	0.44	3.28E-01	0.94	1.73E-01	-1.13	8.70E-01
GSS	0.44	3.28E-01	1.19	1.18E-01	-1.16	8.77E-01
CLCNKA	0.44	3.28E-01	0.04	4.84E-01	-0.91	8.19E-01
DNAJC27	0.44	3.28E-01	0.22	4.12E-01	0.30	3.81E-01
C17orf66	0.44	3.28E-01	-0.83	7.97E-01	0.64	2.60E-01
ITK	0.44	3.29E-01	0.49	3.13E-01	-0.71	7.61E-01
GLRX3	0.44	3.29E-01	-0.33	6.29E-01	0.91	1.81E-01
POLE3	0.44	3.29E-01	-0.28	6.09E-01	1.15	1.26E-01
PAEP	0.44	3.29E-01	0.73	2.32E-01	-0.27	6.06E-01
CASP12	0.44	3.29E-01	-0.31	6.23E-01	-0.17	5.68E-01
GGCX	0.44	3.29E-01	0.49	3.11E-01	0.94	1.73E-01
TLR5	0.44	3.29E-01	-0.06	5.24E-01	1.52	6.37E-02
ARL2	0.44	3.29E-01	-0.63	7.35E-01	0.86	1.94E-01
PLCL2	0.44	3.29E-01	1.44	7.51E-02	1.41	7.88E-02
EXOC7	0.44	3.29E-01	0.81	2.10E-01	-0.95	8.28E-01
BTN2A2	0.44	3.29E-01	1.00	1.60E-01	1.11	1.34E-01
TMPRSS6	0.44	3.29E-01	-0.09	5.37E-01	-0.43	6.66E-01
KIRREL2	0.44	3.29E-01	0.01	4.95E-01	0.15	4.42E-01
ZNF391	0.44	3.29E-01	0.18	4.28E-01	0.50	3.09E-01
CASP1	0.44	3.29E-01	-1.37	9.14E-01	1.16	1.24E-01
TRAM2	0.44	3.29E-01	0.34	3.69E-01	-0.95	8.29E-01
ACAP3	0.44	3.29E-01	0.06	4.75E-01	-0.47	6.79E-01
IMP4	0.44	3.29E-01	-0.55	7.08E-01	1.08	1.40E-01



ATP13A4	0.44	3.30E-01	-0.69	7.54E-01	0.72	2.36E-01
PAQR3	0.44	3.30E-01	1.47	7.07E-02	-0.62	7.31E-01
MTFMT	0.44	3.30E-01	0.64	2.62E-01	0.34	3.69E-01
ZNF420	0.44	3.30E-01	0.03	4.90E-01	1.04	1.50E-01
UPP2	0.44	3.30E-01	0.51	3.06E-01	-0.07	5.27E-01
RBM47	0.44	3.30E-01	0.61	2.72E-01	0.26	3.97E-01
CLDN19	0.44	3.30E-01	0.58	2.82E-01	-1.92	9.73E-01
HNRNPAO	0.44	3.30E-01	-1.09	8.63E-01	0.52	3.02E-01
SLC44A1	0.44	3.30E-01	0.39	3.49E-01	-0.02	5.07E-01
MRPL27	0.44	3.30E-01	0.27	3.95E-01	-0.54	7.07E-01
SERPINA11	0.44	3.30E-01	0.94	1.72E-01	-0.77	7.78E-01
EEF1A1	0.44	3.30E-01	0.86	1.96E-01	-0.27	6.06E-01
OR9G4	0.44	3.30E-01	-0.86	8.06E-01	0.86	1.95E-01
RP11-1084J3.4	0.44	3.30E-01	1.96	2.52E-02	-0.61	7.30E-01
TMEM253	0.44	3.30E-01	1.96	2.47E-02	-0.28	6.11E-01
NRL	0.44	3.30E-01	-0.39	6.51E-01	-0.38	6.48E-01
RP11-529K1.3	0.44	3.30E-01	1.36	8.73E-02	0.79	2.15E-01
C1orf68	0.44	3.30E-01	-0.31	6.20E-01	0.26	3.99E-01
CORO7-PAM16	0.44	3.30E-01	0.31	3.78E-01	0.63	2.64E-01
BAG3	0.44	3.30E-01	1.11	1.33E-01	1.26	1.03E-01
PLA2G5	0.44	3.30E-01	-0.67	7.48E-01	0.16	4.36E-01
LPL	0.44	3.30E-01	0.19	4.25E-01	-0.75	7.74E-01
DACT3	0.44	3.31E-01	-1.00	8.41E-01	1.19	1.17E-01
G6PC3	0.44	3.31E-01	0.69	2.47E-01	-1.36	9.14E-01
SOX10	0.44	3.31E-01	-1.21	8.87E-01	0.55	2.92E-01
ATG5	0.44	3.31E-01	0.46	3.22E-01	1.86	3.15E-02
ZNF14	0.44	3.31E-01	0.44	3.29E-01	-1.24	8.92E-01
CTU2	0.44	3.31E-01	-0.91	8.20E-01	1.15	1.25E-01
RP11-169F17.1	0.44	3.31E-01	1.62	5.23E-02	-1.05	8.54E-01
KRTAP10-3	0.44	3.31E-01	-0.66	7.46E-01	0.59	2.76E-01
C12orf43	0.44	3.31E-01	0.10	4.59E-01	0.85	1.98E-01

ZNF804B	0.44	3.31E-01	1.80	3.62E-02	-0.60	7.24E-01
CCDC157	0.44	3.31E-01	1.19	1.18E-01	-1.85	9.68E-01
ZNF107	0.44	3.31E-01	0.99	1.61E-01	-0.85	8.02E-01
RPLP2	0.44	3.32E-01	0.98	1.63E-01	0.32	3.76E-01
LGMN	0.44	3.32E-01	0.86	1.94E-01	0.22	4.14E-01
GSX1	0.44	3.32E-01	0.88	1.89E-01	-1.15	8.75E-01
CLSTN3	0.44	3.32E-01	-0.80	7.87E-01	0.56	2.88E-01
IFNGR1	0.43	3.32E-01	-0.64	7.40E-01	1.02	1.53E-01
NOXRED1	0.43	3.32E-01	-0.83	7.97E-01	0.33	3.70E-01
C21orf59	0.43	3.32E-01	0.05	4.80E-01	0.17	4.34E-01
CEP97	0.43	3.32E-01	0.41	3.40E-01	0.79	2.14E-01
TSPAN14	0.43	3.32E-01	-0.13	5.50E-01	-0.25	5.97E-01
PLEKHG6	0.43	3.32E-01	-0.26	6.02E-01	0.19	4.25E-01
M6PR	0.43	3.32E-01	-0.99	8.40E-01	0.47	3.18E-01
DDX25	0.43	3.32E-01	-1.14	8.73E-01	0.17	4.31E-01
SLC10A2	0.43	3.32E-01	0.36	3.59E-01	1.09	1.39E-01
HPCAL1	0.43	3.32E-01	-0.40	6.54E-01	1.54	6.18E-02
MLX	0.43	3.32E-01	-0.50	6.90E-01	0.15	4.40E-01
NDRG3	0.43	3.32E-01	0.35	3.62E-01	0.41	3.42E-01
SLC30A9	0.43	3.32E-01	-1.64	9.49E-01	1.67	4.75E-02
COA5	0.43	3.33E-01	-0.99	8.38E-01	0.79	2.14E-01
TSEN34	0.43	3.33E-01	0.43	3.34E-01	-0.74	7.69E-01
FXYD5	0.43	3.33E-01	1.32	9.26E-02	0.63	2.65E-01
TPD52L1	0.43	3.33E-01	-0.74	7.70E-01	1.60	5.53E-02
UTS2	0.43	3.33E-01	0.98	1.64E-01	-0.74	7.70E-01
GOLGA2	0.43	3.33E-01	0.52	3.02E-01	-0.78	7.83E-01
IGSF8	0.43	3.33E-01	-1.46	9.28E-01	1.38	8.40E-02
ARHGEF16	0.43	3.33E-01	0.56	2.88E-01	-0.81	7.90E-01
BOK	0.43	3.33E-01	0.88	1.90E-01	0.11	4.55E-01
PARP8	0.43	3.33E-01	-0.49	6.87E-01	1.24	1.08E-01
MRP63	0.43	3.33E-01	0.87	1.91E-01	0.28	3.90E-01

URGCP-MRPS24	0.43	3.33E-01	0.24	4.06E-01	-0.20	5.80E-01
SMAD4	0.43	3.34E-01	-1.86	9.68E-01	1.41	7.91E-02
MAN2B1	0.43	3.34E-01	0.18	4.28E-01	-0.42	6.63E-01
PKD1L1	0.43	3.34E-01	-0.39	6.51E-01	0.93	1.75E-01
C9orf41	0.43	3.34E-01	-0.32	6.25E-01	0.64	2.60E-01
TM4SF20	0.43	3.34E-01	0.78	2.18E-01	1.15	1.25E-01
ZNF146	0.43	3.34E-01	1.53	6.33E-02	0.66	2.56E-01
VAX2	0.43	3.34E-01	1.05	1.47E-01	-2.21	9.86E-01
MAST2	0.43	3.34E-01	1.67	4.78E-02	-1.05	8.52E-01
TVP23C	0.43	3.34E-01	-0.19	5.76E-01	-0.26	6.04E-01
COL13A1	0.43	3.34E-01	0.98	1.65E-01	-0.06	5.22E-01
VHL	0.43	3.34E-01	0.49	3.11E-01	-0.59	7.23E-01
ST6GAL2	0.43	3.34E-01	1.11	1.33E-01	0.18	4.29E-01
PRRG4	0.43	3.34E-01	1.05	1.48E-01	1.34	9.04E-02
PPP1R42	0.43	3.34E-01	0.09	4.66E-01	-0.30	6.18E-01
FAM19A3	0.43	3.34E-01	1.28	1.00E-01	1.84	3.30E-02
PDCD1LG2	0.43	3.34E-01	-0.49	6.88E-01	1.41	7.86E-02
EQTN	0.43	3.34E-01	-1.24	8.92E-01	1.40	8.05E-02
LYPLA1	0.43	3.34E-01	-0.31	6.24E-01	0.08	4.70E-01
KIF1A	0.43	3.35E-01	0.06	4.78E-01	2.49	6.37E-03
METT13	0.43	3.35E-01	-0.29	6.12E-01	-0.15	5.58E-01
PEX11G	0.43	3.35E-01	-1.00	8.41E-01	0.31	3.80E-01
OVOL2	0.43	3.35E-01	0.21	4.17E-01	-0.12	5.47E-01
UBR5	0.43	3.35E-01	-0.18	5.73E-01	-0.21	5.83E-01
CPSF4	0.43	3.35E-01	-0.20	5.78E-01	-0.21	5.81E-01
ARHGEF26	0.43	3.35E-01	0.64	2.61E-01	-0.36	6.39E-01
DDX59	0.43	3.35E-01	0.21	4.15E-01	-1.40	9.19E-01
USH1C	0.43	3.35E-01	0.16	4.38E-01	0.53	2.97E-01
CAV2	0.43	3.35E-01	0.27	3.94E-01	-1.79	9.64E-01
ZNF555	0.43	3.35E-01	0.94	1.73E-01	-1.30	9.03E-01
TPRG1	0.43	3.35E-01	-0.14	5.57E-01	0.70	2.42E-01

PUS1	0.43	3.35E-01	-0.71	7.60E-01	0.81	2.10E-01
FBXL19	0.43	3.35E-01	1.26	1.04E-01	-0.05	5.19E-01
TCAIM	0.43	3.35E-01	-0.20	5.78E-01	0.60	2.74E-01
TRAK2	0.43	3.35E-01	1.22	1.12E-01	0.44	3.31E-01
ARID5B	0.42	3.35E-01	0.71	2.40E-01	-0.64	7.39E-01
METTL22	0.42	3.36E-01	-0.62	7.34E-01	1.54	6.18E-02
CERKL	0.42	3.36E-01	0.37	3.56E-01	-0.83	7.97E-01
MTSS1	0.42	3.36E-01	-0.19	5.75E-01	1.83	3.33E-02
IQCF1	0.42	3.36E-01	1.76	3.94E-02	-0.39	6.50E-01
RFTN1	0.42	3.36E-01	1.34	9.05E-02	0.21	4.17E-01
C1orf195	0.42	3.36E-01	-1.08	8.59E-01	1.89	2.92E-02
CNEP1R1	0.42	3.36E-01	0.79	2.16E-01	-1.63	9.49E-01
EPX	0.42	3.36E-01	0.40	3.44E-01	-0.11	5.44E-01
DPYSL5	0.42	3.36E-01	0.86	1.95E-01	-1.15	8.76E-01
FAM83E	0.42	3.36E-01	-0.53	7.01E-01	0.06	4.77E-01
BNIP3	0.42	3.36E-01	1.11	1.35E-01	-1.47	9.29E-01
EPOR	0.42	3.36E-01	-1.04	8.50E-01	1.28	1.00E-01
FCN2	0.42	3.36E-01	0.51	3.04E-01	-1.13	8.71E-01
LRP2BP	0.42	3.36E-01	-0.63	7.36E-01	0.01	4.94E-01
ANLN	0.42	3.36E-01	-0.72	7.64E-01	-0.13	5.53E-01
UBE2D2	0.42	3.36E-01	-0.21	5.84E-01	1.22	1.11E-01
CDRT4	0.42	3.36E-01	-0.13	5.53E-01	-0.22	5.87E-01
GREM1	0.42	3.37E-01	-0.05	5.19E-01	-0.02	5.10E-01
ANKRD60	0.42	3.37E-01	-0.74	7.70E-01	0.50	3.07E-01
SLC6A18	0.42	3.37E-01	-1.05	8.54E-01	1.20	1.14E-01
BEND7	0.42	3.37E-01	-0.18	5.71E-01	0.99	1.61E-01
FAM129B	0.42	3.37E-01	1.05	1.46E-01	0.18	4.29E-01
FNBP1L	0.42	3.37E-01	-0.34	6.33E-01	2.23	1.30E-02
RGS4	0.42	3.37E-01	0.19	4.23E-01	-1.00	8.42E-01
ANKRD23	0.42	3.37E-01	2.20	1.39E-02	0.79	2.15E-01
TMED1	0.42	3.37E-01	1.16	1.23E-01	-0.60	7.27E-01

FIP1L1	0.42	3.37E-01	-0.78	7.82E-01	1.07	1.43E-01
ENTPD6	0.42	3.37E-01	-1.62	9.47E-01	1.62	5.31E-02
DUSP3	0.42	3.37E-01	1.46	7.22E-02	-1.79	9.63E-01
BMF	0.42	3.37E-01	-0.57	7.16E-01	0.18	4.28E-01
CTRB2	0.42	3.37E-01	-0.46	6.77E-01	0.61	2.73E-01
KLF13	0.42	3.37E-01	0.49	3.13E-01	0.49	3.11E-01
TMEM175	0.42	3.37E-01	-0.58	7.18E-01	1.25	1.05E-01
COPZ2	0.42	3.37E-01	1.71	4.37E-02	-0.25	5.98E-01
LRRC3	0.42	3.37E-01	1.26	1.03E-01	-1.72	9.57E-01
ZNF653	0.42	3.37E-01	-1.03	8.50E-01	0.82	2.06E-01
TRIP6	0.42	3.37E-01	0.00	4.99E-01	-0.37	6.46E-01
ZNF441	0.42	3.37E-01	0.20	4.21E-01	-0.58	7.17E-01
SLC25A38	0.42	3.37E-01	1.19	1.17E-01	-0.50	6.91E-01
CSPP1	0.42	3.37E-01	0.20	4.19E-01	-0.59	7.21E-01
ALKBH8	0.42	3.37E-01	1.33	9.18E-02	-1.83	9.67E-01
TTC39B	0.42	3.38E-01	-0.05	5.20E-01	-0.84	7.98E-01
STXBP6	0.42	3.38E-01	-0.16	5.63E-01	0.57	2.85E-01
APOL1	0.42	3.38E-01	0.56	2.88E-01	0.16	4.36E-01
GRM8	0.42	3.38E-01	2.74	3.09E-03	1.08	1.40E-01
HTATIP2	0.42	3.38E-01	-1.04	8.51E-01	1.52	6.48E-02
NFIA	0.42	3.38E-01	-0.35	6.37E-01	-0.28	6.10E-01
CD70	0.42	3.38E-01	0.39	3.50E-01	-0.35	6.37E-01
FAM200A	0.42	3.38E-01	-0.39	6.52E-01	0.17	4.33E-01
RPA3-AS1	0.42	3.38E-01	0.66	2.54E-01	1.62	5.25E-02
USP14	0.42	3.38E-01	0.67	2.52E-01	1.30	9.76E-02
RP11-156P1.2	0.42	3.38E-01	0.26	3.98E-01	0.32	3.75E-01
EIF4E2	0.42	3.38E-01	-0.83	7.97E-01	0.71	2.38E-01
HOXA4	0.42	3.38E-01	1.05	1.48E-01	-2.30	9.89E-01
SCLT1	0.42	3.38E-01	0.88	1.89E-01	-1.04	8.51E-01
FCGBP	0.42	3.38E-01	1.09	1.37E-01	-1.21	8.87E-01
TET3	0.42	3.38E-01	-1.55	9.39E-01	1.63	5.19E-02

IGF1R	0.42	3.38E-01	0.90	1.85E-01	0.71	2.38E-01
NPAS2	0.42	3.38E-01	-1.04	8.52E-01	1.96	2.52E-02
RGS21	0.42	3.39E-01	1.29	9.87E-02	0.61	2.70E-01
CRNN	0.42	3.39E-01	0.36	3.58E-01	0.03	4.89E-01
EPPIN	0.42	3.39E-01	-0.17	5.69E-01	-0.30	6.19E-01
TTPAL	0.42	3.39E-01	-0.53	7.01E-01	1.27	1.02E-01
PTCHD2	0.42	3.39E-01	-0.57	7.15E-01	0.21	4.15E-01
HECA	0.42	3.39E-01	-1.12	8.69E-01	0.85	1.98E-01
AARD	0.42	3.39E-01	-1.37	9.14E-01	0.96	1.68E-01
TTC21A	0.42	3.39E-01	-0.29	6.12E-01	0.76	2.24E-01
GFER	0.42	3.39E-01	1.17	1.22E-01	-1.40	9.19E-01
GP6	0.41	3.39E-01	-0.88	8.10E-01	0.55	2.90E-01
TLL2	0.41	3.39E-01	1.00	1.59E-01	-0.46	6.76E-01
GP5	0.41	3.39E-01	-0.21	5.84E-01	1.64	5.09E-02
EMC8	0.41	3.39E-01	-0.06	5.23E-01	0.94	1.72E-01
NEIL3	0.41	3.39E-01	-0.02	5.08E-01	0.53	2.97E-01
HTRA2	0.41	3.39E-01	0.73	2.33E-01	-0.81	7.91E-01
DLEU1	0.41	3.39E-01	0.25	4.01E-01	0.72	2.35E-01
ST6GAL1	0.41	3.39E-01	-0.46	6.76E-01	1.56	5.91E-02
KCNF1	0.41	3.39E-01	1.11	1.33E-01	-1.25	8.95E-01
IAH1	0.41	3.39E-01	-0.44	6.70E-01	1.70	4.47E-02
TMEM65	0.41	3.39E-01	0.47	3.18E-01	-1.10	8.64E-01
RRAD	0.41	3.39E-01	-0.85	8.01E-01	0.76	2.23E-01
GBP7	0.41	3.39E-01	0.83	2.03E-01	-0.60	7.27E-01
RIPK3	0.41	3.40E-01	-1.86	9.69E-01	0.94	1.74E-01
PUM1	0.41	3.40E-01	0.20	4.21E-01	0.51	3.06E-01
ICA1	0.41	3.40E-01	-0.49	6.89E-01	0.30	3.80E-01
MECR	0.41	3.40E-01	-0.24	5.96E-01	-0.23	5.90E-01
DKK4	0.41	3.40E-01	0.42	3.37E-01	-1.10	8.64E-01
ZNF385B	0.41	3.40E-01	0.81	2.10E-01	-1.03	8.48E-01
SNRPE	0.41	3.40E-01	-1.70	9.55E-01	0.99	1.62E-01

C3orf17	0.41	3.40E-01	0.25	4.01E-01	-0.90	8.17E-01
C9orf129	0.41	3.40E-01	0.33	3.71E-01	-1.18	8.81E-01
RNASEH2A	0.41	3.40E-01	-0.81	7.92E-01	0.55	2.93E-01
TPPP3	0.41	3.40E-01	-1.66	9.52E-01	1.12	1.32E-01
HSPA6	0.41	3.40E-01	0.91	1.81E-01	-2.34	9.90E-01
GADD45A	0.41	3.40E-01	0.22	4.12E-01	-0.44	6.71E-01
ANKRD50	0.41	3.40E-01	-1.51	9.34E-01	1.20	1.15E-01
RTN4RL2	0.41	3.40E-01	0.48	3.14E-01	-0.69	7.56E-01
ADAMTS14	0.41	3.41E-01	-0.38	6.49E-01	0.13	4.47E-01
NRBP2	0.41	3.41E-01	0.44	3.31E-01	-0.70	7.57E-01
LHX4	0.41	3.41E-01	1.11	1.34E-01	0.46	3.23E-01
ZFC3H1	0.41	3.41E-01	-0.70	7.59E-01	0.80	2.13E-01
WNT2B	0.41	3.41E-01	0.36	3.60E-01	-1.17	8.78E-01
SHANK1	0.41	3.41E-01	0.19	4.26E-01	0.02	4.94E-01
SPATA13	0.41	3.41E-01	0.48	3.16E-01	-0.05	5.20E-01
LIMA1	0.41	3.41E-01	0.57	2.83E-01	-0.29	6.15E-01
ZNF624	0.41	3.41E-01	1.04	1.50E-01	-0.88	8.11E-01
WBSCR22	0.41	3.41E-01	0.75	2.26E-01	-0.72	7.65E-01
LY96	0.41	3.41E-01	-0.72	7.65E-01	0.37	3.55E-01
NPTX1	0.41	3.41E-01	-0.25	5.98E-01	0.86	1.95E-01
BCS1L	0.41	3.41E-01	-0.69	7.53E-01	0.76	2.25E-01
CTGF	0.41	3.41E-01	0.59	2.79E-01	-0.58	7.20E-01
PDZD9	0.41	3.41E-01	0.86	1.95E-01	0.09	4.65E-01
ENG	0.41	3.41E-01	-0.78	7.82E-01	-0.14	5.56E-01
SLC39A14	0.41	3.41E-01	-0.31	6.22E-01	2.60	4.72E-03
KHDC1L	0.41	3.41E-01	-1.20	8.85E-01	0.76	2.23E-01
JADE2	0.41	3.41E-01	0.54	2.94E-01	-0.97	8.34E-01
CATSPERD	0.41	3.41E-01	-0.63	7.36E-01	0.04	4.85E-01
IL36RN	0.41	3.41E-01	0.23	4.10E-01	0.02	4.91E-01
ZNF329	0.41	3.42E-01	-0.01	5.04E-01	0.04	4.83E-01
RAB22A	0.41	3.42E-01	-0.85	8.01E-01	0.58	2.81E-01

ESR2	0.41	3.42E-01	2.17	1.50E-02	1.22	1.12E-01
ZNF664	0.41	3.42E-01	0.18	4.30E-01	1.08	1.41E-01
NOTCH2	0.41	3.42E-01	0.29	3.86E-01	-0.12	5.49E-01
ZBTB25	0.41	3.42E-01	0.12	4.51E-01	-0.74	7.70E-01
CCDC90B	0.41	3.42E-01	-1.64	9.49E-01	1.49	6.84E-02
COASY	0.41	3.42E-01	-0.32	6.25E-01	0.07	4.73E-01
ELP3	0.41	3.42E-01	-0.07	5.27E-01	0.03	4.88E-01
KRT36	0.41	3.42E-01	-0.51	6.95E-01	0.02	4.92E-01
ORC6	0.41	3.42E-01	-0.92	8.21E-01	0.33	3.72E-01
SAPCD2	0.41	3.42E-01	-0.09	5.35E-01	0.27	3.92E-01
SUCNR1	0.41	3.42E-01	0.32	3.74E-01	-0.66	7.47E-01
PTGIS	0.41	3.42E-01	0.62	2.67E-01	-0.14	5.54E-01
MAP2K5	0.41	3.42E-01	0.67	2.52E-01	0.13	4.48E-01
TMEM207	0.41	3.42E-01	0.20	4.20E-01	0.13	4.48E-01
MT2A	0.41	3.42E-01	-0.49	6.88E-01	0.87	1.93E-01
SPATA31E1	0.41	3.42E-01	-0.52	6.97E-01	0.39	3.49E-01
NFIB	0.41	3.42E-01	0.64	2.61E-01	0.84	2.01E-01
PECR	0.41	3.43E-01	-0.60	7.24E-01	2.16	1.54E-02
HIBADH	0.41	3.43E-01	0.38	3.52E-01	-0.05	5.20E-01
SLC1A6	0.41	3.43E-01	1.53	6.24E-02	0.33	3.70E-01
GOSR2	0.41	3.43E-01	0.21	4.16E-01	0.33	3.69E-01
GJD4	0.41	3.43E-01	1.91	2.83E-02	0.48	3.14E-01
EIF3K	0.41	3.43E-01	0.57	2.85E-01	0.06	4.76E-01
SHMT1	0.41	3.43E-01	0.59	2.79E-01	-0.70	7.57E-01
TVP23C-CDRT4	0.41	3.43E-01	-0.20	5.78E-01	-0.28	6.09E-01
C5orf46	0.40	3.43E-01	0.39	3.47E-01	-1.05	8.52E-01
ZNF33B	0.40	3.43E-01	0.32	3.73E-01	-0.89	8.14E-01
GPR61	0.40	3.43E-01	1.41	7.90E-02	-2.03	9.79E-01
ZNF641	0.40	3.43E-01	0.24	4.06E-01	-0.92	8.21E-01
CKMT1B	0.40	3.43E-01	0.93	1.75E-01	-0.06	5.24E-01
SPTSSA	0.40	3.43E-01	0.97	1.65E-01	-0.95	8.28E-01



HSD11B2	0.40	3.43E-01	-1.46	9.27E-01	1.01	1.55E-01
DNAL1	0.40	3.43E-01	0.14	4.44E-01	0.80	2.13E-01
CAMSAP3	0.40	3.43E-01	0.70	2.41E-01	-1.10	8.64E-01
LRP5L	0.40	3.43E-01	0.22	4.11E-01	-0.25	5.97E-01
ZNF676	0.40	3.43E-01	0.25	4.01E-01	-0.43	6.67E-01
HEBP2	0.40	3.43E-01	0.37	3.57E-01	1.41	7.98E-02
RGS14	0.40	3.43E-01	-0.32	6.27E-01	-0.06	5.22E-01
PDSS2	0.40	3.43E-01	-0.58	7.19E-01	-0.29	6.13E-01
IGFL1	0.40	3.44E-01	-0.33	6.30E-01	0.45	3.26E-01
PACSIN1	0.40	3.44E-01	0.71	2.40E-01	-0.15	5.60E-01
CTBP2	0.40	3.44E-01	0.35	3.64E-01	-0.35	6.38E-01
SLC28A3	0.40	3.44E-01	1.49	6.85E-02	0.96	1.69E-01
CARF	0.40	3.44E-01	-0.25	5.98E-01	-0.14	5.57E-01
WDR12	0.40	3.44E-01	-0.26	6.02E-01	-0.25	5.99E-01
INTS2	0.40	3.44E-01	0.66	2.56E-01	-0.46	6.77E-01
C20orf194	0.40	3.44E-01	1.11	1.33E-01	-1.79	9.64E-01
SKIL	0.40	3.44E-01	0.99	1.61E-01	-0.68	7.50E-01
TARDBP	0.40	3.44E-01	1.27	1.03E-01	-0.02	5.10E-01
HERPUD1	0.40	3.44E-01	0.79	2.16E-01	3.16	7.90E-04
PTCD1	0.40	3.44E-01	-0.27	6.05E-01	-0.18	5.72E-01
TCTEX1D1	0.40	3.44E-01	0.79	2.15E-01	0.27	3.95E-01
SDR16C5	0.40	3.44E-01	1.04	1.50E-01	0.57	2.83E-01
PILRA	0.40	3.44E-01	-0.23	5.92E-01	0.04	4.83E-01
NPIPA5	0.40	3.44E-01	-2.17	9.85E-01	1.10	1.36E-01
PLAC8	0.40	3.45E-01	0.75	2.27E-01	-1.72	9.57E-01
THEGL	0.40	3.45E-01	-1.57	9.42E-01	1.15	1.25E-01
CREB5	0.40	3.45E-01	-0.80	7.90E-01	0.66	2.55E-01
PMEL	0.40	3.45E-01	0.09	4.63E-01	0.70	2.43E-01
AATK	0.40	3.45E-01	-0.03	5.12E-01	0.07	4.73E-01
SMIM19	0.40	3.45E-01	-1.12	8.69E-01	0.62	2.68E-01
PDE8B	0.40	3.45E-01	0.11	4.55E-01	0.26	3.96E-01

TCERG1	0.40	3.45E-01	0.52	3.03E-01	-0.65	7.43E-01
HSD11B1	0.40	3.45E-01	-0.68	7.53E-01	1.27	1.02E-01
TBC1D8	0.40	3.45E-01	-0.26	6.04E-01	0.49	3.11E-01
NFIL3	0.40	3.45E-01	0.47	3.18E-01	-0.35	6.35E-01
GPR97	0.40	3.45E-01	0.35	3.65E-01	-0.37	6.46E-01
C9orf91	0.40	3.45E-01	0.36	3.59E-01	-1.03	8.48E-01
COL20A1	0.40	3.45E-01	-0.94	8.27E-01	0.67	2.50E-01
C7orf34	0.40	3.45E-01	-0.79	7.85E-01	1.00	1.58E-01
FAM131C	0.40	3.45E-01	0.31	3.77E-01	-0.37	6.43E-01
FAM105B	0.40	3.45E-01	0.12	4.52E-01	0.54	2.93E-01
STX17	0.40	3.45E-01	-0.87	8.09E-01	0.92	1.80E-01
MGRN1	0.40	3.45E-01	0.43	3.32E-01	0.92	1.79E-01
CDX1	0.40	3.46E-01	-0.19	5.75E-01	0.50	3.07E-01
TMOD3	0.40	3.46E-01	-1.30	9.04E-01	1.62	5.23E-02
RAD54L2	0.40	3.46E-01	-0.31	6.22E-01	-0.17	5.66E-01
ZNF669	0.40	3.46E-01	0.70	2.41E-01	-1.15	8.74E-01
OR51A7	0.40	3.46E-01	0.04	4.84E-01	0.21	4.15E-01
FAM63B	0.40	3.46E-01	-0.34	6.32E-01	1.03	1.51E-01
OR10C1	0.40	3.46E-01	-0.57	7.14E-01	1.01	1.55E-01
REPS1	0.40	3.46E-01	0.98	1.64E-01	1.31	9.57E-02
ZNF428	0.40	3.46E-01	-0.68	7.50E-01	-0.30	6.17E-01
CRTC1	0.40	3.46E-01	1.85	3.24E-02	-0.64	7.39E-01
KCTD6	0.40	3.46E-01	2.11	1.74E-02	0.60	2.74E-01
NELL1	0.40	3.46E-01	1.66	4.87E-02	-2.11	9.82E-01
ADRB1	0.40	3.46E-01	-0.66	7.46E-01	1.11	1.33E-01
SAG	0.40	3.46E-01	0.55	2.91E-01	0.37	3.56E-01
KIAA1586	0.40	3.46E-01	0.29	3.85E-01	-0.49	6.89E-01
EPPK1	0.39	3.47E-01	1.08	1.39E-01	-0.84	8.00E-01
CSN1S1	0.39	3.47E-01	-0.62	7.33E-01	-0.01	5.03E-01
ZSCAN5B	0.39	3.47E-01	0.15	4.41E-01	-0.05	5.21E-01
ZNF334	0.39	3.47E-01	0.97	1.66E-01	-0.10	5.41E-01

ZCCHC9	0.39	3.47E-01	0.17	4.33E-01	0.44	3.29E-01
FANCI	0.39	3.47E-01	1.97	2.44E-02	0.21	4.18E-01
MARGPRE	0.39	3.47E-01	0.86	1.94E-01	-1.14	8.73E-01
LIN52	0.39	3.47E-01	-0.61	7.28E-01	0.79	2.15E-01
ZMAT2	0.39	3.47E-01	-0.59	7.21E-01	0.35	3.64E-01
RPL24	0.39	3.47E-01	0.16	4.36E-01	0.28	3.89E-01
DEFB121	0.39	3.47E-01	2.00	2.29E-02	1.10	1.35E-01
HMG20A	0.39	3.47E-01	-1.13	8.71E-01	0.63	2.63E-01
LRFN3	0.39	3.47E-01	-0.34	6.34E-01	0.40	3.46E-01
LATS1	0.39	3.47E-01	-0.50	6.92E-01	0.39	3.48E-01
UGT2B10	0.39	3.47E-01	-0.29	6.15E-01	-0.16	5.64E-01
BBIP1	0.39	3.48E-01	1.07	1.43E-01	0.25	4.01E-01
SF3A1	0.39	3.48E-01	1.52	6.43E-02	-2.03	9.79E-01
SEMG1	0.39	3.48E-01	0.14	4.44E-01	-0.85	8.02E-01
GTPBP3	0.39	3.48E-01	1.76	3.95E-02	0.62	2.69E-01
MAPRE3	0.39	3.48E-01	1.28	9.95E-02	-0.31	6.23E-01
MLPH	0.39	3.48E-01	-1.69	9.54E-01	1.32	9.39E-02
PDCL3	0.39	3.48E-01	0.36	3.59E-01	-0.41	6.60E-01
MPDU1	0.39	3.48E-01	1.36	8.62E-02	-0.14	5.56E-01
HK1	0.39	3.48E-01	1.08	1.40E-01	0.29	3.85E-01
HMOX1	0.39	3.48E-01	0.19	4.24E-01	-0.61	7.29E-01
DCDC2C	0.39	3.48E-01	-0.43	6.66E-01	0.82	2.06E-01
MBD4	0.39	3.48E-01	-1.45	9.26E-01	1.23	1.10E-01
ANKZF1	0.39	3.49E-01	0.25	4.03E-01	-0.38	6.48E-01
ZNF24	0.39	3.49E-01	-1.42	9.22E-01	1.72	4.25E-02
NAGA	0.39	3.49E-01	1.25	1.07E-01	-0.48	6.85E-01
PLCZ1	0.39	3.49E-01	0.37	3.57E-01	2.17	1.49E-02
TRAIP	0.39	3.49E-01	-1.55	9.40E-01	1.31	9.55E-02
C1S	0.39	3.49E-01	-1.12	8.69E-01	1.64	5.01E-02
TIMM23	0.39	3.49E-01	1.10	1.35E-01	-0.93	8.24E-01
FMN2	0.39	3.49E-01	0.46	3.24E-01	0.35	3.65E-01

CAMK1G	0.39	3.49E-01	0.98	1.63E-01	-0.20	5.80E-01
MADCAM1	0.39	3.49E-01	1.14	1.28E-01	-2.27	9.88E-01
DRGX	0.39	3.49E-01	0.92	1.79E-01	-1.08	8.60E-01
GTPBP4	0.39	3.49E-01	-0.88	8.10E-01	1.05	1.48E-01
DEK	0.39	3.49E-01	-0.21	5.83E-01	-0.01	5.03E-01
CCL3	0.39	3.50E-01	1.37	8.51E-02	-0.10	5.40E-01
GPS1	0.39	3.50E-01	1.09	1.38E-01	-0.93	8.25E-01
ADAMTS2	0.39	3.50E-01	1.04	1.49E-01	-0.74	7.71E-01
CDK13	0.39	3.50E-01	0.55	2.92E-01	-1.53	9.38E-01
DEF8	0.39	3.50E-01	0.97	1.66E-01	-0.43	6.67E-01
BLOC1S1	0.39	3.50E-01	0.78	2.18E-01	-1.68	9.53E-01
IL1RL1	0.39	3.50E-01	1.32	9.41E-02	-1.75	9.60E-01
SLC30A1	0.39	3.50E-01	-0.01	5.03E-01	1.29	9.84E-02
C17orf100	0.39	3.50E-01	2.06	1.99E-02	0.03	4.88E-01
MST1	0.38	3.50E-01	0.15	4.40E-01	2.60	4.64E-03
PKDCC	0.38	3.50E-01	0.74	2.31E-01	-0.94	8.26E-01
ZNF200	0.38	3.50E-01	-0.82	7.93E-01	0.45	3.27E-01
C4orf19	0.38	3.50E-01	0.17	4.31E-01	-0.02	5.09E-01
ALDH1B1	0.38	3.50E-01	-0.39	6.51E-01	-0.43	6.66E-01
HIST1H2AD	0.38	3.50E-01	0.17	4.31E-01	1.82	3.44E-02
PPP1CA	0.38	3.50E-01	2.26	1.20E-02	1.14	1.28E-01
TMEM155	0.38	3.51E-01	-0.11	5.44E-01	-0.08	5.31E-01
RPL14	0.38	3.51E-01	1.25	1.06E-01	-0.89	8.12E-01
DCAF16	0.38	3.51E-01	0.65	2.57E-01	1.24	1.08E-01
MAP3K2	0.38	3.51E-01	-0.75	7.73E-01	0.65	2.59E-01
DKK1	0.38	3.51E-01	0.42	3.37E-01	0.21	4.19E-01
SPATS2	0.38	3.51E-01	0.61	2.72E-01	1.06	1.44E-01
OLFM2	0.38	3.51E-01	-0.43	6.66E-01	0.72	2.37E-01
SAMD4B	0.38	3.51E-01	0.27	3.93E-01	0.17	4.33E-01
RABL2A	0.38	3.51E-01	-1.49	9.32E-01	1.04	1.50E-01
TPP1	0.38	3.51E-01	-0.76	7.75E-01	0.72	2.34E-01

CA1	0.38	3.51E-01	-0.68	7.53E-01	-0.19	5.75E-01
ATXN7L2	0.38	3.51E-01	-0.63	7.36E-01	2.29	1.09E-02
WDR53	0.38	3.51E-01	0.79	2.16E-01	-1.05	8.54E-01
NPAS1	0.38	3.51E-01	1.96	2.51E-02	-0.37	6.45E-01
DHX9	0.38	3.51E-01	0.36	3.58E-01	-0.80	7.88E-01
SACS	0.38	3.51E-01	0.84	2.01E-01	1.30	9.67E-02
QRFPR	0.38	3.51E-01	0.99	1.62E-01	0.15	4.42E-01
C4orf36	0.38	3.51E-01	0.27	3.94E-01	0.79	2.14E-01
ZSWIM7	0.38	3.51E-01	-1.15	8.76E-01	0.60	2.76E-01
ADCYAP1R1	0.38	3.52E-01	0.42	3.37E-01	-0.34	6.33E-01
TXNDC12	0.38	3.52E-01	-0.06	5.25E-01	0.20	4.21E-01
COLQ	0.38	3.52E-01	-0.86	8.04E-01	0.68	2.49E-01
FRRS1	0.38	3.52E-01	0.53	2.99E-01	-1.17	8.79E-01
ING3	0.38	3.52E-01	0.91	1.82E-01	-0.59	7.22E-01
KRTAP5-5	0.38	3.52E-01	0.57	2.83E-01	-0.83	7.96E-01
NOVA1	0.38	3.52E-01	1.64	5.05E-02	2.03	2.10E-02
KMT2B	0.38	3.52E-01	-0.49	6.90E-01	1.79	3.66E-02
KAZALD1	0.38	3.52E-01	0.82	2.07E-01	-0.95	8.29E-01
TRIM64C	0.38	3.52E-01	0.00	4.99E-01	0.39	3.50E-01
DONSON	0.38	3.52E-01	0.79	2.15E-01	-1.30	9.02E-01
PIK3CD	0.38	3.52E-01	-0.94	8.27E-01	1.69	4.56E-02
RHPN1	0.38	3.52E-01	-0.76	7.77E-01	0.60	2.75E-01
COL21A1	0.38	3.52E-01	0.21	4.16E-01	0.69	2.44E-01
CSTF3	0.38	3.52E-01	0.37	3.57E-01	0.52	3.03E-01
EPHB1	0.38	3.52E-01	-0.56	7.12E-01	0.72	2.37E-01
CTC-236F12.4	0.38	3.52E-01	-0.62	7.32E-01	-0.12	5.47E-01
NEURL1	0.38	3.52E-01	1.13	1.30E-01	-0.04	5.17E-01
LRBA	0.38	3.52E-01	-0.17	5.68E-01	-0.26	6.04E-01
PHF3	0.38	3.52E-01	-1.11	8.66E-01	1.01	1.56E-01
S1PR2	0.38	3.52E-01	0.29	3.86E-01	0.81	2.10E-01
CYP2F1	0.38	3.52E-01	-0.33	6.27E-01	-0.28	6.10E-01

TOPAZ1	0.38	3.52E-01	-0.08	5.30E-01	-0.09	5.35E-01
CLDN5	0.38	3.52E-01	-0.25	5.97E-01	0.02	4.93E-01
HGF	0.38	3.53E-01	0.08	4.70E-01	-0.34	6.32E-01
ALS2CR12	0.38	3.53E-01	1.25	1.06E-01	-0.87	8.08E-01
NRGN	0.38	3.53E-01	0.29	3.85E-01	0.60	2.73E-01
FASTK	0.38	3.53E-01	0.72	2.37E-01	-0.48	6.85E-01
ZBTB10	0.38	3.53E-01	-0.44	6.71E-01	-0.30	6.19E-01
TMEM194A	0.38	3.53E-01	-0.25	6.00E-01	1.39	8.21E-02
CNBD2	0.38	3.53E-01	-0.92	8.21E-01	0.47	3.20E-01
ADAMDEC1	0.38	3.53E-01	-0.67	7.50E-01	0.56	2.88E-01
CABP5	0.38	3.53E-01	2.36	9.18E-03	0.24	4.05E-01
C19orf48	0.38	3.53E-01	0.35	3.62E-01	0.41	3.42E-01
SLCO6A1	0.38	3.53E-01	0.57	2.85E-01	2.23	1.30E-02
CHTF8	0.38	3.53E-01	-0.72	7.64E-01	0.01	4.95E-01
PHC3	0.38	3.53E-01	-0.86	8.04E-01	1.80	3.60E-02
SORL1	0.38	3.53E-01	1.33	9.15E-02	1.20	1.14E-01
C17orf82	0.38	3.53E-01	-0.11	5.44E-01	0.18	4.27E-01
CCDC15	0.38	3.54E-01	0.92	1.79E-01	-0.64	7.40E-01
ARID3A	0.38	3.54E-01	-0.69	7.55E-01	2.78	2.70E-03
PF4V1	0.37	3.54E-01	0.73	2.34E-01	-0.01	5.04E-01
AP1B1	0.37	3.54E-01	-0.26	6.03E-01	-0.01	5.03E-01
SMIM5	0.37	3.54E-01	-1.03	8.49E-01	1.45	7.32E-02
AKR1C4	0.37	3.54E-01	-0.77	7.81E-01	0.26	3.97E-01
FGD2	0.37	3.54E-01	0.11	4.57E-01	-0.42	6.63E-01
SLAIN2	0.37	3.54E-01	0.35	3.63E-01	-0.49	6.88E-01
TOP1MT	0.37	3.54E-01	-0.90	8.16E-01	1.43	7.62E-02
THAP1	0.37	3.54E-01	-1.19	8.83E-01	1.42	7.73E-02
IARS2	0.37	3.54E-01	-0.14	5.58E-01	-0.79	7.86E-01
OR10H1	0.37	3.54E-01	0.89	1.87E-01	-0.85	8.02E-01
GATSL3	0.37	3.54E-01	1.26	1.04E-01	-1.81	9.65E-01
NAT16	0.37	3.54E-01	0.39	3.47E-01	-0.55	7.07E-01

FBXW11	0.37	3.54E-01	-1.47	9.29E-01	0.96	1.69E-01
TNRC6A	0.37	3.54E-01	1.13	1.30E-01	-0.91	8.18E-01
TMEM202	0.37	3.54E-01	0.77	2.21E-01	-1.20	8.85E-01
DEFB127	0.37	3.54E-01	0.04	4.86E-01	-0.09	5.35E-01
TMTC3	0.37	3.55E-01	0.18	4.27E-01	-0.29	6.14E-01
CDADC1	0.37	3.55E-01	0.64	2.62E-01	-1.49	9.32E-01
MRGPRX1	0.37	3.55E-01	1.61	5.33E-02	0.35	3.62E-01
PDE9A	0.37	3.55E-01	-0.92	8.22E-01	2.26	1.18E-02
BCCIP	0.37	3.55E-01	0.44	3.30E-01	-0.42	6.64E-01
CRYBG3	0.37	3.55E-01	0.61	2.70E-01	-1.36	9.13E-01
TLN1	0.37	3.55E-01	0.73	2.34E-01	-1.18	8.80E-01
ZNF830	0.37	3.55E-01	1.01	1.56E-01	-0.33	6.28E-01
FABP2	0.37	3.55E-01	-0.24	5.95E-01	-0.09	5.35E-01
CPNE5	0.37	3.55E-01	0.06	4.76E-01	0.74	2.31E-01
GIPC1	0.37	3.55E-01	-0.82	7.93E-01	0.01	4.97E-01
IFT122	0.37	3.55E-01	-1.16	8.78E-01	1.09	1.39E-01
CCDC138	0.37	3.55E-01	0.83	2.04E-01	-1.25	8.94E-01
CHCHD7	0.37	3.55E-01	0.47	3.20E-01	1.40	8.05E-02
NXPE3	0.37	3.55E-01	-0.14	5.56E-01	0.50	3.09E-01
AATF	0.37	3.56E-01	-0.86	8.05E-01	0.77	2.21E-01
ATG9A	0.37	3.56E-01	-0.03	5.10E-01	-0.26	6.03E-01
CDKL1	0.37	3.56E-01	0.52	3.01E-01	-1.32	9.06E-01
BRD4	0.37	3.56E-01	-0.10	5.38E-01	0.72	2.37E-01
VAV2	0.37	3.56E-01	-0.16	5.63E-01	1.46	7.16E-02
RDH13	0.37	3.56E-01	-1.07	8.57E-01	1.10	1.35E-01
SLC22A2	0.37	3.56E-01	1.00	1.60E-01	0.30	3.82E-01
OR5AU1	0.37	3.56E-01	0.06	4.75E-01	-0.20	5.78E-01
RTTN	0.37	3.56E-01	-1.14	8.73E-01	1.03	1.52E-01
SDCBP2	0.37	3.56E-01	0.52	3.03E-01	-0.91	8.17E-01
KIF5A	0.37	3.56E-01	0.06	4.75E-01	-0.85	8.02E-01
TAS2R1	0.37	3.56E-01	0.65	2.57E-01	-0.12	5.48E-01

ACSBG1	0.37	3.56E-01	0.35	3.64E-01	-0.78	7.82E-01
DDX28	0.37	3.56E-01	-1.35	9.12E-01	1.06	1.43E-01
MME	0.37	3.56E-01	0.05	4.79E-01	0.98	1.63E-01
ATCAY	0.37	3.56E-01	0.80	2.12E-01	-0.06	5.22E-01
UQCR11	0.37	3.56E-01	-1.08	8.59E-01	0.59	2.76E-01
TNFSF9	0.37	3.56E-01	0.67	2.53E-01	-1.86	9.69E-01
MAP1LC3A	0.37	3.56E-01	-0.15	5.59E-01	-0.20	5.80E-01
PPM1F	0.37	3.56E-01	-0.05	5.19E-01	1.57	5.82E-02
ETV4	0.37	3.56E-01	-0.13	5.50E-01	0.34	3.68E-01
CCND2	0.37	3.56E-01	0.72	2.36E-01	1.07	1.42E-01
CDH9	0.37	3.56E-01	1.23	1.09E-01	-0.73	7.67E-01
ZNF300	0.37	3.56E-01	1.71	4.38E-02	-0.56	7.13E-01
CBLN2	0.37	3.56E-01	-0.39	6.50E-01	1.08	1.39E-01
SSC5D	0.37	3.57E-01	-0.78	7.83E-01	-0.23	5.91E-01
GPATCH11	0.37	3.57E-01	0.09	4.65E-01	-0.10	5.40E-01
VRK3	0.37	3.57E-01	-0.66	7.46E-01	1.66	4.84E-02
ZNF786	0.37	3.57E-01	0.58	2.81E-01	-0.08	5.33E-01
TUSC2	0.37	3.57E-01	0.84	1.99E-01	0.04	4.83E-01
MXI1	0.37	3.57E-01	0.61	2.71E-01	-1.15	8.74E-01
SEC14L1	0.37	3.57E-01	1.21	1.12E-01	-1.25	8.94E-01
ARSB	0.37	3.57E-01	0.82	2.07E-01	0.66	2.56E-01
POLR2E	0.37	3.57E-01	-0.46	6.76E-01	-0.68	7.53E-01
FAM186A	0.37	3.57E-01	0.64	2.60E-01	-1.07	8.59E-01
EMILIN1	0.37	3.57E-01	1.46	7.23E-02	0.23	4.09E-01
HERC3	0.37	3.57E-01	0.39	3.49E-01	-0.72	7.64E-01
KRTAP6-1	0.37	3.57E-01	-1.00	8.41E-01	0.60	2.76E-01
MSANTD3-TMEFF1	0.37	3.57E-01	0.43	3.34E-01	-1.03	8.48E-01
TMEFF1	0.37	3.57E-01	0.43	3.34E-01	-1.03	8.48E-01
ZNF274	0.37	3.57E-01	0.43	3.34E-01	-1.12	8.68E-01
STAU1	0.37	3.57E-01	0.20	4.20E-01	-0.84	8.00E-01
ALG1L	0.37	3.57E-01	0.73	2.32E-01	-0.65	7.41E-01



LCK	0.36	3.58E-01	0.01	4.94E-01	0.12	4.50E-01
SH3D21	0.36	3.58E-01	-0.25	5.97E-01	0.04	4.86E-01
SNRNP48	0.36	3.58E-01	-0.33	6.28E-01	1.61	5.42E-02
MTRF1L	0.36	3.58E-01	1.46	7.28E-02	0.64	2.62E-01
ETV7	0.36	3.58E-01	-0.16	5.63E-01	-0.02	5.08E-01
SYS1	0.36	3.58E-01	-0.15	5.60E-01	0.05	4.81E-01
FBF1	0.36	3.58E-01	-0.19	5.77E-01	1.97	2.43E-02
CALCOCO1	0.36	3.58E-01	-0.66	7.45E-01	0.76	2.24E-01
PSMA7	0.36	3.58E-01	-0.81	7.92E-01	0.80	2.11E-01
SBF2	0.36	3.59E-01	1.24	1.08E-01	-1.30	9.04E-01
OAZ1	0.36	3.59E-01	-0.11	5.45E-01	-0.67	7.48E-01
BANP	0.36	3.59E-01	0.16	4.37E-01	1.54	6.21E-02
CHRM2	0.36	3.59E-01	-0.09	5.34E-01	-0.22	5.86E-01
CEP78	0.36	3.59E-01	-0.70	7.58E-01	0.38	3.52E-01
FAM43A	0.36	3.59E-01	-0.80	7.87E-01	0.02	4.93E-01
DDI1	0.36	3.59E-01	-1.16	8.76E-01	0.66	2.55E-01
OR5AC2	0.36	3.59E-01	-2.16	9.85E-01	0.96	1.69E-01
HOMER3	0.36	3.59E-01	0.31	3.79E-01	0.57	2.84E-01
ELL3	0.36	3.59E-01	1.34	9.02E-02	-1.84	9.67E-01
AIDA	0.36	3.59E-01	-0.09	5.34E-01	-0.83	7.98E-01
KBTBD7	0.36	3.59E-01	1.12	1.31E-01	0.91	1.83E-01
MFF	0.36	3.59E-01	0.34	3.68E-01	1.46	7.16E-02
IQCK	0.36	3.59E-01	-1.15	8.75E-01	0.83	2.03E-01
ROBO3	0.36	3.59E-01	-0.24	5.95E-01	0.30	3.82E-01
RFXAP	0.36	3.59E-01	0.51	3.04E-01	-1.52	9.35E-01
IL5	0.36	3.59E-01	-1.14	8.73E-01	1.51	6.51E-02
TACO1	0.36	3.59E-01	-0.11	5.44E-01	0.22	4.11E-01
FBXO31	0.36	3.60E-01	-0.30	6.18E-01	0.28	3.89E-01
ISG20L2	0.36	3.60E-01	0.28	3.89E-01	0.17	4.32E-01
NOS3	0.36	3.60E-01	0.22	4.12E-01	0.70	2.41E-01
CTAGE5	0.36	3.60E-01	-0.13	5.52E-01	1.45	7.33E-02

RANBP10	0.36	3.60E-01	-0.61	7.30E-01	1.53	6.26E-02
DNAJC30	0.36	3.60E-01	0.43	3.33E-01	-0.57	7.16E-01
PLA2G4F	0.36	3.60E-01	0.16	4.38E-01	-0.72	7.65E-01
ACADM	0.36	3.60E-01	0.49	3.13E-01	0.38	3.50E-01
NICN1	0.36	3.60E-01	0.02	4.93E-01	2.07	1.92E-02
CA3	0.36	3.60E-01	-0.03	5.12E-01	-0.57	7.17E-01
TPRA1	0.36	3.60E-01	0.30	3.81E-01	-0.70	7.57E-01
TRIM13	0.36	3.60E-01	-1.18	8.80E-01	1.97	2.47E-02
MIS18BP1	0.36	3.60E-01	0.61	2.70E-01	1.04	1.48E-01
TRIM54	0.36	3.60E-01	-0.44	6.70E-01	0.33	3.72E-01
EPB41L3	0.36	3.60E-01	0.02	4.91E-01	-0.64	7.40E-01
PCLO	0.36	3.60E-01	-0.83	7.97E-01	2.71	3.33E-03
ZCCHC14	0.36	3.60E-01	0.36	3.60E-01	-0.67	7.47E-01
SEMG2	0.36	3.60E-01	0.21	4.15E-01	-1.06	8.56E-01
LRRC3C	0.36	3.60E-01	-0.91	8.19E-01	0.95	1.72E-01
SNRNP200	0.36	3.60E-01	0.45	3.26E-01	-1.16	8.78E-01
ATP5J2	0.36	3.60E-01	-0.16	5.64E-01	-0.01	5.04E-01
CENPA	0.36	3.61E-01	-0.37	6.43E-01	0.09	4.63E-01
OR2K2	0.36	3.61E-01	-2.24	9.87E-01	1.04	1.49E-01
CEBPZ	0.36	3.61E-01	0.32	3.75E-01	0.47	3.18E-01
C9orf16	0.36	3.61E-01	-0.35	6.37E-01	0.07	4.71E-01
PVRIG	0.35	3.61E-01	-0.33	6.31E-01	-0.36	6.39E-01
GFI1	0.35	3.61E-01	0.33	3.70E-01	-0.99	8.38E-01
RHAG	0.35	3.61E-01	1.21	1.13E-01	-0.11	5.44E-01
CENPT	0.35	3.61E-01	-0.11	5.44E-01	1.67	4.76E-02
COCH	0.35	3.62E-01	-0.92	8.20E-01	0.24	4.04E-01
TEAD1	0.35	3.62E-01	-0.93	8.23E-01	0.55	2.91E-01
KLHL6	0.35	3.62E-01	0.81	2.10E-01	-1.35	9.12E-01
PCDHB16	0.35	3.62E-01	-0.14	5.55E-01	-0.70	7.58E-01
OR1K1	0.35	3.62E-01	0.04	4.84E-01	-0.57	7.17E-01
MT1H	0.35	3.62E-01	0.68	2.49E-01	-0.99	8.40E-01

MARS	0.35	3.62E-01	0.21	4.17E-01	-0.72	7.65E-01
SSPN	0.35	3.62E-01	-0.47	6.81E-01	-0.13	5.52E-01
ZNF730	0.35	3.62E-01	0.56	2.88E-01	-0.27	6.05E-01
GNAI1	0.35	3.62E-01	-0.99	8.39E-01	0.67	2.52E-01
ZBTB9	0.35	3.62E-01	0.66	2.54E-01	-1.16	8.78E-01
DOK7	0.35	3.62E-01	0.56	2.88E-01	-0.05	5.20E-01
ARHGEF18	0.35	3.63E-01	-0.87	8.08E-01	0.74	2.31E-01
CACNB2	0.35	3.63E-01	-0.58	7.19E-01	0.05	4.80E-01
PI4KB	0.35	3.63E-01	0.14	4.45E-01	-0.44	6.71E-01
SECTM1	0.35	3.63E-01	-0.38	6.48E-01	0.36	3.58E-01
MCEE	0.35	3.63E-01	-0.09	5.35E-01	0.63	2.63E-01
C1orf229	0.35	3.63E-01	1.40	8.08E-02	-1.10	8.65E-01
RNF123	0.35	3.63E-01	-0.52	6.99E-01	1.45	7.38E-02
MYO1D	0.35	3.63E-01	0.26	3.98E-01	0.41	3.40E-01
TMEM150C	0.35	3.63E-01	1.47	7.02E-02	-0.03	5.12E-01
PDE4A	0.35	3.63E-01	-1.25	8.94E-01	0.69	2.46E-01
SLC35G2	0.35	3.63E-01	0.90	1.83E-01	-1.57	9.42E-01
HECTD4	0.35	3.63E-01	-0.79	7.87E-01	0.32	3.73E-01
MLLT1	0.35	3.63E-01	0.13	4.49E-01	-0.85	8.03E-01
SRR	0.35	3.63E-01	-0.36	6.41E-01	1.23	1.10E-01
DDIT3	0.35	3.63E-01	0.68	2.48E-01	-1.24	8.92E-01
UEVLD	0.35	3.63E-01	-1.93	9.73E-01	1.36	8.66E-02
SRP9	0.35	3.64E-01	-0.90	8.15E-01	0.14	4.45E-01
ALPI	0.35	3.64E-01	0.82	2.06E-01	0.06	4.76E-01
VN1R1	0.35	3.64E-01	-0.55	7.07E-01	0.71	2.38E-01
SSSCA1	0.35	3.64E-01	0.39	3.47E-01	-0.66	7.45E-01
GNB1	0.35	3.64E-01	1.47	7.12E-02	0.90	1.83E-01
FAM134B	0.35	3.64E-01	0.05	4.79E-01	-1.21	8.86E-01
C2orf74	0.35	3.64E-01	-0.25	5.98E-01	0.37	3.57E-01
BOLA3	0.35	3.64E-01	-1.58	9.43E-01	0.87	1.93E-01
DSG2	0.35	3.64E-01	-1.07	8.57E-01	1.08	1.40E-01

UCP1	0.35	3.64E-01	0.44	3.32E-01	-0.70	7.57E-01
FEM1A	0.35	3.64E-01	-0.20	5.81E-01	0.16	4.37E-01
AC114783.1	0.35	3.64E-01	-1.21	8.87E-01	0.53	2.96E-01
MEF2C	0.35	3.64E-01	2.96	1.55E-03	-0.02	5.10E-01
NNMT	0.35	3.64E-01	-1.79	9.63E-01	1.30	9.72E-02
HDGFRP3	0.35	3.64E-01	0.38	3.51E-01	2.24	1.27E-02
RIMS3	0.35	3.64E-01	0.09	4.64E-01	-0.33	6.31E-01
SLX4	0.35	3.64E-01	-0.14	5.57E-01	-0.12	5.47E-01
TIPIN	0.35	3.64E-01	-0.33	6.30E-01	0.68	2.49E-01
ATG4D	0.35	3.64E-01	-0.94	8.26E-01	0.55	2.91E-01
HHLA3	0.35	3.64E-01	0.48	3.17E-01	-1.06	8.57E-01
KRT6C	0.35	3.64E-01	-0.71	7.61E-01	0.08	4.67E-01
OR1C1	0.35	3.65E-01	0.98	1.65E-01	-1.29	9.01E-01
C18orf32	0.35	3.65E-01	0.16	4.35E-01	0.48	3.17E-01
OR52K1	0.35	3.65E-01	-1.19	8.82E-01	0.80	2.11E-01
43358	0.35	3.65E-01	0.28	3.91E-01	0.57	2.84E-01
SH3BGR	0.34	3.65E-01	0.05	4.80E-01	-0.15	5.61E-01
PIK3CB	0.34	3.65E-01	-0.73	7.69E-01	0.59	2.77E-01
ZFYVE21	0.34	3.65E-01	0.23	4.07E-01	-0.39	6.53E-01
HEATR1	0.34	3.65E-01	-0.66	7.45E-01	0.63	2.65E-01
LZTFL1	0.34	3.65E-01	-0.22	5.86E-01	-0.35	6.35E-01
C20orf202	0.34	3.65E-01	0.07	4.71E-01	0.34	3.67E-01
PSMD12	0.34	3.65E-01	0.37	3.55E-01	0.20	4.21E-01
QRICH2	0.34	3.65E-01	1.19	1.17E-01	0.15	4.41E-01
PSMD13	0.34	3.66E-01	0.09	4.63E-01	-0.76	7.76E-01
GLS	0.34	3.66E-01	0.00	4.99E-01	0.07	4.72E-01
KLF3	0.34	3.66E-01	-0.02	5.08E-01	-0.39	6.52E-01
CRIP3	0.34	3.66E-01	0.30	3.83E-01	0.21	4.19E-01
C17orf50	0.34	3.66E-01	-1.10	8.64E-01	0.77	2.22E-01
ZNF816	0.34	3.66E-01	0.76	2.22E-01	-0.78	7.83E-01
ZNF321P	0.34	3.66E-01	0.76	2.22E-01	-0.78	7.83E-01

ITGB3BP	0.34	3.66E-01	0.34	3.68E-01	-1.39	9.18E-01
PRSS53	0.34	3.66E-01	1.22	1.12E-01	-0.78	7.84E-01
SCTR	0.34	3.66E-01	-0.77	7.80E-01	0.43	3.32E-01
IL17RD	0.34	3.66E-01	0.13	4.49E-01	-0.78	7.82E-01
SLC12A4	0.34	3.66E-01	-0.37	6.43E-01	1.65	4.96E-02
VDAC1	0.34	3.67E-01	0.31	3.78E-01	0.36	3.58E-01
TRPV1	0.34	3.67E-01	1.64	5.04E-02	-0.38	6.47E-01
GPATCH8	0.34	3.67E-01	-0.33	6.28E-01	-0.57	7.17E-01
EMC7	0.34	3.67E-01	1.56	5.90E-02	-0.54	7.04E-01
LHFPL3	0.34	3.67E-01	-0.74	7.72E-01	2.19	1.44E-02
MED15	0.34	3.67E-01	-0.76	7.78E-01	0.83	2.03E-01
R3HCC1	0.34	3.67E-01	-0.73	7.66E-01	1.50	6.74E-02
ACSF2	0.34	3.67E-01	1.07	1.41E-01	-0.74	7.69E-01
TNFRSF1A	0.34	3.67E-01	0.86	1.96E-01	-0.62	7.34E-01
PITPNB	0.34	3.67E-01	0.70	2.42E-01	0.13	4.47E-01
LPAR3	0.34	3.67E-01	-0.63	7.35E-01	0.94	1.73E-01
RNF103	0.34	3.67E-01	-0.59	7.23E-01	0.12	4.53E-01
FAM71E1	0.34	3.67E-01	-0.05	5.19E-01	0.76	2.24E-01
C5orf60	0.34	3.67E-01	0.76	2.23E-01	0.20	4.22E-01
KRTAP10-2	0.34	3.67E-01	-1.01	8.44E-01	0.57	2.84E-01
FADS6	0.34	3.67E-01	0.21	4.16E-01	-1.16	8.77E-01
FAM208B	0.34	3.68E-01	-0.24	5.94E-01	0.16	4.35E-01
C20orf96	0.34	3.68E-01	0.61	2.70E-01	-1.22	8.89E-01
CYP2W1	0.34	3.68E-01	-0.96	8.32E-01	1.73	4.18E-02
PMF1-BGLAP	0.34	3.68E-01	-0.23	5.92E-01	1.84	3.31E-02
PMF1	0.34	3.68E-01	-0.23	5.92E-01	1.84	3.31E-02
GPR137B	0.34	3.68E-01	0.41	3.39E-01	-0.86	8.05E-01
CENPV	0.34	3.68E-01	-1.27	8.98E-01	0.68	2.49E-01
XAF1	0.34	3.68E-01	-0.63	7.36E-01	0.43	3.32E-01
TEX264	0.34	3.68E-01	-0.56	7.11E-01	0.17	4.34E-01
DMTN	0.34	3.68E-01	0.33	3.69E-01	0.81	2.09E-01

NEK5	0.34	3.68E-01	0.24	4.05E-01	1.94	2.63E-02
GHR	0.34	3.68E-01	-1.20	8.86E-01	0.70	2.41E-01
DHRS4L2	0.34	3.68E-01	-0.30	6.17E-01	1.00	1.59E-01
ADCY10	0.34	3.68E-01	0.10	4.58E-01	0.14	4.44E-01
PASK	0.34	3.68E-01	-0.28	6.10E-01	-0.91	8.18E-01
PNN	0.34	3.68E-01	-0.29	6.15E-01	1.72	4.30E-02
GJB2	0.34	3.68E-01	1.46	7.28E-02	-1.02	8.47E-01
CAAP1	0.34	3.68E-01	0.92	1.80E-01	0.17	4.33E-01
CTC-241N9.1	0.34	3.69E-01	-0.24	5.97E-01	-0.12	5.49E-01
ERP27	0.34	3.69E-01	-0.39	6.51E-01	0.02	4.91E-01
DNAJC5B	0.34	3.69E-01	-0.27	6.08E-01	0.53	2.97E-01
TGM7	0.34	3.69E-01	0.76	2.25E-01	-0.37	6.45E-01
IL36B	0.34	3.69E-01	-0.48	6.84E-01	1.89	2.92E-02
RBM4B	0.33	3.69E-01	0.83	2.04E-01	-1.00	8.42E-01
CACNG3	0.33	3.69E-01	0.65	2.58E-01	1.05	1.46E-01
EXTL1	0.33	3.69E-01	-0.54	7.07E-01	-0.48	6.86E-01
SLCO4C1	0.33	3.69E-01	0.42	3.37E-01	0.71	2.38E-01
FAM53B	0.33	3.69E-01	-0.16	5.65E-01	-0.36	6.42E-01
KLK6	0.33	3.69E-01	-0.34	6.34E-01	-0.75	7.73E-01
STX19	0.33	3.69E-01	-0.63	7.36E-01	-0.09	5.36E-01
AACS	0.33	3.69E-01	1.09	1.37E-01	-1.03	8.48E-01
ERH	0.33	3.69E-01	-0.39	6.53E-01	-0.13	5.53E-01
RWDD4	0.33	3.70E-01	-0.09	5.37E-01	-0.76	7.76E-01
TMEM171	0.33	3.70E-01	0.30	3.81E-01	-0.30	6.18E-01
NACC1	0.33	3.70E-01	2.00	2.29E-02	0.60	2.75E-01
TOR1AIP2	0.33	3.70E-01	-1.12	8.68E-01	0.71	2.40E-01
KLHL30	0.33	3.70E-01	0.01	4.98E-01	0.54	2.95E-01
TRAPPC4	0.33	3.70E-01	-0.65	7.42E-01	0.77	2.20E-01
ZMYND12	0.33	3.70E-01	0.87	1.92E-01	0.10	4.62E-01
DNAJC21	0.33	3.70E-01	1.76	3.90E-02	-1.83	9.67E-01
RRH	0.33	3.70E-01	-0.79	7.86E-01	0.60	2.73E-01

TMC6	0.33	3.70E-01	1.09	1.38E-01	-0.24	5.93E-01
KDM6B	0.33	3.70E-01	0.67	2.51E-01	-0.53	7.01E-01
CARD17	0.33	3.70E-01	-1.66	9.52E-01	1.40	8.09E-02
MYLK	0.33	3.70E-01	0.04	4.84E-01	0.60	2.75E-01
ZNF681	0.33	3.70E-01	1.38	8.43E-02	-0.98	8.38E-01
GYP A	0.33	3.71E-01	0.08	4.68E-01	-0.73	7.69E-01
CNN1	0.33	3.71E-01	-0.59	7.24E-01	0.03	4.88E-01
UQCRQ	0.33	3.71E-01	-0.37	6.46E-01	0.37	3.56E-01
NCOA5	0.33	3.71E-01	0.60	2.76E-01	-0.53	7.04E-01
RARRES3	0.33	3.71E-01	-0.81	7.90E-01	0.60	2.73E-01
SIGLEC10	0.33	3.71E-01	-0.69	7.54E-01	1.13	1.28E-01
SFT2D1	0.33	3.71E-01	0.07	4.71E-01	1.23	1.09E-01
EFCAB2	0.33	3.71E-01	-1.03	8.48E-01	0.85	1.97E-01
C7orf49	0.33	3.71E-01	-0.98	8.36E-01	1.01	1.56E-01
TTN	0.33	3.71E-01	-1.00	8.42E-01	1.32	9.39E-02
CDC42BPB	0.33	3.71E-01	0.89	1.86E-01	-0.21	5.82E-01
THRA	0.33	3.71E-01	-0.67	7.47E-01	0.30	3.83E-01
TMC5	0.33	3.71E-01	1.11	1.34E-01	-1.46	9.28E-01
AC074091.13	0.33	3.71E-01	-0.81	7.92E-01	1.02	1.53E-01
PTRF	0.33	3.71E-01	-0.23	5.91E-01	-0.11	5.46E-01
GCNT3	0.33	3.71E-01	1.19	1.17E-01	-0.57	7.16E-01
RFK	0.33	3.72E-01	0.22	4.13E-01	-0.81	7.92E-01
OR7E24	0.33	3.72E-01	0.01	4.98E-01	0.14	4.45E-01
SLX4IP	0.33	3.72E-01	-0.50	6.92E-01	-0.02	5.07E-01
PEX7	0.33	3.72E-01	0.54	2.93E-01	0.36	3.58E-01
OLFML2B	0.33	3.72E-01	1.43	7.58E-02	-0.68	7.52E-01
ALAS1	0.33	3.72E-01	0.86	1.94E-01	-1.23	8.90E-01
FAM117A	0.33	3.72E-01	0.03	4.86E-01	-0.43	6.65E-01
ST3GAL5	0.33	3.72E-01	1.79	3.67E-02	-0.42	6.64E-01
EIF2AK3	0.33	3.72E-01	1.00	1.58E-01	-0.06	5.23E-01
DMBX1	0.33	3.72E-01	-0.54	7.07E-01	1.61	5.40E-02

FAM189B	0.33	3.72E-01	-0.70	7.59E-01	0.55	2.92E-01
C3orf38	0.33	3.72E-01	0.33	3.69E-01	-0.99	8.40E-01
LDLRAD1	0.33	3.72E-01	0.47	3.18E-01	-0.43	6.67E-01
MSL2	0.33	3.72E-01	1.30	9.60E-02	-0.61	7.30E-01
CD200R1L	0.33	3.72E-01	0.20	4.23E-01	-0.84	8.01E-01
NTM	0.33	3.72E-01	0.25	4.03E-01	-0.10	5.39E-01
HYAL3	0.33	3.72E-01	1.96	2.51E-02	-0.95	8.30E-01
SMIM15	0.33	3.72E-01	-0.26	6.01E-01	1.74	4.12E-02
TAS1R2	0.33	3.72E-01	-0.27	6.05E-01	-0.58	7.18E-01
STRN3	0.33	3.72E-01	-0.18	5.71E-01	-0.53	7.03E-01
RNF25	0.32	3.73E-01	-0.77	7.79E-01	0.79	2.15E-01
IDH3A	0.32	3.73E-01	1.33	9.13E-02	-1.10	8.64E-01
RPL7L1	0.32	3.73E-01	-0.37	6.43E-01	-0.02	5.07E-01
FNDC9	0.32	3.73E-01	-0.22	5.87E-01	0.06	4.77E-01
EPB41L2	0.32	3.73E-01	0.11	4.55E-01	-0.26	6.04E-01
SLC30A2	0.32	3.73E-01	-0.57	7.17E-01	-0.21	5.83E-01
LSMEM2	0.32	3.73E-01	1.59	5.56E-02	0.41	3.43E-01
CD33	0.32	3.73E-01	0.69	2.44E-01	-0.53	7.02E-01
TBX5	0.32	3.73E-01	-0.42	6.63E-01	-0.39	6.51E-01
NDUFS3	0.32	3.73E-01	1.77	3.82E-02	-0.49	6.89E-01
TNFRSF11B	0.32	3.73E-01	1.51	6.59E-02	0.25	4.03E-01
MEGF11	0.32	3.73E-01	1.22	1.12E-01	-0.04	5.15E-01
C16orf93	0.32	3.73E-01	0.07	4.71E-01	1.09	1.39E-01
ING4	0.32	3.73E-01	-0.95	8.28E-01	0.47	3.18E-01
C19orf55	0.32	3.73E-01	-0.11	5.45E-01	0.72	2.35E-01
GFM1	0.32	3.74E-01	1.37	8.48E-02	-1.00	8.42E-01
MUT	0.32	3.74E-01	-0.51	6.94E-01	0.48	3.17E-01
ABHD10	0.32	3.74E-01	0.95	1.72E-01	-0.31	6.22E-01
DHX8	0.32	3.74E-01	0.55	2.92E-01	-0.28	6.10E-01
OR2Z1	0.32	3.74E-01	-0.71	7.60E-01	0.58	2.80E-01
CCDC60	0.32	3.74E-01	-0.99	8.39E-01	1.31	9.43E-02



ANGPTL6	0.32	3.74E-01	0.34	3.66E-01	-0.43	6.67E-01
MS4A13	0.32	3.74E-01	-0.27	6.07E-01	0.37	3.57E-01
TEDDM1	0.32	3.74E-01	0.15	4.42E-01	-0.33	6.29E-01
CCDC124	0.32	3.74E-01	0.17	4.33E-01	0.16	4.37E-01
SPOP	0.32	3.74E-01	0.97	1.65E-01	0.78	2.19E-01
PDAP1	0.32	3.74E-01	0.47	3.20E-01	-1.15	8.74E-01
AK1	0.32	3.74E-01	-0.20	5.79E-01	-0.67	7.50E-01
MOCS2	0.32	3.74E-01	-0.59	7.23E-01	-0.11	5.44E-01
CHSY1	0.32	3.74E-01	0.02	4.92E-01	0.38	3.51E-01
KRT25	0.32	3.74E-01	0.60	2.75E-01	0.68	2.50E-01
CDC25B	0.32	3.74E-01	1.21	1.14E-01	-0.86	8.04E-01
LGALS3	0.32	3.74E-01	-0.08	5.31E-01	1.23	1.09E-01
NT5E	0.32	3.74E-01	0.42	3.37E-01	-0.10	5.42E-01
MOXD1	0.32	3.75E-01	0.17	4.31E-01	1.56	5.92E-02
ZBED4	0.32	3.75E-01	1.27	1.03E-01	-1.79	9.64E-01
LRRC10B	0.32	3.75E-01	-0.89	8.13E-01	0.35	3.62E-01
C16orf11	0.32	3.75E-01	-0.19	5.77E-01	-0.06	5.23E-01
GNG11	0.32	3.75E-01	-0.22	5.86E-01	2.33	9.81E-03
RRN3	0.32	3.75E-01	0.70	2.41E-01	0.00	5.02E-01
POLG	0.32	3.75E-01	2.09	1.84E-02	0.41	3.39E-01
PGBD3	0.32	3.75E-01	-0.66	7.45E-01	0.10	4.60E-01
PTTG1IP	0.32	3.75E-01	-0.18	5.73E-01	-0.12	5.46E-01
MRPL47	0.32	3.75E-01	-0.03	5.11E-01	0.51	3.06E-01
CCDC30	0.32	3.75E-01	0.39	3.49E-01	0.21	4.15E-01
ANO4	0.32	3.75E-01	0.34	3.66E-01	-0.07	5.30E-01
EIF4A3	0.32	3.75E-01	-0.74	7.69E-01	0.10	4.61E-01
C3orf18	0.32	3.75E-01	0.93	1.75E-01	-0.89	8.12E-01
LDB1	0.32	3.75E-01	-0.33	6.29E-01	2.06	1.96E-02
FAM101A	0.32	3.75E-01	0.72	2.37E-01	-0.44	6.70E-01
RBM12B-AS1	0.32	3.75E-01	0.15	4.41E-01	-0.65	7.43E-01
ISM1	0.32	3.75E-01	-1.38	9.17E-01	1.34	9.07E-02

PRTG	0.32	3.75E-01	1.36	8.66E-02	-0.32	6.27E-01
XRCC2	0.32	3.75E-01	-0.14	5.54E-01	-0.40	6.57E-01
THRAP3	0.32	3.76E-01	-0.80	7.88E-01	0.45	3.25E-01
SEMA4C	0.32	3.76E-01	1.70	4.41E-02	0.81	2.08E-01
HMGCR	0.32	3.76E-01	1.10	1.35E-01	0.22	4.13E-01
TFRC	0.32	3.76E-01	-0.24	5.95E-01	0.05	4.81E-01
RP1	0.32	3.76E-01	0.51	3.03E-01	-0.90	8.15E-01
RBM4	0.32	3.76E-01	0.14	4.46E-01	-1.36	9.12E-01
COX6A1	0.32	3.76E-01	0.07	4.73E-01	-0.63	7.34E-01
MPV17L	0.32	3.76E-01	-1.25	8.95E-01	0.91	1.80E-01
INPP4B	0.32	3.76E-01	-0.69	7.53E-01	0.40	3.44E-01
MAG	0.32	3.76E-01	0.24	4.05E-01	-1.13	8.71E-01
NDST1	0.32	3.76E-01	0.43	3.32E-01	1.72	4.26E-02
UFSP2	0.32	3.76E-01	-0.23	5.92E-01	-0.53	7.01E-01
BCHE	0.32	3.76E-01	-1.19	8.83E-01	2.45	7.21E-03
CYP2C19	0.32	3.76E-01	1.12	1.31E-01	0.28	3.90E-01
SPG20	0.32	3.76E-01	0.91	1.81E-01	-0.74	7.69E-01
VDAC2	0.32	3.76E-01	0.47	3.20E-01	0.43	3.34E-01
STXBP1	0.32	3.76E-01	0.25	4.00E-01	-0.30	6.19E-01
ZNF704	0.31	3.76E-01	0.30	3.83E-01	-0.09	5.36E-01
HDHD2	0.31	3.77E-01	0.02	4.93E-01	-0.80	7.88E-01
S100A7	0.31	3.77E-01	-2.26	9.88E-01	1.00	1.59E-01
ITLN1	0.31	3.77E-01	0.28	3.91E-01	-0.43	6.65E-01
IFT172	0.31	3.77E-01	0.72	2.35E-01	1.71	4.34E-02
KLHL31	0.31	3.77E-01	-0.09	5.35E-01	0.50	3.07E-01
SH3YL1	0.31	3.77E-01	-0.34	6.34E-01	0.37	3.54E-01
TTYH2	0.31	3.77E-01	-0.47	6.82E-01	0.85	1.99E-01
ATP1A4	0.31	3.77E-01	-0.25	5.98E-01	-0.50	6.91E-01
MRPL46	0.31	3.77E-01	-0.62	7.32E-01	0.19	4.23E-01
C5orf20	0.31	3.77E-01	-0.20	5.80E-01	-0.35	6.39E-01
CKB	0.31	3.77E-01	-0.67	7.47E-01	0.17	4.33E-01

ZNF724P	0.31	3.77E-01	0.73	2.32E-01	-1.07	8.57E-01
CARNS1	0.31	3.77E-01	2.22	1.33E-02	0.46	3.23E-01
TINAGL1	0.31	3.77E-01	0.12	4.52E-01	-0.66	7.45E-01
HINFP	0.31	3.77E-01	0.59	2.78E-01	-0.87	8.09E-01
ELOF1	0.31	3.77E-01	0.08	4.68E-01	-0.50	6.92E-01
TRPV6	0.31	3.77E-01	-0.20	5.80E-01	0.31	3.80E-01
EFCAB12	0.31	3.77E-01	-1.42	9.22E-01	1.50	6.71E-02
FOXJ1	0.31	3.77E-01	1.15	1.25E-01	-1.11	8.66E-01
SETD1B	0.31	3.77E-01	0.92	1.79E-01	-0.28	6.08E-01
DGKA	0.31	3.78E-01	0.75	2.26E-01	-1.44	9.26E-01
RAB7L1	0.31	3.78E-01	-0.96	8.31E-01	-0.05	5.19E-01
AKR1B1	0.31	3.78E-01	0.87	1.93E-01	-0.85	8.02E-01
SCARA5	0.31	3.78E-01	0.85	1.99E-01	-1.58	9.43E-01
ZFH3	0.31	3.78E-01	-0.32	6.24E-01	2.40	8.26E-03
C17orf59	0.31	3.78E-01	-1.08	8.59E-01	1.10	1.35E-01
CEACAM4	0.31	3.78E-01	-0.41	6.61E-01	0.47	3.18E-01
OGFR	0.31	3.78E-01	0.94	1.74E-01	0.38	3.53E-01
LSM14B	0.31	3.78E-01	-0.84	8.01E-01	0.66	2.55E-01
RPL18	0.31	3.78E-01	-1.02	8.46E-01	0.54	2.93E-01
RHOB	0.31	3.78E-01	-1.38	9.16E-01	1.27	1.02E-01
CCDC84	0.31	3.78E-01	-1.36	9.13E-01	0.97	1.67E-01
KIF1B	0.31	3.78E-01	0.73	2.31E-01	0.54	2.95E-01
CADPS2	0.31	3.78E-01	-0.28	6.09E-01	-0.52	6.99E-01
RP11-343C2.11	0.31	3.78E-01	-1.01	8.44E-01	1.81	3.54E-02
KRT75	0.31	3.78E-01	-1.24	8.93E-01	0.74	2.31E-01
ZNF174	0.31	3.78E-01	-0.65	7.41E-01	-0.07	5.29E-01
POTEE	0.31	3.79E-01	-0.52	6.97E-01	0.15	4.41E-01
ICT1	0.31	3.79E-01	-0.60	7.24E-01	0.30	3.83E-01
SCG3	0.31	3.79E-01	0.08	4.69E-01	0.11	4.57E-01
ALDH6A1	0.31	3.79E-01	-0.37	6.46E-01	0.75	2.27E-01
SPDEF	0.31	3.79E-01	0.02	4.94E-01	0.59	2.79E-01

NCOA2	0.31	3.79E-01	1.15	1.26E-01	-0.94	8.27E-01
FAM163A	0.31	3.79E-01	0.34	3.66E-01	-0.77	7.80E-01
ELK4	0.31	3.79E-01	0.33	3.71E-01	1.44	7.51E-02
CBLN4	0.31	3.79E-01	-0.02	5.07E-01	0.40	3.44E-01
REEP1	0.31	3.79E-01	-1.66	9.51E-01	0.86	1.95E-01
43160	0.31	3.79E-01	0.91	1.82E-01	-1.32	9.07E-01
GRID2	0.31	3.79E-01	0.26	3.98E-01	0.69	2.45E-01
SF3A2	0.31	3.79E-01	0.99	1.60E-01	0.29	3.88E-01
MSGN1	0.31	3.79E-01	0.63	2.66E-01	-1.88	9.70E-01
OR51B5	0.31	3.79E-01	-0.06	5.22E-01	-0.48	6.85E-01
FAM19A2	0.31	3.79E-01	-0.27	6.05E-01	-0.36	6.39E-01
AXIN1	0.31	3.79E-01	-1.17	8.80E-01	0.92	1.80E-01
GALT	0.31	3.79E-01	0.10	4.62E-01	1.09	1.37E-01
RPTN	0.31	3.80E-01	0.59	2.76E-01	-1.94	9.74E-01
TAPT1	0.31	3.80E-01	-0.17	5.67E-01	0.79	2.16E-01
MECOM	0.31	3.80E-01	0.86	1.96E-01	-1.89	9.71E-01
POU6F1	0.31	3.80E-01	-0.39	6.52E-01	0.82	2.06E-01
GPATCH1	0.31	3.80E-01	0.76	2.25E-01	-1.34	9.09E-01
HDGFL1	0.31	3.80E-01	1.15	1.25E-01	0.26	3.97E-01
ZNF716	0.31	3.80E-01	-0.15	5.60E-01	-0.05	5.21E-01
TSRM	0.31	3.80E-01	0.23	4.10E-01	-0.68	7.53E-01
PIGU	0.31	3.80E-01	0.01	4.98E-01	-0.43	6.66E-01
FREM1	0.31	3.80E-01	0.52	3.01E-01	0.19	4.25E-01
MZT2A	0.31	3.80E-01	-0.71	7.62E-01	0.86	1.94E-01
LCN2	0.30	3.80E-01	0.35	3.64E-01	-0.80	7.87E-01
LGALS14	0.30	3.80E-01	-0.76	7.77E-01	0.74	2.30E-01
MGAT4B	0.30	3.80E-01	0.05	4.79E-01	-0.49	6.87E-01
CCDC129	0.30	3.80E-01	-0.09	5.38E-01	0.76	2.25E-01
GPC1	0.30	3.80E-01	0.54	2.94E-01	-0.24	5.93E-01
SH2D3A	0.30	3.80E-01	1.67	4.75E-02	0.23	4.08E-01
RNASEK-C17orf49	0.30	3.81E-01	-0.31	6.23E-01	0.19	4.24E-01

C17orf49	0.30	3.81E-01	-0.31	6.23E-01	0.19	4.24E-01
MYBL1	0.30	3.81E-01	0.45	3.28E-01	-0.56	7.11E-01
MIOX	0.30	3.81E-01	0.07	4.70E-01	-1.12	8.69E-01
MX2	0.30	3.81E-01	1.23	1.09E-01	0.59	2.79E-01
HBEGF	0.30	3.81E-01	0.33	3.72E-01	-0.87	8.07E-01
RWDD2B	0.30	3.81E-01	0.55	2.91E-01	-1.17	8.79E-01
TCTN2	0.30	3.81E-01	-0.23	5.90E-01	1.68	4.66E-02
ELF2	0.30	3.81E-01	0.11	4.58E-01	-0.07	5.27E-01
MOB2	0.30	3.81E-01	2.31	1.04E-02	0.60	2.73E-01
TRHR	0.30	3.81E-01	0.17	4.33E-01	0.16	4.35E-01
CCNA2	0.30	3.81E-01	-0.22	5.87E-01	1.22	1.11E-01
STAT5A	0.30	3.81E-01	0.26	3.97E-01	0.43	3.33E-01
S100A7A	0.30	3.81E-01	-0.76	7.76E-01	1.28	1.01E-01
TXNIP	0.30	3.81E-01	0.69	2.46E-01	-0.96	8.33E-01
LRRC4B	0.30	3.81E-01	0.79	2.14E-01	-1.99	9.77E-01
GBP4	0.30	3.81E-01	0.47	3.21E-01	-0.18	5.70E-01
BMS1	0.30	3.81E-01	-0.57	7.15E-01	1.26	1.05E-01
NEUROD6	0.30	3.82E-01	-0.79	7.87E-01	0.32	3.74E-01
TTC16	0.30	3.82E-01	0.88	1.88E-01	-0.67	7.48E-01
RHOF	0.30	3.82E-01	0.59	2.78E-01	0.13	4.47E-01
CCDC25	0.30	3.82E-01	0.60	2.74E-01	-1.50	9.34E-01
RCOR3	0.30	3.82E-01	0.97	1.65E-01	-0.86	8.04E-01
HLTF	0.30	3.82E-01	-1.15	8.76E-01	0.66	2.55E-01
FAM19A1	0.30	3.82E-01	1.30	9.74E-02	-0.13	5.52E-01
DIO2	0.30	3.82E-01	-0.78	7.83E-01	0.95	1.72E-01
VPS35	0.30	3.82E-01	-0.19	5.75E-01	0.47	3.20E-01
TXK	0.30	3.82E-01	-0.30	6.17E-01	0.74	2.29E-01
VSTM2L	0.30	3.82E-01	-1.32	9.06E-01	0.02	4.93E-01
FBXO47	0.30	3.82E-01	-0.38	6.46E-01	0.92	1.79E-01
CAPN7	0.30	3.82E-01	-0.52	6.98E-01	0.84	2.01E-01
FAM92A1	0.30	3.82E-01	-0.27	6.05E-01	-0.46	6.78E-01

NPCDR1	0.30	3.82E-01	-0.93	8.23E-01	0.77	2.21E-01
MAT1A	0.30	3.82E-01	0.60	2.73E-01	-0.26	6.03E-01
C2orf80	0.30	3.82E-01	0.71	2.38E-01	-1.09	8.62E-01
PAK1IP1	0.30	3.82E-01	0.34	3.67E-01	0.65	2.58E-01
TTC6	0.30	3.83E-01	0.01	4.98E-01	0.61	2.70E-01
SLC35G5	0.30	3.83E-01	1.78	3.79E-02	-0.29	6.15E-01
MAPK7	0.30	3.83E-01	0.95	1.72E-01	-1.25	8.94E-01
DEAF1	0.30	3.83E-01	-0.60	7.25E-01	1.58	5.71E-02
PLCB4	0.30	3.83E-01	1.13	1.29E-01	0.22	4.15E-01
PTGES3	0.30	3.83E-01	0.58	2.80E-01	-0.81	7.90E-01
AP5B1	0.30	3.83E-01	1.08	1.41E-01	-1.55	9.39E-01
ANKRD18B	0.30	3.83E-01	0.21	4.15E-01	-0.31	6.23E-01
SMYD4	0.30	3.83E-01	0.57	2.83E-01	-0.89	8.13E-01
FERMT2	0.30	3.83E-01	0.53	2.99E-01	-0.57	7.14E-01
KIF2C	0.30	3.83E-01	1.61	5.41E-02	-0.23	5.92E-01
C1orf228	0.30	3.83E-01	1.57	5.83E-02	-2.22	9.87E-01
ELMOD2	0.30	3.83E-01	0.64	2.62E-01	-0.67	7.47E-01
SPG21	0.30	3.84E-01	0.46	3.24E-01	-0.15	5.58E-01
AASDHPPT	0.30	3.84E-01	0.54	2.94E-01	-1.04	8.52E-01
TBC1D10C	0.30	3.84E-01	2.23	1.29E-02	1.11	1.34E-01
BCLAF1	0.30	3.84E-01	1.24	1.07E-01	-0.38	6.50E-01
FAM115C	0.30	3.84E-01	-0.35	6.36E-01	1.38	8.44E-02
ZNF610	0.30	3.84E-01	1.70	4.47E-02	1.19	1.17E-01
USP42	0.29	3.84E-01	-1.11	8.67E-01	0.76	2.24E-01
PDE3A	0.29	3.84E-01	-0.18	5.71E-01	-0.47	6.79E-01
PTPRM	0.29	3.84E-01	1.32	9.28E-02	-1.33	9.08E-01
ZNF223	0.29	3.84E-01	0.94	1.75E-01	-1.61	9.47E-01
DTD1	0.29	3.84E-01	0.48	3.16E-01	0.04	4.85E-01
B3GNT3	0.29	3.84E-01	-0.07	5.28E-01	-0.03	5.11E-01
CCL27	0.29	3.84E-01	0.94	1.74E-01	0.31	3.77E-01
MARK2	0.29	3.84E-01	-0.09	5.34E-01	0.13	4.49E-01

PPP1R13B	0.29	3.84E-01	0.23	4.09E-01	-0.51	6.96E-01
ATP9A	0.29	3.84E-01	0.83	2.04E-01	0.03	4.88E-01
TNFRSF9	0.29	3.84E-01	0.42	3.37E-01	-0.83	7.98E-01
DCAF4L1	0.29	3.85E-01	-2.37	9.91E-01	1.66	4.89E-02
RXRG	0.29	3.85E-01	-0.11	5.44E-01	0.89	1.86E-01
MRGBP	0.29	3.85E-01	-0.09	5.34E-01	0.65	2.58E-01
NBPF6	0.29	3.85E-01	-0.41	6.58E-01	0.10	4.60E-01
YBX3	0.29	3.85E-01	-0.78	7.83E-01	1.13	1.30E-01
UMOD	0.29	3.85E-01	0.19	4.25E-01	-1.12	8.69E-01
NINL	0.29	3.85E-01	0.09	4.65E-01	0.60	2.75E-01
OR1N1	0.29	3.85E-01	0.86	1.96E-01	-0.45	6.72E-01
GOLGA8M	0.29	3.85E-01	-0.99	8.38E-01	0.92	1.79E-01
KLK3	0.29	3.85E-01	-0.87	8.07E-01	0.64	2.62E-01
RHOBTB1	0.29	3.85E-01	-0.15	5.60E-01	-0.86	8.06E-01
PSMD8	0.29	3.85E-01	0.45	3.28E-01	-1.27	8.98E-01
SFPQ	0.29	3.85E-01	-0.41	6.60E-01	0.03	4.88E-01
CCDC179	0.29	3.85E-01	0.80	2.11E-01	-0.93	8.24E-01
LCN1	0.29	3.85E-01	0.46	3.22E-01	0.06	4.76E-01
PTPRF	0.29	3.85E-01	-0.22	5.87E-01	-0.22	5.88E-01
FBXO3	0.29	3.85E-01	-0.99	8.40E-01	2.12	1.71E-02
ARPC1B	0.29	3.86E-01	0.53	2.98E-01	-0.99	8.40E-01
FCRL2	0.29	3.86E-01	-0.05	5.20E-01	0.79	2.14E-01
PPP2R3C	0.29	3.86E-01	-0.36	6.42E-01	0.17	4.34E-01
CPD	0.29	3.86E-01	0.17	4.32E-01	-0.30	6.19E-01
NRIP2	0.29	3.86E-01	0.30	3.83E-01	0.40	3.46E-01
SULF1	0.29	3.86E-01	-0.05	5.21E-01	-0.15	5.61E-01
C12orf29	0.29	3.86E-01	0.81	2.08E-01	-0.54	7.05E-01
EFCAB1	0.29	3.86E-01	-0.33	6.31E-01	0.48	3.16E-01
SENP2	0.29	3.86E-01	-0.41	6.61E-01	0.06	4.77E-01
NTPCR	0.29	3.86E-01	0.62	2.67E-01	-0.15	5.61E-01
OR1B1	0.29	3.86E-01	-0.72	7.66E-01	1.02	1.54E-01

SMARCA4	0.29	3.86E-01	1.00	1.59E-01	-1.36	9.13E-01
STX12	0.29	3.86E-01	-0.86	8.06E-01	0.34	3.68E-01
EIF1B	0.29	3.86E-01	1.12	1.32E-01	-0.40	6.54E-01
PPP1R7	0.29	3.86E-01	-0.25	5.97E-01	-0.58	7.18E-01
C12orf54	0.29	3.87E-01	-0.38	6.50E-01	0.29	3.86E-01
KCNJ4	0.29	3.87E-01	-0.08	5.32E-01	0.43	3.33E-01
C1orf189	0.29	3.87E-01	0.22	4.13E-01	-0.16	5.65E-01
TCEA2	0.29	3.87E-01	0.42	3.36E-01	-0.15	5.58E-01
OR11A1	0.29	3.87E-01	-0.12	5.48E-01	0.49	3.14E-01
WDR55	0.29	3.87E-01	-0.61	7.30E-01	-0.02	5.10E-01
KRT79	0.29	3.87E-01	0.54	2.95E-01	-1.35	9.12E-01
PTGFRN	0.29	3.87E-01	0.39	3.50E-01	0.48	3.14E-01
LAMTOR4	0.29	3.87E-01	0.08	4.70E-01	1.63	5.14E-02
GUK1	0.29	3.87E-01	0.54	2.95E-01	-1.07	8.57E-01
MXRA8	0.29	3.87E-01	0.57	2.83E-01	-0.83	7.98E-01
NDUFAF7	0.29	3.87E-01	-0.03	5.13E-01	0.38	3.53E-01
CAPZA1	0.29	3.87E-01	0.80	2.12E-01	-1.24	8.93E-01
TPRXL	0.29	3.87E-01	-0.67	7.50E-01	0.35	3.62E-01
SNX14	0.29	3.87E-01	0.01	4.96E-01	0.47	3.19E-01
SRRM4	0.29	3.87E-01	-0.12	5.49E-01	-0.14	5.56E-01
BRSK1	0.29	3.87E-01	0.88	1.90E-01	-0.41	6.58E-01
NCAPD3	0.29	3.87E-01	-0.01	5.03E-01	0.44	3.30E-01
NPC1L1	0.29	3.87E-01	0.22	4.14E-01	2.74	3.03E-03
PMAIP1	0.29	3.87E-01	0.57	2.85E-01	1.02	1.53E-01
YTHDF2	0.29	3.87E-01	0.59	2.77E-01	-0.78	7.83E-01
ERI1	0.29	3.87E-01	-0.61	7.29E-01	0.35	3.61E-01
C19orf77	0.29	3.87E-01	1.58	5.71E-02	1.67	4.73E-02
LEO1	0.29	3.87E-01	-1.36	9.14E-01	1.48	7.00E-02
PDE6A	0.29	3.88E-01	0.41	3.40E-01	-1.39	9.18E-01
P2RY2	0.29	3.88E-01	-1.10	8.65E-01	0.30	3.84E-01
NCOR2	0.29	3.88E-01	1.63	5.17E-02	0.60	2.75E-01



LRRC48	0.29	3.88E-01	1.21	1.13E-01	-0.45	6.75E-01
UTP6	0.28	3.88E-01	0.25	4.01E-01	-0.04	5.18E-01
ATP13A1	0.28	3.88E-01	1.65	4.95E-02	-0.92	8.20E-01
SUPT7L	0.28	3.88E-01	-0.92	8.20E-01	0.86	1.96E-01
PDE2A	0.28	3.88E-01	-1.16	8.77E-01	1.44	7.45E-02
WBP2NL	0.28	3.89E-01	0.88	1.90E-01	-1.53	9.37E-01
CATSPERG	0.28	3.89E-01	0.97	1.66E-01	-0.26	6.01E-01
FMOD	0.28	3.89E-01	0.12	4.51E-01	-1.32	9.07E-01
AK2	0.28	3.89E-01	0.78	2.19E-01	0.08	4.68E-01
JAG1	0.28	3.89E-01	-0.45	6.74E-01	0.05	4.79E-01
VWDE	0.28	3.89E-01	-0.73	7.68E-01	0.81	2.09E-01
MYEOV	0.28	3.89E-01	0.62	2.67E-01	-0.95	8.29E-01
FAM209B	0.28	3.89E-01	-0.15	5.61E-01	-0.18	5.72E-01
MIPOL1	0.28	3.89E-01	0.13	4.47E-01	-0.64	7.39E-01
TMEM243	0.28	3.89E-01	0.20	4.20E-01	-0.63	7.36E-01
TP53INP1	0.28	3.89E-01	-1.74	9.59E-01	0.39	3.48E-01
NLN	0.28	3.89E-01	0.99	1.60E-01	1.61	5.35E-02
NPTX2	0.28	3.89E-01	0.56	2.86E-01	0.47	3.20E-01
DDX41	0.28	3.89E-01	-1.83	9.66E-01	1.05	1.47E-01
SLC26A4	0.28	3.90E-01	0.05	4.80E-01	-0.60	7.26E-01
P2RY13	0.28	3.90E-01	0.07	4.73E-01	-0.19	5.76E-01
PGC	0.28	3.90E-01	-0.50	6.92E-01	-0.51	6.95E-01
ZWILCH	0.28	3.90E-01	0.15	4.42E-01	0.04	4.84E-01
NGF	0.28	3.90E-01	-0.08	5.32E-01	-0.04	5.16E-01
SRSF4	0.28	3.90E-01	0.09	4.65E-01	-0.29	6.16E-01
CNPY3	0.28	3.90E-01	1.33	9.18E-02	-0.75	7.74E-01
GLI2	0.28	3.90E-01	-0.49	6.87E-01	0.13	4.50E-01
VASN	0.28	3.90E-01	0.29	3.87E-01	0.67	2.51E-01
ZNF141	0.28	3.90E-01	0.68	2.47E-01	-2.18	9.85E-01
KIAA0556	0.28	3.90E-01	0.78	2.18E-01	-0.71	7.60E-01
GTPBP2	0.28	3.90E-01	-0.08	5.30E-01	-0.19	5.74E-01

THSD4	0.28	3.90E-01	0.10	4.62E-01	0.77	2.19E-01
HDAC10	0.28	3.90E-01	-0.76	7.77E-01	0.26	3.99E-01
PCMT1	0.28	3.90E-01	-0.60	7.25E-01	0.34	3.66E-01
DNAH6	0.28	3.90E-01	-0.01	5.03E-01	0.69	2.45E-01
IL33	0.28	3.90E-01	-1.46	9.28E-01	1.13	1.28E-01
ZNF585A	0.28	3.90E-01	-0.17	5.69E-01	1.05	1.47E-01
ATPAF2	0.28	3.90E-01	1.18	1.19E-01	-0.40	6.54E-01
ATG14	0.28	3.90E-01	0.34	3.65E-01	0.08	4.68E-01
ZBED2	0.28	3.91E-01	0.44	3.29E-01	0.62	2.66E-01
XAB2	0.28	3.91E-01	1.13	1.30E-01	-0.57	7.17E-01
UBFD1	0.28	3.91E-01	0.01	4.98E-01	-0.17	5.66E-01
DFNA5	0.28	3.91E-01	0.16	4.36E-01	-0.83	7.96E-01
DYNC111	0.28	3.91E-01	-0.39	6.52E-01	1.16	1.22E-01
LYG2	0.28	3.91E-01	0.49	3.13E-01	0.33	3.71E-01
VPS54	0.28	3.91E-01	-0.55	7.10E-01	-0.70	7.58E-01
MURC	0.28	3.91E-01	0.74	2.31E-01	-0.39	6.50E-01
C7orf71	0.28	3.91E-01	0.75	2.26E-01	-1.00	8.41E-01
EPC1	0.28	3.91E-01	0.59	2.77E-01	0.50	3.09E-01
MUC3A	0.28	3.91E-01	0.53	3.00E-01	0.82	2.07E-01
TM9SF1	0.28	3.91E-01	-0.23	5.92E-01	0.08	4.68E-01
TM9SF1	0.28	3.91E-01	-0.23	5.92E-01	0.08	4.68E-01
SYT8	0.28	3.91E-01	0.30	3.81E-01	-0.83	7.98E-01
NHLH1	0.28	3.91E-01	-0.79	7.86E-01	0.19	4.26E-01
CLTA	0.28	3.91E-01	-0.50	6.93E-01	-0.57	7.15E-01
MBD6	0.28	3.91E-01	0.68	2.48E-01	-1.70	9.55E-01
RAB42	0.28	3.91E-01	-0.02	5.06E-01	0.74	2.29E-01
KIAA0895L	0.28	3.91E-01	-0.89	8.13E-01	-0.17	5.69E-01
C5orf17	0.28	3.92E-01	0.87	1.92E-01	-0.28	6.12E-01
MBLAC2	0.28	3.92E-01	0.32	3.76E-01	-0.56	7.12E-01
GTF2IRD1	0.27	3.92E-01	0.67	2.51E-01	-1.34	9.09E-01
IL2RA	0.27	3.92E-01	0.94	1.74E-01	-0.26	6.04E-01

SPEN	0.27	3.92E-01	-1.01	8.45E-01	-0.24	5.94E-01
OPN5	0.27	3.92E-01	0.33	3.69E-01	-0.78	7.82E-01
MRGPRX4	0.27	3.92E-01	-0.03	5.13E-01	-0.38	6.49E-01
OR10T2	0.27	3.92E-01	-1.80	9.64E-01	1.32	9.32E-02
CACUL1	0.27	3.93E-01	-2.36	9.91E-01	1.08	1.39E-01
NPL	0.27	3.93E-01	0.38	3.52E-01	-1.15	8.76E-01
SYNGAP1	0.27	3.93E-01	0.74	2.29E-01	-1.15	8.75E-01
SOCS1	0.27	3.93E-01	0.61	2.72E-01	-1.14	8.72E-01
MKL2	0.27	3.93E-01	0.63	2.64E-01	-1.04	8.51E-01
NMI	0.27	3.93E-01	-0.69	7.56E-01	1.18	1.18E-01
CLEC3B	0.27	3.93E-01	-0.98	8.37E-01	0.38	3.50E-01
OR12D2	0.27	3.93E-01	0.04	4.85E-01	0.31	3.79E-01
GID4	0.27	3.93E-01	1.18	1.18E-01	-0.35	6.37E-01
FLNB	0.27	3.93E-01	0.80	2.13E-01	0.21	4.17E-01
METTL10	0.27	3.93E-01	-0.34	6.31E-01	-0.48	6.84E-01
AC019171.1	0.27	3.93E-01	1.36	8.77E-02	-0.21	5.84E-01
MPZ	0.27	3.93E-01	1.39	8.21E-02	-0.73	7.67E-01
PPP2R2C	0.27	3.93E-01	1.34	8.94E-02	-0.47	6.80E-01
FBXO4	0.27	3.94E-01	0.49	3.12E-01	-0.51	6.95E-01
RASD1	0.27	3.94E-01	0.63	2.64E-01	-1.11	8.66E-01
ASB18	0.27	3.94E-01	1.03	1.52E-01	1.95	2.57E-02
PPAPDC2	0.27	3.94E-01	0.26	3.96E-01	0.63	2.63E-01
C19orf38	0.27	3.94E-01	1.18	1.19E-01	-0.51	6.95E-01
GPATCH4	0.27	3.94E-01	0.03	4.86E-01	1.85	3.23E-02
PPP1R14D	0.27	3.94E-01	0.82	2.07E-01	-1.00	8.42E-01
GMEB1	0.27	3.94E-01	1.04	1.48E-01	0.24	4.06E-01
ZC3H3	0.27	3.94E-01	-0.06	5.24E-01	0.19	4.24E-01
EFCAB7	0.27	3.94E-01	0.25	4.03E-01	-1.42	9.22E-01
ZNF77	0.27	3.94E-01	-0.07	5.29E-01	0.84	2.00E-01
KLHL5	0.27	3.94E-01	0.05	4.79E-01	-0.32	6.25E-01
RFC5	0.27	3.94E-01	0.40	3.44E-01	0.77	2.21E-01

UQCRC2	0.27	3.94E-01	0.61	2.71E-01	0.04	4.84E-01
C8orf49	0.27	3.94E-01	-0.30	6.17E-01	2.41	8.08E-03
RPP25	0.27	3.94E-01	0.47	3.19E-01	-1.57	9.42E-01
LRIT3	0.27	3.94E-01	-1.08	8.59E-01	0.73	2.32E-01
ZNF534	0.27	3.94E-01	0.10	4.61E-01	-0.18	5.73E-01
OSBPL6	0.27	3.94E-01	-0.26	6.04E-01	0.11	4.56E-01
KRTAP16-1	0.27	3.94E-01	0.65	2.57E-01	-1.49	9.32E-01
STARD6	0.27	3.94E-01	-0.78	7.83E-01	0.39	3.48E-01
MGAT2	0.27	3.95E-01	-0.23	5.92E-01	-0.25	5.98E-01
NAF1	0.27	3.95E-01	-0.67	7.50E-01	-0.36	6.42E-01
CPSF2	0.27	3.95E-01	-0.57	7.14E-01	0.69	2.45E-01
RNF130	0.27	3.95E-01	1.84	3.25E-02	0.05	4.78E-01
CARD6	0.27	3.95E-01	1.33	9.22E-02	-0.02	5.06E-01
PGAM1	0.27	3.95E-01	0.16	4.35E-01	-0.46	6.76E-01
METTL25	0.27	3.95E-01	1.52	6.38E-02	-0.37	6.43E-01
TEX36	0.27	3.95E-01	0.68	2.49E-01	-0.29	6.13E-01
CADM3	0.27	3.95E-01	0.48	3.16E-01	0.09	4.65E-01
KCND2	0.27	3.95E-01	-1.21	8.88E-01	0.78	2.18E-01
ZNF687	0.27	3.95E-01	-0.07	5.30E-01	-0.01	5.06E-01
TIFAB	0.27	3.95E-01	-0.30	6.16E-01	-0.49	6.88E-01
UNC93B1	0.27	3.95E-01	-0.24	5.94E-01	1.43	7.70E-02
FBXL2	0.27	3.95E-01	0.03	4.86E-01	2.11	1.76E-02
TRAPPC8	0.27	3.95E-01	0.40	3.43E-01	0.79	2.14E-01
C8orf31	0.27	3.95E-01	0.97	1.65E-01	-1.56	9.41E-01
AGPAT6	0.27	3.95E-01	-0.62	7.32E-01	-0.56	7.14E-01
DNAH12	0.27	3.95E-01	1.15	1.25E-01	1.01	1.56E-01
MFN1	0.27	3.95E-01	0.71	2.40E-01	-1.75	9.60E-01
ATP5O	0.27	3.95E-01	1.50	6.67E-02	1.21	1.13E-01
FADS3	0.27	3.95E-01	-0.84	7.99E-01	0.91	1.82E-01
CCP110	0.27	3.95E-01	0.79	2.13E-01	-0.95	8.29E-01
HEXIM2	0.27	3.95E-01	0.65	2.57E-01	0.71	2.39E-01

DIRC1	0.27	3.95E-01	-1.52	9.36E-01	0.87	1.92E-01
KIAA1211	0.27	3.95E-01	0.06	4.74E-01	-0.27	6.07E-01
RBM46	0.27	3.95E-01	-0.72	7.64E-01	-0.18	5.70E-01
OR5P2	0.27	3.95E-01	-0.38	6.49E-01	0.12	4.54E-01
SCN7A	0.27	3.95E-01	-0.45	6.74E-01	-0.53	7.02E-01
CARD16	0.27	3.95E-01	-1.50	9.34E-01	1.24	1.08E-01
FGF2	0.26	3.96E-01	-1.53	9.37E-01	1.10	1.36E-01
LRFN2	0.26	3.96E-01	1.72	4.29E-02	0.35	3.64E-01
SETD4	0.26	3.96E-01	-0.38	6.47E-01	-0.57	7.16E-01
PHF2	0.26	3.96E-01	0.99	1.61E-01	-0.07	5.27E-01
SRRM1	0.26	3.96E-01	-0.05	5.20E-01	-0.35	6.36E-01
ENOX1	0.26	3.96E-01	0.07	4.72E-01	-0.35	6.37E-01
KRT34	0.26	3.96E-01	0.05	4.81E-01	-0.98	8.37E-01
MYF5	0.26	3.96E-01	0.76	2.23E-01	-1.66	9.51E-01
USP30	0.26	3.96E-01	-0.62	7.33E-01	0.64	2.60E-01
IGSF23	0.26	3.96E-01	0.11	4.58E-01	2.63	4.26E-03
AP000322.53	0.26	3.96E-01	-0.66	7.45E-01	0.18	4.27E-01
ZIM2	0.26	3.96E-01	0.17	4.31E-01	-1.00	8.42E-01
TMEM106B	0.26	3.96E-01	0.52	3.01E-01	-0.52	6.98E-01
KRTAP12-2	0.26	3.96E-01	0.46	3.23E-01	-0.69	7.56E-01
ELSPBP1	0.26	3.96E-01	-0.12	5.49E-01	0.89	1.88E-01
PRKAG3	0.26	3.96E-01	0.39	3.47E-01	-0.69	7.56E-01
RUNDC3A	0.26	3.97E-01	0.25	3.99E-01	-1.40	9.19E-01
TRIM58	0.26	3.97E-01	0.05	4.81E-01	0.06	4.77E-01
C20orf144	0.26	3.97E-01	0.03	4.87E-01	-0.24	5.95E-01
TAF1A	0.26	3.97E-01	-0.69	7.54E-01	-0.10	5.41E-01
PARP6	0.26	3.97E-01	-0.53	7.02E-01	0.21	4.19E-01
TMEM131	0.26	3.97E-01	-0.22	5.86E-01	-0.92	8.22E-01
NARF	0.26	3.97E-01	-0.14	5.58E-01	-0.36	6.39E-01
OR8U1	0.26	3.97E-01	0.63	2.66E-01	-1.57	9.42E-01
ZBTB1	0.26	3.97E-01	-0.40	6.55E-01	-0.19	5.77E-01

TRMT44	0.26	3.97E-01	0.26	3.97E-01	-0.01	5.03E-01
NUB1	0.26	3.97E-01	-0.08	5.32E-01	1.95	2.55E-02
CNTROB	0.26	3.97E-01	0.64	2.60E-01	-0.88	8.10E-01
TEKT4	0.26	3.97E-01	-0.27	6.08E-01	-0.10	5.38E-01
CSN2	0.26	3.97E-01	-0.67	7.50E-01	-0.16	5.63E-01
UBE2L6	0.26	3.98E-01	-0.19	5.74E-01	-0.70	7.59E-01
ZNF223	0.26	3.98E-01	1.20	1.14E-01	-1.62	9.47E-01
SLC2A7	0.26	3.98E-01	-0.25	5.99E-01	-0.16	5.64E-01
TFAP2D	0.26	3.98E-01	0.25	4.02E-01	-1.24	8.92E-01
LRRC69	0.26	3.98E-01	0.09	4.64E-01	-0.43	6.67E-01
GPR62	0.26	3.98E-01	0.82	2.07E-01	-1.06	8.56E-01
43163	0.26	3.98E-01	1.13	1.29E-01	-1.20	8.85E-01
PRM3	0.26	3.98E-01	0.61	2.70E-01	-2.62	9.96E-01
DNMT3A	0.26	3.98E-01	0.62	2.67E-01	1.57	5.85E-02
ATP2B1	0.26	3.98E-01	1.79	3.70E-02	0.08	4.69E-01
ASPHD2	0.26	3.98E-01	0.31	3.77E-01	0.19	4.25E-01
MS4A6A	0.26	3.98E-01	-1.03	8.48E-01	0.57	2.85E-01
CXCL1	0.26	3.98E-01	0.00	5.01E-01	-0.36	6.41E-01
RPL22	0.26	3.98E-01	1.12	1.31E-01	-1.21	8.87E-01
OSGIN1	0.26	3.98E-01	-0.61	7.30E-01	1.34	9.08E-02
ARHGAP10	0.26	3.98E-01	1.08	1.41E-01	-1.02	8.45E-01
NCR2	0.26	3.99E-01	0.70	2.43E-01	0.47	3.18E-01
ZC3H8	0.26	3.99E-01	-0.99	8.39E-01	0.41	3.39E-01
NDFIP2	0.26	3.99E-01	1.09	1.37E-01	-0.84	8.01E-01
JAKMIP1	0.26	3.99E-01	1.11	1.33E-01	-0.02	5.06E-01
PSMD7	0.26	3.99E-01	0.12	4.51E-01	0.38	3.52E-01
FOXA2	0.26	3.99E-01	-0.28	6.08E-01	0.65	2.59E-01
CASZ1	0.26	3.99E-01	-0.03	5.13E-01	-0.56	7.13E-01
ORAI3	0.26	3.99E-01	-2.08	9.81E-01	0.88	1.90E-01
PPA2	0.26	3.99E-01	1.57	5.83E-02	0.08	4.67E-01
ADTRP	0.26	3.99E-01	0.04	4.83E-01	-0.32	6.25E-01

TAF13	0.26	3.99E-01	-0.56	7.12E-01	-0.10	5.41E-01
IL7R	0.25	3.99E-01	0.48	3.17E-01	-0.38	6.47E-01
SPATA21	0.25	3.99E-01	-0.05	5.18E-01	-1.53	9.37E-01
UBE2T	0.25	3.99E-01	-0.08	5.32E-01	-0.92	8.21E-01
CEACAM19	0.25	4.00E-01	2.34	9.65E-03	2.85	2.16E-03
STAG3	0.25	4.00E-01	-0.74	7.70E-01	0.05	4.82E-01
TIRAP	0.25	4.00E-01	-0.46	6.77E-01	0.53	2.99E-01
JSRP1	0.25	4.00E-01	-0.33	6.30E-01	-0.53	7.01E-01
TSPAN15	0.25	4.00E-01	0.74	2.29E-01	1.06	1.46E-01
EXOC3L1	0.25	4.00E-01	-0.54	7.06E-01	-0.25	6.00E-01
CASP10	0.25	4.00E-01	0.63	2.65E-01	-1.00	8.42E-01
SHCBP1L	0.25	4.00E-01	-0.02	5.08E-01	-0.67	7.47E-01
TTC13	0.25	4.00E-01	0.91	1.81E-01	-0.40	6.56E-01
CLSTN1	0.25	4.00E-01	0.88	1.90E-01	-0.67	7.48E-01
CPA1	0.25	4.00E-01	1.18	1.18E-01	-0.21	5.85E-01
TOMM70A	0.25	4.00E-01	-0.09	5.37E-01	-0.08	5.31E-01
ALPK3	0.25	4.00E-01	-0.76	7.77E-01	0.65	2.59E-01
POT1	0.25	4.00E-01	-0.97	8.34E-01	1.07	1.42E-01
SLC39A9	0.25	4.00E-01	-0.18	5.72E-01	-0.32	6.26E-01
ATG16L1	0.25	4.00E-01	1.91	2.81E-02	0.45	3.27E-01
GTF2A1L	0.25	4.00E-01	0.12	4.51E-01	-0.87	8.08E-01
IP6K3	0.25	4.00E-01	-0.78	7.83E-01	0.04	4.85E-01
IL20RB	0.25	4.00E-01	-0.09	5.37E-01	-0.09	5.36E-01
DEFB119	0.25	4.00E-01	1.91	2.80E-02	0.86	1.96E-01
ANG	0.25	4.01E-01	0.29	3.85E-01	-1.74	9.59E-01
FAM151B	0.25	4.01E-01	-0.77	7.78E-01	-0.47	6.81E-01
VEZF1	0.25	4.01E-01	-1.06	8.55E-01	1.39	8.26E-02
LTK	0.25	4.01E-01	0.20	4.19E-01	-0.91	8.18E-01
CRYBG3	0.25	4.01E-01	0.37	3.57E-01	-1.14	8.73E-01
DNAH17-AS1	0.25	4.01E-01	1.27	1.02E-01	0.93	1.76E-01
SNAPIN	0.25	4.01E-01	-1.08	8.60E-01	1.73	4.14E-02

CA11	0.25	4.01E-01	-1.33	9.08E-01	0.58	2.80E-01
ZNF749	0.25	4.01E-01	0.58	2.81E-01	-0.21	5.83E-01
HEXDC	0.25	4.01E-01	-0.07	5.29E-01	-0.76	7.76E-01
DUSP8	0.25	4.01E-01	1.91	2.83E-02	0.09	4.64E-01
SMURF1	0.25	4.01E-01	-0.48	6.85E-01	0.41	3.42E-01
DNAH5	0.25	4.01E-01	1.86	3.15E-02	1.11	1.33E-01
YOD1	0.25	4.01E-01	0.71	2.40E-01	-0.73	7.68E-01
TBC1D24	0.25	4.01E-01	0.32	3.73E-01	-0.18	5.72E-01
VAMP1	0.25	4.01E-01	0.93	1.76E-01	-0.26	6.03E-01
ENTHD1	0.25	4.01E-01	-1.01	8.43E-01	1.61	5.40E-02
RND2	0.25	4.02E-01	-0.80	7.88E-01	0.56	2.88E-01
MCHR1	0.25	4.02E-01	-1.05	8.54E-01	1.86	3.15E-02
TOR1AIP1	0.25	4.02E-01	-0.23	5.90E-01	0.37	3.55E-01
HDAC7	0.25	4.02E-01	-0.99	8.39E-01	2.12	1.70E-02
RMDN3	0.25	4.02E-01	0.59	2.79E-01	-1.11	8.67E-01
SH3GLB1	0.25	4.02E-01	-0.42	6.64E-01	0.92	1.78E-01
ANK3	0.25	4.02E-01	0.54	2.93E-01	-0.43	6.68E-01
OR51L1	0.25	4.02E-01	-0.09	5.35E-01	0.10	4.59E-01
C21orf128	0.25	4.02E-01	0.16	4.38E-01	-0.13	5.54E-01
CTD-2210P24.4	0.25	4.02E-01	-0.65	7.41E-01	1.82	3.47E-02
PCGF2	0.25	4.02E-01	0.40	3.43E-01	-0.23	5.91E-01
FAM8A1	0.25	4.02E-01	-0.71	7.60E-01	0.15	4.42E-01
KLF12	0.25	4.02E-01	-0.69	7.54E-01	1.26	1.03E-01
ST7L	0.25	4.02E-01	0.68	2.49E-01	-1.38	9.16E-01
POPDC3	0.25	4.02E-01	0.24	4.04E-01	-0.28	6.10E-01
HSPB6	0.25	4.02E-01	-0.16	5.63E-01	0.57	2.83E-01
SLC25A44	0.25	4.02E-01	-0.23	5.92E-01	1.23	1.09E-01
LTBP3	0.25	4.03E-01	0.20	4.22E-01	-0.98	8.35E-01
RTP3	0.25	4.03E-01	-1.01	8.44E-01	0.42	3.36E-01
EFEMP1	0.25	4.03E-01	-0.25	6.00E-01	-0.09	5.35E-01
FAM188B2	0.25	4.03E-01	0.52	3.02E-01	-0.30	6.17E-01



GPR37L1	0.25	4.03E-01	-0.05	5.18E-01	-1.01	8.44E-01
MOCS1	0.25	4.03E-01	1.18	1.19E-01	-0.46	6.76E-01
TRIM46	0.25	4.03E-01	-0.40	6.56E-01	-0.28	6.11E-01
ATP5F1	0.25	4.03E-01	-0.76	7.76E-01	1.78	3.78E-02
PRSS35	0.25	4.03E-01	-0.32	6.26E-01	2.00	2.27E-02
HGD	0.25	4.03E-01	0.98	1.63E-01	-0.89	8.13E-01
PYCR2	0.25	4.03E-01	-0.59	7.23E-01	-0.37	6.43E-01
TMEM167A	0.25	4.03E-01	1.16	1.23E-01	0.52	3.02E-01
USP38	0.25	4.03E-01	-0.67	7.50E-01	-0.04	5.15E-01
HIST1H3H	0.25	4.03E-01	0.32	3.74E-01	2.16	1.53E-02
ITPA	0.25	4.03E-01	-0.65	7.43E-01	-0.13	5.54E-01
C16orf47	0.24	4.03E-01	0.97	1.66E-01	-0.28	6.08E-01
PPIE	0.24	4.03E-01	0.02	4.91E-01	-1.37	9.15E-01
ARHGEF11	0.24	4.03E-01	-0.60	7.24E-01	-0.06	5.24E-01
RAD50	0.24	4.04E-01	-0.67	7.48E-01	1.65	4.94E-02
PTPRA	0.24	4.04E-01	-0.17	5.69E-01	-0.66	7.47E-01
NIM1K	0.24	4.04E-01	-1.41	9.21E-01	0.18	4.29E-01
GPX4	0.24	4.04E-01	0.88	1.88E-01	1.42	7.82E-02
CD74	0.24	4.04E-01	0.62	2.67E-01	-0.63	7.37E-01
ASXL3	0.24	4.04E-01	0.15	4.42E-01	-0.44	6.69E-01
TSPAN13	0.24	4.04E-01	-0.97	8.33E-01	0.07	4.71E-01
DROSHA	0.24	4.04E-01	-0.67	7.49E-01	-0.05	5.20E-01
BRMS1L	0.24	4.04E-01	-0.72	7.63E-01	0.77	2.21E-01
SCLY	0.24	4.04E-01	0.25	4.02E-01	-0.37	6.44E-01
FREM2	0.24	4.04E-01	0.19	4.25E-01	-0.15	5.61E-01
BAZ2A	0.24	4.04E-01	0.86	1.94E-01	-1.13	8.72E-01
GNG8	0.24	4.04E-01	-0.01	5.04E-01	-0.23	5.90E-01
HARS	0.24	4.04E-01	-0.81	7.91E-01	0.06	4.77E-01
LAMP3	0.24	4.04E-01	0.45	3.26E-01	0.71	2.38E-01
GINS3	0.24	4.04E-01	0.84	2.01E-01	-2.30	9.89E-01
RPS6KA2	0.24	4.04E-01	-0.34	6.31E-01	-0.96	8.32E-01

TMEM132A	0.24	4.04E-01	-0.94	8.25E-01	0.10	4.62E-01
LXN	0.24	4.04E-01	1.29	9.81E-02	-1.08	8.60E-01
OR52E2	0.24	4.04E-01	0.41	3.40E-01	0.17	4.34E-01
ATP10B	0.24	4.05E-01	-0.23	5.91E-01	-0.81	7.90E-01
ZADH2	0.24	4.05E-01	-0.39	6.52E-01	-0.56	7.11E-01
TUBA3E	0.24	4.05E-01	0.74	2.29E-01	-1.17	8.80E-01
RFX6	0.24	4.05E-01	0.78	2.17E-01	-1.35	9.11E-01
RNF121	0.24	4.05E-01	0.51	3.07E-01	-0.23	5.92E-01
C4orf48	0.24	4.05E-01	0.79	2.16E-01	-1.36	9.14E-01
LSP1	0.24	4.05E-01	0.24	4.04E-01	-0.96	8.31E-01
GGT1	0.24	4.05E-01	1.00	1.60E-01	-0.83	7.98E-01
KIAA1024	0.24	4.05E-01	0.16	4.35E-01	1.72	4.29E-02
RAMP2	0.24	4.05E-01	-0.60	7.26E-01	-0.13	5.53E-01
ARHGAP11A	0.24	4.05E-01	-1.52	9.36E-01	0.51	3.04E-01
PEAK1	0.24	4.05E-01	-1.59	9.44E-01	0.64	2.61E-01
MTRNR2L1	0.24	4.05E-01	-1.22	8.89E-01	0.63	2.64E-01
OSTF1	0.24	4.05E-01	-0.22	5.86E-01	0.13	4.50E-01
KIAA1161	0.24	4.05E-01	-1.03	8.49E-01	1.06	1.44E-01
CCNF	0.24	4.05E-01	1.19	1.17E-01	-0.67	7.49E-01
EVA1A	0.24	4.06E-01	-0.20	5.81E-01	0.45	3.25E-01
ANKRD42	0.24	4.06E-01	-1.80	9.64E-01	1.63	5.14E-02
SPR	0.24	4.06E-01	-0.55	7.09E-01	0.02	4.91E-01
KATNA1	0.24	4.06E-01	-0.60	7.24E-01	0.20	4.22E-01
NR5A2	0.24	4.06E-01	-0.13	5.50E-01	0.56	2.87E-01
C6orf106	0.24	4.06E-01	-1.54	9.39E-01	1.87	3.07E-02
SMARCAL1	0.24	4.06E-01	-0.75	7.73E-01	2.33	9.96E-03
IQUB	0.24	4.06E-01	0.80	2.11E-01	-0.16	5.62E-01
MAGI3	0.24	4.06E-01	-0.51	6.96E-01	-0.72	7.65E-01
NDUFAF4	0.24	4.06E-01	-1.39	9.17E-01	0.36	3.61E-01
USMG5	0.24	4.06E-01	-0.46	6.76E-01	-0.45	6.73E-01
GAK	0.24	4.06E-01	-0.10	5.41E-01	1.83	3.39E-02

ALOX12	0.24	4.06E-01	0.94	1.73E-01	-1.74	9.59E-01
SCHIP1	0.24	4.06E-01	0.20	4.20E-01	-0.57	7.16E-01
PRR22	0.24	4.06E-01	-0.42	6.62E-01	0.16	4.37E-01
LHX2	0.24	4.06E-01	-0.25	5.98E-01	1.67	4.72E-02
NDUFV3	0.24	4.07E-01	-0.08	5.33E-01	0.04	4.83E-01
RNASE4	0.24	4.07E-01	0.29	3.87E-01	-1.83	9.66E-01
BMPER	0.24	4.07E-01	0.62	2.67E-01	0.24	4.06E-01
SZRD1	0.24	4.07E-01	-0.17	5.66E-01	-1.09	8.62E-01
BMP7	0.24	4.07E-01	-0.34	6.32E-01	1.11	1.33E-01
NPHP4	0.24	4.07E-01	0.64	2.60E-01	-0.49	6.89E-01
SCN1A	0.24	4.07E-01	-0.23	5.92E-01	0.64	2.61E-01
NUPL1	0.24	4.07E-01	-0.61	7.29E-01	0.35	3.63E-01
MAVS	0.24	4.07E-01	0.35	3.62E-01	-1.11	8.66E-01
RAB30	0.24	4.07E-01	-0.18	5.72E-01	1.62	5.31E-02
LMX1B	0.24	4.07E-01	0.54	2.96E-01	1.11	1.33E-01
TMED5	0.24	4.07E-01	0.06	4.76E-01	1.71	4.36E-02
HSD17B7	0.24	4.07E-01	0.01	4.96E-01	0.33	3.71E-01
FEZ2	0.23	4.07E-01	-1.63	9.49E-01	0.70	2.41E-01
C14orf142	0.23	4.07E-01	-0.50	6.92E-01	-0.16	5.62E-01
BTNL9	0.23	4.07E-01	-0.91	8.20E-01	-0.29	6.14E-01
SLC5A1	0.23	4.07E-01	-0.42	6.64E-01	1.20	1.15E-01
TRIM72	0.23	4.07E-01	0.55	2.92E-01	0.44	3.31E-01
ENC1	0.23	4.07E-01	-0.27	6.08E-01	-0.44	6.70E-01
CYP27C1	0.23	4.07E-01	-1.13	8.71E-01	0.23	4.10E-01
MIB1	0.23	4.08E-01	0.19	4.24E-01	-0.93	8.25E-01
NUP153	0.23	4.08E-01	-0.81	7.92E-01	0.67	2.50E-01
EXOSC7	0.23	4.08E-01	-1.02	8.46E-01	0.46	3.23E-01
DLX6	0.23	4.08E-01	0.77	2.20E-01	0.68	2.49E-01
CTSO	0.23	4.08E-01	0.92	1.80E-01	-0.64	7.39E-01
HAAO	0.23	4.08E-01	0.17	4.34E-01	-0.30	6.18E-01
MZT2B	0.23	4.08E-01	0.88	1.90E-01	-0.87	8.08E-01

RHO	0.23	4.08E-01	-1.77	9.62E-01	0.85	1.98E-01
HSD3B1	0.23	4.08E-01	-0.89	8.14E-01	0.77	2.21E-01
ARHGAP5	0.23	4.08E-01	0.52	3.01E-01	0.74	2.29E-01
LEPREL4	0.23	4.08E-01	0.18	4.27E-01	-0.24	5.94E-01
SON	0.23	4.08E-01	0.60	2.74E-01	-1.81	9.65E-01
CCDC12	0.23	4.08E-01	-1.22	8.89E-01	1.69	4.51E-02
ERAP2	0.23	4.08E-01	0.14	4.43E-01	0.82	2.07E-01
COX8C	0.23	4.08E-01	0.33	3.72E-01	-0.39	6.51E-01
CCDC23	0.23	4.08E-01	0.17	4.34E-01	-0.11	5.44E-01
KCNAB3	0.23	4.08E-01	0.46	3.24E-01	-1.01	8.43E-01
CLIP2	0.23	4.08E-01	0.01	4.95E-01	-0.74	7.71E-01
SNTA1	0.23	4.08E-01	0.73	2.31E-01	-0.75	7.73E-01
TCEA1	0.23	4.08E-01	-0.67	7.47E-01	0.11	4.57E-01
TMEM239	0.23	4.08E-01	-0.37	6.44E-01	-0.22	5.86E-01
CLEC4M	0.23	4.09E-01	-0.03	5.10E-01	0.75	2.28E-01
KHK	0.23	4.09E-01	1.53	6.31E-02	0.47	3.21E-01
MPDZ	0.23	4.09E-01	-0.48	6.84E-01	1.56	5.99E-02
IL10	0.23	4.09E-01	0.66	2.53E-01	0.53	2.97E-01
TADA2B	0.23	4.09E-01	-0.53	7.01E-01	-0.07	5.27E-01
AOAH	0.23	4.09E-01	0.68	2.49E-01	0.66	2.54E-01
TMEM183A	0.23	4.09E-01	0.56	2.88E-01	-0.93	8.23E-01
RBM14-RBM4	0.23	4.09E-01	0.13	4.47E-01	-1.52	9.36E-01
ACTN4	0.23	4.09E-01	0.36	3.60E-01	-1.07	8.58E-01
TOR1A	0.23	4.09E-01	-0.35	6.37E-01	1.01	1.56E-01
FGF10	0.23	4.09E-01	-0.55	7.09E-01	0.38	3.54E-01
WNT5B	0.23	4.09E-01	-1.10	8.64E-01	0.78	2.18E-01
E2F5	0.23	4.09E-01	-0.47	6.81E-01	0.05	4.79E-01
DSCAM	0.23	4.09E-01	-0.02	5.07E-01	0.46	3.22E-01
SPRYD3	0.23	4.10E-01	0.59	2.77E-01	-0.61	7.29E-01
MPEG1	0.23	4.10E-01	1.07	1.43E-01	-0.36	6.41E-01
TERT	0.23	4.10E-01	-0.32	6.24E-01	0.04	4.85E-01

DLL4	0.23	4.10E-01	0.17	4.34E-01	-1.06	8.55E-01
POLR2J	0.23	4.10E-01	0.74	2.31E-01	0.25	4.01E-01
CCNT2	0.23	4.10E-01	-0.20	5.78E-01	0.14	4.45E-01
SPATA4	0.23	4.10E-01	-0.38	6.49E-01	-0.19	5.76E-01
ATXN1	0.23	4.10E-01	0.67	2.51E-01	-0.03	5.12E-01
MAP2K1	0.23	4.10E-01	0.02	4.92E-01	0.91	1.82E-01
LYRM5	0.23	4.10E-01	2.50	6.22E-03	0.63	2.66E-01
PTAR1	0.23	4.10E-01	0.30	3.82E-01	-0.18	5.71E-01
FAM181A	0.23	4.10E-01	-0.88	8.12E-01	0.03	4.86E-01
KCTD8	0.23	4.10E-01	0.32	3.76E-01	-0.46	6.77E-01
INTS5	0.23	4.10E-01	0.01	4.98E-01	-0.22	5.85E-01
PCDH8	0.23	4.10E-01	1.13	1.30E-01	-0.58	7.20E-01
FOXN1	0.23	4.11E-01	-0.95	8.28E-01	0.47	3.20E-01
ENKD1	0.23	4.11E-01	0.98	1.63E-01	1.33	9.17E-02
GAL3ST4	0.23	4.11E-01	-0.36	6.42E-01	1.20	1.15E-01
ELMO2	0.23	4.11E-01	-0.92	8.21E-01	0.25	4.01E-01
OR10A3	0.23	4.11E-01	-0.66	7.46E-01	-0.03	5.13E-01
FANCM	0.23	4.11E-01	0.75	2.27E-01	1.30	9.71E-02
TRABD2B	0.23	4.11E-01	0.72	2.34E-01	1.21	1.14E-01
UBE2G2	0.23	4.11E-01	-0.79	7.86E-01	-0.24	5.95E-01
FRRS1L	0.22	4.11E-01	1.26	1.04E-01	-2.76	9.97E-01
ZFYVE28	0.22	4.11E-01	0.27	3.92E-01	-0.46	6.78E-01
TEX14	0.22	4.11E-01	1.34	9.08E-02	-0.59	7.22E-01
CASQ1	0.22	4.11E-01	0.76	2.23E-01	-1.76	9.61E-01
GABARAP	0.22	4.11E-01	-0.54	7.06E-01	-0.15	5.61E-01
TMEM238	0.22	4.11E-01	0.03	4.87E-01	-0.99	8.40E-01
GARS	0.22	4.11E-01	-0.64	7.38E-01	0.47	3.20E-01
PRSS38	0.22	4.12E-01	-0.86	8.06E-01	0.33	3.72E-01
GCSAML	0.22	4.12E-01	0.71	2.40E-01	-2.33	9.90E-01
NR2E1	0.22	4.12E-01	0.47	3.18E-01	0.25	4.03E-01
SPATA2L	0.22	4.12E-01	-0.12	5.47E-01	0.46	3.22E-01

HS2ST1	0.22	4.12E-01	-0.14	5.54E-01	0.33	3.71E-01
KRTAP12-4	0.22	4.12E-01	-0.44	6.71E-01	-0.25	6.01E-01
KLHL25	0.22	4.12E-01	-0.97	8.33E-01	-0.14	5.55E-01
UPP1	0.22	4.12E-01	-0.29	6.14E-01	1.65	4.98E-02
RGS19	0.22	4.12E-01	1.26	1.03E-01	0.33	3.72E-01
ZNF792	0.22	4.12E-01	-1.72	9.58E-01	0.78	2.18E-01
JAKMIP2	0.22	4.12E-01	0.09	4.65E-01	-0.41	6.60E-01
SCAI	0.22	4.12E-01	-0.28	6.11E-01	-0.30	6.19E-01
NLRX1	0.22	4.12E-01	0.44	3.30E-01	-1.15	8.75E-01
ARHGEF3	0.22	4.12E-01	0.41	3.42E-01	1.59	5.64E-02
AZGP1	0.22	4.12E-01	0.93	1.76E-01	-0.18	5.72E-01
RAET1G	0.22	4.12E-01	-0.96	8.32E-01	0.28	3.90E-01
ACVR1B	0.22	4.12E-01	0.50	3.10E-01	-0.44	6.70E-01
CRYZL1	0.22	4.13E-01	0.58	2.82E-01	-2.17	9.85E-01
ECHDC2	0.22	4.13E-01	1.09	1.38E-01	-0.28	6.09E-01
C21orf54	0.22	4.13E-01	-0.04	5.16E-01	-1.16	8.78E-01
PLA2G4E	0.22	4.13E-01	-0.08	5.34E-01	0.35	3.64E-01
FBXL8	0.22	4.13E-01	-0.86	8.05E-01	-0.15	5.59E-01
C4orf33	0.22	4.13E-01	-0.34	6.32E-01	0.25	4.01E-01
DUSP18	0.22	4.13E-01	0.60	2.74E-01	-0.23	5.92E-01
FLT3LG	0.22	4.13E-01	0.10	4.60E-01	1.08	1.40E-01
CHST1	0.22	4.13E-01	-0.77	7.78E-01	0.16	4.36E-01
VAT1	0.22	4.13E-01	-0.41	6.58E-01	0.08	4.67E-01
SLC33A1	0.22	4.13E-01	0.71	2.39E-01	0.22	4.14E-01
REN	0.22	4.13E-01	-0.17	5.69E-01	0.00	4.99E-01
RABEPK	0.22	4.14E-01	-0.37	6.43E-01	-0.38	6.47E-01
RAC3	0.22	4.14E-01	0.58	2.82E-01	0.10	4.58E-01
RRM2	0.22	4.14E-01	0.13	4.46E-01	-0.67	7.48E-01
LL22NC03-75H12.2	0.22	4.14E-01	-0.02	5.08E-01	1.10	1.35E-01
NUF2	0.22	4.14E-01	-1.43	9.24E-01	0.24	4.05E-01
IFNL3	0.22	4.14E-01	-0.71	7.61E-01	0.11	4.58E-01

MKX	0.22	4.14E-01	-0.20	5.79E-01	1.19	1.18E-01
DLK2	0.22	4.14E-01	1.69	4.58E-02	0.53	2.99E-01
CREB3	0.22	4.14E-01	-0.26	6.01E-01	-0.30	6.20E-01
COX4I2	0.22	4.14E-01	-1.99	9.77E-01	0.92	1.79E-01
IDNK	0.22	4.14E-01	-0.12	5.49E-01	0.75	2.26E-01
FAM189A2	0.22	4.14E-01	0.07	4.72E-01	-1.12	8.68E-01
DENND1A	0.22	4.14E-01	1.94	2.63E-02	-0.59	7.22E-01
C10orf88	0.22	4.14E-01	0.97	1.67E-01	-1.28	9.00E-01
HAMP	0.22	4.14E-01	0.58	2.83E-01	-0.65	7.41E-01
IFNA2	0.22	4.14E-01	0.98	1.64E-01	-1.49	9.32E-01
RPF1	0.22	4.14E-01	0.80	2.11E-01	-0.49	6.87E-01
HCAR2	0.22	4.15E-01	-0.08	5.32E-01	-0.45	6.74E-01
ZNF831	0.22	4.15E-01	-0.44	6.70E-01	-0.54	7.05E-01
KRT33B	0.22	4.15E-01	0.22	4.13E-01	-0.97	8.34E-01
SUGP1	0.22	4.15E-01	-0.72	7.64E-01	-0.01	5.03E-01
RASGRP3	0.22	4.15E-01	-0.97	8.34E-01	1.19	1.17E-01
SFRP5	0.22	4.15E-01	-0.15	5.61E-01	-0.15	5.60E-01
PRSS57	0.22	4.15E-01	-0.38	6.48E-01	0.27	3.93E-01
STK32A	0.22	4.15E-01	-0.95	8.30E-01	0.63	2.66E-01
MRPS33	0.21	4.15E-01	-0.41	6.59E-01	0.03	4.86E-01
OR2A5	0.21	4.15E-01	0.39	3.50E-01	-0.55	7.09E-01
NOLC1	0.21	4.15E-01	0.41	3.43E-01	1.86	3.17E-02
C11orf83	0.21	4.15E-01	-0.23	5.91E-01	0.01	4.96E-01
TMEM133	0.21	4.15E-01	-0.15	5.59E-01	-0.64	7.39E-01
SAP18	0.21	4.15E-01	-1.39	9.18E-01	0.66	2.56E-01
NFIX	0.21	4.15E-01	0.99	1.62E-01	0.98	1.62E-01
HMGXB3	0.21	4.15E-01	0.01	4.98E-01	-0.66	7.47E-01
SRRM5	0.21	4.15E-01	-0.78	7.83E-01	-0.49	6.88E-01
C13orf45	0.21	4.16E-01	1.31	9.56E-02	-0.89	8.13E-01
SERPINE1	0.21	4.16E-01	1.06	1.44E-01	-0.44	6.70E-01
SERPINB9	0.21	4.16E-01	0.27	3.92E-01	-1.71	9.56E-01

TEC	0.21	4.16E-01	-0.20	5.79E-01	-0.44	6.70E-01
KIAA0226L	0.21	4.16E-01	-0.67	7.48E-01	0.63	2.65E-01
NDUFS4	0.21	4.16E-01	-1.14	8.72E-01	0.44	3.29E-01
GUCA2A	0.21	4.16E-01	-0.89	8.13E-01	0.43	3.33E-01
VASP	0.21	4.16E-01	-0.73	7.66E-01	1.06	1.44E-01
NGRN	0.21	4.16E-01	-0.28	6.12E-01	-0.78	7.84E-01
YES1	0.21	4.16E-01	1.03	1.50E-01	-0.88	8.11E-01
LRIG2	0.21	4.16E-01	-0.31	6.20E-01	0.85	1.96E-01
MTCH1	0.21	4.16E-01	-0.43	6.65E-01	-0.07	5.29E-01
NUDT19	0.21	4.16E-01	1.07	1.43E-01	-1.22	8.89E-01
SCN3B	0.21	4.16E-01	-0.17	5.69E-01	0.86	1.95E-01
GABRG1	0.21	4.16E-01	0.42	3.36E-01	-0.67	7.49E-01
ALG12	0.21	4.16E-01	1.27	1.02E-01	-1.40	9.20E-01
ARMC1	0.21	4.16E-01	-0.20	5.80E-01	-0.12	5.48E-01
SETD1A	0.21	4.16E-01	0.72	2.35E-01	-0.10	5.41E-01
CETN1	0.21	4.16E-01	-0.11	5.45E-01	-0.23	5.90E-01
ENTHD2	0.21	4.17E-01	-1.72	9.57E-01	0.46	3.24E-01
CALCOCO2	0.21	4.17E-01	-0.57	7.15E-01	-0.08	5.33E-01
NLRP13	0.21	4.17E-01	-0.58	7.20E-01	1.22	1.12E-01
DHX32	0.21	4.17E-01	0.60	2.73E-01	-0.51	6.94E-01
SCO1	0.21	4.17E-01	0.54	2.94E-01	-1.24	8.92E-01
NISCH	0.21	4.17E-01	-0.79	7.86E-01	0.93	1.75E-01
RLBP1	0.21	4.17E-01	1.61	5.39E-02	-0.13	5.51E-01
LRRC27	0.21	4.17E-01	0.49	3.13E-01	0.14	4.45E-01
MAB21L3	0.21	4.17E-01	-0.13	5.51E-01	-0.44	6.69E-01
HRSP12	0.21	4.17E-01	0.56	2.88E-01	-0.94	8.27E-01
AAAS	0.21	4.17E-01	0.24	4.05E-01	-1.06	8.56E-01
FSTL5	0.21	4.17E-01	-1.37	9.15E-01	1.00	1.58E-01
POP4	0.21	4.17E-01	0.34	3.68E-01	0.89	1.87E-01
CST8	0.21	4.17E-01	0.33	3.72E-01	-0.69	7.55E-01
C3orf14	0.21	4.17E-01	-1.43	9.24E-01	0.45	3.25E-01



KRTAP4-6	0.21	4.18E-01	-0.06	5.24E-01	0.45	3.27E-01
TMEM218	0.21	4.18E-01	1.07	1.42E-01	-0.38	6.46E-01
CYTH2	0.21	4.18E-01	-1.30	9.03E-01	1.00	1.58E-01
CCS	0.21	4.18E-01	0.27	3.92E-01	-1.75	9.60E-01
ZNF891	0.21	4.18E-01	0.07	4.74E-01	-0.73	7.66E-01
SLC9B2	0.21	4.18E-01	0.14	4.43E-01	-0.33	6.28E-01
DUS2	0.21	4.18E-01	-1.24	8.93E-01	1.30	9.64E-02
IL18R1	0.21	4.18E-01	1.12	1.32E-01	-2.26	9.88E-01
ODF4	0.21	4.18E-01	-0.39	6.50E-01	0.32	3.73E-01
CLTB	0.21	4.18E-01	-0.19	5.75E-01	0.48	3.17E-01
IL5RA	0.21	4.18E-01	-1.06	8.56E-01	0.76	2.22E-01
SERPINB4	0.21	4.18E-01	-2.29	9.89E-01	0.95	1.72E-01
FASTKD2	0.21	4.18E-01	-0.24	5.93E-01	0.87	1.92E-01
GALNT12	0.21	4.18E-01	0.49	3.12E-01	-1.20	8.86E-01
SLC1A2	0.21	4.18E-01	-1.64	9.50E-01	0.91	1.81E-01
VASH2	0.21	4.18E-01	-0.40	6.56E-01	-0.29	6.13E-01
MASP1	0.21	4.18E-01	-0.12	5.48E-01	0.58	2.80E-01
KLK2	0.21	4.18E-01	-0.83	7.96E-01	0.30	3.82E-01
GABPA	0.21	4.18E-01	-0.96	8.32E-01	0.74	2.30E-01
ZNF143	0.21	4.19E-01	-1.11	8.66E-01	2.27	1.17E-02
DMTF1	0.21	4.19E-01	0.23	4.10E-01	-0.70	7.58E-01
CACNG8	0.20	4.19E-01	0.23	4.11E-01	0.84	2.01E-01
U2SURP	0.20	4.19E-01	1.87	3.08E-02	-0.10	5.39E-01
MB	0.20	4.19E-01	0.15	4.41E-01	0.21	4.16E-01
CNOT3	0.20	4.19E-01	-1.85	9.67E-01	0.74	2.29E-01
GDPGP1	0.20	4.19E-01	-0.99	8.40E-01	-0.02	5.10E-01
NMUR2	0.20	4.19E-01	-0.98	8.37E-01	1.00	1.58E-01
DNAAF2	0.20	4.19E-01	-0.88	8.10E-01	0.19	4.23E-01
TMEM186	0.20	4.19E-01	-0.40	6.57E-01	1.29	9.80E-02
AQP5	0.20	4.19E-01	0.51	3.04E-01	-2.04	9.80E-01
RYBP	0.20	4.19E-01	0.17	4.32E-01	-1.47	9.30E-01

DIS3	0.20	4.19E-01	-0.19	5.75E-01	0.77	2.22E-01
DYM	0.20	4.20E-01	-0.07	5.29E-01	-0.25	5.99E-01
GRID2IP	0.20	4.20E-01	-1.17	8.79E-01	0.89	1.87E-01
TRIM36	0.20	4.20E-01	-1.21	8.87E-01	1.01	1.56E-01
BRI3BP	0.20	4.20E-01	-0.09	5.37E-01	-0.49	6.87E-01
ZNF672	0.20	4.20E-01	0.75	2.28E-01	-0.47	6.82E-01
GAS2L1	0.20	4.20E-01	-0.25	5.99E-01	-0.92	8.21E-01
MON1B	0.20	4.20E-01	-0.76	7.77E-01	1.23	1.08E-01
C10orf129	0.20	4.20E-01	1.45	7.30E-02	-0.73	7.67E-01
AURKA	0.20	4.20E-01	-0.37	6.43E-01	1.60	5.43E-02
BHLHE41	0.20	4.20E-01	-0.57	7.16E-01	0.75	2.28E-01
KEL	0.20	4.20E-01	0.77	2.22E-01	0.37	3.55E-01
STOM	0.20	4.20E-01	-0.84	7.99E-01	0.41	3.40E-01
RAB12	0.20	4.20E-01	0.88	1.89E-01	2.78	2.70E-03
FOXP2	0.20	4.20E-01	-0.35	6.38E-01	0.91	1.82E-01
OR2D2	0.20	4.20E-01	0.44	3.29E-01	-0.68	7.51E-01
AZI2	0.20	4.20E-01	-0.96	8.32E-01	1.75	4.02E-02
INSM2	0.20	4.20E-01	0.53	3.00E-01	-1.39	9.17E-01
EVX2	0.20	4.20E-01	-1.82	9.66E-01	0.70	2.43E-01
CCDC137	0.20	4.21E-01	0.58	2.82E-01	-1.08	8.61E-01
HIPK4	0.20	4.21E-01	1.81	3.55E-02	1.39	8.22E-02
ACAT1	0.20	4.21E-01	-0.61	7.30E-01	-0.37	6.43E-01
LSM11	0.20	4.21E-01	-0.13	5.53E-01	-0.81	7.91E-01
UNC45A	0.20	4.21E-01	1.11	1.33E-01	-0.67	7.48E-01
CRIP1	0.20	4.21E-01	-1.41	9.21E-01	0.62	2.68E-01
COTL1	0.20	4.21E-01	0.13	4.48E-01	-0.05	5.20E-01
TSPO2	0.20	4.21E-01	0.28	3.91E-01	0.30	3.81E-01
REG1B	0.20	4.21E-01	0.37	3.54E-01	-0.37	6.43E-01
ZMAT3	0.20	4.21E-01	-0.23	5.90E-01	-0.40	6.56E-01
LETM1	0.20	4.21E-01	0.97	1.67E-01	-0.89	8.14E-01
CHML	0.20	4.22E-01	-0.38	6.47E-01	-0.49	6.87E-01

NAA15	0.20	4.22E-01	0.90	1.83E-01	-1.90	9.72E-01
MAP3K4	0.20	4.22E-01	-0.44	6.70E-01	-0.33	6.29E-01
SGMS1	0.20	4.22E-01	-2.69	9.96E-01	1.25	1.06E-01
NUDT16	0.20	4.22E-01	1.26	1.03E-01	0.70	2.43E-01
DGAT1	0.20	4.22E-01	-0.39	6.50E-01	0.14	4.46E-01
RFPL1	0.20	4.22E-01	-1.00	8.40E-01	0.61	2.70E-01
C1QTNF8	0.20	4.22E-01	0.34	3.68E-01	0.06	4.76E-01
GGNBP2	0.20	4.22E-01	-0.31	6.23E-01	-0.37	6.46E-01
ANAPC4	0.20	4.22E-01	0.46	3.23E-01	-1.41	9.20E-01
CDHR3	0.20	4.22E-01	-0.36	6.41E-01	-0.35	6.36E-01
TMEM245	0.20	4.22E-01	0.69	2.47E-01	-1.44	9.25E-01
S100A7L2	0.20	4.22E-01	-1.24	8.92E-01	1.54	6.22E-02
DFFA	0.20	4.22E-01	0.32	3.75E-01	0.18	4.30E-01
HSPA5	0.20	4.22E-01	-0.26	6.01E-01	-0.64	7.39E-01
TLR10	0.20	4.22E-01	0.71	2.39E-01	-1.12	8.68E-01
MRPL45	0.20	4.22E-01	-0.92	8.22E-01	0.50	3.07E-01
UBE2G1	0.20	4.22E-01	-0.15	5.61E-01	-0.27	6.05E-01
ZNF747	0.20	4.22E-01	1.25	1.05E-01	-1.37	9.15E-01
ZFAND4	0.20	4.22E-01	-0.12	5.47E-01	-0.35	6.36E-01
WDR86	0.20	4.23E-01	0.25	4.02E-01	2.05	2.02E-02
DDX10	0.20	4.23E-01	2.32	1.03E-02	1.74	4.05E-02
CRISP3	0.19	4.23E-01	-0.94	8.28E-01	0.45	3.27E-01
GTF3A	0.19	4.23E-01	1.63	5.19E-02	-0.61	7.29E-01
FBRS	0.19	4.23E-01	0.02	4.93E-01	-0.35	6.37E-01
CXXC5	0.19	4.23E-01	0.74	2.29E-01	0.34	3.68E-01
ZBED3	0.19	4.23E-01	0.09	4.64E-01	-0.31	6.21E-01
PAFAH1B2	0.19	4.23E-01	-0.97	8.35E-01	-0.10	5.41E-01
TUBA3D	0.19	4.23E-01	-0.93	8.23E-01	0.92	1.78E-01
ANKS6	0.19	4.23E-01	-0.11	5.43E-01	-0.86	8.04E-01
RNF213	0.19	4.23E-01	-0.20	5.77E-01	-1.02	8.47E-01
PPP2R2A	0.19	4.23E-01	-0.67	7.48E-01	0.58	2.82E-01

BLOC1S5-TXNDC5	0.19	4.23E-01	2.23	1.29E-02	-0.43	6.67E-01
KCNE3	0.19	4.23E-01	0.04	4.82E-01	-0.63	7.36E-01
HS3ST2	0.19	4.23E-01	1.66	4.84E-02	0.01	4.98E-01
ASB6	0.19	4.23E-01	0.36	3.58E-01	0.73	2.33E-01
SMIM20	0.19	4.23E-01	-0.89	8.13E-01	-0.42	6.62E-01
ELP5	0.19	4.23E-01	-0.44	6.69E-01	-0.19	5.75E-01
SBK2	0.19	4.23E-01	-1.08	8.61E-01	1.07	1.41E-01
SLC22A13	0.19	4.23E-01	-0.48	6.83E-01	-0.21	5.82E-01
SCGB1D2	0.19	4.23E-01	0.18	4.30E-01	-0.94	8.28E-01
CNOT11	0.19	4.24E-01	-0.79	7.85E-01	1.16	1.23E-01
SLC5A11	0.19	4.24E-01	-0.68	7.52E-01	0.34	3.66E-01
IRAK1BP1	0.19	4.24E-01	0.95	1.71E-01	-1.06	8.56E-01
TPD52	0.19	4.24E-01	-0.71	7.60E-01	0.06	4.75E-01
TMEM185B	0.19	4.24E-01	0.33	3.72E-01	0.33	3.70E-01
C22orf34	0.19	4.24E-01	-0.98	8.36E-01	0.90	1.84E-01
ZNF236	0.19	4.24E-01	0.10	4.62E-01	0.31	3.77E-01
NUDT12	0.19	4.24E-01	0.33	3.73E-01	-0.70	7.59E-01
AQP1	0.19	4.24E-01	1.04	1.49E-01	-0.57	7.16E-01
ATXN7L3	0.19	4.24E-01	0.44	3.30E-01	-1.47	9.29E-01
RBM17	0.19	4.24E-01	0.13	4.49E-01	-0.24	5.96E-01
FAM135B	0.19	4.24E-01	-0.84	7.99E-01	1.05	1.48E-01
SGCD	0.19	4.24E-01	-1.07	8.57E-01	1.11	1.33E-01
RECQL	0.19	4.24E-01	-0.76	7.78E-01	-0.14	5.55E-01
AMOTL1	0.19	4.24E-01	1.19	1.17E-01	-2.10	9.82E-01
ITFG3	0.19	4.24E-01	-0.71	7.62E-01	0.19	4.25E-01
SORBS3	0.19	4.24E-01	0.42	3.37E-01	-0.41	6.59E-01
PGA4	0.19	4.24E-01	0.54	2.95E-01	-0.94	8.28E-01
PGA5	0.19	4.24E-01	0.54	2.95E-01	-0.94	8.28E-01
MYBL2	0.19	4.24E-01	1.80	3.60E-02	-0.29	6.15E-01
HSPG2	0.19	4.24E-01	-1.58	9.43E-01	1.71	4.39E-02
FAHD2B	0.19	4.25E-01	-0.42	6.63E-01	0.01	4.94E-01

NES	0.19	4.25E-01	-0.20	5.79E-01	1.66	4.81E-02
METTL8	0.19	4.25E-01	-1.22	8.89E-01	0.18	4.29E-01
TCL1A	0.19	4.25E-01	0.47	3.19E-01	-0.87	8.07E-01
PDE1A	0.19	4.25E-01	0.08	4.69E-01	-1.14	8.72E-01
GADD45B	0.19	4.25E-01	0.21	4.17E-01	-0.21	5.84E-01
RGS7	0.19	4.25E-01	0.93	1.76E-01	-1.25	8.94E-01
EAPP	0.19	4.25E-01	0.85	1.97E-01	-1.27	8.98E-01
TUBGCP5	0.19	4.25E-01	-0.22	5.85E-01	-0.02	5.07E-01
DAOA	0.19	4.25E-01	0.67	2.52E-01	0.82	2.05E-01
MNS1	0.19	4.25E-01	0.38	3.50E-01	0.46	3.24E-01
ANKRD27	0.19	4.25E-01	0.16	4.35E-01	1.23	1.09E-01
RHOG	0.19	4.26E-01	-0.75	7.74E-01	-0.38	6.47E-01
TMEM101	0.19	4.26E-01	1.15	1.25E-01	-1.22	8.88E-01
T	0.19	4.26E-01	-0.39	6.53E-01	0.23	4.10E-01
NUPR1L	0.19	4.26E-01	0.79	2.14E-01	-2.46	9.93E-01
C7orf65	0.19	4.26E-01	-0.44	6.69E-01	1.37	8.46E-02
PTRH1	0.19	4.26E-01	1.09	1.38E-01	-0.87	8.08E-01
CDR2	0.19	4.26E-01	0.52	3.01E-01	-1.15	8.76E-01
PPP6R3	0.19	4.26E-01	-0.24	5.96E-01	-0.21	5.82E-01
C1QTNF6	0.19	4.26E-01	0.14	4.43E-01	-0.06	5.25E-01
CYP2S1	0.19	4.26E-01	-0.40	6.55E-01	2.09	1.82E-02
KRTAP9-2	0.19	4.26E-01	0.64	2.61E-01	-1.96	9.75E-01
ERC2	0.19	4.26E-01	2.30	1.08E-02	1.02	1.54E-01
ZNF655	0.19	4.26E-01	-0.56	7.11E-01	0.28	3.90E-01
CLIP4	0.19	4.26E-01	1.00	1.60E-01	1.37	8.50E-02
GPR39	0.19	4.26E-01	-1.53	9.37E-01	0.34	3.66E-01
LRPAP1	0.19	4.26E-01	-0.42	6.62E-01	0.98	1.63E-01
SENP3	0.19	4.26E-01	1.72	4.28E-02	-0.68	7.50E-01
ELFN1	0.19	4.26E-01	1.31	9.54E-02	0.28	3.88E-01
DEFB114	0.19	4.27E-01	-0.55	7.09E-01	-0.12	5.48E-01
CD80	0.18	4.27E-01	0.57	2.84E-01	0.21	4.15E-01

C19orf35	0.18	4.27E-01	-0.70	7.57E-01	0.38	3.50E-01
PDGFA	0.18	4.27E-01	0.04	4.83E-01	1.26	1.04E-01
TSNAXIP1	0.18	4.27E-01	-0.87	8.07E-01	1.53	6.35E-02
ZNF836	0.18	4.27E-01	-1.63	9.49E-01	1.30	9.70E-02
PLS1	0.18	4.27E-01	-0.25	5.98E-01	0.04	4.84E-01
PPP1R32	0.18	4.27E-01	-0.21	5.84E-01	0.17	4.33E-01
CIB4	0.18	4.27E-01	1.42	7.74E-02	0.01	4.96E-01
HIST1H4J	0.18	4.27E-01	1.08	1.40E-01	-0.49	6.89E-01
ISM2	0.18	4.27E-01	-1.25	8.95E-01	0.19	4.23E-01
NFE2	0.18	4.27E-01	0.59	2.78E-01	-1.94	9.74E-01
TRANK1	0.18	4.27E-01	0.69	2.45E-01	-0.95	8.30E-01
LARP4B	0.18	4.27E-01	-0.39	6.52E-01	0.19	4.25E-01
BROX	0.18	4.28E-01	-0.21	5.83E-01	-0.72	7.63E-01
GSE1	0.18	4.28E-01	0.53	2.97E-01	-0.19	5.77E-01
GTF2H1	0.18	4.28E-01	0.05	4.81E-01	0.16	4.37E-01
CST1	0.18	4.28E-01	0.35	3.63E-01	-0.89	8.14E-01
SUN5	0.18	4.28E-01	0.38	3.51E-01	-0.67	7.48E-01
EDDM3B	0.18	4.28E-01	0.99	1.60E-01	-1.64	9.50E-01
ABCD3	0.18	4.28E-01	0.73	2.34E-01	-0.31	6.24E-01
ANKAR	0.18	4.28E-01	0.11	4.58E-01	0.51	3.05E-01
R3HDM2	0.18	4.28E-01	-1.31	9.06E-01	0.91	1.80E-01
ODAM	0.18	4.28E-01	0.33	3.70E-01	-0.51	6.97E-01
GTF3C3	0.18	4.28E-01	1.23	1.09E-01	-0.71	7.60E-01
API5	0.18	4.28E-01	1.44	7.52E-02	0.62	2.68E-01
RPS27A	0.18	4.28E-01	0.18	4.29E-01	0.25	4.01E-01
CD72	0.18	4.28E-01	-0.31	6.23E-01	0.22	4.12E-01
COL17A1	0.18	4.29E-01	1.15	1.25E-01	-0.06	5.25E-01
SNX6	0.18	4.29E-01	0.71	2.38E-01	-1.18	8.81E-01
CABLES1	0.18	4.29E-01	-1.81	9.64E-01	1.41	7.86E-02
ANXA6	0.18	4.29E-01	1.07	1.42E-01	-1.22	8.88E-01
WDR77	0.18	4.29E-01	0.09	4.63E-01	1.39	8.29E-02

UBE3B	0.18	4.29E-01	0.34	3.65E-01	-1.39	9.17E-01
INPP5K	0.18	4.29E-01	2.16	1.53E-02	-0.71	7.60E-01
NME3	0.18	4.29E-01	-0.99	8.39E-01	0.40	3.45E-01
GSTM3	0.18	4.29E-01	-0.32	6.24E-01	-0.64	7.40E-01
OR1S2	0.18	4.29E-01	-2.03	9.79E-01	1.30	9.64E-02
GLTPD1	0.18	4.29E-01	0.27	3.94E-01	-0.08	5.33E-01
KBTBD3	0.18	4.29E-01	0.35	3.62E-01	-0.54	7.04E-01
CAMK2A	0.18	4.29E-01	0.22	4.12E-01	-1.19	8.82E-01
HMGA2	0.18	4.29E-01	1.65	4.99E-02	0.47	3.19E-01
C8A	0.18	4.30E-01	-0.21	5.82E-01	0.26	3.98E-01
EFCAB3	0.18	4.30E-01	-0.14	5.58E-01	1.18	1.20E-01
TFCP2L1	0.18	4.30E-01	0.92	1.78E-01	0.71	2.38E-01
BRDT	0.18	4.30E-01	0.63	2.63E-01	-1.06	8.55E-01
CACNA1E	0.18	4.30E-01	0.02	4.94E-01	-0.49	6.89E-01
KRT32	0.18	4.30E-01	-0.27	6.08E-01	-0.75	7.74E-01
PSKH1	0.18	4.30E-01	-0.31	6.22E-01	1.61	5.39E-02
GLUL	0.18	4.30E-01	0.02	4.93E-01	-0.77	7.80E-01
VGLL2	0.18	4.30E-01	-0.65	7.43E-01	-0.02	5.10E-01
CAV1	0.18	4.30E-01	0.97	1.67E-01	-1.19	8.82E-01
CYP2U1	0.18	4.30E-01	0.79	2.15E-01	-0.32	6.24E-01
C20orf196	0.18	4.30E-01	1.38	8.41E-02	1.47	7.07E-02
PPRC1	0.18	4.30E-01	-0.66	7.45E-01	1.70	4.45E-02
GCK	0.18	4.30E-01	0.24	4.04E-01	0.11	4.56E-01
CMTM2	0.18	4.30E-01	-1.20	8.85E-01	1.09	1.37E-01
AFTPH	0.18	4.30E-01	0.60	2.76E-01	2.12	1.69E-02
TP53RK	0.18	4.30E-01	0.38	3.51E-01	0.01	4.97E-01
AOC2	0.18	4.30E-01	0.13	4.50E-01	-0.76	7.76E-01
UHRF1BP1	0.18	4.30E-01	-1.07	8.58E-01	1.84	3.26E-02
PABPN1L	0.18	4.31E-01	0.24	4.05E-01	-1.04	8.51E-01
TTC14	0.17	4.31E-01	0.12	4.53E-01	1.80	3.60E-02
ZNF410	0.17	4.31E-01	-0.35	6.38E-01	-0.58	7.18E-01

CAPN12	0.17	4.31E-01	0.35	3.64E-01	-0.78	7.82E-01
PRDM12	0.17	4.31E-01	0.31	3.77E-01	-0.99	8.39E-01
IQCA1	0.17	4.31E-01	0.05	4.81E-01	0.07	4.70E-01
GPR162	0.17	4.31E-01	-0.03	5.10E-01	0.58	2.83E-01
HOXA10	0.17	4.31E-01	0.96	1.70E-01	0.10	4.60E-01
ZNF579	0.17	4.31E-01	0.19	4.25E-01	0.98	1.63E-01
KLHL2	0.17	4.32E-01	1.03	1.53E-01	-1.05	8.52E-01
MOB1A	0.17	4.32E-01	-1.24	8.92E-01	0.41	3.41E-01
IWS1	0.17	4.32E-01	0.16	4.35E-01	0.46	3.23E-01
KRT4	0.17	4.32E-01	0.11	4.54E-01	-1.56	9.41E-01
C10orf71	0.17	4.32E-01	0.37	3.57E-01	-0.88	8.11E-01
SLC45A4	0.17	4.32E-01	0.83	2.03E-01	-1.24	8.93E-01
LRRC8E	0.17	4.32E-01	-0.84	7.99E-01	0.27	3.95E-01
MTUS1	0.17	4.32E-01	-1.11	8.67E-01	0.26	3.97E-01
FBXO7	0.17	4.32E-01	0.51	3.07E-01	-0.90	8.17E-01
DDX17	0.17	4.32E-01	0.95	1.72E-01	-0.47	6.82E-01
ABCG5	0.17	4.32E-01	0.72	2.37E-01	-1.16	8.77E-01
PHF20	0.17	4.32E-01	-0.45	6.74E-01	-0.44	6.71E-01
LCE6A	0.17	4.32E-01	-0.62	7.34E-01	-0.01	5.04E-01
LCP2	0.17	4.33E-01	-0.62	7.33E-01	-0.13	5.51E-01
RGSS5	0.17	4.33E-01	-1.44	9.25E-01	0.55	2.92E-01
PLXNA1	0.17	4.33E-01	-0.14	5.56E-01	-0.51	6.94E-01
FAM208A	0.17	4.33E-01	0.21	4.15E-01	0.63	2.65E-01
TMPO	0.17	4.33E-01	0.96	1.70E-01	-0.52	6.98E-01
SPACA1	0.17	4.33E-01	-0.29	6.15E-01	-0.26	6.02E-01
ZNF699	0.17	4.33E-01	-0.37	6.46E-01	-0.24	5.94E-01
WDR81	0.17	4.33E-01	-0.91	8.19E-01	0.18	4.28E-01
CTBS	0.17	4.33E-01	0.11	4.58E-01	0.35	3.64E-01
TTLL7	0.17	4.33E-01	0.71	2.37E-01	0.92	1.78E-01
BCL7C	0.17	4.33E-01	0.68	2.49E-01	-0.64	7.41E-01
MKKS	0.17	4.33E-01	-0.93	8.23E-01	0.16	4.38E-01



KIF6	0.17	4.33E-01	0.58	2.82E-01	-1.26	8.96E-01
WISP3	0.17	4.33E-01	0.52	3.02E-01	0.29	3.84E-01
TTC17	0.17	4.33E-01	1.07	1.41E-01	0.42	3.36E-01
CHFR	0.17	4.33E-01	0.89	1.88E-01	0.33	3.72E-01
CNTNAP2	0.17	4.33E-01	0.76	2.23E-01	2.67	3.83E-03
PLSCR5	0.17	4.33E-01	0.57	2.83E-01	-1.02	8.47E-01
SLC25A30	0.17	4.33E-01	-0.20	5.79E-01	0.41	3.41E-01
GUCY2D	0.17	4.33E-01	0.19	4.23E-01	-0.64	7.38E-01
C8orf82	0.17	4.33E-01	0.01	4.95E-01	-0.48	6.84E-01
VEGFC	0.17	4.33E-01	0.30	3.83E-01	-0.56	7.11E-01
ZPBP2	0.17	4.33E-01	-1.33	9.09E-01	0.54	2.95E-01
COL28A1	0.17	4.34E-01	-0.33	6.31E-01	1.35	8.84E-02
TTC7B	0.17	4.34E-01	-0.82	7.94E-01	0.80	2.13E-01
C7orf43	0.17	4.34E-01	0.36	3.58E-01	1.03	1.50E-01
SPTBN2	0.17	4.34E-01	1.12	1.30E-01	-1.40	9.19E-01
ZNF502	0.17	4.34E-01	0.07	4.72E-01	0.75	2.28E-01
TMPRSS12	0.17	4.34E-01	-0.19	5.76E-01	0.46	3.23E-01
TLCD2	0.17	4.34E-01	-0.67	7.49E-01	0.17	4.32E-01
C1orf86	0.17	4.34E-01	0.33	3.70E-01	-1.26	8.97E-01
H2AFY2	0.17	4.34E-01	0.33	3.69E-01	0.87	1.93E-01
NAGK	0.17	4.34E-01	0.81	2.10E-01	-1.74	9.59E-01
ZNF662	0.17	4.34E-01	0.23	4.10E-01	1.03	1.51E-01
SPATC1L	0.17	4.34E-01	-0.30	6.17E-01	0.56	2.87E-01
GATA4	0.17	4.34E-01	-1.11	8.66E-01	2.45	7.22E-03
COL18A1	0.16	4.35E-01	0.46	3.23E-01	-0.09	5.37E-01
CDR2L	0.16	4.35E-01	-0.48	6.84E-01	-0.69	7.55E-01
FRMD4A	0.16	4.35E-01	-0.01	5.04E-01	0.47	3.19E-01
SHISA7	0.16	4.35E-01	0.32	3.74E-01	-1.59	9.44E-01
PTGR2	0.16	4.35E-01	-0.13	5.53E-01	-0.57	7.14E-01
ASB13	0.16	4.35E-01	0.76	2.24E-01	1.39	8.30E-02
IBA57	0.16	4.35E-01	0.58	2.80E-01	-1.10	8.64E-01

TLE2	0.16	4.35E-01	0.51	3.04E-01	-0.77	7.80E-01
LMAN2L	0.16	4.35E-01	1.71	4.35E-02	-0.24	5.96E-01
SNX21	0.16	4.35E-01	0.11	4.56E-01	-0.05	5.19E-01
WDR78	0.16	4.35E-01	-0.50	6.91E-01	0.46	3.24E-01
LSR	0.16	4.35E-01	1.07	1.43E-01	-1.32	9.06E-01
GET4	0.16	4.35E-01	0.33	3.72E-01	-0.22	5.86E-01
RPL32	0.16	4.35E-01	0.94	1.73E-01	-0.98	8.35E-01
HS3ST6	0.16	4.35E-01	-1.57	9.42E-01	1.17	1.21E-01
FMO1	0.16	4.35E-01	-0.36	6.41E-01	0.87	1.91E-01
DCTN2	0.16	4.35E-01	0.62	2.67E-01	-1.74	9.59E-01
SETMAR	0.16	4.35E-01	0.61	2.69E-01	0.51	3.06E-01
REEP5	0.16	4.36E-01	-1.04	8.52E-01	1.73	4.21E-02
OR4K13	0.16	4.36E-01	0.29	3.86E-01	0.38	3.53E-01
ZNF689	0.16	4.36E-01	1.54	6.19E-02	-0.66	7.45E-01
CSTB	0.16	4.36E-01	-0.44	6.71E-01	-0.18	5.73E-01
TP53I11	0.16	4.36E-01	-1.13	8.70E-01	1.16	1.23E-01
KRAS	0.16	4.36E-01	1.81	3.51E-02	0.51	3.04E-01
NMU	0.16	4.36E-01	-0.48	6.86E-01	0.48	3.17E-01
DCPS	0.16	4.36E-01	-0.72	7.65E-01	-0.38	6.49E-01
PRG2	0.16	4.36E-01	0.45	3.28E-01	-0.21	5.82E-01
LRRC3DN	0.16	4.36E-01	0.85	1.97E-01	-1.31	9.06E-01
DAXX	0.16	4.36E-01	-0.10	5.39E-01	-0.15	5.58E-01
GPT	0.16	4.36E-01	0.21	4.16E-01	-0.79	7.85E-01
ZC3HAV1L	0.16	4.36E-01	-1.01	8.44E-01	1.06	1.45E-01
EHD2	0.16	4.36E-01	1.23	1.10E-01	-1.03	8.49E-01
ADCK4	0.16	4.36E-01	-1.34	9.10E-01	0.10	4.60E-01
CNNM4	0.16	4.36E-01	1.83	3.33E-02	0.33	3.69E-01
OGDH	0.16	4.36E-01	0.12	4.50E-01	0.54	2.94E-01
HARS2	0.16	4.36E-01	-1.10	8.65E-01	0.24	4.03E-01
RNASET2	0.16	4.36E-01	1.03	1.51E-01	-0.18	5.72E-01
TREML1	0.16	4.37E-01	-0.40	6.56E-01	1.40	8.01E-02

OPRL1	0.16	4.37E-01	1.18	1.19E-01	-0.02	5.10E-01
C5orf51	0.16	4.37E-01	0.31	3.78E-01	-0.81	7.91E-01
IL1F10	0.16	4.37E-01	-0.50	6.93E-01	0.86	1.94E-01
ZNF692	0.16	4.37E-01	0.65	2.57E-01	-0.30	6.19E-01
MT4	0.16	4.37E-01	0.46	3.24E-01	0.53	2.99E-01
CUBN	0.16	4.37E-01	0.16	4.36E-01	-1.16	8.76E-01
OR4C6	0.16	4.37E-01	-0.58	7.20E-01	1.05	1.47E-01
AHSA2	0.16	4.37E-01	-0.15	5.61E-01	-0.22	5.87E-01
S100A8	0.16	4.37E-01	-3.53	1.00E+00	0.69	2.44E-01
CTLA4	0.16	4.37E-01	-0.01	5.03E-01	-0.56	7.11E-01
CA2	0.16	4.37E-01	-0.06	5.23E-01	-0.91	8.17E-01
APPBP2	0.16	4.37E-01	0.65	2.58E-01	-1.05	8.53E-01
CHRNA1	0.16	4.37E-01	0.62	2.67E-01	0.15	4.39E-01
N4BP2	0.16	4.37E-01	-0.06	5.24E-01	0.81	2.09E-01
CEBPZ-AS1	0.16	4.37E-01	0.20	4.21E-01	0.40	3.43E-01
CDC5L	0.16	4.38E-01	0.13	4.49E-01	0.54	2.95E-01
WFDC13	0.16	4.38E-01	0.20	4.22E-01	-0.11	5.44E-01
MAD2L1BP	0.16	4.38E-01	0.50	3.07E-01	-1.21	8.87E-01
PAPPA	0.16	4.38E-01	0.45	3.27E-01	-0.11	5.44E-01
HHATL	0.16	4.38E-01	0.03	4.89E-01	0.29	3.86E-01
ATP6V0A4	0.16	4.38E-01	1.14	1.28E-01	0.17	4.31E-01
HTR1E	0.16	4.38E-01	0.16	4.37E-01	-0.64	7.38E-01
KLF10	0.16	4.38E-01	0.79	2.14E-01	-1.26	8.95E-01
ZNF680	0.16	4.38E-01	0.62	2.69E-01	-1.69	9.55E-01
SLC34A1	0.15	4.38E-01	0.14	4.45E-01	-1.07	8.57E-01
ACD	0.15	4.39E-01	-0.82	7.95E-01	1.03	1.52E-01
CEACAM21	0.15	4.39E-01	0.18	4.27E-01	0.20	4.19E-01
TCP11L1	0.15	4.39E-01	-0.43	6.68E-01	0.18	4.30E-01
MYOD1	0.15	4.39E-01	-1.32	9.07E-01	0.54	2.94E-01
GOSR1	0.15	4.39E-01	0.20	4.21E-01	-0.68	7.51E-01
TAS2R40	0.15	4.39E-01	1.18	1.19E-01	-0.51	6.95E-01

PGR	0.15	4.39E-01	0.72	2.36E-01	-0.16	5.64E-01
RUFY3	0.15	4.39E-01	-0.37	6.46E-01	0.23	4.09E-01
IER3IP1	0.15	4.39E-01	0.07	4.74E-01	-0.96	8.33E-01
TEX12	0.15	4.39E-01	0.03	4.88E-01	0.17	4.34E-01
TM2D1	0.15	4.39E-01	1.09	1.38E-01	-1.45	9.27E-01
KRT27	0.15	4.39E-01	0.19	4.23E-01	0.13	4.50E-01
LRP11	0.15	4.39E-01	-0.90	8.16E-01	0.35	3.65E-01
GOLGA6L2	0.15	4.39E-01	1.28	1.00E-01	-0.25	6.00E-01
MTG2	0.15	4.39E-01	0.61	2.71E-01	0.24	4.04E-01
GTF2H3	0.15	4.40E-01	-0.12	5.48E-01	0.56	2.86E-01
ALDH1A2	0.15	4.40E-01	-0.30	6.19E-01	0.39	3.48E-01
FUOM	0.15	4.40E-01	-0.71	7.62E-01	0.70	2.42E-01
KRT6A	0.15	4.40E-01	-1.03	8.49E-01	-0.13	5.51E-01
TWIST1	0.15	4.40E-01	0.59	2.79E-01	0.15	4.42E-01
FAM134C	0.15	4.40E-01	-0.89	8.12E-01	-0.11	5.43E-01
FAM171A1	0.15	4.40E-01	1.13	1.28E-01	-1.60	9.45E-01
MRPS25	0.15	4.40E-01	-0.71	7.61E-01	-0.15	5.58E-01
CDK5RAP3	0.15	4.40E-01	0.15	4.41E-01	1.80	3.57E-02
AJAP1	0.15	4.40E-01	-0.45	6.73E-01	0.58	2.81E-01
KRTAP24-1	0.15	4.40E-01	-0.14	5.56E-01	-0.46	6.79E-01
GJC2	0.15	4.40E-01	0.88	1.89E-01	-0.79	7.86E-01
KCTD2	0.15	4.40E-01	0.09	4.64E-01	0.86	1.95E-01
EIF2B1	0.15	4.40E-01	0.05	4.80E-01	1.28	1.00E-01
CHI3L1	0.15	4.40E-01	0.18	4.27E-01	0.21	4.16E-01
SYN3	0.15	4.40E-01	0.07	4.73E-01	0.59	2.79E-01
TTC9B	0.15	4.40E-01	1.73	4.19E-02	0.39	3.47E-01
FAM71F2	0.15	4.40E-01	-0.02	5.08E-01	-0.56	7.12E-01
EPS8L1	0.15	4.40E-01	-0.32	6.24E-01	2.16	1.54E-02
CSTF1	0.15	4.40E-01	-0.55	7.08E-01	-0.20	5.81E-01
FRG1	0.15	4.40E-01	-0.19	5.75E-01	1.33	9.15E-02
RPRD1A	0.15	4.40E-01	0.45	3.26E-01	-0.38	6.47E-01

STPG2	0.15	4.41E-01	-0.60	7.25E-01	1.35	8.78E-02
PRKCSH	0.15	4.41E-01	1.29	9.92E-02	0.38	3.51E-01
TYROBP	0.15	4.41E-01	-0.46	6.76E-01	0.56	2.89E-01
ATP11B	0.15	4.41E-01	0.06	4.75E-01	1.51	6.56E-02
GRM3	0.15	4.41E-01	-0.60	7.25E-01	-0.46	6.77E-01
PIH1D2	0.15	4.41E-01	1.07	1.43E-01	-0.15	5.61E-01
IP6K1	0.15	4.41E-01	-0.96	8.31E-01	1.09	1.37E-01
SLC35A4	0.15	4.41E-01	0.32	3.76E-01	-0.72	7.64E-01
CDK18	0.15	4.41E-01	0.76	2.23E-01	-0.02	5.08E-01
AFAP1L1	0.15	4.41E-01	-1.10	8.65E-01	0.56	2.86E-01
NOP10	0.15	4.41E-01	-0.59	7.24E-01	-0.17	5.69E-01
AGA	0.15	4.41E-01	1.25	1.05E-01	-0.42	6.63E-01
ITGA11	0.15	4.41E-01	0.31	3.79E-01	-0.78	7.83E-01
SPIRE2	0.15	4.41E-01	-0.16	5.63E-01	0.36	3.61E-01
OR7G3	0.15	4.41E-01	-0.80	7.88E-01	0.23	4.08E-01
PTPMT1	0.15	4.41E-01	1.02	1.54E-01	-0.39	6.51E-01
GCSH	0.15	4.41E-01	-1.07	8.58E-01	0.55	2.93E-01
WRAP73	0.15	4.41E-01	-0.75	7.72E-01	0.20	4.20E-01
NDUFB3	0.15	4.42E-01	-0.12	5.49E-01	-1.01	8.43E-01
PTPRB	0.15	4.42E-01	-0.73	7.66E-01	-0.20	5.79E-01
TAF7	0.15	4.42E-01	-0.96	8.32E-01	-0.20	5.80E-01
AP4M1	0.15	4.42E-01	-0.92	8.20E-01	1.63	5.14E-02
CREBZF	0.15	4.42E-01	0.09	4.65E-01	0.03	4.87E-01
TMC2	0.15	4.42E-01	0.28	3.89E-01	-1.42	9.23E-01
MTMR6	0.15	4.42E-01	-0.14	5.55E-01	-0.71	7.60E-01
NOL3	0.15	4.42E-01	-0.83	7.96E-01	-0.36	6.40E-01
ADAMTS1	0.15	4.42E-01	-0.09	5.34E-01	-0.27	6.05E-01
TRAF3	0.15	4.42E-01	-0.29	6.14E-01	1.57	5.79E-02
MEX3B	0.15	4.42E-01	-0.12	5.49E-01	0.37	3.54E-01
INPP1	0.15	4.42E-01	0.19	4.25E-01	-0.83	7.97E-01
C6orf123	0.14	4.42E-01	-0.34	6.31E-01	0.43	3.34E-01

PIKFYVE	0.14	4.42E-01	0.85	1.98E-01	-0.77	7.79E-01
PELI1	0.14	4.43E-01	-0.38	6.50E-01	0.53	2.99E-01
LCE2A	0.14	4.43E-01	-1.21	8.88E-01	1.52	6.46E-02
ANXA2R	0.14	4.43E-01	-0.09	5.35E-01	-0.33	6.30E-01
H1FNT	0.14	4.43E-01	-0.41	6.60E-01	-0.63	7.37E-01
AP2A1	0.14	4.43E-01	0.76	2.24E-01	-2.02	9.78E-01
TOPBP1	0.14	4.43E-01	0.11	4.58E-01	0.85	1.99E-01
CBFB	0.14	4.43E-01	-1.10	8.63E-01	-0.01	5.06E-01
CNPY2	0.14	4.43E-01	-0.67	7.50E-01	1.81	3.51E-02
ARHGAP35	0.14	4.43E-01	-0.20	5.78E-01	0.42	3.39E-01
CCDC66	0.14	4.43E-01	0.10	4.59E-01	0.94	1.74E-01
SCGB3A2	0.14	4.43E-01	0.09	4.65E-01	-0.85	8.01E-01
IRF8	0.14	4.43E-01	-0.03	5.12E-01	0.57	2.85E-01
ST7-OT4	0.14	4.43E-01	0.41	3.40E-01	-0.45	6.75E-01
DNAH100S	0.14	4.43E-01	0.62	2.67E-01	0.79	2.15E-01
ZNF45	0.14	4.43E-01	-0.01	5.02E-01	-0.37	6.43E-01
PUS10	0.14	4.43E-01	0.39	3.47E-01	-0.14	5.56E-01
HSPB11	0.14	4.43E-01	-0.33	6.30E-01	0.41	3.41E-01
SH3TC2	0.14	4.44E-01	0.85	1.98E-01	-0.03	5.10E-01
KDELR2	0.14	4.44E-01	-0.30	6.17E-01	0.04	4.85E-01
TSPO	0.14	4.44E-01	0.15	4.40E-01	-0.81	7.91E-01
MYL3	0.14	4.44E-01	-0.97	8.35E-01	0.26	3.97E-01
CCNI2	0.14	4.44E-01	0.05	4.81E-01	1.70	4.43E-02
PTK2	0.14	4.44E-01	-0.57	7.16E-01	-0.13	5.50E-01
FAM179B	0.14	4.44E-01	0.59	2.79E-01	0.33	3.72E-01
SNAPC5	0.14	4.44E-01	-0.48	6.83E-01	0.84	2.00E-01
ARL5C	0.14	4.44E-01	0.90	1.85E-01	0.63	2.63E-01
LEMD1	0.14	4.44E-01	0.55	2.93E-01	-0.64	7.39E-01
CARD10	0.14	4.44E-01	0.25	3.99E-01	-1.40	9.20E-01
DNAJB8	0.14	4.44E-01	-0.38	6.47E-01	2.34	9.59E-03
LPCAT4	0.14	4.44E-01	0.36	3.59E-01	-0.80	7.89E-01

MRPS5	0.14	4.44E-01	0.49	3.13E-01	-0.15	5.58E-01
CHMP6	0.14	4.44E-01	-0.38	6.49E-01	-0.02	5.08E-01
RP11-1C1.5	0.14	4.44E-01	-0.38	6.47E-01	1.23	1.09E-01
FGF14	0.14	4.44E-01	-0.28	6.09E-01	-0.12	5.47E-01
CEP41	0.14	4.44E-01	0.77	2.22E-01	0.31	3.77E-01
FICD	0.14	4.44E-01	0.93	1.77E-01	0.00	5.02E-01
WDFY2	0.14	4.44E-01	1.05	1.48E-01	-1.27	8.98E-01
OR6K6	0.14	4.44E-01	0.38	3.53E-01	-2.02	9.78E-01
TGM4	0.14	4.44E-01	-1.21	8.88E-01	0.55	2.91E-01
TXNL4B	0.14	4.45E-01	0.02	4.91E-01	0.71	2.38E-01
MINPP1	0.14	4.45E-01	-0.69	7.56E-01	-0.24	5.94E-01
OGFOD3	0.14	4.45E-01	0.40	3.46E-01	-0.53	7.01E-01
MTERFD3	0.14	4.45E-01	-1.20	8.84E-01	0.71	2.38E-01
CHRNA6	0.14	4.45E-01	0.02	4.93E-01	0.37	3.54E-01
LRRC10	0.14	4.45E-01	-0.09	5.36E-01	0.12	4.54E-01
TMEM160	0.14	4.45E-01	0.77	2.22E-01	-1.02	8.46E-01
YKT6	0.14	4.45E-01	0.19	4.24E-01	-1.60	9.46E-01
PABPC4	0.14	4.45E-01	0.03	4.89E-01	-0.53	7.01E-01
LHX8	0.14	4.45E-01	0.17	4.33E-01	-0.15	5.60E-01
CHL1	0.14	4.45E-01	0.39	3.50E-01	-1.73	9.58E-01
MPHOSPH10	0.14	4.45E-01	0.33	3.71E-01	-0.21	5.85E-01
FAM153A	0.14	4.45E-01	0.35	3.62E-01	0.22	4.15E-01
GAD1	0.14	4.45E-01	-1.57	9.42E-01	1.19	1.17E-01
UBQLN1	0.14	4.45E-01	0.42	3.36E-01	0.02	4.90E-01
KCNJ5	0.14	4.45E-01	0.10	4.60E-01	-0.73	7.67E-01
TXNDC5	0.14	4.45E-01	2.34	9.64E-03	-0.30	6.19E-01
FAM89B	0.14	4.45E-01	0.20	4.20E-01	-0.35	6.37E-01
ZNF354A	0.14	4.45E-01	1.30	9.66E-02	0.57	2.83E-01
MBOAT2	0.14	4.46E-01	0.11	4.57E-01	-0.50	6.92E-01
PHGDH	0.14	4.46E-01	0.17	4.32E-01	-0.27	6.07E-01
OPA1	0.14	4.46E-01	-0.57	7.14E-01	-0.12	5.47E-01

TMUB1	0.14	4.46E-01	0.28	3.90E-01	0.80	2.11E-01
LGR4	0.14	4.46E-01	-0.51	6.94E-01	0.15	4.41E-01
KRBA2	0.14	4.46E-01	1.05	1.47E-01	-0.26	6.04E-01
MAPK15	0.14	4.46E-01	1.34	9.03E-02	0.61	2.70E-01
WIBG	0.14	4.46E-01	0.66	2.56E-01	-1.08	8.60E-01
TMEM134	0.14	4.46E-01	1.02	1.55E-01	-0.94	8.26E-01
C9orf69	0.14	4.46E-01	-0.51	6.95E-01	-0.24	5.94E-01
CDH3	0.14	4.46E-01	-0.80	7.88E-01	-0.20	5.78E-01
SMAD5	0.13	4.46E-01	1.15	1.24E-01	-0.19	5.74E-01
C12orf10	0.13	4.46E-01	0.41	3.39E-01	-1.80	9.64E-01
YIPF2	0.13	4.46E-01	1.11	1.33E-01	-1.79	9.63E-01
LSG1	0.13	4.46E-01	-0.75	7.74E-01	-0.07	5.27E-01
WDR88	0.13	4.47E-01	-0.12	5.50E-01	-0.69	7.55E-01
CDK5RAP1	0.13	4.47E-01	0.70	2.42E-01	-1.13	8.71E-01
ZNF670	0.13	4.47E-01	-1.20	8.84E-01	0.44	3.29E-01
CRYAA	0.13	4.47E-01	0.09	4.63E-01	-0.65	7.41E-01
NDUFV2	0.13	4.47E-01	-0.08	5.32E-01	-0.03	5.13E-01
HAS1	0.13	4.47E-01	-0.86	8.06E-01	0.72	2.37E-01
ANP32E	0.13	4.47E-01	0.18	4.28E-01	0.27	3.93E-01
ST6GALNAC3	0.13	4.47E-01	-0.17	5.69E-01	0.32	3.73E-01
MGARP	0.13	4.47E-01	0.89	1.86E-01	-2.07	9.81E-01
TMPRSS15	0.13	4.47E-01	-1.21	8.87E-01	2.05	2.01E-02
PTGDR2	0.13	4.47E-01	0.42	3.37E-01	-0.93	8.23E-01
SKIDA1	0.13	4.47E-01	-0.33	6.30E-01	0.00	5.01E-01
PLEKHG5	0.13	4.47E-01	0.08	4.68E-01	-0.19	5.77E-01
FLRT2	0.13	4.47E-01	-0.17	5.69E-01	-1.09	8.62E-01
DEFB135	0.13	4.47E-01	-0.01	5.03E-01	-0.88	8.10E-01
SNAP91	0.13	4.48E-01	0.23	4.11E-01	3.15	8.09E-04
LAPTM5	0.13	4.48E-01	0.49	3.13E-01	-1.93	9.73E-01
FBXW2	0.13	4.48E-01	-0.01	5.03E-01	0.13	4.47E-01
NRG4	0.13	4.48E-01	1.20	1.15E-01	-0.66	7.47E-01



C9orf66	0.13	4.48E-01	-0.11	5.42E-01	-0.76	7.76E-01
FJX1	0.13	4.48E-01	1.01	1.56E-01	-0.48	6.83E-01
MTSS1L	0.13	4.48E-01	1.47	7.06E-02	0.59	2.79E-01
MRPL14	0.13	4.48E-01	2.11	1.75E-02	-0.65	7.41E-01
ACTR3B	0.13	4.48E-01	1.08	1.39E-01	-0.37	6.44E-01
CD274	0.13	4.48E-01	-0.57	7.15E-01	-0.43	6.66E-01
HECTD2	0.13	4.48E-01	0.80	2.13E-01	-1.02	8.45E-01
TOMM20L	0.13	4.48E-01	-0.10	5.40E-01	0.34	3.66E-01
ZBTB8B	0.13	4.48E-01	0.43	3.32E-01	-2.20	9.86E-01
CST3	0.13	4.48E-01	-0.42	6.62E-01	1.29	9.79E-02
TCEA3	0.13	4.49E-01	2.65	3.99E-03	0.98	1.64E-01
TRIM14	0.13	4.49E-01	-0.13	5.53E-01	0.20	4.22E-01
KLF9	0.13	4.49E-01	-1.88	9.70E-01	1.18	1.19E-01
SIL1	0.13	4.49E-01	-0.15	5.58E-01	0.16	4.35E-01
UBE4B	0.13	4.49E-01	0.88	1.90E-01	0.47	3.21E-01
TSG101	0.13	4.49E-01	-1.37	9.15E-01	0.95	1.70E-01
THEM4	0.13	4.49E-01	1.58	5.71E-02	-0.51	6.94E-01
SRRD	0.13	4.49E-01	0.47	3.18E-01	0.10	4.58E-01
AGO4	0.13	4.49E-01	0.09	4.64E-01	0.85	1.98E-01
PRDX2	0.13	4.49E-01	-1.14	8.73E-01	0.34	3.67E-01
PTCHD3	0.13	4.49E-01	0.50	3.10E-01	-1.04	8.50E-01
TNNC2	0.13	4.49E-01	-0.51	6.96E-01	-0.15	5.60E-01
CLEC6A	0.13	4.49E-01	-0.82	7.94E-01	1.40	8.15E-02
C17orf104	0.13	4.49E-01	1.34	8.97E-02	0.09	4.64E-01
KRTAP5-9	0.13	4.49E-01	-0.69	7.55E-01	-0.35	6.38E-01
SLC25A21-AS1	0.13	4.49E-01	0.10	4.59E-01	-0.80	7.87E-01
DENND2A	0.13	4.50E-01	-0.54	7.05E-01	-0.05	5.20E-01
MYLIP	0.13	4.50E-01	0.90	1.84E-01	-1.45	9.26E-01
RPL22L1	0.13	4.50E-01	-1.12	8.69E-01	0.40	3.46E-01
FAM183B	0.13	4.50E-01	1.38	8.31E-02	-1.66	9.52E-01
ASNA1	0.13	4.50E-01	-0.32	6.27E-01	0.01	4.97E-01

NFKB1	0.13	4.50E-01	1.02	1.55E-01	0.54	2.94E-01
C11orf63	0.13	4.50E-01	-1.66	9.51E-01	0.40	3.45E-01
AURKB	0.13	4.50E-01	1.10	1.36E-01	0.97	1.67E-01
SH2D3C	0.13	4.50E-01	-0.80	7.90E-01	1.37	8.56E-02
TOMM40L	0.13	4.50E-01	-0.08	5.31E-01	-0.22	5.88E-01
HSF2	0.13	4.50E-01	0.76	2.25E-01	-0.93	8.24E-01
FBLL1	0.13	4.50E-01	-0.43	6.68E-01	0.36	3.61E-01
SH2D7	0.12	4.50E-01	0.52	3.01E-01	-0.67	7.48E-01
TBRG1	0.12	4.50E-01	-0.19	5.77E-01	-0.92	8.21E-01
ACOT4	0.12	4.50E-01	0.45	3.28E-01	1.27	1.02E-01
PMEPA1	0.12	4.50E-01	-0.58	7.18E-01	2.14	1.61E-02
DHDH	0.12	4.50E-01	-0.61	7.30E-01	1.04	1.49E-01
TDRD10	0.12	4.51E-01	-0.72	7.64E-01	0.99	1.60E-01
PRLR	0.12	4.51E-01	0.44	3.30E-01	-0.53	7.00E-01
ACP5	0.12	4.51E-01	1.28	9.96E-02	0.32	3.73E-01
PTPN12	0.12	4.51E-01	0.84	2.01E-01	0.21	4.15E-01
NT5C3A	0.12	4.51E-01	-1.75	9.60E-01	0.95	1.71E-01
IL11RA	0.12	4.51E-01	0.03	4.88E-01	0.70	2.42E-01
DTX3L	0.12	4.51E-01	-0.09	5.37E-01	-0.94	8.27E-01
DKK3	0.12	4.51E-01	0.35	3.64E-01	0.40	3.43E-01
KIAA1467	0.12	4.51E-01	0.17	4.34E-01	0.24	4.05E-01
OBP2A	0.12	4.51E-01	-0.03	5.10E-01	-0.23	5.91E-01
RIT2	0.12	4.51E-01	0.23	4.11E-01	0.41	3.41E-01
MTUS2	0.12	4.51E-01	0.29	3.84E-01	0.29	3.85E-01
SLC18B1	0.12	4.51E-01	-0.18	5.70E-01	1.31	9.44E-02
BHLHE40	0.12	4.51E-01	0.00	5.01E-01	1.32	9.34E-02
NLRP9	0.12	4.51E-01	-0.16	5.64E-01	-0.11	5.46E-01
IVNS1ABP	0.12	4.51E-01	1.25	1.07E-01	-0.68	7.51E-01
MCTP2	0.12	4.51E-01	0.12	4.52E-01	1.35	8.86E-02
ZNF649	0.12	4.51E-01	-0.30	6.20E-01	-0.03	5.12E-01
SLC2A12	0.12	4.51E-01	0.12	4.51E-01	-0.02	5.09E-01

TMED3	0.12	4.52E-01	0.14	4.44E-01	1.20	1.16E-01
CASP8	0.12	4.52E-01	0.80	2.12E-01	-1.56	9.41E-01
MTHFD1	0.12	4.52E-01	0.65	2.58E-01	0.10	4.60E-01
MKMK2	0.12	4.52E-01	-0.04	5.17E-01	0.25	4.00E-01
RCHY1	0.12	4.52E-01	0.36	3.61E-01	0.77	2.22E-01
HOXB3	0.12	4.52E-01	0.66	2.55E-01	0.12	4.54E-01
PLD3	0.12	4.52E-01	2.09	1.84E-02	0.39	3.50E-01
UBE2D3	0.12	4.52E-01	0.00	5.01E-01	-0.38	6.49E-01
KCTD4	0.12	4.52E-01	1.01	1.57E-01	0.48	3.16E-01
YPEL2	0.12	4.52E-01	-1.10	8.64E-01	0.25	4.00E-01
REPIN1	0.12	4.52E-01	-0.65	7.42E-01	-0.24	5.95E-01
CALML3	0.12	4.52E-01	0.58	2.83E-01	-1.70	9.56E-01
OR1A1	0.12	4.53E-01	0.15	4.40E-01	0.15	4.41E-01
SBNO2	0.12	4.53E-01	-0.81	7.92E-01	0.64	2.61E-01
PPP2R2B	0.12	4.53E-01	-1.15	8.74E-01	1.51	6.58E-02
TMEM127	0.12	4.53E-01	0.21	4.18E-01	-0.57	7.15E-01
ITFG3	0.12	4.53E-01	-0.88	8.12E-01	0.29	3.84E-01
MT1G	0.12	4.53E-01	-0.80	7.88E-01	0.08	4.68E-01
MS4A5	0.12	4.53E-01	0.07	4.72E-01	0.76	2.24E-01
SERPIN8	0.12	4.53E-01	-0.94	8.26E-01	-0.47	6.81E-01
GPR63	0.12	4.53E-01	-0.55	7.10E-01	-0.26	6.01E-01
ID3	0.12	4.53E-01	-0.18	5.71E-01	-0.05	5.22E-01
DSP	0.12	4.53E-01	-1.07	8.58E-01	0.23	4.09E-01
CHRNA3	0.12	4.53E-01	-0.95	8.28E-01	0.94	1.75E-01
YLPM1	0.12	4.54E-01	-0.29	6.14E-01	0.47	3.18E-01
BTBD6	0.12	4.54E-01	-0.52	6.99E-01	0.26	3.98E-01
HEPN1	0.12	4.54E-01	-0.17	5.67E-01	-0.66	7.45E-01
KRT77	0.12	4.54E-01	1.11	1.33E-01	0.09	4.62E-01
GPR87	0.12	4.54E-01	0.56	2.88E-01	-1.54	9.38E-01
AMER2	0.12	4.54E-01	0.61	2.69E-01	-1.28	9.00E-01
POLH	0.12	4.54E-01	-0.52	6.97E-01	-0.28	6.12E-01

PTPRCAP	0.12	4.54E-01	0.69	2.44E-01	-0.37	6.46E-01
TG	0.12	4.54E-01	-0.95	8.28E-01	0.72	2.35E-01
TMEM174	0.12	4.54E-01	-1.20	8.85E-01	0.21	4.17E-01
AGGF1	0.12	4.54E-01	0.52	3.01E-01	-0.96	8.33E-01
EMC10	0.12	4.54E-01	0.82	2.05E-01	-0.20	5.81E-01
FGGY	0.11	4.54E-01	-0.59	7.21E-01	0.36	3.61E-01
FIZ1	0.11	4.55E-01	1.17	1.20E-01	-0.21	5.84E-01
GNG5	0.11	4.55E-01	0.68	2.47E-01	-0.47	6.82E-01
RP11-366L20.2	0.11	4.55E-01	1.51	6.58E-02	-1.29	9.01E-01
TMEM33	0.11	4.55E-01	-1.79	9.64E-01	1.03	1.52E-01
TRPM1	0.11	4.55E-01	-0.73	7.66E-01	-0.21	5.83E-01
IER3IP1	0.11	4.55E-01	0.04	4.84E-01	-0.81	7.90E-01
OR10AD1	0.11	4.55E-01	-0.18	5.71E-01	-0.07	5.26E-01
AZI1	0.11	4.55E-01	-0.46	6.77E-01	-0.95	8.28E-01
KRTAP5-7	0.11	4.55E-01	0.13	4.47E-01	-1.29	9.02E-01
MYC	0.11	4.55E-01	0.38	3.53E-01	-1.26	8.96E-01
C11orf1	0.11	4.55E-01	0.63	2.66E-01	-0.58	7.20E-01
HSD3B7	0.11	4.56E-01	-0.20	5.81E-01	0.65	2.59E-01
DRD2	0.11	4.56E-01	-0.47	6.81E-01	-0.41	6.58E-01
MSANTD3	0.11	4.56E-01	0.01	4.95E-01	-0.88	8.11E-01
SLC38A1	0.11	4.56E-01	0.05	4.80E-01	1.73	4.20E-02
IRAK2	0.11	4.56E-01	0.40	3.44E-01	0.41	3.41E-01
ACCSL	0.11	4.56E-01	0.18	4.28E-01	-1.29	9.02E-01
MPO	0.11	4.56E-01	-0.26	6.01E-01	-1.10	8.64E-01
KCNB1	0.11	4.56E-01	0.89	1.88E-01	-0.58	7.19E-01
C21orf37	0.11	4.56E-01	0.05	4.80E-01	-0.03	5.11E-01
ZFPM2	0.11	4.56E-01	-0.12	5.46E-01	-0.42	6.64E-01
CXCR2	0.11	4.56E-01	0.37	3.56E-01	-1.49	9.32E-01
GAPDH	0.11	4.56E-01	0.37	3.57E-01	-1.30	9.03E-01
STEAP3	0.11	4.56E-01	-1.68	9.53E-01	0.86	1.96E-01
ITGA7	0.11	4.56E-01	1.49	6.82E-02	-0.47	6.81E-01

ZNF594	0.11	4.56E-01	1.15	1.26E-01	-1.02	8.46E-01
TSNAX	0.11	4.56E-01	-0.61	7.28E-01	-0.64	7.40E-01
AHSG	0.11	4.56E-01	0.09	4.64E-01	-0.30	6.17E-01
NQO2	0.11	4.56E-01	-0.29	6.15E-01	0.16	4.38E-01
PLSCR2	0.11	4.56E-01	-0.95	8.29E-01	0.75	2.25E-01
PTPRS	0.11	4.56E-01	-0.44	6.71E-01	1.10	1.36E-01
ATP6V1G1	0.11	4.56E-01	-0.10	5.39E-01	-1.09	8.62E-01
CCNB1IP1	0.11	4.57E-01	0.37	3.54E-01	-1.15	8.75E-01
TNFSF18	0.11	4.57E-01	-0.76	7.77E-01	0.11	4.55E-01
CCDC69	0.11	4.57E-01	-1.17	8.78E-01	0.02	4.93E-01
CYB5A	0.11	4.57E-01	-0.05	5.19E-01	-0.95	8.30E-01
IL10RA	0.11	4.57E-01	0.75	2.25E-01	-3.01	9.99E-01
ICOS	0.11	4.57E-01	0.43	3.33E-01	-1.34	9.09E-01
BUB1B	0.11	4.57E-01	-0.12	5.49E-01	-0.52	6.98E-01
ATF4	0.11	4.57E-01	0.68	2.49E-01	-1.36	9.14E-01
GSTM4	0.11	4.57E-01	0.93	1.75E-01	-0.15	5.61E-01
RPS6KC1	0.11	4.57E-01	0.10	4.62E-01	-1.12	8.69E-01
C1orf174	0.11	4.57E-01	-0.40	6.54E-01	0.69	2.45E-01
C20orf85	0.11	4.57E-01	1.16	1.24E-01	-0.25	5.98E-01
IFITM2	0.11	4.57E-01	-0.19	5.77E-01	-0.42	6.63E-01
ZNF524	0.11	4.57E-01	0.28	3.91E-01	-1.26	8.96E-01
TM7SF3	0.11	4.57E-01	-0.33	6.30E-01	-0.24	5.96E-01
REL	0.11	4.58E-01	1.33	9.20E-02	-1.50	9.33E-01
EMR1	0.11	4.58E-01	-0.71	7.62E-01	-0.35	6.37E-01
ARNTL	0.11	4.58E-01	2.37	8.85E-03	1.10	1.37E-01
FLJ27365	0.11	4.58E-01	0.41	3.42E-01	-1.60	9.45E-01
AK5	0.11	4.58E-01	0.29	3.85E-01	1.87	3.11E-02
NAA25	0.11	4.58E-01	-0.72	7.64E-01	0.00	5.01E-01
PNP	0.11	4.58E-01	0.57	2.85E-01	-0.21	5.84E-01
CRISPLD2	0.11	4.58E-01	0.31	3.76E-01	-1.27	8.97E-01
CXCL5	0.11	4.58E-01	-0.07	5.27E-01	-0.61	7.29E-01

UGP2	0.10	4.58E-01	0.03	4.88E-01	-0.90	8.16E-01
NOX3	0.10	4.59E-01	-0.16	5.64E-01	1.04	1.49E-01
NECAP2	0.10	4.59E-01	-0.34	6.33E-01	-0.87	8.09E-01
ATF5	0.10	4.59E-01	-0.89	8.14E-01	1.13	1.30E-01
CYFIP1	0.10	4.59E-01	2.46	6.92E-03	-0.54	7.05E-01
INHBB	0.10	4.59E-01	-0.55	7.08E-01	-0.37	6.44E-01
GNB2L1	0.10	4.59E-01	0.17	4.32E-01	1.17	1.22E-01
ZNF865	0.10	4.59E-01	0.34	3.68E-01	1.41	7.90E-02
TCTEX1D2	0.10	4.59E-01	-1.03	8.48E-01	-0.06	5.23E-01
MKL1	0.10	4.59E-01	1.26	1.04E-01	-1.05	8.52E-01
ESRRB	0.10	4.59E-01	-0.27	6.05E-01	0.53	2.97E-01
C12orf5	0.10	4.59E-01	0.07	4.71E-01	-1.18	8.81E-01
MGEA5	0.10	4.59E-01	0.15	4.42E-01	1.15	1.25E-01
C12orf68	0.10	4.59E-01	-0.11	5.42E-01	-0.76	7.76E-01
RPL35	0.10	4.59E-01	0.15	4.42E-01	-0.81	7.91E-01
TSR1	0.10	4.59E-01	0.09	4.65E-01	0.21	4.16E-01
DBX2	0.10	4.59E-01	-0.19	5.74E-01	0.60	2.73E-01
C6orf62	0.10	4.59E-01	-0.20	5.79E-01	-1.42	9.22E-01
SCIN	0.10	4.59E-01	0.42	3.38E-01	0.22	4.12E-01
CBFA2T2	0.10	4.59E-01	0.29	3.86E-01	-1.23	8.90E-01
FAM168A	0.10	4.59E-01	-0.81	7.90E-01	0.57	2.85E-01
ZNF784	0.10	4.59E-01	0.23	4.08E-01	1.95	2.53E-02
TAS2R42	0.10	4.59E-01	1.34	8.97E-02	-0.34	6.32E-01
RP11-536G4.1	0.10	4.60E-01	-0.25	5.99E-01	-0.58	7.20E-01
KCTD20	0.10	4.60E-01	0.82	2.06E-01	0.02	4.90E-01
RPL34	0.10	4.60E-01	-1.39	9.18E-01	0.45	3.26E-01
DNAJC28	0.10	4.60E-01	0.04	4.84E-01	-0.31	6.24E-01
MGAT4A	0.10	4.60E-01	0.37	3.57E-01	-0.02	5.10E-01
CEBPE	0.10	4.60E-01	0.75	2.26E-01	1.34	9.07E-02
MPZL1	0.10	4.60E-01	-0.41	6.60E-01	1.15	1.25E-01
CHRM5	0.10	4.60E-01	1.39	8.18E-02	-0.56	7.11E-01

HBG1	0.10	4.60E-01	0.20	4.23E-01	-1.78	9.63E-01
PROK2	0.10	4.60E-01	1.03	1.51E-01	-2.46	9.93E-01
TECPR1	0.10	4.60E-01	0.68	2.47E-01	-0.07	5.29E-01
PTGES2	0.10	4.60E-01	0.83	2.04E-01	-1.47	9.30E-01
KRT13	0.10	4.60E-01	-1.00	8.40E-01	0.33	3.72E-01
SOS1	0.10	4.60E-01	1.26	1.04E-01	-0.29	6.15E-01
OR6C1	0.10	4.60E-01	-1.38	9.16E-01	0.27	3.93E-01
MERTK	0.10	4.60E-01	0.26	3.98E-01	-1.00	8.41E-01
C8orf87	0.10	4.60E-01	0.80	2.11E-01	-0.77	7.79E-01
APIP	0.10	4.60E-01	-0.34	6.32E-01	0.42	3.38E-01
SLCO3A1	0.10	4.60E-01	-1.00	8.41E-01	-0.62	7.32E-01
CCT8	0.10	4.60E-01	0.59	2.79E-01	-1.15	8.75E-01
ACTR1B	0.10	4.61E-01	-0.31	6.22E-01	-0.60	7.25E-01
CHRNA2	0.10	4.61E-01	1.21	1.14E-01	0.91	1.80E-01
MTHFS	0.10	4.61E-01	-0.35	6.36E-01	-0.87	8.09E-01
LRRC15	0.10	4.61E-01	-0.41	6.59E-01	0.47	3.17E-01
STK38	0.10	4.61E-01	1.04	1.49E-01	-0.10	5.41E-01
AQP1	0.10	4.61E-01	0.94	1.74E-01	-0.53	7.03E-01
MDK	0.10	4.61E-01	-0.96	8.30E-01	0.30	3.82E-01
CCDC181	0.10	4.61E-01	0.67	2.51E-01	0.91	1.82E-01
PRSS48	0.10	4.61E-01	-0.76	7.76E-01	-0.38	6.47E-01
CHCHD4	0.10	4.61E-01	-0.63	7.36E-01	0.39	3.47E-01
TMEM11	0.10	4.61E-01	-0.25	6.01E-01	-0.81	7.90E-01
CR2	0.10	4.61E-01	0.76	2.24E-01	-1.13	8.71E-01
STIP1	0.10	4.61E-01	1.01	1.57E-01	0.29	3.86E-01
KIAA0430	0.10	4.61E-01	-0.32	6.27E-01	1.92	2.77E-02
RGSL1	0.10	4.61E-01	-0.75	7.72E-01	1.52	6.47E-02
C7orf26	0.10	4.61E-01	-1.10	8.64E-01	0.66	2.53E-01
DCP2	0.10	4.62E-01	-1.23	8.90E-01	1.53	6.34E-02
C4orf26	0.10	4.62E-01	0.15	4.39E-01	1.04	1.50E-01
TCF25	0.10	4.62E-01	0.35	3.65E-01	1.20	1.15E-01

43165	0.10	4.62E-01	-0.35	6.37E-01	-0.47	6.80E-01
SGCG	0.10	4.62E-01	0.77	2.21E-01	0.17	4.33E-01
C17orf97	0.10	4.62E-01	-0.87	8.07E-01	-0.10	5.38E-01
DSE	0.10	4.62E-01	1.23	1.09E-01	-1.14	8.72E-01
FST	0.10	4.62E-01	-0.03	5.11E-01	0.98	1.64E-01
MBOAT1	0.10	4.62E-01	0.96	1.67E-01	-0.21	5.81E-01
TAPBPL	0.10	4.62E-01	0.79	2.15E-01	-0.32	6.25E-01
CISD2	0.10	4.62E-01	-0.05	5.21E-01	-0.32	6.27E-01
OR51H1P	0.10	4.62E-01	0.87	1.93E-01	-1.15	8.75E-01
ADIG	0.10	4.62E-01	0.41	3.43E-01	0.47	3.18E-01
FOXB1	0.10	4.62E-01	-0.60	7.26E-01	-0.34	6.34E-01
PPM1B	0.10	4.62E-01	-0.21	5.81E-01	0.46	3.24E-01
CACHD1	0.10	4.62E-01	0.72	2.37E-01	-0.04	5.15E-01
CNTN2	0.09	4.62E-01	0.23	4.10E-01	-0.50	6.91E-01
PLEKHO2	0.09	4.62E-01	-0.58	7.19E-01	0.63	2.63E-01
LDHAL6A	0.09	4.62E-01	-1.15	8.75E-01	0.18	4.29E-01
POLB	0.09	4.62E-01	0.00	5.01E-01	-0.82	7.94E-01
VWA8	0.09	4.62E-01	0.72	2.37E-01	-0.57	7.16E-01
PYROXD1	0.09	4.62E-01	-0.25	5.99E-01	-0.76	7.76E-01
KCNU1	0.09	4.62E-01	0.78	2.17E-01	-1.12	8.68E-01
MPHOSPH6	0.09	4.62E-01	0.51	3.06E-01	0.37	3.55E-01
PAPPA2	0.09	4.62E-01	0.64	2.62E-01	1.08	1.41E-01
GRK5	0.09	4.62E-01	0.27	3.93E-01	-1.28	9.00E-01
SNX17	0.09	4.62E-01	0.18	4.30E-01	1.44	7.51E-02
LUZP1	0.09	4.63E-01	1.50	6.65E-02	0.02	4.90E-01
GNAI3	0.09	4.63E-01	0.69	2.47E-01	-0.74	7.72E-01
EIF2B2	0.09	4.63E-01	0.95	1.70E-01	-0.58	7.20E-01
FARS2	0.09	4.63E-01	0.27	3.93E-01	-0.40	6.54E-01
TTR	0.09	4.63E-01	0.32	3.73E-01	-1.33	9.09E-01
C17orf98	0.09	4.63E-01	0.39	3.47E-01	-0.17	5.68E-01
EMID1	0.09	4.63E-01	0.08	4.67E-01	-0.86	8.05E-01



MMP26	0.09	4.63E-01	0.09	4.65E-01	0.71	2.39E-01
ENSA	0.09	4.63E-01	-0.72	7.65E-01	-0.18	5.73E-01
RBMXL1	0.09	4.63E-01	-0.94	8.26E-01	0.49	3.12E-01
FDX1L	0.09	4.63E-01	-1.07	8.58E-01	0.54	2.93E-01
ADAM32	0.09	4.64E-01	0.69	2.44E-01	-0.56	7.11E-01
NBL1	0.09	4.64E-01	-0.15	5.59E-01	-0.89	8.12E-01
ATP8A2	0.09	4.64E-01	0.97	1.65E-01	-1.10	8.64E-01
CWC15	0.09	4.64E-01	0.76	2.23E-01	1.12	1.31E-01
NUCKS1	0.09	4.64E-01	-1.36	9.13E-01	0.05	4.80E-01
KIAA1551	0.09	4.64E-01	-2.05	9.80E-01	0.59	2.77E-01
KLHL29	0.09	4.64E-01	1.61	5.42E-02	1.41	7.86E-02
CNTN1	0.09	4.64E-01	0.22	4.15E-01	-1.14	8.73E-01
C17orf70	0.09	4.64E-01	-0.38	6.49E-01	-0.10	5.39E-01
RPL36	0.09	4.64E-01	-0.04	5.16E-01	0.51	3.07E-01
ZNF510	0.09	4.64E-01	-1.11	8.67E-01	0.62	2.67E-01
TRNP1	0.09	4.64E-01	-0.03	5.10E-01	1.44	7.45E-02
AC009403.2	0.09	4.64E-01	-0.85	8.03E-01	-0.04	5.15E-01
GLRX	0.09	4.64E-01	-0.87	8.07E-01	-0.12	5.48E-01
C1orf101	0.09	4.64E-01	-0.37	6.43E-01	-0.78	7.84E-01
AMACR	0.09	4.64E-01	1.61	5.43E-02	0.22	4.14E-01
LHCGR	0.09	4.64E-01	0.00	4.99E-01	-1.10	8.65E-01
TSSK6	0.09	4.65E-01	-0.59	7.23E-01	-0.54	7.06E-01
CHST10	0.09	4.65E-01	0.30	3.84E-01	-0.18	5.72E-01
ALDH18A1	0.09	4.65E-01	-0.55	7.08E-01	0.91	1.82E-01
C5orf45	0.09	4.65E-01	0.22	4.13E-01	-1.05	8.53E-01
CHST2	0.09	4.65E-01	0.30	3.83E-01	-1.06	8.55E-01
ZNF598	0.09	4.65E-01	0.86	1.96E-01	-0.42	6.63E-01
OR13A1	0.09	4.65E-01	-0.67	7.48E-01	0.51	3.04E-01
TMEM41A	0.09	4.65E-01	0.30	3.83E-01	-0.91	8.18E-01
RNF31	0.09	4.65E-01	-1.80	9.64E-01	0.71	2.38E-01
ANKRD22	0.09	4.65E-01	-0.79	7.86E-01	0.34	3.65E-01

CPT1A	0.09	4.65E-01	-0.45	6.73E-01	-0.59	7.23E-01
RPUSD1	0.09	4.65E-01	0.74	2.30E-01	-0.71	7.60E-01
FGF18	0.09	4.65E-01	1.51	6.55E-02	0.64	2.62E-01
RAB32	0.09	4.65E-01	1.02	1.54E-01	-1.06	8.55E-01
BACH1	0.09	4.65E-01	0.31	3.79E-01	-1.86	9.69E-01
EID2B	0.09	4.65E-01	0.21	4.17E-01	-1.11	8.67E-01
SCAMP5	0.09	4.66E-01	0.04	4.85E-01	0.40	3.44E-01
TMEM43	0.09	4.66E-01	-0.22	5.88E-01	-0.13	5.53E-01
C16orf91	0.09	4.66E-01	0.02	4.92E-01	-0.29	6.14E-01
TRIM55	0.09	4.66E-01	0.10	4.59E-01	-0.15	5.59E-01
PRKAR2B	0.09	4.66E-01	-0.26	6.03E-01	1.12	1.31E-01
CKAP4	0.09	4.66E-01	0.69	2.47E-01	-1.34	9.10E-01
ARHGAP12	0.09	4.66E-01	-0.09	5.35E-01	-0.29	6.12E-01
TMEM140	0.09	4.66E-01	-1.08	8.59E-01	1.02	1.53E-01
NUP50	0.08	4.66E-01	-0.27	6.07E-01	1.32	9.27E-02
GFRA4	0.08	4.66E-01	0.60	2.73E-01	-0.29	6.16E-01
RBMS2	0.08	4.66E-01	0.47	3.20E-01	-1.82	9.65E-01
SIMC1	0.08	4.66E-01	-0.74	7.69E-01	-0.67	7.50E-01
EFCAB10	0.08	4.66E-01	0.28	3.89E-01	0.62	2.69E-01
GGH	0.08	4.66E-01	0.13	4.48E-01	0.54	2.95E-01
TMEM108	0.08	4.66E-01	0.89	1.88E-01	0.04	4.85E-01
RPN1	0.08	4.66E-01	0.70	2.42E-01	-1.82	9.66E-01
ELMO3	0.08	4.66E-01	-0.84	7.98E-01	-0.58	7.20E-01
RASL10A	0.08	4.66E-01	0.19	4.25E-01	-0.92	8.21E-01
FAT3	0.08	4.66E-01	0.01	4.97E-01	-0.47	6.81E-01
DOK4	0.08	4.67E-01	-0.42	6.62E-01	-0.67	7.49E-01
DIEXF	0.08	4.67E-01	-0.91	8.18E-01	-0.30	6.18E-01
VAV3	0.08	4.67E-01	-0.59	7.22E-01	0.19	4.25E-01
DYNC2LI1	0.08	4.67E-01	0.68	2.49E-01	-0.60	7.25E-01
SLC26A10	0.08	4.67E-01	-0.96	8.32E-01	-0.13	5.52E-01
ANKRD36	0.08	4.67E-01	-0.94	8.27E-01	0.21	4.17E-01

WRNIP1	0.08	4.67E-01	0.11	4.57E-01	-1.06	8.55E-01
BLOC1S6	0.08	4.67E-01	-0.78	7.82E-01	0.31	3.79E-01
KRTAP10-6	0.08	4.67E-01	-0.01	5.05E-01	1.75	4.01E-02
TM7SF2	0.08	4.67E-01	0.76	2.24E-01	-0.55	7.09E-01
ROR1	0.08	4.67E-01	0.35	3.65E-01	0.24	4.05E-01
C11orf48	0.08	4.67E-01	-0.65	7.42E-01	0.02	4.90E-01
CCDC168	0.08	4.67E-01	1.07	1.41E-01	-0.96	8.31E-01
TRIM69	0.08	4.67E-01	-0.10	5.40E-01	-1.24	8.92E-01
GDF3	0.08	4.67E-01	-0.25	5.99E-01	-0.57	7.16E-01
FSCB	0.08	4.67E-01	0.12	4.53E-01	-0.53	7.02E-01
RARRES2	0.08	4.67E-01	-1.15	8.76E-01	0.20	4.21E-01
NXNL1	0.08	4.67E-01	0.39	3.49E-01	0.62	2.66E-01
CENPQ	0.08	4.68E-01	-0.87	8.07E-01	0.40	3.45E-01
ATPIF1	0.08	4.68E-01	-0.76	7.76E-01	1.01	1.56E-01
MYO15A	0.08	4.68E-01	0.10	4.59E-01	0.07	4.73E-01
PAPD5	0.08	4.68E-01	0.03	4.86E-01	0.28	3.89E-01
IL17RB	0.08	4.68E-01	-0.32	6.27E-01	-0.01	5.06E-01
NR2C2AP	0.08	4.68E-01	0.51	3.07E-01	-1.32	9.07E-01
PLEKHG1	0.08	4.68E-01	0.55	2.93E-01	0.48	3.14E-01
HSPA4	0.08	4.68E-01	0.34	3.66E-01	-1.12	8.69E-01
THRB	0.08	4.68E-01	-0.10	5.39E-01	1.71	4.35E-02
FBXO11	0.08	4.68E-01	0.49	3.12E-01	-1.14	8.72E-01
HHIP	0.08	4.68E-01	-0.85	8.01E-01	0.06	4.74E-01
MED9	0.08	4.68E-01	0.31	3.80E-01	-0.72	7.63E-01
UBASH3A	0.08	4.68E-01	-1.89	9.71E-01	0.09	4.62E-01
CHADL	0.08	4.68E-01	-0.14	5.57E-01	-0.72	7.66E-01
CORO1B	0.08	4.68E-01	1.00	1.59E-01	-0.58	7.18E-01
UBE2V1	0.08	4.68E-01	-0.63	7.36E-01	0.38	3.50E-01
RAB11FIP2	0.08	4.68E-01	-0.92	8.22E-01	0.14	4.43E-01
FOXI2	0.08	4.68E-01	-0.35	6.38E-01	0.09	4.64E-01
OR7A5	0.08	4.68E-01	-0.56	7.13E-01	1.88	3.03E-02

XRN1	0.08	4.68E-01	0.14	4.45E-01	-0.92	8.21E-01
IMPAD1	0.08	4.69E-01	0.30	3.84E-01	-0.91	8.19E-01
SLC9A4	0.08	4.69E-01	0.54	2.95E-01	-2.68	9.96E-01
AKAP5	0.08	4.69E-01	0.19	4.26E-01	-0.36	6.42E-01
SIK2	0.08	4.69E-01	0.89	1.87E-01	0.08	4.66E-01
RAD51	0.08	4.69E-01	0.22	4.13E-01	-0.84	7.98E-01
ADRBK2	0.08	4.69E-01	-1.39	9.17E-01	0.59	2.77E-01
ANKLE1	0.08	4.69E-01	0.18	4.30E-01	-0.70	7.57E-01
ATF1	0.08	4.69E-01	0.43	3.35E-01	-0.52	6.98E-01
TRAPPC2L	0.08	4.69E-01	-0.15	5.59E-01	-0.11	5.44E-01
CDH4	0.08	4.69E-01	-0.78	7.84E-01	-0.09	5.35E-01
CRELD2	0.08	4.69E-01	0.85	1.98E-01	-1.60	9.45E-01
EFCAB6	0.08	4.69E-01	1.00	1.58E-01	-0.43	6.67E-01
SEMA6D	0.08	4.69E-01	1.82	3.43E-02	-1.58	9.43E-01
POP7	0.08	4.69E-01	-0.91	8.18E-01	1.00	1.59E-01
DDX49	0.08	4.69E-01	0.29	3.87E-01	-0.04	5.17E-01
TMEM229A	0.08	4.69E-01	-0.02	5.08E-01	0.37	3.57E-01
FOSL2	0.08	4.69E-01	0.97	1.66E-01	-0.85	8.02E-01
DNAJA2	0.08	4.69E-01	-1.28	8.99E-01	1.23	1.09E-01
LIN7B	0.08	4.69E-01	1.17	1.21E-01	-1.15	8.75E-01
SIVA1	0.08	4.69E-01	-0.32	6.27E-01	-0.25	5.99E-01
PIEZO2	0.08	4.69E-01	-0.02	5.08E-01	-1.04	8.52E-01
UBE2U	0.08	4.70E-01	0.63	2.65E-01	-1.85	9.68E-01
PYCRL	0.08	4.70E-01	-0.16	5.65E-01	0.23	4.07E-01
CBY3	0.08	4.70E-01	0.42	3.37E-01	-1.91	9.72E-01
ARHGAP24	0.08	4.70E-01	-0.81	7.91E-01	0.55	2.91E-01
TRIP12	0.08	4.70E-01	-0.40	6.57E-01	-0.32	6.26E-01
SLC44A2	0.08	4.70E-01	-0.55	7.10E-01	-0.37	6.43E-01
RAB33B	0.08	4.70E-01	0.67	2.50E-01	-1.49	9.32E-01
ZCCHC3	0.08	4.70E-01	0.19	4.23E-01	-1.14	8.73E-01
TXNDC17	0.08	4.70E-01	1.59	5.62E-02	-0.46	6.79E-01

ZNF416	0.08	4.70E-01	0.52	3.00E-01	-1.39	9.17E-01
DUSP1	0.08	4.70E-01	0.38	3.50E-01	0.02	4.92E-01
BAI1	0.07	4.70E-01	-0.54	7.04E-01	2.21	1.36E-02
DUSP15	0.07	4.70E-01	0.04	4.84E-01	0.64	2.62E-01
TNFSF12	0.07	4.70E-01	0.50	3.07E-01	0.91	1.82E-01
TNFSF12-TNFSF13	0.07	4.70E-01	0.50	3.07E-01	0.91	1.82E-01
IGFBP7	0.07	4.70E-01	0.80	2.13E-01	0.02	4.93E-01
LMNB2	0.07	4.70E-01	-0.09	5.38E-01	-0.90	8.17E-01
CCDC43	0.07	4.70E-01	1.65	4.95E-02	0.05	4.81E-01
ATP5A1	0.07	4.70E-01	-0.32	6.25E-01	0.20	4.20E-01
C2CD5	0.07	4.70E-01	0.68	2.47E-01	-0.52	7.00E-01
RHBG	0.07	4.70E-01	-1.00	8.40E-01	1.30	9.62E-02
GSG2	0.07	4.71E-01	0.64	2.62E-01	-0.07	5.29E-01
FBXL14	0.07	4.71E-01	0.47	3.21E-01	-1.35	9.11E-01
XPNPEP3	0.07	4.71E-01	0.62	2.67E-01	0.29	3.87E-01
MMP8	0.07	4.71E-01	1.15	1.24E-01	0.19	4.24E-01
BMP2K	0.07	4.71E-01	1.21	1.13E-01	-0.17	5.67E-01
EBNA1BP2	0.07	4.71E-01	1.85	3.23E-02	-1.19	8.83E-01
TOR1B	0.07	4.71E-01	-0.39	6.51E-01	1.11	1.33E-01
CYB561D2	0.07	4.71E-01	0.98	1.64E-01	-0.49	6.89E-01
SIPA1L2	0.07	4.71E-01	-0.25	5.99E-01	0.41	3.40E-01
FKBP5	0.07	4.71E-01	-0.80	7.87E-01	0.36	3.60E-01
MEGF10	0.07	4.71E-01	1.60	5.48E-02	0.04	4.83E-01
VNN2	0.07	4.71E-01	-0.28	6.12E-01	0.37	3.55E-01
C12orf23	0.07	4.71E-01	-0.33	6.30E-01	-0.45	6.73E-01
MMP28	0.07	4.71E-01	-0.64	7.40E-01	0.14	4.45E-01
CWC25	0.07	4.71E-01	1.06	1.44E-01	-0.98	8.36E-01
CTF1	0.07	4.71E-01	-0.62	7.34E-01	0.52	3.02E-01
KHDRBS1	0.07	4.72E-01	-0.80	7.88E-01	-0.20	5.81E-01
C1orf226	0.07	4.72E-01	-0.78	7.81E-01	0.17	4.34E-01
KRTAP6-3	0.07	4.72E-01	-0.57	7.15E-01	0.33	3.69E-01

PRR13	0.07	4.72E-01	-2.09	9.82E-01	0.60	2.75E-01
EZH2	0.07	4.72E-01	-1.54	9.38E-01	0.86	1.94E-01
MND1	0.07	4.72E-01	-0.29	6.14E-01	0.74	2.28E-01
ZNF516	0.07	4.72E-01	1.41	7.94E-02	-0.56	7.13E-01
FGA	0.07	4.72E-01	0.31	3.80E-01	-0.63	7.35E-01
OLAH	0.07	4.72E-01	1.76	3.94E-02	-1.52	9.36E-01
ADAM30	0.07	4.72E-01	0.81	2.09E-01	-0.16	5.64E-01
SEC61A2	0.07	4.72E-01	0.58	2.82E-01	0.83	2.05E-01
LCAT	0.07	4.72E-01	-0.67	7.49E-01	1.09	1.37E-01
PHYHD1	0.07	4.72E-01	-1.08	8.60E-01	0.35	3.63E-01
PAPD7	0.07	4.72E-01	-0.78	7.82E-01	0.53	2.99E-01
MUL1	0.07	4.73E-01	-0.75	7.74E-01	0.53	2.98E-01
TMEM59	0.07	4.73E-01	0.39	3.49E-01	0.71	2.38E-01
TTC28	0.07	4.73E-01	1.55	6.07E-02	-0.53	7.01E-01
TRAT1	0.07	4.73E-01	0.69	2.47E-01	-0.68	7.51E-01
CSRNP1	0.07	4.73E-01	-0.37	6.43E-01	0.12	4.54E-01
LRRIQ1	0.07	4.73E-01	-0.90	8.15E-01	-0.04	5.17E-01
CAT	0.07	4.73E-01	-0.56	7.12E-01	-0.69	7.53E-01
CHI3L2	0.07	4.73E-01	0.14	4.44E-01	-1.02	8.47E-01
YY1	0.07	4.73E-01	-0.22	5.87E-01	-0.47	6.79E-01
CLEC2L	0.07	4.73E-01	-0.61	7.30E-01	0.93	1.75E-01
TH	0.07	4.73E-01	-0.11	5.44E-01	-0.90	8.15E-01
ERC1	0.07	4.73E-01	-1.34	9.10E-01	0.36	3.59E-01
RELT	0.07	4.73E-01	-1.33	9.08E-01	0.93	1.76E-01
GNPAT	0.07	4.73E-01	0.95	1.72E-01	-0.23	5.91E-01
MR1	0.07	4.74E-01	0.47	3.20E-01	0.61	2.70E-01
FAM228A	0.07	4.74E-01	-0.89	8.13E-01	0.13	4.47E-01
PAPPA-AS1	0.07	4.74E-01	-0.85	8.01E-01	0.62	2.66E-01
NDFIP1	0.07	4.74E-01	0.54	2.94E-01	-1.88	9.70E-01
PRR5L	0.07	4.74E-01	0.51	3.07E-01	0.64	2.63E-01
ERAP1	0.07	4.74E-01	0.34	3.66E-01	0.59	2.79E-01

C15orf56	0.07	4.74E-01	0.00	4.98E-01	-0.65	7.43E-01
TMEM87B	0.07	4.74E-01	-0.50	6.90E-01	0.41	3.39E-01
WDR48	0.07	4.74E-01	-0.18	5.71E-01	0.94	1.73E-01
CYP2C9	0.07	4.74E-01	1.18	1.20E-01	0.26	3.96E-01
CAMSAP1	0.07	4.74E-01	-0.44	6.70E-01	1.27	1.02E-01
NAT2	0.06	4.74E-01	-0.44	6.69E-01	-0.52	7.00E-01
NCALD	0.06	4.74E-01	-0.93	8.25E-01	-0.01	5.03E-01
KLHL23	0.06	4.74E-01	-0.32	6.26E-01	1.13	1.30E-01
PRPF19	0.06	4.74E-01	-0.85	8.01E-01	0.22	4.12E-01
TMCO6	0.06	4.74E-01	-0.82	7.95E-01	-0.14	5.57E-01
ONECUT2	0.06	4.74E-01	-1.44	9.25E-01	1.09	1.38E-01
MMP27	0.06	4.74E-01	0.49	3.11E-01	-0.49	6.88E-01
ADPRM	0.06	4.74E-01	0.82	2.06E-01	-0.66	7.44E-01
WDR45B	0.06	4.74E-01	-1.27	8.99E-01	0.24	4.05E-01
SULT1B1	0.06	4.75E-01	-1.14	8.73E-01	0.09	4.63E-01
CALR	0.06	4.75E-01	0.03	4.88E-01	0.12	4.52E-01
RPS15	0.06	4.75E-01	-1.78	9.63E-01	0.69	2.44E-01
PARP3	0.06	4.75E-01	-0.67	7.50E-01	-0.31	6.22E-01
C2orf88	0.06	4.75E-01	0.10	4.59E-01	-0.33	6.31E-01
EYA1	0.06	4.75E-01	-1.10	8.64E-01	-0.18	5.70E-01
FBXL15	0.06	4.75E-01	0.48	3.15E-01	1.34	9.06E-02
PRKACG	0.06	4.75E-01	-0.28	6.09E-01	-0.06	5.26E-01
GAPVD1	0.06	4.75E-01	1.05	1.47E-01	-0.32	6.25E-01
SMIM14	0.06	4.75E-01	-1.19	8.83E-01	0.22	4.14E-01
CPS1	0.06	4.75E-01	0.63	2.65E-01	-1.84	9.67E-01
MED18	0.06	4.75E-01	0.36	3.59E-01	-0.24	5.96E-01
CYTH3	0.06	4.75E-01	-0.71	7.63E-01	-0.22	5.88E-01
XPNPEP1	0.06	4.75E-01	1.48	6.88E-02	1.58	5.75E-02
WNT6	0.06	4.75E-01	2.28	1.13E-02	1.27	1.02E-01
PIEZO1	0.06	4.75E-01	0.41	3.39E-01	1.26	1.03E-01
DLL3	0.06	4.75E-01	-0.83	7.98E-01	1.03	1.52E-01

DOK3	0.06	4.75E-01	-0.44	6.71E-01	-0.70	7.58E-01
STAT2	0.06	4.75E-01	0.32	3.73E-01	1.49	6.81E-02
FARSB	0.06	4.76E-01	1.34	9.05E-02	1.21	1.13E-01
KRT33A	0.06	4.76E-01	0.34	3.68E-01	-1.13	8.70E-01
ADAMTS8	0.06	4.76E-01	-0.44	6.70E-01	0.54	2.96E-01
TRIM17	0.06	4.76E-01	-0.05	5.20E-01	1.95	2.55E-02
MXD3	0.06	4.76E-01	0.63	2.63E-01	-0.95	8.30E-01
HPS5	0.06	4.76E-01	-0.08	5.30E-01	1.00	1.58E-01
PPP1R3B	0.06	4.76E-01	0.18	4.29E-01	-1.19	8.84E-01
ADD3	0.06	4.76E-01	1.16	1.23E-01	1.80	3.60E-02
FAM210B	0.06	4.76E-01	-0.12	5.47E-01	-0.34	6.31E-01
ATP5J	0.06	4.76E-01	-0.92	8.20E-01	0.78	2.18E-01
COLCA2	0.06	4.76E-01	0.70	2.42E-01	1.16	1.23E-01
RNGTT	0.06	4.76E-01	-0.03	5.13E-01	-0.75	7.74E-01
FLII	0.06	4.76E-01	0.26	3.96E-01	-0.79	7.86E-01
NUDT7	0.06	4.76E-01	-1.15	8.75E-01	0.41	3.42E-01
SPOCK1	0.06	4.76E-01	-1.03	8.48E-01	-0.70	7.59E-01
TEX9	0.06	4.76E-01	0.46	3.23E-01	0.71	2.38E-01
CNTNAP3	0.06	4.76E-01	0.56	2.88E-01	-1.35	9.11E-01
PTCD2	0.06	4.77E-01	-0.93	8.23E-01	0.20	4.20E-01
KIAA1841	0.06	4.77E-01	-0.43	6.65E-01	0.25	4.01E-01
C18orf42	0.06	4.77E-01	-0.12	5.49E-01	-1.18	8.81E-01
KREMEN2	0.06	4.77E-01	-0.14	5.55E-01	1.16	1.23E-01
FLG2	0.06	4.77E-01	-0.09	5.35E-01	-0.85	8.03E-01
TTC23	0.06	4.77E-01	-0.13	5.51E-01	-0.47	6.81E-01
MLIP	0.06	4.77E-01	1.57	5.82E-02	-0.11	5.44E-01
CLPSL1	0.06	4.77E-01	0.65	2.58E-01	-0.56	7.13E-01
GSN	0.06	4.77E-01	-0.88	8.11E-01	-0.44	6.72E-01
FAM185A	0.06	4.77E-01	0.40	3.46E-01	-1.32	9.07E-01
GPR55	0.06	4.77E-01	-0.88	8.10E-01	0.05	4.81E-01
CHRNA4	0.06	4.77E-01	0.76	2.25E-01	0.55	2.91E-01



C3orf65	0.06	4.77E-01	-0.03	5.14E-01	-0.77	7.79E-01
ZNF583	0.06	4.77E-01	-0.98	8.36E-01	0.43	3.35E-01
NAA35	0.06	4.77E-01	0.74	2.30E-01	0.17	4.34E-01
C16orf71	0.06	4.77E-01	-1.14	8.74E-01	1.35	8.85E-02
PSMG4	0.06	4.77E-01	0.74	2.29E-01	0.42	3.35E-01
F11	0.06	4.77E-01	-0.66	7.44E-01	0.14	4.44E-01
ANKRD13C	0.06	4.77E-01	-0.22	5.85E-01	-0.33	6.31E-01
FOXO1	0.06	4.77E-01	0.07	4.73E-01	-0.53	7.04E-01
DZIP1L	0.06	4.77E-01	0.89	1.88E-01	-0.64	7.40E-01
PALMD	0.06	4.77E-01	0.41	3.43E-01	-1.29	9.01E-01
GALM	0.06	4.77E-01	-0.68	7.51E-01	0.23	4.11E-01
ZNF219	0.06	4.77E-01	1.24	1.07E-01	-0.56	7.14E-01
PPIL3	0.06	4.77E-01	-0.02	5.10E-01	-0.28	6.10E-01
RHEBL1	0.06	4.78E-01	-1.14	8.73E-01	0.41	3.40E-01
CDHR4	0.06	4.78E-01	-0.63	7.35E-01	1.77	3.83E-02
RPS6KB2	0.06	4.78E-01	1.06	1.45E-01	-0.59	7.24E-01
CALN1	0.06	4.78E-01	0.88	1.90E-01	-1.22	8.90E-01
DNAJC22	0.05	4.78E-01	-0.15	5.58E-01	0.48	3.15E-01
CPN1	0.05	4.78E-01	-0.69	7.55E-01	-0.66	7.46E-01
WDSUB1	0.05	4.78E-01	-1.41	9.21E-01	1.32	9.29E-02
CBLL1	0.05	4.78E-01	0.53	2.98E-01	-1.78	9.63E-01
MYOCD	0.05	4.78E-01	-0.95	8.30E-01	0.34	3.68E-01
PIK3IP1	0.05	4.78E-01	0.40	3.44E-01	-1.70	9.56E-01
OR5P3	0.05	4.79E-01	-0.38	6.46E-01	0.10	4.58E-01
NOX4	0.05	4.79E-01	-0.35	6.37E-01	-0.02	5.08E-01
PUSL1	0.05	4.79E-01	0.19	4.26E-01	-1.25	8.95E-01
KCNK12	0.05	4.79E-01	0.33	3.71E-01	-0.57	7.15E-01
SERINC3	0.05	4.79E-01	-0.15	5.60E-01	0.89	1.86E-01
GCC2	0.05	4.79E-01	0.05	4.81E-01	-0.69	7.56E-01
AHNAK2	0.05	4.79E-01	0.43	3.33E-01	-0.84	7.99E-01
ITGA2B	0.05	4.79E-01	-0.84	7.98E-01	-0.26	6.04E-01

SERINC5	0.05	4.79E-01	0.91	1.83E-01	-0.70	7.59E-01
C2orf72	0.05	4.79E-01	-1.35	9.11E-01	0.82	2.05E-01
KCTD5	0.05	4.79E-01	-0.39	6.52E-01	1.85	3.21E-02
FRMPD1	0.05	4.79E-01	1.30	9.67E-02	-0.02	5.10E-01
POLR2F	0.05	4.79E-01	-0.96	8.32E-01	0.18	4.29E-01
RGS3	0.05	4.79E-01	0.31	3.80E-01	0.31	3.77E-01
ABHD15	0.05	4.79E-01	0.69	2.46E-01	0.28	3.90E-01
RAF1	0.05	4.80E-01	-0.63	7.36E-01	0.41	3.40E-01
SERINC1	0.05	4.80E-01	0.80	2.13E-01	-1.10	8.65E-01
RESP18	0.05	4.80E-01	0.09	4.65E-01	-1.23	8.91E-01
WDR49	0.05	4.80E-01	0.19	4.26E-01	-0.23	5.92E-01
ARHGAP20	0.05	4.80E-01	-0.19	5.73E-01	-0.51	6.95E-01
ZC3H15	0.05	4.80E-01	0.10	4.61E-01	-0.51	6.96E-01
EDC4	0.05	4.80E-01	-0.19	5.77E-01	1.56	5.98E-02
GPR18	0.05	4.80E-01	-0.28	6.11E-01	0.58	2.81E-01
RANBP2	0.05	4.80E-01	-0.22	5.87E-01	-0.22	5.85E-01
ZC3H11A	0.05	4.80E-01	-0.58	7.20E-01	-0.44	6.68E-01
SERTAD2	0.05	4.80E-01	0.15	4.41E-01	0.13	4.50E-01
CCDC108	0.05	4.80E-01	-0.24	5.94E-01	1.51	6.56E-02
PK4	0.05	4.80E-01	0.36	3.58E-01	0.32	3.76E-01
MRPS27	0.05	4.80E-01	-0.71	7.60E-01	-0.08	5.31E-01
MAN2A2	0.05	4.80E-01	0.95	1.70E-01	-1.12	8.69E-01
SETD5	0.05	4.80E-01	0.38	3.54E-01	-0.07	5.27E-01
ABI3	0.05	4.80E-01	-1.94	9.74E-01	1.98	2.38E-02
KIAA1468	0.05	4.80E-01	0.37	3.56E-01	0.49	3.13E-01
TBX19	0.05	4.80E-01	1.12	1.31E-01	-0.65	7.43E-01
CPT1C	0.05	4.80E-01	0.25	4.01E-01	-0.93	8.24E-01
RFX7	0.05	4.80E-01	0.95	1.70E-01	0.45	3.27E-01
METRN	0.05	4.80E-01	0.25	4.01E-01	-0.61	7.30E-01
ASTN2	0.05	4.80E-01	1.05	1.48E-01	-1.31	9.06E-01
TAB1	0.05	4.80E-01	0.36	3.59E-01	-0.77	7.79E-01

CCSAP	0.05	4.81E-01	-0.80	7.87E-01	0.42	3.37E-01
EXOC8	0.05	4.81E-01	2.01	2.20E-02	0.52	3.02E-01
PIGT	0.05	4.81E-01	0.19	4.23E-01	0.38	3.51E-01
LTF	0.05	4.81E-01	0.26	3.97E-01	-0.48	6.85E-01
IL17A	0.05	4.81E-01	0.09	4.64E-01	-1.15	8.75E-01
PIP4K2A	0.05	4.81E-01	-1.29	9.02E-01	0.15	4.42E-01
NPAP1	0.05	4.81E-01	1.10	1.35E-01	-0.35	6.38E-01
EMILIN3	0.05	4.81E-01	0.49	3.10E-01	-0.92	8.20E-01
UGDH	0.05	4.81E-01	-0.82	7.94E-01	-0.63	7.36E-01
KTI12	0.05	4.81E-01	-0.60	7.25E-01	0.29	3.85E-01
CHMP2B	0.05	4.81E-01	-0.45	6.75E-01	0.94	1.74E-01
TAF1D	0.05	4.81E-01	-0.25	6.00E-01	-0.10	5.40E-01
SUMF1	0.05	4.81E-01	-0.11	5.42E-01	0.61	2.72E-01
AKR1E2	0.05	4.81E-01	0.09	4.65E-01	-0.30	6.18E-01
IFNA13	0.05	4.81E-01	-0.83	7.97E-01	0.20	4.19E-01
SMDT1	0.05	4.81E-01	1.09	1.37E-01	-0.21	5.82E-01
SDAD1	0.05	4.81E-01	-0.59	7.23E-01	0.15	4.39E-01
FITM2	0.05	4.81E-01	0.55	2.90E-01	-0.76	7.77E-01
WDR4	0.05	4.81E-01	0.04	4.86E-01	0.17	4.33E-01
OR2B3	0.05	4.82E-01	-0.87	8.08E-01	1.41	7.98E-02
CBLB	0.05	4.82E-01	0.10	4.58E-01	-0.28	6.09E-01
DUSP16	0.05	4.82E-01	-1.45	9.27E-01	-0.05	5.19E-01
CASC1	0.05	4.82E-01	1.76	3.93E-02	0.11	4.55E-01
NUP88	0.05	4.82E-01	1.49	6.79E-02	0.57	2.84E-01
ERCC6	0.05	4.82E-01	-0.77	7.81E-01	-0.22	5.87E-01
SIGLEC12	0.05	4.82E-01	-0.09	5.35E-01	-0.72	7.64E-01
HIGD1C	0.05	4.82E-01	0.58	2.81E-01	-0.42	6.63E-01
BAX	0.04	4.82E-01	-1.90	9.71E-01	0.89	1.87E-01
ASAP2	0.04	4.82E-01	0.95	1.71E-01	0.42	3.37E-01
PNPLA8	0.04	4.82E-01	0.39	3.48E-01	-0.82	7.94E-01
TSGA13	0.04	4.82E-01	0.25	4.03E-01	-1.39	9.18E-01

CCKBR	0.04	4.82E-01	0.93	1.76E-01	-0.64	7.38E-01
INSIG2	0.04	4.83E-01	1.38	8.34E-02	-1.91	9.72E-01
NINJ2	0.04	4.83E-01	-0.13	5.53E-01	1.37	8.49E-02
LRRRC38	0.04	4.83E-01	0.83	2.03E-01	-1.02	8.45E-01
NPHS1	0.04	4.83E-01	-0.35	6.38E-01	-0.17	5.66E-01
NKX2-6	0.04	4.83E-01	0.29	3.87E-01	-0.50	6.92E-01
PDIA4	0.04	4.83E-01	0.76	2.25E-01	-1.20	8.86E-01
GABRP	0.04	4.83E-01	0.87	1.93E-01	-0.36	6.40E-01
RAP1GAP	0.04	4.83E-01	0.47	3.18E-01	-1.20	8.85E-01
PSMB10	0.04	4.83E-01	-0.79	7.84E-01	1.04	1.48E-01
ERCC6L2	0.04	4.83E-01	0.65	2.58E-01	-0.69	7.53E-01
RAB2A	0.04	4.83E-01	-1.19	8.82E-01	0.48	3.16E-01
ZNF80	0.04	4.83E-01	0.17	4.33E-01	0.17	4.34E-01
SKA1	0.04	4.83E-01	0.74	2.30E-01	-1.46	9.28E-01
FUT6	0.04	4.83E-01	0.23	4.11E-01	-0.07	5.29E-01
AHSA1	0.04	4.83E-01	-1.32	9.07E-01	0.30	3.82E-01
ATAD2	0.04	4.84E-01	0.41	3.40E-01	0.79	2.15E-01
CADM4	0.04	4.84E-01	-1.10	8.64E-01	-0.09	5.35E-01
STX10	0.04	4.84E-01	1.98	2.39E-02	0.67	2.52E-01
C11orf54	0.04	4.84E-01	-0.56	7.12E-01	-0.07	5.28E-01
C1orf27	0.04	4.84E-01	-0.38	6.48E-01	-0.61	7.28E-01
OR52E4	0.04	4.84E-01	-0.48	6.84E-01	0.98	1.64E-01
SHANK3	0.04	4.84E-01	1.06	1.46E-01	-0.59	7.22E-01
SRP19	0.04	4.84E-01	-1.01	8.44E-01	1.72	4.23E-02
TMEM220	0.04	4.84E-01	0.78	2.17E-01	-0.44	6.69E-01
ADORA3	0.04	4.84E-01	-0.59	7.24E-01	1.41	7.93E-02
ZNF44	0.04	4.84E-01	0.28	3.88E-01	-0.23	5.92E-01
RAI14	0.04	4.84E-01	1.54	6.12E-02	-1.51	9.35E-01
RNF43	0.04	4.84E-01	0.65	2.57E-01	-0.33	6.29E-01
43167	0.04	4.84E-01	1.20	1.15E-01	-1.42	9.22E-01
TSEN2	0.04	4.85E-01	-0.78	7.83E-01	0.91	1.81E-01

RBM39	0.04	4.85E-01	-0.32	6.25E-01	-0.70	7.57E-01
GCNT1	0.04	4.85E-01	-0.36	6.39E-01	-0.31	6.23E-01
RBPMS	0.04	4.85E-01	0.41	3.40E-01	-0.89	8.12E-01
SBK3	0.04	4.85E-01	-0.87	8.07E-01	0.49	3.10E-01
LCE4A	0.04	4.85E-01	-0.47	6.81E-01	1.06	1.46E-01
PRKAG1	0.04	4.85E-01	-0.31	6.23E-01	-0.46	6.78E-01
TEAD4	0.04	4.85E-01	-0.94	8.27E-01	-0.74	7.72E-01
SEMA3F	0.04	4.85E-01	0.60	2.75E-01	-0.40	6.57E-01
TPM4	0.04	4.85E-01	-0.86	8.04E-01	0.47	3.19E-01
EIF3I	0.04	4.85E-01	-0.46	6.77E-01	0.01	4.98E-01
HCLS1	0.04	4.85E-01	0.57	2.86E-01	-1.77	9.62E-01
FLOT2	0.04	4.85E-01	-0.79	7.84E-01	-0.24	5.95E-01
PPARGC1B	0.04	4.85E-01	-0.99	8.40E-01	-1.04	8.51E-01
TOP3A	0.04	4.85E-01	-0.06	5.24E-01	-1.11	8.66E-01
HSPA12A	0.04	4.85E-01	0.48	3.14E-01	0.27	3.93E-01
GPR151	0.04	4.85E-01	-0.28	6.12E-01	-0.23	5.90E-01
ZNHIT6	0.04	4.85E-01	1.86	3.18E-02	-0.07	5.28E-01
TUBGCP3	0.04	4.85E-01	1.01	1.57E-01	-0.82	7.95E-01
TSPAN2	0.04	4.85E-01	-0.74	7.72E-01	-0.70	7.58E-01
AMZ1	0.04	4.85E-01	0.75	2.27E-01	1.01	1.55E-01
OBSCN	0.04	4.85E-01	0.82	2.06E-01	0.01	4.97E-01
C1orf85	0.04	4.86E-01	0.53	2.98E-01	-0.81	7.91E-01
AADA3L3	0.04	4.86E-01	-1.17	8.78E-01	0.17	4.33E-01
ZMPSTE24	0.04	4.86E-01	-0.85	8.02E-01	-0.08	5.34E-01
SLC30A3	0.04	4.86E-01	-1.83	9.67E-01	0.63	2.64E-01
PIK3R6	0.04	4.86E-01	1.23	1.09E-01	1.81	3.50E-02
PLEKHA3	0.04	4.86E-01	-0.58	7.20E-01	-0.04	5.18E-01
PGM2	0.04	4.86E-01	-0.27	6.05E-01	1.26	1.05E-01
RYR2	0.04	4.86E-01	0.37	3.57E-01	-0.87	8.09E-01
CTRB1	0.04	4.86E-01	-0.29	6.14E-01	-0.53	7.02E-01
CELF6	0.04	4.86E-01	0.05	4.79E-01	0.55	2.91E-01

ICOSLG	0.04	4.86E-01	0.29	3.86E-01	0.28	3.91E-01
HOXD10	0.04	4.86E-01	-0.77	7.80E-01	0.24	4.06E-01
ST20-MTHFS	0.04	4.86E-01	-0.50	6.90E-01	-0.81	7.90E-01
CALCR	0.04	4.86E-01	1.74	4.11E-02	-1.34	9.09E-01
DUOXA2	0.03	4.86E-01	1.25	1.06E-01	-0.26	6.02E-01
ZNF552	0.03	4.86E-01	-0.13	5.50E-01	-0.85	8.02E-01
RPP30	0.03	4.86E-01	0.64	2.60E-01	0.83	2.02E-01
SLC5A12	0.03	4.86E-01	0.38	3.51E-01	0.07	4.71E-01
KIAA1107	0.03	4.86E-01	-0.21	5.81E-01	-0.88	8.12E-01
C14orf180	0.03	4.86E-01	0.09	4.66E-01	-0.73	7.68E-01
IQCJ-SCHIP1	0.03	4.86E-01	0.50	3.08E-01	-0.10	5.39E-01
RP11-383H13.1	0.03	4.86E-01	1.15	1.25E-01	-1.40	9.20E-01
NTNG2	0.03	4.86E-01	-0.98	8.37E-01	0.61	2.69E-01
DNAJC12	0.03	4.86E-01	-0.27	6.07E-01	-0.15	5.62E-01
ATXN7L3B	0.03	4.87E-01	0.75	2.26E-01	0.61	2.70E-01
GPRC5A	0.03	4.87E-01	0.95	1.70E-01	-0.65	7.42E-01
AGR3	0.03	4.87E-01	-0.22	5.87E-01	1.00	1.59E-01
ZNF683	0.03	4.87E-01	-0.69	7.53E-01	-0.68	7.53E-01
NDRG2	0.03	4.87E-01	0.88	1.91E-01	0.84	2.02E-01
CD6	0.03	4.87E-01	-0.27	6.06E-01	-0.59	7.22E-01
HDGFRP2	0.03	4.87E-01	-0.76	7.77E-01	0.58	2.82E-01
AMDHD1	0.03	4.87E-01	0.50	3.10E-01	1.04	1.49E-01
SNRPF	0.03	4.87E-01	0.69	2.45E-01	-0.55	7.09E-01
REG	0.03	4.87E-01	1.01	1.56E-01	-0.89	8.12E-01
STATH	0.03	4.87E-01	-0.38	6.48E-01	-0.23	5.91E-01
OR10S1	0.03	4.87E-01	-0.91	8.18E-01	0.45	3.26E-01
OR51B6	0.03	4.87E-01	0.21	4.18E-01	0.66	2.54E-01
TELO2	0.03	4.87E-01	0.26	3.99E-01	-0.10	5.39E-01
TRIM37	0.03	4.87E-01	0.83	2.03E-01	0.45	3.25E-01
CRYBA1	0.03	4.88E-01	1.00	1.58E-01	0.22	4.13E-01
CEP112	0.03	4.88E-01	-0.63	7.34E-01	0.05	4.79E-01

C2orf48	0.03	4.88E-01	-0.26	6.04E-01	0.38	3.54E-01
RTBDN	0.03	4.88E-01	0.04	4.84E-01	-0.64	7.38E-01
SNED1	0.03	4.88E-01	0.09	4.63E-01	-1.72	9.57E-01
PLIN3	0.03	4.88E-01	-1.08	8.59E-01	0.41	3.40E-01
NEK6	0.03	4.88E-01	0.13	4.46E-01	-1.34	9.10E-01
SDR39U1	0.03	4.88E-01	0.24	4.07E-01	-1.06	8.55E-01
SLC4A1AP	0.03	4.88E-01	-0.97	8.34E-01	0.63	2.66E-01
DUS3L	0.03	4.88E-01	-0.44	6.70E-01	-0.05	5.21E-01
FAM19A5	0.03	4.88E-01	0.37	3.54E-01	0.40	3.43E-01
NARS2	0.03	4.88E-01	-0.79	7.85E-01	0.78	2.19E-01
GLMN	0.03	4.88E-01	-0.23	5.90E-01	-0.86	8.05E-01
TTC34	0.03	4.89E-01	-0.05	5.18E-01	0.94	1.75E-01
TNNI3	0.03	4.89E-01	1.16	1.23E-01	-1.40	9.20E-01
SPATC1	0.03	4.89E-01	-0.19	5.76E-01	-0.62	7.34E-01
C1orf63	0.03	4.89E-01	0.03	4.88E-01	1.06	1.46E-01
TOR2A	0.03	4.89E-01	0.64	2.61E-01	-1.29	9.01E-01
ZFR	0.03	4.89E-01	-0.69	7.56E-01	-0.28	6.09E-01
SIDT2	0.03	4.89E-01	-1.30	9.04E-01	-0.10	5.39E-01
UCHL1	0.03	4.89E-01	-2.28	9.89E-01	0.93	1.76E-01
TAX1BP3	0.03	4.89E-01	1.63	5.13E-02	-0.12	5.47E-01
NT5DC4	0.03	4.89E-01	-0.02	5.08E-01	-0.72	7.65E-01
FKBP4	0.03	4.89E-01	0.95	1.70E-01	-0.49	6.87E-01
NCOR1	0.03	4.89E-01	-1.93	9.73E-01	0.54	2.93E-01
FARSA	0.03	4.89E-01	-0.75	7.74E-01	0.92	1.79E-01
ENPP6	0.03	4.90E-01	-0.92	8.21E-01	0.00	5.00E-01
MAST4	0.03	4.90E-01	-0.40	6.55E-01	-1.00	8.42E-01
RHEB	0.03	4.90E-01	0.41	3.39E-01	-0.38	6.47E-01
C1QL2	0.03	4.90E-01	-0.35	6.37E-01	0.00	5.02E-01
C14orf182	0.03	4.90E-01	0.66	2.55E-01	-0.89	8.12E-01
AZU1	0.02	4.90E-01	-0.28	6.09E-01	-0.83	7.96E-01
C4orf17	0.02	4.90E-01	-0.26	6.04E-01	-1.01	8.44E-01

TIGD6	0.02	4.90E-01	-0.30	6.16E-01	-0.45	6.75E-01
CX3CL1	0.02	4.90E-01	-0.73	7.66E-01	-0.41	6.59E-01
KRT31	0.02	4.90E-01	0.25	4.02E-01	-1.58	9.43E-01
GRB10	0.02	4.90E-01	0.01	4.95E-01	-0.61	7.29E-01
COPZ1	0.02	4.90E-01	1.65	4.92E-02	1.20	1.14E-01
ZNF367	0.02	4.90E-01	-0.05	5.21E-01	0.89	1.86E-01
HYAL1	0.02	4.90E-01	0.63	2.63E-01	-0.91	8.19E-01
THAP5	0.02	4.91E-01	-1.19	8.84E-01	0.18	4.28E-01
ZSCAN10	0.02	4.91E-01	-1.44	9.25E-01	1.24	1.07E-01
AGMO	0.02	4.91E-01	-0.29	6.13E-01	0.66	2.54E-01
RAB2B	0.02	4.91E-01	-0.44	6.69E-01	0.45	3.28E-01
BEGAIN	0.02	4.91E-01	0.49	3.13E-01	-1.47	9.29E-01
BANF1	0.02	4.91E-01	-0.83	7.98E-01	-0.09	5.35E-01
PSD	0.02	4.91E-01	-0.11	5.45E-01	0.29	3.84E-01
DPCD	0.02	4.91E-01	0.37	3.57E-01	1.06	1.44E-01
STX7	0.02	4.91E-01	0.90	1.83E-01	0.00	4.99E-01
FCHSD2	0.02	4.91E-01	-0.58	7.19E-01	0.41	3.42E-01
TRIB2	0.02	4.91E-01	-0.48	6.86E-01	0.00	4.99E-01
FAM71C	0.02	4.91E-01	-1.88	9.70E-01	1.32	9.31E-02
NDUFB7	0.02	4.91E-01	-0.84	7.99E-01	0.17	4.33E-01
KRTAP12-3	0.02	4.91E-01	0.38	3.53E-01	-0.71	7.62E-01
EIF4E1B	0.02	4.91E-01	-0.74	7.69E-01	-0.07	5.30E-01
C6orf203	0.02	4.91E-01	-0.09	5.37E-01	-0.69	7.55E-01
DDX50	0.02	4.91E-01	-1.45	9.26E-01	0.23	4.08E-01
ZHX1-C8ORF76	0.02	4.92E-01	2.09	1.82E-02	-0.45	6.74E-01
TTLL11	0.02	4.92E-01	0.52	3.00E-01	-0.73	7.67E-01
TPR	0.02	4.92E-01	-0.55	7.10E-01	-0.69	7.56E-01
MAK16	0.02	4.92E-01	-0.32	6.25E-01	-0.79	7.86E-01
FSTL4	0.02	4.92E-01	-2.27	9.88E-01	1.70	4.44E-02
OR14A2	0.02	4.92E-01	0.71	2.39E-01	-2.39	9.92E-01
TSPAN31	0.02	4.92E-01	0.26	3.97E-01	-0.58	7.19E-01



AMMECR1L	0.02	4.92E-01	0.60	2.75E-01	-0.33	6.30E-01
BANK1	0.02	4.92E-01	-1.02	8.46E-01	-1.07	8.57E-01
EHHADH	0.02	4.92E-01	0.57	2.85E-01	0.27	3.94E-01
C1orf110	0.02	4.92E-01	-0.54	7.07E-01	1.26	1.04E-01
VWA5B2	0.02	4.92E-01	-0.07	5.27E-01	-0.17	5.67E-01
PIK3AP1	0.02	4.92E-01	-0.49	6.88E-01	-1.58	9.43E-01
PI16	0.02	4.92E-01	-0.55	7.08E-01	-0.81	7.91E-01
SLC5A7	0.02	4.93E-01	-0.23	5.92E-01	0.09	4.65E-01
ANKUB1	0.02	4.93E-01	0.59	2.78E-01	1.34	8.94E-02
CLCN3	0.02	4.93E-01	0.72	2.35E-01	0.40	3.46E-01
ICAM2	0.02	4.93E-01	0.44	3.29E-01	-1.19	8.82E-01
SLC37A4	0.02	4.93E-01	0.24	4.04E-01	1.75	4.03E-02
KRTAP9-3	0.02	4.93E-01	0.77	2.21E-01	-2.21	9.87E-01
GPR37	0.02	4.93E-01	-1.13	8.70E-01	1.34	9.07E-02
DCTD	0.02	4.93E-01	0.02	4.90E-01	-0.04	5.18E-01
SLC36A2	0.02	4.93E-01	0.37	3.55E-01	1.03	1.51E-01
BTD	0.02	4.93E-01	-0.03	5.13E-01	-0.23	5.91E-01
MMP10	0.02	4.93E-01	0.01	4.96E-01	1.05	1.46E-01
AIFM3	0.02	4.93E-01	0.10	4.60E-01	-1.80	9.64E-01
CFHR5	0.02	4.93E-01	-0.52	6.99E-01	-0.11	5.44E-01
POU3F2	0.02	4.93E-01	-1.52	9.36E-01	1.35	8.84E-02
PCYT1A	0.02	4.93E-01	-1.30	9.04E-01	0.80	2.13E-01
METTL5	0.02	4.93E-01	0.00	5.00E-01	1.04	1.48E-01
ZNF747	0.02	4.93E-01	0.95	1.70E-01	-1.46	9.28E-01
INPP4A	0.02	4.93E-01	-0.45	6.73E-01	0.87	1.91E-01
L3MBTL2	0.02	4.93E-01	-0.01	5.05E-01	-1.13	8.70E-01
ZNF785	0.02	4.93E-01	-0.05	5.21E-01	1.15	1.25E-01
LOXL2	0.02	4.93E-01	-0.09	5.34E-01	-0.15	5.58E-01
BPIFA1	0.02	4.94E-01	0.45	3.25E-01	-1.24	8.93E-01
FAM110C	0.02	4.94E-01	-0.25	6.00E-01	-0.57	7.16E-01
KRTAP9-4	0.02	4.94E-01	0.30	3.84E-01	-1.63	9.48E-01

NUDT17	0.02	4.94E-01	-0.81	7.90E-01	0.11	4.57E-01
MPP6	0.02	4.94E-01	-0.50	6.93E-01	-0.27	6.07E-01
SLC35F5	0.02	4.94E-01	-0.43	6.68E-01	-0.37	6.44E-01
TLK2	0.01	4.94E-01	1.30	9.61E-02	0.60	2.73E-01
ONECUT3	0.01	4.94E-01	-0.97	8.35E-01	1.48	6.88E-02
ZNF766	0.01	4.94E-01	-0.01	5.03E-01	-0.99	8.38E-01
FOXH1	0.01	4.94E-01	-0.85	8.03E-01	-0.09	5.38E-01
LARP4	0.01	4.94E-01	-0.46	6.77E-01	-0.55	7.09E-01
SH3RF3	0.01	4.94E-01	0.71	2.39E-01	-1.66	9.52E-01
SLC2A3	0.01	4.94E-01	-0.21	5.84E-01	-0.82	7.93E-01
UMPS	0.01	4.94E-01	-0.43	6.68E-01	-0.07	5.29E-01
KCNS1	0.01	4.94E-01	-0.59	7.23E-01	0.10	4.62E-01
IL23A	0.01	4.94E-01	0.36	3.60E-01	1.73	4.16E-02
SCARB2	0.01	4.94E-01	-0.37	6.44E-01	-0.31	6.22E-01
PVR	0.01	4.94E-01	0.86	1.94E-01	-0.13	5.50E-01
TGFBR3L	0.01	4.94E-01	-1.41	9.21E-01	0.66	2.54E-01
PCSK5	0.01	4.95E-01	-1.13	8.70E-01	1.53	6.29E-02
LRRC14	0.01	4.95E-01	0.46	3.21E-01	-0.32	6.27E-01
DCAF15	0.01	4.95E-01	0.33	3.70E-01	0.79	2.13E-01
CHMP4C	0.01	4.95E-01	0.58	2.80E-01	0.25	4.00E-01
PPP1R9B	0.01	4.95E-01	0.32	3.73E-01	-0.15	5.59E-01
RASL11A	0.01	4.95E-01	-0.50	6.91E-01	0.24	4.04E-01
TMED10	0.01	4.95E-01	0.37	3.56E-01	-0.62	7.31E-01
ASIC1	0.01	4.95E-01	-1.50	9.33E-01	0.64	2.60E-01
CCDC74B	0.01	4.95E-01	1.10	1.36E-01	-0.16	5.63E-01
KPNA2	0.01	4.95E-01	-0.91	8.20E-01	-0.27	6.08E-01
IL6R	0.01	4.95E-01	-1.29	9.02E-01	0.71	2.37E-01
LRFN5	0.01	4.95E-01	-1.38	9.15E-01	-0.11	5.45E-01
KIAA0753	0.01	4.95E-01	1.47	7.08E-02	-1.24	8.92E-01
TMEM39B	0.01	4.95E-01	-0.73	7.67E-01	-0.03	5.11E-01
HRH2	0.01	4.95E-01	0.34	3.66E-01	-0.83	7.96E-01

DNAH9	0.01	4.95E-01	-0.07	5.30E-01	-1.38	9.17E-01
POU6F2	0.01	4.95E-01	0.47	3.18E-01	-0.74	7.70E-01
DGUOK	0.01	4.95E-01	0.28	3.89E-01	-1.21	8.86E-01
LARP7	0.01	4.95E-01	0.86	1.94E-01	0.58	2.81E-01
UGT1A3	0.01	4.95E-01	0.12	4.52E-01	-0.18	5.71E-01
ARRDC2	0.01	4.96E-01	1.18	1.19E-01	0.45	3.25E-01
C18orf21	0.01	4.96E-01	-0.14	5.54E-01	-0.33	6.31E-01
TFF2	0.01	4.96E-01	1.53	6.31E-02	1.00	1.59E-01
TXNDC8	0.01	4.96E-01	-0.71	7.60E-01	-1.38	9.16E-01
43170	0.01	4.96E-01	0.42	3.37E-01	-1.77	9.62E-01
FAM182B	0.01	4.96E-01	-1.63	9.48E-01	0.82	2.05E-01
LIPM	0.01	4.96E-01	-0.49	6.87E-01	0.01	4.97E-01
CHD9	0.01	4.96E-01	-0.38	6.50E-01	-0.04	5.17E-01
LPA	0.01	4.96E-01	-0.90	8.16E-01	-0.10	5.41E-01
PGM1	0.01	4.96E-01	0.19	4.23E-01	-1.57	9.42E-01
GPHN	0.01	4.96E-01	0.71	2.38E-01	-1.34	9.10E-01
BAG2	0.01	4.96E-01	0.07	4.74E-01	-0.26	6.01E-01
ST13	0.01	4.96E-01	0.70	2.42E-01	-0.07	5.28E-01
SPP1	0.01	4.96E-01	-0.45	6.73E-01	-0.49	6.87E-01
ALDH3A2	0.01	4.96E-01	-1.03	8.47E-01	0.60	2.73E-01
GJA4	0.01	4.96E-01	-0.22	5.87E-01	-1.19	8.83E-01
C2CD4B	0.01	4.97E-01	1.46	7.19E-02	0.30	3.81E-01
LAMTOR5	0.01	4.97E-01	0.32	3.73E-01	-1.41	9.21E-01
IFT88	0.01	4.97E-01	-0.06	5.26E-01	-0.68	7.51E-01
ASAH1	0.01	4.97E-01	-1.04	8.52E-01	-0.49	6.89E-01
CCDC142	0.01	4.97E-01	-2.07	9.81E-01	0.83	2.02E-01
KRT76	0.01	4.97E-01	-0.44	6.70E-01	0.43	3.32E-01
HYI	0.01	4.97E-01	-0.06	5.26E-01	-0.40	6.55E-01
FAM205A	0.01	4.97E-01	0.89	1.88E-01	0.25	4.02E-01
ARHGAP19-SLIT1	0.01	4.97E-01	0.56	2.87E-01	-0.35	6.36E-01
C3orf72	0.01	4.97E-01	0.67	2.53E-01	-1.98	9.76E-01

FAM194B	0.01	4.97E-01	-0.02	5.07E-01	-0.29	6.13E-01
NAV3	0.01	4.97E-01	-0.77	7.80E-01	-0.30	6.18E-01
AP001816.1	0.01	4.97E-01	-0.36	6.41E-01	-0.37	6.44E-01
NFATC3	0.01	4.97E-01	-0.98	8.37E-01	1.08	1.41E-01
PEG3	0.01	4.97E-01	0.02	4.93E-01	-0.98	8.38E-01
MRPL53	0.01	4.97E-01	-1.14	8.73E-01	1.38	8.39E-02
HYLS1	0.01	4.98E-01	0.26	3.98E-01	-1.45	9.27E-01
BCL2L13	0.01	4.98E-01	-0.69	7.54E-01	-0.72	7.64E-01
IFT57	0.01	4.98E-01	-0.54	7.06E-01	0.60	2.74E-01
KCTD14	0.01	4.98E-01	-0.84	7.99E-01	-0.04	5.15E-01
KLRB1	0.01	4.98E-01	1.07	1.41E-01	-0.93	8.24E-01
IRF1	0.01	4.98E-01	0.22	4.15E-01	-1.18	8.82E-01
ESYT2	0.01	4.98E-01	0.53	2.99E-01	-0.82	7.94E-01
SNCG	0.01	4.98E-01	-0.12	5.49E-01	0.69	2.44E-01
SLC6A9	0.01	4.98E-01	0.56	2.87E-01	-1.29	9.02E-01
SYNJ2BP	0.01	4.98E-01	0.78	2.18E-01	-0.74	7.70E-01
TMOD2	0.01	4.98E-01	-1.73	9.58E-01	1.10	1.35E-01
ADRB3	0.01	4.98E-01	-0.31	6.22E-01	1.32	9.37E-02
EFCAB14	0.00	4.98E-01	-0.55	7.10E-01	0.04	4.83E-01
RPS12	0.00	4.98E-01	0.94	1.74E-01	1.28	1.00E-01
RP11-147C23.1	0.00	4.98E-01	0.10	4.61E-01	-0.24	5.96E-01
FBXO45	0.00	4.98E-01	-0.78	7.83E-01	0.09	4.63E-01
AAED1	0.00	4.98E-01	0.29	3.86E-01	-0.92	8.22E-01
SCML4	0.00	4.98E-01	0.09	4.65E-01	-0.30	6.18E-01
MUC3A	0.00	4.98E-01	0.50	3.08E-01	0.75	2.27E-01
PLEKHG7	0.00	4.99E-01	-0.42	6.62E-01	-0.29	6.14E-01
POLR3E	0.00	4.99E-01	0.04	4.82E-01	-0.90	8.17E-01
ROCK1	0.00	4.99E-01	-0.08	5.31E-01	-0.55	7.10E-01
RIBC2	0.00	4.99E-01	-0.57	7.16E-01	-0.20	5.81E-01
PELP1	0.00	4.99E-01	1.03	1.52E-01	0.23	4.11E-01
GPIHBP1	0.00	4.99E-01	0.15	4.39E-01	0.51	3.06E-01

NRN1L	0.00	4.99E-01	0.98	1.64E-01	0.81	2.09E-01
RORC	0.00	4.99E-01	-0.11	5.44E-01	-0.94	8.26E-01
GPD1L	0.00	4.99E-01	-0.54	7.04E-01	-0.73	7.68E-01
ARHGDIG	0.00	4.99E-01	-1.13	8.70E-01	-0.25	5.99E-01
FO XK1	0.00	4.99E-01	0.32	3.74E-01	-1.76	9.61E-01
ZNF414	0.00	4.99E-01	0.03	4.87E-01	-0.80	7.87E-01
TMBIM1	0.00	4.99E-01	-0.33	6.28E-01	-0.49	6.87E-01
RAB11FIP4	0.00	4.99E-01	-0.15	5.61E-01	0.18	4.27E-01
KCND3	0.00	4.99E-01	1.16	1.23E-01	-0.21	5.83E-01
MIA3	0.00	4.99E-01	0.33	3.72E-01	-1.26	8.96E-01
XPO5	0.00	4.99E-01	-0.14	5.54E-01	-0.42	6.63E-01
SSMEM1	0.00	4.99E-01	1.10	1.36E-01	-1.91	9.72E-01
SYT11	0.00	4.99E-01	1.53	6.30E-02	0.19	4.24E-01
NOL6	0.00	4.99E-01	-1.56	9.40E-01	0.54	2.95E-01
P2RX5	0.00	4.99E-01	0.21	4.15E-01	-0.28	6.12E-01
KLHL28	0.00	4.99E-01	0.54	2.96E-01	0.20	4.21E-01
MLH3	0.00	4.99E-01	0.72	2.34E-01	-0.44	6.69E-01
SOWAHC	0.00	4.99E-01	-1.30	9.03E-01	0.08	4.67E-01
DPEP3	0.00	4.99E-01	-0.82	7.95E-01	1.17	1.22E-01
CRYBB2	0.00	5.00E-01	-2.14	9.84E-01	1.63	5.14E-02
HUS1B	0.00	5.00E-01	0.43	3.34E-01	-0.77	7.81E-01
ACTR3	0.00	5.00E-01	-0.15	5.59E-01	-0.65	7.42E-01
TTC31	0.00	5.00E-01	-1.23	8.90E-01	0.74	2.28E-01
LGALS16	0.00	5.00E-01	-0.46	6.77E-01	-0.24	5.93E-01
MKI67	0.00	5.00E-01	0.11	4.57E-01	0.28	3.89E-01
KCNMB3	0.00	5.00E-01	-0.01	5.04E-01	-0.06	5.24E-01
LINC00923	0.00	5.00E-01	-1.19	8.84E-01	0.53	2.97E-01
BCAM	0.00	5.00E-01	0.21	4.15E-01	0.75	2.28E-01
UCN3	0.00	5.00E-01	0.39	3.48E-01	0.37	3.57E-01
EZH1	0.00	5.00E-01	-1.55	9.40E-01	0.10	4.60E-01
TIMP3	0.00	5.00E-01	-0.64	7.38E-01	-0.39	6.53E-01

C17orf74	0.00	5.00E-01	-1.68	9.53E-01	0.62	2.66E-01
NWD1	0.00	5.00E-01	-0.28	6.10E-01	-0.54	7.06E-01
PRM1	0.00	5.00E-01	0.48	3.15E-01	1.57	5.81E-02
C10orf131	0.00	5.00E-01	-0.19	5.74E-01	0.27	3.94E-01
C1QTNF1	0.00	5.00E-01	-1.69	9.54E-01	0.94	1.75E-01
GUCA1A	0.00	5.00E-01	-0.01	5.04E-01	-0.64	7.39E-01
DCAF6	0.00	5.00E-01	-0.45	6.74E-01	-0.21	5.83E-01
TUBB3	0.00	5.00E-01	0.99	1.61E-01	0.11	4.58E-01
FOXF2	0.00	5.01E-01	0.42	3.38E-01	0.73	2.33E-01
CAMKK2	0.00	5.01E-01	0.18	4.28E-01	-0.50	6.91E-01
PKNOX2	0.00	5.01E-01	0.57	2.83E-01	-0.18	5.70E-01
SNN	0.00	5.01E-01	0.65	2.57E-01	-0.75	7.75E-01
SLC4A11	0.00	5.01E-01	0.23	4.08E-01	-1.01	8.44E-01
TUSC3	0.00	5.01E-01	-2.11	9.83E-01	0.18	4.30E-01
FAM134A	0.00	5.01E-01	-0.29	6.15E-01	-0.03	5.13E-01
SPRED1	0.00	5.01E-01	-1.17	8.79E-01	0.24	4.03E-01
TMEM50B	0.00	5.01E-01	0.65	2.57E-01	-0.84	7.99E-01
CIAPIN1	0.00	5.01E-01	0.16	4.37E-01	-0.87	8.07E-01
CYP19A1	0.00	5.01E-01	-0.75	7.72E-01	-0.99	8.39E-01
TBL1XR1	0.00	5.01E-01	-0.91	8.19E-01	-0.63	7.35E-01
CFDP1	0.00	5.01E-01	0.72	2.37E-01	0.31	3.77E-01
ZNF281	0.00	5.01E-01	1.23	1.10E-01	0.72	2.35E-01
GXYLT2	0.00	5.01E-01	-0.29	6.14E-01	-0.19	5.76E-01
CXADR	0.00	5.01E-01	-0.60	7.26E-01	-0.09	5.36E-01
GH2	0.00	5.01E-01	-1.06	8.55E-01	-0.18	5.70E-01
VCPIP1	0.00	5.02E-01	0.32	3.73E-01	-1.00	8.41E-01
SRM	0.00	5.02E-01	1.07	1.42E-01	-0.12	5.47E-01
ZNF404	0.00	5.02E-01	0.05	4.80E-01	-0.70	7.58E-01
TBX2	0.00	5.02E-01	-0.37	6.45E-01	-0.29	6.16E-01
TSNAX-DISC1	0.00	5.02E-01	0.32	3.76E-01	0.49	3.13E-01
DNAJC10	0.00	5.02E-01	0.80	2.11E-01	-1.28	8.99E-01

CD14	0.00	5.02E-01	-0.35	6.37E-01	-0.62	7.32E-01
KCNIP4	0.00	5.02E-01	1.28	1.00E-01	-1.68	9.54E-01
UMODL1	0.00	5.02E-01	0.71	2.38E-01	-1.29	9.02E-01
C7orf61	0.00	5.02E-01	-0.24	5.95E-01	-1.31	9.05E-01
RNF113B	0.00	5.02E-01	-0.41	6.60E-01	-0.64	7.38E-01
MAFK	0.00	5.02E-01	-0.52	6.97E-01	1.12	1.32E-01
WDR75	0.00	5.02E-01	0.08	4.68E-01	0.95	1.71E-01
DOK6	-0.01	5.02E-01	-0.04	5.15E-01	-0.52	7.00E-01
SNRNP70	-0.01	5.02E-01	1.83	3.33E-02	-0.67	7.48E-01
TMEM79	-0.01	5.02E-01	0.51	3.07E-01	-0.78	7.82E-01
STYK1	-0.01	5.02E-01	-0.59	7.21E-01	-0.45	6.75E-01
C5orf34	-0.01	5.02E-01	1.03	1.51E-01	-1.34	9.09E-01
PPP1R14A	-0.01	5.02E-01	0.70	2.41E-01	-1.82	9.66E-01
ZNF397	-0.01	5.02E-01	-1.43	9.24E-01	2.07	1.94E-02
LRRTM2	-0.01	5.03E-01	-0.18	5.71E-01	-0.84	7.99E-01
TMEM248	-0.01	5.03E-01	0.43	3.33E-01	0.58	2.82E-01
BVES	-0.01	5.03E-01	-0.23	5.92E-01	-0.49	6.87E-01
ZRSR1	-0.01	5.03E-01	-0.37	6.42E-01	1.54	6.20E-02
OR4D1	-0.01	5.03E-01	-0.06	5.24E-01	-1.14	8.73E-01
PKN1	-0.01	5.03E-01	-0.15	5.58E-01	-1.29	9.02E-01
JAM2	-0.01	5.03E-01	-0.05	5.20E-01	0.20	4.22E-01
FAM91A1	-0.01	5.03E-01	-0.34	6.34E-01	-0.59	7.23E-01
TMPRSS9	-0.01	5.03E-01	0.25	4.02E-01	-1.80	9.64E-01
ANKRD30B	-0.01	5.03E-01	-0.13	5.51E-01	-0.23	5.91E-01
LRRC59	-0.01	5.03E-01	-0.12	5.46E-01	-0.96	8.31E-01
LDLRAD2	-0.01	5.03E-01	-0.15	5.59E-01	-0.52	6.97E-01
PLGRKT	-0.01	5.03E-01	1.00	1.60E-01	1.39	8.25E-02
CD163	-0.01	5.03E-01	-0.04	5.16E-01	1.12	1.31E-01
TPBGL	-0.01	5.03E-01	0.11	4.58E-01	-1.56	9.40E-01
C7orf76	-0.01	5.03E-01	1.58	5.75E-02	-1.23	8.90E-01
USP2	-0.01	5.03E-01	0.06	4.77E-01	0.50	3.10E-01

SLC9A3R1	-0.01	5.03E-01	-0.28	6.09E-01	-0.21	5.83E-01
ZNF207	-0.01	5.03E-01	2.09	1.81E-02	-0.16	5.65E-01
CIB3	-0.01	5.03E-01	0.07	4.72E-01	-0.43	6.66E-01
MVK	-0.01	5.03E-01	0.50	3.10E-01	-1.72	9.58E-01
F12	-0.01	5.04E-01	0.07	4.74E-01	-0.53	7.01E-01
NR2F6	-0.01	5.04E-01	-0.41	6.60E-01	-0.92	8.21E-01
SLC26A5	-0.01	5.04E-01	-0.41	6.60E-01	-0.54	7.04E-01
PHF20L1	-0.01	5.04E-01	-0.33	6.31E-01	0.74	2.29E-01
OSM	-0.01	5.04E-01	2.05	2.00E-02	0.54	2.96E-01
B3GNT6	-0.01	5.04E-01	0.86	1.94E-01	0.61	2.71E-01
SNAP23	-0.01	5.04E-01	0.92	1.78E-01	-1.30	9.03E-01
SSB	-0.01	5.04E-01	0.12	4.53E-01	0.53	2.99E-01
PPAT	-0.01	5.04E-01	0.90	1.85E-01	-0.48	6.84E-01
FXN	-0.01	5.04E-01	-0.22	5.89E-01	-0.59	7.23E-01
RPL7	-0.01	5.04E-01	-0.67	7.47E-01	0.75	2.27E-01
NRBP1	-0.01	5.04E-01	0.19	4.24E-01	1.81	3.54E-02
PDIA5	-0.01	5.04E-01	0.50	3.08E-01	-0.72	7.64E-01
SMCR8	-0.01	5.04E-01	-0.09	5.34E-01	-1.00	8.41E-01
CHEK2	-0.01	5.04E-01	0.56	2.88E-01	-1.10	8.63E-01
FBXO34	-0.01	5.04E-01	-0.18	5.70E-01	0.51	3.06E-01
DSPP	-0.01	5.04E-01	-0.48	6.84E-01	0.36	3.61E-01
FBXO24	-0.01	5.04E-01	0.58	2.82E-01	0.55	2.91E-01
BRCA1	-0.01	5.04E-01	-1.04	8.50E-01	0.51	3.04E-01
MEFV	-0.01	5.04E-01	-0.94	8.27E-01	-0.30	6.17E-01
DTX1	-0.01	5.04E-01	0.05	4.80E-01	-0.84	7.99E-01
CNTRL	-0.01	5.05E-01	-0.98	8.37E-01	0.09	4.63E-01
DNMT3L	-0.01	5.05E-01	0.75	2.27E-01	-0.32	6.27E-01
DOHH	-0.01	5.05E-01	1.19	1.18E-01	2.49	6.42E-03
TBCD	-0.01	5.05E-01	-0.31	6.21E-01	-0.39	6.50E-01
NRD1	-0.01	5.05E-01	-1.23	8.90E-01	0.48	3.17E-01
RBX1	-0.01	5.05E-01	0.85	1.98E-01	0.08	4.67E-01



SART3	-0.01	5.05E-01	0.12	4.53E-01	-0.19	5.75E-01
CCDC182	-0.01	5.05E-01	-0.16	5.63E-01	-1.68	9.54E-01
ABTB1	-0.01	5.05E-01	-0.39	6.53E-01	-0.51	6.94E-01
TMEM189-UBE2V1	-0.01	5.05E-01	-0.41	6.60E-01	0.01	4.95E-01
TMEM189	-0.01	5.05E-01	-0.41	6.60E-01	0.01	4.95E-01
SLC40A1	-0.01	5.05E-01	-0.90	8.16E-01	0.47	3.20E-01
EPHA4	-0.01	5.05E-01	0.71	2.40E-01	2.69	3.55E-03
OR5J2	-0.01	5.05E-01	-0.95	8.30E-01	0.59	2.78E-01
RAP1A	-0.01	5.05E-01	-0.23	5.89E-01	-0.46	6.78E-01
SHD	-0.01	5.05E-01	-0.77	7.80E-01	0.02	4.91E-01
SH3RF2	-0.01	5.06E-01	-0.23	5.92E-01	1.50	6.65E-02
CRB3	-0.01	5.06E-01	-1.42	9.22E-01	0.04	4.84E-01
SLC35C2	-0.01	5.06E-01	-1.72	9.58E-01	0.22	4.14E-01
KNCN	-0.01	5.06E-01	-0.30	6.19E-01	0.13	4.49E-01
UHRF1BP1L	-0.01	5.06E-01	0.50	3.07E-01	0.11	4.58E-01
SLC25A16	-0.01	5.06E-01	-1.43	9.23E-01	0.42	3.38E-01
TMPRSS11BNL	-0.01	5.06E-01	-0.92	8.21E-01	0.04	4.85E-01
HOOK1	-0.01	5.06E-01	0.30	3.84E-01	-1.21	8.87E-01
CELF6	-0.01	5.06E-01	0.32	3.75E-01	0.32	3.75E-01
PRAC1	-0.02	5.06E-01	-0.11	5.45E-01	-0.56	7.14E-01
CABIN1	-0.02	5.06E-01	-1.14	8.73E-01	0.00	4.98E-01
CARD14	-0.02	5.06E-01	-1.32	9.06E-01	0.33	3.71E-01
PHF23	-0.02	5.06E-01	-0.61	7.29E-01	-0.33	6.28E-01
NUAK1	-0.02	5.06E-01	-0.41	6.59E-01	-0.89	8.12E-01
GDF11	-0.02	5.06E-01	-0.08	5.33E-01	-0.95	8.29E-01
RBP7	-0.02	5.06E-01	-0.12	5.46E-01	1.63	5.19E-02
GUCY2C	-0.02	5.06E-01	-0.84	8.01E-01	0.50	3.10E-01
LRRC24	-0.02	5.06E-01	0.77	2.22E-01	-0.02	5.07E-01
TFB2M	-0.02	5.06E-01	0.84	1.99E-01	-1.86	9.69E-01
OTUB2	-0.02	5.06E-01	-0.87	8.08E-01	1.33	9.13E-02
USP16	-0.02	5.06E-01	0.06	4.78E-01	-1.23	8.91E-01

RNASE7	-0.02	5.07E-01	0.64	2.60E-01	0.43	3.34E-01
H2AFY	-0.02	5.07E-01	-0.07	5.30E-01	0.69	2.45E-01
SLC22A18AS	-0.02	5.07E-01	-0.30	6.18E-01	0.15	4.39E-01
KRTAP10-8	-0.02	5.07E-01	-1.26	8.95E-01	1.05	1.46E-01
RHBDL3	-0.02	5.07E-01	0.89	1.88E-01	-0.73	7.67E-01
RNF186	-0.02	5.07E-01	0.48	3.14E-01	-0.04	5.16E-01
TSGA10	-0.02	5.07E-01	-0.35	6.37E-01	0.15	4.40E-01
FOXR1	-0.02	5.07E-01	0.27	3.92E-01	0.03	4.88E-01
ROPN1B	-0.02	5.07E-01	1.87	3.08E-02	0.51	3.03E-01
WEE2	-0.02	5.07E-01	-0.80	7.90E-01	0.36	3.59E-01
METTL23	-0.02	5.07E-01	1.34	9.07E-02	-0.66	7.47E-01
GEN1	-0.02	5.07E-01	-0.60	7.27E-01	2.77	2.77E-03
RUNX1T1	-0.02	5.07E-01	-0.06	5.23E-01	-1.23	8.91E-01
EGR2	-0.02	5.07E-01	-0.53	7.04E-01	1.72	4.31E-02
PHTF1	-0.02	5.07E-01	-0.12	5.47E-01	-1.02	8.47E-01
BHMT2	-0.02	5.07E-01	-0.60	7.25E-01	0.01	4.97E-01
PDGFRB	-0.02	5.07E-01	-0.08	5.31E-01	-0.70	7.59E-01
ZNF600	-0.02	5.07E-01	1.00	1.58E-01	0.36	3.60E-01
MRPS28	-0.02	5.07E-01	-0.07	5.27E-01	0.00	4.98E-01
SULT1C4	-0.02	5.07E-01	1.63	5.12E-02	0.47	3.20E-01
CACNG4	-0.02	5.07E-01	0.11	4.57E-01	0.12	4.52E-01
C5orf28	-0.02	5.07E-01	1.05	1.46E-01	-0.92	8.21E-01
TRIM35	-0.02	5.08E-01	0.44	3.30E-01	0.22	4.14E-01
GRAP2	-0.02	5.08E-01	-0.88	8.11E-01	0.47	3.20E-01
INO80	-0.02	5.08E-01	0.58	2.83E-01	-1.07	8.57E-01
SOD3	-0.02	5.08E-01	-0.12	5.47E-01	-0.29	6.13E-01
FAM212B	-0.02	5.08E-01	-0.64	7.38E-01	-0.23	5.91E-01
TECRL	-0.02	5.08E-01	-1.73	9.58E-01	0.69	2.46E-01
NAPRT1	-0.02	5.08E-01	-0.06	5.24E-01	1.14	1.26E-01
EFR3A	-0.02	5.08E-01	-1.44	9.25E-01	0.74	2.31E-01
ARHGEF40	-0.02	5.08E-01	1.92	2.72E-02	-0.28	6.12E-01

MAGEF1	-0.02	5.08E-01	0.59	2.77E-01	2.14	1.61E-02
EEPD1	-0.02	5.09E-01	-0.07	5.28E-01	-0.17	5.69E-01
FNDC4	-0.02	5.09E-01	0.26	3.99E-01	1.64	5.02E-02
SMYD3	-0.02	5.09E-01	0.10	4.59E-01	0.06	4.77E-01
GATA3	-0.02	5.09E-01	-0.12	5.48E-01	0.98	1.63E-01
RP11-195F19.5	-0.02	5.09E-01	-1.21	8.87E-01	0.67	2.50E-01
GOLGA8B	-0.02	5.09E-01	0.33	3.69E-01	0.70	2.43E-01
LPAR6	-0.02	5.09E-01	-0.83	7.95E-01	0.74	2.30E-01
PIBF1	-0.02	5.09E-01	0.10	4.60E-01	0.35	3.62E-01
C10orf113	-0.02	5.09E-01	-0.75	7.72E-01	2.06	1.98E-02
DIAPH1	-0.02	5.09E-01	0.64	2.61E-01	-0.86	8.05E-01
DBP	-0.02	5.09E-01	-1.50	9.34E-01	0.42	3.37E-01
PET112	-0.02	5.09E-01	-0.62	7.31E-01	1.02	1.55E-01
SYNPO2L	-0.02	5.09E-01	-0.61	7.29E-01	-0.12	5.47E-01
RPL18A	-0.02	5.09E-01	-0.94	8.27E-01	-0.18	5.72E-01
ABCC3	-0.02	5.09E-01	0.79	2.15E-01	-0.98	8.36E-01
CAPN11	-0.02	5.09E-01	-1.68	9.53E-01	0.55	2.92E-01
ANKRD40	-0.02	5.10E-01	-0.10	5.39E-01	-0.71	7.60E-01
ZNF490	-0.02	5.10E-01	0.17	4.33E-01	-0.27	6.06E-01
ODF3B	-0.02	5.10E-01	-1.47	9.30E-01	0.97	1.65E-01
LPCAT2	-0.02	5.10E-01	-0.98	8.36E-01	-0.66	7.47E-01
URGCP	-0.02	5.10E-01	-0.20	5.78E-01	-0.48	6.86E-01
CCDC155	-0.02	5.10E-01	-0.87	8.08E-01	1.15	1.25E-01
CLK1	-0.03	5.10E-01	0.85	1.97E-01	-1.88	9.70E-01
TRADD	-0.03	5.10E-01	-1.89	9.71E-01	0.42	3.38E-01
MGAM	-0.03	5.10E-01	0.27	3.94E-01	-0.51	6.97E-01
ARHGAP21	-0.03	5.10E-01	1.08	1.41E-01	-1.45	9.26E-01
SEH1L	-0.03	5.10E-01	-0.56	7.12E-01	-0.72	7.64E-01
ZC3H4	-0.03	5.10E-01	-0.09	5.36E-01	0.10	4.62E-01
RHOV	-0.03	5.10E-01	-0.12	5.49E-01	-0.38	6.47E-01
ACVR1C	-0.03	5.10E-01	1.35	8.90E-02	0.17	4.31E-01

VPS4B	-0.03	5.10E-01	-2.45	9.93E-01	0.91	1.80E-01
SPRR1B	-0.03	5.10E-01	0.08	4.68E-01	-1.70	9.56E-01
HCN4	-0.03	5.10E-01	-0.09	5.36E-01	-0.81	7.91E-01
OR7G1	-0.03	5.10E-01	0.36	3.60E-01	-0.36	6.41E-01
GAL3ST3	-0.03	5.10E-01	0.56	2.87E-01	-1.57	9.42E-01
PWWP2B	-0.03	5.10E-01	-1.14	8.73E-01	0.93	1.76E-01
MEIG1	-0.03	5.11E-01	-0.17	5.67E-01	1.15	1.25E-01
TTC9	-0.03	5.11E-01	-0.04	5.16E-01	-0.52	6.97E-01
KRTAP4-16P	-0.03	5.11E-01	1.53	6.27E-02	-0.87	8.09E-01
ZNF500	-0.03	5.11E-01	-1.32	9.06E-01	1.55	6.08E-02
AIP	-0.03	5.11E-01	0.75	2.26E-01	-1.10	8.65E-01
ZIK1	-0.03	5.11E-01	-0.44	6.70E-01	-0.31	6.21E-01
DUSP13	-0.03	5.11E-01	0.93	1.76E-01	0.15	4.39E-01
TES	-0.03	5.11E-01	-0.49	6.90E-01	-0.90	8.15E-01
TRIP11	-0.03	5.11E-01	0.14	4.44E-01	-1.16	8.77E-01
KDM1A	-0.03	5.11E-01	1.79	3.71E-02	0.99	1.60E-01
SPRR2G	-0.03	5.11E-01	-1.87	9.69E-01	-0.21	5.84E-01
ST20	-0.03	5.11E-01	-0.44	6.71E-01	-0.74	7.70E-01
RFWD3	-0.03	5.11E-01	0.92	1.80E-01	-0.66	7.44E-01
KLHL8	-0.03	5.11E-01	0.02	4.93E-01	-0.84	7.98E-01
ASZ1	-0.03	5.11E-01	0.07	4.73E-01	-0.03	5.12E-01
DIABLO	-0.03	5.12E-01	-0.13	5.52E-01	-0.23	5.92E-01
PGAP3	-0.03	5.12E-01	0.86	1.96E-01	-0.78	7.83E-01
IKBKB	-0.03	5.12E-01	-0.07	5.27E-01	-0.57	7.15E-01
DEFB112	-0.03	5.12E-01	-1.34	9.11E-01	-0.07	5.26E-01
DEFB126	-0.03	5.12E-01	-0.39	6.51E-01	-0.70	7.57E-01
HSPA2	-0.03	5.12E-01	-0.08	5.33E-01	-1.20	8.85E-01
MBOAT7	-0.03	5.12E-01	-0.32	6.26E-01	-0.68	7.53E-01
FRMD3	-0.03	5.12E-01	-0.75	7.73E-01	2.35	9.44E-03
ZNRF3	-0.03	5.12E-01	-0.25	6.01E-01	0.36	3.59E-01
PCDHB11	-0.03	5.12E-01	-0.34	6.33E-01	-1.12	8.68E-01

NUFIP2	-0.03	5.12E-01	1.01	1.57E-01	-0.10	5.40E-01
EIF2AK2	-0.03	5.12E-01	0.08	4.67E-01	0.53	3.00E-01
LIG1	-0.03	5.12E-01	0.49	3.13E-01	-1.72	9.57E-01
RANBP9	-0.03	5.12E-01	-1.21	8.86E-01	-0.08	5.30E-01
CPNE1	-0.03	5.12E-01	-0.56	7.12E-01	-0.66	7.45E-01
PPP1R14C	-0.03	5.13E-01	-0.88	8.11E-01	0.67	2.50E-01
USP6	-0.03	5.13E-01	0.79	2.15E-01	-0.54	7.05E-01
C18orf25	-0.03	5.13E-01	0.37	3.56E-01	-1.05	8.53E-01
B4GALT2	-0.03	5.13E-01	0.83	2.03E-01	-2.09	9.82E-01
STK16	-0.03	5.13E-01	0.67	2.53E-01	-0.73	7.69E-01
PYDC1	-0.03	5.13E-01	1.00	1.59E-01	-0.32	6.25E-01
ACBD4	-0.03	5.13E-01	0.24	4.04E-01	-0.11	5.43E-01
IDE	-0.03	5.13E-01	0.18	4.28E-01	-0.89	8.13E-01
N6AMT1	-0.03	5.13E-01	0.96	1.69E-01	-0.50	6.92E-01
DCAF17	-0.03	5.13E-01	-0.45	6.73E-01	-0.44	6.70E-01
NDUFA9	-0.03	5.13E-01	0.46	3.22E-01	-0.83	7.97E-01
SUCO	-0.03	5.13E-01	-1.41	9.21E-01	0.17	4.32E-01
MRPL15	-0.03	5.13E-01	-1.48	9.31E-01	0.65	2.58E-01
PLRG1	-0.03	5.13E-01	0.30	3.83E-01	-1.10	8.64E-01
CASC5	-0.03	5.13E-01	-0.17	5.66E-01	-0.57	7.17E-01
FOLR2	-0.03	5.13E-01	1.80	3.61E-02	0.85	1.96E-01
ALPK2	-0.03	5.13E-01	0.16	4.35E-01	-0.22	5.89E-01
NPM2	-0.03	5.14E-01	0.12	4.53E-01	-0.58	7.20E-01
INSC	-0.03	5.14E-01	0.53	3.00E-01	0.05	4.82E-01
EIF3J	-0.03	5.14E-01	0.21	4.17E-01	-0.41	6.59E-01
CCDC93	-0.03	5.14E-01	1.39	8.29E-02	-1.57	9.42E-01
MOGAT2	-0.03	5.14E-01	-0.06	5.26E-01	-0.87	8.08E-01
NTS	-0.03	5.14E-01	-0.50	6.90E-01	0.63	2.63E-01
ARFGEF2	-0.04	5.14E-01	0.15	4.40E-01	-0.70	7.60E-01
ATP5G1	-0.04	5.14E-01	-0.16	5.62E-01	-1.20	8.86E-01
HCAR1	-0.04	5.14E-01	0.51	3.06E-01	-1.31	9.05E-01

ECT2L	-0.04	5.14E-01	0.12	4.52E-01	0.63	2.64E-01
CSRP1	-0.04	5.14E-01	-0.94	8.27E-01	-0.65	7.41E-01
SYNCRIP	-0.04	5.14E-01	-0.09	5.36E-01	-0.10	5.40E-01
TOM1L1	-0.04	5.14E-01	0.85	1.97E-01	1.37	8.58E-02
TRIM63	-0.04	5.14E-01	-1.22	8.88E-01	-0.17	5.66E-01
USE1	-0.04	5.14E-01	-1.74	9.59E-01	0.22	4.13E-01
C9orf47	-0.04	5.15E-01	-0.93	8.23E-01	0.28	3.89E-01
ST14	-0.04	5.15E-01	-0.34	6.32E-01	-1.25	8.94E-01
TAL2	-0.04	5.15E-01	-1.19	8.84E-01	0.48	3.15E-01
SLC25A47	-0.04	5.15E-01	0.12	4.52E-01	-1.64	9.49E-01
FAM83B	-0.04	5.15E-01	1.16	1.23E-01	0.70	2.42E-01
ZNF259	-0.04	5.15E-01	-1.15	8.75E-01	0.78	2.19E-01
DAO	-0.04	5.15E-01	-1.32	9.07E-01	1.23	1.08E-01
ABHD6	-0.04	5.15E-01	-0.50	6.93E-01	-0.96	8.33E-01
CHD8	-0.04	5.15E-01	-0.27	6.07E-01	0.52	3.02E-01
ZNF2	-0.04	5.15E-01	-0.16	5.62E-01	-0.01	5.04E-01
KXD1	-0.04	5.15E-01	1.00	1.59E-01	-1.01	8.44E-01
THOC5	-0.04	5.15E-01	-0.48	6.86E-01	1.52	6.39E-02
ELF5	-0.04	5.15E-01	-0.58	7.19E-01	-0.29	6.14E-01
RBBP5	-0.04	5.15E-01	0.29	3.85E-01	-0.73	7.67E-01
ARPC1A	-0.04	5.15E-01	0.23	4.07E-01	-1.21	8.87E-01
ZBED6CL	-0.04	5.15E-01	-0.96	8.32E-01	0.54	2.95E-01
ARG2	-0.04	5.15E-01	0.10	4.61E-01	-1.19	8.83E-01
NCKAP5L	-0.04	5.15E-01	-0.74	7.71E-01	-0.26	6.02E-01
GANAB	-0.04	5.15E-01	-0.22	5.88E-01	-0.83	7.97E-01
SGOL2	-0.04	5.16E-01	0.82	2.05E-01	0.32	3.74E-01
MRI1	-0.04	5.16E-01	-0.12	5.48E-01	0.51	3.05E-01
PAIP1	-0.04	5.16E-01	1.00	1.59E-01	-1.31	9.04E-01
DEFB110	-0.04	5.16E-01	-0.65	7.41E-01	-0.10	5.39E-01
SQLE	-0.04	5.16E-01	-0.28	6.10E-01	-0.40	6.56E-01
B4GALT1	-0.04	5.16E-01	0.21	4.16E-01	-0.84	8.01E-01

PAN2	-0.04	5.16E-01	0.36	3.60E-01	1.76	3.88E-02
GDF5OS	-0.04	5.16E-01	-0.09	5.34E-01	-0.87	8.07E-01
ERG	-0.04	5.16E-01	-0.11	5.45E-01	-0.04	5.16E-01
THEMIS2	-0.04	5.16E-01	0.41	3.42E-01	0.85	1.97E-01
ADAM23	-0.04	5.16E-01	-0.45	6.75E-01	0.84	2.01E-01
PDCD4	-0.04	5.16E-01	0.24	4.03E-01	0.42	3.39E-01
UBE2I	-0.04	5.16E-01	0.60	2.74E-01	0.01	4.97E-01
TPT1	-0.04	5.16E-01	0.83	2.03E-01	0.03	4.86E-01
SHFM1	-0.04	5.16E-01	2.01	2.22E-02	-0.94	8.26E-01
BTBD9	-0.04	5.16E-01	-2.06	9.80E-01	0.77	2.20E-01
TTI2	-0.04	5.16E-01	-0.34	6.32E-01	-0.75	7.74E-01
ZBTB42	-0.04	5.16E-01	-0.87	8.09E-01	0.23	4.10E-01
CYP26A1	-0.04	5.16E-01	0.35	3.63E-01	-0.94	8.27E-01
MYBBP1A	-0.04	5.16E-01	0.79	2.16E-01	-1.47	9.29E-01
ZNF3	-0.04	5.17E-01	0.91	1.82E-01	0.73	2.32E-01
SYK	-0.04	5.17E-01	0.04	4.86E-01	1.46	7.18E-02
ZNF474	-0.04	5.17E-01	-1.49	9.32E-01	0.60	2.73E-01
ACOT13	-0.04	5.17E-01	-0.37	6.43E-01	-0.72	7.64E-01
KRT28	-0.04	5.17E-01	-0.46	6.78E-01	0.51	3.04E-01
PDE1C	-0.04	5.17E-01	-1.37	9.14E-01	-0.42	6.64E-01
PXMP4	-0.04	5.17E-01	0.48	3.14E-01	-1.43	9.23E-01
CAMK2D	-0.04	5.17E-01	1.25	1.06E-01	-0.74	7.70E-01
BPTF	-0.04	5.17E-01	0.03	4.86E-01	-0.63	7.37E-01
SPAG17	-0.04	5.17E-01	-1.05	8.54E-01	-0.26	6.02E-01
SCD5	-0.04	5.17E-01	-0.18	5.70E-01	0.16	4.36E-01
LIN28B	-0.04	5.17E-01	-0.43	6.67E-01	-1.20	8.86E-01
CYP4X1	-0.04	5.17E-01	0.26	3.97E-01	-0.96	8.32E-01
PTGDR	-0.04	5.18E-01	0.64	2.60E-01	-0.09	5.34E-01
MCC	-0.04	5.18E-01	-0.46	6.78E-01	0.08	4.67E-01
MTRNR2L8	-0.04	5.18E-01	0.15	4.41E-01	2.17	1.50E-02
UBAC2	-0.04	5.18E-01	-0.38	6.48E-01	0.51	3.05E-01

ACBD5	-0.05	5.18E-01	-0.53	7.02E-01	0.84	2.00E-01
HSF4	-0.05	5.18E-01	-0.54	7.04E-01	-0.83	7.96E-01
DENND4B	-0.05	5.18E-01	-0.07	5.29E-01	1.85	3.25E-02
SNX9	-0.05	5.18E-01	-0.41	6.58E-01	-0.72	7.65E-01
KRBOX1	-0.05	5.18E-01	0.30	3.80E-01	1.65	4.91E-02
DYNLRB2	-0.05	5.18E-01	0.20	4.20E-01	-0.65	7.41E-01
LAG3	-0.05	5.18E-01	0.25	4.00E-01	-1.37	9.15E-01
AKR7A3	-0.05	5.18E-01	0.08	4.68E-01	-0.47	6.81E-01
CLDN8	-0.05	5.18E-01	0.84	2.00E-01	-1.79	9.63E-01
NRXN1	-0.05	5.18E-01	0.47	3.18E-01	0.67	2.50E-01
CTDSPL2	-0.05	5.19E-01	0.07	4.72E-01	-0.30	6.16E-01
PSMB4	-0.05	5.19E-01	0.25	4.00E-01	1.60	5.53E-02
HPGD	-0.05	5.19E-01	0.11	4.57E-01	-1.14	8.73E-01
ACTN1	-0.05	5.19E-01	0.04	4.83E-01	-0.88	8.11E-01
APOBEC3H	-0.05	5.19E-01	0.34	3.67E-01	0.11	4.56E-01
MAP3K8	-0.05	5.19E-01	0.11	4.56E-01	-0.54	7.04E-01
MED13	-0.05	5.19E-01	0.43	3.32E-01	-1.24	8.93E-01
CCDC91	-0.05	5.19E-01	0.01	4.96E-01	1.52	6.46E-02
BCAT2	-0.05	5.19E-01	0.06	4.76E-01	-1.65	9.50E-01
PMS2	-0.05	5.19E-01	-0.68	7.50E-01	1.21	1.13E-01
NSUN4	-0.05	5.19E-01	-0.24	5.94E-01	1.30	9.66E-02
DHX30	-0.05	5.19E-01	0.36	3.59E-01	0.67	2.51E-01
RPA1	-0.05	5.19E-01	0.78	2.17E-01	-1.77	9.61E-01
CD5	-0.05	5.19E-01	-0.21	5.83E-01	-0.20	5.80E-01
NPR3	-0.05	5.19E-01	-0.47	6.80E-01	-0.93	8.23E-01
CCDC144A	-0.05	5.19E-01	-0.53	7.03E-01	-0.48	6.83E-01
RP11-219A15.1	-0.05	5.19E-01	-0.53	7.03E-01	-0.48	6.83E-01
C20orf26	-0.05	5.20E-01	-0.95	8.30E-01	-0.20	5.81E-01
IFITM10	-0.05	5.20E-01	-0.40	6.54E-01	-0.48	6.86E-01
HIVEP2	-0.05	5.20E-01	0.35	3.62E-01	-0.75	7.73E-01
DOCK9	-0.05	5.20E-01	-0.22	5.85E-01	-0.10	5.40E-01



ARHGEF10	-0.05	5.20E-01	0.55	2.92E-01	-1.34	9.10E-01
CCL4	-0.05	5.20E-01	1.29	9.87E-02	-0.39	6.53E-01
MTRFR1	-0.05	5.20E-01	-0.82	7.94E-01	0.15	4.39E-01
SENP5	-0.05	5.20E-01	-1.21	8.87E-01	0.28	3.88E-01
TMEM198	-0.05	5.20E-01	-0.09	5.34E-01	-0.73	7.66E-01
RECQL4	-0.05	5.20E-01	-0.07	5.29E-01	-0.95	8.28E-01
OR1D2	-0.05	5.21E-01	0.52	3.02E-01	0.13	4.48E-01
CAPRIN2	-0.05	5.21E-01	-0.46	6.79E-01	0.98	1.62E-01
FGF4	-0.05	5.21E-01	1.89	2.93E-02	0.93	1.76E-01
ABCB6	-0.05	5.21E-01	-0.20	5.79E-01	-0.59	7.21E-01
EXOSC10	-0.05	5.21E-01	0.26	3.97E-01	-0.67	7.48E-01
PARP4	-0.05	5.21E-01	0.75	2.26E-01	0.43	3.35E-01
LRP8	-0.05	5.21E-01	1.52	6.39E-02	-0.61	7.31E-01
TULP2	-0.05	5.21E-01	-1.04	8.51E-01	-0.25	6.00E-01
ZNF211	-0.05	5.21E-01	0.55	2.91E-01	-1.51	9.34E-01
ITGAE	-0.05	5.21E-01	-0.79	7.84E-01	1.30	9.63E-02
MLK4	-0.05	5.21E-01	1.06	1.45E-01	-0.69	7.55E-01
HHAT	-0.05	5.21E-01	0.37	3.56E-01	-1.08	8.59E-01
CAMK2B	-0.05	5.21E-01	0.81	2.09E-01	-0.88	8.11E-01
C3orf79	-0.05	5.21E-01	-0.82	7.93E-01	1.16	1.24E-01
GPSM2	-0.05	5.22E-01	0.22	4.12E-01	-0.25	6.00E-01
TMEM38B	-0.05	5.22E-01	-1.34	9.09E-01	0.14	4.45E-01
EMC2	-0.05	5.22E-01	-0.11	5.45E-01	-0.82	7.95E-01
AP3B1	-0.05	5.22E-01	-0.70	7.57E-01	-0.10	5.40E-01
EPHB4	-0.05	5.22E-01	1.21	1.13E-01	-0.91	8.20E-01
SPN	-0.05	5.22E-01	-2.03	9.79E-01	0.54	2.94E-01
KREMEN1	-0.05	5.22E-01	-0.07	5.29E-01	-0.82	7.94E-01
UGT8	-0.05	5.22E-01	0.44	3.29E-01	-1.01	8.43E-01
TUBB3	-0.05	5.22E-01	0.64	2.62E-01	0.34	3.66E-01
MXD4	-0.05	5.22E-01	-0.03	5.12E-01	-0.31	6.20E-01
SPACA7	-0.05	5.22E-01	-1.35	9.11E-01	0.91	1.81E-01

RSG1	-0.05	5.22E-01	-0.42	6.61E-01	-0.91	8.19E-01
GOLGA8A	-0.05	5.22E-01	0.29	3.84E-01	0.67	2.53E-01
TNFRSF25	-0.05	5.22E-01	0.47	3.20E-01	-0.36	6.39E-01
PAX7	-0.06	5.22E-01	-0.52	7.00E-01	0.70	2.43E-01
PLK5	-0.06	5.22E-01	-0.53	7.00E-01	-0.04	5.15E-01
SZT2	-0.06	5.22E-01	0.06	4.77E-01	-0.71	7.61E-01
PPP1R12B	-0.06	5.22E-01	-0.55	7.09E-01	-1.07	8.59E-01
TMEM242	-0.06	5.22E-01	0.46	3.23E-01	0.07	4.71E-01
CHST14	-0.06	5.22E-01	-0.27	6.05E-01	1.26	1.05E-01
PIGO	-0.06	5.22E-01	-1.36	9.14E-01	0.58	2.81E-01
SMG5	-0.06	5.22E-01	0.36	3.60E-01	-0.85	8.02E-01
KRT10	-0.06	5.23E-01	0.61	2.70E-01	0.29	3.88E-01
LECT2	-0.06	5.23E-01	-0.37	6.45E-01	-0.94	8.27E-01
COBLL1	-0.06	5.23E-01	0.44	3.31E-01	-2.17	9.85E-01
USP53	-0.06	5.23E-01	-0.17	5.68E-01	-1.22	8.89E-01
SUMO4	-0.06	5.23E-01	-0.29	6.15E-01	-0.17	5.67E-01
CDK5R1	-0.06	5.23E-01	-0.26	6.02E-01	-0.80	7.90E-01
LRRC49	-0.06	5.23E-01	-0.11	5.44E-01	-0.27	6.06E-01
DAAM2	-0.06	5.23E-01	0.77	2.20E-01	-0.99	8.39E-01
DNAJC24	-0.06	5.23E-01	-1.30	9.04E-01	0.51	3.06E-01
DIP2B	-0.06	5.23E-01	0.35	3.64E-01	-1.42	9.22E-01
PAPL	-0.06	5.23E-01	0.59	2.78E-01	0.67	2.51E-01
LGALS1	-0.06	5.23E-01	0.23	4.09E-01	-1.26	8.95E-01
MROH2A	-0.06	5.23E-01	1.33	9.24E-02	-1.16	8.77E-01
PLB1	-0.06	5.23E-01	-0.55	7.09E-01	-1.12	8.68E-01
LNP1	-0.06	5.23E-01	-0.13	5.51E-01	-0.48	6.85E-01
IL2RB	-0.06	5.23E-01	-0.25	5.98E-01	0.19	4.26E-01
TMEM30C	-0.06	5.23E-01	-0.38	6.49E-01	-0.30	6.17E-01
DNAH2	-0.06	5.23E-01	0.60	2.74E-01	0.10	4.62E-01
FEZ1	-0.06	5.23E-01	0.09	4.66E-01	-0.30	6.19E-01
EME1	-0.06	5.23E-01	0.00	5.00E-01	-1.05	8.52E-01

FAM83F	-0.06	5.23E-01	-0.95	8.28E-01	0.12	4.51E-01
KLRC4	-0.06	5.24E-01	-0.92	8.22E-01	0.02	4.91E-01
CHD1	-0.06	5.24E-01	1.35	8.93E-02	1.51	6.50E-02
ANP32A	-0.06	5.24E-01	0.28	3.88E-01	0.06	4.78E-01
TRPC6	-0.06	5.24E-01	-0.26	6.01E-01	-1.08	8.59E-01
SGCB	-0.06	5.24E-01	1.05	1.48E-01	-0.67	7.48E-01
PRSS45	-0.06	5.24E-01	-1.36	9.12E-01	0.26	3.96E-01
HP	-0.06	5.24E-01	-0.59	7.21E-01	0.64	2.60E-01
MYH10	-0.06	5.24E-01	0.10	4.61E-01	-0.66	7.44E-01
BPNT1	-0.06	5.24E-01	-0.35	6.37E-01	-0.84	7.99E-01
MPP7	-0.06	5.24E-01	0.19	4.24E-01	-0.05	5.19E-01
FCN1	-0.06	5.24E-01	0.23	4.08E-01	-0.28	6.12E-01
MXRA7	-0.06	5.24E-01	0.66	2.54E-01	-0.66	7.45E-01
TMEM109	-0.06	5.24E-01	-1.32	9.07E-01	0.07	4.71E-01
ZFYVE19	-0.06	5.24E-01	0.48	3.14E-01	-1.05	8.52E-01
FAM105A	-0.06	5.24E-01	-0.32	6.24E-01	0.25	4.03E-01
ACRBP	-0.06	5.24E-01	-0.68	7.53E-01	0.55	2.90E-01
POGZ	-0.06	5.24E-01	0.17	4.34E-01	1.52	6.40E-02
ZNF837	-0.06	5.24E-01	-0.71	7.60E-01	0.75	2.28E-01
NEK9	-0.06	5.24E-01	0.50	3.10E-01	-1.19	8.83E-01
INIP	-0.06	5.25E-01	-0.28	6.12E-01	-1.34	9.10E-01
TRIM34	-0.06	5.25E-01	0.35	3.63E-01	0.38	3.52E-01
COL5A2	-0.06	5.25E-01	-0.20	5.80E-01	-0.42	6.64E-01
YIPF7	-0.06	5.25E-01	-0.25	5.98E-01	-0.79	7.84E-01
EXOC5	-0.06	5.25E-01	-0.96	8.32E-01	0.52	3.03E-01
VSX1	-0.06	5.25E-01	-0.99	8.39E-01	1.46	7.17E-02
RALB	-0.06	5.25E-01	-0.34	6.33E-01	-0.86	8.05E-01
TAS2R16	-0.06	5.25E-01	0.47	3.18E-01	1.80	3.58E-02
GABRB2	-0.06	5.25E-01	-0.74	7.70E-01	-0.15	5.58E-01
DEDD	-0.06	5.25E-01	1.23	1.10E-01	1.28	1.01E-01
GGT6	-0.06	5.25E-01	-0.26	6.01E-01	-1.09	8.62E-01

NFATC4	-0.06	5.25E-01	-0.88	8.11E-01	-0.42	6.62E-01
TSHZ3	-0.06	5.25E-01	0.04	4.84E-01	-0.85	8.04E-01
DMAP1	-0.06	5.25E-01	-1.65	9.51E-01	0.78	2.18E-01
BCR	-0.06	5.25E-01	-0.58	7.19E-01	-0.39	6.50E-01
OR10H5	-0.06	5.25E-01	1.05	1.46E-01	-0.81	7.90E-01
C2orf40	-0.06	5.25E-01	0.46	3.22E-01	-1.22	8.89E-01
ZBTB7C	-0.06	5.25E-01	0.36	3.59E-01	-0.36	6.40E-01
SPTB	-0.06	5.25E-01	0.15	4.42E-01	-0.36	6.39E-01
ALPK1	-0.06	5.26E-01	-0.49	6.86E-01	1.54	6.19E-02
FOXS1	-0.06	5.26E-01	0.53	2.99E-01	-0.56	7.11E-01
PKIB	-0.06	5.26E-01	0.98	1.64E-01	-1.11	8.67E-01
FBXO36	-0.06	5.26E-01	-0.07	5.29E-01	-1.12	8.68E-01
GNA15	-0.06	5.26E-01	-0.40	6.54E-01	0.55	2.93E-01
RAB14	-0.06	5.26E-01	-1.29	9.01E-01	0.24	4.04E-01
PCCB	-0.06	5.26E-01	0.93	1.76E-01	-0.72	7.65E-01
PCDHGA3	-0.06	5.26E-01	0.55	2.92E-01	0.63	2.64E-01
GAL3ST2	-0.07	5.26E-01	0.40	3.43E-01	-1.38	9.16E-01
CDC20	-0.07	5.26E-01	0.23	4.07E-01	-0.37	6.45E-01
SUN1	-0.07	5.26E-01	0.38	3.52E-01	-0.41	6.58E-01
CLC	-0.07	5.26E-01	-0.23	5.92E-01	-0.59	7.21E-01
TACC3	-0.07	5.26E-01	0.27	3.94E-01	-1.95	9.75E-01
COLCA1	-0.07	5.26E-01	0.33	3.70E-01	1.07	1.41E-01
C2orf78	-0.07	5.26E-01	0.26	3.96E-01	-0.85	8.03E-01
LGALS13	-0.07	5.26E-01	-0.81	7.90E-01	-0.52	7.00E-01
MUC6	-0.07	5.27E-01	-0.36	6.40E-01	-0.17	5.67E-01
S100A6	-0.07	5.27E-01	-0.43	6.66E-01	-0.48	6.86E-01
C5orf55	-0.07	5.27E-01	0.65	2.59E-01	-1.35	9.11E-01
HTR7	-0.07	5.27E-01	0.06	4.77E-01	1.85	3.23E-02
CTNNA1	-0.07	5.27E-01	-0.20	5.78E-01	-0.56	7.11E-01
GALT	-0.07	5.27E-01	-0.13	5.52E-01	0.54	2.95E-01
KRT39	-0.07	5.27E-01	0.50	3.08E-01	0.55	2.89E-01

IL19	-0.07	5.27E-01	-0.28	6.10E-01	1.22	1.12E-01
CYP2D6	-0.07	5.27E-01	-1.06	8.54E-01	0.40	3.44E-01
PON2	-0.07	5.27E-01	0.50	3.09E-01	-0.82	7.94E-01
GPATCH2	-0.07	5.27E-01	-0.94	8.27E-01	0.87	1.93E-01
ATP5H	-0.07	5.27E-01	0.26	3.97E-01	0.57	2.84E-01
CCDC14	-0.07	5.27E-01	-0.72	7.64E-01	1.71	4.36E-02
RPE65	-0.07	5.27E-01	0.98	1.64E-01	1.39	8.20E-02
PRIM1	-0.07	5.27E-01	0.16	4.36E-01	-1.25	8.94E-01
C1orf53	-0.07	5.27E-01	-1.89	9.71E-01	0.68	2.49E-01
UBR7	-0.07	5.27E-01	-0.58	7.17E-01	-0.42	6.63E-01
H1FOO	-0.07	5.27E-01	-1.30	9.03E-01	0.86	1.94E-01
RIPK4	-0.07	5.27E-01	0.10	4.61E-01	-0.65	7.42E-01
SPINK13	-0.07	5.27E-01	-0.61	7.29E-01	0.30	3.83E-01
ALAD	-0.07	5.28E-01	0.01	4.95E-01	-1.04	8.52E-01
LONP1	-0.07	5.28E-01	-0.18	5.73E-01	0.96	1.69E-01
ITFG2	-0.07	5.28E-01	-0.11	5.44E-01	0.75	2.27E-01
RSPH4A	-0.07	5.28E-01	0.32	3.74E-01	-0.14	5.54E-01
LZTS1	-0.07	5.28E-01	-0.01	5.05E-01	-0.08	5.33E-01
C18orf63	-0.07	5.28E-01	0.02	4.94E-01	-1.04	8.51E-01
ATR	-0.07	5.28E-01	-1.25	8.95E-01	0.29	3.87E-01
ANKS3	-0.07	5.28E-01	-1.12	8.68E-01	1.67	4.70E-02
KRT222	-0.07	5.28E-01	0.04	4.82E-01	0.02	4.90E-01
CHSY3	-0.07	5.28E-01	-0.01	5.05E-01	2.35	9.47E-03
PADI3	-0.07	5.28E-01	-0.18	5.72E-01	-0.62	7.31E-01
RAB11FIP5	-0.07	5.28E-01	-0.17	5.66E-01	-0.13	5.53E-01
CYP1A2	-0.07	5.28E-01	-1.84	9.67E-01	0.96	1.68E-01
INTU	-0.07	5.28E-01	1.65	4.92E-02	0.40	3.46E-01
PDC	-0.07	5.28E-01	0.16	4.38E-01	-1.74	9.59E-01
NSUN7	-0.07	5.28E-01	-0.79	7.84E-01	-1.01	8.45E-01
ATP6V1G3	-0.07	5.28E-01	0.07	4.71E-01	0.11	4.58E-01
PPCDC	-0.07	5.28E-01	0.29	3.84E-01	0.02	4.93E-01

C1QL3	-0.07	5.29E-01	0.27	3.95E-01	-0.13	5.52E-01
NCLN	-0.07	5.29E-01	-0.59	7.23E-01	1.43	7.59E-02
GPR19	-0.07	5.29E-01	0.19	4.23E-01	-0.35	6.36E-01
KCTD19	-0.07	5.29E-01	-1.63	9.49E-01	0.77	2.20E-01
NT5M	-0.07	5.29E-01	-0.07	5.28E-01	-1.14	8.73E-01
C10orf11	-0.07	5.29E-01	-0.83	7.97E-01	0.18	4.30E-01
C5orf63	-0.07	5.29E-01	1.29	9.79E-02	0.28	3.88E-01
CTSZ	-0.07	5.29E-01	-0.89	8.14E-01	-0.51	6.96E-01
KL	-0.07	5.29E-01	0.40	3.43E-01	-1.04	8.50E-01
SMPD4	-0.07	5.29E-01	1.22	1.12E-01	0.19	4.23E-01
KCNK2	-0.07	5.29E-01	-0.46	6.78E-01	-0.78	7.83E-01
VNN1	-0.07	5.29E-01	0.93	1.75E-01	-0.48	6.86E-01
ZNF451	-0.07	5.29E-01	-0.31	6.22E-01	-0.46	6.78E-01
ESD	-0.07	5.30E-01	0.48	3.14E-01	-1.39	9.18E-01
ELP2	-0.07	5.30E-01	-0.63	7.35E-01	2.17	1.50E-02
FCGR2A	-0.07	5.30E-01	0.00	4.98E-01	-0.76	7.75E-01
EFCAB11	-0.07	5.30E-01	0.63	2.65E-01	0.30	3.83E-01
XKR4	-0.07	5.30E-01	0.07	4.72E-01	-0.90	8.16E-01
KLRC4-KLRK1	-0.07	5.30E-01	-0.54	7.06E-01	-0.09	5.37E-01
DPH2	-0.07	5.30E-01	0.99	1.61E-01	-0.14	5.57E-01
ZNF558	-0.08	5.30E-01	0.97	1.67E-01	-0.64	7.38E-01
ETFB	-0.08	5.30E-01	-1.01	8.43E-01	-0.27	6.05E-01
ORAI1	-0.08	5.30E-01	-0.73	7.67E-01	0.65	2.58E-01
PLCXD3	-0.08	5.30E-01	0.32	3.76E-01	-0.38	6.47E-01
ATXN7	-0.08	5.30E-01	0.35	3.64E-01	0.86	1.96E-01
P2RX5-TAX1BP3	-0.08	5.30E-01	0.46	3.21E-01	-0.38	6.48E-01
GRIA2	-0.08	5.30E-01	-0.31	6.24E-01	-0.16	5.65E-01
KLHL32	-0.08	5.30E-01	-1.00	8.41E-01	1.01	1.57E-01
OVCH1-AS1	-0.08	5.31E-01	-0.14	5.55E-01	-0.30	6.19E-01
TPO	-0.08	5.31E-01	-0.61	7.29E-01	-0.39	6.52E-01
ELP6	-0.08	5.31E-01	0.04	4.82E-01	0.80	2.13E-01

RWDD2A	-0.08	5.31E-01	0.34	3.66E-01	-1.01	8.43E-01
LPAR2	-0.08	5.31E-01	-0.57	7.14E-01	-0.56	7.11E-01
GLT6D1	-0.08	5.31E-01	1.07	1.43E-01	-1.15	8.76E-01
GOT1	-0.08	5.31E-01	-0.06	5.24E-01	-0.38	6.49E-01
RAI1	-0.08	5.31E-01	2.18	1.47E-02	0.52	3.02E-01
PRKG2	-0.08	5.31E-01	-0.10	5.38E-01	0.53	2.98E-01
C2orf71	-0.08	5.31E-01	2.24	1.27E-02	0.15	4.39E-01
FGF11	-0.08	5.31E-01	-1.17	8.79E-01	-0.27	6.06E-01
NRF1	-0.08	5.31E-01	-0.25	5.98E-01	0.80	2.11E-01
KIAA0391	-0.08	5.31E-01	0.37	3.55E-01	-0.07	5.29E-01
GVQW1	-0.08	5.31E-01	-0.65	7.43E-01	-0.31	6.20E-01
IFRD1	-0.08	5.31E-01	-0.27	6.06E-01	-0.56	7.12E-01
DEFB131	-0.08	5.31E-01	-1.12	8.69E-01	0.05	4.81E-01
FAM217B	-0.08	5.31E-01	-0.11	5.44E-01	0.39	3.47E-01
OR1F1	-0.08	5.31E-01	-1.42	9.22E-01	0.22	4.12E-01
ITPKB	-0.08	5.31E-01	-0.09	5.34E-01	0.37	3.55E-01
PTGES	-0.08	5.31E-01	0.83	2.03E-01	-1.09	8.63E-01
FBXO22	-0.08	5.32E-01	1.07	1.42E-01	-0.54	7.04E-01
CCDC7	-0.08	5.32E-01	-0.54	7.04E-01	0.08	4.69E-01
SPIDR	-0.08	5.32E-01	0.21	4.17E-01	0.70	2.41E-01
HPS4	-0.08	5.32E-01	0.37	3.54E-01	0.42	3.39E-01
COPB2	-0.08	5.32E-01	2.18	1.47E-02	0.50	3.08E-01
NTHL1	-0.08	5.32E-01	0.30	3.81E-01	-1.40	9.20E-01
TAF12	-0.08	5.32E-01	1.03	1.51E-01	0.58	2.82E-01
TEX40	-0.08	5.32E-01	0.14	4.43E-01	0.41	3.42E-01
YY1AP1	-0.08	5.32E-01	0.04	4.83E-01	-0.31	6.23E-01
TSPAN17	-0.08	5.32E-01	0.81	2.08E-01	1.59	5.63E-02
NDUFC1	-0.08	5.32E-01	0.54	2.95E-01	-1.98	9.76E-01
PARP16	-0.08	5.32E-01	-0.97	8.35E-01	1.68	4.61E-02
ZNF572	-0.08	5.32E-01	-0.61	7.30E-01	0.99	1.60E-01
MFHAS1	-0.08	5.32E-01	-0.57	7.16E-01	1.24	1.07E-01

ARHGEF37	-0.08	5.32E-01	-0.24	5.94E-01	-0.04	5.14E-01
ZBTB21	-0.08	5.32E-01	0.14	4.43E-01	-1.13	8.70E-01
ARFGAP2	-0.08	5.32E-01	-0.39	6.53E-01	-0.10	5.42E-01
ROPN1	-0.08	5.32E-01	-1.40	9.19E-01	1.31	9.53E-02
ADPRHL2	-0.08	5.33E-01	-0.35	6.39E-01	1.14	1.27E-01
PCDHB7	-0.08	5.33E-01	-0.23	5.91E-01	-1.27	8.98E-01
ROCK2	-0.08	5.33E-01	-1.07	8.57E-01	-0.52	6.99E-01
VWC2	-0.08	5.33E-01	0.20	4.21E-01	-0.18	5.72E-01
ATIC	-0.08	5.33E-01	-1.23	8.91E-01	0.18	4.28E-01
VRTN	-0.08	5.33E-01	-0.83	7.97E-01	0.56	2.89E-01
DHX29	-0.08	5.33E-01	-0.23	5.91E-01	-0.42	6.62E-01
CUTA	-0.08	5.33E-01	-0.67	7.50E-01	-0.21	5.81E-01
PCDHGB1	-0.08	5.33E-01	0.60	2.75E-01	0.55	2.90E-01
DKFZP761J1410	-0.08	5.33E-01	-0.07	5.30E-01	-1.05	8.54E-01
CEP250	-0.08	5.33E-01	-0.92	8.21E-01	0.02	4.91E-01
DSEL	-0.08	5.33E-01	-0.26	6.01E-01	-0.38	6.47E-01
PPCS	-0.08	5.33E-01	0.75	2.25E-01	-0.19	5.74E-01
MLC1	-0.08	5.33E-01	0.51	3.05E-01	-0.35	6.36E-01
GDE1	-0.08	5.33E-01	0.56	2.87E-01	-1.17	8.78E-01
PEX12	-0.08	5.33E-01	-1.42	9.22E-01	0.27	3.92E-01
RNF40	-0.08	5.33E-01	-1.29	9.01E-01	0.80	2.12E-01
UBE2Q2	-0.08	5.34E-01	0.78	2.17E-01	-0.49	6.86E-01
MANEA	-0.08	5.34E-01	-0.54	7.07E-01	-0.15	5.61E-01
ZNF462	-0.08	5.34E-01	-0.07	5.27E-01	1.46	7.24E-02
BMP8B	-0.08	5.34E-01	0.38	3.53E-01	-1.04	8.51E-01
BPIFA2	-0.08	5.34E-01	0.61	2.71E-01	-0.96	8.31E-01
DAZAP1	-0.09	5.34E-01	0.34	3.68E-01	0.24	4.05E-01
PCMTD2	-0.09	5.34E-01	0.45	3.27E-01	1.31	9.59E-02
KCNN1	-0.09	5.34E-01	1.71	4.35E-02	-0.21	5.81E-01
ZNF790	-0.09	5.34E-01	-0.40	6.56E-01	-0.32	6.25E-01
CYP4A11	-0.09	5.34E-01	0.04	4.84E-01	2.40	8.28E-03



LAMP5	-0.09	5.34E-01	-0.38	6.47E-01	1.21	1.13E-01
TMEM45B	-0.09	5.34E-01	-0.45	6.73E-01	-1.11	8.67E-01
TSTA3	-0.09	5.34E-01	-0.46	6.78E-01	1.38	8.43E-02
RNF170	-0.09	5.34E-01	-1.14	8.72E-01	1.40	8.15E-02
ZNF100	-0.09	5.35E-01	0.79	2.15E-01	-0.16	5.62E-01
FTSJ3	-0.09	5.35E-01	-0.55	7.09E-01	-0.38	6.49E-01
RIC8A	-0.09	5.35E-01	0.53	2.96E-01	-0.48	6.85E-01
MS4A18	-0.09	5.35E-01	-0.51	6.97E-01	0.59	2.76E-01
SLC10A4	-0.09	5.35E-01	-0.63	7.36E-01	0.08	4.68E-01
CYP3A5	-0.09	5.35E-01	0.06	4.75E-01	-0.30	6.16E-01
AGBL5	-0.09	5.35E-01	1.36	8.63E-02	0.34	3.68E-01
CREB3L4	-0.09	5.35E-01	-0.05	5.21E-01	1.72	4.31E-02
KIAA1324L	-0.09	5.35E-01	0.37	3.57E-01	-1.57	9.41E-01
WSCD2	-0.09	5.35E-01	1.20	1.15E-01	0.13	4.46E-01
ARF1	-0.09	5.35E-01	0.45	3.26E-01	-0.20	5.80E-01
AP003774.4	-0.09	5.35E-01	-1.66	9.52E-01	0.89	1.86E-01
NEUROD1	-0.09	5.35E-01	-0.37	6.45E-01	-1.45	9.27E-01
MED27	-0.09	5.35E-01	-1.12	8.69E-01	-0.29	6.15E-01
CLEC1B	-0.09	5.35E-01	0.24	4.07E-01	-1.51	9.34E-01
GPR128	-0.09	5.35E-01	-1.16	8.77E-01	1.55	6.07E-02
JUP	-0.09	5.35E-01	-0.38	6.50E-01	0.62	2.67E-01
C14orf79	-0.09	5.35E-01	0.46	3.21E-01	-1.15	8.76E-01
TIMP2	-0.09	5.35E-01	0.13	4.49E-01	0.11	4.58E-01
EFNB2	-0.09	5.35E-01	-0.25	5.99E-01	-1.49	9.32E-01
GABRA6	-0.09	5.35E-01	-0.15	5.59E-01	-0.78	7.82E-01
FGFR4	-0.09	5.35E-01	-0.49	6.88E-01	-0.25	5.99E-01
MYH11	-0.09	5.36E-01	0.45	3.27E-01	0.29	3.86E-01
ANKEF1	-0.09	5.36E-01	-0.22	5.88E-01	-0.33	6.31E-01
KIFC2	-0.09	5.36E-01	-0.11	5.44E-01	-1.00	8.42E-01
PCDHGB6	-0.09	5.36E-01	1.06	1.43E-01	-0.48	6.85E-01
FBXL18	-0.09	5.36E-01	-0.31	6.22E-01	0.23	4.10E-01

PCDHGA2	-0.09	5.36E-01	0.51	3.06E-01	0.60	2.76E-01
FAT4	-0.09	5.36E-01	0.65	2.57E-01	-0.69	7.55E-01
CCDC132	-0.09	5.36E-01	-0.49	6.89E-01	-0.22	5.88E-01
MIER3	-0.09	5.36E-01	0.80	2.13E-01	-0.43	6.65E-01
ZSCAN30	-0.09	5.36E-01	-1.05	8.53E-01	2.06	1.95E-02
PALB2	-0.09	5.36E-01	-0.14	5.55E-01	-0.23	5.89E-01
SLC27A6	-0.09	5.36E-01	-0.56	7.11E-01	-0.03	5.13E-01
RBM12	-0.09	5.36E-01	-0.52	6.97E-01	-0.71	7.61E-01
OR51G1	-0.09	5.36E-01	-0.56	7.11E-01	-0.71	7.61E-01
LPAR1	-0.09	5.36E-01	-0.88	8.11E-01	-0.31	6.22E-01
STARD5	-0.09	5.36E-01	0.18	4.30E-01	0.72	2.35E-01
SOWAHB	-0.09	5.36E-01	1.00	1.59E-01	-0.68	7.53E-01
GNG10	-0.09	5.36E-01	0.07	4.73E-01	0.30	3.81E-01
MGAT3	-0.09	5.37E-01	-0.40	6.57E-01	-0.09	5.35E-01
SLC26A1	-0.09	5.37E-01	0.28	3.88E-01	1.26	1.03E-01
MAP3K5	-0.09	5.37E-01	0.84	1.99E-01	0.08	4.69E-01
MEPCE	-0.09	5.37E-01	0.06	4.77E-01	-0.92	8.21E-01
LBH	-0.09	5.37E-01	-0.07	5.28E-01	-0.49	6.87E-01
MTDH	-0.09	5.37E-01	-0.07	5.28E-01	0.45	3.26E-01
THBS4	-0.09	5.37E-01	-0.39	6.51E-01	-0.49	6.89E-01
TEK	-0.09	5.37E-01	-0.72	7.63E-01	-0.48	6.83E-01
UCP2	-0.09	5.37E-01	-0.30	6.20E-01	1.66	4.87E-02
PGD	-0.09	5.37E-01	-0.48	6.86E-01	1.12	1.31E-01
VPS26A	-0.09	5.37E-01	0.23	4.10E-01	0.01	4.97E-01
TESK2	-0.09	5.37E-01	-0.31	6.21E-01	-1.17	8.79E-01
DUSP10	-0.09	5.37E-01	-0.87	8.09E-01	1.35	8.89E-02
SLC20A2	-0.09	5.37E-01	-0.70	7.57E-01	-0.13	5.50E-01
SDHD	-0.09	5.37E-01	-0.64	7.40E-01	0.29	3.86E-01
MEGF8	-0.09	5.37E-01	-0.80	7.88E-01	-0.24	5.94E-01
MAT2A	-0.09	5.37E-01	0.87	1.93E-01	0.14	4.43E-01
KCTD18	-0.09	5.37E-01	-0.15	5.59E-01	-0.14	5.55E-01

POU4F3	-0.09	5.38E-01	-0.90	8.15E-01	0.38	3.52E-01
DIS3L	-0.09	5.38E-01	-0.40	6.54E-01	0.85	1.98E-01
ZNF707	-0.09	5.38E-01	1.30	9.70E-02	-0.46	6.78E-01
HK2	-0.09	5.38E-01	-0.22	5.86E-01	0.47	3.19E-01
TAF1L	-0.09	5.38E-01	0.85	1.97E-01	0.50	3.08E-01
SAFB2	-0.09	5.38E-01	-0.30	6.17E-01	1.00	1.57E-01
ATMIN	-0.09	5.38E-01	-0.79	7.85E-01	-0.05	5.18E-01
SAR1A	-0.10	5.38E-01	0.20	4.22E-01	0.90	1.84E-01
HELLS	-0.10	5.38E-01	-0.37	6.44E-01	-0.06	5.24E-01
TMEM154	-0.10	5.38E-01	-1.23	8.90E-01	0.72	2.37E-01
TAL1	-0.10	5.38E-01	0.54	2.95E-01	-1.83	9.66E-01
OSCAR	-0.10	5.38E-01	-0.38	6.47E-01	0.26	3.98E-01
SBDS	-0.10	5.38E-01	0.20	4.20E-01	-0.30	6.17E-01
EXOSC2	-0.10	5.38E-01	-1.07	8.58E-01	-0.14	5.57E-01
MGST2	-0.10	5.38E-01	-1.04	8.52E-01	-0.63	7.37E-01
KRT40	-0.10	5.38E-01	1.25	1.06E-01	0.39	3.50E-01
PTP4A1	-0.10	5.38E-01	-1.19	8.83E-01	0.71	2.40E-01
OR52N1	-0.10	5.38E-01	1.41	7.99E-02	0.13	4.49E-01
ACAD9	-0.10	5.38E-01	0.94	1.75E-01	0.33	3.70E-01
IQCC	-0.10	5.38E-01	-0.47	6.83E-01	-0.26	6.02E-01
LZIC	-0.10	5.38E-01	-0.43	6.66E-01	0.27	3.92E-01
OR2S2	-0.10	5.38E-01	-1.25	8.95E-01	0.63	2.66E-01
DRAM1	-0.10	5.38E-01	0.38	3.52E-01	-1.33	9.08E-01
GFOD2	-0.10	5.38E-01	-0.27	6.08E-01	1.80	3.63E-02
IL36A	-0.10	5.38E-01	1.65	4.97E-02	0.02	4.94E-01
NUDT2	-0.10	5.39E-01	-1.24	8.92E-01	0.83	2.03E-01
KIAA1147	-0.10	5.39E-01	-0.06	5.24E-01	-0.88	8.10E-01
PSMA1	-0.10	5.39E-01	0.01	4.95E-01	-0.12	5.46E-01
ZNF222	-0.10	5.39E-01	0.33	3.72E-01	-1.89	9.70E-01
CAPN2	-0.10	5.39E-01	0.58	2.82E-01	-1.02	8.45E-01
DHX34	-0.10	5.39E-01	-0.42	6.62E-01	-0.35	6.39E-01

RP11-410N8.4	-0.10	5.39E-01	0.15	4.42E-01	1.89	2.92E-02
CNPPD1	-0.10	5.39E-01	-0.55	7.09E-01	-0.55	7.09E-01
ATPAF1	-0.10	5.39E-01	-0.35	6.38E-01	-0.14	5.54E-01
GRASP	-0.10	5.39E-01	-0.40	6.57E-01	-0.78	7.81E-01
TMEM208	-0.10	5.39E-01	-0.71	7.62E-01	-0.46	6.77E-01
GPR110	-0.10	5.39E-01	-0.49	6.88E-01	-0.20	5.80E-01
DIMT1	-0.10	5.39E-01	1.05	1.48E-01	-0.56	7.11E-01
SOGA2	-0.10	5.39E-01	-1.31	9.04E-01	0.47	3.18E-01
SMARCD2	-0.10	5.39E-01	-0.53	7.03E-01	-0.88	8.10E-01
TMEM120B	-0.10	5.39E-01	-1.34	9.11E-01	0.24	4.04E-01
TDP1	-0.10	5.39E-01	1.40	8.09E-02	-0.27	6.06E-01
TSPAN19	-0.10	5.39E-01	-0.82	7.94E-01	-0.39	6.53E-01
DAAM1	-0.10	5.39E-01	-0.53	7.01E-01	0.00	4.98E-01
DLX2	-0.10	5.40E-01	-1.60	9.45E-01	0.09	4.64E-01
BST2	-0.10	5.40E-01	-0.84	8.01E-01	-0.54	7.07E-01
C12orf77	-0.10	5.40E-01	-0.65	7.43E-01	0.41	3.41E-01
IGHMBP2	-0.10	5.40E-01	-0.01	5.05E-01	-1.07	8.57E-01
MTMR9	-0.10	5.40E-01	0.73	2.32E-01	-0.47	6.81E-01
PLSCR1	-0.10	5.40E-01	-0.70	7.58E-01	-0.48	6.86E-01
GLP2R	-0.10	5.40E-01	-0.51	6.96E-01	-0.01	5.06E-01
MYH14	-0.10	5.40E-01	0.86	1.96E-01	0.04	4.85E-01
CHD3	-0.10	5.40E-01	1.05	1.47E-01	0.00	4.98E-01
ZNF878	-0.10	5.40E-01	-0.12	5.48E-01	-0.56	7.12E-01
C1orf146	-0.10	5.40E-01	0.03	4.88E-01	-0.68	7.52E-01
PPP3CC	-0.10	5.40E-01	0.97	1.65E-01	0.07	4.70E-01
ENOPH1	-0.10	5.40E-01	-0.27	6.05E-01	-0.97	8.33E-01
TM9SF3	-0.10	5.40E-01	-1.04	8.50E-01	-0.22	5.86E-01
DNAI1	-0.10	5.41E-01	0.02	4.93E-01	0.04	4.83E-01
TCN1	-0.10	5.41E-01	-0.24	5.96E-01	-0.27	6.05E-01
TNFAIP6	-0.10	5.41E-01	0.50	3.09E-01	-1.12	8.68E-01
NBR1	-0.10	5.41E-01	-0.79	7.86E-01	0.58	2.82E-01

PPP1R3G	-0.10	5.41E-01	-0.12	5.48E-01	-0.38	6.46E-01
PCDHGA4	-0.10	5.41E-01	0.65	2.58E-01	0.49	3.14E-01
NKAIN2	-0.10	5.41E-01	-0.72	7.65E-01	-1.41	9.21E-01
KIAA0196	-0.10	5.41E-01	-0.38	6.47E-01	-1.10	8.64E-01
ZNF98	-0.10	5.41E-01	0.08	4.69E-01	0.90	1.85E-01
C9orf117	-0.10	5.41E-01	0.97	1.65E-01	-0.36	6.39E-01
CPEB4	-0.10	5.41E-01	-0.58	7.19E-01	0.41	3.41E-01
PRPF18	-0.10	5.41E-01	-1.53	9.37E-01	2.16	1.54E-02
OR7A10	-0.10	5.42E-01	0.61	2.71E-01	1.21	1.13E-01
RABEP1	-0.10	5.42E-01	1.43	7.64E-02	0.19	4.25E-01
SLC16A4	-0.10	5.42E-01	0.53	2.99E-01	-1.85	9.68E-01
OR1L1	-0.10	5.42E-01	0.64	2.62E-01	-0.63	7.35E-01
XDH	-0.11	5.42E-01	0.42	3.37E-01	-0.37	6.46E-01
MCCC1	-0.11	5.42E-01	-0.44	6.69E-01	0.58	2.81E-01
SGPP1	-0.11	5.42E-01	-0.84	8.00E-01	-0.03	5.13E-01
ARMC4	-0.11	5.42E-01	0.69	2.47E-01	-0.61	7.30E-01
LTN1	-0.11	5.42E-01	0.05	4.81E-01	-1.40	9.20E-01
ZNF227	-0.11	5.42E-01	-0.68	7.51E-01	-0.67	7.47E-01
PCDHGB4	-0.11	5.42E-01	0.94	1.72E-01	-0.07	5.27E-01
CMTM1	-0.11	5.42E-01	-0.93	8.25E-01	0.59	2.77E-01
ACSM4	-0.11	5.42E-01	-1.28	8.99E-01	0.54	2.95E-01
EPS8	-0.11	5.43E-01	-0.93	8.23E-01	1.61	5.40E-02
CDYL	-0.11	5.43E-01	-1.23	8.91E-01	0.53	2.98E-01
PCDHGA8	-0.11	5.43E-01	0.99	1.62E-01	-0.17	5.69E-01
CELF4	-0.11	5.43E-01	-0.17	5.66E-01	1.31	9.48E-02
FAM103A1	-0.11	5.43E-01	-0.57	7.14E-01	1.15	1.24E-01
ZNF385D	-0.11	5.43E-01	1.50	6.71E-02	-0.62	7.31E-01
PCDHGA9	-0.11	5.43E-01	1.04	1.50E-01	-0.40	6.55E-01
CKAP2L	-0.11	5.43E-01	-0.33	6.30E-01	-0.69	7.56E-01
TIMM9	-0.11	5.43E-01	-0.20	5.81E-01	-0.51	6.94E-01
DOCK7	-0.11	5.43E-01	1.16	1.22E-01	-0.52	7.00E-01

CLCN1	-0.11	5.43E-01	0.29	3.85E-01	-0.73	7.68E-01
C1QA	-0.11	5.43E-01	1.84	3.29E-02	0.44	3.29E-01
RNF217	-0.11	5.43E-01	0.28	3.88E-01	-0.45	6.72E-01
GINM1	-0.11	5.43E-01	-0.97	8.33E-01	-0.06	5.25E-01
RAB10	-0.11	5.43E-01	0.65	2.58E-01	-0.32	6.26E-01
PCDHGB7	-0.11	5.43E-01	1.12	1.32E-01	-0.52	6.98E-01
SYNPO2	-0.11	5.43E-01	0.42	3.38E-01	0.44	3.28E-01
TCFL5	-0.11	5.43E-01	-0.43	6.67E-01	0.00	5.01E-01
TUBA4A	-0.11	5.43E-01	-1.02	8.47E-01	-0.17	5.68E-01
DPM1	-0.11	5.43E-01	0.43	3.33E-01	-0.35	6.37E-01
SDR42E1	-0.11	5.43E-01	-0.26	6.02E-01	1.45	7.30E-02
POLR3A	-0.11	5.43E-01	-0.10	5.39E-01	-0.68	7.52E-01
WARS	-0.11	5.43E-01	0.36	3.61E-01	-2.27	9.88E-01
FAM189A1	-0.11	5.44E-01	0.16	4.37E-01	0.48	3.17E-01
ABCB10	-0.11	5.44E-01	-1.11	8.66E-01	0.34	3.67E-01
MICALL2	-0.11	5.44E-01	0.62	2.69E-01	1.54	6.17E-02
APAF1	-0.11	5.44E-01	0.84	2.01E-01	-1.65	9.50E-01
PDPN	-0.11	5.44E-01	0.11	4.55E-01	-1.61	9.47E-01
MEGF6	-0.11	5.44E-01	-0.67	7.48E-01	-0.13	5.53E-01
CYLD	-0.11	5.44E-01	1.42	7.83E-02	-0.93	8.24E-01
DPH6	-0.11	5.44E-01	-1.17	8.80E-01	0.41	3.40E-01
AC027763.2	-0.11	5.44E-01	0.65	2.59E-01	-2.08	9.81E-01
IL6	-0.11	5.44E-01	-1.68	9.54E-01	1.18	1.20E-01
MYOZ2	-0.11	5.44E-01	-0.43	6.67E-01	-0.60	7.26E-01
HPS6	-0.11	5.44E-01	-0.04	5.15E-01	-1.45	9.26E-01
APOC1	-0.11	5.44E-01	-0.10	5.39E-01	0.10	4.59E-01
NT5C1B-RDH14	-0.11	5.44E-01	0.26	3.96E-01	-0.60	7.27E-01
NT5C1B	-0.11	5.44E-01	0.26	3.96E-01	-0.60	7.27E-01
REXO1	-0.11	5.44E-01	0.96	1.69E-01	-0.55	7.10E-01
TOMM20	-0.11	5.44E-01	-0.14	5.57E-01	-0.41	6.57E-01
DAP	-0.11	5.44E-01	-0.78	7.82E-01	-0.15	5.61E-01

STAT3	-0.11	5.45E-01	0.71	2.39E-01	-1.07	8.57E-01
C6orf226	-0.11	5.45E-01	0.03	4.87E-01	-0.07	5.27E-01
TAT	-0.11	5.45E-01	-0.22	5.88E-01	0.96	1.69E-01
C20orf62	-0.11	5.45E-01	-0.71	7.61E-01	1.26	1.04E-01
EBLN1	-0.11	5.45E-01	-0.96	8.30E-01	0.07	4.73E-01
PON3	-0.11	5.45E-01	-0.51	6.95E-01	-0.25	5.98E-01
RGS20	-0.11	5.45E-01	0.25	4.00E-01	-1.23	8.92E-01
SERPINA9	-0.11	5.45E-01	0.76	2.22E-01	-2.27	9.88E-01
GOLGA5	-0.11	5.45E-01	0.42	3.37E-01	-1.48	9.30E-01
FAM114A2	-0.11	5.45E-01	0.94	1.74E-01	-0.59	7.22E-01
SLC25A23	-0.11	5.45E-01	-1.95	9.74E-01	0.49	3.13E-01
IKBIP	-0.11	5.45E-01	1.24	1.07E-01	-1.31	9.05E-01
CCDC50	-0.11	5.45E-01	-1.50	9.33E-01	0.43	3.35E-01
AUNIP	-0.11	5.45E-01	-0.72	7.65E-01	-0.17	5.68E-01
USP25	-0.11	5.45E-01	0.72	2.37E-01	-0.95	8.29E-01
PSMD5	-0.11	5.45E-01	-0.32	6.25E-01	0.11	4.55E-01
LRRCC1	-0.11	5.45E-01	-0.47	6.82E-01	-0.64	7.37E-01
ZNF133	-0.11	5.45E-01	-0.31	6.23E-01	-1.06	8.56E-01
PCDHGA10	-0.11	5.45E-01	1.09	1.37E-01	-0.53	7.03E-01
FAM60A	-0.11	5.45E-01	-1.22	8.88E-01	0.17	4.34E-01
MAML1	-0.11	5.45E-01	-0.07	5.26E-01	-1.53	9.37E-01
CFLAR	-0.11	5.46E-01	0.55	2.91E-01	-0.67	7.48E-01
GJB3	-0.11	5.46E-01	0.70	2.43E-01	-1.10	8.65E-01
GSTM5	-0.12	5.46E-01	0.17	4.34E-01	-0.59	7.23E-01
HNRNPF	-0.12	5.46E-01	0.56	2.89E-01	1.82	3.41E-02
LDB3	-0.12	5.46E-01	0.46	3.23E-01	-1.51	9.34E-01
SLC25A2	-0.12	5.46E-01	-0.28	6.11E-01	-0.65	7.42E-01
TAF5	-0.12	5.46E-01	-0.60	7.27E-01	-0.10	5.41E-01
MACF1	-0.12	5.46E-01	0.65	2.57E-01	-1.54	9.38E-01
AFP	-0.12	5.46E-01	0.07	4.70E-01	-0.60	7.25E-01
MARK4	-0.12	5.46E-01	-1.53	9.37E-01	1.30	9.71E-02

PCDHGA11	-0.12	5.47E-01	1.14	1.28E-01	-0.53	7.02E-01
GOLGB1	-0.12	5.47E-01	0.70	2.42E-01	-1.41	9.21E-01
ZBTB8A	-0.12	5.47E-01	-0.06	5.24E-01	-1.07	8.57E-01
MYL9	-0.12	5.47E-01	0.57	2.84E-01	-0.22	5.89E-01
OR51F1	-0.12	5.47E-01	0.41	3.41E-01	-1.12	8.68E-01
RBBP9	-0.12	5.47E-01	-0.37	6.43E-01	1.28	9.95E-02
DDX21	-0.12	5.47E-01	-1.30	9.04E-01	0.20	4.19E-01
C4orf3	-0.12	5.47E-01	-0.99	8.38E-01	-0.61	7.30E-01
UBXN10	-0.12	5.47E-01	0.86	1.95E-01	-0.27	6.08E-01
PHIP	-0.12	5.47E-01	0.50	3.07E-01	-1.12	8.70E-01
HMGCS2	-0.12	5.47E-01	-0.35	6.38E-01	-1.24	8.93E-01
LMF2	-0.12	5.47E-01	0.23	4.10E-01	-0.35	6.37E-01
KMT2D	-0.12	5.47E-01	-0.50	6.91E-01	-0.20	5.79E-01
ARL9	-0.12	5.47E-01	0.25	4.00E-01	0.45	3.26E-01
WIPF1	-0.12	5.47E-01	-0.51	6.94E-01	0.63	2.66E-01
ESRRA	-0.12	5.47E-01	-0.30	6.19E-01	1.00	1.59E-01
SHPK	-0.12	5.47E-01	1.45	7.34E-02	-0.22	5.86E-01
MRPL42	-0.12	5.47E-01	-0.13	5.51E-01	0.93	1.75E-01
SLC39A3	-0.12	5.47E-01	-0.09	5.34E-01	0.08	4.68E-01
RBM14	-0.12	5.47E-01	0.14	4.45E-01	-2.07	9.81E-01
RDH10	-0.12	5.47E-01	-0.68	7.51E-01	0.14	4.43E-01
SLC39A6	-0.12	5.47E-01	0.21	4.15E-01	1.79	3.67E-02
MASP2	-0.12	5.47E-01	0.53	2.97E-01	-0.06	5.25E-01
ESRP2	-0.12	5.47E-01	-0.40	6.55E-01	1.61	5.41E-02
OSBPL10	-0.12	5.48E-01	-0.66	7.44E-01	1.16	1.24E-01
BAK1	-0.12	5.48E-01	0.36	3.58E-01	-0.05	5.19E-01
COL6A1	-0.12	5.48E-01	-0.30	6.16E-01	0.28	3.90E-01
KIRREL	-0.12	5.48E-01	0.33	3.72E-01	-1.16	8.76E-01
FAM221B	-0.12	5.48E-01	0.20	4.20E-01	-0.35	6.37E-01
RCC2	-0.12	5.48E-01	0.15	4.39E-01	-0.76	7.76E-01
BTC	-0.12	5.48E-01	0.85	1.98E-01	-0.28	6.10E-01



ZNF813	-0.12	5.48E-01	-1.01	8.44E-01	-0.53	7.03E-01
NDUFC2-KCTD14	-0.12	5.48E-01	-0.93	8.25E-01	-0.40	6.54E-01
SLC30A8	-0.12	5.48E-01	-0.37	6.43E-01	0.91	1.81E-01
KLF17	-0.12	5.48E-01	-2.10	9.82E-01	0.36	3.60E-01
ORMDL1	-0.12	5.48E-01	0.18	4.29E-01	0.65	2.59E-01
TRIM52	-0.12	5.48E-01	0.62	2.67E-01	0.22	4.11E-01
ZNF124	-0.12	5.48E-01	0.16	4.35E-01	-1.37	9.15E-01
MFAP3L	-0.12	5.48E-01	0.38	3.53E-01	-1.58	9.43E-01
AQP8	-0.12	5.48E-01	1.45	7.42E-02	0.08	4.68E-01
SAMD11	-0.12	5.48E-01	1.50	6.62E-02	-0.50	6.90E-01
VPS4A	-0.12	5.48E-01	-0.45	6.74E-01	2.04	2.09E-02
RP11-796G6.2	-0.12	5.48E-01	-0.65	7.42E-01	0.86	1.95E-01
UQCC2	-0.12	5.48E-01	-0.02	5.10E-01	-0.80	7.90E-01
DBR1	-0.12	5.48E-01	-0.98	8.37E-01	0.51	3.05E-01
PRKAR1A	-0.12	5.49E-01	0.89	1.86E-01	-0.82	7.93E-01
TTC29	-0.12	5.49E-01	0.13	4.48E-01	-1.32	9.07E-01
PRDM8	-0.12	5.49E-01	0.12	4.51E-01	0.53	2.98E-01
ZNF791	-0.12	5.49E-01	0.43	3.34E-01	-0.65	7.42E-01
EIF2S1	-0.12	5.49E-01	0.49	3.13E-01	-0.02	5.07E-01
PCDHGA1	-0.12	5.49E-01	0.47	3.18E-01	0.58	2.82E-01
HSD17B1	-0.12	5.49E-01	-1.03	8.48E-01	-0.59	7.24E-01
PITPNA	-0.12	5.49E-01	1.47	7.11E-02	-0.96	8.32E-01
AXDND1	-0.12	5.49E-01	0.03	4.88E-01	1.01	1.57E-01
SLC13A3	-0.12	5.49E-01	-0.47	6.80E-01	-0.71	7.62E-01
UROC1	-0.12	5.49E-01	0.45	3.27E-01	0.95	1.71E-01
C6orf99	-0.12	5.49E-01	-0.28	6.10E-01	0.24	4.04E-01
RB1	-0.12	5.49E-01	-0.72	7.64E-01	0.67	2.50E-01
ANKRA2	-0.12	5.49E-01	-0.26	6.02E-01	-0.79	7.84E-01
IMPDH1	-0.12	5.50E-01	-0.21	5.82E-01	-0.26	6.01E-01
SLC39A5	-0.12	5.50E-01	0.72	2.37E-01	1.50	6.74E-02
CNTNAP5	-0.13	5.50E-01	-0.22	5.86E-01	-1.22	8.89E-01

TRMT61B	-0.13	5.50E-01	1.61	5.35E-02	0.02	4.90E-01
XPC	-0.13	5.50E-01	-0.72	7.64E-01	-0.36	6.41E-01
LGSN	-0.13	5.50E-01	-1.31	9.05E-01	0.99	1.60E-01
SULT2A1	-0.13	5.50E-01	0.28	3.90E-01	-0.05	5.20E-01
ZNF695	-0.13	5.50E-01	-0.63	7.37E-01	-0.39	6.52E-01
PRSS36	-0.13	5.51E-01	0.80	2.11E-01	0.18	4.29E-01
CCDC96	-0.13	5.51E-01	-1.06	8.57E-01	-0.13	5.50E-01
TMCO4	-0.13	5.51E-01	-0.79	7.84E-01	-0.43	6.68E-01
DDIT4	-0.13	5.51E-01	0.96	1.69E-01	-1.04	8.50E-01
DHODH	-0.13	5.51E-01	0.19	4.24E-01	0.32	3.73E-01
CERS6	-0.13	5.51E-01	0.73	2.33E-01	1.40	8.02E-02
CFHR4	-0.13	5.51E-01	2.18	1.47E-02	1.38	8.43E-02
XIRP2	-0.13	5.51E-01	-0.55	7.08E-01	-0.87	8.08E-01
C1orf74	-0.13	5.51E-01	-2.37	9.91E-01	0.52	3.02E-01
PPP1R1C	-0.13	5.51E-01	-0.16	5.64E-01	-0.35	6.37E-01
SYNE2	-0.13	5.51E-01	1.15	1.25E-01	1.18	1.20E-01
OAS1	-0.13	5.51E-01	-0.74	7.69E-01	0.62	2.68E-01
IL4	-0.13	5.51E-01	2.26	1.20E-02	1.31	9.57E-02
ZNF625	-0.13	5.51E-01	0.01	4.96E-01	-0.21	5.84E-01
PCDHGB2	-0.13	5.51E-01	0.70	2.42E-01	0.39	3.47E-01
ANKIB1	-0.13	5.51E-01	-0.38	6.49E-01	0.20	4.20E-01
ZNF587B	-0.13	5.51E-01	0.04	4.85E-01	-1.34	9.10E-01
MED24	-0.13	5.51E-01	-0.58	7.20E-01	-0.40	6.56E-01
DCLK3	-0.13	5.51E-01	-0.83	7.96E-01	-0.06	5.25E-01
ZNF8	-0.13	5.51E-01	-0.69	7.54E-01	-0.18	5.73E-01
ZNF8	-0.13	5.51E-01	-0.69	7.54E-01	-0.18	5.73E-01
GYS1	-0.13	5.51E-01	-1.11	8.68E-01	0.22	4.13E-01
KRTAP4-8	-0.13	5.52E-01	0.52	3.01E-01	-0.65	7.44E-01
CST9L	-0.13	5.52E-01	0.85	1.97E-01	-0.26	6.01E-01
TMEM206	-0.13	5.52E-01	0.76	2.24E-01	1.90	2.87E-02
GNG12	-0.13	5.52E-01	-1.15	8.75E-01	0.73	2.31E-01

C17orf75	-0.13	5.52E-01	1.42	7.80E-02	-0.43	6.67E-01
RNF111	-0.13	5.52E-01	0.44	3.30E-01	-1.58	9.42E-01
ZNF407	-0.13	5.52E-01	0.67	2.53E-01	-1.01	8.43E-01
TYK2	-0.13	5.52E-01	-0.60	7.27E-01	0.66	2.55E-01
CLEC17A	-0.13	5.52E-01	-0.47	6.82E-01	1.79	3.66E-02
43346	-0.13	5.52E-01	0.05	4.82E-01	-1.29	9.01E-01
PCDHGC5	-0.13	5.52E-01	1.05	1.46E-01	-1.34	9.10E-01
SALL4	-0.13	5.52E-01	0.81	2.08E-01	-1.07	8.58E-01
ZNF175	-0.13	5.52E-01	-0.82	7.94E-01	-0.72	7.65E-01
PITHD1	-0.13	5.52E-01	-0.85	8.03E-01	0.65	2.59E-01
SPINK2	-0.13	5.52E-01	-0.25	6.00E-01	-0.44	6.70E-01
CACNA1I	-0.13	5.52E-01	-0.71	7.61E-01	0.27	3.94E-01
SAMD13	-0.13	5.52E-01	-1.33	9.08E-01	0.31	3.77E-01
ZNF507	-0.13	5.52E-01	1.54	6.15E-02	-0.40	6.57E-01
PIGR	-0.13	5.52E-01	0.95	1.70E-01	1.27	1.02E-01
THADA	-0.13	5.53E-01	-0.68	7.52E-01	-0.25	5.99E-01
SPHK2	-0.13	5.53E-01	-1.19	8.84E-01	-0.18	5.70E-01
TSHZ2	-0.13	5.53E-01	-0.48	6.83E-01	0.74	2.31E-01
CS	-0.13	5.53E-01	0.19	4.23E-01	1.64	5.07E-02
SORD	-0.13	5.53E-01	1.51	6.59E-02	-0.47	6.80E-01
ZDHHC18	-0.13	5.53E-01	-0.63	7.36E-01	1.94	2.64E-02
PIGC	-0.13	5.53E-01	-0.90	8.17E-01	1.00	1.58E-01
ADAM8	-0.13	5.53E-01	-0.46	6.76E-01	0.53	2.99E-01
GPD1	-0.13	5.53E-01	-1.97	9.76E-01	0.46	3.23E-01
IGDCC4	-0.13	5.53E-01	1.07	1.42E-01	1.15	1.25E-01
PCDHGC4	-0.13	5.53E-01	1.22	1.11E-01	-1.28	8.99E-01
FAM126B	-0.13	5.53E-01	-0.32	6.25E-01	-1.11	8.67E-01
MAT2B	-0.13	5.53E-01	-0.56	7.11E-01	-1.01	8.43E-01
RANBP3L	-0.13	5.53E-01	-1.16	8.77E-01	-0.27	6.08E-01
KCNJ8	-0.13	5.54E-01	-0.11	5.44E-01	0.22	4.14E-01
MAPK4	-0.13	5.54E-01	-0.17	5.69E-01	-0.23	5.91E-01

BCL11A	-0.14	5.54E-01	-0.81	7.91E-01	2.43	7.48E-03
ZNF517	-0.14	5.54E-01	0.14	4.43E-01	-0.94	8.25E-01
MYLK3	-0.14	5.54E-01	0.20	4.21E-01	-0.28	6.11E-01
FN3K	-0.14	5.54E-01	-0.26	6.03E-01	-0.60	7.25E-01
RAB27A	-0.14	5.54E-01	0.07	4.71E-01	-0.72	7.65E-01
AL360004.1	-0.14	5.54E-01	-0.92	8.21E-01	0.33	3.72E-01
GPX1	-0.14	5.54E-01	-0.37	6.43E-01	1.04	1.50E-01
BARX1	-0.14	5.54E-01	0.60	2.73E-01	-0.55	7.10E-01
RTEL1	-0.14	5.54E-01	0.75	2.26E-01	0.26	3.96E-01
NLRP3	-0.14	5.54E-01	-0.07	5.29E-01	-1.47	9.29E-01
SFTA3	-0.14	5.55E-01	0.05	4.80E-01	0.43	3.32E-01
AL450307.1	-0.14	5.55E-01	-0.70	7.58E-01	0.22	4.14E-01
GYG1	-0.14	5.55E-01	-1.28	9.00E-01	0.35	3.64E-01
KIAA1614	-0.14	5.55E-01	0.06	4.76E-01	0.11	4.57E-01
DFNB59	-0.14	5.55E-01	0.13	4.49E-01	0.15	4.40E-01
RNF149	-0.14	5.55E-01	-0.92	8.21E-01	0.54	2.95E-01
FOXF1	-0.14	5.55E-01	-0.42	6.63E-01	-0.14	5.54E-01
LECT1	-0.14	5.55E-01	0.21	4.18E-01	-0.08	5.32E-01
SSR1	-0.14	5.55E-01	-0.65	7.43E-01	-0.48	6.83E-01
ZUFSP	-0.14	5.55E-01	0.16	4.36E-01	-0.63	7.35E-01
OR2AG2	-0.14	5.55E-01	-0.46	6.77E-01	-0.98	8.36E-01
LTC4S	-0.14	5.55E-01	-0.43	6.66E-01	-1.06	8.54E-01
TCF24	-0.14	5.55E-01	-0.23	5.89E-01	-0.44	6.69E-01
AVL9	-0.14	5.55E-01	-0.70	7.59E-01	-0.70	7.58E-01
OR10K2	-0.14	5.55E-01	1.23	1.09E-01	0.44	3.30E-01
VIPR2	-0.14	5.55E-01	-0.47	6.80E-01	-1.26	8.96E-01
ESRP1	-0.14	5.55E-01	-1.32	9.06E-01	-0.11	5.42E-01
HTR3C	-0.14	5.55E-01	-0.37	6.43E-01	-0.55	7.07E-01
MAP3K7CL	-0.14	5.55E-01	-0.17	5.69E-01	-1.54	9.38E-01
HMCES	-0.14	5.55E-01	-0.08	5.34E-01	1.25	1.05E-01
TMEM80	-0.14	5.55E-01	-0.08	5.34E-01	-0.48	6.84E-01

KDM4D	-0.14	5.55E-01	0.90	1.84E-01	1.11	1.34E-01
NAPB	-0.14	5.55E-01	0.14	4.44E-01	-1.72	9.57E-01
PARD6B	-0.14	5.56E-01	-0.04	5.16E-01	0.44	3.28E-01
TP53I13	-0.14	5.56E-01	-0.78	7.83E-01	1.40	8.12E-02
DEFB128	-0.14	5.56E-01	-0.60	7.26E-01	-0.38	6.49E-01
CAPZB	-0.14	5.56E-01	1.04	1.48E-01	1.94	2.62E-02
KCNC3	-0.14	5.56E-01	-0.45	6.74E-01	-0.28	6.12E-01
NUTM2G	-0.14	5.56E-01	-0.53	7.02E-01	-0.48	6.83E-01
TMEM8B	-0.14	5.56E-01	0.01	4.96E-01	-0.46	6.78E-01
C16orf54	-0.14	5.56E-01	1.06	1.45E-01	0.16	4.36E-01
DOCK5	-0.14	5.56E-01	0.18	4.30E-01	0.90	1.84E-01
ASH2L	-0.14	5.56E-01	-1.12	8.69E-01	-0.15	5.60E-01
TVP23B	-0.14	5.56E-01	-0.82	7.95E-01	-0.36	6.42E-01
GLYATL3	-0.14	5.56E-01	-0.18	5.73E-01	-0.35	6.38E-01
COMT	-0.14	5.56E-01	-0.92	8.22E-01	-0.35	6.35E-01
CLPSL2	-0.14	5.56E-01	1.33	9.13E-02	-0.69	7.55E-01
MAPK1	-0.14	5.56E-01	-0.21	5.83E-01	1.46	7.25E-02
FFAR4	-0.14	5.57E-01	-0.99	8.40E-01	1.29	9.84E-02
PCDHGA5	-0.14	5.57E-01	0.72	2.37E-01	0.34	3.69E-01
ZC2HC1C	-0.14	5.57E-01	0.55	2.92E-01	-0.87	8.08E-01
CX3CR1	-0.14	5.57E-01	0.53	2.98E-01	-2.22	9.87E-01
PCDHB14	-0.14	5.57E-01	-0.63	7.34E-01	-0.65	7.43E-01
IFNL2	-0.14	5.57E-01	-0.51	6.94E-01	-0.12	5.50E-01
RHOBTB3	-0.14	5.57E-01	-1.02	8.46E-01	-0.18	5.70E-01
KLF15	-0.14	5.57E-01	0.68	2.49E-01	-0.25	5.98E-01
RBM20	-0.14	5.57E-01	-0.85	8.04E-01	-0.48	6.86E-01
CASP14	-0.14	5.57E-01	-0.68	7.51E-01	-0.11	5.45E-01
STRADA	-0.14	5.57E-01	-0.64	7.40E-01	-0.90	8.17E-01
HINT1	-0.14	5.57E-01	-0.02	5.09E-01	-1.16	8.77E-01
KIF14	-0.14	5.57E-01	-0.19	5.77E-01	-0.48	6.83E-01
CAMKMT	-0.14	5.57E-01	-0.80	7.88E-01	0.49	3.11E-01

ATG2B	-0.14	5.57E-01	-0.20	5.77E-01	0.49	3.13E-01
PSMC5	-0.14	5.57E-01	-0.70	7.57E-01	-0.18	5.70E-01
HTR6	-0.14	5.57E-01	-0.18	5.71E-01	0.27	3.95E-01
C11orf44	-0.14	5.57E-01	-0.52	7.00E-01	-0.50	6.90E-01
TSPYL5	-0.14	5.57E-01	-0.52	6.97E-01	1.62	5.31E-02
ZFYVE20	-0.14	5.58E-01	-0.51	6.96E-01	-0.57	7.16E-01
WFDC12	-0.14	5.58E-01	-0.31	6.22E-01	-1.06	8.56E-01
ARPC5L	-0.15	5.58E-01	-0.37	6.44E-01	0.06	4.78E-01
MYO5B	-0.15	5.58E-01	0.88	1.89E-01	-2.20	9.86E-01
CDC42	-0.15	5.58E-01	-0.54	7.07E-01	-0.83	7.95E-01
OR52W1	-0.15	5.58E-01	-0.80	7.89E-01	-0.12	5.47E-01
C15orf41	-0.15	5.58E-01	0.21	4.16E-01	-1.15	8.76E-01
NUP54	-0.15	5.58E-01	0.25	4.00E-01	-0.87	8.09E-01
TRIM71	-0.15	5.58E-01	-0.61	7.30E-01	0.48	3.17E-01
FCRL4	-0.15	5.58E-01	0.56	2.87E-01	-0.41	6.59E-01
PRRG2	-0.15	5.58E-01	-0.94	8.27E-01	0.37	3.55E-01
FAM110D	-0.15	5.58E-01	-1.09	8.62E-01	-0.27	6.05E-01
ATAD3B	-0.15	5.58E-01	-0.17	5.68E-01	-1.36	9.13E-01
MPPED2	-0.15	5.58E-01	-0.05	5.18E-01	-1.10	8.64E-01
CKLF-CMTM1	-0.15	5.58E-01	-0.90	8.15E-01	0.51	3.04E-01
NDUFA6	-0.15	5.58E-01	0.87	1.91E-01	-1.41	9.20E-01
C1orf234	-0.15	5.58E-01	1.52	6.43E-02	1.31	9.50E-02
USO1	-0.15	5.58E-01	0.78	2.19E-01	2.02	2.19E-02
OR52M1	-0.15	5.58E-01	-0.94	8.25E-01	1.36	8.68E-02
PHF10	-0.15	5.58E-01	-0.59	7.22E-01	-0.03	5.12E-01
ADAMTS3	-0.15	5.58E-01	-0.03	5.11E-01	-0.14	5.56E-01
ZNF805	-0.15	5.58E-01	0.80	2.12E-01	-1.60	9.45E-01
CD34	-0.15	5.59E-01	-1.17	8.78E-01	0.50	3.07E-01
ADIPOR2	-0.15	5.59E-01	-0.05	5.19E-01	-0.36	6.41E-01
PGBD5	-0.15	5.59E-01	-0.16	5.63E-01	0.58	2.81E-01
ACYP1	-0.15	5.59E-01	0.59	2.78E-01	-0.79	7.85E-01

GLCCI1	-0.15	5.59E-01	0.89	1.86E-01	-0.65	7.42E-01
AGPAT2	-0.15	5.59E-01	-0.78	7.84E-01	0.94	1.74E-01
SURF6	-0.15	5.59E-01	0.45	3.28E-01	-0.18	5.72E-01
AASDH	-0.15	5.59E-01	0.58	2.82E-01	-0.74	7.71E-01
CLUH	-0.15	5.59E-01	0.70	2.41E-01	-1.14	8.74E-01
TMEM54	-0.15	5.59E-01	0.97	1.66E-01	1.65	4.92E-02
MGAT5	-0.15	5.59E-01	-0.36	6.39E-01	0.73	2.33E-01
PDCD11	-0.15	5.59E-01	0.27	3.95E-01	0.10	4.62E-01
FBXO32	-0.15	5.59E-01	-0.21	5.84E-01	0.32	3.75E-01
SRGN	-0.15	5.59E-01	0.86	1.95E-01	-1.17	8.79E-01
PCDHGB3	-0.15	5.59E-01	0.75	2.28E-01	0.24	4.04E-01
C10orf95	-0.15	5.59E-01	-0.05	5.20E-01	-0.84	7.98E-01
SHQ1	-0.15	5.59E-01	0.36	3.58E-01	-1.27	8.97E-01
FFAR2	-0.15	5.59E-01	0.93	1.76E-01	-0.64	7.40E-01
C1orf94	-0.15	5.59E-01	-0.34	6.34E-01	0.17	4.33E-01
ZNF750	-0.15	5.59E-01	-0.96	8.31E-01	0.39	3.47E-01
TSC22D4	-0.15	5.59E-01	-0.22	5.88E-01	-0.87	8.07E-01
EP300	-0.15	5.60E-01	0.33	3.70E-01	-1.42	9.23E-01
ZBTB40	-0.15	5.60E-01	-0.63	7.37E-01	-0.33	6.28E-01
TIPARP	-0.15	5.60E-01	1.71	4.41E-02	-0.23	5.90E-01
MICALCL	-0.15	5.60E-01	-1.08	8.59E-01	0.20	4.19E-01
SCGB1D4	-0.15	5.60E-01	-0.18	5.73E-01	-0.56	7.11E-01
AHR	-0.15	5.60E-01	0.11	4.56E-01	-1.01	8.44E-01
TPRKB	-0.15	5.60E-01	-0.16	5.64E-01	-1.27	8.98E-01
PCDHB8	-0.15	5.60E-01	-0.35	6.36E-01	-1.08	8.60E-01
ZNF430	-0.15	5.60E-01	-0.74	7.71E-01	-0.04	5.15E-01
GRHL3	-0.15	5.60E-01	-0.57	7.15E-01	-0.51	6.94E-01
PCDHB15	-0.15	5.60E-01	0.04	4.85E-01	-0.08	5.31E-01
LRR61	-0.15	5.60E-01	-0.95	8.28E-01	0.47	3.18E-01
USP10	-0.15	5.60E-01	-0.03	5.13E-01	1.09	1.39E-01
HOXB8	-0.15	5.60E-01	-0.49	6.87E-01	-0.72	7.65E-01

HSD17B6	-0.15	5.61E-01	0.61	2.71E-01	-1.85	9.68E-01
ZNF114	-0.15	5.61E-01	-1.20	8.85E-01	-0.29	6.13E-01
RAB23	-0.15	5.61E-01	0.06	4.74E-01	-1.40	9.19E-01
STT3B	-0.15	5.61E-01	-0.59	7.23E-01	1.21	1.14E-01
ZBTB41	-0.15	5.61E-01	-0.81	7.92E-01	-0.42	6.63E-01
MMP1	-0.15	5.61E-01	-0.40	6.54E-01	0.71	2.40E-01
NABP1	-0.15	5.61E-01	0.54	2.96E-01	-0.18	5.72E-01
STOML1	-0.15	5.61E-01	-0.92	8.20E-01	-0.51	6.95E-01
NUP35	-0.15	5.61E-01	0.38	3.51E-01	-0.83	7.98E-01
MTHFD2L	-0.15	5.61E-01	-0.25	5.99E-01	-0.53	7.03E-01
IFFO1	-0.15	5.61E-01	-0.25	5.97E-01	-0.72	7.63E-01
NXT1	-0.15	5.61E-01	0.01	4.96E-01	-1.04	8.50E-01
ADD2	-0.15	5.61E-01	0.88	1.90E-01	0.65	2.59E-01
ITGB5	-0.15	5.61E-01	-0.96	8.30E-01	-0.18	5.72E-01
NFKBIE	-0.15	5.61E-01	0.22	4.14E-01	-1.10	8.63E-01
GOT2	-0.15	5.61E-01	0.13	4.49E-01	-0.32	6.27E-01
DPT	-0.15	5.61E-01	-0.82	7.95E-01	0.79	2.16E-01
STAM	-0.15	5.61E-01	0.25	4.00E-01	-1.02	8.46E-01
ARPP21	-0.15	5.62E-01	-0.26	6.02E-01	0.92	1.79E-01
AIMP2	-0.15	5.62E-01	-1.46	9.28E-01	0.85	1.98E-01
RGR	-0.15	5.62E-01	-0.39	6.52E-01	-0.10	5.41E-01
CCDC86	-0.15	5.62E-01	0.56	2.87E-01	0.22	4.13E-01
GABRB1	-0.16	5.62E-01	-0.42	6.64E-01	-0.13	5.50E-01
ADRBK1	-0.16	5.62E-01	0.95	1.71E-01	0.08	4.68E-01
H1FO	-0.16	5.62E-01	-0.03	5.10E-01	-1.47	9.29E-01
SYT10	-0.16	5.62E-01	-0.03	5.11E-01	0.85	1.98E-01
PRR9	-0.16	5.62E-01	-1.35	9.11E-01	-0.13	5.52E-01
GMIP	-0.16	5.62E-01	-0.06	5.26E-01	-0.99	8.39E-01
PCDHGA7	-0.16	5.62E-01	0.90	1.84E-01	0.04	4.86E-01
SLAMF9	-0.16	5.62E-01	-2.17	9.85E-01	0.55	2.90E-01
ZNF705A	-0.16	5.62E-01	-1.14	8.73E-01	0.82	2.06E-01



AC129492.6	-0.16	5.62E-01	-0.10	5.40E-01	0.12	4.52E-01
SGK223	-0.16	5.62E-01	-0.06	5.25E-01	-0.66	7.45E-01
CABLES2	-0.16	5.62E-01	0.72	2.36E-01	0.67	2.52E-01
MYO10	-0.16	5.62E-01	0.86	1.94E-01	-1.55	9.39E-01
OR51V1	-0.16	5.62E-01	0.38	3.51E-01	-0.75	7.72E-01
SCYL3	-0.16	5.62E-01	1.45	7.32E-02	1.28	1.01E-01
NDUFB1	-0.16	5.62E-01	-0.23	5.91E-01	-0.14	5.55E-01
C20orf27	-0.16	5.62E-01	0.74	2.28E-01	-1.03	8.48E-01
F2RL2	-0.16	5.62E-01	-0.37	6.45E-01	0.36	3.60E-01
ZNF480	-0.16	5.62E-01	-0.42	6.62E-01	0.61	2.71E-01
SEMA3D	-0.16	5.62E-01	-1.46	9.28E-01	0.40	3.45E-01
LONRF1	-0.16	5.62E-01	0.50	3.07E-01	-0.17	5.69E-01
CHRAC1	-0.16	5.62E-01	0.58	2.80E-01	-0.29	6.14E-01
PIF1	-0.16	5.63E-01	-0.27	6.07E-01	-0.52	6.98E-01
TGIF2	-0.16	5.63E-01	-0.07	5.28E-01	-0.64	7.40E-01
CNTN6	-0.16	5.63E-01	0.42	3.37E-01	0.13	4.47E-01
MALL	-0.16	5.63E-01	0.34	3.67E-01	-1.92	9.73E-01
CAMP	-0.16	5.63E-01	-0.07	5.28E-01	-1.68	9.54E-01
APOA1BP	-0.16	5.63E-01	0.14	4.44E-01	1.45	7.38E-02
FIGLA	-0.16	5.63E-01	-0.48	6.84E-01	-0.20	5.81E-01
LRRRC71	-0.16	5.63E-01	-0.56	7.13E-01	-0.33	6.28E-01
MTNR1A	-0.16	5.63E-01	-0.82	7.94E-01	0.42	3.36E-01
C14orf37	-0.16	5.63E-01	1.06	1.44E-01	-0.63	7.36E-01
PCDHGA6	-0.16	5.63E-01	0.79	2.14E-01	0.20	4.19E-01
HAUS2	-0.16	5.63E-01	1.16	1.23E-01	-0.54	7.07E-01
SEZ6L	-0.16	5.63E-01	1.16	1.22E-01	-0.93	8.23E-01
SESN1	-0.16	5.63E-01	0.12	4.54E-01	-0.87	8.08E-01
MTHFSD	-0.16	5.63E-01	0.47	3.18E-01	-0.83	7.98E-01
BARHL1	-0.16	5.63E-01	-0.98	8.36E-01	-0.32	6.24E-01
ARRB1	-0.16	5.63E-01	-0.53	7.02E-01	-0.42	6.62E-01
GALNT6	-0.16	5.63E-01	-0.39	6.51E-01	-0.46	6.76E-01

SCAMP3	-0.16	5.63E-01	-0.25	5.97E-01	-0.87	8.07E-01
NELFA	-0.16	5.63E-01	0.75	2.27E-01	0.40	3.46E-01
CDC42EP5	-0.16	5.64E-01	0.09	4.65E-01	-1.21	8.86E-01
TMEM81	-0.16	5.64E-01	0.97	1.67E-01	-0.54	7.07E-01
C21orf33	-0.16	5.64E-01	-0.69	7.54E-01	-0.41	6.60E-01
ADRA2A	-0.16	5.64E-01	1.71	4.35E-02	0.00	4.99E-01
DYDC1	-0.16	5.64E-01	0.00	4.99E-01	-0.81	7.91E-01
IREB2	-0.16	5.64E-01	-0.60	7.25E-01	1.14	1.26E-01
RAB1A	-0.16	5.64E-01	-0.52	6.98E-01	0.21	4.17E-01
KCNIP2	-0.16	5.64E-01	0.29	3.86E-01	-0.75	7.73E-01
PLAT	-0.16	5.64E-01	-0.36	6.42E-01	-0.49	6.88E-01
RPP14	-0.16	5.64E-01	-0.82	7.94E-01	-0.52	6.99E-01
KIF7	-0.16	5.64E-01	0.53	2.97E-01	-1.95	9.74E-01
TBC1D13	-0.16	5.64E-01	-0.70	7.57E-01	0.24	4.03E-01
IL16	-0.16	5.64E-01	1.35	8.80E-02	-1.23	8.90E-01
TAS2R8	-0.16	5.64E-01	-1.08	8.60E-01	-0.19	5.74E-01
ANKRD35	-0.16	5.64E-01	-0.20	5.79E-01	-0.91	8.17E-01
RGS11	-0.16	5.64E-01	-0.64	7.37E-01	-0.35	6.36E-01
STAT5B	-0.16	5.64E-01	0.89	1.86E-01	-0.49	6.88E-01
WDR65	-0.16	5.64E-01	1.41	7.91E-02	-1.34	9.10E-01
NBEAL2	-0.16	5.64E-01	-0.86	8.06E-01	0.94	1.73E-01
TSC22D1	-0.16	5.64E-01	0.17	4.33E-01	-0.68	7.52E-01
FBXO42	-0.16	5.64E-01	-0.40	6.54E-01	-1.29	9.02E-01
NLRP1	-0.16	5.64E-01	-1.09	8.62E-01	0.15	4.41E-01
OR10A6	-0.16	5.65E-01	-1.26	8.95E-01	0.19	4.25E-01
EI24	-0.16	5.65E-01	0.63	2.65E-01	-1.71	9.56E-01
C20orf187	-0.16	5.65E-01	0.60	2.75E-01	0.15	4.40E-01
NAAA	-0.16	5.65E-01	-0.58	7.20E-01	-0.24	5.96E-01
ZNF852	-0.16	5.65E-01	-0.78	7.83E-01	0.23	4.09E-01
MTX3	-0.16	5.65E-01	0.26	3.98E-01	-1.44	9.26E-01
GLB1L	-0.16	5.65E-01	-0.14	5.55E-01	-0.51	6.96E-01

OR2H1	-0.16	5.65E-01	-0.69	7.55E-01	0.01	4.95E-01
DPYSL4	-0.16	5.65E-01	1.03	1.51E-01	1.75	3.98E-02
SAMD8	-0.16	5.65E-01	1.32	9.36E-02	0.82	2.05E-01
NMS	-0.16	5.65E-01	0.92	1.78E-01	-0.24	5.96E-01
ZNF268	-0.16	5.65E-01	0.27	3.95E-01	-1.05	8.53E-01
GSDMB	-0.16	5.65E-01	-0.83	7.96E-01	0.18	4.28E-01
RPL38	-0.16	5.65E-01	-0.31	6.22E-01	-0.31	6.23E-01
SAMD15	-0.16	5.65E-01	-0.87	8.08E-01	-0.29	6.15E-01
HEMGN	-0.16	5.65E-01	0.11	4.56E-01	-0.18	5.72E-01
TM9SF2	-0.16	5.65E-01	-1.09	8.63E-01	-0.23	5.92E-01
S100A5	-0.16	5.65E-01	-1.16	8.77E-01	0.24	4.05E-01
PKNOX1	-0.17	5.66E-01	-0.33	6.31E-01	0.44	3.31E-01
FGF6	-0.17	5.66E-01	-0.65	7.43E-01	-0.17	5.68E-01
GORASP1	-0.17	5.66E-01	0.00	5.01E-01	1.18	1.19E-01
TBC1D23	-0.17	5.66E-01	-2.56	9.95E-01	0.88	1.90E-01
ZMYM5	-0.17	5.66E-01	0.37	3.54E-01	-1.39	9.18E-01
NFS1	-0.17	5.66E-01	-0.67	7.50E-01	-0.67	7.50E-01
CENPE	-0.17	5.66E-01	0.66	2.54E-01	-1.99	9.77E-01
CRISPLD1	-0.17	5.66E-01	-0.62	7.33E-01	0.85	1.99E-01
LEKR1	-0.17	5.66E-01	2.09	1.83E-02	-0.42	6.64E-01
A4GNT	-0.17	5.66E-01	-0.41	6.58E-01	1.03	1.51E-01
SAMD9	-0.17	5.66E-01	0.41	3.40E-01	-1.00	8.43E-01
VTA1	-0.17	5.66E-01	-1.26	8.96E-01	0.57	2.85E-01
AQP7	-0.17	5.66E-01	1.63	5.20E-02	0.98	1.64E-01
MAK	-0.17	5.66E-01	-0.27	6.05E-01	0.81	2.10E-01
SERPINB5	-0.17	5.66E-01	0.22	4.14E-01	0.31	3.78E-01
MTA3	-0.17	5.66E-01	-1.33	9.09E-01	0.22	4.13E-01
CCDC148	-0.17	5.67E-01	0.02	4.91E-01	-1.27	8.98E-01
RIN3	-0.17	5.67E-01	0.57	2.85E-01	0.05	4.79E-01
PROK1	-0.17	5.67E-01	-0.53	7.01E-01	-0.55	7.10E-01
NUBP1	-0.17	5.67E-01	-0.05	5.21E-01	0.44	3.30E-01

CYP2A6	-0.17	5.67E-01	-0.54	7.05E-01	-0.40	6.57E-01
TGIF2-C20orf24	-0.17	5.67E-01	-0.15	5.60E-01	-0.94	8.28E-01
CLMN	-0.17	5.67E-01	1.85	3.22E-02	0.02	4.92E-01
HNRNPR	-0.17	5.67E-01	1.08	1.39E-01	0.15	4.42E-01
CHCHD10	-0.17	5.67E-01	-1.30	9.03E-01	0.86	1.95E-01
NOVA2	-0.17	5.67E-01	-0.27	6.07E-01	1.08	1.39E-01
PAK7	-0.17	5.67E-01	-1.88	9.70E-01	0.21	4.17E-01
SLC9B1	-0.17	5.67E-01	-0.48	6.86E-01	-0.23	5.92E-01
OR10G9	-0.17	5.67E-01	-0.88	8.10E-01	-0.35	6.38E-01
CSRP3	-0.17	5.67E-01	0.75	2.27E-01	0.02	4.94E-01
HOOK3	-0.17	5.67E-01	-0.88	8.10E-01	1.33	9.20E-02
MRPS15	-0.17	5.67E-01	0.12	4.51E-01	-0.17	5.67E-01
TNNT3	-0.17	5.67E-01	-0.33	6.28E-01	-0.41	6.59E-01
RTKN2	-0.17	5.67E-01	-0.16	5.65E-01	0.79	2.16E-01
ZNF101	-0.17	5.67E-01	1.08	1.40E-01	-0.95	8.29E-01
C19orf47	-0.17	5.67E-01	0.74	2.30E-01	0.24	4.03E-01
ELAVL1	-0.17	5.68E-01	0.23	4.07E-01	-1.22	8.89E-01
ITGAD	-0.17	5.68E-01	-0.99	8.38E-01	-0.34	6.33E-01
GRAMD1C	-0.17	5.68E-01	-0.11	5.42E-01	-0.02	5.07E-01
POM121	-0.17	5.68E-01	-1.31	9.05E-01	0.72	2.37E-01
DLEU7	-0.17	5.68E-01	1.08	1.40E-01	-0.88	8.11E-01
SEC22A	-0.17	5.68E-01	-0.14	5.55E-01	-0.65	7.43E-01
UBE2Q1	-0.17	5.68E-01	-0.97	8.33E-01	-0.21	5.85E-01
KCTD9	-0.17	5.68E-01	0.28	3.89E-01	-1.28	9.00E-01
ZNF92	-0.17	5.68E-01	-1.30	9.03E-01	-0.02	5.08E-01
GPR113	-0.17	5.68E-01	0.18	4.30E-01	-0.43	6.67E-01
PRR23A	-0.17	5.68E-01	-0.20	5.79E-01	-1.05	8.54E-01
ZDHHC3	-0.17	5.68E-01	-1.01	8.44E-01	0.62	2.68E-01
PCDHB17	-0.17	5.68E-01	-0.54	7.05E-01	-1.03	8.49E-01
CCDC92	-0.17	5.68E-01	-0.04	5.17E-01	0.80	2.11E-01
NTMT1	-0.17	5.68E-01	0.32	3.74E-01	-0.07	5.30E-01

DCTN3	-0.17	5.68E-01	-0.03	5.10E-01	0.58	2.82E-01
RBM12B	-0.17	5.69E-01	-0.51	6.94E-01	-1.04	8.50E-01
ZNF302	-0.17	5.69E-01	0.19	4.23E-01	-0.15	5.59E-01
PCDHGC3	-0.17	5.69E-01	1.18	1.18E-01	-1.35	9.11E-01
ZNF639	-0.17	5.69E-01	0.23	4.10E-01	-2.61	9.96E-01
ADAM12	-0.17	5.69E-01	0.08	4.66E-01	0.65	2.59E-01
SEMA6A	-0.17	5.69E-01	-0.03	5.13E-01	-0.17	5.66E-01
RYK	-0.17	5.69E-01	-1.05	8.53E-01	2.06	1.95E-02
NEK8	-0.17	5.69E-01	-0.24	5.96E-01	-0.86	8.06E-01
CEP290	-0.17	5.69E-01	0.48	3.16E-01	-0.78	7.82E-01
SLC16A9	-0.17	5.69E-01	-1.00	8.41E-01	-0.37	6.45E-01
TENC1	-0.17	5.69E-01	-0.40	6.57E-01	-0.59	7.21E-01
LRRC42	-0.17	5.69E-01	-0.04	5.17E-01	-0.08	5.30E-01
ZNF333	-0.17	5.69E-01	-0.48	6.84E-01	1.04	1.49E-01
TP53AIP1	-0.18	5.70E-01	-0.03	5.13E-01	1.64	5.08E-02
NKX6-2	-0.18	5.70E-01	-0.71	7.61E-01	0.68	2.50E-01
EIF1AD	-0.18	5.70E-01	-0.66	7.46E-01	-0.48	6.86E-01
PRB3	-0.18	5.70E-01	0.54	2.95E-01	-1.54	9.38E-01
TCP11L2	-0.18	5.70E-01	-0.53	7.02E-01	-0.41	6.59E-01
SOCS6	-0.18	5.70E-01	-1.69	9.54E-01	0.83	2.05E-01
PLCH1	-0.18	5.70E-01	1.08	1.41E-01	0.28	3.89E-01
CD109	-0.18	5.70E-01	-0.02	5.09E-01	-0.56	7.14E-01
ZNF618	-0.18	5.70E-01	0.01	4.94E-01	-0.66	7.45E-01
C6orf120	-0.18	5.70E-01	-0.10	5.39E-01	-0.11	5.43E-01
C15orf37	-0.18	5.70E-01	-1.05	8.53E-01	-0.77	7.79E-01
CAPN8	-0.18	5.70E-01	1.94	2.63E-02	-1.26	8.97E-01
CDH6	-0.18	5.70E-01	-1.01	8.45E-01	0.47	3.19E-01
PON1	-0.18	5.70E-01	-0.24	5.94E-01	-0.97	8.35E-01
TMIE	-0.18	5.71E-01	-1.10	8.65E-01	0.72	2.35E-01
GRK1	-0.18	5.71E-01	-0.20	5.81E-01	-1.22	8.88E-01
SLTM	-0.18	5.71E-01	0.27	3.95E-01	-0.76	7.77E-01

CASC4	-0.18	5.71E-01	0.21	4.18E-01	-0.32	6.25E-01
SULT4A1	-0.18	5.71E-01	0.39	3.48E-01	0.20	4.19E-01
ABRA	-0.18	5.71E-01	0.67	2.51E-01	-1.50	9.33E-01
NDUFA13	-0.18	5.71E-01	-0.90	8.17E-01	-0.63	7.37E-01
FIS1	-0.18	5.71E-01	0.82	2.06E-01	-0.29	6.13E-01
ALG1	-0.18	5.71E-01	-1.04	8.50E-01	0.78	2.17E-01
CRTC3	-0.18	5.71E-01	-0.05	5.19E-01	1.67	4.72E-02
ANKRD12	-0.18	5.71E-01	0.06	4.75E-01	0.48	3.16E-01
HAND2	-0.18	5.71E-01	-0.88	8.11E-01	0.29	3.84E-01
KPNB1	-0.18	5.71E-01	0.64	2.60E-01	1.94	2.63E-02
CKLF	-0.18	5.71E-01	-0.85	8.03E-01	0.43	3.34E-01
OR52N4	-0.18	5.71E-01	0.64	2.63E-01	1.24	1.08E-01
HMG2	-0.18	5.71E-01	-0.28	6.12E-01	-0.72	7.64E-01
FAM162A	-0.18	5.71E-01	-0.06	5.23E-01	-0.60	7.26E-01
ADNP	-0.18	5.71E-01	-0.55	7.08E-01	-0.11	5.43E-01
TSHR	-0.18	5.71E-01	-1.37	9.15E-01	1.00	1.58E-01
CCDC85C	-0.18	5.71E-01	-0.59	7.24E-01	0.13	4.47E-01
JPH2	-0.18	5.72E-01	-0.79	7.87E-01	-0.84	7.99E-01
MORN3	-0.18	5.72E-01	-0.92	8.21E-01	0.97	1.66E-01
ADRA1D	-0.18	5.72E-01	-0.39	6.50E-01	-1.06	8.56E-01
EXOSC4	-0.18	5.72E-01	0.30	3.80E-01	-1.42	9.23E-01
KRTAP4-2	-0.18	5.72E-01	0.08	4.68E-01	-1.56	9.41E-01
STRA8	-0.18	5.72E-01	-1.17	8.79E-01	0.44	3.30E-01
TYSND1	-0.18	5.72E-01	0.03	4.89E-01	0.89	1.85E-01
SEPW1	-0.18	5.72E-01	-0.09	5.37E-01	-0.41	6.60E-01
ALDOA	-0.18	5.72E-01	0.19	4.26E-01	0.18	4.29E-01
STOML3	-0.18	5.72E-01	-0.69	7.54E-01	0.01	4.95E-01
AQPEP	-0.18	5.72E-01	-0.05	5.21E-01	-0.57	7.16E-01
B3GNT8	-0.18	5.72E-01	0.33	3.70E-01	0.79	2.15E-01
DDOST	-0.18	5.72E-01	-0.69	7.56E-01	-0.16	5.63E-01
ACKR2	-0.18	5.72E-01	0.33	3.69E-01	1.58	5.73E-02

TMEM141	-0.18	5.72E-01	-1.08	8.61E-01	-0.01	5.03E-01
CYP1A1	-0.18	5.72E-01	-1.24	8.92E-01	0.37	3.56E-01
ATOX1	-0.18	5.72E-01	0.87	1.93E-01	0.78	2.17E-01
PRKD2	-0.18	5.72E-01	-0.21	5.82E-01	0.22	4.13E-01
GPRIN3	-0.18	5.72E-01	-0.63	7.37E-01	-0.71	7.61E-01
PDSS1	-0.18	5.72E-01	0.06	4.77E-01	-1.10	8.65E-01
SSTR1	-0.18	5.72E-01	-1.56	9.40E-01	0.18	4.30E-01
HOXA11	-0.18	5.72E-01	0.96	1.68E-01	-1.10	8.64E-01
KIAA0232	-0.18	5.72E-01	0.57	2.85E-01	-0.24	5.94E-01
FETUB	-0.18	5.72E-01	0.22	4.12E-01	-2.30	9.89E-01
ZNF232	-0.18	5.72E-01	-0.68	7.51E-01	0.31	3.80E-01
UBC	-0.18	5.72E-01	-0.20	5.78E-01	-0.09	5.37E-01
CABP4	-0.18	5.73E-01	0.29	3.85E-01	-0.40	6.56E-01
PPP1CB	-0.18	5.73E-01	1.30	9.63E-02	-0.43	6.67E-01
BRAT1	-0.18	5.73E-01	-0.55	7.08E-01	-0.02	5.09E-01
MTFR1L	-0.18	5.73E-01	-0.92	8.20E-01	-0.15	5.59E-01
ANGEL1	-0.18	5.73E-01	-1.36	9.13E-01	0.02	4.92E-01
SPRTN	-0.18	5.73E-01	1.10	1.36E-01	-0.02	5.09E-01
FUT4	-0.18	5.73E-01	1.20	1.15E-01	-1.23	8.90E-01
SLC52A1	-0.18	5.73E-01	1.25	1.06E-01	0.07	4.71E-01
ZNF74	-0.18	5.73E-01	-0.31	6.21E-01	-0.91	8.20E-01
ZNF595	-0.18	5.73E-01	-1.37	9.15E-01	1.19	1.17E-01
MRPL55	-0.18	5.73E-01	-0.59	7.21E-01	-0.25	5.99E-01
TSSK1B	-0.18	5.73E-01	0.13	4.48E-01	0.84	2.01E-01
ADIRF	-0.18	5.73E-01	0.09	4.62E-01	1.92	2.73E-02
ARHGAP39	-0.19	5.73E-01	1.56	5.98E-02	0.15	4.40E-01
ZNF148	-0.19	5.73E-01	1.07	1.42E-01	1.14	1.27E-01
DIRAS1	-0.19	5.74E-01	-0.44	6.71E-01	0.94	1.74E-01
NSMCE1	-0.19	5.74E-01	1.37	8.59E-02	-0.90	8.16E-01
MAPK6	-0.19	5.74E-01	-1.25	8.95E-01	1.27	1.02E-01
EDNRA	-0.19	5.74E-01	0.77	2.20E-01	-1.67	9.53E-01

RNF38	-0.19	5.74E-01	-0.76	7.75E-01	-0.44	6.71E-01
PPP2R5A	-0.19	5.74E-01	0.37	3.55E-01	1.20	1.16E-01
SLC22A5	-0.19	5.74E-01	0.09	4.65E-01	0.94	1.74E-01
EGLN3	-0.19	5.74E-01	-0.44	6.70E-01	0.21	4.17E-01
AMER3	-0.19	5.74E-01	0.96	1.67E-01	-0.52	6.99E-01
IL2	-0.19	5.74E-01	0.04	4.83E-01	-0.02	5.09E-01
PNKD	-0.19	5.74E-01	-0.82	7.94E-01	-0.57	7.14E-01
MRAS	-0.19	5.75E-01	0.37	3.55E-01	-0.44	6.71E-01
DCST2	-0.19	5.75E-01	-0.13	5.52E-01	-0.38	6.46E-01
SLC25A45	-0.19	5.75E-01	-0.38	6.50E-01	-0.41	6.61E-01
RTEL1-TNFRSF6B	-0.19	5.75E-01	0.78	2.17E-01	0.27	3.95E-01
PROP1	-0.19	5.75E-01	0.51	3.04E-01	0.36	3.61E-01
ZC2HC1A	-0.19	5.75E-01	-0.13	5.53E-01	-0.55	7.09E-01
SKOR1	-0.19	5.75E-01	1.10	1.37E-01	0.72	2.36E-01
ANKRD26	-0.19	5.75E-01	-1.86	9.69E-01	1.01	1.55E-01
OSR1	-0.19	5.75E-01	1.38	8.33E-02	0.24	4.04E-01
PPT1	-0.19	5.75E-01	0.18	4.30E-01	-1.01	8.45E-01
MOGS	-0.19	5.75E-01	-1.96	9.75E-01	0.34	3.65E-01
BBS7	-0.19	5.75E-01	-0.64	7.40E-01	0.94	1.73E-01
STAT6	-0.19	5.75E-01	0.35	3.63E-01	-0.67	7.49E-01
ADAMTS6	-0.19	5.75E-01	1.51	6.49E-02	-1.30	9.03E-01
TXLNA	-0.19	5.75E-01	-0.56	7.12E-01	-0.46	6.78E-01
ITIH5	-0.19	5.75E-01	0.28	3.90E-01	0.66	2.56E-01
RNASEH2B	-0.19	5.75E-01	1.45	7.39E-02	-1.37	9.14E-01
YTHDC1	-0.19	5.75E-01	-0.22	5.88E-01	-0.92	8.20E-01
LIX1L	-0.19	5.75E-01	0.29	3.87E-01	-0.97	8.34E-01
TAAR6	-0.19	5.76E-01	1.10	1.35E-01	-0.31	6.20E-01
STEAP1B	-0.19	5.76E-01	-0.93	8.24E-01	-0.06	5.24E-01
ZNF202	-0.19	5.76E-01	-0.71	7.61E-01	-0.43	6.65E-01
TMEM63B	-0.19	5.76E-01	1.81	3.52E-02	-0.23	5.92E-01
ERGIC1	-0.19	5.76E-01	0.26	3.99E-01	-0.54	7.05E-01



SUN3	-0.19	5.76E-01	-1.29	9.01E-01	0.91	1.81E-01
RABGAP1	-0.19	5.76E-01	0.50	3.09E-01	-2.63	9.96E-01
RNF114	-0.19	5.76E-01	-0.11	5.44E-01	-0.96	8.31E-01
KIAA1279	-0.19	5.76E-01	-1.36	9.13E-01	0.02	4.91E-01
BCAS2	-0.19	5.76E-01	-1.30	9.03E-01	-0.13	5.51E-01
TMED2	-0.19	5.76E-01	-0.53	7.01E-01	1.00	1.59E-01
PSTPIP1	-0.19	5.76E-01	0.54	2.94E-01	-0.39	6.53E-01
TMEM176B	-0.19	5.76E-01	0.20	4.22E-01	1.29	9.80E-02
RNF34	-0.19	5.76E-01	-0.44	6.68E-01	-0.66	7.45E-01
ODF1	-0.19	5.76E-01	-0.67	7.50E-01	-0.17	5.66E-01
KRTAP4-5	-0.19	5.76E-01	-0.43	6.65E-01	-0.24	5.95E-01
C20orf173	-0.19	5.76E-01	-0.29	6.16E-01	-1.20	8.85E-01
HSCB	-0.19	5.76E-01	-1.02	8.47E-01	0.44	3.32E-01
GBX2	-0.19	5.76E-01	0.25	4.02E-01	-1.11	8.67E-01
CATSPER3	-0.19	5.76E-01	0.01	4.97E-01	0.27	3.95E-01
UTP20	-0.19	5.76E-01	-0.77	7.79E-01	0.94	1.73E-01
OTOG	-0.19	5.76E-01	-0.65	7.42E-01	-1.48	9.31E-01
TMEM182	-0.19	5.76E-01	1.30	9.60E-02	0.79	2.16E-01
STRIP2	-0.19	5.76E-01	-1.80	9.64E-01	0.46	3.24E-01
KLF14	-0.19	5.77E-01	-0.27	6.06E-01	-1.47	9.29E-01
PAMR1	-0.19	5.77E-01	-0.12	5.48E-01	0.63	2.64E-01
SLC25A52	-0.19	5.77E-01	-1.26	8.95E-01	0.00	5.01E-01
KRT73	-0.19	5.77E-01	0.77	2.22E-01	-0.46	6.77E-01
C20orf24	-0.19	5.77E-01	-0.05	5.21E-01	-0.54	7.06E-01
PHLDA3	-0.19	5.77E-01	-1.42	9.22E-01	0.16	4.38E-01
P2RX6	-0.19	5.77E-01	-0.95	8.30E-01	-0.96	8.31E-01
PRELID2	-0.19	5.77E-01	0.90	1.83E-01	-0.57	7.16E-01
GKAP1	-0.19	5.77E-01	0.35	3.64E-01	2.31	1.04E-02
SUPT4H1	-0.19	5.77E-01	0.47	3.18E-01	-1.30	9.03E-01
MS4A8	-0.19	5.77E-01	-1.00	8.41E-01	-0.06	5.25E-01
RGMB	-0.19	5.77E-01	0.04	4.83E-01	0.45	3.25E-01

URI1	-0.19	5.77E-01	0.12	4.54E-01	-0.68	7.53E-01
ZNF99	-0.19	5.77E-01	-1.33	9.07E-01	0.04	4.86E-01
ARHGAP22	-0.19	5.77E-01	1.06	1.44E-01	1.41	7.99E-02
NDEL1	-0.19	5.77E-01	-0.18	5.71E-01	0.00	5.01E-01
TMEM55A	-0.20	5.77E-01	0.63	2.63E-01	-1.91	9.72E-01
CRTAM	-0.20	5.77E-01	-0.73	7.67E-01	0.06	4.76E-01
CSNK1G3	-0.20	5.77E-01	0.61	2.72E-01	-1.50	9.34E-01
TFEB	-0.20	5.77E-01	-1.12	8.70E-01	0.28	3.91E-01
OLFM1	-0.20	5.77E-01	0.66	2.54E-01	-0.37	6.43E-01
ERCC4	-0.20	5.77E-01	1.09	1.38E-01	-0.45	6.75E-01
ZYG11B	-0.20	5.78E-01	0.60	2.73E-01	-0.52	6.98E-01
RAVER2	-0.20	5.78E-01	-0.98	8.35E-01	-0.21	5.83E-01
EVA1B	-0.20	5.78E-01	0.49	3.12E-01	-0.65	7.41E-01
TRIM49B	-0.20	5.78E-01	-0.54	7.04E-01	0.55	2.91E-01
RUFY1	-0.20	5.78E-01	0.79	2.14E-01	-0.32	6.25E-01
HIST1H4F	-0.20	5.78E-01	-0.31	6.21E-01	1.47	7.10E-02
C4orf51	-0.20	5.78E-01	0.02	4.92E-01	-1.16	8.78E-01
EMILIN2	-0.20	5.78E-01	0.59	2.79E-01	-0.74	7.69E-01
KIAA0020	-0.20	5.78E-01	-0.53	7.02E-01	2.26	1.18E-02
ZAR1	-0.20	5.78E-01	0.51	3.06E-01	-0.46	6.77E-01
FPGT	-0.20	5.78E-01	-0.96	8.31E-01	-0.31	6.23E-01
LYPLA2	-0.20	5.78E-01	-0.67	7.48E-01	1.31	9.58E-02
CHTF8	-0.20	5.78E-01	-1.38	9.16E-01	0.47	3.18E-01
C16orf70	-0.20	5.78E-01	-1.64	9.49E-01	-0.43	6.66E-01
ZNF559-ZNF177	-0.20	5.78E-01	-0.88	8.10E-01	-0.15	5.58E-01
OR7A17	-0.20	5.78E-01	-0.56	7.13E-01	-0.74	7.69E-01
SGOL1	-0.20	5.78E-01	-1.06	8.56E-01	0.10	4.59E-01
TNNC1	-0.20	5.78E-01	-0.97	8.35E-01	0.92	1.79E-01
EFHD2	-0.20	5.78E-01	-0.47	6.80E-01	-0.86	8.05E-01
KCTD11	-0.20	5.78E-01	-0.60	7.26E-01	-0.27	6.07E-01
ZNF10	-0.20	5.78E-01	0.31	3.80E-01	-0.96	8.32E-01

EMX1	-0.20	5.78E-01	-0.33	6.30E-01	-1.08	8.59E-01
CABS1	-0.20	5.79E-01	-0.79	7.86E-01	-0.36	6.42E-01
PHYH	-0.20	5.79E-01	-1.89	9.71E-01	0.77	2.21E-01
ABHD16B	-0.20	5.79E-01	1.70	4.47E-02	0.77	2.20E-01
ZNF177	-0.20	5.79E-01	-0.88	8.10E-01	-0.15	5.59E-01
USP20	-0.20	5.79E-01	0.17	4.31E-01	-0.44	6.68E-01
FANCA	-0.20	5.79E-01	0.07	4.72E-01	-0.22	5.86E-01
KIAA1328	-0.20	5.79E-01	-0.96	8.33E-01	1.25	1.05E-01
NUP107	-0.20	5.79E-01	0.27	3.94E-01	-0.98	8.37E-01
BDKRB2	-0.20	5.79E-01	-0.39	6.51E-01	-0.97	8.35E-01
HOXC4	-0.20	5.79E-01	-0.32	6.25E-01	-0.95	8.30E-01
ZDHHC12	-0.20	5.79E-01	0.25	4.01E-01	-2.47	9.93E-01
EIF4E	-0.20	5.79E-01	0.18	4.30E-01	-0.43	6.65E-01
SHE	-0.20	5.79E-01	-1.19	8.83E-01	0.64	2.60E-01
SERPINB7	-0.20	5.79E-01	-0.72	7.65E-01	-0.05	5.22E-01
ALDH3A1	-0.20	5.79E-01	-0.59	7.23E-01	0.57	2.84E-01
SUPT3H	-0.20	5.79E-01	-0.01	5.05E-01	-1.04	8.51E-01
CCIN	-0.20	5.80E-01	-0.20	5.80E-01	-0.93	8.24E-01
ADAMTS7	-0.20	5.80E-01	-0.32	6.25E-01	-0.05	5.19E-01
DNASE1L2	-0.20	5.80E-01	0.87	1.91E-01	-1.30	9.04E-01
PCGF6	-0.20	5.80E-01	-0.37	6.43E-01	-0.25	5.98E-01
ENPP1	-0.20	5.80E-01	-0.70	7.60E-01	-1.09	8.62E-01
NHLRC1	-0.20	5.80E-01	0.73	2.33E-01	0.95	1.70E-01
VASH1	-0.20	5.80E-01	-0.66	7.46E-01	-0.16	5.63E-01
DLK1	-0.20	5.80E-01	-0.01	5.05E-01	-0.05	5.21E-01
ESPNL	-0.20	5.80E-01	0.03	4.89E-01	-1.29	9.01E-01
ENGASE	-0.20	5.80E-01	-0.69	7.56E-01	0.78	2.18E-01
SRP72	-0.20	5.80E-01	0.62	2.68E-01	-0.04	5.14E-01
LRRC29	-0.20	5.81E-01	-1.04	8.51E-01	-0.52	6.99E-01
GAPDHS	-0.20	5.81E-01	-0.62	7.31E-01	0.64	2.60E-01
FGB	-0.20	5.81E-01	-0.47	6.80E-01	1.17	1.21E-01

GTF2F2	-0.20	5.81E-01	1.07	1.41E-01	0.26	3.97E-01
AOC3	-0.20	5.81E-01	-0.07	5.26E-01	-0.69	7.54E-01
KRTAP10-4	-0.20	5.81E-01	0.12	4.52E-01	-2.06	9.80E-01
FASTKD5	-0.20	5.81E-01	-1.99	9.77E-01	0.45	3.28E-01
GAL3ST1	-0.20	5.81E-01	0.67	2.53E-01	0.08	4.66E-01
C10orf32	-0.20	5.81E-01	-0.53	7.02E-01	-0.89	8.13E-01
DCDC2B	-0.20	5.81E-01	-1.05	8.54E-01	-0.43	6.66E-01
ZNF285	-0.21	5.81E-01	0.73	2.32E-01	-0.73	7.67E-01
IL36G	-0.21	5.81E-01	1.20	1.16E-01	0.03	4.88E-01
PDILT	-0.21	5.82E-01	0.99	1.61E-01	-0.28	6.08E-01
PPP1R15B	-0.21	5.82E-01	0.18	4.27E-01	-0.08	5.33E-01
YJEFN3	-0.21	5.82E-01	-0.96	8.31E-01	-0.65	7.43E-01
WDR59	-0.21	5.82E-01	0.22	4.14E-01	0.33	3.72E-01
YWHAZ	-0.21	5.82E-01	-1.68	9.53E-01	0.31	3.77E-01
SPARC	-0.21	5.82E-01	-0.58	7.19E-01	-0.32	6.25E-01
RC3H1	-0.21	5.82E-01	1.03	1.52E-01	-0.20	5.80E-01
JAM3	-0.21	5.82E-01	0.15	4.41E-01	1.02	1.54E-01
ARMC8	-0.21	5.82E-01	-0.87	8.08E-01	0.27	3.92E-01
PRDX1	-0.21	5.82E-01	-0.04	5.15E-01	-1.62	9.47E-01
LACTBL1	-0.21	5.82E-01	1.17	1.21E-01	0.03	4.87E-01
MIS18A	-0.21	5.82E-01	-1.35	9.11E-01	-0.20	5.81E-01
HOXA6	-0.21	5.82E-01	0.43	3.34E-01	0.21	4.18E-01
ZYG11A	-0.21	5.83E-01	0.58	2.82E-01	-0.68	7.52E-01
BPIFB6	-0.21	5.83E-01	0.43	3.35E-01	-0.69	7.56E-01
PFDN4	-0.21	5.83E-01	1.31	9.57E-02	-0.58	7.20E-01
PCDHGA12	-0.21	5.83E-01	1.07	1.41E-01	-0.72	7.65E-01
ANKRD62	-0.21	5.83E-01	-1.53	9.38E-01	0.86	1.94E-01
ICMT	-0.21	5.83E-01	-0.07	5.29E-01	-0.42	6.62E-01
IL27RA	-0.21	5.83E-01	0.07	4.72E-01	-1.58	9.43E-01
ATL2	-0.21	5.83E-01	-0.18	5.72E-01	-0.55	7.08E-01
ITGAV	-0.21	5.83E-01	1.11	1.33E-01	0.47	3.19E-01

CRAMP1L	-0.21	5.83E-01	-0.60	7.27E-01	-0.44	6.68E-01
TJP3	-0.21	5.83E-01	0.14	4.46E-01	-0.87	8.08E-01
MYO19	-0.21	5.83E-01	-1.15	8.75E-01	-0.10	5.38E-01
METTL1	-0.21	5.83E-01	0.10	4.60E-01	-0.25	6.00E-01
HEPACAM2	-0.21	5.83E-01	-0.59	7.23E-01	-0.30	6.18E-01
BMPR1A	-0.21	5.83E-01	0.94	1.72E-01	-1.22	8.90E-01
CCT6B	-0.21	5.83E-01	-0.80	7.88E-01	-0.27	6.07E-01
C10orf40	-0.21	5.83E-01	-0.76	7.76E-01	-0.06	5.26E-01
TTYH1	-0.21	5.83E-01	0.27	3.95E-01	0.38	3.53E-01
STARD10	-0.21	5.84E-01	-0.38	6.47E-01	0.55	2.90E-01
APCDD1L	-0.21	5.84E-01	-0.84	8.01E-01	-0.53	7.02E-01
SGPP2	-0.21	5.84E-01	0.66	2.56E-01	0.30	3.82E-01
TPK1	-0.21	5.84E-01	-1.55	9.39E-01	1.50	6.72E-02
CLDN16	-0.21	5.84E-01	-0.81	7.90E-01	0.62	2.66E-01
CLEC12B	-0.21	5.84E-01	0.19	4.26E-01	-1.62	9.48E-01
DEGS1	-0.21	5.84E-01	1.05	1.46E-01	-0.31	6.20E-01
BTBD16	-0.21	5.84E-01	-0.21	5.82E-01	-0.23	5.89E-01
LHFPL4	-0.21	5.84E-01	0.52	3.01E-01	-0.86	8.06E-01
HOXB4	-0.21	5.84E-01	-1.56	9.41E-01	0.91	1.81E-01
CATSPER4	-0.21	5.84E-01	0.10	4.61E-01	-0.98	8.36E-01
C8orf44	-0.21	5.84E-01	0.16	4.38E-01	-1.08	8.61E-01
BNIP1	-0.21	5.84E-01	0.40	3.46E-01	0.37	3.55E-01
LRRN4CL	-0.21	5.84E-01	0.16	4.37E-01	-1.44	9.25E-01
GRM2	-0.21	5.84E-01	-1.27	8.97E-01	0.02	4.94E-01
ATP6V1D	-0.21	5.85E-01	-0.10	5.40E-01	0.10	4.59E-01
ZNF625-ZNF20	-0.21	5.85E-01	-0.04	5.18E-01	-0.26	6.02E-01
SLC25A27	-0.21	5.85E-01	-0.02	5.09E-01	-0.49	6.89E-01
PLK1	-0.21	5.85E-01	0.21	4.15E-01	-1.04	8.52E-01
AGK	-0.21	5.85E-01	0.39	3.47E-01	-0.82	7.95E-01
SLC22A17	-0.21	5.85E-01	-1.67	9.53E-01	0.43	3.33E-01
C22orf46	-0.21	5.85E-01	0.08	4.67E-01	-1.90	9.71E-01

OR4D9	-0.21	5.85E-01	-1.17	8.79E-01	-0.48	6.85E-01
GBP3	-0.21	5.85E-01	0.72	2.35E-01	-0.30	6.18E-01
NPW	-0.21	5.85E-01	-1.48	9.31E-01	0.64	2.60E-01
WDR60	-0.21	5.85E-01	0.41	3.42E-01	0.71	2.39E-01
WDR72	-0.21	5.85E-01	0.27	3.94E-01	-1.62	9.47E-01
LDHC	-0.22	5.85E-01	-0.42	6.62E-01	-1.18	8.81E-01
BAALC	-0.22	5.85E-01	-0.81	7.90E-01	-0.29	6.16E-01
NOSIP	-0.22	5.85E-01	-0.39	6.53E-01	0.07	4.73E-01
CAGE1	-0.22	5.85E-01	-0.88	8.11E-01	-0.46	6.76E-01
RPL26	-0.22	5.85E-01	1.49	6.75E-02	0.43	3.35E-01
PDE7A	-0.22	5.86E-01	-1.08	8.59E-01	0.71	2.39E-01
RBM34	-0.22	5.86E-01	-0.33	6.28E-01	-0.48	6.84E-01
ENDOV	-0.22	5.86E-01	-0.75	7.73E-01	-1.24	8.92E-01
RBPJL	-0.22	5.86E-01	-0.13	5.50E-01	-1.64	9.49E-01
CCDC57	-0.22	5.86E-01	-0.09	5.37E-01	-0.51	6.95E-01
ITPRIPL2	-0.22	5.86E-01	-0.91	8.18E-01	-0.43	6.68E-01
LMTK3	-0.22	5.86E-01	-0.62	7.31E-01	0.14	4.45E-01
FAM65C	-0.22	5.86E-01	-0.93	8.23E-01	1.50	6.64E-02
ZNF32	-0.22	5.86E-01	-0.41	6.60E-01	-0.20	5.81E-01
MAP3K6	-0.22	5.86E-01	0.51	3.07E-01	-1.10	8.63E-01
WDFY1	-0.22	5.86E-01	-0.57	7.15E-01	-0.48	6.85E-01
PHC2	-0.22	5.86E-01	0.55	2.91E-01	0.19	4.24E-01
TRMT112	-0.22	5.86E-01	-0.03	5.14E-01	-1.08	8.60E-01
STRN4	-0.22	5.86E-01	-0.30	6.18E-01	0.28	3.89E-01
MIEN1	-0.22	5.86E-01	-0.52	6.99E-01	-0.67	7.47E-01
REEP2	-0.22	5.86E-01	-0.74	7.71E-01	1.02	1.53E-01
PDGFD	-0.22	5.86E-01	-0.64	7.40E-01	0.86	1.94E-01
OR10J3	-0.22	5.86E-01	-0.17	5.68E-01	-0.69	7.53E-01
KRT24	-0.22	5.86E-01	-0.28	6.11E-01	0.08	4.68E-01
CLEC4F	-0.22	5.86E-01	1.44	7.48E-02	-1.35	9.12E-01
SMTN	-0.22	5.86E-01	0.03	4.86E-01	-1.62	9.48E-01

HEXIM1	-0.22	5.86E-01	-0.51	6.96E-01	-0.55	7.07E-01
E2F2	-0.22	5.86E-01	0.84	1.99E-01	-0.37	6.45E-01
SCAND1	-0.22	5.86E-01	-0.94	8.26E-01	-0.72	7.64E-01
TAS2R3	-0.22	5.87E-01	-0.08	5.31E-01	-0.72	7.64E-01
NOSTRIN	-0.22	5.87E-01	-1.44	9.25E-01	1.04	1.49E-01
PIGB	-0.22	5.87E-01	0.22	4.13E-01	-1.63	9.49E-01
KPNA6	-0.22	5.87E-01	-0.73	7.68E-01	-0.16	5.64E-01
ZNF506	-0.22	5.87E-01	0.17	4.33E-01	0.04	4.84E-01
ABCA7	-0.22	5.87E-01	-2.13	9.83E-01	0.60	2.74E-01
SEC63	-0.22	5.87E-01	-0.28	6.10E-01	-0.56	7.12E-01
SCNN1D	-0.22	5.87E-01	-0.51	6.96E-01	-0.10	5.38E-01
GKN1	-0.22	5.87E-01	-0.08	5.33E-01	-0.28	6.11E-01
MCM10	-0.22	5.87E-01	-0.06	5.23E-01	-1.27	8.98E-01
MAP4K5	-0.22	5.87E-01	0.87	1.92E-01	-1.28	8.99E-01
SNTB2	-0.22	5.87E-01	-1.18	8.80E-01	1.60	5.52E-02
PIGM	-0.22	5.87E-01	0.16	4.35E-01	-0.52	7.00E-01
OSTC	-0.22	5.87E-01	-0.53	7.02E-01	0.56	2.87E-01
ICAM3	-0.22	5.87E-01	-1.07	8.59E-01	0.19	4.25E-01
C9orf62	-0.22	5.87E-01	-0.21	5.85E-01	-0.04	5.15E-01
ZZEF1	-0.22	5.87E-01	0.49	3.13E-01	-0.01	5.03E-01
OTOP3	-0.22	5.87E-01	-0.31	6.24E-01	0.36	3.58E-01
ADARB1	-0.22	5.87E-01	-1.10	8.64E-01	0.09	4.66E-01
SNRPB	-0.22	5.87E-01	-0.71	7.62E-01	0.52	3.03E-01
GDAP1	-0.22	5.88E-01	0.53	2.98E-01	-0.72	7.65E-01
CDC14A	-0.22	5.88E-01	-0.58	7.19E-01	0.26	3.98E-01
SPATA19	-0.22	5.88E-01	-0.06	5.23E-01	0.52	3.00E-01
CNKSR3	-0.22	5.88E-01	-0.37	6.45E-01	-1.24	8.92E-01
KRT18	-0.22	5.88E-01	-0.84	7.99E-01	-0.62	7.32E-01
SPRR2D	-0.22	5.88E-01	-0.14	5.57E-01	-1.49	9.32E-01
C17orf47	-0.22	5.88E-01	0.77	2.21E-01	0.27	3.93E-01
OR6N1	-0.22	5.88E-01	-0.91	8.20E-01	-0.35	6.37E-01

OPN1SW	-0.22	5.88E-01	-1.17	8.80E-01	0.33	3.70E-01
PM20D1	-0.22	5.88E-01	-0.42	6.61E-01	0.41	3.41E-01
ZNF485	-0.22	5.88E-01	-0.21	5.81E-01	-0.06	5.25E-01
DNAJC4	-0.22	5.88E-01	0.25	4.02E-01	0.97	1.67E-01
ADAMTS18	-0.22	5.88E-01	0.03	4.86E-01	-0.69	7.56E-01
ABCC1	-0.22	5.88E-01	-0.17	5.67E-01	-0.53	7.04E-01
C19orf52	-0.22	5.88E-01	0.62	2.68E-01	-1.42	9.22E-01
SAYSD1	-0.22	5.88E-01	-1.60	9.46E-01	0.38	3.51E-01
ZRANB3	-0.22	5.88E-01	-0.59	7.24E-01	-0.22	5.86E-01
SNX19	-0.22	5.88E-01	-0.36	6.40E-01	-1.34	9.10E-01
FKBP14	-0.22	5.88E-01	-0.56	7.12E-01	0.27	3.94E-01
GID8	-0.22	5.88E-01	1.57	5.81E-02	-0.58	7.18E-01
PSRC1	-0.22	5.88E-01	-0.57	7.17E-01	0.10	4.59E-01
MAB21L2	-0.22	5.89E-01	-0.61	7.29E-01	0.13	4.50E-01
ARHGEF10L	-0.22	5.89E-01	-0.64	7.39E-01	-0.40	6.55E-01
TTC4	-0.22	5.89E-01	1.73	4.23E-02	0.70	2.43E-01
C8orf47	-0.22	5.89E-01	1.87	3.06E-02	0.53	3.00E-01
SCCPDH	-0.22	5.89E-01	0.86	1.94E-01	1.10	1.36E-01
RABL5	-0.22	5.89E-01	0.59	2.77E-01	-0.75	7.73E-01
CD2	-0.22	5.89E-01	3.13	8.61E-04	1.89	2.95E-02
GAB4	-0.22	5.89E-01	1.68	4.67E-02	-0.46	6.76E-01
CCSER2	-0.22	5.89E-01	-0.80	7.88E-01	-0.06	5.25E-01
RAPGEF1	-0.22	5.89E-01	-0.04	5.16E-01	-0.78	7.82E-01
CHPT1	-0.22	5.89E-01	0.33	3.72E-01	0.47	3.19E-01
AAGAB	-0.22	5.89E-01	1.76	3.92E-02	-0.05	5.19E-01
PRKCDBP	-0.22	5.89E-01	-1.93	9.73E-01	0.51	3.06E-01
STAP1	-0.23	5.89E-01	-1.93	9.73E-01	-0.10	5.39E-01
ELAC1	-0.23	5.89E-01	-1.45	9.27E-01	0.99	1.61E-01
THSD1	-0.23	5.89E-01	-0.58	7.20E-01	0.38	3.51E-01
KCNAB2	-0.23	5.89E-01	-0.40	6.56E-01	-0.43	6.68E-01
NFKBIZ	-0.23	5.89E-01	0.60	2.73E-01	-0.20	5.79E-01



SUPT20H	-0.23	5.89E-01	0.59	2.78E-01	0.13	4.49E-01
ZNF578	-0.23	5.89E-01	-0.22	5.86E-01	-0.56	7.12E-01
GPR142	-0.23	5.89E-01	-0.14	5.54E-01	-1.06	8.54E-01
RPS7	-0.23	5.89E-01	0.71	2.39E-01	-0.18	5.70E-01
NUMBL	-0.23	5.89E-01	-0.43	6.68E-01	-0.81	7.90E-01
C8orf88	-0.23	5.90E-01	0.53	2.98E-01	-1.78	9.63E-01
SHOX2	-0.23	5.90E-01	-0.33	6.28E-01	0.08	4.67E-01
YBEY	-0.23	5.90E-01	-0.13	5.50E-01	-0.09	5.36E-01
LRTM1	-0.23	5.90E-01	-0.48	6.85E-01	-0.74	7.71E-01
C17orf51	-0.23	5.90E-01	0.06	4.75E-01	-1.00	8.41E-01
DEFA6	-0.23	5.90E-01	0.69	2.44E-01	-0.20	5.81E-01
ACSS1	-0.23	5.90E-01	-1.54	9.38E-01	0.36	3.59E-01
PPAN-P2RY11	-0.23	5.90E-01	-1.97	9.75E-01	0.65	2.56E-01
PPAN	-0.23	5.90E-01	-1.97	9.75E-01	0.65	2.56E-01
SLC25A48	-0.23	5.90E-01	0.22	4.13E-01	-0.98	8.36E-01
TMEM254	-0.23	5.90E-01	-1.07	8.57E-01	0.51	3.04E-01
PUS3	-0.23	5.90E-01	0.00	5.01E-01	-2.04	9.79E-01
NIF3L1	-0.23	5.90E-01	0.27	3.93E-01	-0.67	7.48E-01
PIWIL1	-0.23	5.90E-01	-0.13	5.52E-01	0.47	3.20E-01
OR2W1	-0.23	5.90E-01	0.51	3.05E-01	-0.65	7.41E-01
OR111	-0.23	5.90E-01	0.00	4.99E-01	-1.20	8.85E-01
RRP1B	-0.23	5.91E-01	0.26	3.97E-01	-0.85	8.01E-01
ARL5A	-0.23	5.91E-01	-0.23	5.90E-01	-0.74	7.70E-01
ZSCAN5D	-0.23	5.91E-01	-0.57	7.15E-01	-0.53	7.03E-01
PCBP3	-0.23	5.91E-01	-0.22	5.88E-01	0.77	2.21E-01
ZRANB2	-0.23	5.91E-01	0.58	2.81E-01	0.38	3.52E-01
DAW1	-0.23	5.91E-01	-0.19	5.77E-01	-1.04	8.51E-01
ITPKC	-0.23	5.91E-01	-1.06	8.55E-01	-0.23	5.91E-01
PIGX	-0.23	5.91E-01	-0.42	6.65E-01	-0.04	5.15E-01
CCT5	-0.23	5.91E-01	0.49	3.12E-01	-0.52	6.98E-01
NMB	-0.23	5.91E-01	0.71	2.38E-01	0.57	2.85E-01

MYH3	-0.23	5.91E-01	-0.85	8.01E-01	-0.22	5.89E-01
KIAA1191	-0.23	5.91E-01	-1.03	8.48E-01	-0.76	7.78E-01
RUVBL1	-0.23	5.91E-01	-1.43	9.24E-01	0.19	4.24E-01
TNFRSF13C	-0.23	5.91E-01	0.36	3.59E-01	0.85	1.98E-01
TBCEL	-0.23	5.91E-01	-0.69	7.54E-01	0.97	1.66E-01
PRKAA1	-0.23	5.91E-01	-0.67	7.49E-01	-0.63	7.35E-01
STARD13	-0.23	5.91E-01	0.69	2.45E-01	0.74	2.28E-01
KRTAP10-11	-0.23	5.91E-01	-0.33	6.31E-01	-0.66	7.44E-01
PAX2	-0.23	5.91E-01	-1.03	8.49E-01	-0.25	5.98E-01
C11orf84	-0.23	5.91E-01	-0.58	7.18E-01	0.19	4.26E-01
FAM13A	-0.23	5.91E-01	0.83	2.05E-01	-0.80	7.88E-01
DHFR	-0.23	5.91E-01	0.15	4.40E-01	-0.38	6.47E-01
UNG	-0.23	5.91E-01	-0.05	5.19E-01	0.32	3.75E-01
RALA	-0.23	5.91E-01	-0.10	5.39E-01	-1.04	8.50E-01
ROM1	-0.23	5.91E-01	0.48	3.15E-01	-0.91	8.20E-01
OVCH1	-0.23	5.92E-01	-0.12	5.50E-01	-0.58	7.20E-01
SENP1	-0.23	5.92E-01	0.57	2.86E-01	-1.87	9.69E-01
VPS9D1	-0.23	5.92E-01	-0.72	7.63E-01	1.19	1.17E-01
ZNF226	-0.23	5.92E-01	-0.09	5.36E-01	-1.93	9.73E-01
IL15RA	-0.23	5.92E-01	-1.37	9.14E-01	-0.68	7.53E-01
SET	-0.23	5.92E-01	0.03	4.89E-01	-1.69	9.54E-01
BCAT1	-0.23	5.92E-01	0.23	4.10E-01	-1.27	8.97E-01
ETFA	-0.23	5.92E-01	-0.22	5.86E-01	-1.51	9.35E-01
ADSSL1	-0.23	5.92E-01	0.16	4.36E-01	-0.48	6.85E-01
IFNGR2	-0.23	5.92E-01	0.43	3.35E-01	-1.02	8.47E-01
SPRR3	-0.23	5.92E-01	-0.18	5.73E-01	-1.44	9.25E-01
NAALAD2	-0.23	5.92E-01	-0.56	7.13E-01	-0.35	6.38E-01
DOCK10	-0.23	5.92E-01	0.08	4.67E-01	0.05	4.80E-01
CIDEC	-0.23	5.92E-01	-0.84	7.99E-01	0.05	4.80E-01
JAGN1	-0.23	5.92E-01	0.82	2.05E-01	-0.02	5.09E-01
C1D	-0.23	5.92E-01	-1.12	8.68E-01	0.06	4.76E-01

CBR1	-0.23	5.92E-01	-1.00	8.43E-01	0.35	3.61E-01
KRTAP19-4	-0.23	5.92E-01	-3.16	9.99E-01	0.65	2.58E-01
TTC19	-0.23	5.93E-01	-1.72	9.58E-01	0.12	4.51E-01
KRT37	-0.23	5.93E-01	-0.56	7.13E-01	-1.34	9.10E-01
GREB1	-0.23	5.93E-01	0.63	2.65E-01	-1.00	8.40E-01
EIF4B	-0.24	5.93E-01	-0.34	6.34E-01	0.06	4.77E-01
MAU2	-0.24	5.93E-01	-1.38	9.16E-01	0.04	4.85E-01
SEC14L4	-0.24	5.93E-01	0.29	3.86E-01	-1.91	9.72E-01
POLR2K	-0.24	5.93E-01	-0.56	7.12E-01	0.30	3.81E-01
UGT1A4	-0.24	5.93E-01	-0.06	5.22E-01	-0.02	5.09E-01
POMK	-0.24	5.93E-01	-1.17	8.79E-01	1.26	1.04E-01
HRASLS	-0.24	5.94E-01	0.35	3.64E-01	-0.60	7.25E-01
NLRC5	-0.24	5.94E-01	-0.24	5.96E-01	-0.73	7.67E-01
HDAC3	-0.24	5.94E-01	-0.10	5.40E-01	-0.74	7.70E-01
UBE2E1	-0.24	5.94E-01	0.53	2.99E-01	-0.61	7.29E-01
KRBA1	-0.24	5.94E-01	-0.61	7.29E-01	-0.39	6.53E-01
KRTAP10-1	-0.24	5.94E-01	-0.25	5.98E-01	-1.07	8.59E-01
XPO1	-0.24	5.94E-01	-0.65	7.43E-01	0.10	4.61E-01
SLC51A	-0.24	5.94E-01	-1.11	8.67E-01	0.74	2.30E-01
RPL19	-0.24	5.94E-01	0.98	1.64E-01	0.92	1.78E-01
UNC5B	-0.24	5.94E-01	1.01	1.57E-01	0.47	3.19E-01
FOXRED1	-0.24	5.94E-01	-0.29	6.15E-01	-0.26	6.01E-01
TRPT1	-0.24	5.94E-01	0.75	2.27E-01	1.11	1.34E-01
CEACAM8	-0.24	5.94E-01	-0.77	7.81E-01	0.45	3.27E-01
IL18RAP	-0.24	5.94E-01	0.07	4.71E-01	-1.80	9.64E-01
GRAMD1A	-0.24	5.94E-01	-0.78	7.82E-01	-0.49	6.89E-01
CILP2	-0.24	5.94E-01	-0.90	8.15E-01	-0.55	7.10E-01
GOLT1A	-0.24	5.94E-01	1.07	1.42E-01	-0.94	8.27E-01
NLRP10	-0.24	5.94E-01	0.66	2.54E-01	-0.72	7.65E-01
COG3	-0.24	5.94E-01	0.33	3.70E-01	-1.16	8.77E-01
SEMA7A	-0.24	5.94E-01	-0.96	8.31E-01	-0.48	6.85E-01

TUBA8	-0.24	5.94E-01	-1.01	8.43E-01	0.17	4.34E-01
SLC35B3	-0.24	5.94E-01	-0.83	7.97E-01	-0.04	5.15E-01
KIAA0922	-0.24	5.94E-01	-0.28	6.12E-01	-1.38	9.16E-01
OR10K1	-0.24	5.94E-01	-0.95	8.28E-01	-0.20	5.80E-01
RNF13	-0.24	5.94E-01	0.46	3.22E-01	1.21	1.13E-01
CCDC150	-0.24	5.94E-01	0.88	1.89E-01	-1.00	8.42E-01
EPHA2	-0.24	5.94E-01	0.59	2.77E-01	-0.13	5.52E-01
COX14	-0.24	5.94E-01	-1.20	8.86E-01	1.21	1.12E-01
IPO4	-0.24	5.94E-01	-0.62	7.32E-01	-0.81	7.91E-01
FAM3B	-0.24	5.94E-01	-0.61	7.31E-01	-0.69	7.54E-01
C4orf46	-0.24	5.94E-01	-1.33	9.08E-01	-0.29	6.12E-01
BMP8A	-0.24	5.94E-01	0.59	2.78E-01	-1.03	8.48E-01
PLEKHB1	-0.24	5.94E-01	-0.76	7.75E-01	0.22	4.12E-01
RPL4	-0.24	5.94E-01	-0.07	5.28E-01	0.17	4.31E-01
C8orf12	-0.24	5.94E-01	0.05	4.81E-01	-0.17	5.68E-01
SREBF2	-0.24	5.94E-01	0.63	2.65E-01	0.75	2.28E-01
MAP4	-0.24	5.95E-01	0.93	1.77E-01	0.80	2.12E-01
GAS2L2	-0.24	5.95E-01	0.31	3.79E-01	-0.37	6.43E-01
GABBR2	-0.24	5.95E-01	0.68	2.49E-01	-0.86	8.05E-01
MYOG	-0.24	5.95E-01	0.26	3.98E-01	1.89	2.91E-02
VPS53	-0.24	5.95E-01	-0.76	7.75E-01	0.29	3.86E-01
SCUBE1	-0.24	5.95E-01	-0.67	7.48E-01	-0.54	7.05E-01
B3GNT2	-0.24	5.95E-01	-0.50	6.93E-01	-0.96	8.31E-01
NIPAL4	-0.24	5.95E-01	0.30	3.81E-01	0.03	4.86E-01
COX4I1	-0.24	5.95E-01	-0.04	5.18E-01	0.57	2.86E-01
KRTCAP2	-0.24	5.95E-01	-1.38	9.17E-01	-0.05	5.19E-01
NIP7	-0.24	5.95E-01	0.10	4.59E-01	2.08	1.89E-02
GOLGA1	-0.24	5.95E-01	-0.75	7.75E-01	-0.10	5.40E-01
OR4E2	-0.24	5.95E-01	-0.34	6.33E-01	-0.73	7.66E-01
NDUFAB1	-0.24	5.95E-01	-0.99	8.38E-01	0.64	2.61E-01
KLKB1	-0.24	5.95E-01	-1.10	8.64E-01	0.08	4.67E-01

ZNF354C	-0.24	5.95E-01	0.52	3.02E-01	-0.26	6.03E-01
OSGEPL1	-0.24	5.95E-01	0.29	3.86E-01	0.03	4.88E-01
ACE	-0.24	5.95E-01	-0.02	5.07E-01	2.29	1.09E-02
NDRG4	-0.24	5.95E-01	-0.11	5.44E-01	0.89	1.88E-01
IL22	-0.24	5.95E-01	-0.43	6.65E-01	-1.85	9.68E-01
FAM149A	-0.24	5.96E-01	-0.75	7.73E-01	-0.15	5.60E-01
HIST1H3A	-0.24	5.96E-01	-0.83	7.96E-01	-0.18	5.72E-01
CCDC79	-0.24	5.96E-01	-0.76	7.78E-01	0.77	2.22E-01
ZNF644	-0.24	5.96E-01	-1.79	9.63E-01	0.09	4.63E-01
NFASC	-0.24	5.96E-01	0.00	4.99E-01	-0.61	7.27E-01
MESP1	-0.24	5.96E-01	-0.13	5.52E-01	-0.33	6.28E-01
C15orf57	-0.24	5.96E-01	0.62	2.67E-01	-0.35	6.39E-01
NOTO	-0.24	5.96E-01	0.09	4.63E-01	-0.15	5.60E-01
PDE8A	-0.24	5.96E-01	-0.37	6.45E-01	2.09	1.85E-02
DYNLL2	-0.24	5.96E-01	-1.91	9.72E-01	0.95	1.71E-01
COQ9	-0.24	5.96E-01	-0.93	8.24E-01	-0.17	5.69E-01
COL4A2	-0.24	5.96E-01	-0.95	8.29E-01	0.00	5.01E-01
STAC3	-0.24	5.96E-01	-1.33	9.09E-01	0.23	4.09E-01
ZNF362	-0.24	5.96E-01	-0.15	5.61E-01	-0.90	8.17E-01
FGF12	-0.24	5.96E-01	1.33	9.20E-02	-1.98	9.76E-01
NCOA4	-0.24	5.96E-01	0.46	3.22E-01	-0.32	6.25E-01
AMPD3	-0.24	5.96E-01	0.33	3.69E-01	0.79	2.13E-01
S100A12	-0.24	5.97E-01	-0.86	8.05E-01	0.56	2.88E-01
UBE2M	-0.24	5.97E-01	-1.52	9.36E-01	-0.01	5.05E-01
SGK2	-0.24	5.97E-01	-0.36	6.39E-01	-0.93	8.23E-01
RP11-520P18.5	-0.24	5.97E-01	0.19	4.23E-01	-1.32	9.07E-01
DYDC2	-0.24	5.97E-01	-0.06	5.24E-01	-0.68	7.53E-01
EFCAB8	-0.25	5.97E-01	-0.32	6.25E-01	0.16	4.36E-01
CHMP7	-0.25	5.97E-01	-1.43	9.24E-01	0.92	1.80E-01
CDA	-0.25	5.97E-01	-0.85	8.03E-01	-0.51	6.93E-01
HEY2	-0.25	5.97E-01	-1.05	8.54E-01	1.05	1.46E-01

NDUFS5	-0.25	5.97E-01	0.24	4.06E-01	-0.82	7.95E-01
GLB1L2	-0.25	5.97E-01	-0.23	5.89E-01	-0.84	7.99E-01
CNR1	-0.25	5.97E-01	-1.39	9.18E-01	0.86	1.95E-01
AC104809.3	-0.25	5.97E-01	0.03	4.89E-01	1.34	9.01E-02
MRPL39	-0.25	5.97E-01	0.64	2.61E-01	-0.55	7.10E-01
PHF14	-0.25	5.97E-01	-0.32	6.27E-01	0.00	4.99E-01
TMEM129	-0.25	5.97E-01	0.29	3.88E-01	-1.79	9.63E-01
PPIF	-0.25	5.98E-01	0.02	4.91E-01	-0.55	7.07E-01
EFR3B	-0.25	5.98E-01	0.21	4.19E-01	-0.35	6.35E-01
KCNJ14	-0.25	5.98E-01	-1.83	9.66E-01	0.19	4.25E-01
CTSE	-0.25	5.98E-01	-0.38	6.48E-01	-1.16	8.77E-01
POU2AF1	-0.25	5.98E-01	-0.73	7.67E-01	-0.42	6.62E-01
EIF3F	-0.25	5.98E-01	1.59	5.58E-02	-2.29	9.89E-01
CAMLG	-0.25	5.98E-01	-0.28	6.12E-01	1.02	1.54E-01
ORC2	-0.25	5.98E-01	-0.06	5.24E-01	-1.02	8.47E-01
PRSS23	-0.25	5.98E-01	-0.03	5.13E-01	-0.83	7.97E-01
MAPK14	-0.25	5.98E-01	-1.40	9.19E-01	0.13	4.47E-01
TOP3B	-0.25	5.98E-01	0.30	3.82E-01	1.20	1.15E-01
TNFSF13	-0.25	5.98E-01	-0.88	8.09E-01	-0.21	5.84E-01
TRHDE	-0.25	5.98E-01	0.84	2.00E-01	0.00	5.00E-01
HMBOX1	-0.25	5.98E-01	0.04	4.85E-01	0.05	4.81E-01
RB1CC1	-0.25	5.98E-01	-0.71	7.61E-01	-0.74	7.69E-01
DERL2	-0.25	5.99E-01	-0.88	8.11E-01	1.10	1.36E-01
WISP1	-0.25	5.99E-01	-0.39	6.51E-01	-0.24	5.95E-01
C22orf43	-0.25	5.99E-01	-0.90	8.16E-01	0.69	2.46E-01
DGKG	-0.25	5.99E-01	-1.08	8.59E-01	0.77	2.21E-01
PI4K2B	-0.25	5.99E-01	0.56	2.89E-01	-1.89	9.71E-01
C15orf65	-0.25	5.99E-01	-0.01	5.04E-01	-0.21	5.83E-01
PFKFB3	-0.25	5.99E-01	-0.39	6.53E-01	-1.61	9.46E-01
JPH3	-0.25	5.99E-01	-0.20	5.80E-01	0.37	3.57E-01
SLC16A5	-0.25	5.99E-01	-0.60	7.24E-01	0.19	4.23E-01

SEC16B	-0.25	5.99E-01	-1.37	9.15E-01	1.58	5.69E-02
HID1	-0.25	5.99E-01	-0.11	5.45E-01	0.51	3.06E-01
BPIFB3	-0.25	5.99E-01	-0.54	7.05E-01	-0.52	6.99E-01
KRT7	-0.25	5.99E-01	-0.70	7.57E-01	-0.41	6.60E-01
MTL5	-0.25	5.99E-01	0.49	3.11E-01	-0.55	7.08E-01
ATP1B1	-0.25	5.99E-01	0.36	3.59E-01	0.61	2.72E-01
WIF1	-0.25	5.99E-01	0.57	2.84E-01	0.52	3.02E-01
OS9	-0.25	6.00E-01	-1.46	9.28E-01	0.41	3.41E-01
MEOX1	-0.25	6.00E-01	1.82	3.48E-02	0.58	2.81E-01
CPT2	-0.25	6.00E-01	1.32	9.38E-02	0.33	3.71E-01
UNC93A	-0.25	6.00E-01	-1.27	8.99E-01	-0.21	5.84E-01
ASCC1	-0.25	6.00E-01	0.56	2.88E-01	-0.08	5.32E-01
SOWAHA	-0.25	6.00E-01	-0.66	7.46E-01	-0.08	5.32E-01
MFRP	-0.25	6.00E-01	0.30	3.82E-01	-0.80	7.89E-01
MFRP	-0.25	6.00E-01	0.30	3.82E-01	-0.80	7.89E-01
C1QTNF5	-0.25	6.00E-01	0.30	3.82E-01	-0.80	7.89E-01
ASH1L	-0.25	6.00E-01	-0.29	6.15E-01	-0.31	6.23E-01
SYMPK	-0.25	6.00E-01	0.08	4.69E-01	-0.94	8.26E-01
FRAS1	-0.25	6.00E-01	1.08	1.40E-01	-0.28	6.11E-01
ACTR5	-0.25	6.00E-01	0.45	3.27E-01	2.20	1.39E-02
EXOC3L2	-0.25	6.00E-01	-0.15	5.58E-01	-0.39	6.52E-01
OR6J1	-0.25	6.00E-01	0.18	4.28E-01	0.33	3.72E-01
OR52E8	-0.25	6.00E-01	-0.31	6.23E-01	-1.01	8.44E-01
KLHL24	-0.25	6.00E-01	-0.26	6.04E-01	-0.77	7.80E-01
OLIG1	-0.25	6.00E-01	0.98	1.63E-01	0.37	3.57E-01
HIST1H1T	-0.25	6.00E-01	-0.67	7.49E-01	-0.95	8.29E-01
SYTL3	-0.25	6.00E-01	0.48	3.15E-01	1.57	5.83E-02
CRYGB	-0.25	6.00E-01	-0.98	8.36E-01	0.61	2.71E-01
PLEKHA4	-0.25	6.01E-01	0.39	3.48E-01	-1.12	8.69E-01
NFKBID	-0.26	6.01E-01	-0.52	6.97E-01	0.17	4.31E-01
NMT1	-0.26	6.01E-01	-1.16	8.77E-01	0.45	3.27E-01

OR56B1	-0.26	6.01E-01	0.69	2.45E-01	1.18	1.20E-01
PTHLH	-0.26	6.01E-01	-0.76	7.75E-01	-0.09	5.34E-01
FAIM2	-0.26	6.01E-01	-0.90	8.15E-01	0.37	3.54E-01
MYO5A	-0.26	6.01E-01	-0.60	7.25E-01	-0.58	7.18E-01
ACP1	-0.26	6.01E-01	-0.49	6.89E-01	-0.21	5.82E-01
SYCP2	-0.26	6.01E-01	1.11	1.35E-01	0.05	4.79E-01
NMRK1	-0.26	6.01E-01	1.86	3.14E-02	2.46	7.00E-03
CCL13	-0.26	6.01E-01	-0.73	7.67E-01	-0.27	6.07E-01
TMEM184B	-0.26	6.01E-01	-0.69	7.53E-01	-0.38	6.46E-01
SSU72	-0.26	6.01E-01	-0.06	5.24E-01	-0.94	8.25E-01
AGXT2	-0.26	6.01E-01	-0.07	5.27E-01	-0.36	6.40E-01
COX6A2	-0.26	6.01E-01	-2.19	9.86E-01	0.22	4.13E-01
LINC00935	-0.26	6.01E-01	0.62	2.69E-01	0.48	3.17E-01
CENPO	-0.26	6.01E-01	1.91	2.82E-02	0.29	3.87E-01
PTPN7	-0.26	6.01E-01	-0.89	8.12E-01	0.96	1.67E-01
TMEM67	-0.26	6.01E-01	-0.59	7.24E-01	-0.53	7.01E-01
KIAA0355	-0.26	6.01E-01	0.82	2.07E-01	-0.54	7.05E-01
DIRAS2	-0.26	6.02E-01	0.15	4.42E-01	0.03	4.90E-01
SPSB4	-0.26	6.02E-01	0.67	2.50E-01	0.15	4.41E-01
COL2A1	-0.26	6.02E-01	0.26	3.98E-01	-0.97	8.33E-01
MBIP	-0.26	6.02E-01	-0.30	6.19E-01	0.10	4.60E-01
TDRD1	-0.26	6.02E-01	0.10	4.59E-01	-0.09	5.36E-01
SLC35B4	-0.26	6.02E-01	0.31	3.80E-01	-1.41	9.20E-01
PDPK1	-0.26	6.02E-01	0.79	2.15E-01	-0.49	6.88E-01
BZW2	-0.26	6.02E-01	-0.81	7.91E-01	-0.63	7.35E-01
EBPL	-0.26	6.02E-01	0.11	4.55E-01	1.19	1.17E-01
KCNK6	-0.26	6.02E-01	0.19	4.25E-01	-0.26	6.01E-01
ADAM19	-0.26	6.02E-01	0.96	1.69E-01	-1.02	8.45E-01
RNF214	-0.26	6.02E-01	1.08	1.41E-01	0.73	2.32E-01
PCDH18	-0.26	6.02E-01	-0.26	6.03E-01	-0.29	6.12E-01
SOX13	-0.26	6.02E-01	-0.81	7.92E-01	0.24	4.04E-01



PPM1H	-0.26	6.02E-01	1.35	8.84E-02	0.39	3.49E-01
LCTL	-0.26	6.02E-01	-0.64	7.38E-01	0.05	4.82E-01
ZIM3	-0.26	6.02E-01	-0.48	6.84E-01	-1.02	8.47E-01
MYO3B	-0.26	6.02E-01	0.02	4.93E-01	0.11	4.57E-01
SIRPA	-0.26	6.02E-01	-1.82	9.65E-01	0.16	4.35E-01
FSCN1	-0.26	6.02E-01	0.48	3.16E-01	0.02	4.93E-01
KCNQ5	-0.26	6.03E-01	0.21	4.19E-01	-0.67	7.48E-01
SOGA1	-0.26	6.03E-01	0.28	3.91E-01	1.21	1.13E-01
TCP11	-0.26	6.03E-01	-0.25	5.98E-01	-0.24	5.96E-01
MRPL21	-0.26	6.03E-01	0.29	3.85E-01	-1.01	8.43E-01
SCGB2A2	-0.26	6.03E-01	-0.13	5.52E-01	0.27	3.92E-01
CARKD	-0.26	6.03E-01	-1.17	8.79E-01	1.01	1.57E-01
DGKB	-0.26	6.03E-01	1.05	1.46E-01	-0.74	7.71E-01
C1orf87	-0.26	6.03E-01	-1.32	9.06E-01	-0.42	6.62E-01
RIPPLY3	-0.26	6.03E-01	0.22	4.13E-01	-0.41	6.59E-01
ZNF254	-0.26	6.03E-01	-0.17	5.67E-01	-0.74	7.70E-01
FAM83C	-0.26	6.03E-01	-0.67	7.49E-01	-0.28	6.09E-01
KRT1	-0.26	6.03E-01	0.83	2.03E-01	0.16	4.38E-01
WNT2	-0.26	6.03E-01	0.49	3.13E-01	-0.83	7.96E-01
VAMP5	-0.26	6.03E-01	-0.07	5.26E-01	0.04	4.85E-01
KAT2A	-0.26	6.03E-01	0.37	3.55E-01	-0.46	6.78E-01
RCN1	-0.26	6.03E-01	-0.85	8.02E-01	-0.08	5.30E-01
HEATR2	-0.26	6.03E-01	-0.52	7.00E-01	0.26	3.98E-01
KIF3A	-0.26	6.03E-01	1.98	2.38E-02	1.17	1.21E-01
SYCP2L	-0.26	6.03E-01	0.28	3.89E-01	0.96	1.70E-01
DNAJB7	-0.26	6.03E-01	-1.04	8.52E-01	0.36	3.61E-01
EFNA3	-0.26	6.04E-01	0.30	3.81E-01	-1.09	8.63E-01
GRAMD4	-0.26	6.04E-01	-0.39	6.50E-01	-0.60	7.25E-01
HOXD12	-0.26	6.04E-01	-0.34	6.32E-01	-0.33	6.28E-01
SLC41A1	-0.26	6.04E-01	-0.34	6.34E-01	-0.95	8.30E-01
ATP6V0A1	-0.26	6.04E-01	-1.15	8.75E-01	-0.56	7.14E-01

F11R	-0.26	6.04E-01	-0.22	5.89E-01	2.05	2.00E-02
IL12RB1	-0.26	6.04E-01	-1.62	9.47E-01	0.69	2.46E-01
CPNE2	-0.26	6.04E-01	-0.80	7.90E-01	-0.06	5.25E-01
DCUN1D4	-0.26	6.04E-01	0.44	3.30E-01	-0.49	6.88E-01
GPR17	-0.26	6.04E-01	-0.29	6.14E-01	1.18	1.19E-01
HDGF	-0.26	6.04E-01	0.06	4.75E-01	0.12	4.54E-01
ST8SIA3	-0.26	6.04E-01	-0.62	7.32E-01	-0.40	6.54E-01
CYP3A43	-0.27	6.05E-01	-0.96	8.31E-01	-0.42	6.63E-01
PRAP1	-0.27	6.05E-01	-1.50	9.34E-01	0.99	1.61E-01
HEG1	-0.27	6.05E-01	-0.50	6.91E-01	0.54	2.96E-01
SLC13A5	-0.27	6.05E-01	0.39	3.49E-01	-0.93	8.24E-01
LAX1	-0.27	6.05E-01	-0.40	6.55E-01	0.02	4.92E-01
CCDC107	-0.27	6.05E-01	-0.42	6.62E-01	0.70	2.42E-01
RBM15	-0.27	6.05E-01	-0.05	5.21E-01	-1.67	9.52E-01
E2F1	-0.27	6.05E-01	0.08	4.68E-01	-1.55	9.39E-01
QPRT	-0.27	6.05E-01	-1.38	9.16E-01	0.32	3.73E-01
CREBRF	-0.27	6.05E-01	0.59	2.77E-01	-0.01	5.04E-01
CASR	-0.27	6.05E-01	0.72	2.37E-01	-0.87	8.09E-01
TEX37	-0.27	6.05E-01	-0.28	6.11E-01	-0.25	6.00E-01
HNRNPA1	-0.27	6.05E-01	0.49	3.11E-01	0.26	3.97E-01
BIN1	-0.27	6.05E-01	-0.11	5.43E-01	-1.72	9.57E-01
PLEKHB2	-0.27	6.05E-01	-0.78	7.81E-01	-0.32	6.26E-01
SPRYD4	-0.27	6.06E-01	0.57	2.84E-01	-0.87	8.08E-01
LGALS12	-0.27	6.06E-01	-0.78	7.81E-01	-0.57	7.15E-01
RETSAT	-0.27	6.06E-01	-0.48	6.84E-01	-0.01	5.05E-01
SLC7A6	-0.27	6.06E-01	-0.40	6.57E-01	1.39	8.30E-02
FN1	-0.27	6.06E-01	-0.96	8.31E-01	0.72	2.35E-01
FAM81B	-0.27	6.06E-01	0.04	4.84E-01	-0.61	7.29E-01
RTN4RL1	-0.27	6.06E-01	-0.95	8.28E-01	-0.56	7.13E-01
ZNF7	-0.27	6.06E-01	-0.12	5.47E-01	-1.62	9.47E-01
RNF168	-0.27	6.06E-01	0.52	3.01E-01	-0.38	6.49E-01

USP41	-0.27	6.06E-01	-0.32	6.24E-01	-1.13	8.70E-01
MYOM2	-0.27	6.06E-01	-1.27	8.99E-01	0.92	1.78E-01
NUDCD2	-0.27	6.06E-01	-0.26	6.02E-01	-0.49	6.87E-01
DGKQ	-0.27	6.06E-01	0.08	4.68E-01	1.53	6.32E-02
EIF3L	-0.27	6.06E-01	-0.46	6.77E-01	-0.72	7.64E-01
TRIB3	-0.27	6.06E-01	-0.65	7.44E-01	0.50	3.08E-01
GCAT	-0.27	6.06E-01	-0.28	6.08E-01	-1.42	9.22E-01
LNX2	-0.27	6.07E-01	0.25	4.03E-01	-1.95	9.74E-01
LCE3D	-0.27	6.07E-01	-0.72	7.66E-01	-0.61	7.30E-01
CBS	-0.27	6.07E-01	0.13	4.47E-01	-1.34	9.09E-01
OPRK1	-0.27	6.07E-01	0.79	2.14E-01	-0.83	7.97E-01
INTS6	-0.27	6.07E-01	0.36	3.59E-01	-0.90	8.15E-01
FASLG	-0.27	6.07E-01	-0.92	8.21E-01	0.37	3.58E-01
SPATA5L1	-0.27	6.07E-01	0.04	4.85E-01	-1.37	9.15E-01
PDXK	-0.27	6.07E-01	-0.48	6.83E-01	-0.73	7.67E-01
GPR83	-0.27	6.07E-01	0.13	4.47E-01	-1.69	9.54E-01
LRRC16B	-0.27	6.07E-01	-0.78	7.83E-01	0.06	4.78E-01
NRSN1	-0.27	6.07E-01	-0.62	7.31E-01	0.16	4.35E-01
CTTNBP2NL	-0.27	6.07E-01	0.43	3.35E-01	-0.62	7.33E-01
KBTBD4	-0.27	6.07E-01	1.25	1.06E-01	0.02	4.93E-01
FDPS	-0.27	6.07E-01	-0.20	5.78E-01	-0.89	8.12E-01
NOV	-0.27	6.07E-01	0.11	4.57E-01	-1.13	8.70E-01
RRM1	-0.27	6.07E-01	-0.11	5.44E-01	-1.00	8.41E-01
GSTO1	-0.27	6.07E-01	0.04	4.84E-01	0.59	2.78E-01
RNF181	-0.27	6.08E-01	0.29	3.87E-01	-0.41	6.57E-01
ADAM22	-0.27	6.08E-01	-0.07	5.27E-01	-0.39	6.51E-01
ZNF627	-0.27	6.08E-01	0.41	3.43E-01	-0.36	6.39E-01
ACE	-0.27	6.08E-01	-0.14	5.56E-01	2.28	1.12E-02
TMEM221	-0.27	6.08E-01	0.26	3.98E-01	0.44	3.31E-01
ARHGEF17	-0.27	6.08E-01	-1.42	9.22E-01	0.35	3.63E-01
USHBP1	-0.27	6.08E-01	0.14	4.46E-01	-0.09	5.38E-01

SCFD2	-0.27	6.08E-01	-0.55	7.09E-01	0.26	3.98E-01
ERMARD	-0.27	6.08E-01	-1.59	9.44E-01	0.52	3.02E-01
BDP1	-0.27	6.08E-01	0.10	4.59E-01	-0.65	7.43E-01
TAS2R4	-0.27	6.08E-01	-0.06	5.24E-01	-0.83	7.95E-01
GALNT2	-0.27	6.08E-01	-0.89	8.13E-01	-0.70	7.58E-01
TATDN2	-0.27	6.08E-01	-0.43	6.67E-01	-0.74	7.71E-01
ZNF343	-0.28	6.08E-01	0.82	2.07E-01	-0.55	7.09E-01
GSTA4	-0.28	6.09E-01	-0.84	8.00E-01	0.32	3.74E-01
AKR1A1	-0.28	6.09E-01	0.81	2.09E-01	-0.39	6.53E-01
ARHGEF39	-0.28	6.09E-01	-0.92	8.21E-01	0.79	2.16E-01
METAP1D	-0.28	6.09E-01	0.82	2.05E-01	-1.41	9.21E-01
SETD3	-0.28	6.09E-01	1.18	1.19E-01	-0.04	5.18E-01
PPP1R16A	-0.28	6.09E-01	-0.08	5.32E-01	-0.98	8.36E-01
MPC2	-0.28	6.09E-01	-0.67	7.49E-01	-0.20	5.80E-01
KLF16	-0.28	6.09E-01	0.29	3.85E-01	-0.92	8.21E-01
PRMT10	-0.28	6.09E-01	-0.55	7.08E-01	-0.41	6.59E-01
PHF19	-0.28	6.09E-01	0.48	3.16E-01	-0.15	5.59E-01
METTL16	-0.28	6.09E-01	0.84	2.00E-01	-0.39	6.51E-01
ST8SIA6	-0.28	6.09E-01	-0.62	7.34E-01	0.34	3.67E-01
AAR2	-0.28	6.09E-01	-0.85	8.03E-01	-0.63	7.37E-01
TAGLN	-0.28	6.09E-01	-0.64	7.38E-01	-1.14	8.74E-01
MYBPH	-0.28	6.09E-01	-0.31	6.23E-01	0.33	3.72E-01
NAP1L4	-0.28	6.10E-01	0.76	2.22E-01	0.41	3.42E-01
PCSK6	-0.28	6.10E-01	0.42	3.37E-01	0.96	1.69E-01
TMC4	-0.28	6.10E-01	-0.69	7.53E-01	0.66	2.55E-01
RAB17	-0.28	6.10E-01	-0.87	8.08E-01	0.64	2.63E-01
SLC6A19	-0.28	6.10E-01	-1.05	8.54E-01	0.06	4.75E-01
CYP2C18	-0.28	6.10E-01	1.27	1.01E-01	0.41	3.42E-01
CLDN9	-0.28	6.10E-01	0.16	4.35E-01	-2.53	9.94E-01
VSX2	-0.28	6.10E-01	-0.81	7.90E-01	-0.46	6.78E-01
UCK2	-0.28	6.10E-01	0.23	4.10E-01	1.76	3.94E-02

GSTA5	-0.28	6.10E-01	-1.22	8.89E-01	-0.53	7.04E-01
ACTR6	-0.28	6.10E-01	-0.46	6.76E-01	0.27	3.94E-01
NOMO3	-0.28	6.10E-01	-0.47	6.82E-01	0.58	2.80E-01
ENOSF1	-0.28	6.10E-01	1.39	8.15E-02	-0.38	6.49E-01
ACSM2A	-0.28	6.10E-01	0.48	3.16E-01	-0.80	7.87E-01
NR5A1	-0.28	6.10E-01	-0.04	5.17E-01	-0.95	8.28E-01
SETD9	-0.28	6.10E-01	0.56	2.86E-01	0.12	4.53E-01
PHKG2	-0.28	6.10E-01	0.64	2.61E-01	0.76	2.23E-01
ANKRD33	-0.28	6.10E-01	0.50	3.10E-01	-0.83	7.98E-01
DPY19L3	-0.28	6.10E-01	2.37	8.95E-03	-0.08	5.32E-01
PRKD3	-0.28	6.10E-01	-0.12	5.49E-01	-0.11	5.43E-01
C21orf90	-0.28	6.10E-01	1.69	4.54E-02	0.90	1.85E-01
BDH1	-0.28	6.11E-01	0.14	4.46E-01	-2.23	9.87E-01
CCK	-0.28	6.11E-01	-0.41	6.60E-01	1.02	1.53E-01
AMZ2	-0.28	6.11E-01	0.16	4.37E-01	-0.66	7.47E-01
KRT222	-0.28	6.11E-01	-0.43	6.65E-01	-0.12	5.49E-01
ATP1B3	-0.28	6.11E-01	-1.19	8.83E-01	0.02	4.92E-01
RBM33	-0.28	6.11E-01	-0.67	7.49E-01	-1.05	8.53E-01
GABARAPL1	-0.28	6.11E-01	0.54	2.93E-01	-1.71	9.57E-01
LARS	-0.28	6.11E-01	0.85	1.97E-01	0.24	4.04E-01
HOMER1	-0.28	6.11E-01	-1.68	9.53E-01	0.33	3.71E-01
CHST4	-0.28	6.11E-01	-0.71	7.61E-01	1.15	1.26E-01
ZNF679	-0.28	6.11E-01	-0.04	5.15E-01	0.46	3.23E-01
SYNGR1	-0.28	6.11E-01	0.08	4.67E-01	-0.98	8.36E-01
DMGDH	-0.28	6.11E-01	-0.54	7.04E-01	-0.07	5.28E-01
PFKM	-0.28	6.11E-01	0.24	4.07E-01	-1.93	9.73E-01
HCFC2	-0.28	6.11E-01	-0.90	8.17E-01	-0.05	5.19E-01
CASC10	-0.28	6.11E-01	-0.53	7.03E-01	-0.92	8.20E-01
HIST1H4I	-0.28	6.11E-01	1.77	3.85E-02	1.05	1.46E-01
OR56B4	-0.28	6.11E-01	-0.73	7.67E-01	-0.02	5.09E-01
YIPF3	-0.28	6.12E-01	-1.03	8.48E-01	-0.56	7.13E-01

ALKBH4	-0.28	6.12E-01	0.40	3.44E-01	-0.90	8.17E-01
MAP6	-0.28	6.12E-01	0.00	4.99E-01	-1.29	9.02E-01
DPP10	-0.28	6.12E-01	0.53	2.97E-01	-0.28	6.10E-01
CYHR1	-0.28	6.12E-01	-0.41	6.58E-01	-1.02	8.46E-01
HSD17B2	-0.28	6.12E-01	-0.49	6.89E-01	-0.32	6.27E-01
TICRR	-0.28	6.12E-01	0.53	2.98E-01	-1.50	9.33E-01
CDC7	-0.28	6.12E-01	-1.22	8.89E-01	-0.32	6.27E-01
43355	-0.28	6.12E-01	-0.38	6.47E-01	-0.21	5.84E-01
FXYD7	-0.28	6.12E-01	0.83	2.05E-01	1.35	8.90E-02
PRPF6	-0.28	6.12E-01	-1.24	8.92E-01	0.10	4.59E-01
IKBKE	-0.28	6.12E-01	-1.45	9.27E-01	-0.02	5.10E-01
FAM47E	-0.28	6.12E-01	-0.17	5.66E-01	-0.44	6.72E-01
BET1	-0.28	6.12E-01	-0.20	5.79E-01	-0.10	5.38E-01
GMEB2	-0.29	6.12E-01	-0.37	6.45E-01	-1.27	8.97E-01
CHGA	-0.29	6.12E-01	-1.12	8.70E-01	0.72	2.37E-01
OPLAH	-0.29	6.12E-01	-0.45	6.75E-01	-0.66	7.44E-01
TSC22D2	-0.29	6.12E-01	-0.57	7.14E-01	1.07	1.41E-01
ATF6	-0.29	6.12E-01	-0.02	5.07E-01	-0.51	6.94E-01
CISD3	-0.29	6.12E-01	0.24	4.04E-01	0.54	2.96E-01
FERMT3	-0.29	6.13E-01	0.64	2.61E-01	-0.04	5.15E-01
S100A10	-0.29	6.13E-01	1.44	7.48E-02	-0.73	7.67E-01
CAD	-0.29	6.13E-01	-1.02	8.47E-01	0.16	4.35E-01
SMAD6	-0.29	6.13E-01	-1.77	9.61E-01	0.62	2.68E-01
SCMH1	-0.29	6.13E-01	0.34	3.67E-01	-2.06	9.80E-01
EPHA7	-0.29	6.13E-01	-1.05	8.53E-01	0.65	2.58E-01
TRDN	-0.29	6.13E-01	0.43	3.34E-01	-0.31	6.23E-01
RGS9	-0.29	6.13E-01	-0.39	6.50E-01	0.60	2.75E-01
ZNF860	-0.29	6.13E-01	-0.46	6.77E-01	0.62	2.68E-01
SIKE1	-0.29	6.13E-01	-2.00	9.77E-01	0.12	4.54E-01
GPR78	-0.29	6.13E-01	-1.08	8.59E-01	-0.26	6.03E-01
TMEM230	-0.29	6.13E-01	-0.95	8.29E-01	-0.13	5.51E-01

PTAFR	-0.29	6.13E-01	-0.83	7.96E-01	0.99	1.61E-01
PWP2	-0.29	6.13E-01	-0.32	6.25E-01	-0.10	5.41E-01
CD300C	-0.29	6.14E-01	-0.02	5.10E-01	0.65	2.57E-01
LPPR4	-0.29	6.14E-01	-1.58	9.43E-01	-0.29	6.13E-01
C9orf92	-0.29	6.14E-01	0.90	1.83E-01	-1.96	9.75E-01
SLC7A1	-0.29	6.14E-01	0.93	1.77E-01	-1.79	9.63E-01
TM6SF2	-0.29	6.14E-01	-1.53	9.37E-01	-0.21	5.84E-01
ARHGEF19	-0.29	6.14E-01	-1.27	8.99E-01	-0.27	6.05E-01
PLAC8L1	-0.29	6.14E-01	0.90	1.84E-01	0.31	3.77E-01
TMC3	-0.29	6.14E-01	0.24	4.05E-01	0.94	1.73E-01
P2RY11	-0.29	6.14E-01	-1.80	9.64E-01	0.44	3.29E-01
WDR83	-0.29	6.14E-01	-0.12	5.48E-01	-0.69	7.53E-01
PKHD1L1	-0.29	6.14E-01	-1.64	9.50E-01	0.16	4.35E-01
ABCC11	-0.29	6.14E-01	-1.29	9.01E-01	0.25	4.01E-01
FRAT1	-0.29	6.14E-01	0.65	2.57E-01	0.39	3.50E-01
HTN1	-0.29	6.14E-01	-0.25	5.99E-01	-0.31	6.21E-01
STXBP4	-0.29	6.14E-01	0.63	2.63E-01	0.56	2.88E-01
OTUD4	-0.29	6.14E-01	0.50	3.10E-01	0.18	4.29E-01
LHX3	-0.29	6.14E-01	-0.69	7.55E-01	-0.98	8.37E-01
OR52K2	-0.29	6.14E-01	-0.09	5.36E-01	-0.13	5.51E-01
MCM4	-0.29	6.14E-01	1.32	9.42E-02	0.24	4.06E-01
ERI3	-0.29	6.14E-01	-1.70	9.56E-01	0.33	3.70E-01
ATP5L2	-0.29	6.14E-01	-0.82	7.95E-01	0.49	3.12E-01
DGKD	-0.29	6.15E-01	-0.34	6.34E-01	-0.24	5.94E-01
FZD4	-0.29	6.15E-01	0.46	3.24E-01	-0.27	6.07E-01
CSTL1	-0.29	6.15E-01	0.12	4.52E-01	-1.34	9.09E-01
ELMO1	-0.29	6.15E-01	0.10	4.60E-01	-2.41	9.92E-01
CEP135	-0.29	6.15E-01	-0.08	5.30E-01	0.93	1.77E-01
DMRTA2	-0.29	6.15E-01	-0.04	5.17E-01	-1.72	9.57E-01
BSG	-0.29	6.15E-01	0.44	3.29E-01	-0.07	5.27E-01
ICK	-0.29	6.15E-01	0.66	2.54E-01	-1.93	9.73E-01

GOS2	-0.29	6.15E-01	0.99	1.60E-01	0.99	1.61E-01
PTTG1	-0.29	6.15E-01	0.03	4.90E-01	-0.07	5.27E-01
UBASH3B	-0.29	6.15E-01	-1.51	9.35E-01	0.29	3.85E-01
TCTE1	-0.29	6.15E-01	-0.39	6.51E-01	-1.78	9.62E-01
MIER2	-0.29	6.15E-01	-0.64	7.39E-01	-0.73	7.68E-01
FAHD1	-0.29	6.15E-01	-0.45	6.75E-01	-0.56	7.14E-01
FBXO2	-0.29	6.15E-01	-0.27	6.05E-01	-0.36	6.41E-01
RDH5	-0.29	6.15E-01	0.00	4.98E-01	-1.40	9.19E-01
NUGGC	-0.29	6.15E-01	-0.84	7.99E-01	-0.71	7.60E-01
SMIM22	-0.29	6.15E-01	0.95	1.70E-01	-0.41	6.58E-01
ANKRD13B	-0.29	6.15E-01	-0.23	5.93E-01	-0.81	7.92E-01
C6orf195	-0.29	6.15E-01	0.49	3.12E-01	-0.98	8.37E-01
SUSD5	-0.29	6.15E-01	-0.12	5.47E-01	-1.40	9.19E-01
SPDYA	-0.29	6.15E-01	1.33	9.12E-02	-0.28	6.10E-01
CEP19	-0.29	6.16E-01	-0.50	6.92E-01	-0.95	8.29E-01
BST1	-0.29	6.16E-01	-0.19	5.77E-01	-0.69	7.54E-01
SPRR1A	-0.29	6.16E-01	-0.45	6.74E-01	-1.09	8.62E-01
LYZL6	-0.29	6.16E-01	-1.12	8.69E-01	-0.41	6.61E-01
NANOG	-0.29	6.16E-01	0.55	2.91E-01	-0.60	7.27E-01
PRM2	-0.30	6.16E-01	0.47	3.17E-01	0.71	2.39E-01
CREBBP	-0.30	6.16E-01	-1.38	9.16E-01	1.00	1.58E-01
FCAMR	-0.30	6.16E-01	1.28	1.00E-01	1.48	6.96E-02
CACNB3	-0.30	6.16E-01	-0.60	7.26E-01	0.84	2.01E-01
ZNF512B	-0.30	6.16E-01	-0.56	7.11E-01	-0.15	5.61E-01
SGTB	-0.30	6.16E-01	-0.31	6.20E-01	1.81	3.53E-02
KIF24	-0.30	6.16E-01	-1.10	8.63E-01	0.34	3.67E-01
TAS2R38	-0.30	6.17E-01	-0.43	6.67E-01	0.24	4.07E-01
MIP	-0.30	6.17E-01	-0.40	6.56E-01	-0.84	7.98E-01
BLM	-0.30	6.17E-01	-0.17	5.68E-01	-0.62	7.31E-01
TPPP2	-0.30	6.17E-01	1.10	1.36E-01	-0.16	5.63E-01
ERCC5	-0.30	6.17E-01	0.96	1.69E-01	-1.09	8.62E-01



TRIM21	-0.30	6.17E-01	-1.70	9.55E-01	0.14	4.45E-01
CYP3A7	-0.30	6.17E-01	-0.48	6.85E-01	-0.81	7.91E-01
ABHD13	-0.30	6.17E-01	0.01	4.96E-01	0.75	2.26E-01
PPFIBP2	-0.30	6.17E-01	0.04	4.83E-01	-0.51	6.96E-01
DAGLB	-0.30	6.17E-01	-0.01	5.04E-01	0.29	3.84E-01
GAS6	-0.30	6.17E-01	-0.81	7.90E-01	0.10	4.59E-01
RGS22	-0.30	6.17E-01	-0.13	5.51E-01	-0.08	5.31E-01
TNC	-0.30	6.17E-01	-0.12	5.47E-01	-0.77	7.80E-01
NDUFA4L2	-0.30	6.17E-01	-1.02	8.47E-01	-0.40	6.55E-01
SGK3	-0.30	6.17E-01	0.21	4.18E-01	-1.42	9.22E-01
TMEM99	-0.30	6.18E-01	0.44	3.29E-01	-0.28	6.10E-01
MEST	-0.30	6.18E-01	0.25	4.00E-01	-1.10	8.65E-01
C8orf44-SGK3	-0.30	6.18E-01	0.17	4.32E-01	-1.40	9.19E-01
DPY19L4	-0.30	6.18E-01	-1.06	8.54E-01	-0.61	7.28E-01
CHD5	-0.30	6.18E-01	0.40	3.44E-01	-1.36	9.13E-01
TATDN3	-0.30	6.18E-01	-0.67	7.48E-01	0.62	2.66E-01
ATXN3	-0.30	6.18E-01	-0.04	5.14E-01	-1.39	9.18E-01
ZNF131	-0.30	6.18E-01	-0.27	6.05E-01	-0.22	5.86E-01
TMEM119	-0.30	6.18E-01	0.93	1.77E-01	0.17	4.31E-01
PGAP1	-0.30	6.18E-01	-0.04	5.14E-01	-0.45	6.75E-01
IL13	-0.30	6.18E-01	-1.18	8.82E-01	0.56	2.86E-01
BACH2	-0.30	6.18E-01	0.27	3.92E-01	1.66	4.81E-02
NIPA1	-0.30	6.18E-01	0.75	2.26E-01	-1.07	8.58E-01
GALR3	-0.30	6.18E-01	0.55	2.92E-01	-0.86	8.04E-01
TMEM135	-0.30	6.18E-01	1.06	1.44E-01	0.98	1.63E-01
RRNAD1	-0.30	6.18E-01	0.67	2.51E-01	0.42	3.39E-01
SNX13	-0.30	6.19E-01	1.75	3.98E-02	0.81	2.10E-01
CYP4F11	-0.30	6.19E-01	0.11	4.56E-01	-1.08	8.61E-01
ZNF782	-0.30	6.19E-01	-1.10	8.64E-01	0.10	4.58E-01
ELMOD1	-0.30	6.19E-01	-0.37	6.43E-01	-1.06	8.55E-01
IL17RC	-0.30	6.19E-01	0.06	4.76E-01	0.24	4.07E-01

AKAP1	-0.30	6.19E-01	-1.35	9.12E-01	0.14	4.42E-01
ZNF492	-0.30	6.19E-01	-0.66	7.46E-01	-0.35	6.37E-01
PTGS1	-0.30	6.19E-01	0.84	2.02E-01	-0.44	6.69E-01
DHX33	-0.30	6.19E-01	-0.80	7.88E-01	1.20	1.14E-01
HPS1	-0.30	6.19E-01	-0.03	5.13E-01	0.26	3.99E-01
KIF13B	-0.30	6.19E-01	0.97	1.66E-01	2.35	9.45E-03
PRKAB1	-0.30	6.19E-01	0.82	2.07E-01	1.63	5.19E-02
NR4A3	-0.30	6.19E-01	-0.02	5.07E-01	-0.34	6.31E-01
BRD1	-0.30	6.19E-01	0.74	2.30E-01	-1.63	9.48E-01
MICALL1	-0.30	6.19E-01	-1.03	8.49E-01	0.20	4.22E-01
LRRIQ3	-0.30	6.19E-01	-0.78	7.81E-01	-1.08	8.60E-01
HCST	-0.30	6.19E-01	-0.37	6.45E-01	0.53	2.98E-01
NDUFA5	-0.30	6.19E-01	-0.47	6.81E-01	-0.25	6.00E-01
CEMP1	-0.30	6.19E-01	0.87	1.93E-01	-0.26	6.02E-01
RNF216	-0.30	6.19E-01	-0.89	8.13E-01	0.33	3.72E-01
CYP24A1	-0.30	6.19E-01	0.24	4.06E-01	0.05	4.79E-01
DDX4	-0.30	6.19E-01	-1.37	9.15E-01	0.76	2.24E-01
GTSCR1	-0.30	6.19E-01	-0.06	5.24E-01	-0.62	7.32E-01
GBGT1	-0.30	6.20E-01	-0.49	6.89E-01	0.26	3.96E-01
MPP5	-0.30	6.20E-01	-0.25	6.00E-01	0.00	5.01E-01
WDR54	-0.30	6.20E-01	-0.59	7.24E-01	-0.64	7.39E-01
ZNF251	-0.30	6.20E-01	-0.91	8.18E-01	-0.34	6.34E-01
LMNA	-0.30	6.20E-01	-0.47	6.81E-01	-0.42	6.64E-01
RDX	-0.30	6.20E-01	-0.43	6.68E-01	-1.18	8.82E-01
PAM16	-0.30	6.20E-01	-0.64	7.38E-01	1.03	1.51E-01
RIF1	-0.31	6.20E-01	-0.13	5.53E-01	1.07	1.42E-01
PHACTR2	-0.31	6.20E-01	-0.69	7.55E-01	-0.59	7.24E-01
EPO	-0.31	6.20E-01	-0.34	6.31E-01	0.13	4.49E-01
F13A1	-0.31	6.20E-01	-1.79	9.64E-01	-1.10	8.63E-01
IL15	-0.31	6.20E-01	0.30	3.82E-01	1.30	9.64E-02
KIAA1211L	-0.31	6.20E-01	-0.19	5.77E-01	-0.03	5.10E-01

EVA1C	-0.31	6.20E-01	-0.15	5.58E-01	0.60	2.74E-01
DIP2A	-0.31	6.20E-01	-0.80	7.89E-01	1.57	5.78E-02
ZNF425	-0.31	6.21E-01	-0.78	7.81E-01	0.64	2.62E-01
GPX3	-0.31	6.21E-01	-0.90	8.16E-01	1.29	9.83E-02
BFSP2	-0.31	6.21E-01	0.03	4.88E-01	-0.55	7.07E-01
MACC1	-0.31	6.21E-01	-0.71	7.62E-01	0.13	4.48E-01
IL37	-0.31	6.21E-01	0.13	4.49E-01	1.70	4.45E-02
CR1L	-0.31	6.21E-01	0.54	2.95E-01	-0.66	7.46E-01
PDCD7	-0.31	6.21E-01	-0.62	7.31E-01	-0.31	6.23E-01
CACNB1	-0.31	6.21E-01	0.96	1.68E-01	0.96	1.69E-01
ADIPOR1	-0.31	6.21E-01	-1.79	9.63E-01	0.53	3.00E-01
STAMBPL1	-0.31	6.21E-01	-0.90	8.17E-01	-0.39	6.52E-01
CEACAM7	-0.31	6.21E-01	1.20	1.16E-01	-0.65	7.42E-01
SDF2L1	-0.31	6.21E-01	1.07	1.43E-01	1.06	1.44E-01
MRPS16	-0.31	6.21E-01	-0.89	8.13E-01	-0.32	6.26E-01
ODF3L1	-0.31	6.21E-01	0.06	4.77E-01	-0.40	6.56E-01
KRBOX1	-0.31	6.21E-01	-0.31	6.22E-01	0.65	2.57E-01
SEMA3C	-0.31	6.21E-01	1.31	9.47E-02	0.19	4.27E-01
IFT43	-0.31	6.21E-01	-0.48	6.84E-01	-0.75	7.74E-01
KIF21B	-0.31	6.21E-01	-0.14	5.55E-01	-0.03	5.13E-01
KLF5	-0.31	6.21E-01	-1.12	8.69E-01	1.51	6.59E-02
GAB1	-0.31	6.21E-01	0.17	4.33E-01	2.25	1.21E-02
OR10G4	-0.31	6.21E-01	-0.25	6.00E-01	-0.71	7.62E-01
SPATA2	-0.31	6.21E-01	0.02	4.92E-01	-1.70	9.55E-01
DEFB133	-0.31	6.21E-01	-0.51	6.94E-01	-0.22	5.89E-01
ALDH3B1	-0.31	6.21E-01	-0.30	6.18E-01	0.98	1.63E-01
RP11-512M8.5	-0.31	6.21E-01	-0.28	6.10E-01	-0.28	6.11E-01
USP15	-0.31	6.21E-01	0.32	3.75E-01	0.47	3.18E-01
GMFB	-0.31	6.21E-01	0.49	3.14E-01	-1.24	8.93E-01
FAM193B	-0.31	6.22E-01	-0.82	7.94E-01	-1.07	8.57E-01
DTNA	-0.31	6.22E-01	2.25	1.23E-02	0.89	1.86E-01

TMEM240	-0.31	6.22E-01	-0.29	6.15E-01	-0.70	7.59E-01
C1QC	-0.31	6.22E-01	-0.92	8.20E-01	0.63	2.66E-01
ACACB	-0.31	6.22E-01	0.52	3.02E-01	0.65	2.59E-01
HIVEP1	-0.31	6.22E-01	-0.22	5.89E-01	-0.90	8.15E-01
COX11	-0.31	6.22E-01	0.37	3.55E-01	1.33	9.19E-02
FAR1	-0.31	6.22E-01	-0.14	5.57E-01	0.68	2.50E-01
FDXR	-0.31	6.22E-01	-0.83	7.98E-01	0.12	4.52E-01
OR51S1	-0.31	6.22E-01	0.64	2.62E-01	-1.47	9.29E-01
ARID5A	-0.31	6.22E-01	-0.30	6.19E-01	-1.26	8.96E-01
FCGR2B	-0.31	6.22E-01	-0.25	5.97E-01	-1.19	8.82E-01
OSTM1	-0.31	6.22E-01	0.20	4.19E-01	-1.56	9.41E-01
SEPN1	-0.31	6.22E-01	-0.32	6.24E-01	-0.94	8.26E-01
JAK3	-0.31	6.22E-01	-0.30	6.17E-01	0.06	4.78E-01
XKR8	-0.31	6.22E-01	-0.27	6.08E-01	1.56	5.92E-02
C9orf152	-0.31	6.22E-01	0.93	1.77E-01	0.93	1.76E-01
TSACC	-0.31	6.22E-01	-0.17	5.69E-01	-0.72	7.63E-01
GLIS1	-0.31	6.22E-01	0.20	4.22E-01	-1.57	9.42E-01
LURAP1L	-0.31	6.22E-01	-1.16	8.77E-01	-0.41	6.61E-01
MCMDC2	-0.31	6.22E-01	0.29	3.86E-01	-1.24	8.92E-01
SIX1	-0.31	6.23E-01	-0.53	7.02E-01	0.28	3.89E-01
AC106876.2	-0.31	6.23E-01	-0.21	5.82E-01	1.84	3.31E-02
TBC1D4	-0.31	6.23E-01	-0.70	7.58E-01	-1.20	8.84E-01
S100A4	-0.31	6.23E-01	0.12	4.51E-01	0.94	1.72E-01
S1PR3	-0.31	6.23E-01	-0.14	5.57E-01	-0.18	5.70E-01
ABAT	-0.31	6.23E-01	-0.36	6.42E-01	2.69	3.57E-03
BAIAP2L2	-0.31	6.23E-01	-1.04	8.52E-01	-0.25	5.97E-01
C2orf61	-0.31	6.23E-01	-0.03	5.13E-01	-1.78	9.62E-01
SYNGR2	-0.31	6.23E-01	0.77	2.20E-01	-0.99	8.40E-01
LRRTM3	-0.31	6.23E-01	1.60	5.52E-02	0.31	3.80E-01
C7orf69	-0.31	6.23E-01	-0.88	8.10E-01	0.72	2.36E-01
MTIF2	-0.31	6.23E-01	-0.53	7.02E-01	-0.83	7.98E-01

SLC39A1	-0.31	6.23E-01	-0.42	6.64E-01	1.88	3.00E-02
RBM15B	-0.31	6.23E-01	-0.30	6.20E-01	-0.40	6.56E-01
ANKRD34A	-0.31	6.23E-01	0.33	3.70E-01	-0.34	6.31E-01
FTL	-0.31	6.23E-01	-0.54	7.07E-01	-1.18	8.81E-01
RPAP1	-0.31	6.23E-01	-0.05	5.19E-01	-1.41	9.21E-01
USP29	-0.31	6.23E-01	-0.56	7.11E-01	-1.26	8.96E-01
SORCS3	-0.31	6.23E-01	1.02	1.54E-01	-0.87	8.09E-01
RPS6	-0.31	6.23E-01	-0.98	8.36E-01	0.36	3.60E-01
SLC19A1	-0.31	6.24E-01	0.39	3.47E-01	-0.44	6.71E-01
DOK2	-0.31	6.24E-01	0.06	4.75E-01	-1.62	9.47E-01
EPB41L1	-0.31	6.24E-01	-0.66	7.47E-01	-0.78	7.82E-01
CLEC2A	-0.32	6.24E-01	-0.09	5.37E-01	-1.39	9.17E-01
PRPH2	-0.32	6.24E-01	-0.05	5.18E-01	-0.66	7.44E-01
MYCBP2	-0.32	6.24E-01	0.55	2.92E-01	-0.67	7.50E-01
TMEM261	-0.32	6.24E-01	-0.06	5.25E-01	-0.04	5.17E-01
MRPS10	-0.32	6.24E-01	-0.42	6.61E-01	-1.21	8.87E-01
PPM1G	-0.32	6.24E-01	-0.36	6.41E-01	1.48	6.93E-02
BMP4	-0.32	6.24E-01	0.77	2.21E-01	0.35	3.65E-01
MT1M	-0.32	6.24E-01	0.66	2.55E-01	-0.43	6.65E-01
TMEM200C	-0.32	6.24E-01	0.64	2.61E-01	-1.72	9.57E-01
KCNQ4	-0.32	6.24E-01	-1.64	9.49E-01	-0.21	5.84E-01
CHPF	-0.32	6.24E-01	-0.12	5.49E-01	-0.93	8.24E-01
DOCK2	-0.32	6.24E-01	0.21	4.16E-01	-0.41	6.60E-01
TK2	-0.32	6.24E-01	-1.32	9.07E-01	0.31	3.77E-01
IL17D	-0.32	6.24E-01	-0.85	8.03E-01	-0.41	6.57E-01
PHB	-0.32	6.24E-01	-0.05	5.19E-01	0.58	2.81E-01
HTR3E	-0.32	6.25E-01	0.09	4.64E-01	0.22	4.14E-01
MYO7B	-0.32	6.25E-01	-0.72	7.64E-01	1.38	8.44E-02
C10orf76	-0.32	6.25E-01	-0.27	6.06E-01	0.74	2.29E-01
KIAA0391	-0.32	6.25E-01	0.29	3.88E-01	-0.06	5.24E-01
RGS10	-0.32	6.25E-01	0.91	1.81E-01	-1.08	8.60E-01

KNG1	-0.32	6.25E-01	-0.26	6.02E-01	-1.50	9.33E-01
C1QB	-0.32	6.25E-01	-0.24	5.94E-01	-0.90	8.15E-01
CDX2	-0.32	6.25E-01	-0.40	6.55E-01	0.43	3.32E-01
GNG7	-0.32	6.25E-01	-0.11	5.42E-01	0.22	4.14E-01
ODC1	-0.32	6.25E-01	0.18	4.28E-01	2.10	1.79E-02
CREBL2	-0.32	6.25E-01	-0.06	5.25E-01	0.04	4.85E-01
YDJC	-0.32	6.25E-01	0.89	1.88E-01	0.17	4.32E-01
NAGLU	-0.32	6.25E-01	-2.11	9.82E-01	0.12	4.51E-01
43353	-0.32	6.25E-01	-0.25	6.00E-01	-1.56	9.41E-01
METRNL	-0.32	6.25E-01	-0.18	5.73E-01	-2.00	9.77E-01
ACER2	-0.32	6.25E-01	-1.01	8.43E-01	-0.40	6.55E-01
ZNF780B	-0.32	6.25E-01	-1.02	8.45E-01	-0.36	6.40E-01
BRAF	-0.32	6.25E-01	0.05	4.82E-01	-0.48	6.86E-01
ETFDH	-0.32	6.25E-01	-1.35	9.11E-01	-1.15	8.75E-01
PRSS46	-0.32	6.25E-01	-0.99	8.38E-01	-0.05	5.20E-01
ORAI2	-0.32	6.25E-01	-0.51	6.94E-01	0.48	3.16E-01
TRAK1	-0.32	6.26E-01	-1.35	9.12E-01	0.41	3.41E-01
DMC1	-0.32	6.26E-01	1.19	1.16E-01	-0.76	7.77E-01
PLAGL2	-0.32	6.26E-01	0.92	1.78E-01	1.47	7.12E-02
LRRC14B	-0.32	6.26E-01	-1.44	9.25E-01	-0.01	5.02E-01
FNTA	-0.32	6.26E-01	-0.63	7.35E-01	1.11	1.34E-01
C10orf25	-0.32	6.26E-01	-0.52	6.97E-01	-0.04	5.15E-01
MED10	-0.32	6.26E-01	0.47	3.18E-01	-1.92	9.73E-01
C3orf67	-0.32	6.26E-01	-0.32	6.25E-01	-1.05	8.54E-01
FAM153C	-0.32	6.26E-01	0.01	4.94E-01	-0.81	7.91E-01
PITPNM1	-0.32	6.26E-01	-0.12	5.48E-01	-1.17	8.79E-01
C12orf57	-0.32	6.26E-01	-1.49	9.32E-01	-0.07	5.27E-01
DHCR24	-0.32	6.26E-01	-0.16	5.64E-01	1.19	1.17E-01
ANKRD24	-0.32	6.26E-01	-0.57	7.14E-01	-0.90	8.17E-01
C3orf52	-0.32	6.26E-01	-0.31	6.22E-01	0.54	2.94E-01
SLC22A4	-0.32	6.26E-01	-0.24	5.95E-01	1.06	1.45E-01

FPR1	-0.32	6.26E-01	-0.17	5.66E-01	-1.49	9.32E-01
OR52N2	-0.32	6.26E-01	-1.10	8.64E-01	-0.22	5.86E-01
EPHB6	-0.32	6.26E-01	0.19	4.23E-01	0.28	3.88E-01
LILRB1	-0.32	6.26E-01	-0.13	5.52E-01	0.51	3.03E-01
OR5H2	-0.32	6.26E-01	-0.46	6.78E-01	-0.88	8.11E-01
RLN3	-0.32	6.26E-01	-0.34	6.34E-01	-1.21	8.87E-01
TSPAN8	-0.32	6.26E-01	-0.84	7.99E-01	0.58	2.80E-01
NUP210L	-0.32	6.27E-01	-0.75	7.74E-01	1.18	1.18E-01
ACTL7B	-0.32	6.27E-01	-0.29	6.13E-01	0.32	3.75E-01
TMEM117	-0.32	6.27E-01	0.61	2.72E-01	-1.15	8.74E-01
DAB2	-0.32	6.27E-01	-1.40	9.19E-01	0.59	2.77E-01
NYAP1	-0.32	6.27E-01	-0.40	6.54E-01	-1.08	8.59E-01
DIAPH3	-0.32	6.27E-01	0.90	1.85E-01	-0.27	6.05E-01
CRYGA	-0.32	6.27E-01	-1.07	8.58E-01	0.15	4.41E-01
H3F3A	-0.32	6.27E-01	0.75	2.27E-01	0.97	1.65E-01
MRPS30	-0.32	6.27E-01	-0.69	7.56E-01	0.27	3.92E-01
GRPEL1	-0.32	6.27E-01	0.10	4.61E-01	-0.67	7.50E-01
RAC2	-0.32	6.27E-01	-1.63	9.49E-01	-0.35	6.38E-01
KCNJ11	-0.32	6.27E-01	-0.12	5.47E-01	-0.91	8.17E-01
KRTAP17-1	-0.32	6.27E-01	-0.34	6.33E-01	-0.96	8.31E-01
RPL8	-0.32	6.27E-01	0.08	4.69E-01	-0.43	6.65E-01
DSN1	-0.32	6.27E-01	-0.22	5.89E-01	0.30	3.81E-01
SSBP1	-0.32	6.27E-01	-0.08	5.31E-01	-0.75	7.73E-01
CIRH1A	-0.32	6.27E-01	-1.24	8.93E-01	1.35	8.88E-02
ACMSD	-0.32	6.27E-01	-0.17	5.66E-01	0.00	4.99E-01
PIK3R5	-0.32	6.27E-01	1.42	7.71E-02	0.72	2.35E-01
COL1A1	-0.32	6.27E-01	0.44	3.29E-01	-1.09	8.63E-01
IRGC	-0.32	6.27E-01	-0.88	8.12E-01	-0.42	6.62E-01
GRM6	-0.32	6.27E-01	0.09	4.62E-01	-0.47	6.79E-01
CCL22	-0.32	6.27E-01	0.47	3.21E-01	-0.06	5.24E-01
OGFRL1	-0.32	6.27E-01	-0.06	5.22E-01	-0.70	7.58E-01

SVIP	-0.32	6.27E-01	0.39	3.46E-01	-0.92	8.21E-01
IGSF22	-0.32	6.27E-01	0.48	3.16E-01	-1.77	9.62E-01
PCDHB10	-0.33	6.27E-01	-0.08	5.31E-01	-2.22	9.87E-01
C2CD2	-0.33	6.27E-01	0.35	3.63E-01	-1.14	8.74E-01
CASC3	-0.33	6.27E-01	-0.92	8.22E-01	-0.34	6.32E-01
BIRC3	-0.33	6.28E-01	-0.88	8.10E-01	0.63	2.64E-01
RTN3	-0.33	6.28E-01	-0.79	7.86E-01	-0.48	6.84E-01
RBM28	-0.33	6.28E-01	-0.36	6.42E-01	0.68	2.48E-01
CDK9	-0.33	6.28E-01	-1.31	9.05E-01	1.13	1.29E-01
PNPO	-0.33	6.28E-01	0.27	3.94E-01	1.17	1.20E-01
KIAA0754	-0.33	6.28E-01	0.66	2.55E-01	-0.94	8.26E-01
C3AR1	-0.33	6.28E-01	0.87	1.92E-01	-1.68	9.53E-01
RPA3	-0.33	6.28E-01	-1.25	8.94E-01	0.73	2.34E-01
TMEM100	-0.33	6.28E-01	-0.54	7.06E-01	-0.07	5.26E-01
TNFAIP2	-0.33	6.28E-01	0.41	3.41E-01	-0.55	7.07E-01
FBXO28	-0.33	6.28E-01	-0.61	7.30E-01	-0.03	5.11E-01
HAO1	-0.33	6.28E-01	-0.94	8.25E-01	0.10	4.62E-01
KIAA0408	-0.33	6.28E-01	-1.00	8.42E-01	-0.29	6.14E-01
KCNJ9	-0.33	6.28E-01	-1.43	9.24E-01	0.15	4.39E-01
NOP16	-0.33	6.28E-01	-0.57	7.15E-01	-0.74	7.70E-01
KCNC2	-0.33	6.28E-01	0.26	3.98E-01	0.17	4.34E-01
MAP1LC3B	-0.33	6.28E-01	0.26	3.98E-01	-1.33	9.08E-01
FAM181B	-0.33	6.28E-01	-0.42	6.61E-01	0.73	2.32E-01
OR10H2	-0.33	6.28E-01	0.14	4.44E-01	-1.31	9.05E-01
SPATA12	-0.33	6.28E-01	0.07	4.71E-01	-0.93	8.23E-01
INHBC	-0.33	6.28E-01	-1.17	8.78E-01	0.55	2.91E-01
DERA	-0.33	6.29E-01	-0.18	5.71E-01	-0.45	6.73E-01
LENG8	-0.33	6.29E-01	0.29	3.85E-01	-1.17	8.80E-01
TBC1D10A	-0.33	6.29E-01	0.85	1.97E-01	-2.30	9.89E-01
FBN3	-0.33	6.29E-01	0.44	3.29E-01	-0.38	6.47E-01
S100A3	-0.33	6.29E-01	0.20	4.22E-01	0.99	1.62E-01



C4orf47	-0.33	6.29E-01	-0.05	5.21E-01	-1.15	8.74E-01
DSCR4	-0.33	6.29E-01	-0.30	6.19E-01	-0.34	6.33E-01
GPRC5D	-0.33	6.29E-01	0.07	4.72E-01	-0.80	7.87E-01
EVX1	-0.33	6.29E-01	-0.83	7.98E-01	-1.06	8.55E-01
MAPK8IP3	-0.33	6.29E-01	-0.51	6.93E-01	-0.22	5.85E-01
RHBDF2	-0.33	6.29E-01	-0.23	5.89E-01	-1.24	8.93E-01
MFSD1	-0.33	6.29E-01	0.62	2.69E-01	-0.05	5.21E-01
KRTAP4-1	-0.33	6.29E-01	-0.05	5.21E-01	-1.42	9.22E-01
CHAC1	-0.33	6.29E-01	-0.17	5.66E-01	-1.13	8.71E-01
POLR1C	-0.33	6.29E-01	-0.90	8.17E-01	-0.46	6.76E-01
TMEM173	-0.33	6.29E-01	-1.11	8.66E-01	0.21	4.15E-01
C8orf46	-0.33	6.29E-01	-0.04	5.16E-01	-0.29	6.13E-01
C5orf54	-0.33	6.29E-01	0.39	3.49E-01	0.65	2.58E-01
KLK4	-0.33	6.29E-01	-0.24	5.94E-01	-0.75	7.73E-01
BBS12	-0.33	6.29E-01	-0.71	7.60E-01	0.77	2.22E-01
ZSCAN5C	-0.33	6.29E-01	-0.45	6.73E-01	-0.07	5.26E-01
ISCU	-0.33	6.30E-01	-0.05	5.18E-01	-0.22	5.87E-01
EGR3	-0.33	6.30E-01	0.06	4.75E-01	-0.66	7.46E-01
RP11-362K2.2	-0.33	6.30E-01	-0.16	5.64E-01	-1.23	8.90E-01
TUBB8	-0.33	6.30E-01	-1.49	9.31E-01	0.91	1.82E-01
C1GALT1	-0.33	6.30E-01	-0.49	6.88E-01	0.45	3.25E-01
AP002884.2	-0.33	6.30E-01	-0.44	6.70E-01	-0.66	7.44E-01
OPRD1	-0.33	6.30E-01	0.95	1.71E-01	-0.47	6.81E-01
OR2V1	-0.33	6.30E-01	0.61	2.70E-01	-0.11	5.45E-01
KIFAP3	-0.33	6.30E-01	2.00	2.25E-02	0.75	2.27E-01
NXF1	-0.33	6.30E-01	0.23	4.07E-01	-0.94	8.26E-01
FBN1	-0.33	6.30E-01	-0.07	5.27E-01	-1.56	9.40E-01
CLEC7A	-0.33	6.30E-01	-0.21	5.82E-01	-0.24	5.95E-01
CEP68	-0.33	6.30E-01	-1.03	8.48E-01	0.07	4.74E-01
ZBTB2	-0.33	6.30E-01	0.07	4.72E-01	1.35	8.77E-02
LMX1A	-0.33	6.30E-01	1.60	5.50E-02	0.57	2.86E-01

TEX38	-0.33	6.30E-01	-0.87	8.08E-01	-0.35	6.38E-01
SDPR	-0.33	6.30E-01	-0.11	5.42E-01	-0.98	8.37E-01
PODXL	-0.33	6.30E-01	-0.46	6.76E-01	-0.43	6.66E-01
USP5	-0.33	6.31E-01	-0.44	6.70E-01	0.41	3.42E-01
SYNE3	-0.33	6.31E-01	-0.58	7.18E-01	0.15	4.38E-01
TNFRSF6B	-0.33	6.31E-01	0.59	2.79E-01	0.70	2.41E-01
TTC9C	-0.33	6.31E-01	-0.33	6.30E-01	-0.85	8.02E-01
BATF	-0.33	6.31E-01	-1.44	9.25E-01	0.06	4.75E-01
SLC28A1	-0.33	6.31E-01	0.02	4.93E-01	-0.35	6.35E-01
OXNAD1	-0.33	6.31E-01	-0.02	5.08E-01	-0.15	5.59E-01
NRTN	-0.33	6.31E-01	0.05	4.80E-01	-0.26	6.01E-01
TECR	-0.33	6.31E-01	-1.51	9.35E-01	0.21	4.18E-01
NMUR1	-0.33	6.31E-01	1.48	7.01E-02	2.45	7.19E-03
MOGAT1	-0.33	6.31E-01	0.20	4.20E-01	0.81	2.10E-01
USP21	-0.33	6.31E-01	1.35	8.85E-02	0.92	1.79E-01
CCT3	-0.33	6.31E-01	0.21	4.19E-01	-0.91	8.19E-01
BEST2	-0.33	6.31E-01	-0.59	7.22E-01	0.85	1.99E-01
PHKB	-0.33	6.31E-01	-0.29	6.16E-01	-0.21	5.82E-01
SLC18A1	-0.33	6.31E-01	-0.23	5.91E-01	-1.06	8.56E-01
PTPN6	-0.33	6.31E-01	-0.36	6.41E-01	-0.27	6.05E-01
MTRNR2L12	-0.34	6.31E-01	-1.47	9.29E-01	0.28	3.88E-01
SMARCAD1	-0.34	6.31E-01	0.84	2.00E-01	1.65	4.96E-02
MIXL1	-0.34	6.31E-01	-0.28	6.11E-01	0.43	3.32E-01
CUL4A	-0.34	6.31E-01	-0.06	5.26E-01	-0.59	7.22E-01
ADPRH	-0.34	6.31E-01	-0.85	8.02E-01	-0.41	6.61E-01
EWSR1	-0.34	6.31E-01	0.43	3.34E-01	-1.34	9.09E-01
TMEM114	-0.34	6.31E-01	0.87	1.91E-01	-0.12	5.46E-01
PLEKHG4	-0.34	6.32E-01	-1.46	9.28E-01	0.16	4.37E-01
MAP7	-0.34	6.32E-01	0.31	3.79E-01	0.12	4.54E-01
RCBTB2	-0.34	6.32E-01	-1.40	9.19E-01	0.48	3.17E-01
FSIP1	-0.34	6.32E-01	0.56	2.86E-01	-0.47	6.81E-01

GHITM	-0.34	6.32E-01	-1.33	9.08E-01	-0.16	5.65E-01
ATP6V0A2	-0.34	6.32E-01	0.67	2.51E-01	1.07	1.41E-01
GNLY	-0.34	6.32E-01	-0.06	5.24E-01	0.14	4.45E-01
PNOC	-0.34	6.32E-01	1.32	9.27E-02	0.86	1.96E-01
SNRNP25	-0.34	6.32E-01	-0.50	6.91E-01	-0.84	8.01E-01
C17orf72	-0.34	6.32E-01	0.16	4.37E-01	-1.61	9.46E-01
LCE2D	-0.34	6.32E-01	-0.66	7.45E-01	0.02	4.94E-01
PPM1E	-0.34	6.32E-01	0.80	2.11E-01	-0.15	5.61E-01
SELPLG	-0.34	6.32E-01	-0.02	5.07E-01	-0.16	5.64E-01
GPN2	-0.34	6.32E-01	0.01	4.97E-01	2.01	2.22E-02
CAPN13	-0.34	6.32E-01	1.73	4.18E-02	-0.32	6.24E-01
EGFL7	-0.34	6.32E-01	-0.88	8.10E-01	-0.03	5.12E-01
C11orf53	-0.34	6.32E-01	-0.02	5.10E-01	0.30	3.81E-01
ACSM1	-0.34	6.32E-01	0.33	3.72E-01	0.07	4.71E-01
PRSS50	-0.34	6.32E-01	-1.53	9.37E-01	0.16	4.37E-01
EMP2	-0.34	6.32E-01	0.46	3.24E-01	-1.08	8.59E-01
IVD	-0.34	6.32E-01	-0.15	5.58E-01	0.44	3.32E-01
LIF	-0.34	6.32E-01	-0.38	6.48E-01	1.20	1.14E-01
RANBP6	-0.34	6.33E-01	0.25	4.00E-01	0.08	4.68E-01
NCF2	-0.34	6.33E-01	0.30	3.83E-01	1.78	3.74E-02
UNC13D	-0.34	6.33E-01	0.08	4.69E-01	1.32	9.31E-02
SMEK2	-0.34	6.33E-01	1.04	1.50E-01	-0.91	8.18E-01
ZNF584	-0.34	6.33E-01	-0.16	5.65E-01	-0.39	6.52E-01
YME1L1	-0.34	6.33E-01	-1.56	9.40E-01	0.61	2.71E-01
ACVR2A	-0.34	6.33E-01	0.53	2.97E-01	2.20	1.39E-02
LZTR1	-0.34	6.33E-01	-0.38	6.46E-01	-1.88	9.70E-01
MSH6	-0.34	6.33E-01	-0.06	5.23E-01	-0.68	7.52E-01
POLR3F	-0.34	6.33E-01	-0.79	7.84E-01	0.00	4.98E-01
MTX2	-0.34	6.33E-01	1.37	8.60E-02	2.75	2.95E-03
CCDC82	-0.34	6.33E-01	-1.01	8.44E-01	1.50	6.69E-02
OR52A5	-0.34	6.33E-01	0.13	4.48E-01	-1.62	9.47E-01

ATP6V0E2	-0.34	6.33E-01	-0.13	5.50E-01	-1.06	8.56E-01
FAM160B1	-0.34	6.34E-01	-0.12	5.46E-01	1.67	4.76E-02
TEX261	-0.34	6.34E-01	0.01	4.97E-01	-0.87	8.07E-01
SYCE2	-0.34	6.34E-01	-0.85	8.02E-01	0.88	1.91E-01
TBRG4	-0.34	6.34E-01	1.37	8.60E-02	0.75	2.26E-01
CLLU1OS	-0.34	6.34E-01	-0.06	5.25E-01	0.12	4.53E-01
KARS	-0.34	6.34E-01	-0.39	6.54E-01	0.07	4.74E-01
EFHB	-0.34	6.34E-01	0.90	1.84E-01	0.68	2.47E-01
PRAMEF12	-0.34	6.34E-01	0.39	3.48E-01	1.30	9.74E-02
SIGLEC15	-0.34	6.34E-01	0.02	4.92E-01	-0.07	5.29E-01
ZNF440	-0.34	6.34E-01	-0.20	5.79E-01	-0.51	6.94E-01
CIB1	-0.34	6.34E-01	-1.07	8.58E-01	-0.74	7.70E-01
PIP5K1B	-0.34	6.34E-01	0.53	2.99E-01	-1.69	9.54E-01
MRPS35	-0.34	6.34E-01	0.21	4.17E-01	0.26	3.97E-01
NSG2	-0.34	6.34E-01	0.68	2.49E-01	0.44	3.31E-01
HOXA7	-0.34	6.34E-01	0.17	4.32E-01	0.48	3.16E-01
LRRC28	-0.34	6.34E-01	0.02	4.90E-01	-0.30	6.17E-01
LMBR1	-0.34	6.34E-01	-0.64	7.40E-01	0.00	5.00E-01
EDF1	-0.34	6.34E-01	1.00	1.57E-01	-0.32	6.24E-01
BNIP3L	-0.34	6.35E-01	0.16	4.36E-01	-0.09	5.36E-01
EFNA3	-0.34	6.35E-01	0.29	3.87E-01	-1.19	8.84E-01
GZMA	-0.34	6.35E-01	-0.12	5.48E-01	0.30	3.83E-01
ATP8B4	-0.34	6.35E-01	-0.34	6.34E-01	-1.66	9.51E-01
CD36	-0.34	6.35E-01	-1.17	8.79E-01	-0.26	6.03E-01
PTCD3	-0.34	6.35E-01	-1.03	8.48E-01	0.75	2.28E-01
OGN	-0.34	6.35E-01	0.31	3.78E-01	-1.73	9.58E-01
YAP1	-0.34	6.35E-01	0.17	4.32E-01	-0.33	6.28E-01
GSDMA	-0.34	6.35E-01	-1.06	8.56E-01	-0.17	5.69E-01
CCL15	-0.34	6.35E-01	1.63	5.16E-02	-0.38	6.47E-01
E2F4	-0.34	6.35E-01	-0.61	7.29E-01	-0.68	7.50E-01
TMTC1	-0.34	6.35E-01	-0.52	7.00E-01	0.93	1.76E-01

CHST15	-0.35	6.35E-01	-0.65	7.42E-01	0.10	4.59E-01
NEB	-0.35	6.35E-01	-0.09	5.34E-01	0.03	4.88E-01
MT1F	-0.35	6.35E-01	0.60	2.74E-01	-2.29	9.89E-01
SLC35E4	-0.35	6.35E-01	-0.16	5.64E-01	-0.37	6.43E-01
DDX55	-0.35	6.35E-01	0.19	4.24E-01	1.24	1.08E-01
PIGG	-0.35	6.35E-01	-0.29	6.15E-01	0.78	2.19E-01
TCF3	-0.35	6.35E-01	-1.19	8.84E-01	0.49	3.13E-01
DSG4	-0.35	6.35E-01	0.23	4.08E-01	-0.95	8.29E-01
TANGO6	-0.35	6.35E-01	-0.32	6.27E-01	-0.34	6.34E-01
BRINP3	-0.35	6.35E-01	-0.21	5.85E-01	-0.55	7.08E-01
FBRSL1	-0.35	6.36E-01	0.91	1.82E-01	-0.37	6.46E-01
WFS1	-0.35	6.36E-01	0.33	3.70E-01	-0.41	6.60E-01
MBL2	-0.35	6.36E-01	0.49	3.13E-01	-0.36	6.41E-01
RASSF9	-0.35	6.36E-01	-0.53	7.03E-01	1.54	6.15E-02
SPIB	-0.35	6.36E-01	-0.77	7.80E-01	0.35	3.61E-01
GSTO2	-0.35	6.36E-01	-0.47	6.80E-01	-0.07	5.27E-01
KRT81	-0.35	6.36E-01	0.06	4.74E-01	-1.49	9.32E-01
CYB5R3	-0.35	6.36E-01	-0.32	6.26E-01	0.26	3.96E-01
EPB41L4B	-0.35	6.36E-01	-0.07	5.28E-01	-0.21	5.84E-01
ERF	-0.35	6.36E-01	0.12	4.53E-01	0.10	4.61E-01
MPP2	-0.35	6.36E-01	0.26	3.96E-01	-0.77	7.80E-01
KIAA0947	-0.35	6.36E-01	-1.45	9.27E-01	0.75	2.26E-01
AGR2	-0.35	6.36E-01	0.96	1.69E-01	0.36	3.59E-01
B4GALT5	-0.35	6.36E-01	-1.43	9.24E-01	0.07	4.71E-01
C10orf82	-0.35	6.36E-01	-0.09	5.37E-01	-0.18	5.71E-01
MCM2	-0.35	6.36E-01	-0.39	6.52E-01	-0.61	7.29E-01
AUP1	-0.35	6.36E-01	-1.14	8.72E-01	-0.20	5.81E-01
COMTD1	-0.35	6.36E-01	0.17	4.33E-01	0.45	3.27E-01
A3GALT2	-0.35	6.36E-01	0.21	4.17E-01	0.70	2.42E-01
SLC28A2	-0.35	6.36E-01	-0.40	6.56E-01	-0.85	8.02E-01
SLC36A1	-0.35	6.36E-01	-0.02	5.07E-01	1.85	3.20E-02

MSR1	-0.35	6.36E-01	-1.34	9.10E-01	1.60	5.44E-02
HIST3H3	-0.35	6.37E-01	-0.54	7.06E-01	1.02	1.54E-01
SAA4	-0.35	6.37E-01	0.31	3.79E-01	-0.49	6.90E-01
CYP11A1	-0.35	6.37E-01	-0.53	7.01E-01	0.04	4.85E-01
RP11-47122.3	-0.35	6.37E-01	-0.64	7.39E-01	-1.04	8.50E-01
CELA2A	-0.35	6.37E-01	-0.63	7.36E-01	0.03	4.87E-01
ATN1	-0.35	6.37E-01	-0.89	8.13E-01	-0.18	5.70E-01
CWC22	-0.35	6.37E-01	0.59	2.77E-01	-0.20	5.80E-01
ZNF395	-0.35	6.37E-01	0.84	2.00E-01	0.20	4.20E-01
RAD18	-0.35	6.37E-01	-0.31	6.21E-01	-0.21	5.85E-01
DZIP1	-0.35	6.37E-01	-0.75	7.74E-01	0.39	3.47E-01
MAN2C1	-0.35	6.37E-01	-0.56	7.13E-01	-1.18	8.82E-01
ERP29	-0.35	6.37E-01	-1.14	8.73E-01	0.19	4.25E-01
FANK1	-0.35	6.37E-01	-0.79	7.85E-01	-0.36	6.41E-01
CYP7B1	-0.35	6.37E-01	-1.04	8.51E-01	-0.98	8.37E-01
IL1A	-0.35	6.37E-01	-1.49	9.32E-01	0.03	4.86E-01
CAPN15	-0.35	6.37E-01	-0.91	8.18E-01	0.79	2.16E-01
NR1D1	-0.35	6.37E-01	0.41	3.40E-01	-1.18	8.81E-01
TAX1BP1	-0.35	6.37E-01	0.23	4.09E-01	0.48	3.17E-01
CTCF	-0.35	6.37E-01	-1.42	9.23E-01	0.13	4.50E-01
TCHP	-0.35	6.37E-01	-1.68	9.54E-01	-0.03	5.13E-01
RNPS1	-0.35	6.37E-01	-0.03	5.14E-01	-1.12	8.69E-01
GYPE	-0.35	6.37E-01	0.61	2.70E-01	-0.16	5.64E-01
ACTL9	-0.35	6.37E-01	-0.14	5.57E-01	-0.30	6.17E-01
BCO2	-0.35	6.38E-01	-0.49	6.87E-01	-0.12	5.47E-01
CRTC2	-0.35	6.38E-01	0.38	3.52E-01	1.52	6.36E-02
SLC25A41	-0.35	6.38E-01	-1.53	9.38E-01	0.99	1.60E-01
UCMA	-0.35	6.38E-01	-0.17	5.69E-01	-0.75	7.74E-01
SPATA16	-0.35	6.38E-01	-1.42	9.22E-01	1.23	1.10E-01
CTDNEP1	-0.35	6.38E-01	-0.63	7.35E-01	-0.68	7.52E-01
C18orf56	-0.35	6.38E-01	1.37	8.56E-02	-0.67	7.49E-01

SCN9A	-0.35	6.38E-01	0.61	2.72E-01	0.22	4.15E-01
SPRED3	-0.35	6.38E-01	-0.02	5.06E-01	-0.75	7.74E-01
UBE3D	-0.35	6.38E-01	-0.97	8.35E-01	0.88	1.89E-01
ZNF418	-0.35	6.38E-01	0.47	3.20E-01	-0.40	6.57E-01
CSF2	-0.35	6.38E-01	-0.45	6.75E-01	-0.20	5.77E-01
NPEPPS	-0.35	6.38E-01	0.52	3.00E-01	1.76	3.93E-02
GPI	-0.35	6.38E-01	0.87	1.91E-01	-0.20	5.79E-01
SKP2	-0.35	6.38E-01	-0.98	8.37E-01	-0.45	6.73E-01
CPO	-0.35	6.38E-01	0.54	2.96E-01	-1.61	9.47E-01
ASPM	-0.35	6.38E-01	-1.00	8.41E-01	-0.31	6.21E-01
FBXO40	-0.35	6.38E-01	-0.50	6.91E-01	-1.50	9.34E-01
KDSR	-0.35	6.38E-01	-0.98	8.37E-01	-0.16	5.65E-01
CEACAM5	-0.35	6.39E-01	0.25	4.02E-01	-0.60	7.25E-01
TUSC1	-0.35	6.39E-01	-0.85	8.03E-01	-0.38	6.49E-01
HIF1A	-0.35	6.39E-01	-0.45	6.72E-01	-0.97	8.33E-01
SOX7	-0.35	6.39E-01	-0.10	5.38E-01	0.45	3.26E-01
FAM98C	-0.35	6.39E-01	0.02	4.93E-01	-1.14	8.73E-01
C12orf74	-0.36	6.39E-01	0.29	3.86E-01	-0.77	7.80E-01
UBAP1	-0.36	6.39E-01	-0.87	8.08E-01	0.11	4.56E-01
CCDC47	-0.36	6.39E-01	-0.64	7.39E-01	-1.14	8.73E-01
IFNL1	-0.36	6.39E-01	-1.36	9.13E-01	0.01	4.97E-01
FAM46A	-0.36	6.39E-01	-1.25	8.94E-01	0.39	3.48E-01
GPCPD1	-0.36	6.39E-01	-0.78	7.83E-01	-0.03	5.13E-01
DYNC1H1	-0.36	6.39E-01	-0.70	7.57E-01	1.07	1.42E-01
AC006946.15	-0.36	6.39E-01	-1.37	9.14E-01	0.99	1.61E-01
LLGL1	-0.36	6.39E-01	-0.07	5.27E-01	-0.53	7.03E-01
OPRM1	-0.36	6.39E-01	-0.41	6.61E-01	0.56	2.89E-01
ELN	-0.36	6.39E-01	-0.45	6.74E-01	1.21	1.14E-01
GEM	-0.36	6.40E-01	-0.43	6.65E-01	-0.34	6.34E-01
C16orf46	-0.36	6.40E-01	-0.86	8.04E-01	-0.21	5.82E-01
IL10RB	-0.36	6.40E-01	-0.46	6.79E-01	-1.10	8.65E-01

MMP2	-0.36	6.40E-01	-1.92	9.73E-01	-0.50	6.91E-01
KRTAP12-1	-0.36	6.40E-01	0.02	4.94E-01	0.69	2.44E-01
GIMAP1	-0.36	6.40E-01	-0.72	7.65E-01	-0.68	7.52E-01
EFNA1	-0.36	6.40E-01	-0.92	8.20E-01	-0.42	6.64E-01
SLAMF7	-0.36	6.40E-01	-0.12	5.47E-01	-0.27	6.05E-01
MRPS31	-0.36	6.40E-01	0.62	2.69E-01	-0.83	7.96E-01
SLC6A12	-0.36	6.40E-01	-0.41	6.59E-01	0.25	4.03E-01
SCGB3A1	-0.36	6.40E-01	-1.07	8.57E-01	-0.07	5.28E-01
ZFP37	-0.36	6.40E-01	-1.13	8.72E-01	-0.40	6.54E-01
GTF2I	-0.36	6.40E-01	-0.87	8.07E-01	-0.32	6.24E-01
CDC34	-0.36	6.40E-01	-1.38	9.16E-01	-0.27	6.08E-01
AEN	-0.36	6.40E-01	-1.65	9.50E-01	0.17	4.32E-01
ITPRIPL1	-0.36	6.40E-01	0.04	4.85E-01	-1.95	9.74E-01
RTF1	-0.36	6.40E-01	-0.17	5.68E-01	-1.90	9.71E-01
MYD88	-0.36	6.40E-01	-1.06	8.55E-01	-0.24	5.93E-01
CLGN	-0.36	6.40E-01	0.07	4.73E-01	-1.80	9.64E-01
EIF6	-0.36	6.40E-01	-1.00	8.42E-01	-0.26	6.04E-01
SFXN3	-0.36	6.40E-01	-0.16	5.63E-01	0.48	3.16E-01
DNAJB1	-0.36	6.40E-01	-1.35	9.11E-01	0.08	4.67E-01
KDM2A	-0.36	6.40E-01	1.20	1.16E-01	-0.29	6.16E-01
NEDD8	-0.36	6.40E-01	-0.04	5.17E-01	0.63	2.65E-01
EAF1	-0.36	6.41E-01	-0.01	5.05E-01	-1.17	8.80E-01
KIAA1217	-0.36	6.41E-01	2.19	1.42E-02	0.51	3.06E-01
COMMD5	-0.36	6.41E-01	-0.32	6.25E-01	-1.86	9.69E-01
CDC14B	-0.36	6.41E-01	-1.43	9.23E-01	0.86	1.95E-01
ZSCAN4	-0.36	6.41E-01	0.31	3.80E-01	-0.05	5.20E-01
FAM213B	-0.36	6.41E-01	-0.16	5.65E-01	0.21	4.15E-01
ZNF559	-0.36	6.41E-01	-1.16	8.77E-01	-0.09	5.38E-01
DSG3	-0.36	6.41E-01	0.04	4.83E-01	-0.78	7.82E-01
METTL6	-0.36	6.41E-01	0.00	4.98E-01	-1.10	8.64E-01
ARHGAP18	-0.36	6.41E-01	0.52	3.00E-01	-0.71	7.62E-01



MORN2	-0.36	6.41E-01	-0.01	5.05E-01	-0.36	6.40E-01
SOX7	-0.36	6.41E-01	-0.13	5.53E-01	0.46	3.23E-01
DMRT3	-0.36	6.41E-01	-0.39	6.53E-01	-0.41	6.60E-01
ANKFY1	-0.36	6.41E-01	-0.22	5.87E-01	-0.32	6.24E-01
CLDN18	-0.36	6.41E-01	-0.28	6.11E-01	-0.61	7.28E-01
KCNT2	-0.36	6.41E-01	0.29	3.84E-01	0.93	1.77E-01
CEP192	-0.36	6.41E-01	-0.13	5.52E-01	-1.35	9.11E-01
FAM92B	-0.36	6.41E-01	-0.50	6.92E-01	-0.12	5.49E-01
POMC	-0.36	6.41E-01	0.25	4.03E-01	0.26	3.99E-01
PDE12	-0.36	6.41E-01	-0.08	5.33E-01	-0.67	7.47E-01
TMEM14B	-0.36	6.41E-01	-0.05	5.21E-01	0.96	1.69E-01
RP11-126K1.2	-0.36	6.42E-01	-0.50	6.90E-01	-0.29	6.15E-01
RPS21	-0.36	6.42E-01	-0.50	6.90E-01	1.57	5.80E-02
TREH	-0.36	6.42E-01	0.40	3.43E-01	1.45	7.41E-02
TBC1D29	-0.36	6.42E-01	1.02	1.53E-01	0.71	2.38E-01
ADRA2B	-0.36	6.42E-01	-0.74	7.70E-01	0.35	3.64E-01
INADL	-0.36	6.42E-01	0.89	1.86E-01	-0.73	7.67E-01
LRRC31	-0.36	6.42E-01	0.29	3.87E-01	-0.02	5.08E-01
TNK1	-0.36	6.42E-01	-0.35	6.38E-01	-0.42	6.61E-01
PTGS2	-0.36	6.42E-01	-0.82	7.94E-01	-0.78	7.83E-01
ZNF230	-0.36	6.42E-01	0.55	2.90E-01	-1.52	9.35E-01
ZFP36	-0.36	6.42E-01	-1.17	8.79E-01	1.15	1.24E-01
BHMT	-0.36	6.42E-01	-1.35	9.11E-01	0.42	3.38E-01
C2orf27A	-0.36	6.42E-01	-0.05	5.19E-01	0.91	1.80E-01
C6orf52	-0.36	6.42E-01	0.18	4.28E-01	-1.46	9.28E-01
COMMD9	-0.36	6.42E-01	-0.52	6.98E-01	-0.61	7.30E-01
KATNB1	-0.36	6.42E-01	-0.53	7.03E-01	-1.48	9.30E-01
IRS1	-0.36	6.42E-01	0.50	3.10E-01	-1.84	9.67E-01
GATA5	-0.36	6.42E-01	-1.50	9.33E-01	-0.10	5.41E-01
POFUT1	-0.37	6.43E-01	0.58	2.82E-01	1.33	9.13E-02
DNMT3B	-0.37	6.43E-01	-0.18	5.72E-01	-1.32	9.07E-01

RASGRF2	-0.37	6.43E-01	-0.56	7.12E-01	1.20	1.15E-01
PRR15L	-0.37	6.43E-01	0.54	2.93E-01	0.26	3.96E-01
USP31	-0.37	6.43E-01	-0.06	5.25E-01	-0.68	7.53E-01
MYRIP	-0.37	6.43E-01	0.55	2.91E-01	-1.26	8.96E-01
DNAJC8	-0.37	6.43E-01	-0.37	6.46E-01	0.82	2.05E-01
CALM3	-0.37	6.43E-01	0.04	4.84E-01	-2.39	9.92E-01
C2orf43	-0.37	6.43E-01	-0.66	7.44E-01	-0.01	5.06E-01
MMRN2	-0.37	6.43E-01	-0.54	7.04E-01	1.09	1.39E-01
SLC15A3	-0.37	6.43E-01	-1.55	9.39E-01	-0.88	8.10E-01
KIDINS220	-0.37	6.43E-01	-0.35	6.38E-01	-0.19	5.76E-01
OLFML2A	-0.37	6.43E-01	-1.13	8.70E-01	-0.10	5.41E-01
CTSD	-0.37	6.43E-01	-1.35	9.12E-01	-0.46	6.77E-01
ERBB2IP	-0.37	6.43E-01	-0.04	5.15E-01	-0.20	5.79E-01
EPHB2	-0.37	6.43E-01	-0.25	6.00E-01	-0.09	5.36E-01
SFTPD	-0.37	6.43E-01	-0.32	6.25E-01	0.01	4.95E-01
MCU	-0.37	6.44E-01	1.12	1.31E-01	-0.17	5.66E-01
SLC25A13	-0.37	6.44E-01	-0.85	8.02E-01	-0.09	5.37E-01
MSH3	-0.37	6.44E-01	-0.67	7.48E-01	-0.77	7.79E-01
PIP4K2B	-0.37	6.44E-01	-0.07	5.29E-01	-1.90	9.72E-01
CCDC127	-0.37	6.44E-01	-0.89	8.15E-01	0.26	3.97E-01
SP100	-0.37	6.44E-01	-2.27	9.88E-01	1.10	1.35E-01
BAG1	-0.37	6.44E-01	0.58	2.81E-01	-0.84	7.99E-01
FXVD4	-0.37	6.44E-01	0.27	3.95E-01	1.17	1.20E-01
CRKL	-0.37	6.44E-01	-0.61	7.28E-01	0.70	2.41E-01
RAB26	-0.37	6.44E-01	-0.06	5.25E-01	-0.80	7.88E-01
TMEM91	-0.37	6.44E-01	0.61	2.70E-01	0.70	2.41E-01
LRRC57	-0.37	6.44E-01	0.32	3.74E-01	-2.19	9.86E-01
TOX3	-0.37	6.44E-01	-1.24	8.92E-01	-1.06	8.56E-01
SH2D2A	-0.37	6.44E-01	-0.57	7.14E-01	1.13	1.29E-01
TBKBP1	-0.37	6.44E-01	0.58	2.82E-01	1.06	1.45E-01
IL9	-0.37	6.44E-01	0.01	4.96E-01	-1.61	9.46E-01

SLC5A9	-0.37	6.44E-01	1.38	8.41E-02	0.17	4.32E-01
KSR1	-0.37	6.44E-01	0.45	3.25E-01	-0.51	6.94E-01
C21orf58	-0.37	6.44E-01	-1.09	8.63E-01	0.76	2.25E-01
SEMA3E	-0.37	6.44E-01	0.44	3.30E-01	-1.59	9.44E-01
HIF3A	-0.37	6.44E-01	-0.17	5.66E-01	-1.78	9.62E-01
CTIF	-0.37	6.45E-01	-0.34	6.32E-01	0.11	4.56E-01
GCDH	-0.37	6.45E-01	-0.95	8.29E-01	0.73	2.31E-01
MAEL	-0.37	6.45E-01	0.19	4.25E-01	-1.20	8.85E-01
WNT4	-0.37	6.45E-01	-1.06	8.55E-01	-0.25	5.98E-01
NF1	-0.37	6.45E-01	0.37	3.55E-01	1.45	7.35E-02
XPO7	-0.37	6.45E-01	0.35	3.64E-01	-0.89	8.13E-01
FGR	-0.37	6.45E-01	0.46	3.24E-01	-0.76	7.77E-01
C20orf201	-0.37	6.45E-01	0.53	2.98E-01	-0.48	6.85E-01
CKAP2	-0.37	6.45E-01	-0.50	6.90E-01	0.35	3.62E-01
LYL1	-0.37	6.45E-01	-0.06	5.26E-01	0.33	3.70E-01
APOB	-0.37	6.45E-01	-0.20	5.78E-01	-0.95	8.30E-01
AKAP7	-0.37	6.45E-01	-0.07	5.28E-01	-0.50	6.92E-01
WNT9A	-0.37	6.45E-01	0.45	3.25E-01	-0.35	6.37E-01
LCN9	-0.37	6.45E-01	-0.90	8.16E-01	-0.63	7.35E-01
FGF20	-0.37	6.45E-01	0.15	4.42E-01	-0.44	6.70E-01
C19orf40	-0.37	6.45E-01	0.01	4.95E-01	0.63	2.64E-01
SUGT1	-0.37	6.45E-01	-0.10	5.39E-01	-0.19	5.74E-01
DHRS7B	-0.37	6.45E-01	-1.07	8.58E-01	-0.75	7.74E-01
RAD17	-0.37	6.45E-01	-0.74	7.71E-01	-0.83	7.96E-01
TIMM10B	-0.37	6.46E-01	-1.14	8.72E-01	-0.39	6.51E-01
C9orf50	-0.37	6.46E-01	-1.30	9.03E-01	0.31	3.78E-01
MRPS2	-0.37	6.46E-01	-0.50	6.92E-01	0.56	2.86E-01
CD37	-0.37	6.46E-01	-1.49	9.32E-01	0.21	4.17E-01
XYLB	-0.37	6.46E-01	-0.52	6.97E-01	-0.47	6.81E-01
DET1	-0.37	6.46E-01	-0.13	5.50E-01	0.90	1.84E-01
PINX1	-0.37	6.46E-01	-0.03	5.11E-01	0.43	3.35E-01

UNC79	-0.37	6.46E-01	-0.54	7.05E-01	-0.09	5.35E-01
ANKRD54	-0.37	6.46E-01	-0.77	7.81E-01	-0.45	6.73E-01
ZNF70	-0.37	6.46E-01	-1.31	9.04E-01	1.22	1.12E-01
EPC2	-0.37	6.46E-01	-0.58	7.19E-01	-0.07	5.27E-01
GMPR	-0.37	6.46E-01	-0.60	7.24E-01	-0.19	5.75E-01
TMEM86B	-0.37	6.46E-01	1.45	7.31E-02	0.24	4.05E-01
IDO2	-0.37	6.46E-01	-0.79	7.85E-01	0.00	4.99E-01
ZNF582	-0.37	6.46E-01	-0.74	7.69E-01	-0.53	7.01E-01
SH3BGRL3	-0.38	6.46E-01	-0.66	7.44E-01	-0.85	8.01E-01
EGF	-0.38	6.46E-01	-0.51	6.96E-01	-0.40	6.54E-01
CLUAP1	-0.38	6.46E-01	-0.09	5.36E-01	-0.32	6.24E-01
ADH5	-0.38	6.46E-01	0.28	3.89E-01	-1.54	9.38E-01
SEC24D	-0.38	6.46E-01	-0.55	7.10E-01	-0.52	6.98E-01
TM2D3	-0.38	6.46E-01	0.20	4.22E-01	-1.48	9.31E-01
EDDM3A	-0.38	6.47E-01	-0.94	8.26E-01	0.43	3.32E-01
AHI1	-0.38	6.47E-01	0.57	2.85E-01	-1.44	9.25E-01
AVPI1	-0.38	6.47E-01	-0.48	6.83E-01	0.38	3.51E-01
KIF5B	-0.38	6.47E-01	-0.37	6.44E-01	-1.19	8.84E-01
CHKB	-0.38	6.47E-01	-0.83	7.97E-01	1.54	6.21E-02
SMARCC1	-0.38	6.47E-01	-0.10	5.40E-01	0.88	1.90E-01
CREG1	-0.38	6.47E-01	-0.44	6.70E-01	-0.15	5.58E-01
DNAH3	-0.38	6.47E-01	-0.39	6.53E-01	-0.37	6.43E-01
DUOX2	-0.38	6.47E-01	0.53	2.97E-01	0.46	3.22E-01
TMEM235	-0.38	6.47E-01	0.33	3.72E-01	0.88	1.88E-01
HIGD2A	-0.38	6.47E-01	-0.39	6.52E-01	-1.26	8.97E-01
EIF4EBP3	-0.38	6.47E-01	0.12	4.52E-01	0.21	4.15E-01
KCNK16	-0.38	6.47E-01	0.35	3.63E-01	-1.34	9.09E-01
DLGAP4	-0.38	6.48E-01	-1.46	9.28E-01	0.13	4.47E-01
BIRC7	-0.38	6.48E-01	-0.94	8.26E-01	0.04	4.85E-01
HDDC3	-0.38	6.48E-01	0.61	2.69E-01	0.06	4.76E-01
CLPB	-0.38	6.48E-01	0.09	4.63E-01	1.05	1.46E-01

ACSL1	-0.38	6.48E-01	-0.57	7.14E-01	-0.56	7.12E-01
VPS51	-0.38	6.48E-01	1.69	4.58E-02	1.06	1.45E-01
IPCEF1	-0.38	6.48E-01	-0.41	6.58E-01	0.50	3.07E-01
ZNF772	-0.38	6.48E-01	-0.81	7.90E-01	-0.20	5.79E-01
IQSEC1	-0.38	6.48E-01	0.82	2.07E-01	-1.10	8.65E-01
SUV420H1	-0.38	6.48E-01	-0.19	5.76E-01	-0.69	7.54E-01
TRPM2	-0.38	6.48E-01	-0.39	6.53E-01	-0.83	7.96E-01
URB2	-0.38	6.48E-01	-0.18	5.70E-01	-1.44	9.24E-01
SYT12	-0.38	6.48E-01	-0.45	6.73E-01	-0.61	7.29E-01
CYCS	-0.38	6.48E-01	-1.45	9.26E-01	0.17	4.31E-01
KIF2B	-0.38	6.48E-01	0.14	4.45E-01	0.35	3.63E-01
RDH14	-0.38	6.48E-01	-0.12	5.50E-01	0.27	3.92E-01
SUPT16H	-0.38	6.48E-01	-0.47	6.80E-01	0.13	4.46E-01
DHDDS	-0.38	6.48E-01	-0.19	5.77E-01	-1.27	8.97E-01
MBD5	-0.38	6.48E-01	0.46	3.23E-01	1.23	1.10E-01
IRF2BPL	-0.38	6.48E-01	-0.33	6.31E-01	1.34	9.02E-02
MGC10955	-0.38	6.48E-01	-0.85	8.03E-01	0.68	2.47E-01
WNK2	-0.38	6.48E-01	0.10	4.60E-01	-1.33	9.09E-01
TRIM7	-0.38	6.49E-01	-0.42	6.62E-01	0.09	4.64E-01
UPK3A	-0.38	6.49E-01	-0.30	6.19E-01	-1.17	8.79E-01
TNNI1	-0.38	6.49E-01	1.03	1.51E-01	-0.02	5.07E-01
FOLR4	-0.38	6.49E-01	0.75	2.27E-01	0.33	3.70E-01
ELOVL5	-0.38	6.49E-01	-0.41	6.58E-01	0.40	3.46E-01
HIRA	-0.38	6.49E-01	0.66	2.54E-01	-0.19	5.74E-01
KBTBD12	-0.38	6.49E-01	-0.07	5.30E-01	0.81	2.10E-01
MFAP5	-0.38	6.49E-01	-0.59	7.24E-01	-0.15	5.59E-01
POU2F1	-0.38	6.49E-01	0.65	2.57E-01	-0.22	5.88E-01
SLC4A9	-0.38	6.49E-01	-0.57	7.16E-01	0.16	4.37E-01
AANAT	-0.38	6.49E-01	-0.76	7.77E-01	-0.55	7.10E-01
TMEM88B	-0.38	6.49E-01	0.45	3.27E-01	-2.00	9.77E-01
RCN3	-0.38	6.49E-01	0.46	3.21E-01	-0.51	6.96E-01

CCDC73	-0.38	6.49E-01	1.23	1.10E-01	1.67	4.77E-02
DLL1	-0.38	6.49E-01	-0.19	5.76E-01	-1.28	9.00E-01
ZDHC22	-0.38	6.49E-01	0.50	3.09E-01	-0.01	5.03E-01
ACO2	-0.38	6.49E-01	-0.43	6.67E-01	-0.08	5.31E-01
DAK	-0.38	6.49E-01	-0.70	7.57E-01	-0.60	7.24E-01
ATP12A	-0.38	6.49E-01	-0.59	7.23E-01	0.35	3.62E-01
CTD-2368P22.1	-0.38	6.50E-01	0.00	5.02E-01	0.95	1.72E-01
GPR156	-0.38	6.50E-01	-0.18	5.72E-01	0.32	3.76E-01
GRTP1	-0.38	6.50E-01	0.80	2.13E-01	1.26	1.05E-01
IER5	-0.38	6.50E-01	-0.60	7.24E-01	0.87	1.92E-01
KCTD15	-0.38	6.50E-01	0.26	3.98E-01	0.03	4.86E-01
PLIN5	-0.38	6.50E-01	-0.16	5.65E-01	-0.32	6.27E-01
MT1X	-0.38	6.50E-01	-1.07	8.58E-01	-0.73	7.67E-01
ZNF221	-0.38	6.50E-01	-0.13	5.52E-01	-0.61	7.30E-01
PDE7B	-0.38	6.50E-01	0.70	2.43E-01	1.12	1.31E-01
MTMR12	-0.39	6.50E-01	0.83	2.04E-01	-0.27	6.05E-01
IL32	-0.39	6.50E-01	0.41	3.43E-01	-1.53	9.37E-01
CEP57L1	-0.39	6.50E-01	0.59	2.76E-01	-0.88	8.11E-01
PDCD2L	-0.39	6.50E-01	0.89	1.87E-01	-0.61	7.29E-01
NKX1-1	-0.39	6.50E-01	-0.02	5.10E-01	1.34	8.98E-02
DNAJC25	-0.39	6.50E-01	1.17	1.21E-01	0.79	2.14E-01
DNAJC25-GNG10	-0.39	6.50E-01	1.17	1.21E-01	0.79	2.14E-01
SLC2A2	-0.39	6.50E-01	-0.74	7.70E-01	-0.63	7.36E-01
KCNV2	-0.39	6.50E-01	-1.36	9.13E-01	0.48	3.17E-01
TMEM184C	-0.39	6.50E-01	-0.73	7.67E-01	-0.50	6.90E-01
TAS2R5	-0.39	6.50E-01	-0.20	5.78E-01	-0.80	7.89E-01
SAA2	-0.39	6.50E-01	0.18	4.29E-01	-1.34	9.11E-01
RP11-15E18.4	-0.39	6.50E-01	-0.82	7.94E-01	-0.40	6.54E-01
RACGAP1	-0.39	6.50E-01	0.29	3.86E-01	1.28	9.96E-02
METTL18	-0.39	6.50E-01	1.44	7.45E-02	1.58	5.75E-02
WDR70	-0.39	6.50E-01	-0.26	6.03E-01	-0.53	7.02E-01

FBXW10	-0.39	6.50E-01	-0.62	7.31E-01	-0.10	5.41E-01
NIPSNAP1	-0.39	6.51E-01	-0.39	6.52E-01	1.29	9.87E-02
BRI3	-0.39	6.51E-01	0.37	3.54E-01	0.26	3.96E-01
CHRNB1	-0.39	6.51E-01	-1.00	8.41E-01	-0.73	7.68E-01
TARS	-0.39	6.51E-01	0.88	1.89E-01	-0.70	7.57E-01
FAM3D	-0.39	6.51E-01	-0.96	8.32E-01	0.56	2.88E-01
GABARAPL2	-0.39	6.51E-01	-0.74	7.71E-01	0.38	3.53E-01
WBP1	-0.39	6.51E-01	-2.01	9.78E-01	0.18	4.30E-01
LLGL2	-0.39	6.51E-01	0.41	3.41E-01	-0.16	5.64E-01
PDIA2	-0.39	6.51E-01	-0.50	6.91E-01	0.61	2.72E-01
ROS1	-0.39	6.51E-01	-0.57	7.15E-01	0.30	3.80E-01
REG3A	-0.39	6.51E-01	-1.13	8.70E-01	0.74	2.29E-01
IFNA4	-0.39	6.51E-01	-0.39	6.53E-01	-1.00	8.41E-01
KCNE2	-0.39	6.51E-01	-0.44	6.70E-01	-0.09	5.34E-01
PLIN4	-0.39	6.51E-01	-1.12	8.68E-01	0.65	2.58E-01
EID1	-0.39	6.51E-01	-0.89	8.13E-01	-0.25	5.98E-01
TMEM9	-0.39	6.51E-01	0.33	3.69E-01	-0.77	7.78E-01
C16orf80	-0.39	6.52E-01	1.49	6.81E-02	0.13	4.48E-01
TNFRSF10B	-0.39	6.52E-01	0.19	4.24E-01	-0.18	5.70E-01
DEFB1	-0.39	6.52E-01	0.42	3.39E-01	-0.31	6.20E-01
MSRB3	-0.39	6.52E-01	-0.02	5.09E-01	-1.20	8.85E-01
RBCK1	-0.39	6.52E-01	0.51	3.06E-01	-0.28	6.11E-01
TCHH	-0.39	6.52E-01	0.54	2.93E-01	-2.79	9.97E-01
USP50	-0.39	6.52E-01	-0.67	7.48E-01	-1.36	9.13E-01
TVP23A	-0.39	6.52E-01	0.11	4.58E-01	-1.00	8.41E-01
ABLIM3	-0.39	6.52E-01	0.53	2.99E-01	-1.50	9.33E-01
PACRGL	-0.39	6.52E-01	-0.38	6.47E-01	0.54	2.94E-01
ALDH1A1	-0.39	6.52E-01	-0.43	6.66E-01	-0.48	6.85E-01
NROB2	-0.39	6.52E-01	-0.31	6.20E-01	1.81	3.49E-02
MYH6	-0.39	6.52E-01	-0.63	7.37E-01	0.66	2.53E-01
KCNH5	-0.39	6.52E-01	-0.94	8.25E-01	0.67	2.53E-01

SPINT2	-0.39	6.52E-01	0.42	3.37E-01	-2.23	9.87E-01
ADRA1A	-0.39	6.52E-01	0.26	3.96E-01	-1.07	8.57E-01
TWF2	-0.39	6.53E-01	-0.29	6.13E-01	-0.18	5.71E-01
OR4K14	-0.39	6.53E-01	-1.40	9.19E-01	-0.34	6.33E-01
ORM1	-0.39	6.53E-01	-0.17	5.69E-01	0.10	4.59E-01
GRIK1-AS2	-0.39	6.53E-01	0.62	2.69E-01	-2.62	9.96E-01
NRXN3	-0.39	6.53E-01	0.69	2.45E-01	-0.34	6.31E-01
GPR108	-0.39	6.53E-01	1.09	1.37E-01	1.94	2.59E-02
ZNF341	-0.39	6.53E-01	-0.19	5.75E-01	-1.60	9.45E-01
MFAP2	-0.39	6.53E-01	0.64	2.62E-01	0.76	2.24E-01
PARP11	-0.39	6.53E-01	-0.23	5.92E-01	-0.11	5.43E-01
SEC14L5	-0.39	6.53E-01	0.68	2.49E-01	0.81	2.09E-01
FAM129C	-0.39	6.53E-01	-1.66	9.52E-01	-0.16	5.62E-01
CETN3	-0.39	6.53E-01	-0.26	6.01E-01	-2.23	9.87E-01
PHLPP1	-0.39	6.53E-01	-0.46	6.79E-01	-0.29	6.13E-01
CPZ	-0.39	6.53E-01	-1.21	8.87E-01	0.23	4.07E-01
PROX1	-0.39	6.53E-01	-0.95	8.28E-01	0.40	3.45E-01
TDRD15	-0.39	6.53E-01	0.26	3.98E-01	-1.04	8.51E-01
C19orf80	-0.39	6.53E-01	0.16	4.38E-01	-0.75	7.73E-01
SLFN14	-0.39	6.53E-01	-1.62	9.47E-01	0.28	3.90E-01
SYCE1L	-0.39	6.53E-01	-1.58	9.43E-01	0.19	4.23E-01
PNPT1	-0.39	6.54E-01	1.16	1.23E-01	-1.60	9.45E-01
C12orf50	-0.40	6.54E-01	-0.84	8.01E-01	-0.41	6.57E-01
P4HA2	-0.40	6.54E-01	0.46	3.21E-01	0.29	3.86E-01
CNN3	-0.40	6.54E-01	-0.34	6.33E-01	0.69	2.44E-01
WARS2	-0.40	6.54E-01	-1.13	8.71E-01	1.00	1.59E-01
CSE1L	-0.40	6.54E-01	-0.16	5.64E-01	-0.79	7.85E-01
PRSS37	-0.40	6.54E-01	-0.10	5.38E-01	1.04	1.48E-01
USP1	-0.40	6.54E-01	0.81	2.09E-01	-0.17	5.69E-01
NME7	-0.40	6.54E-01	0.89	1.88E-01	0.25	4.03E-01
IKZF2	-0.40	6.54E-01	0.43	3.33E-01	0.68	2.49E-01



MMP20	-0.40	6.54E-01	-0.65	7.43E-01	0.46	3.22E-01
PCDHB12	-0.40	6.54E-01	-0.52	6.97E-01	-1.22	8.88E-01
QSER1	-0.40	6.55E-01	-0.23	5.91E-01	1.16	1.24E-01
MPG	-0.40	6.55E-01	-0.31	6.22E-01	-0.24	5.96E-01
CA8	-0.40	6.55E-01	-1.38	9.17E-01	-0.24	5.94E-01
SMARCD1	-0.40	6.55E-01	-0.67	7.50E-01	0.48	3.17E-01
SDC2	-0.40	6.55E-01	-1.70	9.56E-01	1.39	8.17E-02
C6orf132	-0.40	6.55E-01	0.10	4.62E-01	-0.03	5.13E-01
IQCB1	-0.40	6.55E-01	-0.02	5.06E-01	-1.01	8.44E-01
VPS37D	-0.40	6.55E-01	0.17	4.33E-01	-2.02	9.79E-01
RP11-438J1.1	-0.40	6.55E-01	-0.37	6.44E-01	-0.86	8.05E-01
GIP	-0.40	6.55E-01	-0.73	7.69E-01	-1.15	8.75E-01
SUPT6H	-0.40	6.55E-01	-0.86	8.06E-01	-0.26	6.01E-01
LAIR1	-0.40	6.55E-01	-1.31	9.04E-01	-0.24	5.94E-01
MCCC2	-0.40	6.55E-01	0.49	3.13E-01	-0.50	6.90E-01
NUDT4	-0.40	6.55E-01	0.20	4.19E-01	-1.17	8.80E-01
IGSF9B	-0.40	6.55E-01	-1.38	9.16E-01	-0.17	5.66E-01
ZIC4	-0.40	6.55E-01	-1.42	9.23E-01	-0.12	5.48E-01
NXPH1	-0.40	6.55E-01	-1.18	8.82E-01	1.83	3.36E-02
EARS2	-0.40	6.55E-01	-0.01	5.04E-01	0.21	4.18E-01
PODNL1	-0.40	6.56E-01	-0.50	6.92E-01	0.61	2.70E-01
KRTAP13-2	-0.40	6.56E-01	-0.38	6.50E-01	-0.61	7.28E-01
TRUB1	-0.40	6.56E-01	0.48	3.14E-01	-0.71	7.61E-01
CLDN3	-0.40	6.56E-01	0.21	4.17E-01	-1.52	9.36E-01
LRRC70	-0.40	6.56E-01	-1.45	9.27E-01	-0.79	7.86E-01
C22orf39	-0.40	6.56E-01	0.68	2.48E-01	-0.20	5.78E-01
TTC18	-0.40	6.56E-01	-1.28	8.99E-01	-0.19	5.74E-01
KRTAP1-1	-0.40	6.56E-01	-1.11	8.67E-01	-0.22	5.89E-01
TMEM214	-0.40	6.56E-01	1.01	1.57E-01	0.47	3.20E-01
DEPDC4	-0.40	6.56E-01	-0.69	7.56E-01	0.35	3.63E-01
C10orf99	-0.40	6.56E-01	-1.13	8.71E-01	1.02	1.55E-01

MIF4GD	-0.40	6.56E-01	0.97	1.65E-01	-0.22	5.86E-01
LAMC1	-0.40	6.56E-01	-0.40	6.56E-01	-0.55	7.07E-01
DPH3	-0.40	6.56E-01	0.35	3.65E-01	0.35	3.65E-01
KY	-0.40	6.56E-01	-0.68	7.53E-01	-0.54	7.06E-01
ZYX	-0.40	6.56E-01	-0.55	7.08E-01	0.09	4.63E-01
MEF2B	-0.40	6.56E-01	-0.29	6.13E-01	-0.26	6.02E-01
PHF7	-0.40	6.56E-01	-0.22	5.88E-01	1.06	1.43E-01
ORC5	-0.40	6.56E-01	-1.05	8.54E-01	0.11	4.56E-01
RAB34	-0.40	6.56E-01	-0.03	5.10E-01	-2.81	9.98E-01
MCTP1	-0.40	6.56E-01	-0.81	7.91E-01	0.44	3.29E-01
CCDC144NL	-0.40	6.57E-01	-0.11	5.45E-01	0.53	2.99E-01
WSB1	-0.40	6.57E-01	1.36	8.71E-02	0.31	3.78E-01
TEPP	-0.40	6.57E-01	0.14	4.43E-01	-0.49	6.89E-01
ZNF746	-0.40	6.57E-01	-0.52	6.99E-01	0.07	4.71E-01
SPIRE1	-0.40	6.57E-01	-0.83	7.96E-01	-0.18	5.71E-01
MEF2BNB-MEF2B	-0.40	6.57E-01	-0.27	6.08E-01	-0.30	6.17E-01
SSX2IP	-0.40	6.57E-01	0.04	4.86E-01	-0.33	6.30E-01
GPR179	-0.40	6.57E-01	-0.75	7.73E-01	-0.27	6.07E-01
ANKRD2	-0.40	6.57E-01	-0.38	6.46E-01	-1.30	9.03E-01
ANPEP	-0.40	6.57E-01	-0.55	7.08E-01	-0.41	6.59E-01
ZNF250	-0.40	6.57E-01	-0.47	6.79E-01	-1.49	9.32E-01
STPG1	-0.41	6.57E-01	-1.18	8.82E-01	0.55	2.90E-01
OVOL3	-0.41	6.57E-01	-0.20	5.79E-01	-1.75	9.60E-01
IGF2R	-0.41	6.58E-01	1.39	8.20E-02	-1.42	9.22E-01
FOXE1	-0.41	6.58E-01	-0.01	5.05E-01	1.16	1.22E-01
KNSTRN	-0.41	6.58E-01	0.70	2.43E-01	1.36	8.76E-02
ANKRD29	-0.41	6.58E-01	-1.53	9.37E-01	0.48	3.15E-01
ASXL2	-0.41	6.58E-01	-0.70	7.59E-01	0.21	4.17E-01
DLX5	-0.41	6.58E-01	0.25	4.03E-01	-0.80	7.89E-01
DDHD1	-0.41	6.58E-01	0.03	4.88E-01	-1.37	9.14E-01
CD63	-0.41	6.58E-01	0.24	4.07E-01	-1.21	8.87E-01

C1orf173	-0.41	6.58E-01	0.29	3.85E-01	-1.03	8.48E-01
KLRD1	-0.41	6.58E-01	0.57	2.84E-01	-1.09	8.61E-01
TRIM60	-0.41	6.58E-01	0.33	3.70E-01	-0.37	6.45E-01
TTC33	-0.41	6.58E-01	-0.67	7.47E-01	-0.23	5.91E-01
LAMA3	-0.41	6.58E-01	-0.31	6.22E-01	1.82	3.43E-02
MC1R	-0.41	6.58E-01	-0.95	8.29E-01	0.71	2.38E-01
C12orf71	-0.41	6.58E-01	-1.38	9.16E-01	0.06	4.78E-01
CYP4V2	-0.41	6.58E-01	-0.83	7.96E-01	-0.16	5.64E-01
COMMD2	-0.41	6.59E-01	1.91	2.84E-02	1.21	1.13E-01
IFNA1	-0.41	6.59E-01	-0.68	7.53E-01	0.89	1.87E-01
RPL11	-0.41	6.59E-01	0.21	4.18E-01	1.28	1.01E-01
VPS33A	-0.41	6.59E-01	-0.29	6.15E-01	-0.32	6.26E-01
VHLL	-0.41	6.59E-01	0.30	3.84E-01	-0.61	7.29E-01
CRELD1	-0.41	6.59E-01	-0.34	6.35E-01	0.35	3.64E-01
FZD6	-0.41	6.59E-01	0.92	1.78E-01	-0.89	8.13E-01
SRRM3	-0.41	6.59E-01	-1.18	8.80E-01	0.36	3.59E-01
NEDD8-MDP1	-0.41	6.59E-01	0.09	4.64E-01	0.62	2.69E-01
OR5H14	-0.41	6.59E-01	-1.53	9.37E-01	-0.17	5.67E-01
SFR1	-0.41	6.59E-01	0.69	2.45E-01	-0.48	6.85E-01
PRRC2B	-0.41	6.59E-01	0.24	4.06E-01	1.89	2.94E-02
ABCC4	-0.41	6.59E-01	-1.20	8.84E-01	-1.01	8.45E-01
PHOX2B	-0.41	6.59E-01	-0.32	6.25E-01	0.09	4.65E-01
TSKU	-0.41	6.60E-01	-1.04	8.52E-01	-0.61	7.28E-01
F2RL3	-0.41	6.60E-01	-0.85	8.03E-01	0.83	2.04E-01
NVL	-0.41	6.60E-01	-0.24	5.96E-01	-0.83	7.98E-01
GALC	-0.41	6.60E-01	-0.52	6.98E-01	1.15	1.26E-01
C20orf112	-0.41	6.60E-01	0.31	3.77E-01	3.19	7.04E-04
TMEM219	-0.41	6.60E-01	-0.72	7.65E-01	-0.81	7.91E-01
TRIM5	-0.41	6.60E-01	0.41	3.41E-01	0.11	4.56E-01
KCNH1	-0.41	6.60E-01	-0.29	6.13E-01	0.02	4.91E-01
ZMYM2	-0.41	6.60E-01	0.65	2.56E-01	0.75	2.26E-01

SOX18	-0.41	6.60E-01	-0.12	5.49E-01	-1.13	8.70E-01
FAM47E-STBD1	-0.41	6.60E-01	0.43	3.32E-01	-1.01	8.43E-01
SARNP	-0.41	6.60E-01	-0.18	5.71E-01	-1.23	8.91E-01
C1orf233	-0.41	6.60E-01	0.77	2.21E-01	-0.07	5.26E-01
SLC3A2	-0.41	6.60E-01	-0.25	5.97E-01	0.00	4.98E-01
MOB3A	-0.41	6.60E-01	0.42	3.38E-01	-1.71	9.57E-01
TSPAN18	-0.41	6.60E-01	-1.90	9.72E-01	0.89	1.86E-01
EPYC	-0.41	6.60E-01	-0.21	5.82E-01	-1.52	9.36E-01
FAM211B	-0.41	6.60E-01	-0.19	5.76E-01	-1.14	8.74E-01
CTRC	-0.41	6.60E-01	-1.92	9.73E-01	-0.27	6.06E-01
COA6	-0.41	6.60E-01	-0.82	7.93E-01	-0.11	5.44E-01
TMEM234	-0.41	6.60E-01	-0.91	8.20E-01	-0.65	7.41E-01
SCARA3	-0.41	6.60E-01	-0.75	7.74E-01	-0.27	6.08E-01
FAM171B	-0.41	6.60E-01	0.13	4.50E-01	0.61	2.72E-01
OSCP1	-0.41	6.60E-01	-0.11	5.44E-01	-0.40	6.57E-01
KANK1	-0.41	6.60E-01	-0.66	7.46E-01	0.58	2.79E-01
ZNF853	-0.41	6.61E-01	-1.06	8.55E-01	-0.05	5.22E-01
RHNO1	-0.42	6.61E-01	-0.63	7.35E-01	-0.44	6.72E-01
ATG7	-0.42	6.61E-01	-0.89	8.13E-01	0.58	2.80E-01
FAM47E-STBD1	-0.42	6.61E-01	0.42	3.37E-01	-0.99	8.39E-01
OCLM	-0.42	6.61E-01	1.05	1.46E-01	0.55	2.90E-01
SLC7A8	-0.42	6.61E-01	-1.27	8.98E-01	0.49	3.12E-01
SLC6A20	-0.42	6.61E-01	-0.71	7.61E-01	1.10	1.36E-01
GALNT4	-0.42	6.61E-01	-0.32	6.27E-01	-0.02	5.06E-01
POC1B-GALNT4	-0.42	6.61E-01	-0.32	6.27E-01	-0.02	5.06E-01
KLRF1	-0.42	6.62E-01	-0.44	6.72E-01	-1.15	8.74E-01
TAS2R41	-0.42	6.62E-01	0.49	3.11E-01	1.26	1.04E-01
OR1E2	-0.42	6.62E-01	0.02	4.91E-01	-2.19	9.86E-01
ART5	-0.42	6.62E-01	-1.49	9.32E-01	-0.25	6.00E-01
HNRNPA1L2	-0.42	6.62E-01	-0.33	6.30E-01	-0.12	5.48E-01
ITFG1	-0.42	6.62E-01	-0.24	5.95E-01	-0.28	6.09E-01

CBX8	-0.42	6.62E-01	-0.31	6.20E-01	0.83	2.03E-01
PCDH10	-0.42	6.62E-01	2.03	2.12E-02	-0.04	5.15E-01
DEFA5	-0.42	6.62E-01	-0.19	5.75E-01	-1.26	8.96E-01
HRH4	-0.42	6.62E-01	-1.14	8.72E-01	-0.57	7.14E-01
PURB	-0.42	6.62E-01	-0.37	6.45E-01	-0.17	5.66E-01
WDR19	-0.42	6.62E-01	-1.26	8.95E-01	0.18	4.29E-01
NKX6-1	-0.42	6.62E-01	-0.93	8.23E-01	0.55	2.90E-01
CCDC63	-0.42	6.62E-01	-0.48	6.86E-01	-0.66	7.44E-01
ORC4	-0.42	6.62E-01	0.69	2.44E-01	2.32	1.02E-02
ZNF417	-0.42	6.62E-01	0.84	2.02E-01	-0.49	6.87E-01
CNOT4	-0.42	6.62E-01	-0.56	7.11E-01	-0.94	8.26E-01
SIRT2	-0.42	6.62E-01	-0.11	5.44E-01	-1.28	9.01E-01
ATG4C	-0.42	6.62E-01	-0.68	7.52E-01	-0.15	5.58E-01
LRR34	-0.42	6.63E-01	-0.84	7.99E-01	0.70	2.41E-01
GPR35	-0.42	6.63E-01	0.85	1.98E-01	-0.63	7.35E-01
CDK4	-0.42	6.63E-01	-0.16	5.65E-01	-0.55	7.10E-01
UBLCP1	-0.42	6.63E-01	-0.16	5.64E-01	-1.21	8.87E-01
GBP6	-0.42	6.63E-01	-0.70	7.58E-01	0.45	3.27E-01
ZNF564	-0.42	6.63E-01	-1.06	8.56E-01	-0.13	5.51E-01
GM2A	-0.42	6.63E-01	-1.69	9.55E-01	0.16	4.38E-01
KLHDC7B	-0.42	6.63E-01	-0.93	8.23E-01	-0.68	7.53E-01
CYP4F2	-0.42	6.63E-01	-0.84	7.99E-01	-0.48	6.85E-01
FOX3	-0.42	6.63E-01	0.41	3.41E-01	1.44	7.51E-02
FSHB	-0.42	6.63E-01	-0.27	6.05E-01	-0.84	7.99E-01
CLDN12	-0.42	6.63E-01	0.59	2.79E-01	0.38	3.50E-01
CCL19	-0.42	6.63E-01	-1.14	8.73E-01	1.00	1.60E-01
OR2AG1	-0.42	6.63E-01	-0.15	5.59E-01	-0.85	8.01E-01
HEATR3	-0.42	6.63E-01	0.25	4.01E-01	-0.58	7.17E-01
GJD3	-0.42	6.63E-01	-1.49	9.32E-01	-0.71	7.60E-01
KCNE4	-0.42	6.63E-01	-1.11	8.67E-01	-0.19	5.77E-01
DCUN1D3	-0.42	6.64E-01	0.34	3.66E-01	-0.11	5.46E-01

NHLRC3	-0.42	6.64E-01	-0.80	7.88E-01	-0.14	5.56E-01
TMEM25	-0.42	6.64E-01	-0.79	7.86E-01	-0.21	5.82E-01
ITGA4	-0.42	6.64E-01	-0.19	5.75E-01	0.04	4.85E-01
SHISA8	-0.42	6.64E-01	0.52	3.03E-01	0.69	2.46E-01
DCT	-0.42	6.64E-01	0.99	1.60E-01	-1.14	8.74E-01
PPFIBP1	-0.42	6.64E-01	0.44	3.29E-01	-0.75	7.74E-01
SIK3	-0.42	6.64E-01	-1.83	9.66E-01	0.01	4.98E-01
TMIGD1	-0.42	6.64E-01	-0.15	5.61E-01	-0.40	6.57E-01
ERVV-1	-0.42	6.64E-01	0.70	2.43E-01	-0.10	5.40E-01
C9orf72	-0.42	6.64E-01	-0.63	7.35E-01	0.02	4.91E-01
CCDC177	-0.42	6.64E-01	-0.09	5.37E-01	-0.30	6.20E-01
PVRL2	-0.42	6.64E-01	-0.13	5.51E-01	0.32	3.74E-01
VSTM1	-0.42	6.64E-01	-0.12	5.46E-01	0.35	3.65E-01
NEUROG2	-0.42	6.64E-01	-2.36	9.91E-01	0.31	3.80E-01
C4orf45	-0.42	6.64E-01	-1.59	9.44E-01	-0.15	5.61E-01
C7orf31	-0.42	6.65E-01	-0.91	8.20E-01	-0.01	5.04E-01
LCE2B	-0.43	6.65E-01	-0.75	7.73E-01	0.10	4.62E-01
KIAA1199	-0.43	6.65E-01	-0.56	7.14E-01	-0.22	5.88E-01
NR1H4	-0.43	6.65E-01	-0.65	7.43E-01	0.55	2.91E-01
EBAG9	-0.43	6.65E-01	-1.00	8.42E-01	-0.63	7.35E-01
UBA52	-0.43	6.65E-01	0.85	1.97E-01	-1.00	8.40E-01
TRIM61	-0.43	6.65E-01	0.09	4.65E-01	0.06	4.77E-01
FAM174A	-0.43	6.65E-01	0.11	4.57E-01	-1.18	8.81E-01
OR13J1	-0.43	6.65E-01	-0.31	6.23E-01	-0.99	8.38E-01
RILP	-0.43	6.65E-01	-0.69	7.54E-01	-0.59	7.21E-01
RASA2	-0.43	6.65E-01	-1.23	8.90E-01	1.21	1.13E-01
DAD1	-0.43	6.65E-01	-0.08	5.32E-01	-1.42	9.23E-01
B4GALNT3	-0.43	6.65E-01	-0.34	6.33E-01	-0.31	6.21E-01
LPIN3	-0.43	6.65E-01	-0.17	5.68E-01	-0.13	5.52E-01
MLF2	-0.43	6.65E-01	-0.47	6.81E-01	0.64	2.62E-01
HSPA9	-0.43	6.65E-01	-0.38	6.46E-01	-0.26	6.02E-01

PKD2L2	-0.43	6.65E-01	-0.65	7.42E-01	0.03	4.86E-01
SSH1	-0.43	6.65E-01	-0.82	7.93E-01	-0.53	7.01E-01
PFDN5	-0.43	6.66E-01	-0.20	5.78E-01	-1.52	9.35E-01
ANKRD13D	-0.43	6.66E-01	1.39	8.21E-02	1.35	8.80E-02
CXCL12	-0.43	6.66E-01	-0.68	7.51E-01	-0.15	5.59E-01
GCM1	-0.43	6.66E-01	0.89	1.87E-01	-1.90	9.71E-01
TRIP13	-0.43	6.66E-01	-0.38	6.47E-01	-0.91	8.19E-01
TBCB	-0.43	6.66E-01	-0.07	5.28E-01	-1.02	8.47E-01
C1orf158	-0.43	6.66E-01	-0.90	8.15E-01	-0.07	5.27E-01
IDI2	-0.43	6.66E-01	-1.62	9.47E-01	0.71	2.40E-01
DTD2	-0.43	6.66E-01	0.10	4.62E-01	1.06	1.45E-01
COL7A1	-0.43	6.66E-01	0.09	4.63E-01	0.93	1.75E-01
CPLX2	-0.43	6.66E-01	-0.29	6.16E-01	-0.35	6.37E-01
CMTM5	-0.43	6.66E-01	-1.15	8.75E-01	0.41	3.43E-01
KRTAP25-1	-0.43	6.66E-01	1.56	5.99E-02	0.84	2.00E-01
FAM76A	-0.43	6.66E-01	-0.81	7.90E-01	0.36	3.60E-01
ID4	-0.43	6.67E-01	-0.07	5.27E-01	-0.97	8.34E-01
SAA1	-0.43	6.67E-01	-0.62	7.33E-01	0.51	3.06E-01
RBBP4	-0.43	6.67E-01	-0.43	6.68E-01	-0.47	6.81E-01
OTOR	-0.43	6.67E-01	-0.83	7.97E-01	-0.25	5.98E-01
DHX35	-0.43	6.67E-01	0.68	2.49E-01	2.49	6.33E-03
TMEM95	-0.43	6.67E-01	-0.41	6.58E-01	-1.27	8.97E-01
HILPDA	-0.43	6.67E-01	-0.65	7.42E-01	-0.07	5.28E-01
HAUS8	-0.43	6.67E-01	0.28	3.91E-01	-1.55	9.39E-01
ADAMTSL4	-0.43	6.67E-01	-1.24	8.92E-01	0.40	3.45E-01
C10orf126	-0.43	6.67E-01	2.05	2.02E-02	0.45	3.26E-01
ARHGEF15	-0.43	6.67E-01	-1.00	8.40E-01	0.67	2.51E-01
TBC1D1	-0.43	6.67E-01	0.68	2.47E-01	-0.94	8.26E-01
HNRNPH1	-0.43	6.67E-01	1.34	9.06E-02	-0.22	5.86E-01
LYPLAL1	-0.43	6.67E-01	0.31	3.77E-01	0.48	3.15E-01
SPATA32	-0.43	6.67E-01	-0.24	5.94E-01	0.08	4.69E-01

RP11-181C3.1	-0.43	6.67E-01	-0.21	5.85E-01	0.44	3.30E-01
ADI1	-0.43	6.67E-01	0.38	3.51E-01	0.19	4.25E-01
PBX4	-0.43	6.67E-01	-0.78	7.81E-01	-1.12	8.68E-01
MYH8	-0.43	6.67E-01	-0.06	5.23E-01	-1.68	9.53E-01
ZNF467	-0.43	6.67E-01	-1.07	8.57E-01	0.62	2.68E-01
PNKP	-0.43	6.67E-01	0.93	1.76E-01	-0.24	5.94E-01
VTI1B	-0.43	6.67E-01	0.17	4.31E-01	-1.90	9.71E-01
NFKBIA	-0.43	6.68E-01	-0.71	7.61E-01	1.18	1.18E-01
CELSR2	-0.43	6.68E-01	-0.80	7.87E-01	-0.45	6.73E-01
GRIN2B	-0.43	6.68E-01	-1.01	8.44E-01	-0.05	5.19E-01
CCL15-CCL14	-0.43	6.68E-01	0.85	1.99E-01	-0.47	6.79E-01
KLRC3	-0.43	6.68E-01	0.07	4.73E-01	0.87	1.91E-01
THNSL2	-0.44	6.68E-01	-0.27	6.07E-01	0.54	2.94E-01
TNN	-0.44	6.68E-01	0.25	4.00E-01	-0.36	6.39E-01
ZNF543	-0.44	6.68E-01	0.31	3.79E-01	-0.73	7.68E-01
USP45	-0.44	6.68E-01	-0.17	5.69E-01	-0.51	6.95E-01
ZNF132	-0.44	6.68E-01	-0.21	5.84E-01	-0.29	6.14E-01
ATP5B	-0.44	6.68E-01	-0.19	5.77E-01	-1.04	8.51E-01
CDT1	-0.44	6.68E-01	1.31	9.55E-02	0.00	4.98E-01
ZFAND5	-0.44	6.68E-01	0.50	3.10E-01	-0.85	8.02E-01
PXDN	-0.44	6.68E-01	-1.39	9.17E-01	0.75	2.26E-01
CNTD2	-0.44	6.68E-01	-0.80	7.88E-01	0.77	2.19E-01
ZNF487	-0.44	6.68E-01	0.50	3.10E-01	0.76	2.24E-01
BAMBI	-0.44	6.68E-01	1.08	1.40E-01	0.06	4.76E-01
DPPA3	-0.44	6.68E-01	-0.79	7.85E-01	-0.36	6.39E-01
SYNC	-0.44	6.68E-01	-0.80	7.89E-01	-0.19	5.76E-01
PPARG	-0.44	6.68E-01	-0.78	7.82E-01	1.01	1.56E-01
SRPK2	-0.44	6.69E-01	-0.19	5.77E-01	-1.13	8.71E-01
SHISA2	-0.44	6.69E-01	-1.35	9.11E-01	0.00	5.01E-01
POPDC2	-0.44	6.69E-01	0.90	1.85E-01	-1.27	8.98E-01
TAAR8	-0.44	6.69E-01	1.31	9.55E-02	0.81	2.10E-01



OMG	-0.44	6.69E-01	0.32	3.76E-01	1.34	9.08E-02
GNAT2	-0.44	6.69E-01	0.49	3.11E-01	-0.18	5.71E-01
FBXO9	-0.44	6.69E-01	0.40	3.46E-01	-2.18	9.85E-01
C9orf135	-0.44	6.69E-01	-1.44	9.25E-01	-0.66	7.45E-01
POLDIP2	-0.44	6.69E-01	-1.08	8.60E-01	-0.71	7.61E-01
ANKRD34B	-0.44	6.69E-01	-0.77	7.78E-01	-0.63	7.35E-01
FAM69A	-0.44	6.69E-01	-0.27	6.05E-01	0.19	4.26E-01
BMPR2	-0.44	6.69E-01	-0.28	6.12E-01	-1.61	9.46E-01
ARL1	-0.44	6.69E-01	-0.85	8.02E-01	-0.43	6.67E-01
PNRC2	-0.44	6.69E-01	0.78	2.18E-01	0.18	4.29E-01
KIAA1429	-0.44	6.69E-01	1.23	1.10E-01	0.05	4.78E-01
PANK4	-0.44	6.69E-01	-0.82	7.95E-01	0.21	4.18E-01
ARHGAP26	-0.44	6.69E-01	0.03	4.87E-01	-0.68	7.53E-01
IGFBP1	-0.44	6.70E-01	0.29	3.86E-01	-0.74	7.72E-01
CACYBP	-0.44	6.70E-01	0.93	1.77E-01	0.01	4.94E-01
B9D2	-0.44	6.70E-01	0.07	4.72E-01	0.09	4.62E-01
TGFBI	-0.44	6.70E-01	-0.32	6.27E-01	-0.05	5.19E-01
FCRL1	-0.44	6.70E-01	-0.52	6.99E-01	0.75	2.27E-01
FAM13B	-0.44	6.70E-01	-0.41	6.59E-01	-0.31	6.22E-01
KIF16B	-0.44	6.70E-01	0.17	4.31E-01	-2.25	9.88E-01
DAB2IP	-0.44	6.70E-01	0.41	3.42E-01	-0.97	8.33E-01
GUCY1A2	-0.44	6.70E-01	-0.49	6.90E-01	-1.13	8.71E-01
RARRES1	-0.44	6.70E-01	0.13	4.47E-01	-0.34	6.35E-01
KRT84	-0.44	6.70E-01	-0.53	7.01E-01	0.51	3.04E-01
CCER1	-0.44	6.70E-01	0.31	3.79E-01	-1.57	9.42E-01
LMO1	-0.44	6.70E-01	-1.65	9.51E-01	-0.03	5.12E-01
TMEM5	-0.44	6.71E-01	1.70	4.45E-02	1.63	5.18E-02
MSC	-0.44	6.71E-01	0.03	4.90E-01	-0.86	8.06E-01
ENDOU	-0.44	6.71E-01	0.40	3.45E-01	-1.51	9.34E-01
TNKS	-0.44	6.71E-01	-1.17	8.80E-01	0.25	4.00E-01
ZBTB48	-0.44	6.71E-01	0.65	2.58E-01	-0.63	7.36E-01

TF	-0.44	6.71E-01	-0.12	5.48E-01	-0.48	6.84E-01
PHACTR3	-0.44	6.71E-01	-0.47	6.79E-01	1.29	9.79E-02
PROSER1	-0.44	6.71E-01	-0.24	5.96E-01	0.45	3.26E-01
C8B	-0.44	6.71E-01	-0.06	5.24E-01	-1.25	8.94E-01
LHX1	-0.44	6.71E-01	0.09	4.62E-01	-0.36	6.41E-01
KIF2A	-0.44	6.71E-01	1.05	1.46E-01	-0.36	6.42E-01
KRTAP1-3	-0.44	6.71E-01	-1.24	8.92E-01	-0.19	5.77E-01
TREX1	-0.44	6.71E-01	-0.55	7.09E-01	1.83	3.39E-02
GPX8	-0.44	6.71E-01	-0.43	6.65E-01	0.72	2.37E-01
C10orf85	-0.44	6.71E-01	0.19	4.27E-01	0.90	1.83E-01
NOC3L	-0.44	6.71E-01	-0.77	7.79E-01	-0.47	6.83E-01
ZNF112	-0.44	6.71E-01	-0.67	7.47E-01	0.25	4.02E-01
GSPT1	-0.44	6.71E-01	-0.93	8.24E-01	0.39	3.50E-01
SAMD9L	-0.44	6.71E-01	-0.15	5.60E-01	-1.63	9.48E-01
ASB8	-0.44	6.72E-01	-0.27	6.07E-01	-1.50	9.33E-01
TIMM21	-0.44	6.72E-01	-1.78	9.63E-01	0.60	2.76E-01
KLHL1	-0.44	6.72E-01	-0.85	8.01E-01	-0.24	5.94E-01
OR10R2	-0.44	6.72E-01	0.05	4.81E-01	-0.59	7.21E-01
KRTAP10-12	-0.44	6.72E-01	0.54	2.95E-01	0.66	2.55E-01
CD59	-0.44	6.72E-01	-0.88	8.09E-01	1.00	1.59E-01
HMGCS1	-0.44	6.72E-01	-1.76	9.61E-01	0.12	4.54E-01
DPP4	-0.44	6.72E-01	0.33	3.71E-01	-0.21	5.83E-01
FO XK2	-0.45	6.72E-01	0.24	4.05E-01	-1.43	9.24E-01
DRAXIN	-0.45	6.72E-01	-0.19	5.74E-01	2.36	9.03E-03
ANGPT4	-0.45	6.72E-01	-0.02	5.07E-01	-0.68	7.53E-01
RP11-542P2.1	-0.45	6.72E-01	0.28	3.91E-01	-0.35	6.38E-01
ZNF777	-0.45	6.72E-01	0.80	2.12E-01	-0.19	5.75E-01
FAM24A	-0.45	6.72E-01	0.88	1.91E-01	0.15	4.42E-01
JPH4	-0.45	6.72E-01	-0.28	6.11E-01	-0.46	6.78E-01
DNAJB2	-0.45	6.73E-01	-1.50	9.33E-01	-0.31	6.23E-01
GDI2	-0.45	6.73E-01	-0.39	6.53E-01	-0.33	6.28E-01

GIF	-0.45	6.73E-01	-0.65	7.43E-01	-0.04	5.16E-01
CTPS1	-0.45	6.73E-01	-0.25	5.99E-01	-1.71	9.57E-01
TMEM168	-0.45	6.73E-01	-1.57	9.41E-01	0.65	2.57E-01
KRTAP5-3	-0.45	6.73E-01	0.72	2.34E-01	-0.46	6.78E-01
ABCA12	-0.45	6.73E-01	-1.12	8.70E-01	0.56	2.89E-01
CCL14	-0.45	6.73E-01	0.85	1.99E-01	-0.48	6.85E-01
ARID4B	-0.45	6.73E-01	-0.53	7.04E-01	-0.92	8.21E-01
ZNF732	-0.45	6.73E-01	-0.48	6.83E-01	-1.19	8.82E-01
CMTR1	-0.45	6.73E-01	-1.21	8.87E-01	0.73	2.33E-01
GAS1	-0.45	6.73E-01	-0.98	8.35E-01	-1.11	8.66E-01
USP54	-0.45	6.73E-01	-1.19	8.83E-01	-0.38	6.48E-01
EFNB3	-0.45	6.73E-01	0.49	3.10E-01	0.41	3.43E-01
NCKAP5	-0.45	6.73E-01	-1.34	9.09E-01	0.04	4.85E-01
CD1B	-0.45	6.73E-01	-0.28	6.11E-01	0.49	3.11E-01
DEFB116	-0.45	6.73E-01	0.05	4.78E-01	1.04	1.49E-01
ANXA1	-0.45	6.74E-01	-0.07	5.27E-01	2.03	2.14E-02
SLC35C1	-0.45	6.74E-01	0.15	4.40E-01	0.23	4.10E-01
APBB3	-0.45	6.74E-01	-0.62	7.33E-01	-0.67	7.48E-01
KDEL3	-0.45	6.74E-01	1.20	1.15E-01	-0.26	6.04E-01
HCN3	-0.45	6.74E-01	-0.24	5.95E-01	-1.27	8.98E-01
RGL1	-0.45	6.74E-01	1.31	9.54E-02	-0.67	7.49E-01
ZNF266	-0.45	6.74E-01	-0.36	6.39E-01	-1.38	9.16E-01
THEG	-0.45	6.74E-01	-0.52	6.99E-01	0.27	3.94E-01
PTPN23	-0.45	6.74E-01	-0.33	6.29E-01	0.71	2.40E-01
LAD1	-0.45	6.74E-01	0.07	4.73E-01	-0.39	6.51E-01
FKRP	-0.45	6.74E-01	-0.68	7.53E-01	0.48	3.15E-01
BCAS4	-0.45	6.74E-01	-0.09	5.34E-01	0.09	4.66E-01
SLC25A17	-0.45	6.74E-01	-0.80	7.88E-01	0.84	2.00E-01
PIGS	-0.45	6.74E-01	-1.10	8.65E-01	-0.05	5.19E-01
P4HB	-0.45	6.74E-01	-0.35	6.36E-01	-1.48	9.31E-01
ILKAP	-0.45	6.74E-01	-0.79	7.86E-01	0.35	3.64E-01

SPRY1	-0.45	6.74E-01	-1.15	8.75E-01	-0.55	7.09E-01
HOXA2	-0.45	6.74E-01	1.24	1.07E-01	0.44	3.31E-01
TNFRSF4	-0.45	6.74E-01	-2.63	9.96E-01	-0.22	5.87E-01
SLC25A4	-0.45	6.74E-01	-0.10	5.40E-01	-0.28	6.10E-01
SBP1	-0.45	6.75E-01	-0.56	7.12E-01	-1.47	9.29E-01
TRAPPC10	-0.45	6.75E-01	-0.28	6.11E-01	-0.60	7.26E-01
SRA1	-0.45	6.75E-01	-0.64	7.38E-01	-0.15	5.59E-01
PRSS33	-0.45	6.75E-01	-0.96	8.30E-01	0.28	3.90E-01
PCID2	-0.45	6.75E-01	-0.31	6.23E-01	-0.69	7.53E-01
ATP5SL	-0.45	6.75E-01	0.28	3.91E-01	0.91	1.82E-01
DNAI2	-0.45	6.75E-01	-0.36	6.39E-01	-0.97	8.34E-01
KBTBD11	-0.45	6.75E-01	-1.35	9.12E-01	0.02	4.92E-01
MZF1	-0.45	6.75E-01	-1.67	9.53E-01	-0.17	5.69E-01
C22orf26	-0.45	6.75E-01	-0.27	6.06E-01	-0.55	7.10E-01
SMC6	-0.45	6.75E-01	-0.88	8.10E-01	2.16	1.55E-02
CHST6	-0.45	6.75E-01	-0.35	6.37E-01	0.04	4.83E-01
SHKBP1	-0.45	6.75E-01	-1.22	8.89E-01	0.16	4.36E-01
NIFK	-0.45	6.75E-01	-0.91	8.19E-01	0.10	4.59E-01
MFSD6L	-0.45	6.75E-01	-1.01	8.45E-01	-0.83	7.98E-01
CHMP2A	-0.46	6.75E-01	-1.51	9.35E-01	-0.39	6.51E-01
FNDC3B	-0.46	6.75E-01	0.27	3.95E-01	-0.63	7.37E-01
BORA	-0.46	6.75E-01	-0.26	6.02E-01	0.00	4.98E-01
TCEB3	-0.46	6.76E-01	-0.09	5.37E-01	0.56	2.86E-01
LHPP	-0.46	6.76E-01	0.57	2.86E-01	-0.88	8.11E-01
DNAH1	-0.46	6.76E-01	-0.79	7.87E-01	0.23	4.11E-01
AK4	-0.46	6.76E-01	-0.59	7.21E-01	0.17	4.32E-01
SELK	-0.46	6.76E-01	-1.39	9.17E-01	0.41	3.40E-01
FAM219A	-0.46	6.76E-01	-0.49	6.88E-01	0.29	3.84E-01
ZNF444	-0.46	6.76E-01	-1.25	8.94E-01	-0.07	5.27E-01
COPS8	-0.46	6.76E-01	-0.08	5.31E-01	1.04	1.48E-01
MOS	-0.46	6.76E-01	-0.38	6.50E-01	-1.04	8.50E-01

TRAPPC12	-0.46	6.76E-01	-0.76	7.76E-01	0.58	2.82E-01
SLC25A36	-0.46	6.76E-01	0.17	4.32E-01	-0.76	7.76E-01
PDLIM5	-0.46	6.76E-01	0.29	3.85E-01	0.35	3.62E-01
PBX1	-0.46	6.76E-01	-0.91	8.19E-01	-0.03	5.11E-01
MEGF9	-0.46	6.76E-01	-0.29	6.16E-01	-1.02	8.45E-01
BBS10	-0.46	6.76E-01	-1.11	8.67E-01	-0.20	5.78E-01
ITGA6	-0.46	6.76E-01	0.61	2.69E-01	-0.09	5.36E-01
SGPL1	-0.46	6.76E-01	-0.61	7.28E-01	-0.94	8.26E-01
FDCSP	-0.46	6.76E-01	-1.06	8.55E-01	-0.83	7.97E-01
LEFTY2	-0.46	6.76E-01	-1.66	9.52E-01	-0.03	5.11E-01
SLC19A2	-0.46	6.76E-01	0.71	2.39E-01	0.28	3.88E-01
MRPS12	-0.46	6.77E-01	-0.15	5.59E-01	-2.35	9.91E-01
ZDHHC4	-0.46	6.77E-01	-0.37	6.43E-01	-0.47	6.82E-01
ASUN	-0.46	6.77E-01	0.30	3.84E-01	-1.08	8.60E-01
TTC23L	-0.46	6.77E-01	1.04	1.48E-01	-0.73	7.67E-01
GABRA2	-0.46	6.77E-01	-0.20	5.78E-01	-1.35	9.12E-01
DNASE1	-0.46	6.77E-01	-0.19	5.75E-01	-0.97	8.34E-01
TRAFD1	-0.46	6.77E-01	-0.99	8.40E-01	-0.54	7.04E-01
IFT52	-0.46	6.77E-01	0.93	1.76E-01	-0.30	6.20E-01
C9orf78	-0.46	6.77E-01	-0.07	5.29E-01	0.95	1.70E-01
PDLIM4	-0.46	6.77E-01	0.43	3.33E-01	0.46	3.24E-01
APLF	-0.46	6.77E-01	-0.60	7.26E-01	1.27	1.03E-01
VSIG10	-0.46	6.77E-01	-1.60	9.45E-01	-0.45	6.73E-01
DTWD2	-0.46	6.77E-01	-0.22	5.88E-01	-0.19	5.74E-01
NGDN	-0.46	6.77E-01	-0.29	6.15E-01	0.29	3.87E-01
ABCC8	-0.46	6.77E-01	-0.35	6.39E-01	-0.80	7.87E-01
TMEM199	-0.46	6.77E-01	-0.51	6.94E-01	-1.01	8.44E-01
LTV1	-0.46	6.77E-01	-0.91	8.18E-01	-0.75	7.74E-01
PRPF8	-0.46	6.77E-01	-0.51	6.95E-01	-0.85	8.01E-01
GABRG2	-0.46	6.77E-01	-0.03	5.14E-01	1.02	1.53E-01
FAM169B	-0.46	6.77E-01	1.15	1.26E-01	0.11	4.57E-01

LYSMD2	-0.46	6.78E-01	-1.67	9.53E-01	0.39	3.50E-01
MLKL	-0.46	6.78E-01	0.15	4.40E-01	-1.09	8.62E-01
OPTC	-0.46	6.78E-01	-0.63	7.36E-01	-0.26	6.02E-01
ZNF738	-0.46	6.78E-01	0.46	3.22E-01	-0.80	7.89E-01
OR2J2	-0.46	6.78E-01	-0.35	6.38E-01	-0.76	7.77E-01
NAA40	-0.46	6.78E-01	-0.47	6.82E-01	-1.08	8.60E-01
ARHGEF33	-0.46	6.78E-01	0.33	3.72E-01	-0.57	7.14E-01
ARMC9	-0.46	6.78E-01	-0.30	6.18E-01	-1.19	8.84E-01
ARRB2	-0.46	6.78E-01	0.56	2.88E-01	-0.70	7.59E-01
DMRTA1	-0.46	6.78E-01	0.48	3.15E-01	-0.24	5.93E-01
HGS	-0.46	6.78E-01	-0.69	7.56E-01	-0.69	7.54E-01
DNAJB9	-0.46	6.78E-01	-0.16	5.65E-01	-0.99	8.39E-01
POC1B	-0.46	6.79E-01	-0.83	7.98E-01	-0.39	6.53E-01
BAIAP2	-0.46	6.79E-01	-0.47	6.82E-01	0.07	4.73E-01
BRIX1	-0.46	6.79E-01	0.82	2.06E-01	-1.68	9.53E-01
FLCN	-0.46	6.79E-01	-0.50	6.91E-01	-0.25	5.99E-01
SAV1	-0.46	6.79E-01	1.21	1.14E-01	-0.78	7.82E-01
IQCF6	-0.46	6.79E-01	-1.04	8.52E-01	0.51	3.06E-01
DNPEP	-0.46	6.79E-01	0.26	3.97E-01	0.44	3.30E-01
CAPN10	-0.46	6.79E-01	0.05	4.78E-01	-1.04	8.52E-01
SPAG5	-0.47	6.79E-01	0.28	3.91E-01	-0.75	7.73E-01
TOP1	-0.47	6.79E-01	1.13	1.29E-01	-1.80	9.64E-01
ADIPOQ	-0.47	6.79E-01	1.02	1.53E-01	-2.20	9.86E-01
RARA	-0.47	6.79E-01	-0.49	6.89E-01	-1.06	8.56E-01
SPATA25	-0.47	6.79E-01	-0.55	7.09E-01	-1.00	8.42E-01
PROZ	-0.47	6.79E-01	0.05	4.80E-01	-0.74	7.71E-01
KRTAP10-5	-0.47	6.79E-01	-0.84	7.99E-01	-0.62	7.31E-01
SEC14L6	-0.47	6.79E-01	0.29	3.84E-01	-1.36	9.13E-01
AGAP2-AS1	-0.47	6.79E-01	-0.12	5.48E-01	-1.83	9.66E-01
ZWINT	-0.47	6.80E-01	-0.61	7.28E-01	0.54	2.94E-01
NOD1	-0.47	6.80E-01	-1.57	9.42E-01	0.03	4.89E-01

TLL10	-0.47	6.80E-01	0.06	4.78E-01	-1.56	9.40E-01
RGL4	-0.47	6.80E-01	-1.45	9.26E-01	-0.11	5.43E-01
TRAM1L1	-0.47	6.80E-01	-0.66	7.46E-01	-1.35	9.11E-01
DCTN5	-0.47	6.80E-01	-0.10	5.40E-01	-1.06	8.56E-01
EXD1	-0.47	6.80E-01	-0.48	6.84E-01	-1.28	9.00E-01
SLC24A4	-0.47	6.80E-01	-0.11	5.42E-01	-0.45	6.74E-01
SRGAP2	-0.47	6.80E-01	-0.34	6.34E-01	-1.80	9.64E-01
GRN	-0.47	6.80E-01	-0.11	5.43E-01	-0.06	5.25E-01
TAC1	-0.47	6.80E-01	-1.38	9.16E-01	-0.16	5.62E-01
KDEL2	-0.47	6.80E-01	-0.89	8.13E-01	-0.28	6.09E-01
CALHM2	-0.47	6.80E-01	0.39	3.47E-01	0.99	1.62E-01
EFHC1	-0.47	6.80E-01	-1.85	9.68E-01	0.19	4.23E-01
FAM73B	-0.47	6.80E-01	0.15	4.40E-01	-1.22	8.88E-01
MED16	-0.47	6.80E-01	-1.99	9.77E-01	0.71	2.40E-01
MUM1	-0.47	6.80E-01	1.94	2.59E-02	-0.19	5.76E-01
OR4A47	-0.47	6.81E-01	-0.41	6.61E-01	0.51	3.06E-01
COMMD1	-0.47	6.81E-01	0.70	2.43E-01	-1.43	9.23E-01
OTUD7A	-0.47	6.81E-01	-0.48	6.83E-01	-1.23	8.91E-01
DNAH14	-0.47	6.81E-01	-0.73	7.66E-01	-1.04	8.50E-01
NOL8	-0.47	6.81E-01	0.02	4.94E-01	-1.59	9.44E-01
ANGPTL2	-0.47	6.81E-01	-0.93	8.24E-01	-0.75	7.73E-01
FSIP2	-0.47	6.81E-01	-0.17	5.69E-01	-0.96	8.30E-01
CAMTA2	-0.47	6.81E-01	0.36	3.59E-01	0.72	2.34E-01
PINK1	-0.47	6.81E-01	-0.70	7.60E-01	-0.78	7.83E-01
CD84	-0.47	6.81E-01	0.53	2.97E-01	0.69	2.45E-01
LINGO1	-0.47	6.81E-01	-1.12	8.68E-01	-0.21	5.84E-01
ARHGAP29	-0.47	6.81E-01	-0.86	8.06E-01	-0.10	5.40E-01
AXIN2	-0.47	6.81E-01	1.65	4.91E-02	1.27	1.01E-01
LGALS1	-0.47	6.81E-01	-0.96	8.32E-01	-0.95	8.29E-01
PLEK2	-0.47	6.82E-01	0.41	3.42E-01	0.25	4.00E-01
KIR3DL1	-0.47	6.82E-01	0.66	2.54E-01	-0.15	5.59E-01

RNF141	-0.47	6.82E-01	-0.32	6.25E-01	0.24	4.05E-01
GGN	-0.47	6.82E-01	0.41	3.41E-01	-0.91	8.19E-01
CSPG5	-0.47	6.82E-01	-0.40	6.54E-01	0.95	1.70E-01
PRC1	-0.47	6.82E-01	0.61	2.70E-01	-0.32	6.25E-01
PI3	-0.47	6.82E-01	-1.42	9.23E-01	-0.78	7.82E-01
PRDM14	-0.47	6.82E-01	0.05	4.81E-01	-0.46	6.77E-01
OR10V1	-0.47	6.82E-01	0.03	4.90E-01	-1.32	9.07E-01
PCF11	-0.47	6.82E-01	-0.77	7.79E-01	1.21	1.14E-01
CAB39	-0.47	6.82E-01	-0.77	7.81E-01	-0.34	6.34E-01
ENPP5	-0.47	6.82E-01	-0.75	7.75E-01	0.24	4.05E-01
IL21R	-0.47	6.83E-01	-1.08	8.59E-01	-0.78	7.83E-01
C17orf102	-0.47	6.83E-01	0.89	1.87E-01	-0.79	7.85E-01
STMN3	-0.47	6.83E-01	-0.09	5.37E-01	-0.27	6.05E-01
SMKR1	-0.47	6.83E-01	-0.06	5.23E-01	-0.34	6.33E-01
CYP2C8	-0.47	6.83E-01	1.63	5.12E-02	-0.08	5.31E-01
RNF180	-0.47	6.83E-01	-1.05	8.52E-01	0.16	4.37E-01
TNFSF4	-0.48	6.83E-01	0.78	2.18E-01	-0.42	6.63E-01
NR1I2	-0.48	6.83E-01	2.19	1.43E-02	0.72	2.36E-01
GOT1L1	-0.48	6.83E-01	-1.10	8.65E-01	0.14	4.43E-01
OR5H15	-0.48	6.83E-01	-2.21	9.86E-01	-0.04	5.14E-01
EPN1	-0.48	6.83E-01	0.17	4.34E-01	-1.58	9.43E-01
AGBL1	-0.48	6.83E-01	-0.95	8.29E-01	0.87	1.93E-01
HHIPL1	-0.48	6.83E-01	-0.55	7.09E-01	0.65	2.58E-01
LMOD3	-0.48	6.83E-01	-1.92	9.72E-01	0.49	3.11E-01
DMXL1	-0.48	6.83E-01	-0.99	8.39E-01	-0.01	5.03E-01
C17orf62	-0.48	6.83E-01	-0.71	7.63E-01	-0.53	7.01E-01
THBS3	-0.48	6.83E-01	-0.61	7.30E-01	-0.30	6.17E-01
KIF20A	-0.48	6.83E-01	-0.66	7.44E-01	0.28	3.89E-01
LRRRC8B	-0.48	6.83E-01	0.74	2.29E-01	-0.57	7.16E-01
CPSF3L	-0.48	6.83E-01	-0.25	5.99E-01	-0.87	8.07E-01
C15orf61	-0.48	6.83E-01	-0.48	6.85E-01	-0.53	7.02E-01



ZFP3	-0.48	6.83E-01	-0.08	5.33E-01	-1.06	8.56E-01
ARAP1	-0.48	6.83E-01	-0.84	7.99E-01	1.02	1.54E-01
KLHDC1	-0.48	6.83E-01	-1.10	8.65E-01	-0.81	7.92E-01
AOC1	-0.48	6.83E-01	-0.83	7.97E-01	-1.19	8.84E-01
AMPD1	-0.48	6.83E-01	-1.20	8.85E-01	-0.95	8.29E-01
E4F1	-0.48	6.83E-01	-0.31	6.21E-01	-0.88	8.11E-01
TGFBR1	-0.48	6.84E-01	-0.47	6.81E-01	-0.34	6.32E-01
CES1	-0.48	6.84E-01	-0.10	5.40E-01	-0.04	5.16E-01
HSF5	-0.48	6.84E-01	0.19	4.25E-01	-0.18	5.73E-01
NEFM	-0.48	6.84E-01	-0.20	5.79E-01	0.82	2.06E-01
TMEM132B	-0.48	6.84E-01	0.24	4.03E-01	-1.82	9.66E-01
PCP2	-0.48	6.84E-01	-0.72	7.65E-01	-0.11	5.44E-01
SLC6A3	-0.48	6.84E-01	-1.16	8.77E-01	0.71	2.38E-01
FAM117B	-0.48	6.84E-01	-0.35	6.36E-01	-1.72	9.57E-01
RANBP17	-0.48	6.84E-01	0.37	3.56E-01	-1.73	9.58E-01
F13B	-0.48	6.84E-01	-1.32	9.07E-01	-0.31	6.20E-01
KCNN3	-0.48	6.84E-01	0.08	4.69E-01	-0.28	6.11E-01
AKNA	-0.48	6.84E-01	-0.39	6.53E-01	-1.33	9.09E-01
CERK	-0.48	6.84E-01	0.13	4.48E-01	0.27	3.92E-01
HAS2	-0.48	6.84E-01	0.86	1.95E-01	0.15	4.41E-01
RNF219	-0.48	6.84E-01	0.52	3.02E-01	1.04	1.48E-01
JMJD6	-0.48	6.84E-01	0.60	2.73E-01	-1.05	8.53E-01
HSDL1	-0.48	6.84E-01	1.03	1.51E-01	1.93	2.66E-02
CDC23	-0.48	6.84E-01	-0.90	8.16E-01	0.19	4.26E-01
HSPA13	-0.48	6.84E-01	-0.66	7.47E-01	0.26	3.98E-01
RFESD	-0.48	6.84E-01	0.45	3.27E-01	0.07	4.73E-01
KRTAP21-2	-0.48	6.84E-01	-1.61	9.46E-01	-0.01	5.02E-01
RNLS	-0.48	6.84E-01	0.19	4.23E-01	0.35	3.62E-01
TOP2A	-0.48	6.85E-01	-0.80	7.88E-01	-0.98	8.37E-01
CLEC16A	-0.48	6.85E-01	-0.50	6.91E-01	0.66	2.54E-01
NIT1	-0.48	6.85E-01	0.90	1.84E-01	0.48	3.17E-01

CENPK	-0.48	6.85E-01	-0.80	7.87E-01	-0.02	5.07E-01
PACSIN2	-0.48	6.85E-01	-1.02	8.46E-01	0.60	2.75E-01
ZFAND2B	-0.48	6.85E-01	-0.20	5.81E-01	-1.07	8.57E-01
CPQ	-0.48	6.85E-01	0.01	4.95E-01	0.05	4.81E-01
ANKRD52	-0.48	6.85E-01	0.42	3.37E-01	1.49	6.78E-02
UBR3	-0.48	6.85E-01	-0.90	8.15E-01	0.80	2.12E-01
TUBG2	-0.48	6.85E-01	-1.08	8.60E-01	-0.93	8.24E-01
CAPNS2	-0.48	6.85E-01	-1.41	9.20E-01	-0.33	6.29E-01
GREB1L	-0.48	6.85E-01	-0.07	5.26E-01	-1.27	8.99E-01
FAM214B	-0.48	6.85E-01	0.02	4.92E-01	0.93	1.77E-01
RBMS1	-0.48	6.85E-01	0.21	4.17E-01	-0.46	6.79E-01
PAFAH2	-0.48	6.86E-01	-0.41	6.60E-01	0.42	3.37E-01
KLK5	-0.48	6.86E-01	0.07	4.72E-01	-1.07	8.58E-01
TRAF1	-0.48	6.86E-01	-0.41	6.60E-01	-0.45	6.73E-01
HSDL2	-0.48	6.86E-01	-0.54	7.05E-01	0.37	3.55E-01
ATP6V0B	-0.48	6.86E-01	0.89	1.86E-01	-1.35	9.12E-01
KCNH6	-0.48	6.86E-01	-0.85	8.03E-01	-0.94	8.26E-01
GGA2	-0.48	6.86E-01	0.22	4.13E-01	0.21	4.18E-01
UGCG	-0.48	6.86E-01	0.13	4.47E-01	-1.16	8.77E-01
UBL3	-0.48	6.86E-01	-0.52	6.98E-01	-1.45	9.26E-01
CTD-2054N24.2	-0.49	6.86E-01	-0.68	7.52E-01	-0.46	6.78E-01
TBC1D22B	-0.49	6.86E-01	0.58	2.82E-01	1.27	1.03E-01
HSPH1	-0.49	6.86E-01	0.60	2.74E-01	-0.09	5.35E-01
CALU	-0.49	6.86E-01	-1.52	9.36E-01	0.40	3.44E-01
CST6	-0.49	6.87E-01	-1.06	8.56E-01	-0.09	5.35E-01
RHPN2	-0.49	6.87E-01	0.82	2.06E-01	-1.81	9.65E-01
SETD2	-0.49	6.87E-01	-0.67	7.47E-01	0.44	3.28E-01
CCDC136	-0.49	6.87E-01	-1.03	8.48E-01	-0.45	6.74E-01
C5AR2	-0.49	6.87E-01	0.43	3.35E-01	0.12	4.54E-01
SUCLG1	-0.49	6.87E-01	-0.27	6.07E-01	-1.06	8.55E-01
SIGLEC1	-0.49	6.87E-01	-0.74	7.72E-01	-0.53	7.01E-01

B3GNT4	-0.49	6.87E-01	-0.37	6.45E-01	-0.13	5.53E-01
ADAT2	-0.49	6.87E-01	-1.76	9.60E-01	-0.33	6.30E-01
FER1L6	-0.49	6.87E-01	-0.71	7.61E-01	0.42	3.37E-01
TMEM259	-0.49	6.87E-01	0.16	4.35E-01	1.17	1.20E-01
KLHL17	-0.49	6.87E-01	-1.41	9.20E-01	0.08	4.70E-01
CELA3B	-0.49	6.87E-01	-0.17	5.67E-01	-0.11	5.42E-01
ST18	-0.49	6.87E-01	0.63	2.66E-01	0.46	3.22E-01
AICDA	-0.49	6.87E-01	-0.43	6.66E-01	-1.31	9.05E-01
AKIRIN1	-0.49	6.88E-01	0.22	4.12E-01	0.33	3.71E-01
GORASP2	-0.49	6.88E-01	-0.68	7.51E-01	1.05	1.47E-01
ABI3BP	-0.49	6.88E-01	0.06	4.77E-01	0.28	3.88E-01
RSL1D1	-0.49	6.88E-01	-1.63	9.49E-01	0.47	3.18E-01
HPR	-0.49	6.88E-01	-0.01	5.04E-01	0.41	3.40E-01
C22orf42	-0.49	6.88E-01	0.34	3.67E-01	-0.07	5.29E-01
ATG4B	-0.49	6.88E-01	0.60	2.73E-01	-0.87	8.08E-01
P2RY6	-0.49	6.88E-01	0.79	2.16E-01	1.63	5.17E-02
LOH12CR1	-0.49	6.88E-01	-1.44	9.25E-01	-0.32	6.26E-01
ZNF326	-0.49	6.88E-01	-0.62	7.34E-01	-0.59	7.21E-01
RLF	-0.49	6.88E-01	-0.60	7.25E-01	-0.61	7.28E-01
RABGGTA	-0.49	6.88E-01	-0.51	6.94E-01	-0.35	6.36E-01
TBPL1	-0.49	6.88E-01	-0.21	5.82E-01	-1.19	8.83E-01
SKAP1	-0.49	6.88E-01	1.13	1.30E-01	0.99	1.61E-01
CYP8B1	-0.49	6.88E-01	0.19	4.23E-01	1.35	8.91E-02
STAU2	-0.49	6.88E-01	-0.38	6.49E-01	-1.45	9.27E-01
BAI2	-0.49	6.88E-01	-1.05	8.54E-01	-0.12	5.50E-01
DBNDD1	-0.49	6.88E-01	-0.40	6.56E-01	-0.52	6.99E-01
EMX2	-0.49	6.89E-01	-0.51	6.93E-01	0.54	2.96E-01
IL1RN	-0.49	6.89E-01	-0.92	8.21E-01	-0.68	7.53E-01
DKFZP779L1853	-0.49	6.89E-01	-1.28	9.00E-01	-0.46	6.79E-01
HNRNPDL	-0.49	6.89E-01	-0.17	5.67E-01	-1.23	8.91E-01
RHBDD1	-0.49	6.89E-01	0.36	3.61E-01	0.10	4.59E-01

APBA1	-0.49	6.89E-01	-0.90	8.15E-01	-0.64	7.40E-01
LONRF2	-0.49	6.89E-01	0.35	3.63E-01	-0.62	7.33E-01
FAM132B	-0.49	6.89E-01	-0.43	6.66E-01	-0.34	6.32E-01
OMD	-0.49	6.89E-01	0.00	4.99E-01	-1.52	9.36E-01
ZNF714	-0.49	6.89E-01	-0.94	8.28E-01	-0.49	6.86E-01
TEAD2	-0.49	6.89E-01	-1.31	9.06E-01	0.23	4.11E-01
PRDM6	-0.49	6.89E-01	-0.53	7.01E-01	-2.05	9.80E-01
ITPR1	-0.49	6.89E-01	1.14	1.28E-01	-0.41	6.60E-01
RPRML	-0.49	6.90E-01	-0.05	5.21E-01	0.86	1.95E-01
FANCD2	-0.49	6.90E-01	-0.99	8.40E-01	-0.42	6.62E-01
PRPSAP1	-0.49	6.90E-01	-0.40	6.54E-01	-0.57	7.17E-01
OR8S1	-0.49	6.90E-01	-0.37	6.43E-01	0.02	4.92E-01
APC	-0.49	6.90E-01	-0.63	7.35E-01	1.60	5.54E-02
KCNMA1	-0.49	6.90E-01	1.12	1.31E-01	0.30	3.81E-01
SLC7A6OS	-0.50	6.90E-01	-0.32	6.27E-01	1.18	1.20E-01
VGLL3	-0.50	6.90E-01	-0.60	7.25E-01	-0.68	7.52E-01
MAZ	-0.50	6.90E-01	-0.62	7.34E-01	-0.57	7.14E-01
C13orf35	-0.50	6.90E-01	-0.13	5.51E-01	-0.66	7.47E-01
FRA10AC1	-0.50	6.90E-01	-1.14	8.73E-01	0.13	4.48E-01
FAM78A	-0.50	6.90E-01	1.05	1.46E-01	-0.49	6.88E-01
CCDC9	-0.50	6.90E-01	1.54	6.17E-02	1.37	8.53E-02
OR51B4	-0.50	6.90E-01	-1.02	8.46E-01	-1.25	8.95E-01
ZDHHC23	-0.50	6.90E-01	-0.55	7.08E-01	-1.46	9.28E-01
LTBP2	-0.50	6.90E-01	0.15	4.42E-01	-0.30	6.17E-01
GPR176	-0.50	6.90E-01	-0.62	7.32E-01	0.24	4.05E-01
NAT6	-0.50	6.90E-01	0.64	2.60E-01	0.08	4.67E-01
HRG	-0.50	6.90E-01	-0.10	5.41E-01	-1.68	9.53E-01
PF4	-0.50	6.90E-01	-0.10	5.38E-01	0.33	3.71E-01
FAM160A1	-0.50	6.90E-01	-0.80	7.87E-01	0.72	2.37E-01
GLYR1	-0.50	6.90E-01	0.89	1.87E-01	0.59	2.78E-01
FSTL1	-0.50	6.91E-01	0.02	4.92E-01	-0.48	6.85E-01

NRIP1	-0.50	6.91E-01	-0.93	8.24E-01	-1.00	8.43E-01
FA2H	-0.50	6.91E-01	0.26	3.98E-01	0.09	4.63E-01
G6PC	-0.50	6.91E-01	-1.20	8.85E-01	-0.20	5.81E-01
ANKRD31	-0.50	6.91E-01	0.18	4.29E-01	-0.57	7.16E-01
ETF1	-0.50	6.91E-01	-0.93	8.25E-01	0.08	4.68E-01
PAX9	-0.50	6.91E-01	-0.67	7.48E-01	-0.27	6.07E-01
SYVN1	-0.50	6.91E-01	1.51	6.61E-02	0.88	1.89E-01
ARL6	-0.50	6.91E-01	-0.45	6.74E-01	-0.89	8.14E-01
ZNF195	-0.50	6.91E-01	-0.55	7.07E-01	1.61	5.40E-02
FUT2	-0.50	6.91E-01	-0.05	5.19E-01	-1.19	8.84E-01
YARS2	-0.50	6.91E-01	-0.65	7.43E-01	-0.62	7.33E-01
ACY3	-0.50	6.91E-01	-0.35	6.38E-01	0.19	4.26E-01
RRBP1	-0.50	6.92E-01	-0.63	7.34E-01	0.17	4.33E-01
SDK1	-0.50	6.92E-01	-1.54	9.38E-01	0.03	4.87E-01
IFIT2	-0.50	6.92E-01	-0.56	7.13E-01	0.42	3.35E-01
UBE2L3	-0.50	6.92E-01	1.00	1.58E-01	0.55	2.93E-01
LYRM7	-0.50	6.92E-01	-0.20	5.79E-01	-0.21	5.83E-01
TIMM13	-0.50	6.92E-01	0.31	3.78E-01	-1.57	9.42E-01
GLRB	-0.50	6.92E-01	-0.56	7.11E-01	-0.36	6.41E-01
ARPP19	-0.50	6.92E-01	-1.70	9.56E-01	0.08	4.69E-01
ID1	-0.50	6.92E-01	-0.02	5.08E-01	-0.09	5.36E-01
CLCN7	-0.50	6.92E-01	0.17	4.33E-01	-1.49	9.31E-01
ARL5B	-0.50	6.92E-01	-0.71	7.60E-01	-1.06	8.55E-01
HAP1	-0.50	6.92E-01	0.59	2.78E-01	0.22	4.13E-01
OR13C9	-0.50	6.92E-01	-0.66	7.47E-01	0.72	2.37E-01
SATB1	-0.50	6.93E-01	-0.55	7.10E-01	-0.46	6.77E-01
C11orf30	-0.50	6.93E-01	0.58	2.80E-01	0.02	4.92E-01
CLEC19A	-0.50	6.93E-01	-0.61	7.28E-01	-0.17	5.66E-01
TLK1	-0.50	6.93E-01	-1.59	9.44E-01	0.60	2.73E-01
EXOSC9	-0.50	6.93E-01	-1.15	8.76E-01	0.95	1.72E-01
SPHKAP	-0.50	6.93E-01	-0.12	5.47E-01	-1.14	8.72E-01

UBA2	-0.50	6.93E-01	0.92	1.78E-01	-0.90	8.17E-01
CTNNA3	-0.50	6.93E-01	0.75	2.27E-01	0.87	1.93E-01
FABP1	-0.50	6.93E-01	0.03	4.88E-01	1.31	9.50E-02
PRDM1	-0.50	6.93E-01	0.24	4.07E-01	-0.19	5.76E-01
RBM26	-0.50	6.93E-01	-0.25	6.01E-01	-0.53	7.01E-01
GDPD3	-0.50	6.93E-01	-0.90	8.17E-01	0.36	3.60E-01
CIB2	-0.50	6.93E-01	0.45	3.27E-01	-1.29	9.02E-01
C14orf119	-0.50	6.93E-01	-1.21	8.87E-01	0.34	3.66E-01
AGO3	-0.50	6.93E-01	0.10	4.62E-01	0.05	4.79E-01
MAP2K7	-0.51	6.93E-01	-1.50	9.33E-01	1.89	2.93E-02
SLC35D3	-0.51	6.93E-01	0.13	4.50E-01	-0.25	5.98E-01
TLR9	-0.51	6.93E-01	-0.45	6.73E-01	-0.20	5.81E-01
HAX1	-0.51	6.93E-01	-0.13	5.50E-01	-1.47	9.29E-01
ZC3HC1	-0.51	6.93E-01	0.72	2.34E-01	-1.08	8.61E-01
PANK2	-0.51	6.93E-01	-0.46	6.76E-01	-1.30	9.03E-01
C6orf223	-0.51	6.94E-01	-0.78	7.83E-01	0.46	3.22E-01
C19orf81	-0.51	6.94E-01	0.34	3.68E-01	-1.16	8.76E-01
C5AR1	-0.51	6.94E-01	0.37	3.57E-01	-0.57	7.17E-01
KIAA0226	-0.51	6.94E-01	-0.55	7.10E-01	0.19	4.25E-01
MOB3C	-0.51	6.94E-01	-0.39	6.53E-01	1.43	7.68E-02
C16orf62	-0.51	6.94E-01	-0.46	6.78E-01	-1.14	8.73E-01
COMMD7	-0.51	6.94E-01	-0.27	6.06E-01	-1.63	9.48E-01
TERF2	-0.51	6.94E-01	-0.52	7.00E-01	1.90	2.88E-02
SMIM12	-0.51	6.94E-01	-0.80	7.89E-01	-1.34	9.10E-01
B3GALT5	-0.51	6.94E-01	0.53	2.99E-01	0.04	4.86E-01
CPXM2	-0.51	6.94E-01	-1.14	8.73E-01	0.33	3.69E-01
EMC1	-0.51	6.94E-01	-0.24	5.96E-01	-1.50	9.33E-01
NKAIN4	-0.51	6.94E-01	0.44	3.29E-01	-0.47	6.79E-01
VPRBP	-0.51	6.94E-01	-0.57	7.17E-01	-0.32	6.26E-01
C10orf35	-0.51	6.94E-01	-1.05	8.54E-01	-0.17	5.67E-01
NOP58	-0.51	6.94E-01	-0.36	6.40E-01	-1.42	9.22E-01

CRIM1	-0.51	6.94E-01	-0.13	5.51E-01	-0.33	6.29E-01
GMNN	-0.51	6.94E-01	-1.16	8.78E-01	-0.93	8.25E-01
SLC5A6	-0.51	6.94E-01	-2.14	9.84E-01	0.26	3.99E-01
MANSC4	-0.51	6.94E-01	0.15	4.42E-01	-1.09	8.63E-01
CLLU1	-0.51	6.94E-01	-0.17	5.68E-01	-0.06	5.23E-01
ROMO1	-0.51	6.94E-01	-1.12	8.68E-01	-0.75	7.72E-01
VPS13A	-0.51	6.95E-01	1.07	1.43E-01	-1.08	8.61E-01
ZER1	-0.51	6.95E-01	-0.54	7.07E-01	-0.49	6.88E-01
DNAJC13	-0.51	6.95E-01	0.06	4.75E-01	-0.79	7.84E-01
CD82	-0.51	6.95E-01	0.35	3.64E-01	-1.69	9.54E-01
ANKRD46	-0.51	6.95E-01	-0.31	6.24E-01	0.26	3.98E-01
AKTIP	-0.51	6.95E-01	0.85	1.97E-01	0.19	4.26E-01
GALNT14	-0.51	6.95E-01	-0.69	7.53E-01	0.35	3.65E-01
ATP5G3	-0.51	6.95E-01	-0.48	6.83E-01	-1.57	9.42E-01
APOA4	-0.51	6.95E-01	-1.52	9.36E-01	-0.01	5.03E-01
LGR6	-0.51	6.95E-01	-0.51	6.94E-01	0.79	2.15E-01
LRP5	-0.51	6.95E-01	-0.64	7.40E-01	-0.72	7.64E-01
PHYKPL	-0.51	6.95E-01	-0.37	6.46E-01	-0.88	8.10E-01
CCPG1	-0.51	6.95E-01	-0.13	5.53E-01	-1.07	8.58E-01
PCMTD1	-0.51	6.95E-01	0.43	3.33E-01	0.19	4.25E-01
PTPRN2	-0.51	6.95E-01	0.66	2.54E-01	0.72	2.35E-01
ZSCAN5A	-0.51	6.95E-01	-0.76	7.77E-01	-1.08	8.60E-01
CLEC9A	-0.51	6.95E-01	0.97	1.66E-01	2.28	1.13E-02
MTMR4	-0.51	6.95E-01	0.54	2.93E-01	-0.39	6.50E-01
PRMT7	-0.51	6.95E-01	-0.58	7.18E-01	0.71	2.38E-01
STXBP2	-0.51	6.96E-01	-1.25	8.94E-01	0.00	5.01E-01
SUSD1	-0.51	6.96E-01	0.37	3.57E-01	1.42	7.81E-02
ADC	-0.51	6.96E-01	0.04	4.83E-01	1.00	1.58E-01
C10orf10	-0.51	6.96E-01	0.53	2.97E-01	-0.73	7.68E-01
KPNA5	-0.51	6.96E-01	0.02	4.93E-01	-0.79	7.84E-01
TIGD5	-0.51	6.96E-01	0.52	3.02E-01	0.48	3.15E-01

LAMTOR2	-0.51	6.96E-01	0.71	2.40E-01	-0.36	6.41E-01
TGM3	-0.51	6.96E-01	-1.07	8.58E-01	0.03	4.88E-01
CNNM1	-0.51	6.96E-01	-0.14	5.54E-01	0.73	2.34E-01
SGSM2	-0.51	6.96E-01	-0.32	6.24E-01	-0.23	5.92E-01
UBL5	-0.51	6.96E-01	-1.03	8.48E-01	0.16	4.38E-01
KRTAP4-7	-0.51	6.96E-01	-1.20	8.84E-01	-0.49	6.86E-01
BUD13	-0.51	6.96E-01	-1.64	9.49E-01	0.14	4.44E-01
CTSV	-0.51	6.96E-01	-1.20	8.85E-01	-0.26	6.03E-01
PAQR5	-0.51	6.96E-01	0.37	3.54E-01	-0.68	7.53E-01
CARD8	-0.51	6.96E-01	-0.89	8.13E-01	-0.88	8.12E-01
SKA3	-0.51	6.97E-01	0.06	4.75E-01	-0.05	5.19E-01
MFSD6	-0.51	6.97E-01	0.67	2.51E-01	0.15	4.41E-01
BSDC1	-0.51	6.97E-01	1.37	8.49E-02	0.33	3.69E-01
HSD17B3	-0.51	6.97E-01	0.36	3.59E-01	-2.38	9.91E-01
FAM111A	-0.51	6.97E-01	-1.03	8.49E-01	-0.85	8.01E-01
TTC1	-0.51	6.97E-01	0.81	2.10E-01	-0.42	6.62E-01
PRELP	-0.52	6.97E-01	-0.03	5.13E-01	-0.14	5.55E-01
RGPD8	-0.52	6.97E-01	-1.88	9.70E-01	0.61	2.72E-01
AS3MT	-0.52	6.97E-01	-0.19	5.76E-01	-0.70	7.60E-01
DTL	-0.52	6.97E-01	-0.94	8.27E-01	0.05	4.80E-01
IL17RE	-0.52	6.97E-01	-1.28	9.00E-01	0.04	4.84E-01
ZFAT	-0.52	6.97E-01	0.13	4.47E-01	-1.32	9.07E-01
UBE2O	-0.52	6.97E-01	-0.71	7.61E-01	-0.59	7.23E-01
ZNHIT1	-0.52	6.97E-01	0.64	2.61E-01	-0.37	6.44E-01
CYP17A1	-0.52	6.97E-01	0.38	3.51E-01	-0.68	7.52E-01
KIAA1024L	-0.52	6.97E-01	-2.23	9.87E-01	0.83	2.04E-01
MEF2BNB	-0.52	6.97E-01	-0.30	6.18E-01	-0.56	7.14E-01
RUNDC3B	-0.52	6.97E-01	0.11	4.56E-01	-1.32	9.06E-01
LILRB2	-0.52	6.97E-01	-0.30	6.18E-01	-0.24	5.95E-01
FAM227A	-0.52	6.97E-01	0.25	4.02E-01	-0.40	6.56E-01
MYO15B	-0.52	6.97E-01	0.00	4.99E-01	1.24	1.07E-01



ABCC2	-0.52	6.97E-01	-1.30	9.02E-01	-0.20	5.79E-01
ZNF525	-0.52	6.97E-01	-1.15	8.75E-01	-0.11	5.43E-01
VTN	-0.52	6.98E-01	-0.48	6.86E-01	-1.24	8.93E-01
DHX15	-0.52	6.98E-01	-0.93	8.23E-01	-1.33	9.08E-01
TPGS2	-0.52	6.98E-01	-0.62	7.33E-01	0.87	1.92E-01
ORMDL2	-0.52	6.98E-01	-0.46	6.77E-01	-1.34	9.11E-01
BTBD10	-0.52	6.98E-01	-0.14	5.55E-01	1.84	3.31E-02
RCCD1	-0.52	6.98E-01	0.64	2.60E-01	-0.70	7.57E-01
GBA2	-0.52	6.98E-01	-1.11	8.66E-01	-0.83	7.96E-01
USPL1	-0.52	6.98E-01	-0.53	7.02E-01	-0.09	5.35E-01
SLCO1B3	-0.52	6.98E-01	-0.26	6.04E-01	-1.08	8.59E-01
SLC4A4	-0.52	6.98E-01	-0.74	7.71E-01	0.76	2.24E-01
CRMP1	-0.52	6.98E-01	-0.21	5.83E-01	-0.21	5.84E-01
PADI2	-0.52	6.98E-01	-0.75	7.74E-01	-0.73	7.66E-01
ARHGEF4	-0.52	6.98E-01	1.55	6.04E-02	0.15	4.39E-01
VIMP	-0.52	6.98E-01	0.84	2.00E-01	-2.28	9.89E-01
ACACA	-0.52	6.98E-01	0.57	2.85E-01	1.40	8.03E-02
SELM	-0.52	6.98E-01	-0.03	5.11E-01	-1.54	9.38E-01
LUM	-0.52	6.98E-01	-0.69	7.55E-01	-1.45	9.27E-01
NUTM1	-0.52	6.98E-01	-0.78	7.83E-01	-0.87	8.08E-01
KB-1980E6.3	-0.52	6.98E-01	0.26	3.96E-01	-1.70	9.55E-01
EIF4EBP2	-0.52	6.98E-01	-0.46	6.78E-01	-0.03	5.13E-01
FRMD5	-0.52	6.98E-01	-1.27	8.98E-01	-0.68	7.51E-01
PPP1R27	-0.52	6.98E-01	-0.23	5.92E-01	-1.84	9.67E-01
CLEC12A	-0.52	6.99E-01	0.31	3.78E-01	-1.41	9.20E-01
SMARCE1	-0.52	6.99E-01	-1.02	8.46E-01	0.22	4.13E-01
NAPSA	-0.52	6.99E-01	-0.36	6.41E-01	-1.35	9.12E-01
KCNC1	-0.52	6.99E-01	-0.04	5.15E-01	-0.61	7.29E-01
C14orf39	-0.52	6.99E-01	0.16	4.35E-01	-0.62	7.31E-01
C12orf61	-0.52	6.99E-01	0.55	2.91E-01	-0.92	8.21E-01
GATM	-0.52	6.99E-01	-0.23	5.92E-01	-2.02	9.79E-01

SLCO1B7	-0.52	6.99E-01	-0.31	6.20E-01	-1.06	8.56E-01
GNAT3	-0.52	6.99E-01	-0.70	7.57E-01	-0.40	6.54E-01
LPHN2	-0.52	6.99E-01	-0.61	7.29E-01	1.28	1.01E-01
LDLRAD4	-0.52	6.99E-01	-1.91	9.72E-01	0.60	2.76E-01
KAZN	-0.52	6.99E-01	-0.72	7.66E-01	-2.64	9.96E-01
GJB5	-0.52	6.99E-01	-0.37	6.44E-01	0.25	4.01E-01
PSAPL1	-0.52	6.99E-01	-0.24	5.95E-01	1.56	5.90E-02
NTRK1	-0.52	6.99E-01	0.00	4.99E-01	0.36	3.58E-01
GSTM1	-0.52	6.99E-01	-1.19	8.83E-01	0.75	2.28E-01
DNM1L	-0.52	7.00E-01	-0.61	7.31E-01	-1.00	8.40E-01
NDUFAF1	-0.52	7.00E-01	-0.48	6.83E-01	-1.66	9.52E-01
ARL8A	-0.52	7.00E-01	-0.16	5.64E-01	-0.40	6.54E-01
NCR3LG1	-0.52	7.00E-01	-0.20	5.78E-01	-1.18	8.81E-01
TMEM97	-0.52	7.00E-01	-0.25	6.00E-01	-1.17	8.80E-01
GH1	-0.52	7.00E-01	-0.42	6.62E-01	-1.69	9.54E-01
HOXB13	-0.52	7.00E-01	-0.37	6.45E-01	-1.49	9.32E-01
PDCL	-0.52	7.00E-01	-0.32	6.25E-01	-1.25	8.95E-01
CNFN	-0.52	7.00E-01	-0.55	7.10E-01	-1.10	8.64E-01
RPUSD2	-0.52	7.00E-01	0.17	4.33E-01	-0.40	6.56E-01
ST6GALNAC2	-0.52	7.00E-01	0.03	4.89E-01	-0.69	7.54E-01
GLRA1	-0.52	7.00E-01	1.27	1.02E-01	0.84	2.00E-01
GTSF1	-0.53	7.00E-01	0.89	1.87E-01	0.33	3.70E-01
SLC9A3R2	-0.53	7.00E-01	-0.33	6.30E-01	-0.09	5.35E-01
SYT14	-0.53	7.00E-01	-1.26	8.97E-01	0.28	3.89E-01
ELF3	-0.53	7.00E-01	-0.68	7.50E-01	-0.35	6.37E-01
PTPRN	-0.53	7.01E-01	-1.89	9.71E-01	-0.59	7.22E-01
MTIF3	-0.53	7.01E-01	0.36	3.58E-01	-1.16	8.77E-01
ACOT7	-0.53	7.01E-01	0.56	2.89E-01	-0.24	5.97E-01
PHF5A	-0.53	7.01E-01	-0.59	7.24E-01	-0.03	5.12E-01
TTC27	-0.53	7.01E-01	-0.08	5.31E-01	-1.22	8.89E-01
KAT7	-0.53	7.01E-01	-0.75	7.73E-01	-0.45	6.74E-01

ASB16	-0.53	7.01E-01	-0.36	6.42E-01	-1.16	8.77E-01
MAGOHB	-0.53	7.01E-01	-0.67	7.48E-01	-1.11	8.65E-01
PGBD2	-0.53	7.01E-01	-0.72	7.63E-01	0.44	3.30E-01
SERPINA12	-0.53	7.01E-01	-0.44	6.69E-01	-1.14	8.73E-01
RBL1	-0.53	7.01E-01	0.92	1.79E-01	-0.85	8.02E-01
FUBP1	-0.53	7.01E-01	-1.22	8.89E-01	1.31	9.47E-02
KCTD12	-0.53	7.01E-01	-0.62	7.32E-01	-0.84	8.00E-01
ALDH1A3	-0.53	7.02E-01	0.24	4.05E-01	-1.27	8.98E-01
NLRP11	-0.53	7.02E-01	-0.07	5.28E-01	-0.10	5.38E-01
HAPLN3	-0.53	7.02E-01	-0.02	5.09E-01	-1.64	9.50E-01
GATAD2B	-0.53	7.02E-01	-0.18	5.72E-01	1.50	6.63E-02
TMX1	-0.53	7.02E-01	-0.88	8.12E-01	-1.32	9.06E-01
NXN	-0.53	7.02E-01	-0.29	6.16E-01	-1.24	8.93E-01
UBE2H	-0.53	7.02E-01	-0.84	7.99E-01	-0.85	8.02E-01
HGSNAT	-0.53	7.02E-01	-0.76	7.76E-01	0.32	3.76E-01
CCL16	-0.53	7.02E-01	2.02	2.17E-02	0.70	2.42E-01
MIDN	-0.53	7.02E-01	0.85	1.97E-01	0.35	3.64E-01
TCIRG1	-0.53	7.02E-01	-0.57	7.16E-01	-0.92	8.22E-01
PITRM1	-0.53	7.02E-01	-0.93	8.25E-01	1.08	1.40E-01
H2AFZ	-0.53	7.02E-01	0.41	3.40E-01	1.69	4.59E-02
ZNF563	-0.53	7.02E-01	-0.45	6.74E-01	0.79	2.16E-01
ZBED5	-0.53	7.02E-01	-1.80	9.64E-01	0.63	2.64E-01
ACKR4	-0.53	7.02E-01	0.10	4.59E-01	-0.91	8.18E-01
QPCT	-0.53	7.02E-01	-0.28	6.11E-01	1.62	5.29E-02
LST3	-0.53	7.02E-01	-0.31	6.23E-01	-1.07	8.58E-01
NSUN6	-0.53	7.02E-01	-0.54	7.04E-01	-1.63	9.49E-01
NR2C2	-0.53	7.02E-01	-1.07	8.58E-01	-0.60	7.27E-01
ARF4	-0.53	7.02E-01	-0.29	6.14E-01	0.27	3.94E-01
STMND1	-0.53	7.02E-01	0.09	4.63E-01	-0.75	7.73E-01
C2orf62	-0.53	7.02E-01	-0.82	7.93E-01	-1.31	9.06E-01
DEFB125	-0.53	7.02E-01	-1.65	9.51E-01	-0.25	5.98E-01

TM4SF5	-0.53	7.02E-01	-2.49	9.94E-01	0.26	3.96E-01
MCM3AP	-0.53	7.03E-01	-1.09	8.62E-01	0.85	1.99E-01
H1FX	-0.53	7.03E-01	-1.05	8.54E-01	0.98	1.63E-01
CDH16	-0.53	7.03E-01	-0.25	5.97E-01	-0.14	5.56E-01
MMAB	-0.53	7.03E-01	0.01	4.95E-01	-1.79	9.63E-01
OSBPL2	-0.53	7.03E-01	1.25	1.06E-01	-0.24	5.94E-01
PCDHB4	-0.53	7.03E-01	-0.90	8.15E-01	-0.38	6.49E-01
ANKRD66	-0.53	7.03E-01	0.32	3.76E-01	0.08	4.69E-01
DDR2	-0.53	7.03E-01	-1.56	9.40E-01	0.49	3.13E-01
CLASP1	-0.53	7.03E-01	0.88	1.88E-01	0.88	1.88E-01
TXN	-0.53	7.03E-01	-0.38	6.50E-01	-0.76	7.78E-01
KCNJ12	-0.53	7.03E-01	-1.44	9.25E-01	0.29	3.85E-01
FLRT3	-0.53	7.03E-01	0.34	3.65E-01	-0.50	6.92E-01
AREL1	-0.53	7.03E-01	0.07	4.71E-01	1.06	1.45E-01
OR1J2	-0.53	7.03E-01	-0.30	6.17E-01	0.96	1.69E-01
RFC1	-0.53	7.03E-01	-0.28	6.12E-01	-1.36	9.13E-01
DEPDC1	-0.53	7.03E-01	2.07	1.90E-02	1.15	1.25E-01
TCN2	-0.53	7.03E-01	-0.59	7.22E-01	-0.14	5.55E-01
ELL2	-0.53	7.04E-01	0.30	3.82E-01	-0.35	6.36E-01
FAM24B	-0.53	7.04E-01	0.93	1.77E-01	-0.35	6.38E-01
RBBP8NL	-0.54	7.04E-01	-0.79	7.85E-01	0.19	4.24E-01
B3GALTL	-0.54	7.04E-01	0.58	2.82E-01	-1.11	8.67E-01
MEIOB	-0.54	7.04E-01	-1.03	8.49E-01	-0.23	5.91E-01
GRHL1	-0.54	7.04E-01	1.02	1.54E-01	-1.31	9.05E-01
PNPLA2	-0.54	7.04E-01	-0.05	5.19E-01	-0.78	7.83E-01
XCL2	-0.54	7.04E-01	0.42	3.36E-01	0.83	2.03E-01
EXOC3	-0.54	7.04E-01	0.30	3.82E-01	-1.62	9.47E-01
GSR	-0.54	7.04E-01	-1.34	9.10E-01	-0.11	5.44E-01
SLC4A10	-0.54	7.04E-01	-0.63	7.36E-01	-0.85	8.03E-01
PRMT8	-0.54	7.04E-01	-1.01	8.44E-01	-0.50	6.93E-01
NOBOX	-0.54	7.04E-01	-0.42	6.61E-01	-1.29	9.02E-01

FUT1	-0.54	7.04E-01	0.06	4.76E-01	-0.72	7.64E-01
OIP5	-0.54	7.04E-01	-0.24	5.95E-01	-1.30	9.03E-01
ZSCAN25	-0.54	7.04E-01	-0.62	7.32E-01	-0.31	6.21E-01
LIMK2	-0.54	7.04E-01	-0.47	6.82E-01	-0.67	7.47E-01
NEO1	-0.54	7.04E-01	-0.65	7.41E-01	-1.14	8.72E-01
ERICH1	-0.54	7.05E-01	-0.35	6.36E-01	1.17	1.20E-01
FAM166B	-0.54	7.05E-01	-0.11	5.44E-01	-1.98	9.76E-01
C10orf32-ASMT	-0.54	7.05E-01	-0.30	6.18E-01	-0.85	8.02E-01
S100A2	-0.54	7.05E-01	0.35	3.62E-01	1.00	1.58E-01
PTRHD1	-0.54	7.05E-01	1.88	3.02E-02	0.39	3.50E-01
SLC32A1	-0.54	7.05E-01	0.99	1.61E-01	0.47	3.19E-01
RNASE11	-0.54	7.05E-01	0.79	2.14E-01	-0.79	7.85E-01
RNASE11	-0.54	7.05E-01	0.79	2.14E-01	-0.79	7.85E-01
RBPJ	-0.54	7.05E-01	-0.87	8.07E-01	0.02	4.91E-01
R3HDM1	-0.54	7.05E-01	-0.73	7.69E-01	-0.51	6.96E-01
ITM2C	-0.54	7.05E-01	-0.09	5.37E-01	-0.57	7.14E-01
DEXI	-0.54	7.05E-01	-0.94	8.26E-01	0.18	4.28E-01
RCAN1	-0.54	7.05E-01	0.00	5.01E-01	-0.80	7.88E-01
SLC22A14	-0.54	7.05E-01	-0.59	7.24E-01	-0.04	5.15E-01
PYROXD2	-0.54	7.05E-01	-0.81	7.91E-01	-0.87	8.07E-01
KCNG3	-0.54	7.05E-01	0.86	1.94E-01	-0.45	6.75E-01
KLHL36	-0.54	7.05E-01	0.14	4.42E-01	0.65	2.56E-01
KIF19	-0.54	7.05E-01	-0.32	6.27E-01	-1.37	9.14E-01
RPAP2	-0.54	7.05E-01	-0.33	6.31E-01	-1.01	8.45E-01
TMEM130	-0.54	7.05E-01	-0.48	6.85E-01	-0.77	7.80E-01
HIP1	-0.54	7.05E-01	-1.95	9.74E-01	1.57	5.87E-02
PAIP2B	-0.54	7.05E-01	-1.30	9.03E-01	0.44	3.31E-01
MYH7	-0.54	7.05E-01	0.54	2.93E-01	-0.01	5.03E-01
ORAOV1	-0.54	7.06E-01	-1.57	9.42E-01	-0.33	6.30E-01
TLCD1	-0.54	7.06E-01	-0.79	7.86E-01	-0.22	5.88E-01
SLC22A18	-0.54	7.06E-01	-0.57	7.17E-01	-1.31	9.04E-01

BRIP1	-0.54	7.06E-01	0.47	3.18E-01	-0.06	5.24E-01
UGT1A5	-0.54	7.06E-01	-0.17	5.69E-01	-0.12	5.50E-01
CEP72	-0.54	7.06E-01	-0.14	5.54E-01	-1.05	8.54E-01
CCDC104	-0.54	7.06E-01	0.78	2.18E-01	-0.67	7.47E-01
ALDH7A1	-0.54	7.06E-01	0.15	4.42E-01	-0.46	6.76E-01
OR13C5	-0.54	7.06E-01	-0.83	7.97E-01	0.75	2.27E-01
PICK1	-0.54	7.06E-01	-0.46	6.78E-01	0.26	3.99E-01
GLTSCR1	-0.54	7.06E-01	-0.07	5.26E-01	-0.19	5.77E-01
B4GALNT1	-0.54	7.06E-01	-1.22	8.88E-01	-0.93	8.23E-01
NDE1	-0.54	7.07E-01	1.11	1.34E-01	0.96	1.69E-01
TNIP3	-0.54	7.07E-01	0.05	4.80E-01	-0.31	6.21E-01
CDC37L1	-0.54	7.07E-01	-0.66	7.46E-01	0.75	2.27E-01
SLC46A3	-0.54	7.07E-01	-1.37	9.15E-01	0.19	4.26E-01
AKNAD1	-0.54	7.07E-01	-0.25	5.99E-01	-0.48	6.86E-01
CCDC33	-0.54	7.07E-01	0.18	4.28E-01	-0.95	8.30E-01
RBFOX2	-0.54	7.07E-01	-1.10	8.65E-01	-0.17	5.66E-01
MMEL1	-0.54	7.07E-01	-0.89	8.13E-01	0.43	3.35E-01
ATP6V0E1	-0.54	7.07E-01	-1.17	8.78E-01	0.89	1.85E-01
ARL4C	-0.54	7.07E-01	-0.04	5.14E-01	0.65	2.59E-01
VN1R2	-0.54	7.07E-01	-0.33	6.30E-01	-0.66	7.44E-01
HOXA9	-0.54	7.07E-01	0.62	2.69E-01	0.92	1.79E-01
TRIM49D1	-0.54	7.07E-01	-2.53	9.94E-01	-0.22	5.86E-01
FBXW9	-0.54	7.07E-01	-0.75	7.74E-01	0.25	4.00E-01
FAM71A	-0.54	7.07E-01	-1.15	8.75E-01	-0.29	6.15E-01
RAMP1	-0.54	7.07E-01	0.02	4.92E-01	-0.53	7.03E-01
ALDH1L1	-0.54	7.07E-01	-0.12	5.48E-01	1.20	1.15E-01
SCAP	-0.54	7.07E-01	-0.12	5.48E-01	0.44	3.30E-01
TGFBR2	-0.54	7.07E-01	-0.04	5.17E-01	-1.28	8.99E-01
ROPN1L	-0.54	7.07E-01	-0.40	6.57E-01	-0.14	5.55E-01
CARD18	-0.55	7.07E-01	-0.46	6.78E-01	0.04	4.83E-01
UGT3A2	-0.55	7.07E-01	-0.17	5.68E-01	0.67	2.52E-01

CSRP2	-0.55	7.07E-01	-0.56	7.11E-01	0.47	3.18E-01
OASL	-0.55	7.07E-01	-1.11	8.66E-01	0.62	2.67E-01
FAT1	-0.55	7.07E-01	0.32	3.75E-01	-1.93	9.73E-01
EMP3	-0.55	7.08E-01	-0.13	5.51E-01	-1.05	8.54E-01
MPPE1	-0.55	7.08E-01	-0.04	5.14E-01	-0.69	7.56E-01
PRKAG2	-0.55	7.08E-01	-1.34	9.11E-01	0.18	4.28E-01
CPVL	-0.55	7.08E-01	-1.11	8.66E-01	0.05	4.81E-01
NINJ1	-0.55	7.08E-01	-2.89	9.98E-01	1.12	1.32E-01
MRPL49	-0.55	7.08E-01	1.24	1.07E-01	-0.38	6.46E-01
WDR92	-0.55	7.08E-01	0.02	4.94E-01	-0.18	5.71E-01
TRPM5	-0.55	7.08E-01	-0.10	5.41E-01	-0.76	7.78E-01
SPPL2A	-0.55	7.08E-01	-0.42	6.62E-01	-2.70	9.97E-01
PRRT4	-0.55	7.08E-01	-0.81	7.91E-01	0.04	4.86E-01
CCDC70	-0.55	7.08E-01	0.19	4.26E-01	0.80	2.11E-01
DDX42	-0.55	7.09E-01	-1.00	8.41E-01	-0.95	8.29E-01
MTHFD2	-0.55	7.09E-01	-1.16	8.77E-01	-0.05	5.20E-01
SRSF12	-0.55	7.09E-01	-0.06	5.26E-01	1.04	1.50E-01
CCDC134	-0.55	7.09E-01	0.69	2.45E-01	0.25	4.03E-01
ENDOG	-0.55	7.09E-01	-0.53	7.02E-01	0.16	4.35E-01
SAMD10	-0.55	7.09E-01	-1.66	9.52E-01	0.15	4.39E-01
ZMAT4	-0.55	7.09E-01	-0.83	7.96E-01	-0.72	7.66E-01
CPNE9	-0.55	7.09E-01	-0.43	6.65E-01	0.71	2.38E-01
CLRN1	-0.55	7.09E-01	-1.28	8.99E-01	0.67	2.52E-01
LRRC20	-0.55	7.09E-01	-1.39	9.17E-01	0.24	4.04E-01
PRR12	-0.55	7.09E-01	-1.53	9.37E-01	0.00	5.00E-01
RNF146	-0.55	7.09E-01	-0.69	7.54E-01	0.10	4.62E-01
OR52I1	-0.55	7.09E-01	0.23	4.10E-01	1.93	2.71E-02
RASEF	-0.55	7.09E-01	0.21	4.17E-01	1.13	1.29E-01
MT1B	-0.55	7.10E-01	-0.85	8.03E-01	-0.25	5.99E-01
ZNF550	-0.55	7.10E-01	-0.10	5.40E-01	-2.32	9.90E-01
ARSG	-0.55	7.10E-01	-1.73	9.58E-01	0.15	4.41E-01

BUD31	-0.55	7.10E-01	-0.05	5.19E-01	-1.20	8.85E-01
C19orf66	-0.55	7.10E-01	0.28	3.91E-01	-0.77	7.79E-01
RNF215	-0.55	7.10E-01	0.15	4.40E-01	-1.41	9.21E-01
IL18	-0.55	7.10E-01	-0.63	7.37E-01	-0.16	5.64E-01
C21orf140	-0.55	7.10E-01	-0.49	6.86E-01	-1.53	9.37E-01
SLC6A16	-0.55	7.10E-01	-0.37	6.44E-01	0.77	2.21E-01
TMEM223	-0.55	7.10E-01	-1.05	8.54E-01	-0.67	7.49E-01
AP5M1	-0.55	7.10E-01	-1.39	9.18E-01	0.78	2.19E-01
MORN5	-0.55	7.10E-01	0.01	4.95E-01	-0.07	5.28E-01
ONECUT1	-0.55	7.10E-01	-0.59	7.21E-01	0.63	2.66E-01
ZCWPW1	-0.55	7.10E-01	-0.73	7.66E-01	-0.78	7.83E-01
TSEN54	-0.55	7.10E-01	-0.62	7.34E-01	-0.55	7.08E-01
GGCT	-0.55	7.10E-01	-1.27	8.98E-01	0.24	4.05E-01
UBAP2L	-0.55	7.11E-01	-0.10	5.42E-01	-2.32	9.90E-01
SPATA22	-0.56	7.11E-01	0.74	2.31E-01	-0.07	5.30E-01
PGP	-0.56	7.11E-01	0.23	4.11E-01	-0.74	7.72E-01
BMP5	-0.56	7.11E-01	-0.20	5.78E-01	-0.80	7.87E-01
DENND1C	-0.56	7.11E-01	-1.33	9.08E-01	-0.02	5.06E-01
DEFB132	-0.56	7.11E-01	-0.59	7.21E-01	-0.89	8.12E-01
SLA2	-0.56	7.11E-01	-0.56	7.13E-01	-1.16	8.77E-01
CA5A	-0.56	7.11E-01	0.25	4.03E-01	0.20	4.21E-01
SPTBN4	-0.56	7.11E-01	0.86	1.96E-01	0.81	2.08E-01
COL9A2	-0.56	7.11E-01	-0.44	6.72E-01	-0.32	6.27E-01
HN1	-0.56	7.11E-01	0.81	2.10E-01	-0.88	8.11E-01
UTP11L	-0.56	7.11E-01	0.59	2.78E-01	0.26	3.96E-01
SLAMF8	-0.56	7.11E-01	0.19	4.25E-01	-0.09	5.36E-01
SELE	-0.56	7.11E-01	0.80	2.12E-01	0.91	1.81E-01
TNPO2	-0.56	7.11E-01	-1.05	8.53E-01	0.22	4.11E-01
FAM83D	-0.56	7.11E-01	0.92	1.80E-01	2.81	2.47E-03
SERPINB1	-0.56	7.11E-01	-1.56	9.40E-01	0.75	2.27E-01
XKR6	-0.56	7.11E-01	-0.68	7.53E-01	1.04	1.49E-01



CYP26B1	-0.56	7.11E-01	-0.82	7.94E-01	-0.66	7.46E-01
WWC1	-0.56	7.11E-01	-1.14	8.73E-01	0.08	4.67E-01
OR4C12	-0.56	7.11E-01	-1.76	9.60E-01	-0.17	5.67E-01
PCDHB13	-0.56	7.12E-01	-0.92	8.20E-01	-1.18	8.81E-01
ARMC2	-0.56	7.12E-01	0.13	4.49E-01	-2.03	9.79E-01
FOXRED2	-0.56	7.12E-01	-0.83	7.98E-01	0.29	3.87E-01
PET100	-0.56	7.12E-01	-1.43	9.23E-01	-0.05	5.21E-01
SDHB	-0.56	7.12E-01	0.22	4.13E-01	-0.38	6.47E-01
BRF1	-0.56	7.12E-01	-0.46	6.78E-01	0.23	4.08E-01
TMEM123	-0.56	7.12E-01	0.39	3.48E-01	1.60	5.46E-02
KIAA0825	-0.56	7.12E-01	-1.85	9.68E-01	0.65	2.59E-01
GIT2	-0.56	7.12E-01	-1.73	9.58E-01	-0.30	6.20E-01
F2RL1	-0.56	7.12E-01	0.07	4.72E-01	-0.79	7.85E-01
RBM6	-0.56	7.12E-01	1.39	8.26E-02	0.91	1.83E-01
ATL3	-0.56	7.12E-01	-1.16	8.76E-01	-0.44	6.70E-01
CACNA1G	-0.56	7.12E-01	0.33	3.71E-01	-0.07	5.30E-01
CIC	-0.56	7.12E-01	-0.31	6.20E-01	-0.02	5.08E-01
ZNF436	-0.56	7.12E-01	0.67	2.51E-01	-0.14	5.56E-01
XXYL1	-0.56	7.12E-01	-0.80	7.89E-01	-0.11	5.45E-01
GZF1	-0.56	7.12E-01	0.01	4.94E-01	-1.68	9.54E-01
SHROOM1	-0.56	7.12E-01	-0.55	7.08E-01	0.41	3.41E-01
MED20	-0.56	7.13E-01	-0.68	7.52E-01	-1.18	8.81E-01
CAPN3	-0.56	7.13E-01	-0.48	6.83E-01	-0.28	6.11E-01
FBLN7	-0.56	7.13E-01	-1.17	8.79E-01	-0.07	5.27E-01
SNX22	-0.56	7.13E-01	-0.67	7.49E-01	-0.71	7.61E-01
WDR93	-0.56	7.13E-01	-0.08	5.33E-01	-1.24	8.93E-01
CECR6	-0.56	7.13E-01	-0.28	6.08E-01	0.20	4.22E-01
AKR1C2	-0.56	7.13E-01	2.02	2.16E-02	-1.03	8.49E-01
MARCKS	-0.56	7.13E-01	-0.78	7.83E-01	-0.79	7.86E-01
SLC2A5	-0.56	7.13E-01	-1.63	9.49E-01	0.48	3.15E-01
TTC5	-0.56	7.13E-01	0.31	3.77E-01	-0.50	6.91E-01

SMG9	-0.56	7.13E-01	-1.75	9.60E-01	-0.02	5.09E-01
USP40	-0.56	7.13E-01	-0.04	5.18E-01	-1.13	8.71E-01
LIMK1	-0.56	7.13E-01	0.23	4.07E-01	-0.61	7.30E-01
ELFN2	-0.56	7.13E-01	-0.81	7.90E-01	-0.92	8.21E-01
SMG7	-0.56	7.13E-01	0.26	3.96E-01	1.51	6.53E-02
SNAI3	-0.56	7.13E-01	0.06	4.76E-01	-1.45	9.26E-01
TMEM139	-0.56	7.13E-01	-0.98	8.36E-01	-0.70	7.59E-01
MELK	-0.56	7.13E-01	-0.35	6.37E-01	-0.20	5.79E-01
ACTRT3	-0.56	7.13E-01	-0.09	5.35E-01	-0.38	6.47E-01
MUC1	-0.56	7.13E-01	-0.47	6.80E-01	0.38	3.52E-01
C11orf91	-0.56	7.13E-01	-0.27	6.07E-01	-0.08	5.30E-01
KIAA0368	-0.56	7.13E-01	-0.51	6.94E-01	0.29	3.88E-01
DHRS7C	-0.56	7.13E-01	-0.17	5.66E-01	-0.39	6.52E-01
IDUA	-0.56	7.13E-01	0.56	2.87E-01	1.46	7.22E-02
NAT10	-0.56	7.13E-01	-0.57	7.16E-01	-0.88	8.09E-01
LIN7A	-0.56	7.13E-01	-0.34	6.34E-01	-1.22	8.88E-01
TNFRSF10D	-0.56	7.14E-01	-0.49	6.88E-01	-0.59	7.22E-01
INTS7	-0.56	7.14E-01	-0.98	8.36E-01	-0.03	5.12E-01
REC8	-0.56	7.14E-01	-1.13	8.72E-01	-0.34	6.35E-01
CTD-3193O13.9	-0.56	7.14E-01	0.39	3.50E-01	0.83	2.02E-01
TUT1	-0.56	7.14E-01	-0.15	5.62E-01	-0.04	5.17E-01
CCDC170	-0.56	7.14E-01	0.13	4.50E-01	-0.65	7.43E-01
SLC27A1	-0.56	7.14E-01	0.35	3.65E-01	1.00	1.59E-01
FOLR3	-0.57	7.14E-01	0.19	4.23E-01	-0.62	7.33E-01
OR52J3	-0.57	7.14E-01	-0.47	6.81E-01	0.77	2.22E-01
CCDC115	-0.57	7.14E-01	-0.01	5.03E-01	0.66	2.54E-01
FARP1	-0.57	7.14E-01	-1.85	9.68E-01	-0.50	6.91E-01
PPID	-0.57	7.14E-01	-0.74	7.69E-01	-1.03	8.48E-01
TNFAIP8	-0.57	7.14E-01	-0.06	5.25E-01	-1.47	9.30E-01
VAPA	-0.57	7.14E-01	-1.54	9.38E-01	0.96	1.70E-01
LIG3	-0.57	7.14E-01	-0.41	6.61E-01	-1.28	9.00E-01

HOXD11	-0.57	7.14E-01	0.20	4.22E-01	0.32	3.74E-01
TRRAP	-0.57	7.14E-01	-0.85	8.02E-01	-0.70	7.57E-01
CD5L	-0.57	7.14E-01	-0.13	5.51E-01	0.08	4.70E-01
TUBA1A	-0.57	7.14E-01	-1.12	8.69E-01	-1.06	8.55E-01
OCIAD2	-0.57	7.14E-01	0.81	2.09E-01	1.07	1.43E-01
FABP5	-0.57	7.15E-01	-2.67	9.96E-01	0.01	4.97E-01
DKKL1	-0.57	7.15E-01	-1.68	9.53E-01	0.44	3.31E-01
CITED4	-0.57	7.15E-01	-1.28	9.00E-01	-0.37	6.43E-01
CWC27	-0.57	7.15E-01	0.15	4.42E-01	-0.78	7.83E-01
MKRN3	-0.57	7.15E-01	-0.30	6.19E-01	1.27	1.03E-01
PDHX	-0.57	7.15E-01	-0.62	7.34E-01	-0.47	6.82E-01
SLFN11	-0.57	7.15E-01	-1.63	9.49E-01	-0.08	5.33E-01
PRH2	-0.57	7.15E-01	0.59	2.76E-01	0.95	1.70E-01
SLC25A40	-0.57	7.15E-01	0.16	4.35E-01	-1.39	9.18E-01
CD300LD	-0.57	7.15E-01	-0.45	6.73E-01	-2.16	9.85E-01
RNASE13	-0.57	7.15E-01	1.22	1.11E-01	-0.71	7.62E-01
SIAH3	-0.57	7.15E-01	-1.20	8.85E-01	-0.42	6.61E-01
THEM5	-0.57	7.16E-01	-0.67	7.50E-01	-0.61	7.28E-01
GABPB1	-0.57	7.16E-01	-0.58	7.18E-01	-0.76	7.77E-01
ATL1	-0.57	7.16E-01	0.84	2.01E-01	-0.96	8.33E-01
NUDT18	-0.57	7.16E-01	-0.22	5.87E-01	0.66	2.56E-01
RP11-343C2.12	-0.57	7.16E-01	0.07	4.71E-01	1.80	3.56E-02
FCF1	-0.57	7.16E-01	-0.14	5.56E-01	1.24	1.07E-01
PRKCI	-0.57	7.16E-01	0.13	4.49E-01	0.27	3.95E-01
RNF187	-0.57	7.16E-01	0.49	3.12E-01	2.01	2.22E-02
SUPV3L1	-0.57	7.16E-01	0.17	4.32E-01	-0.29	6.13E-01
MIS12	-0.57	7.16E-01	-0.48	6.83E-01	1.39	8.29E-02
COL6A3	-0.57	7.16E-01	-0.98	8.36E-01	-0.34	6.32E-01
ZDHHC19	-0.57	7.16E-01	-1.38	9.17E-01	0.59	2.76E-01
PLD6	-0.57	7.16E-01	-1.77	9.62E-01	0.17	4.32E-01
BLK	-0.57	7.16E-01	-0.86	8.04E-01	0.71	2.39E-01

ZDHHHC11	-0.57	7.16E-01	-0.20	5.80E-01	-1.37	9.14E-01
SEC11A	-0.57	7.16E-01	-0.99	8.40E-01	0.16	4.37E-01
WDYHV1	-0.57	7.17E-01	-0.66	7.44E-01	0.68	2.48E-01
G3BP1	-0.57	7.17E-01	0.68	2.50E-01	0.48	3.16E-01
NAMPTL	-0.57	7.17E-01	-0.63	7.35E-01	-1.37	9.14E-01
MLLT4	-0.57	7.17E-01	-0.53	7.02E-01	-0.39	6.52E-01
RPUSD3	-0.57	7.17E-01	-1.47	9.29E-01	0.21	4.16E-01
SIGLEC7	-0.57	7.17E-01	-0.20	5.81E-01	0.72	2.36E-01
PIP	-0.57	7.17E-01	-1.34	9.10E-01	-0.20	5.79E-01
POU4F1	-0.57	7.17E-01	0.29	3.87E-01	0.46	3.23E-01
SAFB	-0.57	7.17E-01	0.11	4.55E-01	1.21	1.14E-01
HOXC13	-0.57	7.17E-01	-0.44	6.70E-01	-0.37	6.45E-01
C2orf76	-0.57	7.17E-01	-1.51	9.35E-01	0.47	3.18E-01
OPCML	-0.57	7.17E-01	-1.93	9.73E-01	1.11	1.33E-01
ASPG	-0.57	7.17E-01	0.30	3.80E-01	1.42	7.81E-02
ZNF433	-0.57	7.17E-01	-0.48	6.85E-01	-0.58	7.20E-01
SHROOM3	-0.57	7.17E-01	-1.03	8.48E-01	-0.79	7.86E-01
ADORA2B	-0.57	7.17E-01	-1.23	8.90E-01	-0.09	5.35E-01
ZNF530	-0.57	7.17E-01	-0.18	5.73E-01	-2.04	9.79E-01
LILRA3	-0.57	7.17E-01	0.55	2.90E-01	0.16	4.35E-01
MEOX2	-0.57	7.17E-01	0.28	3.90E-01	0.37	3.56E-01
EGFR	-0.57	7.17E-01	-1.97	9.75E-01	-0.45	6.74E-01
IPO9	-0.57	7.17E-01	-1.36	9.13E-01	0.42	3.35E-01
KIAA0141	-0.57	7.17E-01	0.34	3.65E-01	-1.15	8.75E-01
ZSCAN20	-0.58	7.17E-01	-0.52	6.97E-01	-0.16	5.64E-01
PRAM1	-0.58	7.17E-01	-0.91	8.19E-01	-0.36	6.39E-01
ECEL1	-0.58	7.18E-01	0.41	3.40E-01	0.05	4.80E-01
RGS17	-0.58	7.18E-01	0.28	3.91E-01	-0.47	6.82E-01
SGCA	-0.58	7.18E-01	-0.49	6.89E-01	-1.42	9.23E-01
GNG4	-0.58	7.18E-01	0.71	2.37E-01	0.30	3.83E-01
LYSMD3	-0.58	7.18E-01	-0.66	7.45E-01	0.18	4.30E-01

MPL	-0.58	7.18E-01	-0.49	6.89E-01	-0.42	6.62E-01
SPIN1	-0.58	7.18E-01	-0.21	5.83E-01	-0.83	7.97E-01
VPS36	-0.58	7.18E-01	-0.50	6.92E-01	0.43	3.33E-01
PACSLN3	-0.58	7.18E-01	-0.93	8.24E-01	-0.57	7.14E-01
TNFRSF18	-0.58	7.18E-01	-0.54	7.05E-01	-0.85	8.03E-01
CCDC19	-0.58	7.18E-01	-1.64	9.49E-01	-0.03	5.10E-01
WFDC5	-0.58	7.18E-01	-2.35	9.91E-01	0.18	4.30E-01
PYHIN1	-0.58	7.18E-01	-0.30	6.17E-01	0.37	3.55E-01
POMP	-0.58	7.18E-01	-0.67	7.49E-01	-0.82	7.94E-01
HBB	-0.58	7.18E-01	-1.19	8.82E-01	-0.15	5.60E-01
RPL37	-0.58	7.18E-01	-0.58	7.18E-01	0.15	4.39E-01
PTGER1	-0.58	7.18E-01	-0.17	5.69E-01	-1.24	8.92E-01
CMAS	-0.58	7.18E-01	-1.44	9.25E-01	-0.44	6.71E-01
DCAF4L2	-0.58	7.18E-01	-0.35	6.35E-01	-1.33	9.08E-01
ALB	-0.58	7.19E-01	-0.79	7.87E-01	-0.44	6.72E-01
ARFIP2	-0.58	7.19E-01	-0.85	8.03E-01	-0.76	7.78E-01
TSEN15	-0.58	7.19E-01	-0.34	6.32E-01	0.57	2.85E-01
TPRX1	-0.58	7.19E-01	-0.30	6.16E-01	-0.82	7.94E-01
C14orf166B	-0.58	7.19E-01	-1.68	9.53E-01	0.10	4.60E-01
OCIAD1	-0.58	7.19E-01	0.43	3.34E-01	-0.40	6.54E-01
FGFR1OP2	-0.58	7.19E-01	-0.16	5.63E-01	-1.35	9.12E-01
GTF3C2	-0.58	7.19E-01	-0.14	5.56E-01	1.36	8.63E-02
TPCN2	-0.58	7.19E-01	0.56	2.87E-01	1.16	1.24E-01
WDR96	-0.58	7.19E-01	1.48	6.97E-02	0.55	2.91E-01
NCAPG2	-0.58	7.19E-01	-0.03	5.11E-01	-1.94	9.74E-01
OR8A1	-0.58	7.19E-01	0.64	2.60E-01	-0.83	7.98E-01
PANK1	-0.58	7.19E-01	-0.44	6.70E-01	-0.35	6.36E-01
CSPG4	-0.58	7.19E-01	0.17	4.34E-01	-0.16	5.62E-01
TMEM30A	-0.58	7.19E-01	-0.47	6.82E-01	0.66	2.53E-01
APOA1	-0.58	7.19E-01	-0.88	8.10E-01	-0.17	5.68E-01
KDM4E	-0.58	7.19E-01	0.41	3.41E-01	-1.91	9.72E-01

METTL2B	-0.58	7.19E-01	-0.37	6.43E-01	-2.36	9.91E-01
ZNF34	-0.58	7.19E-01	-0.48	6.85E-01	-0.44	6.71E-01
FADD	-0.58	7.20E-01	0.04	4.85E-01	-0.23	5.91E-01
UGT2B15	-0.58	7.20E-01	-0.29	6.13E-01	1.55	6.10E-02
TCP10	-0.58	7.20E-01	0.93	1.75E-01	-0.16	5.65E-01
RNMT	-0.58	7.20E-01	0.11	4.58E-01	-0.60	7.27E-01
CTD-3203P2.2	-0.58	7.20E-01	0.59	2.76E-01	-0.92	8.22E-01
BSND	-0.58	7.20E-01	-1.17	8.80E-01	-0.29	6.14E-01
CXCL14	-0.58	7.20E-01	-1.51	9.35E-01	0.56	2.89E-01
ADAM20	-0.58	7.20E-01	0.71	2.39E-01	-0.07	5.29E-01
PDZK1	-0.58	7.20E-01	-1.01	8.44E-01	-0.45	6.73E-01
TSN	-0.58	7.20E-01	0.34	3.67E-01	-0.48	6.84E-01
PIGH	-0.58	7.20E-01	0.41	3.39E-01	-0.64	7.39E-01
XRCC4	-0.58	7.20E-01	0.72	2.36E-01	0.75	2.28E-01
COQ2	-0.58	7.20E-01	1.37	8.53E-02	0.32	3.76E-01
SLC1A7	-0.58	7.20E-01	0.16	4.35E-01	-0.60	7.27E-01
POFUT2	-0.58	7.20E-01	1.21	1.13E-01	0.99	1.60E-01
GCG	-0.58	7.20E-01	-0.70	7.57E-01	-0.94	8.25E-01
GNS	-0.58	7.20E-01	-0.77	7.79E-01	-0.96	8.31E-01
UBOX5	-0.58	7.20E-01	-2.03	9.79E-01	0.48	3.16E-01
PPP1R15A	-0.58	7.20E-01	-0.60	7.24E-01	-1.43	9.23E-01
SLMO1	-0.58	7.20E-01	-0.24	5.95E-01	-0.28	6.09E-01
BRICD5	-0.58	7.20E-01	0.26	3.98E-01	-1.72	9.58E-01
FAM26E	-0.58	7.20E-01	-0.09	5.35E-01	0.04	4.82E-01
SPRR2A	-0.58	7.20E-01	-0.64	7.40E-01	-0.42	6.61E-01
OBFC1	-0.58	7.21E-01	0.52	3.01E-01	-0.90	8.17E-01
KRTAP15-1	-0.58	7.21E-01	-0.13	5.53E-01	-0.97	8.33E-01
GIMAP5	-0.58	7.21E-01	-0.29	6.12E-01	-0.07	5.29E-01
ZAR1L	-0.58	7.21E-01	-1.52	9.36E-01	0.17	4.34E-01
AIG1	-0.58	7.21E-01	0.27	3.93E-01	-1.10	8.65E-01
TRIM68	-0.58	7.21E-01	0.34	3.67E-01	1.10	1.36E-01

MATN4	-0.58	7.21E-01	-0.48	6.85E-01	-1.43	9.24E-01
TNFRSF1B	-0.58	7.21E-01	-1.28	9.00E-01	-0.54	7.07E-01
PSMD6	-0.59	7.21E-01	0.69	2.44E-01	-0.14	5.56E-01
PALM2-AKAP2	-0.59	7.21E-01	-0.65	7.43E-01	-1.23	8.90E-01
AKAP2	-0.59	7.21E-01	-0.65	7.43E-01	-1.23	8.90E-01
ISG20	-0.59	7.21E-01	-1.25	8.95E-01	0.67	2.51E-01
SPATA6	-0.59	7.21E-01	0.54	2.94E-01	0.03	4.87E-01
PGM2L1	-0.59	7.21E-01	-0.81	7.92E-01	0.01	4.96E-01
CNOT2	-0.59	7.21E-01	0.45	3.25E-01	1.23	1.10E-01
PRPF38B	-0.59	7.21E-01	-1.16	8.76E-01	-0.34	6.32E-01
KANK3	-0.59	7.22E-01	-0.51	6.95E-01	-0.63	7.34E-01
C7orf57	-0.59	7.22E-01	-1.02	8.47E-01	1.06	1.44E-01
SARM1	-0.59	7.22E-01	-0.87	8.09E-01	-0.93	8.23E-01
FAM188A	-0.59	7.22E-01	0.18	4.30E-01	-0.22	5.86E-01
CYP2A7	-0.59	7.22E-01	-0.76	7.75E-01	-0.63	7.35E-01
PIAS3	-0.59	7.22E-01	-0.15	5.60E-01	-1.53	9.37E-01
SYT16	-0.59	7.22E-01	-0.86	8.06E-01	-0.08	5.31E-01
PCDHB1	-0.59	7.22E-01	-0.19	5.76E-01	-0.85	8.03E-01
RMI1	-0.59	7.22E-01	0.04	4.83E-01	0.88	1.90E-01
FNIP2	-0.59	7.22E-01	-0.62	7.31E-01	-0.62	7.32E-01
ADAMTS20	-0.59	7.22E-01	-0.10	5.41E-01	0.32	3.76E-01
PLA2G4D	-0.59	7.22E-01	1.67	4.70E-02	0.87	1.92E-01
ADAMTS5	-0.59	7.22E-01	-0.83	7.97E-01	-0.43	6.66E-01
SQRDL	-0.59	7.22E-01	-0.24	5.96E-01	-1.15	8.74E-01
B3GNT7	-0.59	7.22E-01	0.95	1.71E-01	0.01	4.96E-01
SMIM11	-0.59	7.22E-01	-0.99	8.39E-01	-0.85	8.02E-01
SLC41A2	-0.59	7.22E-01	-1.67	9.53E-01	0.00	5.02E-01
PSME1	-0.59	7.23E-01	-1.20	8.86E-01	0.19	4.23E-01
TLE6	-0.59	7.23E-01	-0.70	7.57E-01	0.32	3.75E-01
AKR1CL1	-0.59	7.23E-01	-1.52	9.35E-01	-0.81	7.92E-01
MICAL3	-0.59	7.23E-01	-0.59	7.22E-01	-1.72	9.57E-01

FAF2	-0.59	7.23E-01	0.54	2.94E-01	-1.20	8.85E-01
RPS19BP1	-0.59	7.23E-01	0.07	4.71E-01	-1.85	9.68E-01
TMEM150B	-0.59	7.23E-01	-0.49	6.89E-01	-0.53	7.04E-01
ANXA3	-0.59	7.23E-01	-0.28	6.12E-01	-0.06	5.22E-01
TMEM200A	-0.59	7.23E-01	-0.64	7.37E-01	0.06	4.78E-01
PKIG	-0.59	7.23E-01	0.24	4.04E-01	-0.09	5.36E-01
INHA	-0.59	7.23E-01	-0.04	5.17E-01	-0.42	6.61E-01
CLHC1	-0.59	7.23E-01	-0.52	6.97E-01	-1.14	8.73E-01
MTMR7	-0.59	7.23E-01	-0.05	5.21E-01	-1.11	8.67E-01
ZNF286B	-0.59	7.23E-01	-0.01	5.02E-01	-1.69	9.55E-01
NCBP2	-0.59	7.23E-01	-1.50	9.34E-01	0.21	4.18E-01
ERO1L	-0.59	7.23E-01	0.04	4.86E-01	1.25	1.05E-01
TCP10L	-0.59	7.23E-01	0.17	4.32E-01	0.36	3.60E-01
OLA1	-0.59	7.24E-01	-0.37	6.46E-01	0.24	4.06E-01
SOCS7	-0.59	7.24E-01	-1.05	8.53E-01	0.95	1.71E-01
IRS2	-0.59	7.24E-01	0.00	4.99E-01	1.11	1.33E-01
SPSB2	-0.59	7.24E-01	-0.28	6.09E-01	0.38	3.53E-01
PEX5L	-0.59	7.24E-01	-1.02	8.46E-01	1.32	9.39E-02
RHCG	-0.59	7.24E-01	-1.05	8.54E-01	0.88	1.90E-01
HRASLS5	-0.59	7.24E-01	-0.38	6.48E-01	-0.52	6.97E-01
PRG4	-0.59	7.24E-01	-1.03	8.49E-01	-0.97	8.34E-01
DUSP11	-0.59	7.24E-01	-0.42	6.64E-01	-1.08	8.59E-01
APP	-0.59	7.24E-01	-1.84	9.67E-01	-0.09	5.36E-01
ZHX1	-0.59	7.24E-01	1.17	1.22E-01	-0.22	5.89E-01
KIF25	-0.59	7.24E-01	-0.63	7.34E-01	-1.15	8.75E-01
OR2L13	-0.59	7.24E-01	-0.09	5.34E-01	0.47	3.20E-01
ITGA3	-0.59	7.24E-01	1.42	7.77E-02	-0.64	7.40E-01
C9orf114	-0.60	7.24E-01	-0.62	7.31E-01	-0.07	5.28E-01
DDTL	-0.60	7.24E-01	-0.81	7.91E-01	-0.12	5.47E-01
ALDOC	-0.60	7.24E-01	1.48	7.00E-02	0.58	2.80E-01
MAPK3	-0.60	7.24E-01	0.18	4.30E-01	-0.19	5.76E-01



CPA3	-0.60	7.24E-01	-1.68	9.53E-01	-0.29	6.15E-01
NAV1	-0.60	7.24E-01	-1.29	9.02E-01	-1.19	8.83E-01
TMCC3	-0.60	7.24E-01	0.01	4.97E-01	-0.99	8.40E-01
ITPKA	-0.60	7.24E-01	-0.55	7.09E-01	-1.30	9.03E-01
EPN3	-0.60	7.25E-01	-1.14	8.73E-01	0.48	3.16E-01
RNASEH1	-0.60	7.25E-01	-0.97	8.34E-01	-0.92	8.22E-01
ANKK1	-0.60	7.25E-01	-0.85	8.04E-01	-1.22	8.90E-01
C14orf159	-0.60	7.25E-01	0.05	4.79E-01	0.73	2.32E-01
LINC01098	-0.60	7.25E-01	1.12	1.31E-01	-1.34	9.09E-01
TRIT1	-0.60	7.25E-01	-1.83	9.66E-01	-0.37	6.44E-01
TSPAN1	-0.60	7.25E-01	0.55	2.91E-01	0.39	3.48E-01
CENPBD1	-0.60	7.25E-01	0.32	3.75E-01	0.82	2.05E-01
SLC38A9	-0.60	7.25E-01	-0.35	6.35E-01	-0.85	8.03E-01
ITGB6	-0.60	7.25E-01	0.02	4.90E-01	-0.78	7.81E-01
FAM122A	-0.60	7.25E-01	1.03	1.52E-01	0.68	2.48E-01
BCL2A1	-0.60	7.25E-01	0.20	4.22E-01	1.33	9.16E-02
UBE3C	-0.60	7.25E-01	0.27	3.94E-01	1.55	6.08E-02
PSMD1	-0.60	7.25E-01	0.33	3.72E-01	-0.63	7.36E-01
OR13C8	-0.60	7.25E-01	-0.37	6.45E-01	0.54	2.95E-01
CEP350	-0.60	7.25E-01	-0.88	8.10E-01	-0.29	6.14E-01
QTRT1	-0.60	7.25E-01	-0.22	5.89E-01	-0.32	6.25E-01
TERF1	-0.60	7.25E-01	-0.56	7.11E-01	-0.01	5.05E-01
TMEM244	-0.60	7.25E-01	0.13	4.48E-01	-0.69	7.56E-01
WNT8A	-0.60	7.25E-01	-0.12	5.48E-01	1.10	1.35E-01
TXNDC15	-0.60	7.25E-01	-1.77	9.62E-01	-0.02	5.08E-01
CDKN2AIP	-0.60	7.26E-01	0.72	2.36E-01	0.16	4.35E-01
FPR2	-0.60	7.26E-01	-0.77	7.78E-01	-1.09	8.63E-01
NANP	-0.60	7.26E-01	0.58	2.81E-01	0.11	4.58E-01
RARB	-0.60	7.26E-01	0.15	4.39E-01	0.46	3.21E-01
LRRC8C	-0.60	7.26E-01	-0.34	6.34E-01	-0.74	7.71E-01
LIMD2	-0.60	7.26E-01	-0.96	8.33E-01	-1.06	8.56E-01

INO80E	-0.60	7.26E-01	-1.55	9.39E-01	-0.54	7.05E-01
FAM111B	-0.60	7.26E-01	-1.46	9.27E-01	-0.58	7.20E-01
GGPS1	-0.60	7.26E-01	-0.68	7.53E-01	-0.80	7.89E-01
UTP23	-0.60	7.26E-01	-0.14	5.57E-01	0.05	4.82E-01
SST	-0.60	7.26E-01	-1.13	8.70E-01	-1.07	8.57E-01
TPD52L2	-0.60	7.26E-01	1.44	7.49E-02	0.37	3.57E-01
MFSD11	-0.60	7.26E-01	-0.33	6.30E-01	-1.66	9.51E-01
BTNL3	-0.60	7.26E-01	-0.12	5.48E-01	0.03	4.86E-01
NT5DC3	-0.60	7.26E-01	0.34	3.66E-01	0.96	1.68E-01
ARL10	-0.60	7.26E-01	-0.61	7.30E-01	-1.35	9.11E-01
RFC4	-0.60	7.26E-01	-1.05	8.54E-01	0.04	4.83E-01
WDR37	-0.60	7.27E-01	-0.42	6.63E-01	0.80	2.11E-01
TBC1D26	-0.60	7.27E-01	-1.66	9.52E-01	-0.71	7.60E-01
METTL3	-0.60	7.27E-01	1.36	8.69E-02	0.36	3.61E-01
ZNF12	-0.60	7.27E-01	-1.49	9.32E-01	1.60	5.45E-02
ATF3	-0.60	7.27E-01	-1.31	9.05E-01	0.25	4.02E-01
ANXA10	-0.60	7.27E-01	0.17	4.34E-01	0.20	4.22E-01
SPINK6	-0.60	7.27E-01	-0.90	8.16E-01	-0.40	6.54E-01
HMGCLL1	-0.60	7.27E-01	0.02	4.90E-01	1.14	1.28E-01
SLC34A2	-0.60	7.27E-01	0.81	2.09E-01	-1.25	8.94E-01
GTF3C4	-0.60	7.27E-01	-0.51	6.95E-01	-0.14	5.58E-01
CNTNAP1	-0.60	7.27E-01	-1.04	8.51E-01	-0.24	5.96E-01
ABHD1	-0.60	7.27E-01	0.05	4.78E-01	-1.37	9.14E-01
C19orf73	-0.60	7.27E-01	-1.06	8.56E-01	-0.58	7.20E-01
TXNRD3	-0.60	7.27E-01	0.02	4.91E-01	-1.47	9.30E-01
TUFT1	-0.60	7.27E-01	0.30	3.83E-01	-2.10	9.82E-01
GLIS2	-0.60	7.27E-01	-0.68	7.50E-01	0.26	3.98E-01
TMEM143	-0.60	7.27E-01	-0.33	6.31E-01	-0.46	6.79E-01
CYB5R2	-0.60	7.27E-01	0.24	4.05E-01	0.02	4.94E-01
SLC35G1	-0.60	7.27E-01	0.72	2.37E-01	-0.54	7.07E-01
BOC	-0.60	7.27E-01	0.69	2.46E-01	-0.59	7.22E-01

UTP15	-0.60	7.27E-01	-0.86	8.06E-01	-0.63	7.36E-01
NLRP2	-0.60	7.27E-01	-0.61	7.30E-01	-0.94	8.27E-01
PRMT3	-0.61	7.27E-01	0.01	4.94E-01	0.37	3.56E-01
HNRNPAB	-0.61	7.27E-01	-0.37	6.45E-01	-0.88	8.09E-01
COLGALT1	-0.61	7.27E-01	-0.46	6.78E-01	-0.83	7.97E-01
FKBP7	-0.61	7.28E-01	-0.45	6.72E-01	-1.22	8.88E-01
RNF44	-0.61	7.28E-01	-0.27	6.08E-01	-1.00	8.41E-01
FKBP1C	-0.61	7.28E-01	0.18	4.29E-01	-0.72	7.65E-01
RALGPS1	-0.61	7.28E-01	-0.94	8.26E-01	-1.08	8.59E-01
RNASE9	-0.61	7.28E-01	0.22	4.11E-01	-1.31	9.05E-01
TIGD2	-0.61	7.28E-01	-0.13	5.51E-01	0.56	2.87E-01
GSX2	-0.61	7.28E-01	0.56	2.87E-01	1.03	1.52E-01
VPS41	-0.61	7.28E-01	-1.09	8.63E-01	-0.69	7.55E-01
DPPA4	-0.61	7.28E-01	-1.37	9.15E-01	-0.68	7.53E-01
VOPP1	-0.61	7.28E-01	-0.13	5.51E-01	-1.11	8.67E-01
PPP3R1	-0.61	7.28E-01	0.22	4.12E-01	-0.43	6.66E-01
SLFN5	-0.61	7.28E-01	0.34	3.67E-01	-0.95	8.30E-01
TMEM110	-0.61	7.28E-01	0.32	3.75E-01	1.37	8.48E-02
TGM1	-0.61	7.28E-01	0.24	4.03E-01	0.20	4.21E-01
HVCN1	-0.61	7.28E-01	-1.36	9.13E-01	-0.86	8.04E-01
HS1BP3	-0.61	7.28E-01	0.15	4.40E-01	-0.13	5.50E-01
CD1C	-0.61	7.28E-01	-0.25	5.99E-01	-1.44	9.26E-01
FAM180B	-0.61	7.28E-01	-1.11	8.67E-01	-0.47	6.80E-01
C1orf35	-0.61	7.28E-01	0.43	3.34E-01	-0.70	7.58E-01
KIAA1958	-0.61	7.28E-01	-0.18	5.71E-01	-0.27	6.07E-01
RHBDL2	-0.61	7.28E-01	-0.27	6.06E-01	0.55	2.91E-01
ERGIC3	-0.61	7.29E-01	-1.28	9.00E-01	-1.04	8.51E-01
APOL6	-0.61	7.29E-01	0.35	3.62E-01	-0.39	6.51E-01
TRIM23	-0.61	7.29E-01	-0.99	8.39E-01	0.01	4.94E-01
PSMG2	-0.61	7.29E-01	0.74	2.31E-01	-0.67	7.48E-01
EFCAB9	-0.61	7.29E-01	1.09	1.39E-01	-0.20	5.81E-01

WDR62	-0.61	7.29E-01	-0.05	5.20E-01	-1.17	8.78E-01
AGO1	-0.61	7.29E-01	-0.07	5.27E-01	0.33	3.72E-01
WNT8B	-0.61	7.29E-01	-1.90	9.72E-01	0.01	4.94E-01
HAGH	-0.61	7.29E-01	-0.05	5.19E-01	0.12	4.50E-01
MRPL28	-0.61	7.29E-01	-1.17	8.78E-01	0.71	2.39E-01
AKT2	-0.61	7.29E-01	1.07	1.43E-01	0.51	3.06E-01
TAF6L	-0.61	7.29E-01	-1.06	8.56E-01	-0.64	7.37E-01
AGPAT4	-0.61	7.29E-01	-0.03	5.13E-01	-0.31	6.21E-01
URAD	-0.61	7.29E-01	0.68	2.48E-01	0.00	4.98E-01
RIOK1	-0.61	7.29E-01	-1.24	8.93E-01	-0.41	6.60E-01
NETO1	-0.61	7.29E-01	-0.13	5.50E-01	-0.97	8.34E-01
KIAA2013	-0.61	7.29E-01	-1.19	8.84E-01	-0.07	5.26E-01
OXER1	-0.61	7.29E-01	-0.73	7.66E-01	0.08	4.67E-01
HSD17B14	-0.61	7.29E-01	0.16	4.38E-01	-1.88	9.70E-01
REP15	-0.61	7.29E-01	1.22	1.10E-01	0.72	2.37E-01
RNASE8	-0.61	7.29E-01	0.44	3.29E-01	1.20	1.15E-01
CCDC163P	-0.61	7.29E-01	-0.40	6.55E-01	-1.52	9.36E-01
ARID4A	-0.61	7.29E-01	0.90	1.84E-01	1.09	1.38E-01
JARID2	-0.61	7.29E-01	0.08	4.69E-01	-0.95	8.29E-01
MARVELD2	-0.61	7.29E-01	-0.91	8.19E-01	-0.95	8.29E-01
SRSF2	-0.61	7.29E-01	-0.07	5.26E-01	-2.13	9.83E-01
ARMC3	-0.61	7.29E-01	-1.06	8.54E-01	0.50	3.09E-01
WBSCR28	-0.61	7.30E-01	-0.41	6.60E-01	-1.48	9.30E-01
IPO7	-0.61	7.30E-01	-1.11	8.66E-01	1.09	1.39E-01
HSP90AA1	-0.61	7.30E-01	0.47	3.19E-01	-0.30	6.17E-01
DNAJC2	-0.61	7.30E-01	-1.13	8.71E-01	-0.16	5.64E-01
SNRPA1	-0.61	7.30E-01	0.41	3.41E-01	-0.04	5.16E-01
F2R	-0.61	7.30E-01	-0.44	6.69E-01	-0.48	6.84E-01
ARL11	-0.61	7.30E-01	-1.29	9.01E-01	1.26	1.04E-01
RBM48	-0.61	7.30E-01	-1.02	8.46E-01	-0.15	5.60E-01
BCAS3	-0.61	7.30E-01	-0.98	8.35E-01	-0.38	6.47E-01

ZC3H12C	-0.61	7.30E-01	-0.71	7.62E-01	0.10	4.59E-01
LYPD5	-0.61	7.30E-01	-0.92	8.21E-01	-0.47	6.80E-01
MAP4K1	-0.61	7.30E-01	-0.44	6.71E-01	-0.28	6.11E-01
RHCE	-0.61	7.30E-01	0.62	2.68E-01	1.48	6.96E-02
TMEM106C	-0.61	7.30E-01	-0.14	5.56E-01	-2.10	9.82E-01
ARHGAP32	-0.61	7.30E-01	-0.27	6.08E-01	1.56	5.90E-02
ERN2	-0.61	7.30E-01	1.00	1.58E-01	-0.82	7.94E-01
CA9	-0.61	7.30E-01	-0.31	6.24E-01	0.47	3.19E-01
APBA3	-0.61	7.30E-01	-0.68	7.50E-01	-0.60	7.26E-01
C9orf64	-0.61	7.31E-01	-0.32	6.27E-01	1.62	5.31E-02
NELL2	-0.61	7.31E-01	-1.52	9.36E-01	0.00	4.99E-01
SNX11	-0.61	7.31E-01	0.90	1.85E-01	1.46	7.26E-02
UBE2K	-0.61	7.31E-01	0.13	4.50E-01	-0.68	7.52E-01
LRRRC63	-0.61	7.31E-01	-0.29	6.14E-01	-0.86	8.05E-01
MT1A	-0.61	7.31E-01	0.54	2.94E-01	-0.68	7.51E-01
LSM10	-0.61	7.31E-01	0.08	4.68E-01	-0.93	8.23E-01
MRPL35	-0.61	7.31E-01	-1.31	9.04E-01	0.07	4.74E-01
PAX3	-0.61	7.31E-01	-0.49	6.88E-01	0.55	2.90E-01
ZNF256	-0.61	7.31E-01	0.51	3.03E-01	-0.54	7.05E-01
TAPBP	-0.62	7.31E-01	0.31	3.78E-01	-0.56	7.12E-01
KRI1	-0.62	7.31E-01	-1.02	8.46E-01	0.39	3.49E-01
ANAPC16	-0.62	7.31E-01	0.74	2.29E-01	0.16	4.37E-01
CATSPERB	-0.62	7.31E-01	-0.34	6.33E-01	-0.50	6.92E-01
FAM150A	-0.62	7.31E-01	-0.61	7.30E-01	-1.10	8.64E-01
IFNE	-0.62	7.31E-01	0.28	3.90E-01	-0.76	7.78E-01
SUV39H2	-0.62	7.31E-01	-1.25	8.95E-01	0.03	4.88E-01
PRRT2	-0.62	7.31E-01	-0.72	7.64E-01	-0.69	7.53E-01
UQCRC1	-0.62	7.31E-01	0.03	4.87E-01	0.97	1.67E-01
ANKRD32	-0.62	7.31E-01	-1.70	9.56E-01	0.03	4.90E-01
RBBP6	-0.62	7.31E-01	-1.00	8.42E-01	-0.65	7.42E-01
UROD	-0.62	7.31E-01	0.24	4.07E-01	-0.07	5.29E-01

CTD-2228K2.5	-0.62	7.31E-01	0.18	4.29E-01	-1.72	9.57E-01
VWA2	-0.62	7.31E-01	0.02	4.93E-01	-0.32	6.26E-01
EIF4EBP1	-0.62	7.31E-01	0.08	4.67E-01	1.07	1.42E-01
SP2	-0.62	7.31E-01	-0.66	7.46E-01	-0.39	6.52E-01
CAMKK1	-0.62	7.31E-01	0.26	3.96E-01	0.83	2.03E-01
GDAP2	-0.62	7.31E-01	-0.36	6.40E-01	-1.49	9.32E-01
ZNF862	-0.62	7.31E-01	-0.98	8.36E-01	0.37	3.56E-01
ZNF320	-0.62	7.32E-01	0.26	3.96E-01	-0.92	8.22E-01
ZC3H6	-0.62	7.32E-01	-1.52	9.35E-01	-0.50	6.91E-01
TXNDC2	-0.62	7.32E-01	-1.27	8.98E-01	-0.26	6.04E-01
SLC25A19	-0.62	7.32E-01	1.39	8.24E-02	0.26	3.99E-01
SLU7	-0.62	7.32E-01	-0.28	6.09E-01	-0.70	7.57E-01
RPL23	-0.62	7.32E-01	-0.96	8.31E-01	-0.50	6.90E-01
CHD2	-0.62	7.32E-01	0.31	3.78E-01	-1.40	9.20E-01
FAM110B	-0.62	7.32E-01	-0.28	6.11E-01	0.35	3.63E-01
FAM102A	-0.62	7.32E-01	0.22	4.14E-01	-1.18	8.80E-01
C9orf147	-0.62	7.32E-01	0.03	4.90E-01	0.35	3.63E-01
NDUFB8	-0.62	7.32E-01	-1.08	8.59E-01	-0.46	6.77E-01
DBF4	-0.62	7.32E-01	0.40	3.46E-01	-1.74	9.59E-01
IL7	-0.62	7.32E-01	-0.53	7.03E-01	-0.57	7.17E-01
RP11-133K1.2	-0.62	7.32E-01	0.67	2.53E-01	-1.54	9.39E-01
TXNRD3NB	-0.62	7.32E-01	0.09	4.64E-01	-1.67	9.53E-01
C8orf22	-0.62	7.32E-01	-0.67	7.48E-01	0.30	3.81E-01
MRPS9	-0.62	7.32E-01	-0.66	7.44E-01	1.01	1.56E-01
CHMP5	-0.62	7.32E-01	0.51	3.06E-01	-0.02	5.10E-01
SLC10A7	-0.62	7.33E-01	0.00	5.00E-01	0.57	2.85E-01
ANKHD1	-0.62	7.33E-01	-0.53	7.03E-01	-0.30	6.19E-01
ANKHD1-EIF4EBP3	-0.62	7.33E-01	-0.53	7.03E-01	-0.30	6.19E-01
POLE2	-0.62	7.33E-01	-0.72	7.65E-01	-0.32	6.27E-01
SNF8	-0.62	7.33E-01	-0.71	7.62E-01	-1.61	9.47E-01
NPM3	-0.62	7.33E-01	0.16	4.37E-01	-0.55	7.08E-01

ASCL2	-0.62	7.33E-01	-0.14	5.56E-01	-1.69	9.55E-01
AGTPBP1	-0.62	7.33E-01	0.24	4.06E-01	-0.70	7.59E-01
PER2	-0.62	7.33E-01	-0.47	6.81E-01	-0.16	5.62E-01
TOMM22	-0.62	7.33E-01	-0.29	6.12E-01	-0.75	7.72E-01
NETO2	-0.62	7.33E-01	-0.01	5.05E-01	-0.87	8.07E-01
PTGFR	-0.62	7.33E-01	0.15	4.40E-01	-1.40	9.19E-01
BAAT	-0.62	7.33E-01	-0.29	6.12E-01	1.20	1.15E-01
KLRC2	-0.62	7.33E-01	-0.82	7.95E-01	0.16	4.38E-01
GLT1D1	-0.62	7.33E-01	-0.23	5.89E-01	-0.37	6.43E-01
FAM183A	-0.62	7.33E-01	1.09	1.37E-01	-1.32	9.07E-01
MYO1E	-0.62	7.33E-01	-0.10	5.38E-01	-2.69	9.96E-01
OR5H6	-0.62	7.33E-01	-0.70	7.59E-01	-0.88	8.11E-01
PRTN3	-0.62	7.33E-01	-0.35	6.38E-01	-0.57	7.15E-01
MFSD7	-0.62	7.33E-01	-0.55	7.08E-01	-0.09	5.36E-01
C19orf54	-0.62	7.33E-01	-1.14	8.74E-01	-0.31	6.23E-01
NPC2	-0.62	7.33E-01	1.41	7.98E-02	2.10	1.78E-02
ETS2	-0.62	7.33E-01	-1.11	8.66E-01	-0.05	5.21E-01
CHGB	-0.62	7.33E-01	1.03	1.51E-01	2.20	1.38E-02
MON1A	-0.62	7.34E-01	0.67	2.50E-01	0.18	4.28E-01
H3F3C	-0.62	7.34E-01	-0.44	6.70E-01	-0.05	5.20E-01
HIP1R	-0.62	7.34E-01	-0.55	7.09E-01	0.77	2.22E-01
CD200R1	-0.62	7.34E-01	0.38	3.53E-01	-0.94	8.26E-01
TM4SF1	-0.62	7.34E-01	0.08	4.67E-01	-0.38	6.46E-01
PSD4	-0.62	7.34E-01	0.33	3.70E-01	-0.61	7.29E-01
LAMB2	-0.62	7.34E-01	0.08	4.69E-01	0.31	3.78E-01
CACNA2D1	-0.62	7.34E-01	0.10	4.60E-01	-0.23	5.89E-01
PRB4	-0.62	7.34E-01	0.79	2.16E-01	-0.56	7.13E-01
CYP4B1	-0.62	7.34E-01	-0.39	6.52E-01	2.11	1.73E-02
SIN3A	-0.62	7.34E-01	-0.45	6.74E-01	-1.38	9.17E-01
FSCN2	-0.62	7.34E-01	-1.10	8.63E-01	-0.85	8.03E-01
RIPK1	-0.62	7.34E-01	-0.44	6.71E-01	-0.07	5.27E-01

SH3GL2	-0.63	7.34E-01	-1.25	8.95E-01	-0.23	5.90E-01
HERC4	-0.63	7.34E-01	-0.50	6.90E-01	-0.40	6.56E-01
CIT	-0.63	7.34E-01	1.00	1.58E-01	0.33	3.71E-01
MRGPRF	-0.63	7.34E-01	-1.55	9.40E-01	0.79	2.14E-01
HEATR5B	-0.63	7.34E-01	0.24	4.06E-01	0.57	2.83E-01
NSL1	-0.63	7.34E-01	-0.32	6.24E-01	0.58	2.80E-01
SH3BP1	-0.63	7.34E-01	-1.22	8.88E-01	-0.68	7.50E-01
OR6B3	-0.63	7.34E-01	0.02	4.92E-01	-0.64	7.39E-01
FAM96A	-0.63	7.34E-01	-1.25	8.95E-01	0.48	3.15E-01
SAMD3	-0.63	7.34E-01	0.21	4.18E-01	-0.58	7.20E-01
DISP2	-0.63	7.34E-01	0.73	2.33E-01	-0.55	7.08E-01
CLTC	-0.63	7.34E-01	-1.66	9.51E-01	-0.08	5.31E-01
COPG2	-0.63	7.34E-01	-0.77	7.79E-01	-0.38	6.50E-01
SLC17A9	-0.63	7.34E-01	0.82	2.07E-01	0.18	4.30E-01
TPPP	-0.63	7.35E-01	-1.03	8.48E-01	-0.38	6.48E-01
LILRA5	-0.63	7.35E-01	-0.71	7.62E-01	-0.81	7.91E-01
ADCY3	-0.63	7.35E-01	0.38	3.51E-01	-0.72	7.63E-01
SYBU	-0.63	7.35E-01	-1.34	9.10E-01	0.74	2.30E-01
PICALM	-0.63	7.35E-01	-0.53	7.02E-01	-0.49	6.87E-01
GPR126	-0.63	7.35E-01	-0.09	5.37E-01	0.08	4.68E-01
GDF10	-0.63	7.35E-01	-0.73	7.68E-01	1.35	8.79E-02
TMEM61	-0.63	7.35E-01	-0.80	7.88E-01	-0.56	7.12E-01
TMEM205	-0.63	7.35E-01	-0.01	5.06E-01	-0.73	7.68E-01
DNAJC14	-0.63	7.35E-01	-0.45	6.73E-01	-1.49	9.31E-01
MYO9B	-0.63	7.35E-01	-0.67	7.49E-01	-0.51	6.96E-01
SGK1	-0.63	7.35E-01	-0.62	7.32E-01	0.53	2.97E-01
TEX19	-0.63	7.35E-01	-0.87	8.09E-01	-0.14	5.54E-01
C11orf24	-0.63	7.35E-01	0.59	2.76E-01	-0.13	5.52E-01
DHX40	-0.63	7.35E-01	-0.87	8.07E-01	0.01	4.97E-01
KRTAP26-1	-0.63	7.35E-01	-1.06	8.56E-01	-0.69	7.55E-01
LDLRAP1	-0.63	7.35E-01	0.27	3.92E-01	-0.69	7.56E-01



GTF2A1	-0.63	7.35E-01	2.56	5.24E-03	1.17	1.21E-01
ABHD11	-0.63	7.35E-01	-0.18	5.72E-01	-0.23	5.91E-01
GTPBP1	-0.63	7.36E-01	0.39	3.48E-01	-0.72	7.64E-01
UBTD1	-0.63	7.36E-01	-0.15	5.60E-01	-0.09	5.35E-01
ADRA1B	-0.63	7.36E-01	0.69	2.45E-01	-0.16	5.63E-01
TAOK2	-0.63	7.36E-01	-0.88	8.11E-01	-0.97	8.34E-01
LRRC8A	-0.63	7.36E-01	-0.88	8.11E-01	0.63	2.65E-01
FAM150B	-0.63	7.36E-01	-0.72	7.64E-01	-0.67	7.47E-01
HRC	-0.63	7.36E-01	-0.37	6.45E-01	0.55	2.91E-01
CHRNA7	-0.63	7.36E-01	-0.14	5.57E-01	-0.71	7.61E-01
OR13G1	-0.63	7.36E-01	-0.82	7.95E-01	-0.23	5.92E-01
ANAPC5	-0.63	7.36E-01	-1.29	9.02E-01	-0.35	6.36E-01
CD300LB	-0.63	7.36E-01	0.32	3.74E-01	0.57	2.83E-01
SH3BP5	-0.63	7.36E-01	-1.99	9.77E-01	1.15	1.25E-01
SPAG8	-0.63	7.36E-01	-1.83	9.66E-01	-0.37	6.43E-01
BBS2	-0.63	7.36E-01	-1.12	8.69E-01	1.11	1.33E-01
SH3GL1	-0.63	7.36E-01	-0.10	5.41E-01	-1.22	8.89E-01
SMNDC1	-0.63	7.37E-01	0.23	4.08E-01	-1.31	9.06E-01
UBE2W	-0.63	7.37E-01	-0.55	7.09E-01	-1.55	9.40E-01
FAM120A	-0.63	7.37E-01	0.57	2.86E-01	1.13	1.29E-01
LBX2	-0.63	7.37E-01	-0.65	7.42E-01	-0.57	7.17E-01
UBR2	-0.63	7.37E-01	-0.67	7.50E-01	-0.48	6.85E-01
ZNRF2	-0.63	7.37E-01	-0.63	7.35E-01	0.71	2.40E-01
VAMP4	-0.63	7.37E-01	0.49	3.13E-01	-0.97	8.35E-01
SLC7A5	-0.63	7.37E-01	-0.75	7.75E-01	-0.76	7.76E-01
SCPEP1	-0.63	7.37E-01	-1.50	9.34E-01	0.45	3.27E-01
APCS	-0.63	7.37E-01	-0.79	7.85E-01	0.13	4.50E-01
PATE3	-0.63	7.37E-01	-0.51	6.96E-01	-1.28	9.00E-01
PTPRU	-0.63	7.37E-01	-0.39	6.53E-01	-0.73	7.67E-01
CDH17	-0.63	7.37E-01	-0.88	8.11E-01	-0.59	7.21E-01
OPN4	-0.63	7.37E-01	0.49	3.12E-01	-1.59	9.44E-01

CDO1	-0.63	7.37E-01	0.23	4.10E-01	-0.66	7.44E-01
SLC22A9	-0.63	7.37E-01	0.27	3.95E-01	-0.56	7.13E-01
SCRG1	-0.63	7.37E-01	-0.28	6.10E-01	-0.64	7.40E-01
IFNA21	-0.63	7.37E-01	-0.44	6.69E-01	-2.15	9.84E-01
VAV1	-0.63	7.37E-01	-0.66	7.44E-01	-0.48	6.83E-01
CDC6	-0.64	7.37E-01	-0.65	7.41E-01	-0.83	7.97E-01
CBX2	-0.64	7.37E-01	-2.06	9.80E-01	-0.23	5.90E-01
MAP9	-0.64	7.37E-01	-1.01	8.43E-01	-0.40	6.57E-01
STARD3NL	-0.64	7.37E-01	-1.07	8.58E-01	-0.34	6.32E-01
WDR35	-0.64	7.37E-01	-0.82	7.94E-01	-0.36	6.40E-01
HRASLS2	-0.64	7.37E-01	-0.14	5.58E-01	-1.79	9.63E-01
NDUFB8	-0.64	7.38E-01	-1.12	8.69E-01	-0.45	6.73E-01
CD58	-0.64	7.38E-01	-0.43	6.65E-01	0.10	4.60E-01
KIF11	-0.64	7.38E-01	0.49	3.12E-01	-0.56	7.14E-01
OR1N2	-0.64	7.38E-01	-0.17	5.66E-01	-0.34	6.31E-01
DUSP19	-0.64	7.38E-01	-0.87	8.07E-01	-0.20	5.80E-01
TMEM151B	-0.64	7.38E-01	-0.63	7.36E-01	-2.10	9.82E-01
LY6E	-0.64	7.38E-01	0.02	4.93E-01	-0.25	6.00E-01
ABCE1	-0.64	7.38E-01	0.13	4.50E-01	-0.44	6.71E-01
CELSR1	-0.64	7.38E-01	-1.84	9.67E-01	0.28	3.91E-01
LPPR1	-0.64	7.38E-01	0.14	4.43E-01	-1.48	9.31E-01
CPED1	-0.64	7.38E-01	-0.43	6.67E-01	0.55	2.93E-01
MTRNR2L11	-0.64	7.38E-01	-0.45	6.73E-01	0.25	4.00E-01
SLC22A3	-0.64	7.38E-01	0.43	3.34E-01	1.30	9.69E-02
C4orf27	-0.64	7.38E-01	-0.61	7.27E-01	1.59	5.62E-02
UACA	-0.64	7.38E-01	-0.34	6.34E-01	0.28	3.91E-01
LIPT2	-0.64	7.38E-01	-0.84	7.98E-01	-0.40	6.56E-01
TESK1	-0.64	7.38E-01	-0.98	8.37E-01	-0.93	8.24E-01
SLC9A5	-0.64	7.39E-01	-1.42	9.22E-01	-0.85	8.02E-01
ZNF140	-0.64	7.39E-01	0.12	4.52E-01	-0.36	6.39E-01
FBXO8	-0.64	7.39E-01	-1.94	9.74E-01	0.03	4.88E-01

SHPK	-0.64	7.39E-01	0.23	4.09E-01	0.06	4.77E-01
SPSB1	-0.64	7.39E-01	-0.18	5.72E-01	-0.14	5.54E-01
ZNF134	-0.64	7.39E-01	-0.32	6.25E-01	-1.50	9.33E-01
ANKRD61	-0.64	7.39E-01	-0.90	8.16E-01	-0.42	6.62E-01
CLDN14	-0.64	7.39E-01	-1.19	8.84E-01	-0.09	5.38E-01
CACNG6	-0.64	7.39E-01	0.71	2.40E-01	0.23	4.07E-01
WRAP53	-0.64	7.39E-01	-0.32	6.24E-01	1.18	1.18E-01
NTNG1	-0.64	7.39E-01	-1.56	9.40E-01	-0.79	7.85E-01
CDC42EP1	-0.64	7.39E-01	-0.65	7.43E-01	-1.16	8.77E-01
OXTR	-0.64	7.39E-01	-0.89	8.15E-01	-0.17	5.69E-01
ALG8	-0.64	7.39E-01	-1.17	8.79E-01	-0.79	7.84E-01
CWH43	-0.64	7.39E-01	0.39	3.48E-01	-0.02	5.08E-01
MORN1	-0.64	7.39E-01	-1.70	9.55E-01	0.20	4.19E-01
PRR26	-0.64	7.40E-01	-0.87	8.08E-01	-0.76	7.76E-01
RPS29	-0.64	7.40E-01	-1.17	8.80E-01	-0.30	6.16E-01
BCKDHA	-0.64	7.40E-01	0.55	2.91E-01	1.19	1.17E-01
MGAT4C	-0.64	7.40E-01	-1.79	9.63E-01	0.53	2.99E-01
NREP	-0.64	7.40E-01	-0.77	7.81E-01	-0.42	6.64E-01
TMEM145	-0.64	7.40E-01	-0.89	8.14E-01	-0.22	5.89E-01
APOA5	-0.64	7.40E-01	-0.81	7.92E-01	0.38	3.52E-01
IQCH	-0.64	7.40E-01	1.13	1.29E-01	-0.85	8.01E-01
DMKN	-0.64	7.40E-01	-1.28	8.99E-01	0.79	2.13E-01
GALE	-0.64	7.40E-01	-0.56	7.14E-01	0.05	4.79E-01
TRIM3	-0.64	7.40E-01	-1.18	8.80E-01	-0.76	7.75E-01
TLR3	-0.64	7.40E-01	-0.30	6.16E-01	-1.38	9.17E-01
APRT	-0.64	7.40E-01	1.22	1.11E-01	-0.42	6.64E-01
KIR3DL2	-0.64	7.40E-01	0.61	2.70E-01	-0.31	6.20E-01
SUSD2	-0.64	7.40E-01	-1.34	9.09E-01	-0.10	5.42E-01
MRPS14	-0.64	7.40E-01	0.35	3.63E-01	0.26	3.96E-01
PLSCR4	-0.64	7.40E-01	-0.87	8.08E-01	-0.47	6.79E-01
LRRC23	-0.64	7.40E-01	-0.53	7.03E-01	0.38	3.53E-01

CLIC6	-0.64	7.40E-01	-1.08	8.60E-01	-1.13	8.70E-01
SETX	-0.65	7.41E-01	0.27	3.94E-01	1.09	1.38E-01
NFKB2	-0.65	7.41E-01	-0.18	5.70E-01	0.76	2.25E-01
SERPINA3	-0.65	7.41E-01	-0.12	5.47E-01	-1.27	8.98E-01
RBM42	-0.65	7.41E-01	-0.01	5.04E-01	-0.30	6.19E-01
INHBE	-0.65	7.41E-01	-0.59	7.22E-01	-0.38	6.47E-01
MGAT5B	-0.65	7.41E-01	-1.04	8.50E-01	0.06	4.75E-01
ZNF783	-0.65	7.41E-01	1.55	6.05E-02	0.21	4.15E-01
GHRL	-0.65	7.41E-01	-0.07	5.28E-01	-1.30	9.04E-01
TNFSF11	-0.65	7.41E-01	-0.23	5.90E-01	-1.27	8.98E-01
FBLIM1	-0.65	7.41E-01	-0.28	6.12E-01	0.07	4.71E-01
CMC2	-0.65	7.41E-01	-1.36	9.12E-01	-0.60	7.25E-01
PADI1	-0.65	7.41E-01	-0.69	7.56E-01	0.21	4.16E-01
BZW1	-0.65	7.41E-01	0.21	4.16E-01	-1.41	9.21E-01
CNIH1	-0.65	7.41E-01	0.46	3.21E-01	-0.99	8.40E-01
COL25A1	-0.65	7.41E-01	0.50	3.08E-01	-1.85	9.68E-01
PARP12	-0.65	7.41E-01	-0.69	7.56E-01	-0.46	6.77E-01
OR51A4	-0.65	7.41E-01	-0.61	7.28E-01	1.02	1.53E-01
B2M	-0.65	7.41E-01	-0.79	7.86E-01	-1.24	8.92E-01
SLC37A3	-0.65	7.41E-01	-0.33	6.31E-01	0.30	3.83E-01
FGF3	-0.65	7.41E-01	-0.15	5.61E-01	0.20	4.22E-01
ZNF454	-0.65	7.42E-01	0.42	3.36E-01	0.90	1.83E-01
CASP4	-0.65	7.42E-01	-0.86	8.05E-01	-1.13	8.71E-01
CBX4	-0.65	7.42E-01	-0.81	7.90E-01	0.12	4.52E-01
EXOC1	-0.65	7.42E-01	1.52	6.42E-02	-0.12	5.48E-01
ZNF382	-0.65	7.42E-01	-0.25	5.99E-01	-0.42	6.64E-01
CDC42SE2	-0.65	7.42E-01	-0.13	5.52E-01	-1.57	9.42E-01
REG4	-0.65	7.42E-01	-0.42	6.64E-01	-1.11	8.66E-01
C5orf49	-0.65	7.42E-01	0.56	2.89E-01	-1.23	8.90E-01
PGM3	-0.65	7.42E-01	0.89	1.86E-01	0.39	3.48E-01
PDF	-0.65	7.42E-01	0.02	4.93E-01	1.70	4.42E-02

MZT1	-0.65	7.42E-01	-1.02	8.45E-01	0.18	4.28E-01
PABPN1	-0.65	7.42E-01	-0.65	7.42E-01	-0.26	6.04E-01
SIGLEC5	-0.65	7.42E-01	-0.27	6.06E-01	-1.73	9.58E-01
GPR148	-0.65	7.42E-01	0.53	2.99E-01	-0.67	7.47E-01
OCM2	-0.65	7.42E-01	-0.34	6.35E-01	0.02	4.91E-01
NODAL	-0.65	7.42E-01	-0.69	7.55E-01	-0.77	7.80E-01
NLRP4	-0.65	7.42E-01	-0.27	6.05E-01	-0.71	7.60E-01
FAM129A	-0.65	7.42E-01	-0.40	6.56E-01	-0.62	7.34E-01
SIGLEC8	-0.65	7.42E-01	0.19	4.24E-01	-0.93	8.23E-01
MSANTD2	-0.65	7.42E-01	0.24	4.05E-01	-0.21	5.85E-01
CLIP3	-0.65	7.42E-01	0.39	3.49E-01	-2.12	9.83E-01
ADAM15	-0.65	7.43E-01	-1.18	8.81E-01	0.00	5.02E-01
PLA2G4A	-0.65	7.43E-01	-0.79	7.86E-01	-1.25	8.94E-01
THAP8	-0.65	7.43E-01	-0.49	6.87E-01	-1.14	8.72E-01
NOP9	-0.65	7.43E-01	-0.54	7.05E-01	-1.04	8.50E-01
ZNF324B	-0.65	7.43E-01	-0.18	5.70E-01	-0.53	7.03E-01
SHB	-0.65	7.43E-01	-1.08	8.61E-01	-0.04	5.18E-01
XIRP1	-0.65	7.43E-01	-1.53	9.38E-01	0.41	3.41E-01
VCP	-0.65	7.43E-01	-1.29	9.01E-01	0.94	1.74E-01
ZBTB8OS	-0.65	7.43E-01	-0.58	7.19E-01	-0.59	7.22E-01
ZFP90	-0.65	7.43E-01	-1.11	8.66E-01	0.34	3.69E-01
KIF9	-0.65	7.43E-01	-0.34	6.34E-01	0.45	3.26E-01
CHTOP	-0.65	7.43E-01	-0.62	7.31E-01	0.34	3.65E-01
ZNF566	-0.65	7.43E-01	-1.06	8.55E-01	-0.48	6.86E-01
GPR68	-0.65	7.43E-01	-1.03	8.49E-01	-1.32	9.07E-01
CHST5	-0.65	7.43E-01	-0.66	7.45E-01	-0.98	8.35E-01
GLB1	-0.65	7.43E-01	-0.87	8.07E-01	-0.31	6.22E-01
ATP6V1F	-0.65	7.43E-01	-0.31	6.23E-01	0.14	4.45E-01
PAK6	-0.65	7.43E-01	0.64	2.60E-01	-1.57	9.41E-01
UFD1L	-0.65	7.43E-01	-1.37	9.14E-01	-0.59	7.23E-01
CLEC14A	-0.65	7.44E-01	0.49	3.13E-01	0.15	4.39E-01

TGOLN2	-0.65	7.44E-01	-0.12	5.47E-01	0.87	1.92E-01
PIGV	-0.65	7.44E-01	0.41	3.43E-01	1.30	9.68E-02
SNX25	-0.66	7.44E-01	-1.16	8.77E-01	-1.36	9.13E-01
NUCB1	-0.66	7.44E-01	-0.71	7.61E-01	-1.62	9.47E-01
FAM89A	-0.66	7.44E-01	-0.85	8.04E-01	0.94	1.73E-01
PSMD11	-0.66	7.44E-01	1.17	1.22E-01	0.02	4.92E-01
ASB2	-0.66	7.44E-01	-0.79	7.85E-01	0.38	3.51E-01
ARMC7	-0.66	7.44E-01	-0.23	5.90E-01	0.38	3.52E-01
ZNF606	-0.66	7.44E-01	0.88	1.89E-01	0.90	1.83E-01
LTBP4	-0.66	7.44E-01	-1.63	9.49E-01	0.02	4.92E-01
PQLC2	-0.66	7.44E-01	0.19	4.24E-01	0.48	3.15E-01
CEA	-0.66	7.44E-01	-0.19	5.76E-01	-1.20	8.85E-01
GOLGA7B	-0.66	7.44E-01	-1.15	8.75E-01	-0.41	6.59E-01
RFWD2	-0.66	7.44E-01	-0.59	7.24E-01	-1.54	9.38E-01
BCAR3	-0.66	7.44E-01	1.00	1.58E-01	-0.65	7.43E-01
ACKR3	-0.66	7.44E-01	-1.44	9.26E-01	-0.79	7.85E-01
MMS22L	-0.66	7.44E-01	-0.38	6.47E-01	-1.04	8.50E-01
KLRK1	-0.66	7.45E-01	-0.47	6.81E-01	-0.29	6.16E-01
C4orf22	-0.66	7.45E-01	0.16	4.35E-01	-0.09	5.35E-01
C10orf107	-0.66	7.45E-01	-0.09	5.34E-01	-0.46	6.76E-01
LRRN3	-0.66	7.45E-01	0.26	3.96E-01	0.49	3.11E-01
C17orf67	-0.66	7.45E-01	-2.06	9.80E-01	-0.50	6.91E-01
KIAA0247	-0.66	7.45E-01	0.01	4.96E-01	-1.02	8.47E-01
SIX3	-0.66	7.45E-01	-0.27	6.08E-01	-1.47	9.30E-01
ADCYAP1	-0.66	7.45E-01	0.32	3.76E-01	-0.14	5.55E-01
RITA1	-0.66	7.45E-01	-1.01	8.43E-01	-0.50	6.90E-01
MRPL40	-0.66	7.45E-01	0.24	4.03E-01	-0.69	7.55E-01
YEATS2	-0.66	7.45E-01	0.06	4.76E-01	1.36	8.66E-02
C16orf78	-0.66	7.45E-01	0.19	4.24E-01	0.45	3.28E-01
CNDP2	-0.66	7.45E-01	0.75	2.28E-01	-0.92	8.20E-01
ZNF429	-0.66	7.45E-01	-0.55	7.09E-01	-1.95	9.75E-01

BTG3	-0.66	7.45E-01	-0.51	6.95E-01	1.23	1.09E-01
ASIC5	-0.66	7.45E-01	-0.60	7.26E-01	-0.82	7.93E-01
PDLIM7	-0.66	7.45E-01	-1.30	9.03E-01	-0.56	7.13E-01
KCNJ10	-0.66	7.45E-01	-1.29	9.01E-01	-0.08	5.31E-01
OR8K3	-0.66	7.45E-01	-0.79	7.87E-01	-1.25	8.95E-01
MAPK8	-0.66	7.46E-01	0.20	4.19E-01	1.33	9.13E-02
SLC4A1	-0.66	7.46E-01	-0.18	5.72E-01	-1.35	9.12E-01
PRR15	-0.66	7.46E-01	-2.18	9.85E-01	0.55	2.91E-01
SLC30A4	-0.66	7.46E-01	-1.15	8.75E-01	-0.48	6.86E-01
MYH2	-0.66	7.46E-01	0.19	4.24E-01	-1.58	9.43E-01
GRIK1	-0.66	7.46E-01	0.21	4.17E-01	-1.82	9.66E-01
STX5	-0.66	7.46E-01	-0.79	7.84E-01	-0.11	5.44E-01
PCGF1	-0.66	7.46E-01	-1.52	9.36E-01	-0.54	7.06E-01
BRD3	-0.66	7.46E-01	-0.85	8.03E-01	-0.49	6.88E-01
LSS	-0.66	7.46E-01	-2.01	9.78E-01	1.10	1.35E-01
TMEM170B	-0.66	7.46E-01	-0.31	6.23E-01	1.12	1.31E-01
KRTAP29-1	-0.66	7.46E-01	-0.41	6.58E-01	-1.46	9.28E-01
ZNF701	-0.66	7.46E-01	-0.86	8.05E-01	0.25	4.00E-01
ZAP70	-0.66	7.46E-01	-1.71	9.57E-01	-0.95	8.28E-01
CFHR2	-0.66	7.46E-01	1.31	9.50E-02	0.70	2.43E-01
MORF4L1	-0.66	7.46E-01	-0.15	5.58E-01	-0.53	7.02E-01
C22orf24	-0.66	7.46E-01	0.12	4.53E-01	-0.58	7.20E-01
PLCG2	-0.66	7.46E-01	-1.50	9.33E-01	-0.19	5.74E-01
RAMP3	-0.66	7.46E-01	-0.23	5.89E-01	-0.74	7.69E-01
BTBD3	-0.66	7.46E-01	-0.35	6.36E-01	-0.63	7.37E-01
FNBP1	-0.66	7.46E-01	0.08	4.68E-01	1.10	1.35E-01
KRT8	-0.66	7.47E-01	-0.98	8.36E-01	-0.79	7.86E-01
COL8A2	-0.66	7.47E-01	-0.21	5.82E-01	-0.24	5.95E-01
LHX5	-0.66	7.47E-01	0.55	2.91E-01	-0.90	8.15E-01
HENMT1	-0.66	7.47E-01	-0.20	5.81E-01	-0.95	8.29E-01
RALGDS	-0.66	7.47E-01	-0.46	6.75E-01	-0.70	7.58E-01

MYNN	-0.66	7.47E-01	-0.39	6.53E-01	-0.11	5.45E-01
ARMS2	-0.66	7.47E-01	0.52	3.02E-01	0.32	3.76E-01
OR6K3	-0.66	7.47E-01	-1.17	8.79E-01	-0.58	7.18E-01
FYB	-0.66	7.47E-01	-0.45	6.75E-01	-1.80	9.64E-01
ZIC1	-0.66	7.47E-01	-1.67	9.52E-01	-0.31	6.23E-01
TIGD1	-0.66	7.47E-01	-0.95	8.30E-01	0.12	4.52E-01
EHD1	-0.66	7.47E-01	-2.26	9.88E-01	-0.27	6.08E-01
MRVI1	-0.67	7.47E-01	0.08	4.68E-01	0.59	2.77E-01
CSAD	-0.67	7.47E-01	0.76	2.23E-01	0.28	3.90E-01
KDM5B	-0.67	7.47E-01	-1.09	8.62E-01	-0.63	7.37E-01
EPT1	-0.67	7.47E-01	0.07	4.71E-01	-0.68	7.52E-01
KRCC1	-0.67	7.47E-01	0.30	3.81E-01	-0.68	7.51E-01
UGT1A6	-0.67	7.47E-01	-0.29	6.12E-01	-0.21	5.82E-01
HNRNPUL2	-0.67	7.47E-01	-0.16	5.64E-01	-2.05	9.80E-01
MS4A4E	-0.67	7.47E-01	-1.33	9.09E-01	0.10	4.61E-01
NDUFC2	-0.67	7.47E-01	-1.15	8.76E-01	-0.69	7.55E-01
FEM1C	-0.67	7.47E-01	1.23	1.10E-01	-1.32	9.07E-01
KRT2	-0.67	7.47E-01	-0.21	5.85E-01	-1.30	9.03E-01
RSPH1	-0.67	7.48E-01	-0.12	5.48E-01	0.31	3.77E-01
PRCD	-0.67	7.48E-01	-0.15	5.58E-01	1.02	1.54E-01
VPS33B	-0.67	7.48E-01	0.43	3.35E-01	-1.42	9.22E-01
ILF2	-0.67	7.48E-01	-1.16	8.77E-01	-0.14	5.55E-01
TBC1D12	-0.67	7.48E-01	-0.68	7.51E-01	0.07	4.70E-01
PARD6G	-0.67	7.48E-01	-1.23	8.91E-01	1.01	1.56E-01
OR4C5	-0.67	7.48E-01	0.32	3.76E-01	-0.44	6.69E-01
SERPINE3	-0.67	7.48E-01	-0.37	6.45E-01	-0.86	8.05E-01
LHFPL2	-0.67	7.48E-01	-0.91	8.18E-01	0.47	3.19E-01
SAMD14	-0.67	7.48E-01	-0.07	5.26E-01	-1.48	9.30E-01
KPNA4	-0.67	7.48E-01	-0.21	5.84E-01	-0.88	8.10E-01
SLC27A3	-0.67	7.48E-01	0.36	3.59E-01	0.69	2.45E-01
CDC45	-0.67	7.48E-01	-0.89	8.13E-01	-0.94	8.27E-01



KCNK9	-0.67	7.49E-01	-0.79	7.86E-01	-0.85	8.02E-01
ABCD4	-0.67	7.49E-01	-0.54	7.04E-01	-0.78	7.83E-01
AC012313.1	-0.67	7.49E-01	0.97	1.65E-01	0.18	4.29E-01
PRCC	-0.67	7.49E-01	-1.23	8.91E-01	0.32	3.75E-01
SPAG7	-0.67	7.49E-01	0.04	4.85E-01	0.04	4.86E-01
CLTCL1	-0.67	7.49E-01	-0.72	7.64E-01	-0.91	8.20E-01
GALNT5	-0.67	7.49E-01	0.30	3.82E-01	-0.11	5.44E-01
MIEF1	-0.67	7.49E-01	0.09	4.63E-01	-0.91	8.18E-01
KANSL2	-0.67	7.49E-01	0.28	3.90E-01	1.50	6.74E-02
EPAS1	-0.67	7.49E-01	0.38	3.53E-01	-0.29	6.15E-01
CPB2	-0.67	7.49E-01	-0.26	6.02E-01	-1.61	9.47E-01
SCOC	-0.67	7.49E-01	-0.46	6.77E-01	-1.42	9.23E-01
GMDS	-0.67	7.49E-01	1.26	1.03E-01	0.11	4.55E-01
RNF144B	-0.67	7.49E-01	0.43	3.34E-01	-0.69	7.54E-01
KRT16	-0.67	7.49E-01	-0.06	5.25E-01	-1.24	8.92E-01
HCK	-0.67	7.49E-01	1.15	1.26E-01	-0.17	5.66E-01
COX17	-0.67	7.49E-01	0.58	2.81E-01	-1.15	8.76E-01
TMEM110-MUSTN1	-0.67	7.49E-01	0.34	3.69E-01	1.36	8.72E-02
GALR1	-0.67	7.49E-01	0.30	3.82E-01	-0.96	8.31E-01
MMP11	-0.67	7.49E-01	1.03	1.51E-01	0.46	3.24E-01
C10orf115	-0.67	7.50E-01	-0.93	8.23E-01	0.06	4.75E-01
KDM3B	-0.67	7.50E-01	-0.84	8.00E-01	1.54	6.23E-02
CCNB2	-0.67	7.50E-01	-0.29	6.16E-01	-1.03	8.48E-01
FPGS	-0.67	7.50E-01	-1.18	8.81E-01	0.16	4.38E-01
MDS2	-0.67	7.50E-01	0.48	3.15E-01	-0.05	5.19E-01
KRIT1	-0.67	7.50E-01	-0.94	8.27E-01	-0.56	7.11E-01
NR2F1	-0.67	7.50E-01	-1.04	8.51E-01	0.04	4.84E-01
LRRIQ4	-0.67	7.50E-01	-0.05	5.22E-01	-0.04	5.16E-01
AKAP11	-0.67	7.50E-01	0.00	5.02E-01	-0.95	8.29E-01
HSF1	-0.67	7.50E-01	-0.48	6.83E-01	0.06	4.77E-01
STAT1	-0.67	7.50E-01	0.37	3.57E-01	-0.81	7.92E-01

PARP15	-0.67	7.50E-01	-0.63	7.36E-01	-0.93	8.25E-01
ZNF277	-0.68	7.50E-01	-0.21	5.85E-01	-0.03	5.12E-01
RAB11FIP3	-0.68	7.50E-01	-0.89	8.14E-01	-0.45	6.75E-01
DUSP26	-0.68	7.50E-01	-0.48	6.85E-01	0.20	4.20E-01
CST2	-0.68	7.50E-01	-0.01	5.04E-01	-1.58	9.43E-01
AVEN	-0.68	7.50E-01	0.43	3.34E-01	-0.84	8.00E-01
UGT3A1	-0.68	7.50E-01	-0.30	6.20E-01	0.79	2.14E-01
ZNF740	-0.68	7.50E-01	0.72	2.36E-01	0.49	3.13E-01
WDR83OS	-0.68	7.50E-01	0.28	3.90E-01	-1.16	8.77E-01
HDAC5	-0.68	7.51E-01	-0.75	7.73E-01	-1.24	8.92E-01
USP32	-0.68	7.51E-01	0.76	2.24E-01	-0.15	5.61E-01
GPAT2	-0.68	7.51E-01	-0.87	8.07E-01	-0.22	5.88E-01
RGS7BP	-0.68	7.51E-01	0.04	4.85E-01	-0.28	6.12E-01
ZNF599	-0.68	7.51E-01	-1.95	9.75E-01	0.83	2.04E-01
PPP3CB	-0.68	7.51E-01	-1.06	8.56E-01	-0.42	6.64E-01
GLIS3	-0.68	7.51E-01	-0.85	8.03E-01	-0.16	5.63E-01
CALCB	-0.68	7.51E-01	-0.28	6.08E-01	-1.38	9.16E-01
ENPP7	-0.68	7.51E-01	-0.67	7.50E-01	-0.92	8.21E-01
HMGB4	-0.68	7.51E-01	0.77	2.20E-01	-1.18	8.81E-01
RNF175	-0.68	7.52E-01	-1.10	8.65E-01	0.41	3.42E-01
SGSH	-0.68	7.52E-01	-0.96	8.32E-01	0.31	3.77E-01
TMEM169	-0.68	7.52E-01	-0.59	7.22E-01	0.77	2.20E-01
LILRB4	-0.68	7.52E-01	-1.26	8.97E-01	0.18	4.27E-01
C11orf65	-0.68	7.52E-01	-0.58	7.18E-01	-0.29	6.16E-01
KRTAP27-1	-0.68	7.52E-01	-1.03	8.49E-01	-0.57	7.17E-01
ZNF567	-0.68	7.52E-01	0.01	4.95E-01	-0.02	5.07E-01
FAM64A	-0.68	7.52E-01	-0.56	7.13E-01	-0.62	7.33E-01
DPP6	-0.68	7.52E-01	-0.04	5.18E-01	-0.20	5.80E-01
PTPN3	-0.68	7.52E-01	0.01	4.97E-01	1.15	1.25E-01
LIFR	-0.68	7.52E-01	-0.46	6.77E-01	-0.33	6.31E-01
CEP63	-0.68	7.53E-01	-0.52	7.00E-01	-0.92	8.22E-01

MRPL50	-0.68	7.53E-01	-0.32	6.27E-01	0.71	2.39E-01
PLEKHA5	-0.68	7.53E-01	-0.46	6.76E-01	0.61	2.73E-01
TAF3	-0.68	7.53E-01	0.41	3.40E-01	-2.57	9.95E-01
BRAP	-0.68	7.53E-01	-1.23	8.91E-01	-0.16	5.65E-01
FMO5	-0.68	7.53E-01	0.71	2.40E-01	1.76	3.96E-02
SMAP1	-0.68	7.53E-01	-0.09	5.37E-01	-0.11	5.43E-01
MYH4	-0.68	7.53E-01	-0.09	5.34E-01	-2.45	9.93E-01
AC074212.3	-0.68	7.53E-01	-0.05	5.20E-01	0.38	3.51E-01
LAMA5	-0.69	7.54E-01	-0.01	5.06E-01	-1.36	9.13E-01
HM13	-0.69	7.54E-01	-0.42	6.63E-01	-0.10	5.41E-01
BRD9	-0.69	7.54E-01	-0.66	7.45E-01	-0.85	8.03E-01
MGAT1	-0.69	7.54E-01	0.24	4.06E-01	0.18	4.28E-01
PML	-0.69	7.54E-01	-1.34	9.09E-01	0.22	4.14E-01
COL6A6	-0.69	7.54E-01	0.16	4.37E-01	-0.74	7.71E-01
CCDC71L	-0.69	7.54E-01	0.37	3.55E-01	-0.22	5.87E-01
ABCA1	-0.69	7.54E-01	0.41	3.39E-01	0.48	3.17E-01
TMEM163	-0.69	7.54E-01	-0.01	5.06E-01	-0.83	7.97E-01
SLCO2A1	-0.69	7.54E-01	-0.69	7.56E-01	-0.39	6.52E-01
GCNT6	-0.69	7.54E-01	-0.96	8.32E-01	-1.12	8.69E-01
RDH8	-0.69	7.54E-01	1.61	5.40E-02	0.42	3.37E-01
CD48	-0.69	7.54E-01	0.25	4.00E-01	-0.50	6.91E-01
XRCC6	-0.69	7.54E-01	-0.12	5.47E-01	-0.70	7.57E-01
PEX14	-0.69	7.54E-01	1.46	7.27E-02	0.43	3.34E-01
DR1	-0.69	7.54E-01	0.51	3.06E-01	0.95	1.70E-01
PDE6C	-0.69	7.54E-01	-0.17	5.68E-01	1.10	1.36E-01
TSPAN9	-0.69	7.54E-01	-0.35	6.36E-01	0.06	4.78E-01
ANXA7	-0.69	7.54E-01	-1.37	9.15E-01	-0.23	5.89E-01
RAN	-0.69	7.54E-01	0.31	3.77E-01	-0.36	6.41E-01
HNRNPM	-0.69	7.55E-01	-1.95	9.74E-01	0.20	4.21E-01
TOB1	-0.69	7.55E-01	-0.19	5.77E-01	-1.58	9.43E-01
PIP5KL1	-0.69	7.55E-01	-0.89	8.14E-01	-1.15	8.75E-01

YWHAB	-0.69	7.55E-01	-1.64	9.50E-01	-0.46	6.76E-01
SLC39A2	-0.69	7.55E-01	-1.16	8.78E-01	-1.25	8.94E-01
RAD21	-0.69	7.55E-01	-0.64	7.39E-01	1.07	1.41E-01
DPM2	-0.69	7.55E-01	-0.60	7.26E-01	-0.20	5.81E-01
PPME1	-0.69	7.55E-01	-0.67	7.48E-01	-1.12	8.69E-01
RPL3	-0.69	7.55E-01	-0.63	7.35E-01	-0.67	7.47E-01
C1orf227	-0.69	7.55E-01	-1.17	8.80E-01	0.31	3.79E-01
RFFL	-0.69	7.55E-01	-0.48	6.83E-01	-0.12	5.50E-01
PANK3	-0.69	7.55E-01	-0.97	8.34E-01	-0.99	8.38E-01
CCDC159	-0.69	7.55E-01	0.24	4.05E-01	-0.93	8.23E-01
MRPL38	-0.69	7.55E-01	-0.77	7.80E-01	0.27	3.94E-01
ZBTB46	-0.69	7.55E-01	-0.07	5.30E-01	-0.07	5.28E-01
RSBN1	-0.69	7.55E-01	-0.55	7.09E-01	-1.53	9.37E-01
LRRC66	-0.69	7.55E-01	0.68	2.48E-01	-1.34	9.11E-01
SLC15A2	-0.69	7.56E-01	-0.59	7.22E-01	-0.74	7.71E-01
ACADSB	-0.69	7.56E-01	-0.50	6.92E-01	1.27	1.02E-01
MEI1	-0.69	7.56E-01	0.36	3.59E-01	-1.03	8.48E-01
MGMT	-0.69	7.56E-01	0.13	4.48E-01	0.06	4.75E-01
TDRD6	-0.69	7.56E-01	0.24	4.06E-01	-0.62	7.32E-01
OR56A3	-0.69	7.56E-01	-0.63	7.35E-01	-1.66	9.51E-01
SPHK1	-0.69	7.56E-01	-0.75	7.74E-01	-0.13	5.52E-01
DDX5	-0.69	7.56E-01	1.26	1.04E-01	0.22	4.13E-01
PTGER3	-0.69	7.56E-01	0.63	2.64E-01	0.30	3.80E-01
AGTR1	-0.69	7.56E-01	0.37	3.56E-01	-0.07	5.28E-01
ANKRD53	-0.69	7.56E-01	0.05	4.79E-01	-1.10	8.63E-01
TRIM62	-0.69	7.56E-01	-0.08	5.30E-01	0.66	2.55E-01
CORO1C	-0.69	7.56E-01	-0.88	8.10E-01	-0.41	6.58E-01
FANCD2OS	-0.69	7.56E-01	-0.59	7.22E-01	-0.62	7.31E-01
KIAA1432	-0.69	7.56E-01	-0.30	6.18E-01	0.18	4.30E-01
SNX20	-0.69	7.56E-01	-1.79	9.64E-01	-0.19	5.76E-01
CERS5	-0.69	7.56E-01	-0.92	8.22E-01	1.12	1.32E-01

SLC6A17	-0.69	7.56E-01	0.40	3.44E-01	-0.16	5.62E-01
NLRP6	-0.69	7.56E-01	-0.94	8.26E-01	-0.91	8.19E-01
USF2	-0.69	7.56E-01	-0.26	6.02E-01	-0.96	8.32E-01
ZNF415	-0.69	7.56E-01	-1.21	8.87E-01	-0.24	5.95E-01
OAS2	-0.69	7.56E-01	0.46	3.22E-01	-0.89	8.14E-01
OR5L1	-0.70	7.57E-01	0.00	5.01E-01	-0.84	8.01E-01
CENPM	-0.70	7.57E-01	0.90	1.85E-01	0.75	2.27E-01
CCNI	-0.70	7.57E-01	0.51	3.03E-01	-0.62	7.33E-01
COLEC10	-0.70	7.57E-01	-1.26	8.96E-01	0.42	3.38E-01
TK1	-0.70	7.57E-01	0.94	1.74E-01	-0.69	7.56E-01
MICU1	-0.70	7.57E-01	0.99	1.62E-01	0.40	3.44E-01
PSMG3	-0.70	7.57E-01	0.16	4.35E-01	-0.95	8.30E-01
ARHGEF25	-0.70	7.57E-01	-1.11	8.67E-01	-1.08	8.59E-01
PRKRA	-0.70	7.57E-01	-0.08	5.31E-01	-0.78	7.83E-01
FRS3	-0.70	7.57E-01	-0.44	6.70E-01	-2.05	9.80E-01
ALMS1	-0.70	7.57E-01	-0.56	7.11E-01	-1.56	9.40E-01
COPS3	-0.70	7.57E-01	-0.40	6.55E-01	-0.26	6.03E-01
RAB6A	-0.70	7.57E-01	0.56	2.89E-01	0.74	2.30E-01
PVRL1	-0.70	7.57E-01	-0.02	5.09E-01	0.09	4.65E-01
TWSG1	-0.70	7.57E-01	-1.02	8.47E-01	-0.59	7.21E-01
TTLL8	-0.70	7.58E-01	0.42	3.37E-01	-1.31	9.06E-01
TUBB1	-0.70	7.58E-01	-1.59	9.44E-01	0.60	2.75E-01
SH3BP4	-0.70	7.58E-01	1.18	1.20E-01	-0.39	6.53E-01
PIK3CA	-0.70	7.58E-01	-0.39	6.53E-01	-0.50	6.93E-01
ARMC10	-0.70	7.58E-01	-1.11	8.67E-01	-0.17	5.67E-01
CCDC117	-0.70	7.58E-01	0.43	3.35E-01	0.99	1.62E-01
CMPK2	-0.70	7.58E-01	0.14	4.45E-01	-0.85	8.03E-01
PELO	-0.70	7.58E-01	-0.89	8.13E-01	0.93	1.75E-01
KIAA0087	-0.70	7.58E-01	0.89	1.87E-01	-0.57	7.15E-01
FAM78B	-0.70	7.58E-01	0.17	4.33E-01	0.58	2.82E-01
SGK494	-0.70	7.58E-01	-1.81	9.65E-01	0.17	4.33E-01

SLC27A5	-0.70	7.58E-01	-0.97	8.33E-01	-1.02	8.47E-01
ARRDC4	-0.70	7.58E-01	0.64	2.60E-01	0.62	2.66E-01
CELA2B	-0.70	7.58E-01	0.02	4.93E-01	0.28	3.90E-01
GPT2	-0.70	7.58E-01	0.52	3.02E-01	-0.98	8.37E-01
TFIP11	-0.70	7.58E-01	0.11	4.56E-01	0.32	3.76E-01
TSPAN33	-0.70	7.58E-01	-0.06	5.23E-01	-0.42	6.64E-01
PDX1	-0.70	7.58E-01	-0.36	6.42E-01	-0.45	6.73E-01
COIL	-0.70	7.58E-01	-1.15	8.74E-01	0.58	2.82E-01
KLHL18	-0.70	7.59E-01	-1.10	8.64E-01	0.78	2.18E-01
ATOH7	-0.70	7.59E-01	1.09	1.38E-01	1.76	3.93E-02
CCDC58	-0.70	7.59E-01	-0.52	6.97E-01	-0.96	8.32E-01
FAM83H	-0.70	7.59E-01	0.32	3.73E-01	0.77	2.19E-01
CCL28	-0.70	7.59E-01	-1.20	8.84E-01	-0.74	7.69E-01
KDR	-0.70	7.59E-01	-0.27	6.06E-01	-0.66	7.44E-01
ATRAID	-0.70	7.59E-01	-1.50	9.33E-01	0.04	4.83E-01
CEPT1	-0.70	7.59E-01	-0.83	7.97E-01	-1.07	8.59E-01
ASPA	-0.70	7.59E-01	0.42	3.37E-01	0.02	4.92E-01
CUL1	-0.70	7.59E-01	-0.54	7.04E-01	1.18	1.19E-01
C15orf62	-0.70	7.59E-01	-0.26	6.01E-01	-1.38	9.16E-01
SLITRK6	-0.70	7.59E-01	0.30	3.83E-01	-0.71	7.61E-01
TGM5	-0.70	7.59E-01	0.09	4.65E-01	-1.42	9.22E-01
PCBD2	-0.70	7.59E-01	-1.31	9.06E-01	-0.24	5.93E-01
CHD1L	-0.70	7.59E-01	1.94	2.61E-02	0.39	3.47E-01
CDKAL1	-0.70	7.59E-01	-2.32	9.90E-01	0.01	4.95E-01
43435	-0.70	7.59E-01	0.51	3.04E-01	0.34	3.66E-01
CD46	-0.70	7.59E-01	-0.16	5.65E-01	-1.27	8.98E-01
GNA12	-0.70	7.59E-01	0.96	1.69E-01	0.82	2.08E-01
GRPEL2	-0.70	7.60E-01	0.00	4.99E-01	0.47	3.20E-01
CCDC177	-0.71	7.60E-01	0.22	4.15E-01	-0.75	7.74E-01
EAF2	-0.71	7.60E-01	0.28	3.91E-01	-0.46	6.77E-01
PLEKHH3	-0.71	7.60E-01	-1.12	8.69E-01	-0.96	8.32E-01

PITPNC1	-0.71	7.60E-01	-0.97	8.33E-01	-0.86	8.05E-01
C6orf141	-0.71	7.60E-01	0.88	1.89E-01	-0.56	7.12E-01
RREB1	-0.71	7.60E-01	-0.72	7.64E-01	-0.67	7.47E-01
MPND	-0.71	7.60E-01	-0.14	5.54E-01	-1.58	9.43E-01
FAM25A	-0.71	7.60E-01	-0.32	6.26E-01	1.56	5.89E-02
BCAN	-0.71	7.60E-01	0.73	2.34E-01	1.24	1.08E-01
FRYL	-0.71	7.60E-01	0.05	4.80E-01	-0.29	6.13E-01
FAM195B	-0.71	7.60E-01	-0.28	6.11E-01	-1.28	9.00E-01
FAM20A	-0.71	7.60E-01	-0.65	7.42E-01	-0.41	6.60E-01
PSMC2	-0.71	7.60E-01	-0.66	7.44E-01	-0.79	7.86E-01
TMEM74	-0.71	7.60E-01	0.19	4.26E-01	-0.04	5.16E-01
DOLPP1	-0.71	7.60E-01	-0.80	7.89E-01	-0.54	7.05E-01
P4HA3	-0.71	7.60E-01	-1.58	9.43E-01	0.13	4.49E-01
GMPPA	-0.71	7.60E-01	-0.94	8.26E-01	0.43	3.32E-01
ENKUR	-0.71	7.60E-01	0.12	4.54E-01	1.60	5.43E-02
OR56A4	-0.71	7.60E-01	0.16	4.38E-01	0.77	2.21E-01
FAM65A	-0.71	7.61E-01	-1.50	9.33E-01	-0.07	5.27E-01
UBB	-0.71	7.61E-01	-0.42	6.62E-01	-0.91	8.20E-01
SLC26A8	-0.71	7.61E-01	-0.79	7.85E-01	-1.79	9.63E-01
SIGLEC5	-0.71	7.61E-01	-0.26	6.04E-01	-1.74	9.59E-01
NFE2L1	-0.71	7.61E-01	0.83	2.03E-01	1.84	3.32E-02
SORBS1	-0.71	7.61E-01	-0.72	7.65E-01	-0.62	7.33E-01
DDX54	-0.71	7.61E-01	-1.10	8.65E-01	-0.54	7.07E-01
SC5D	-0.71	7.61E-01	-0.42	6.61E-01	1.74	4.07E-02
HABP4	-0.71	7.61E-01	-0.55	7.08E-01	0.90	1.84E-01
WASF1	-0.71	7.61E-01	1.27	1.02E-01	0.51	3.06E-01
SNAI2	-0.71	7.61E-01	-0.78	7.83E-01	-0.25	5.97E-01
C1orf112	-0.71	7.61E-01	1.22	1.12E-01	1.12	1.30E-01
SLFNL1	-0.71	7.61E-01	-0.07	5.30E-01	-1.90	9.71E-01
HABP2	-0.71	7.61E-01	1.10	1.36E-01	0.51	3.07E-01
MSTO1	-0.71	7.61E-01	-0.05	5.20E-01	-0.04	5.18E-01

PCNXL2	-0.71	7.61E-01	-1.10	8.64E-01	-0.33	6.31E-01
PSG5	-0.71	7.61E-01	-1.76	9.61E-01	0.59	2.76E-01
ABCG1	-0.71	7.61E-01	0.92	1.80E-01	-1.02	8.47E-01
C17orf64	-0.71	7.61E-01	0.53	2.96E-01	-0.36	6.42E-01
SOAT2	-0.71	7.62E-01	-0.76	7.77E-01	-0.34	6.33E-01
MORC1	-0.71	7.62E-01	-0.62	7.33E-01	-0.16	5.64E-01
IL6ST	-0.71	7.62E-01	-1.44	9.25E-01	0.30	3.83E-01
ADAM21	-0.71	7.62E-01	1.58	5.70E-02	-0.98	8.37E-01
SIX2	-0.71	7.62E-01	0.60	2.75E-01	-0.72	7.65E-01
MDP1	-0.71	7.62E-01	0.89	1.88E-01	0.56	2.87E-01
ZBTB7B	-0.71	7.62E-01	-0.69	7.55E-01	0.16	4.38E-01
SLAMF1	-0.71	7.62E-01	-0.05	5.22E-01	0.21	4.17E-01
CYP2A13	-0.71	7.62E-01	-1.18	8.81E-01	-0.93	8.25E-01
TDRKH	-0.71	7.62E-01	0.14	4.42E-01	-1.23	8.90E-01
AQP2	-0.71	7.62E-01	-0.73	7.67E-01	-0.83	7.97E-01
UBXN11	-0.71	7.62E-01	-1.31	9.04E-01	-0.55	7.08E-01
GUCA1B	-0.71	7.62E-01	-0.68	7.51E-01	-1.26	8.95E-01
IPO11	-0.71	7.62E-01	0.95	1.72E-01	-0.15	5.60E-01
NFRKB	-0.71	7.63E-01	-0.19	5.74E-01	-0.70	7.59E-01
PTMS	-0.71	7.63E-01	-0.26	6.03E-01	0.79	2.16E-01
BCL2L2-PABPN1	-0.71	7.63E-01	-0.91	8.19E-01	-0.23	5.89E-01
SLC22A25	-0.71	7.63E-01	0.71	2.38E-01	1.12	1.31E-01
MCM9	-0.71	7.63E-01	0.47	3.20E-01	1.20	1.14E-01
KIAA1109	-0.71	7.63E-01	-0.55	7.09E-01	0.71	2.40E-01
OSBPL3	-0.71	7.63E-01	-0.55	7.08E-01	1.09	1.37E-01
GPR20	-0.71	7.63E-01	-0.29	6.14E-01	-0.46	6.77E-01
RAPGEFL1	-0.72	7.63E-01	-1.27	8.98E-01	-0.69	7.54E-01
COQ10A	-0.72	7.63E-01	-0.18	5.70E-01	1.30	9.73E-02
PLA2G15	-0.72	7.63E-01	-1.11	8.68E-01	0.79	2.15E-01
ANKH	-0.72	7.63E-01	-1.00	8.42E-01	-0.48	6.83E-01
SPTA1	-0.72	7.63E-01	0.94	1.75E-01	-0.66	7.45E-01



FLNC	-0.72	7.63E-01	-1.40	9.19E-01	0.09	4.65E-01
STARD9	-0.72	7.63E-01	-0.43	6.66E-01	-0.95	8.30E-01
CDC20B	-0.72	7.63E-01	-0.48	6.83E-01	0.82	2.07E-01
GRXCR1	-0.72	7.63E-01	0.13	4.47E-01	0.09	4.65E-01
TP53BP2	-0.72	7.63E-01	0.16	4.38E-01	-1.51	9.35E-01
ZNF551	-0.72	7.63E-01	-0.11	5.44E-01	-0.47	6.81E-01
C2CD4D	-0.72	7.64E-01	-0.71	7.62E-01	-0.91	8.19E-01
ILVBL	-0.72	7.64E-01	-0.12	5.48E-01	-1.65	9.51E-01
IL20RA	-0.72	7.64E-01	-1.19	8.83E-01	-0.97	8.35E-01
FOXI1	-0.72	7.64E-01	-1.03	8.48E-01	0.09	4.65E-01
SCGB2B2	-0.72	7.64E-01	-0.52	6.99E-01	-0.54	7.07E-01
LANCL1	-0.72	7.64E-01	-0.51	6.96E-01	-0.28	6.09E-01
GRWD1	-0.72	7.64E-01	-0.17	5.68E-01	1.06	1.44E-01
SELL	-0.72	7.64E-01	0.16	4.35E-01	0.48	3.16E-01
CHRN4	-0.72	7.64E-01	0.79	2.14E-01	-0.01	5.05E-01
C1orf200	-0.72	7.64E-01	-0.62	7.34E-01	0.91	1.81E-01
PRR18	-0.72	7.64E-01	0.01	4.98E-01	-0.71	7.62E-01
C2CD3	-0.72	7.64E-01	-0.51	6.96E-01	-1.38	9.16E-01
CCBL1	-0.72	7.64E-01	-0.99	8.39E-01	0.67	2.53E-01
MYL4	-0.72	7.64E-01	0.13	4.50E-01	0.29	3.85E-01
CDC27	-0.72	7.64E-01	-1.12	8.68E-01	0.83	2.03E-01
MMP19	-0.72	7.64E-01	-0.79	7.84E-01	-1.54	9.38E-01
OR6Q1	-0.72	7.64E-01	-0.92	8.22E-01	-1.30	9.03E-01
PLET1	-0.72	7.65E-01	-0.74	7.69E-01	-0.72	7.64E-01
WDR17	-0.72	7.65E-01	-1.58	9.43E-01	-0.34	6.34E-01
DOCK1	-0.72	7.65E-01	-1.52	9.35E-01	0.97	1.65E-01
PPP1CC	-0.72	7.65E-01	-1.29	9.01E-01	-1.47	9.29E-01
CNDP1	-0.72	7.65E-01	-0.83	7.96E-01	-1.17	8.78E-01
C7orf62	-0.72	7.65E-01	0.86	1.96E-01	1.08	1.41E-01
PLEKHA2	-0.72	7.65E-01	0.62	2.69E-01	-2.01	9.78E-01
ENO2	-0.72	7.65E-01	-0.69	7.55E-01	0.28	3.88E-01

SEMA4F	-0.72	7.65E-01	-1.40	9.19E-01	-0.27	6.08E-01
PYDC2	-0.72	7.65E-01	0.02	4.90E-01	0.71	2.39E-01
FANCC	-0.72	7.65E-01	-0.68	7.53E-01	-1.77	9.61E-01
TSFM	-0.72	7.65E-01	-0.16	5.63E-01	-0.26	6.02E-01
PNPLA6	-0.72	7.65E-01	-0.93	8.24E-01	0.30	3.82E-01
ACTR8	-0.72	7.65E-01	-1.33	9.08E-01	0.16	4.36E-01
WNT7B	-0.72	7.65E-01	-1.71	9.56E-01	-0.45	6.73E-01
FAM154A	-0.72	7.65E-01	-0.05	5.20E-01	0.08	4.70E-01
DNAJC6	-0.72	7.65E-01	-1.54	9.39E-01	-0.89	8.12E-01
ADAMTS15	-0.72	7.65E-01	-1.25	8.94E-01	-0.60	7.25E-01
GALNT1	-0.72	7.66E-01	-1.13	8.70E-01	-0.56	7.12E-01
CLEC4D	-0.72	7.66E-01	0.89	1.87E-01	0.03	4.88E-01
LRRK1	-0.72	7.66E-01	-0.52	6.97E-01	-0.50	6.91E-01
HBS1L	-0.72	7.66E-01	-1.13	8.70E-01	-0.58	7.18E-01
ADCY4	-0.72	7.66E-01	-1.35	9.12E-01	-0.78	7.84E-01
CCNDBP1	-0.72	7.66E-01	-0.24	5.96E-01	-0.76	7.77E-01
PATZ1	-0.73	7.66E-01	-0.55	7.09E-01	-0.47	6.82E-01
TAF9	-0.73	7.66E-01	-1.33	9.08E-01	-0.22	5.86E-01
AC139100.2	-0.73	7.66E-01	-1.26	8.96E-01	0.53	2.97E-01
SEC31B	-0.73	7.66E-01	-1.16	8.76E-01	-0.49	6.89E-01
CTRL	-0.73	7.66E-01	0.09	4.63E-01	-0.51	6.93E-01
PLA2G2D	-0.73	7.66E-01	-1.04	8.51E-01	1.22	1.12E-01
DISC1	-0.73	7.66E-01	2.24	1.25E-02	0.65	2.59E-01
SARS	-0.73	7.66E-01	-0.94	8.26E-01	-1.44	9.25E-01
ASB7	-0.73	7.66E-01	-1.04	8.52E-01	-0.24	5.95E-01
AKR1C1	-0.73	7.66E-01	-0.26	6.04E-01	-1.02	8.46E-01
DOPEY1	-0.73	7.67E-01	0.13	4.48E-01	0.26	3.97E-01
HGFAC	-0.73	7.67E-01	0.62	2.67E-01	-0.73	7.66E-01
EBF1	-0.73	7.67E-01	-0.41	6.60E-01	-1.36	9.13E-01
RAP1GAP2	-0.73	7.67E-01	-0.59	7.23E-01	0.30	3.83E-01
MYOT	-0.73	7.67E-01	-1.19	8.83E-01	0.29	3.85E-01

B3GNTL1	-0.73	7.67E-01	-0.73	7.68E-01	-0.73	7.69E-01
EFNA5	-0.73	7.67E-01	0.98	1.64E-01	0.61	2.70E-01
SRCRB4D	-0.73	7.67E-01	-0.33	6.29E-01	-1.15	8.75E-01
VPS39	-0.73	7.67E-01	-0.15	5.59E-01	-1.20	8.86E-01
BCMO1	-0.73	7.67E-01	-1.05	8.54E-01	-0.83	7.97E-01
NUSAP1	-0.73	7.67E-01	-0.73	7.67E-01	-1.38	9.16E-01
STK11IP	-0.73	7.67E-01	-0.12	5.49E-01	-0.12	5.49E-01
SERPINB2	-0.73	7.67E-01	0.30	3.81E-01	-0.67	7.48E-01
CIAO1	-0.73	7.67E-01	-0.64	7.40E-01	-1.56	9.40E-01
SV2B	-0.73	7.67E-01	-0.43	6.65E-01	-0.55	7.09E-01
NKX3-1	-0.73	7.67E-01	-0.99	8.40E-01	-0.46	6.76E-01
FAM180A	-0.73	7.67E-01	-0.86	8.06E-01	-0.45	6.73E-01
NFYC	-0.73	7.67E-01	-0.57	7.16E-01	-0.45	6.75E-01
BSCL2	-0.73	7.67E-01	-0.34	6.34E-01	-1.98	9.76E-01
MYCBPAP	-0.73	7.67E-01	-0.85	8.04E-01	0.47	3.20E-01
TTL	-0.73	7.68E-01	-1.58	9.43E-01	0.62	2.69E-01
CYGB	-0.73	7.68E-01	-0.09	5.37E-01	1.05	1.47E-01
ECE2	-0.73	7.68E-01	-0.49	6.87E-01	-0.52	6.99E-01
TAGAP	-0.73	7.68E-01	-0.28	6.11E-01	0.40	3.44E-01
CCNT1	-0.73	7.68E-01	0.28	3.88E-01	1.71	4.34E-02
NUBP2	-0.73	7.68E-01	-0.62	7.34E-01	-0.16	5.64E-01
C10orf67	-0.73	7.68E-01	-0.73	7.67E-01	0.21	4.17E-01
PAFAH1B1	-0.73	7.68E-01	-1.05	8.53E-01	-0.89	8.12E-01
SKI	-0.73	7.68E-01	-1.85	9.68E-01	0.15	4.42E-01
ZNF16	-0.73	7.68E-01	-0.02	5.06E-01	-0.59	7.23E-01
EIF3H	-0.73	7.68E-01	0.24	4.06E-01	0.62	2.68E-01
MIR3654	-0.73	7.68E-01	0.23	4.10E-01	-0.05	5.18E-01
IL1R2	-0.73	7.68E-01	-0.23	5.91E-01	-0.70	7.59E-01
CCDC106	-0.73	7.68E-01	-0.25	5.99E-01	-1.01	8.44E-01
FBXL13	-0.73	7.68E-01	-0.66	7.44E-01	-0.77	7.78E-01
UBXN2B	-0.73	7.69E-01	-0.13	5.50E-01	1.08	1.41E-01

PLXNB1	-0.73	7.69E-01	0.07	4.74E-01	0.55	2.92E-01
C1QTNF1-AS1	-0.73	7.69E-01	-1.17	8.78E-01	0.40	3.43E-01
OR10X1	-0.73	7.69E-01	-1.25	8.94E-01	-0.85	8.04E-01
RSPH6A	-0.73	7.69E-01	-0.87	8.07E-01	-0.59	7.22E-01
PCDHA11	-0.73	7.69E-01	-1.60	9.45E-01	-0.44	6.70E-01
HECTD3	-0.73	7.69E-01	0.00	5.01E-01	0.06	4.77E-01
FANCG	-0.74	7.69E-01	-1.83	9.66E-01	0.61	2.71E-01
RANGAP1	-0.74	7.69E-01	-0.89	8.13E-01	-1.49	9.32E-01
PTPN5	-0.74	7.69E-01	-0.65	7.43E-01	0.60	2.73E-01
ATM	-0.74	7.69E-01	-0.35	6.35E-01	-0.31	6.22E-01
SKA2	-0.74	7.69E-01	0.75	2.26E-01	-0.17	5.69E-01
MLST8	-0.74	7.69E-01	-0.05	5.19E-01	-0.82	7.95E-01
NCL	-0.74	7.69E-01	0.58	2.80E-01	2.63	4.29E-03
LYZL1	-0.74	7.70E-01	1.63	5.18E-02	-0.83	7.96E-01
NCAPD2	-0.74	7.70E-01	-0.08	5.33E-01	-0.20	5.79E-01
MRPL23	-0.74	7.70E-01	0.02	4.92E-01	0.14	4.45E-01
WDR47	-0.74	7.70E-01	-0.33	6.29E-01	0.36	3.58E-01
RAB5C	-0.74	7.70E-01	1.00	1.60E-01	0.90	1.83E-01
DDX31	-0.74	7.70E-01	-0.37	6.44E-01	0.12	4.51E-01
LACC1	-0.74	7.70E-01	0.09	4.65E-01	-0.25	6.00E-01
LOXHD1	-0.74	7.70E-01	-1.51	9.35E-01	1.95	2.55E-02
INPP5J	-0.74	7.70E-01	-1.65	9.50E-01	-0.22	5.88E-01
SETD7	-0.74	7.70E-01	-0.97	8.35E-01	1.38	8.30E-02
SMYD1	-0.74	7.70E-01	0.10	4.60E-01	2.10	1.77E-02
PLTP	-0.74	7.70E-01	-0.46	6.77E-01	-0.38	6.47E-01
CASP2	-0.74	7.70E-01	-1.49	9.32E-01	-0.18	5.72E-01
PIRT	-0.74	7.70E-01	0.45	3.28E-01	-0.88	8.11E-01
GNB5	-0.74	7.71E-01	0.59	2.77E-01	-0.97	8.33E-01
CEP76	-0.74	7.71E-01	0.65	2.56E-01	-0.80	7.90E-01
C14orf23	-0.74	7.71E-01	0.29	3.85E-01	-0.44	6.72E-01
EDRF1	-0.74	7.71E-01	0.80	2.12E-01	-0.53	7.02E-01

SLC12A5	-0.74	7.71E-01	-0.57	7.16E-01	-0.18	5.72E-01
ANOS	-0.74	7.71E-01	-0.66	7.45E-01	-0.68	7.51E-01
MFN2	-0.74	7.71E-01	-0.03	5.10E-01	-1.10	8.65E-01
CSGALNACT1	-0.74	7.71E-01	0.87	1.92E-01	-0.22	5.87E-01
RASSF6	-0.74	7.71E-01	-0.32	6.24E-01	-1.32	9.06E-01
LINC00998	-0.74	7.71E-01	0.21	4.16E-01	-0.92	8.22E-01
FGD4	-0.74	7.71E-01	-0.27	6.08E-01	-0.82	7.93E-01
COX7A2L	-0.74	7.71E-01	0.51	3.05E-01	0.02	4.92E-01
EFNA4	-0.74	7.72E-01	-0.40	6.54E-01	0.16	4.38E-01
CEACAM1	-0.74	7.72E-01	-0.68	7.52E-01	0.64	2.63E-01
AMFR	-0.74	7.72E-01	-0.58	7.19E-01	1.15	1.26E-01
MYL2	-0.74	7.72E-01	-0.89	8.12E-01	0.07	4.72E-01
KLK7	-0.74	7.72E-01	-1.43	9.24E-01	-0.49	6.89E-01
COG8	-0.74	7.72E-01	0.14	4.43E-01	1.69	4.51E-02
FAM110A	-0.74	7.72E-01	-1.47	9.30E-01	-0.21	5.82E-01
MAPK8IP1	-0.74	7.72E-01	0.86	1.95E-01	1.15	1.24E-01
DOCK6	-0.74	7.72E-01	-0.26	6.03E-01	-0.72	7.64E-01
LRGUK	-0.74	7.72E-01	-0.34	6.31E-01	-1.42	9.22E-01
GLCE	-0.75	7.72E-01	-0.20	5.77E-01	-0.75	7.74E-01
ASAH2	-0.75	7.72E-01	0.00	5.01E-01	-0.12	5.49E-01
ANKRD28	-0.75	7.72E-01	-0.26	6.02E-01	-0.28	6.11E-01
KRT78	-0.75	7.72E-01	-0.33	6.28E-01	-0.66	7.47E-01
CDC40	-0.75	7.72E-01	0.90	1.85E-01	-0.15	5.59E-01
CCAR1	-0.75	7.72E-01	-0.80	7.89E-01	0.08	4.67E-01
HAPLN4	-0.75	7.72E-01	-1.56	9.41E-01	-0.54	7.07E-01
RGS2	-0.75	7.72E-01	-3.04	9.99E-01	-0.22	5.88E-01
PCDHA8	-0.75	7.72E-01	-1.64	9.50E-01	-0.46	6.76E-01
SPAG6	-0.75	7.72E-01	-0.78	7.81E-01	1.15	1.25E-01
TNK2	-0.75	7.73E-01	-0.56	7.13E-01	-0.67	7.49E-01
PLBD1	-0.75	7.73E-01	-2.14	9.84E-01	0.11	4.56E-01
DNASE1L3	-0.75	7.73E-01	-1.19	8.82E-01	-0.94	8.27E-01

PTBP1	-0.75	7.73E-01	0.23	4.09E-01	0.61	2.72E-01
S100A13	-0.75	7.73E-01	-1.06	8.56E-01	0.10	4.60E-01
SRP68	-0.75	7.73E-01	0.39	3.48E-01	0.22	4.11E-01
EPS15L1	-0.75	7.73E-01	-1.48	9.30E-01	0.28	3.90E-01
TGFA	-0.75	7.73E-01	1.79	3.71E-02	0.78	2.18E-01
FIGNL1	-0.75	7.73E-01	0.45	3.25E-01	0.65	2.57E-01
GSTM2	-0.75	7.73E-01	-0.13	5.53E-01	1.06	1.44E-01
ZMYND15	-0.75	7.73E-01	-0.77	7.80E-01	0.40	3.46E-01
DUSP5	-0.75	7.73E-01	-0.63	7.34E-01	-0.89	8.13E-01
SLC1A4	-0.75	7.73E-01	-0.41	6.61E-01	0.50	3.09E-01
HNRNPUL2-BSCL2	-0.75	7.73E-01	-0.29	6.14E-01	-2.11	9.83E-01
IMPG2	-0.75	7.73E-01	-0.82	7.94E-01	-1.29	9.02E-01
FOLR1	-0.75	7.73E-01	1.06	1.46E-01	0.40	3.43E-01
SYNJ2	-0.75	7.73E-01	-1.26	8.97E-01	-0.42	6.63E-01
GOLGA3	-0.75	7.73E-01	0.77	2.20E-01	-0.76	7.77E-01
TOB2	-0.75	7.73E-01	-0.41	6.60E-01	-0.51	6.96E-01
RNASE1	-0.75	7.73E-01	1.13	1.28E-01	0.58	2.83E-01
FAM198A	-0.75	7.73E-01	-1.06	8.55E-01	-1.07	8.57E-01
BTAF1	-0.75	7.73E-01	-0.87	8.09E-01	-0.57	7.17E-01
KIF21A	-0.75	7.73E-01	-1.21	8.86E-01	-0.01	5.04E-01
PTS	-0.75	7.73E-01	-0.78	7.81E-01	-0.53	7.02E-01
ABHD14B	-0.75	7.73E-01	-0.29	6.12E-01	-1.87	9.70E-01
ABHD14A	-0.75	7.73E-01	-0.29	6.12E-01	-1.87	9.70E-01
MAPKAPK5	-0.75	7.73E-01	-0.49	6.88E-01	-0.93	8.23E-01
PCDHA10	-0.75	7.73E-01	-1.64	9.50E-01	-0.45	6.74E-01
PCDHA9	-0.75	7.73E-01	-1.65	9.50E-01	-0.45	6.74E-01
CXCL2	-0.75	7.73E-01	0.01	4.97E-01	-0.74	7.71E-01
KNOP1	-0.75	7.73E-01	-1.70	9.56E-01	-0.52	7.00E-01
TMCC1	-0.75	7.73E-01	-0.80	7.89E-01	0.05	4.78E-01
USP12	-0.75	7.74E-01	-0.92	8.21E-01	-0.39	6.51E-01
EIF4A1	-0.75	7.74E-01	0.62	2.67E-01	-0.57	7.15E-01

RASAL2	-0.75	7.74E-01	-0.20	5.79E-01	0.76	2.23E-01
SMCP	-0.75	7.74E-01	-0.07	5.27E-01	-0.69	7.56E-01
H2AFV	-0.75	7.74E-01	-0.95	8.30E-01	-0.03	5.13E-01
TRIOBP	-0.75	7.74E-01	-0.88	8.11E-01	0.02	4.93E-01
HSPA14	-0.75	7.74E-01	-1.81	9.65E-01	-0.42	6.64E-01
PRR11	-0.75	7.74E-01	-0.15	5.60E-01	-0.33	6.31E-01
PCDHB6	-0.75	7.74E-01	-0.79	7.84E-01	-0.43	6.68E-01
BCL6B	-0.75	7.74E-01	-0.85	8.04E-01	-0.56	7.11E-01
SH2D6	-0.75	7.74E-01	-0.66	7.46E-01	0.11	4.56E-01
CLEC4A	-0.75	7.74E-01	1.19	1.16E-01	0.93	1.76E-01
GOLPH3	-0.75	7.74E-01	0.97	1.66E-01	0.27	3.94E-01
KCNH2	-0.75	7.74E-01	-0.20	5.78E-01	0.61	2.71E-01
CNPY1	-0.75	7.74E-01	0.27	3.92E-01	-0.84	8.00E-01
SNX10	-0.75	7.74E-01	1.10	1.35E-01	-1.04	8.51E-01
PCDHA7	-0.75	7.74E-01	-1.65	9.50E-01	-0.45	6.75E-01
FAM159B	-0.75	7.75E-01	-0.96	8.31E-01	0.07	4.71E-01
GOLM1	-0.75	7.75E-01	0.65	2.59E-01	0.31	3.77E-01
TKT	-0.75	7.75E-01	-0.67	7.49E-01	-0.41	6.60E-01
ARID3B	-0.75	7.75E-01	-1.17	8.78E-01	-0.56	7.14E-01
MCIDAS	-0.75	7.75E-01	-0.36	6.41E-01	0.69	2.46E-01
GCLM	-0.76	7.75E-01	-0.29	6.15E-01	0.65	2.57E-01
UNC13B	-0.75	7.75E-01	0.39	3.50E-01	-1.07	8.58E-01
OR51T1	-0.76	7.75E-01	0.47	3.18E-01	-0.27	6.06E-01
OR1J1	-0.76	7.75E-01	-0.81	7.92E-01	-0.81	7.91E-01
TIMM10	-0.76	7.75E-01	0.15	4.42E-01	-1.09	8.61E-01
INTS9	-0.76	7.75E-01	-0.73	7.67E-01	0.98	1.63E-01
GZMB	-0.76	7.75E-01	-0.83	7.97E-01	-0.34	6.35E-01
AQP12A	-0.76	7.75E-01	-0.56	7.13E-01	-1.31	9.05E-01
KAAG1	-0.76	7.75E-01	-1.11	8.67E-01	-0.91	8.18E-01
IZUMO3	-0.76	7.75E-01	0.61	2.71E-01	-0.11	5.43E-01
DNAJC1	-0.76	7.75E-01	-1.13	8.70E-01	-0.63	7.36E-01

KCNG2	-0.76	7.75E-01	-0.60	7.25E-01	-2.13	9.83E-01
MROH6	-0.76	7.75E-01	-0.93	8.25E-01	0.84	2.02E-01
OBP2B	-0.76	7.75E-01	0.39	3.49E-01	1.09	1.38E-01
TRAPPC13	-0.76	7.75E-01	-1.22	8.88E-01	-0.20	5.79E-01
BIVM-ERCC5	-0.76	7.76E-01	0.39	3.49E-01	-0.64	7.39E-01
ADAMTS12	-0.76	7.76E-01	0.89	1.88E-01	1.42	7.73E-02
INO80B	-0.76	7.76E-01	-2.41	9.92E-01	-0.12	5.47E-01
QSOX1	-0.76	7.76E-01	-0.06	5.23E-01	-0.33	6.28E-01
PPY	-0.76	7.76E-01	-0.69	7.54E-01	-2.04	9.80E-01
ADHFE1	-0.76	7.76E-01	-0.59	7.21E-01	0.13	4.50E-01
RPL37A	-0.76	7.76E-01	-1.74	9.59E-01	0.61	2.72E-01
HPX	-0.76	7.76E-01	0.07	4.73E-01	-1.10	8.65E-01
PISD	-0.76	7.76E-01	-0.72	7.65E-01	0.07	4.71E-01
TMEM231	-0.76	7.76E-01	-0.14	5.55E-01	-1.21	8.88E-01
CST4	-0.76	7.76E-01	0.67	2.52E-01	-0.30	6.17E-01
C9orf131	-0.76	7.76E-01	-0.96	8.32E-01	0.10	4.58E-01
PCDHA6	-0.76	7.76E-01	-1.67	9.52E-01	-0.44	6.72E-01
ZNF513	-0.76	7.76E-01	-0.39	6.53E-01	0.89	1.88E-01
KCNK18	-0.76	7.76E-01	0.25	4.01E-01	0.60	2.73E-01
NME4	-0.76	7.77E-01	-1.26	8.96E-01	-0.91	8.18E-01
UGT1A7	-0.76	7.77E-01	-0.40	6.56E-01	-0.13	5.51E-01
CUEDC2	-0.76	7.77E-01	-0.52	7.00E-01	-0.48	6.84E-01
PRDM15	-0.76	7.77E-01	-0.81	7.92E-01	-0.94	8.27E-01
LEFTY1	-0.76	7.77E-01	-0.76	7.77E-01	0.30	3.84E-01
IFNA17	-0.76	7.77E-01	-0.81	7.92E-01	-1.34	9.09E-01
POLG2	-0.76	7.77E-01	0.86	1.95E-01	-0.15	5.60E-01
SLC16A13	-0.76	7.77E-01	0.63	2.64E-01	-0.66	7.44E-01
SLC16A14	-0.76	7.77E-01	-1.55	9.39E-01	0.44	3.32E-01
GCSAM	-0.76	7.77E-01	-0.22	5.86E-01	0.18	4.28E-01
LFNG	-0.76	7.77E-01	1.20	1.16E-01	0.28	3.91E-01
TMEM116	-0.76	7.77E-01	-0.77	7.78E-01	-0.81	7.92E-01



SULT6B1	-0.76	7.77E-01	-0.05	5.20E-01	0.20	4.21E-01
RORB	-0.76	7.77E-01	-1.12	8.68E-01	-0.12	5.48E-01
FAM57B	-0.76	7.77E-01	-0.58	7.20E-01	0.27	3.94E-01
TPM3	-0.76	7.78E-01	-0.42	6.63E-01	-1.58	9.43E-01
FBXW4	-0.76	7.78E-01	-0.52	6.99E-01	1.21	1.12E-01
PQLC3	-0.76	7.78E-01	-1.57	9.42E-01	-0.22	5.87E-01
MYL12B	-0.76	7.78E-01	0.28	3.89E-01	0.83	2.04E-01
FGF8	-0.76	7.78E-01	-0.26	6.01E-01	-0.26	6.03E-01
TCEB2	-0.76	7.78E-01	-0.44	6.72E-01	-0.71	7.62E-01
SMURF2	-0.76	7.78E-01	1.31	9.51E-02	0.23	4.09E-01
SYT2	-0.76	7.78E-01	-0.93	8.23E-01	-0.70	7.57E-01
CMC1	-0.76	7.78E-01	-0.55	7.10E-01	0.43	3.32E-01
EME2	-0.77	7.78E-01	-0.44	6.68E-01	0.03	4.87E-01
RELL1	-0.77	7.78E-01	0.16	4.37E-01	-1.07	8.58E-01
KCNN2	-0.77	7.78E-01	-0.76	7.75E-01	-1.58	9.43E-01
NOS1AP	-0.77	7.78E-01	-0.40	6.57E-01	-2.47	9.93E-01
IFIT5	-0.77	7.78E-01	0.15	4.39E-01	1.03	1.53E-01
SPSB3	-0.77	7.78E-01	-0.60	7.26E-01	-0.16	5.63E-01
CYB561A3	-0.77	7.78E-01	-0.24	5.94E-01	-0.84	8.00E-01
PCDHA12	-0.77	7.78E-01	-1.60	9.45E-01	-0.46	6.77E-01
KCNJ15	-0.77	7.78E-01	-0.71	7.61E-01	1.12	1.32E-01
JAZF1	-0.77	7.78E-01	-0.94	8.26E-01	-1.22	8.89E-01
ZNF593	-0.77	7.79E-01	-1.35	9.11E-01	-0.99	8.40E-01
GALNT15	-0.77	7.79E-01	-1.77	9.62E-01	-0.29	6.16E-01
OPN3	-0.77	7.79E-01	-1.11	8.66E-01	-1.05	8.53E-01
ANKRD11	-0.77	7.79E-01	-0.31	6.22E-01	-1.45	9.26E-01
ERV3-1	-0.77	7.79E-01	-0.55	7.09E-01	-1.84	9.67E-01
NID2	-0.77	7.79E-01	-1.50	9.33E-01	0.63	2.65E-01
RALGAPA2	-0.77	7.79E-01	-0.92	8.22E-01	-1.13	8.71E-01
CGB7	-0.77	7.79E-01	1.44	7.44E-02	0.78	2.18E-01
PCDHA5	-0.77	7.79E-01	-1.69	9.54E-01	-0.44	6.70E-01

DUSP28	-0.77	7.79E-01	-0.65	7.43E-01	-0.13	5.51E-01
KIAA1456	-0.77	7.79E-01	-1.41	9.20E-01	0.50	3.09E-01
USH2A	-0.77	7.79E-01	-1.35	9.11E-01	0.13	4.48E-01
LRRC72	-0.77	7.79E-01	-1.19	8.83E-01	-1.54	9.38E-01
CHRNA9	-0.77	7.79E-01	0.44	3.29E-01	-2.30	9.89E-01
DYX1C1	-0.77	7.79E-01	-0.07	5.27E-01	-0.40	6.56E-01
NYNRIN	-0.77	7.79E-01	0.48	3.16E-01	-0.10	5.41E-01
SLC47A2	-0.77	7.79E-01	-1.05	8.52E-01	0.12	4.51E-01
ZC3H12D	-0.77	7.80E-01	-1.92	9.73E-01	-0.09	5.35E-01
CLOCK	-0.77	7.80E-01	-1.20	8.85E-01	0.06	4.76E-01
SLC2A11	-0.77	7.80E-01	-0.41	6.60E-01	-0.83	7.96E-01
ZBTB37	-0.77	7.80E-01	0.55	2.92E-01	0.06	4.77E-01
ZNF224	-0.77	7.80E-01	-0.72	7.64E-01	-0.48	6.86E-01
CCBE1	-0.77	7.80E-01	-0.52	6.98E-01	-0.61	7.28E-01
PRKRIP1	-0.77	7.80E-01	-0.20	5.80E-01	-0.16	5.64E-01
RRP15	-0.77	7.80E-01	0.03	4.89E-01	-0.51	6.96E-01
CACNA1A	-0.77	7.80E-01	1.10	1.36E-01	-1.34	9.10E-01
ZNF117	-0.77	7.80E-01	-0.64	7.40E-01	-1.72	9.57E-01
ADCY9	-0.77	7.80E-01	-0.34	6.35E-01	0.17	4.32E-01
NUP62	-0.77	7.80E-01	-0.04	5.15E-01	0.50	3.09E-01
SLCO2B1	-0.77	7.80E-01	1.11	1.33E-01	2.03	2.10E-02
DDI2	-0.77	7.80E-01	-1.18	8.80E-01	-0.17	5.67E-01
DNAJC9	-0.77	7.80E-01	-1.10	8.64E-01	-0.55	7.10E-01
SKOR2	-0.77	7.80E-01	-0.71	7.61E-01	-1.59	9.44E-01
TEKT2	-0.77	7.80E-01	-0.01	5.05E-01	-0.85	8.02E-01
NPHP3	-0.77	7.80E-01	-0.51	6.95E-01	-0.26	6.03E-01
POLD3	-0.77	7.81E-01	-0.70	7.58E-01	-0.85	8.02E-01
CPSF7	-0.77	7.81E-01	-0.35	6.38E-01	-1.07	8.57E-01
DSCR8	-0.77	7.81E-01	-0.49	6.88E-01	1.20	1.14E-01
PNPLA1	-0.77	7.81E-01	-0.10	5.39E-01	-0.66	7.46E-01
DLC1	-0.77	7.81E-01	-0.55	7.08E-01	0.25	4.02E-01

DNAAF1	-0.77	7.81E-01	2.15	1.59E-02	2.00	2.28E-02
DZANK1	-0.77	7.81E-01	0.28	3.89E-01	-0.58	7.21E-01
CDK6	-0.77	7.81E-01	-0.02	5.10E-01	0.25	4.03E-01
PXDC1	-0.78	7.81E-01	-0.35	6.36E-01	-1.15	8.75E-01
PCDHA13	-0.78	7.81E-01	-1.61	9.46E-01	-0.46	6.78E-01
TCOF1	-0.78	7.81E-01	0.06	4.77E-01	-0.63	7.36E-01
LIMCH1	-0.78	7.81E-01	-0.21	5.82E-01	-0.56	7.12E-01
DCAF10	-0.78	7.81E-01	-0.73	7.66E-01	0.18	4.30E-01
MED8	-0.78	7.81E-01	-0.37	6.43E-01	-0.04	5.14E-01
CCNO	-0.78	7.81E-01	-0.05	5.19E-01	-0.81	7.91E-01
HIF1AN	-0.78	7.81E-01	-1.05	8.54E-01	-0.58	7.20E-01
KIAA0100	-0.78	7.81E-01	-0.60	7.25E-01	-0.07	5.27E-01
ANAPC13	-0.78	7.81E-01	-0.43	6.66E-01	-0.79	7.86E-01
SLC1A3	-0.78	7.81E-01	-0.27	6.05E-01	0.28	3.91E-01
MSX2	-0.78	7.81E-01	-1.25	8.94E-01	-0.40	6.57E-01
FN3KRP	-0.78	7.81E-01	-0.29	6.16E-01	-1.22	8.88E-01
GRAMD1B	-0.78	7.82E-01	-1.70	9.55E-01	-1.11	8.67E-01
IRG1	-0.78	7.82E-01	0.59	2.78E-01	-0.45	6.74E-01
PIK3R4	-0.78	7.82E-01	-0.77	7.81E-01	-1.32	9.06E-01
RAB11FIP1	-0.78	7.82E-01	-0.22	5.89E-01	0.31	3.79E-01
RAB24	-0.78	7.82E-01	1.02	1.54E-01	0.46	3.23E-01
TMEM78	-0.78	7.82E-01	0.57	2.84E-01	-0.44	6.69E-01
GLO1	-0.78	7.82E-01	0.59	2.78E-01	-1.12	8.69E-01
C9orf156	-0.78	7.82E-01	-0.58	7.19E-01	0.11	4.57E-01
CAPZA3	-0.78	7.82E-01	-0.94	8.27E-01	-1.24	8.92E-01
RAD51D	-0.78	7.82E-01	-0.62	7.32E-01	-0.49	6.87E-01
MRPL9	-0.78	7.82E-01	0.11	4.57E-01	-0.69	7.54E-01
DNAJB6	-0.78	7.82E-01	-0.46	6.78E-01	-1.41	9.20E-01
COMMD4	-0.78	7.82E-01	-0.39	6.53E-01	-0.66	7.47E-01
R3HDML	-0.78	7.82E-01	0.40	3.46E-01	-0.28	6.11E-01
KLHL9	-0.78	7.82E-01	-0.79	7.86E-01	-1.13	8.72E-01

CRY2	-0.78	7.82E-01	-0.20	5.81E-01	-0.02	5.06E-01
GRB7	-0.78	7.82E-01	-0.71	7.61E-01	-1.15	8.76E-01
PPP2R5E	-0.78	7.83E-01	-0.64	7.40E-01	-0.40	6.54E-01
GPBP1L1	-0.78	7.83E-01	0.52	3.00E-01	0.31	3.79E-01
GPR85	-0.78	7.83E-01	-1.52	9.36E-01	-1.05	8.54E-01
SLC22A10	-0.78	7.83E-01	0.70	2.43E-01	0.42	3.39E-01
KRR1	-0.78	7.83E-01	-0.78	7.83E-01	-1.04	8.50E-01
PDXP	-0.78	7.83E-01	-0.61	7.29E-01	-1.11	8.66E-01
PTK2B	-0.78	7.83E-01	0.26	3.98E-01	0.59	2.78E-01
TBC1D9	-0.78	7.83E-01	-0.87	8.07E-01	-1.42	9.23E-01
GNAS	-0.78	7.83E-01	-0.43	6.66E-01	0.35	3.65E-01
PCDHAC1	-0.78	7.83E-01	-1.61	9.46E-01	-0.41	6.59E-01
APOBEC3F	-0.78	7.83E-01	-0.56	7.11E-01	-0.45	6.72E-01
ARC	-0.78	7.83E-01	-0.54	7.06E-01	0.55	2.91E-01
LIG4	-0.78	7.83E-01	-1.26	8.97E-01	0.48	3.16E-01
ZNF280B	-0.78	7.83E-01	-1.18	8.82E-01	0.34	3.67E-01
VPS37B	-0.78	7.83E-01	-0.19	5.75E-01	0.85	1.97E-01
ALOX12B	-0.78	7.83E-01	-0.49	6.88E-01	0.63	2.66E-01
GNA13	-0.78	7.83E-01	0.76	2.23E-01	0.19	4.26E-01
CRTAP	-0.78	7.84E-01	-1.47	9.29E-01	0.01	4.96E-01
SPINK9	-0.78	7.84E-01	-1.18	8.80E-01	-0.37	6.45E-01
OTP	-0.79	7.84E-01	1.20	1.16E-01	2.35	9.46E-03
RIMKLA	-0.79	7.84E-01	0.54	2.93E-01	-0.64	7.40E-01
FABP12	-0.79	7.84E-01	-0.33	6.30E-01	-0.80	7.87E-01
SEL1L2	-0.79	7.84E-01	-1.41	9.21E-01	0.03	4.87E-01
NDUFA12	-0.79	7.84E-01	0.32	3.73E-01	-0.43	6.67E-01
CLDN1	-0.79	7.84E-01	1.45	7.37E-02	0.28	3.90E-01
CD207	-0.79	7.84E-01	1.27	1.02E-01	-0.32	6.26E-01
TXNDC11	-0.79	7.84E-01	0.09	4.66E-01	-1.52	9.36E-01
NECAP1	-0.79	7.84E-01	-0.81	7.92E-01	-0.76	7.77E-01
CACNA1H	-0.79	7.84E-01	-0.22	5.88E-01	0.66	2.54E-01

FAM196B	-0.79	7.84E-01	-0.63	7.37E-01	-2.25	9.88E-01
DECR2	-0.79	7.84E-01	-1.12	8.68E-01	-0.94	8.26E-01
NOL7	-0.79	7.84E-01	-1.02	8.47E-01	-0.38	6.47E-01
ZBP1	-0.79	7.84E-01	-1.39	9.18E-01	0.63	2.63E-01
NOL12	-0.79	7.84E-01	-1.08	8.60E-01	0.03	4.89E-01
ZFH2	-0.79	7.85E-01	-0.07	5.27E-01	-1.42	9.22E-01
NUP188	-0.79	7.85E-01	-0.92	8.22E-01	-0.17	5.69E-01
WDR64	-0.79	7.85E-01	-0.99	8.38E-01	-1.46	9.27E-01
RPS5	-0.79	7.85E-01	-1.16	8.77E-01	-0.34	6.35E-01
NME5	-0.79	7.85E-01	-1.09	8.62E-01	0.27	3.93E-01
TLX2	-0.79	7.85E-01	-0.89	8.14E-01	0.11	4.56E-01
SAP30	-0.79	7.85E-01	-0.31	6.23E-01	-0.36	6.39E-01
IL25	-0.79	7.85E-01	-0.85	8.04E-01	-1.27	8.99E-01
ACTR3C	-0.79	7.85E-01	-0.85	8.02E-01	-0.41	6.60E-01
IFT46	-0.79	7.85E-01	-0.86	8.05E-01	-0.56	7.12E-01
TTLL6	-0.79	7.85E-01	-0.59	7.22E-01	-0.93	8.25E-01
STK39	-0.79	7.85E-01	1.21	1.13E-01	-0.35	6.36E-01
DAPP1	-0.79	7.85E-01	-0.40	6.54E-01	0.53	2.98E-01
SGMS2	-0.79	7.85E-01	-0.99	8.38E-01	0.00	4.99E-01
ZC3H7A	-0.79	7.85E-01	0.12	4.53E-01	-1.45	9.27E-01
SERTM1	-0.79	7.85E-01	0.02	4.91E-01	-1.09	8.61E-01
CHRNA5	-0.79	7.85E-01	-0.99	8.38E-01	0.42	3.37E-01
ZNF827	-0.79	7.86E-01	-0.83	7.95E-01	-0.69	7.55E-01
ZNF253	-0.79	7.86E-01	0.15	4.39E-01	0.06	4.77E-01
DDX24	-0.79	7.86E-01	-0.55	7.09E-01	1.04	1.49E-01
PKLR	-0.79	7.86E-01	-0.55	7.09E-01	-1.43	9.24E-01
MAP3K10	-0.79	7.86E-01	0.66	2.56E-01	0.11	4.56E-01
DGKH	-0.79	7.86E-01	-0.13	5.52E-01	-0.55	7.07E-01
C9	-0.79	7.86E-01	-1.07	8.58E-01	-0.47	6.81E-01
ITGB7	-0.79	7.86E-01	0.05	4.82E-01	0.41	3.41E-01
BLCAP	-0.79	7.86E-01	0.51	3.06E-01	1.20	1.15E-01

EVPLL		-0.79	7.86E-01	0.65	2.57E-01	0.25	4.00E-01
TMEM89		-0.79	7.86E-01	0.45	3.26E-01	1.54	6.16E-02
PCDHA4		-0.79	7.86E-01	-1.70	9.55E-01	-0.41	6.61E-01
RBP4		-0.79	7.86E-01	-0.75	7.74E-01	0.94	1.73E-01
NXPE2		-0.79	7.86E-01	0.87	1.92E-01	-0.03	5.11E-01
SLCO5A1		-0.79	7.86E-01	-1.02	8.46E-01	-1.46	9.27E-01
PRH1		-0.79	7.86E-01	-0.31	6.21E-01	0.26	3.98E-01
	GRAP	-0.79	7.86E-01	-1.61	9.46E-01	-0.84	8.00E-01
DOCK8		-0.79	7.86E-01	-0.58	7.19E-01	-2.38	9.91E-01
ERVFRD-1		-0.79	7.86E-01	-1.35	9.12E-01	-0.38	6.47E-01
NDUFS2		-0.79	7.87E-01	-0.52	7.00E-01	-0.65	7.41E-01
OSBPL11		-0.79	7.87E-01	-0.91	8.20E-01	-0.27	6.05E-01
A2M		-0.79	7.87E-01	-0.53	7.02E-01	0.36	3.60E-01
ANXA5		-0.79	7.87E-01	-1.79	9.63E-01	-0.71	7.63E-01
TMEM105		-0.80	7.87E-01	-0.25	6.00E-01	0.02	4.90E-01
HES5		-0.80	7.87E-01	-2.16	9.85E-01	0.11	4.55E-01
RPL28		-0.80	7.87E-01	-0.47	6.81E-01	-0.66	7.45E-01
ADA		-0.80	7.87E-01	-0.96	8.32E-01	-0.10	5.40E-01
TAS2R60		-0.80	7.87E-01	-0.48	6.86E-01	-0.74	7.71E-01
LGALS4		-0.80	7.87E-01	-0.99	8.39E-01	-0.23	5.93E-01
FAM107B		-0.80	7.87E-01	-0.19	5.76E-01	0.49	3.11E-01
PREPL		-0.80	7.87E-01	-0.59	7.22E-01	0.30	3.84E-01
DMPK		-0.80	7.87E-01	0.05	4.80E-01	0.08	4.67E-01
SPATA24		-0.80	7.87E-01	-0.28	6.10E-01	-0.13	5.52E-01
SLC4A3		-0.80	7.87E-01	-0.50	6.91E-01	-1.15	8.75E-01
SLC26A3		-0.80	7.87E-01	-0.43	6.66E-01	-1.09	8.63E-01
MYH1		-0.80	7.87E-01	-0.09	5.34E-01	-2.06	9.80E-01
ST6GALNAC1		-0.80	7.87E-01	-0.54	7.06E-01	-0.45	6.74E-01
PRTFDC1		-0.80	7.88E-01	-0.39	6.52E-01	1.51	6.55E-02
MFGE8		-0.80	7.88E-01	-0.56	7.13E-01	-0.99	8.40E-01
FGD6		-0.80	7.88E-01	-0.43	6.65E-01	-0.69	7.56E-01

TBX3	-0.80	7.88E-01	-1.50	9.33E-01	0.71	2.38E-01
SIRT6	-0.80	7.88E-01	0.05	4.81E-01	-0.15	5.58E-01
EN2	-0.80	7.88E-01	0.19	4.25E-01	-1.68	9.54E-01
PNO1	-0.80	7.88E-01	0.11	4.55E-01	-0.56	7.12E-01
SCGB2A1	-0.80	7.88E-01	-0.07	5.28E-01	-0.58	7.21E-01
IPP	-0.80	7.88E-01	0.53	2.98E-01	0.16	4.38E-01
C7orf73	-0.80	7.88E-01	-0.99	8.40E-01	-1.67	9.52E-01
MFSD12	-0.80	7.88E-01	-0.72	7.64E-01	1.57	5.83E-02
ATXN10	-0.80	7.88E-01	-1.32	9.07E-01	-0.32	6.27E-01
M1AP	-0.80	7.88E-01	-1.21	8.88E-01	-0.39	6.50E-01
FOXP1	-0.80	7.88E-01	-1.50	9.33E-01	-0.65	7.42E-01
MAATS1	-0.80	7.88E-01	1.14	1.28E-01	0.18	4.27E-01
NIPAL3	-0.80	7.88E-01	-0.79	7.85E-01	-0.23	5.93E-01
AIFM2	-0.80	7.88E-01	-0.23	5.91E-01	-0.97	8.33E-01
UBR1	-0.80	7.88E-01	-0.60	7.25E-01	-0.69	7.56E-01
IL1B	-0.80	7.88E-01	-1.06	8.56E-01	-1.05	8.54E-01
HTR2B	-0.80	7.88E-01	0.20	4.21E-01	-0.61	7.28E-01
ZFYVE26	-0.80	7.88E-01	-0.21	5.84E-01	-0.98	8.35E-01
MUC2	-0.80	7.88E-01	-0.14	5.54E-01	-0.50	6.92E-01
ZC2HC1B	-0.80	7.88E-01	-0.59	7.24E-01	-1.25	8.94E-01
LDHA	-0.80	7.88E-01	-0.58	7.20E-01	-0.91	8.20E-01
TBX10	-0.80	7.89E-01	-1.16	8.76E-01	-0.02	5.10E-01
PAX1	-0.80	7.89E-01	-0.53	7.03E-01	0.03	4.88E-01
SPC25	-0.80	7.89E-01	-1.29	9.02E-01	-0.17	5.67E-01
ADSL	-0.80	7.89E-01	0.55	2.90E-01	-1.11	8.67E-01
KDM8	-0.80	7.89E-01	0.87	1.91E-01	0.10	4.61E-01
MOB3B	-0.80	7.89E-01	-0.44	6.69E-01	-1.23	8.90E-01
DEFB115	-0.80	7.89E-01	1.88	3.00E-02	0.59	2.77E-01
PDE11A	-0.80	7.89E-01	-0.70	7.58E-01	0.18	4.27E-01
PTPN22	-0.80	7.89E-01	-0.70	7.59E-01	-1.70	9.55E-01
PPWD1	-0.80	7.89E-01	-1.10	8.65E-01	-0.33	6.28E-01

DYNC1LI2	-0.80	7.89E-01	-0.51	6.95E-01	0.54	2.94E-01
CCL25	-0.80	7.89E-01	-1.31	9.05E-01	-0.62	7.32E-01
RBM27	-0.81	7.90E-01	0.11	4.58E-01	0.87	1.93E-01
ACAD10	-0.81	7.90E-01	-0.67	7.49E-01	-0.35	6.35E-01
RANBP3	-0.81	7.90E-01	-0.65	7.43E-01	-0.38	6.48E-01
NOM1	-0.81	7.90E-01	-0.26	6.03E-01	1.01	1.55E-01
ABCC5	-0.81	7.90E-01	-0.08	5.34E-01	-0.39	6.50E-01
ARHGDI1A	-0.81	7.90E-01	-0.39	6.53E-01	-1.18	8.81E-01
OR8B12	-0.81	7.90E-01	-1.43	9.24E-01	-0.86	8.04E-01
C1QL4	-0.81	7.90E-01	0.85	1.99E-01	0.00	4.99E-01
USP3	-0.81	7.90E-01	-1.57	9.42E-01	0.19	4.24E-01
ADAMTSL5	-0.81	7.90E-01	-0.48	6.85E-01	-0.56	7.13E-01
SCN4A	-0.81	7.90E-01	0.35	3.65E-01	-0.58	7.19E-01
NOD2	-0.81	7.90E-01	0.28	3.90E-01	-1.47	9.29E-01
ERI2	-0.81	7.90E-01	-0.10	5.38E-01	-0.01	5.02E-01
CIDEB	-0.81	7.90E-01	-0.65	7.43E-01	-2.33	9.90E-01
FRS2	-0.81	7.90E-01	0.09	4.66E-01	0.04	4.84E-01
TMEM192	-0.81	7.90E-01	-0.52	6.98E-01	-0.47	6.82E-01
KLRC1	-0.81	7.90E-01	-0.38	6.46E-01	0.27	3.93E-01
C1orf177	-0.81	7.90E-01	0.36	3.59E-01	0.23	4.10E-01
PLIN2	-0.81	7.90E-01	-0.82	7.93E-01	0.52	3.03E-01
KERA	-0.81	7.90E-01	-0.66	7.45E-01	-0.75	7.73E-01
METTL21C	-0.81	7.91E-01	1.00	1.59E-01	1.63	5.14E-02
ZMIZ2	-0.81	7.91E-01	0.17	4.31E-01	0.61	2.71E-01
CCBL2	-0.81	7.91E-01	0.69	2.46E-01	1.37	8.55E-02
FAM133B	-0.81	7.91E-01	0.11	4.56E-01	0.17	4.33E-01
C11orf58	-0.81	7.91E-01	-0.49	6.89E-01	-0.66	7.47E-01
ABHD17A	-0.81	7.91E-01	1.43	7.57E-02	0.70	2.41E-01
TSPAN12	-0.81	7.91E-01	-0.85	8.03E-01	-0.96	8.31E-01
NEIL1	-0.81	7.91E-01	-1.60	9.46E-01	-0.86	8.04E-01
OBSL1	-0.81	7.91E-01	-0.30	6.19E-01	-0.57	7.17E-01



EVC	-0.81	7.91E-01	-1.48	9.30E-01	0.43	3.35E-01
NAPEPLD	-0.81	7.91E-01	-1.07	8.59E-01	-0.87	8.07E-01
ZC3H13	-0.81	7.91E-01	0.28	3.91E-01	-1.08	8.59E-01
C16orf95	-0.81	7.91E-01	-1.27	8.99E-01	-0.75	7.73E-01
MAN2B2	-0.81	7.91E-01	0.67	2.51E-01	-0.49	6.88E-01
UBXN6	-0.81	7.92E-01	-1.01	8.43E-01	-0.31	6.21E-01
WRN	-0.81	7.92E-01	-1.39	9.17E-01	-0.29	6.16E-01
CST9	-0.81	7.92E-01	-0.44	6.69E-01	0.07	4.70E-01
TARM1	-0.81	7.92E-01	-0.80	7.87E-01	-0.58	7.20E-01
STRBP	-0.81	7.92E-01	-0.32	6.26E-01	-1.84	9.67E-01
CALB2	-0.81	7.92E-01	-1.74	9.59E-01	-0.51	6.95E-01
PCDHA3	-0.81	7.92E-01	-1.73	9.59E-01	-0.39	6.52E-01
USP22	-0.81	7.92E-01	-0.40	6.54E-01	-0.85	8.02E-01
SIGLECL1	-0.81	7.92E-01	0.22	4.12E-01	-0.66	7.45E-01
PPP3CA	-0.81	7.92E-01	-1.16	8.76E-01	-1.10	8.64E-01
PCDHA2	-0.81	7.92E-01	-1.74	9.59E-01	-0.37	6.43E-01
OR4L1	-0.81	7.92E-01	0.00	5.02E-01	-0.40	6.56E-01
BIN2	-0.81	7.92E-01	-0.62	7.31E-01	-0.37	6.46E-01
EGFLAM	-0.81	7.92E-01	-1.39	9.17E-01	0.17	4.33E-01
NRP1	-0.81	7.92E-01	-0.72	7.64E-01	-0.08	5.32E-01
FLG	-0.81	7.92E-01	-0.64	7.38E-01	-1.26	8.96E-01
CDIPT	-0.81	7.92E-01	-0.56	7.13E-01	-1.33	9.09E-01
MORC2	-0.81	7.92E-01	-0.61	7.31E-01	-0.73	7.68E-01
CALCA	-0.82	7.93E-01	-2.16	9.85E-01	-0.75	7.72E-01
PSMA3	-0.82	7.93E-01	0.69	2.46E-01	0.74	2.31E-01
PGLS	-0.82	7.93E-01	-0.50	6.90E-01	-0.07	5.28E-01
POLR3K	-0.82	7.93E-01	-0.42	6.64E-01	-0.79	7.86E-01
FMO6P	-0.82	7.93E-01	-0.35	6.37E-01	0.10	4.60E-01
RAB3D	-0.82	7.93E-01	-0.17	5.69E-01	-1.20	8.85E-01
GABRR1	-0.82	7.93E-01	-1.15	8.76E-01	0.12	4.52E-01
SHH	-0.82	7.93E-01	0.75	2.26E-01	0.66	2.54E-01

TMEFF2	-0.82	7.93E-01	-0.09	5.34E-01	-0.19	5.76E-01
LRFN1	-0.82	7.93E-01	-0.47	6.82E-01	-0.48	6.85E-01
IFNK	-0.82	7.93E-01	-1.63	9.48E-01	-0.27	6.06E-01
PCDHA1	-0.82	7.93E-01	-1.76	9.61E-01	-0.35	6.38E-01
D2HGDH	-0.82	7.93E-01	-0.47	6.80E-01	0.60	2.74E-01
RDH11	-0.82	7.93E-01	-0.46	6.78E-01	-0.95	8.28E-01
ANGPTL7	-0.82	7.93E-01	-0.58	7.20E-01	-0.16	5.65E-01
PAK2	-0.82	7.93E-01	-0.88	8.11E-01	-0.81	7.91E-01
REST	-0.82	7.93E-01	1.71	4.34E-02	-0.01	5.04E-01
SPRR2F	-0.82	7.93E-01	-1.33	9.09E-01	-1.30	9.03E-01
TMPRSS11A	-0.82	7.93E-01	0.00	4.98E-01	-1.41	9.21E-01
ZBTB6	-0.82	7.93E-01	-0.36	6.39E-01	-1.62	9.47E-01
OR4F15	-0.82	7.93E-01	1.44	7.56E-02	1.24	1.07E-01
LYG1	-0.82	7.93E-01	-0.18	5.72E-01	-0.86	8.06E-01
XBP1	-0.82	7.93E-01	0.00	5.00E-01	1.15	1.26E-01
CPLX1	-0.82	7.94E-01	-0.94	8.26E-01	0.39	3.47E-01
NLGN2	-0.82	7.94E-01	-0.34	6.32E-01	-0.43	6.65E-01
MRPL12	-0.82	7.94E-01	-0.61	7.29E-01	-1.05	8.53E-01
RAD51L3-RFFL	-0.82	7.94E-01	-0.56	7.13E-01	-0.23	5.91E-01
PLEKHA8	-0.82	7.94E-01	-1.02	8.47E-01	-0.15	5.60E-01
GON4L	-0.82	7.94E-01	0.36	3.59E-01	0.10	4.61E-01
CD8A	-0.82	7.94E-01	-0.51	6.95E-01	-1.38	9.16E-01
DLG4	-0.82	7.94E-01	-0.91	8.19E-01	-0.41	6.60E-01
ASF1A	-0.82	7.94E-01	0.80	2.12E-01	1.34	9.02E-02
SERTAD4	-0.82	7.94E-01	-1.68	9.53E-01	1.01	1.56E-01
TMEM138	-0.82	7.94E-01	-0.11	5.45E-01	-0.62	7.32E-01
NCMAP	-0.82	7.94E-01	-0.05	5.21E-01	0.31	3.77E-01
ATP13A2	-0.82	7.94E-01	-0.28	6.11E-01	0.68	2.50E-01
LAMB1	-0.82	7.94E-01	-0.09	5.35E-01	-0.63	7.35E-01
GABRG3	-0.82	7.94E-01	0.13	4.47E-01	-0.27	6.06E-01
CYP3A4	-0.82	7.94E-01	-0.57	7.15E-01	-0.48	6.85E-01

UBIAD1	-0.82	7.94E-01	0.29	3.87E-01	0.02	4.92E-01
CRHR2	-0.82	7.94E-01	-1.33	9.09E-01	0.21	4.18E-01
HIBCH	-0.82	7.94E-01	-0.76	7.76E-01	-0.82	7.94E-01
EYA4	-0.82	7.94E-01	0.54	2.94E-01	-1.33	9.09E-01
ACOX1	-0.82	7.95E-01	-1.41	9.20E-01	0.45	3.26E-01
FAM83G	-0.82	7.95E-01	-0.82	7.93E-01	-0.04	5.16E-01
C1orf159	-0.82	7.95E-01	1.18	1.18E-01	1.09	1.38E-01
LY9	-0.82	7.95E-01	-1.09	8.63E-01	1.04	1.48E-01
MNX1	-0.82	7.95E-01	-0.38	6.50E-01	-1.25	8.95E-01
RAB28	-0.82	7.95E-01	-0.04	5.16E-01	1.37	8.61E-02
GFOD1	-0.82	7.95E-01	-0.82	7.93E-01	0.00	4.99E-01
CNN2	-0.82	7.95E-01	-1.28	9.00E-01	-0.42	6.62E-01
IRF4	-0.82	7.95E-01	-0.44	6.71E-01	0.63	2.63E-01
CLDN15	-0.82	7.95E-01	0.09	4.65E-01	-0.39	6.52E-01
ZNF549	-0.82	7.95E-01	-0.44	6.68E-01	-2.14	9.84E-01
HN1L	-0.83	7.95E-01	-0.97	8.34E-01	-0.19	5.75E-01
OGFOD1	-0.83	7.95E-01	-1.11	8.66E-01	1.11	1.33E-01
POU1F1	-0.83	7.96E-01	-0.66	7.47E-01	0.19	4.26E-01
43164	-0.83	7.96E-01	-0.16	5.65E-01	-2.01	9.78E-01
HMHB1	-0.83	7.96E-01	-0.92	8.20E-01	-0.29	6.14E-01
C14orf177	-0.83	7.96E-01	-0.11	5.43E-01	-2.53	9.94E-01
GPR153	-0.83	7.96E-01	-1.22	8.90E-01	-1.19	8.84E-01
MAD2L1	-0.83	7.96E-01	-0.38	6.47E-01	0.58	2.80E-01
FTH1	-0.83	7.96E-01	-0.29	6.13E-01	1.41	7.98E-02
CTSC	-0.83	7.96E-01	0.24	4.03E-01	-0.20	5.79E-01
RCVRN	-0.83	7.96E-01	0.23	4.10E-01	1.40	8.10E-02
POLRMT	-0.83	7.96E-01	0.28	3.91E-01	-0.47	6.80E-01
AAK1	-0.83	7.96E-01	0.38	3.50E-01	1.94	2.61E-02
ZNF180	-0.83	7.96E-01	-0.70	7.58E-01	-0.69	7.56E-01
EML6	-0.83	7.96E-01	-0.19	5.76E-01	-0.49	6.87E-01
CCT2	-0.83	7.96E-01	0.59	2.76E-01	-0.07	5.28E-01

ZNF765	-0.83	7.96E-01	-1.07	8.57E-01	-0.87	8.07E-01
MTRF1	-0.83	7.96E-01	0.80	2.13E-01	0.93	1.77E-01
CPB1	-0.83	7.96E-01	-0.71	7.63E-01	1.43	7.58E-02
TMEM62	-0.83	7.96E-01	0.26	3.97E-01	-1.14	8.73E-01
ZNF491	-0.83	7.97E-01	-0.38	6.46E-01	0.42	3.39E-01
TBX21	-0.83	7.97E-01	-0.55	7.11E-01	-0.67	7.48E-01
HDAC2	-0.83	7.97E-01	-0.46	6.77E-01	-1.10	8.65E-01
BAIAP2L1	-0.83	7.97E-01	0.30	3.80E-01	0.52	3.02E-01
UNKL	-0.83	7.97E-01	-1.22	8.89E-01	-0.31	6.24E-01
PLCXD2	-0.83	7.97E-01	-0.79	7.86E-01	0.76	2.24E-01
ZNF324	-0.83	7.97E-01	-0.09	5.35E-01	-0.58	7.20E-01
PTGR1	-0.83	7.97E-01	-0.95	8.28E-01	-0.27	6.07E-01
KDELR1	-0.83	7.97E-01	0.47	3.20E-01	-1.31	9.05E-01
NOP14	-0.83	7.97E-01	-0.15	5.59E-01	-1.23	8.90E-01
ADH1A	-0.83	7.97E-01	0.12	4.50E-01	-0.09	5.35E-01
NKG2-E	-0.83	7.97E-01	-0.90	8.15E-01	0.01	4.97E-01
ZNF335	-0.83	7.97E-01	-0.69	7.56E-01	-0.86	8.04E-01
HOXB1	-0.83	7.97E-01	1.25	1.06E-01	1.36	8.71E-02
CDKN1A	-0.83	7.97E-01	0.49	3.12E-01	-0.61	7.30E-01
MMACHC	-0.83	7.97E-01	-0.58	7.17E-01	-1.61	9.46E-01
SCAMP1	-0.83	7.97E-01	-1.25	8.94E-01	0.43	3.35E-01
ADAT1	-0.83	7.97E-01	-0.12	5.50E-01	0.06	4.77E-01
RUSC1	-0.83	7.97E-01	-1.50	9.33E-01	-0.39	6.53E-01
GCHFR	-0.83	7.97E-01	-1.10	8.65E-01	-1.32	9.06E-01
PLCE1	-0.83	7.97E-01	0.18	4.30E-01	-1.92	9.73E-01
ALG14	-0.83	7.97E-01	-0.55	7.10E-01	0.51	3.04E-01
MANF	-0.83	7.97E-01	-0.66	7.45E-01	-0.27	6.07E-01
REEP6	-0.83	7.97E-01	-0.76	7.75E-01	-1.70	9.55E-01
KRTAP10-7	-0.83	7.98E-01	0.20	4.20E-01	1.01	1.55E-01
TLR2	-0.83	7.98E-01	-0.25	5.97E-01	0.25	4.02E-01
RPL36AL	-0.83	7.98E-01	-0.74	7.70E-01	-0.50	6.92E-01

MYOC	-0.83	7.98E-01	-0.64	7.40E-01	-0.75	7.73E-01
LIAS	-0.83	7.98E-01	-1.43	9.23E-01	0.15	4.40E-01
ARID1B	-0.83	7.98E-01	-0.31	6.22E-01	0.03	4.87E-01
NOC4L	-0.83	7.98E-01	-0.14	5.57E-01	0.66	2.54E-01
GUCA1C	-0.83	7.98E-01	-0.74	7.71E-01	1.67	4.78E-02
LINGO4	-0.83	7.98E-01	-0.22	5.87E-01	-1.12	8.69E-01
NAIF1	-0.83	7.98E-01	-1.52	9.36E-01	-1.24	8.93E-01
AQP12B	-0.83	7.98E-01	-0.83	7.96E-01	-0.78	7.83E-01
DCTN1	-0.83	7.98E-01	-1.04	8.50E-01	0.37	3.57E-01
C2orf68	-0.83	7.98E-01	-0.28	6.09E-01	-0.32	6.25E-01
BPIFA3	-0.83	7.98E-01	-0.04	5.15E-01	-0.31	6.22E-01
KRT3	-0.83	7.98E-01	-0.55	7.07E-01	0.16	4.36E-01
OR14A16	-0.84	7.98E-01	-0.87	8.09E-01	-0.74	7.72E-01
CNIH3	-0.84	7.98E-01	-0.40	6.54E-01	-1.80	9.64E-01
GLYCK	-0.84	7.98E-01	-1.47	9.29E-01	0.09	4.64E-01
LIPH	-0.84	7.98E-01	-1.53	9.37E-01	-0.64	7.39E-01
MSL1	-0.84	7.98E-01	-1.23	8.90E-01	-0.38	6.48E-01
GATAD2A	-0.84	7.98E-01	-0.97	8.34E-01	-1.35	9.11E-01
TXNRD2	-0.84	7.98E-01	-0.26	6.02E-01	-1.67	9.53E-01
OSTN	-0.84	7.98E-01	-1.04	8.50E-01	-0.59	7.23E-01
CENPL	-0.84	7.98E-01	0.10	4.59E-01	-0.76	7.76E-01
KCNE1	-0.84	7.98E-01	0.03	4.90E-01	-1.80	9.64E-01
NEU4	-0.84	7.98E-01	-1.40	9.19E-01	-0.09	5.37E-01
TRIM22	-0.84	7.98E-01	0.50	3.08E-01	0.59	2.77E-01
CPSF4L	-0.84	7.98E-01	-0.50	6.91E-01	-1.11	8.66E-01
MAP2K3	-0.84	7.98E-01	-0.47	6.83E-01	-0.31	6.22E-01
APOL5	-0.84	7.99E-01	-1.02	8.46E-01	0.40	3.45E-01
LTB4R2	-0.84	7.99E-01	-0.69	7.54E-01	-2.37	9.91E-01
APOBEC3G	-0.84	7.99E-01	-0.90	8.16E-01	-0.30	6.18E-01
ACSM3	-0.84	7.99E-01	-0.17	5.69E-01	0.05	4.78E-01
GP9	-0.84	7.99E-01	-1.15	8.74E-01	-0.30	6.20E-01

PPAPDC1A	-0.84	7.99E-01	1.49	6.79E-02	1.59	5.55E-02
PRR5	-0.84	7.99E-01	0.43	3.35E-01	-0.53	7.00E-01
TPI1	-0.84	7.99E-01	-0.25	5.98E-01	0.42	3.37E-01
ARCN1	-0.84	7.99E-01	-1.39	9.18E-01	-0.49	6.86E-01
RTFDC1	-0.84	7.99E-01	-1.66	9.52E-01	0.31	3.77E-01
SCNN1G	-0.84	7.99E-01	0.09	4.65E-01	-0.46	6.77E-01
ENPP4	-0.84	7.99E-01	-0.65	7.44E-01	0.08	4.69E-01
SLITRK3	-0.84	7.99E-01	-1.38	9.16E-01	0.07	4.71E-01
LIPC	-0.84	7.99E-01	-1.30	9.04E-01	0.41	3.42E-01
CCL18	-0.84	7.99E-01	0.22	4.14E-01	-0.77	7.78E-01
SSTR4	-0.84	7.99E-01	-0.44	6.70E-01	-0.01	5.04E-01
LOXL1	-0.84	7.99E-01	-0.62	7.31E-01	-0.36	6.41E-01
IMMT	-0.84	7.99E-01	-0.81	7.90E-01	-0.20	5.79E-01
EIF3G	-0.84	7.99E-01	-1.52	9.36E-01	-0.42	6.63E-01
C1orf204	-0.84	7.99E-01	0.59	2.78E-01	0.50	3.10E-01
C1orf123	-0.84	8.00E-01	0.58	2.83E-01	0.48	3.15E-01
FLYWCH2	-0.84	8.00E-01	0.63	2.65E-01	-0.44	6.71E-01
PSMA6	-0.84	8.00E-01	0.05	4.80E-01	0.08	4.68E-01
SMG8	-0.84	8.00E-01	-0.21	5.83E-01	-0.96	8.32E-01
SEMA6B	-0.84	8.00E-01	0.11	4.56E-01	-0.04	5.14E-01
PLEKHF2	-0.84	8.00E-01	-0.20	5.78E-01	0.53	2.98E-01
RRAGA	-0.84	8.00E-01	0.43	3.34E-01	1.09	1.37E-01
MOCOS	-0.84	8.00E-01	-1.11	8.65E-01	-0.35	6.39E-01
SLC39A11	-0.84	8.00E-01	-0.08	5.31E-01	-0.79	7.85E-01
CYB5R1	-0.84	8.00E-01	-0.81	7.91E-01	-0.57	7.16E-01
TRDMT1	-0.84	8.00E-01	-2.03	9.79E-01	0.08	4.69E-01
FAM120AOS	-0.84	8.00E-01	-0.25	5.97E-01	-0.55	7.07E-01
PRAMEF2	-0.84	8.00E-01	0.10	4.59E-01	-1.29	9.01E-01
AC002472.13	-0.84	8.00E-01	-1.31	9.04E-01	-0.43	6.66E-01
MSRA	-0.84	8.01E-01	-0.66	7.46E-01	-0.33	6.30E-01
ZNF488	-0.84	8.01E-01	-1.15	8.75E-01	-1.32	9.07E-01

GLIPR1L1	-0.84	8.01E-01	-0.81	7.92E-01	-1.15	8.76E-01
PLCG1	-0.84	8.01E-01	0.42	3.36E-01	-1.75	9.60E-01
ZC3H12A	-0.84	8.01E-01	-0.38	6.49E-01	-1.10	8.64E-01
CHAF1A	-0.84	8.01E-01	-1.02	8.47E-01	-0.68	7.53E-01
CLDN4	-0.84	8.01E-01	-0.32	6.26E-01	-0.27	6.05E-01
LYPD6	-0.84	8.01E-01	-1.24	8.92E-01	-1.27	8.97E-01
COL10A1	-0.84	8.01E-01	0.83	2.02E-01	-0.73	7.67E-01
SLC6A7	-0.84	8.01E-01	-0.95	8.29E-01	-1.25	8.95E-01
PROB1	-0.84	8.01E-01	-1.78	9.62E-01	-0.57	7.16E-01
MBD3L1	-0.84	8.01E-01	-0.20	5.80E-01	-1.03	8.48E-01
MESP2	-0.84	8.01E-01	-1.61	9.46E-01	-0.34	6.32E-01
PDK2	-0.84	8.01E-01	0.60	2.74E-01	-0.86	8.06E-01
TAOK3	-0.85	8.01E-01	-0.21	5.82E-01	-1.70	9.55E-01
WEE1	-0.85	8.01E-01	-0.15	5.59E-01	0.27	3.95E-01
IARS	-0.85	8.01E-01	-0.11	5.42E-01	-2.26	9.88E-01
PPP2R4	-0.85	8.01E-01	-0.22	5.88E-01	0.09	4.64E-01
LPPR3	-0.85	8.01E-01	-0.91	8.19E-01	-0.03	5.13E-01
GAL	-0.85	8.01E-01	-0.84	8.01E-01	-0.42	6.64E-01
NDUFAF6	-0.85	8.01E-01	-1.62	9.48E-01	-0.59	7.24E-01
LEUTX	-0.85	8.01E-01	0.47	3.19E-01	0.91	1.81E-01
CAPRIN1	-0.85	8.01E-01	-0.62	7.31E-01	-1.35	9.12E-01
KATNBL1	-0.85	8.01E-01	-1.48	9.30E-01	0.14	4.44E-01
RAET1E	-0.85	8.02E-01	-0.92	8.20E-01	0.13	4.47E-01
INPP5A	-0.85	8.02E-01	-1.06	8.55E-01	0.46	3.23E-01
CEP85	-0.85	8.02E-01	-1.50	9.33E-01	-0.38	6.46E-01
SIAE	-0.85	8.02E-01	-1.12	8.69E-01	-0.78	7.82E-01
GSDMC	-0.85	8.02E-01	-1.37	9.15E-01	-0.40	6.56E-01
NEURL2	-0.85	8.02E-01	-1.52	9.36E-01	-0.20	5.79E-01
NUDT8	-0.85	8.02E-01	-0.66	7.46E-01	-0.52	7.00E-01
NNAT	-0.85	8.02E-01	-2.92	9.98E-01	-0.65	7.44E-01
TRIM41	-0.85	8.02E-01	-1.43	9.23E-01	-0.09	5.35E-01

C1QTNF7	-0.85	8.02E-01	0.13	4.50E-01	-0.68	7.53E-01
LRP6	-0.85	8.02E-01	-1.14	8.74E-01	0.63	2.64E-01
IGSF9	-0.85	8.03E-01	-1.73	9.58E-01	0.62	2.68E-01
NLK	-0.85	8.03E-01	0.31	3.80E-01	-1.40	9.19E-01
SDC4	-0.85	8.03E-01	-0.58	7.18E-01	-1.27	8.98E-01
USP49	-0.85	8.03E-01	-1.22	8.89E-01	-1.24	8.92E-01
LPIN1	-0.85	8.03E-01	-0.76	7.78E-01	-1.03	8.47E-01
PCDH12	-0.85	8.03E-01	1.25	1.06E-01	-0.61	7.28E-01
CD83	-0.85	8.03E-01	0.87	1.91E-01	0.80	2.11E-01
TMEM132C	-0.85	8.03E-01	-0.47	6.81E-01	-0.89	8.12E-01
CORT	-0.85	8.03E-01	0.36	3.60E-01	1.61	5.39E-02
ARF6	-0.85	8.03E-01	-1.70	9.56E-01	-0.61	7.30E-01
NNT	-0.85	8.03E-01	-0.75	7.75E-01	-1.41	9.21E-01
NMNAT2	-0.85	8.03E-01	0.02	4.93E-01	-0.07	5.29E-01
TMOD1	-0.85	8.03E-01	-0.62	7.32E-01	0.90	1.85E-01
C12orf49	-0.85	8.03E-01	0.43	3.34E-01	-0.58	7.18E-01
FAM219B	-0.85	8.03E-01	-0.91	8.18E-01	0.32	3.76E-01
NLRP8	-0.85	8.03E-01	0.67	2.50E-01	-0.91	8.19E-01
SLC16A7	-0.85	8.03E-01	-0.60	7.26E-01	0.67	2.52E-01
CHP1	-0.85	8.03E-01	-0.52	6.99E-01	-1.68	9.53E-01
TMEM106A	-0.85	8.03E-01	-0.47	6.79E-01	0.30	3.81E-01
PM20D2	-0.85	8.03E-01	0.25	4.01E-01	1.10	1.36E-01
RPTOR	-0.85	8.03E-01	0.25	4.01E-01	0.04	4.86E-01
ZFP36L2	-0.85	8.03E-01	-1.69	9.54E-01	-0.47	6.80E-01
MED23	-0.85	8.03E-01	-1.11	8.67E-01	-1.25	8.94E-01
DOC2A	-0.85	8.03E-01	-0.69	7.54E-01	-0.08	5.33E-01
RC3H2	-0.85	8.03E-01	-0.14	5.56E-01	-2.21	9.86E-01
GNAT1	-0.85	8.04E-01	-0.70	7.59E-01	-1.34	9.10E-01
FAM49B	-0.85	8.04E-01	-0.40	6.57E-01	-0.89	8.13E-01
ZNF461	-0.86	8.04E-01	-0.15	5.58E-01	0.14	4.43E-01
SH2B3	-0.86	8.04E-01	-1.60	9.45E-01	-0.97	8.35E-01



HHEX	-0.86	8.04E-01	-0.89	8.12E-01	-1.24	8.92E-01
PPM1M	-0.86	8.04E-01	-2.02	9.78E-01	-0.24	5.96E-01
CENPP	-0.86	8.04E-01	0.27	3.92E-01	-1.71	9.56E-01
PYY	-0.86	8.04E-01	-0.31	6.22E-01	-1.79	9.63E-01
NFX1	-0.86	8.04E-01	0.64	2.61E-01	-0.24	5.93E-01
MRTO4	-0.86	8.04E-01	0.70	2.41E-01	-0.58	7.20E-01
CALR3	-0.86	8.04E-01	-0.66	7.45E-01	-1.18	8.80E-01
DUXA	-0.86	8.04E-01	0.30	3.83E-01	-1.11	8.67E-01
TMPPE	-0.86	8.04E-01	-0.53	7.03E-01	-0.53	7.04E-01
ZNF546	-0.86	8.04E-01	-1.20	8.84E-01	-0.14	5.55E-01
TYMP	-0.86	8.04E-01	-0.99	8.39E-01	-1.31	9.05E-01
SMAGP	-0.86	8.04E-01	-0.81	7.92E-01	0.65	2.58E-01
TIMM50	-0.86	8.04E-01	-0.56	7.13E-01	1.09	1.37E-01
YIPF5	-0.86	8.05E-01	-0.69	7.54E-01	-1.04	8.50E-01
CDCA2	-0.86	8.05E-01	0.28	3.90E-01	-0.99	8.38E-01
ZSWIM5	-0.86	8.05E-01	-0.05	5.21E-01	-0.72	7.65E-01
FOXA3	-0.86	8.05E-01	-0.69	7.55E-01	-0.70	7.58E-01
DNHD1	-0.86	8.05E-01	-0.42	6.62E-01	-1.38	9.17E-01
LTB4R2	-0.86	8.05E-01	-0.81	7.90E-01	-2.21	9.86E-01
PLEK	-0.86	8.05E-01	0.37	3.55E-01	-0.71	7.61E-01
NEDD4	-0.86	8.05E-01	-1.27	8.98E-01	-0.53	7.03E-01
CES5A	-0.86	8.05E-01	0.04	4.85E-01	-1.98	9.76E-01
CDK20	-0.86	8.05E-01	0.34	3.66E-01	-0.23	5.91E-01
NPBWR1	-0.86	8.05E-01	0.11	4.56E-01	0.29	3.87E-01
ST3GAL1	-0.86	8.05E-01	-1.73	9.58E-01	-0.23	5.92E-01
ILF3	-0.86	8.05E-01	0.33	3.70E-01	-0.83	7.98E-01
MT1E	-0.86	8.05E-01	0.74	2.29E-01	-0.51	6.95E-01
CCNK	-0.86	8.05E-01	0.33	3.69E-01	-0.84	7.99E-01
OAZ3	-0.86	8.05E-01	-0.08	5.30E-01	-1.33	9.08E-01
NR2C1	-0.86	8.05E-01	-0.12	5.48E-01	-0.92	8.21E-01
HAS3	-0.86	8.05E-01	-0.65	7.43E-01	-0.56	7.11E-01

SIRPG	-0.86	8.05E-01	-0.62	7.32E-01	0.08	4.69E-01
MPP3	-0.86	8.05E-01	-0.53	7.01E-01	-1.28	9.00E-01
IGSF10	-0.86	8.06E-01	1.34	8.99E-02	0.12	4.50E-01
DRAM2	-0.86	8.06E-01	-1.25	8.94E-01	-0.43	6.67E-01
EVI5	-0.86	8.06E-01	-1.01	8.44E-01	-1.11	8.66E-01
CD9	-0.86	8.06E-01	-0.86	8.06E-01	-0.77	7.80E-01
MTA2	-0.86	8.06E-01	0.63	2.63E-01	-0.07	5.26E-01
S1PR1	-0.86	8.06E-01	-0.98	8.36E-01	-1.18	8.82E-01
SAP130	-0.86	8.06E-01	-0.46	6.78E-01	-0.53	7.01E-01
ZNF710	-0.86	8.06E-01	-0.29	6.15E-01	-0.57	7.15E-01
FXVD6	-0.86	8.06E-01	-0.66	7.46E-01	-0.95	8.29E-01
ASPN	-0.86	8.06E-01	0.24	4.06E-01	-1.32	9.06E-01
MTRNR2L9	-0.86	8.06E-01	0.20	4.22E-01	-0.28	6.09E-01
IRF2BP2	-0.86	8.06E-01	-0.64	7.40E-01	-1.50	9.34E-01
IAPP	-0.86	8.06E-01	-0.66	7.47E-01	-2.46	9.93E-01
GJA8	-0.86	8.06E-01	-0.92	8.21E-01	-0.14	5.56E-01
FGD3	-0.86	8.06E-01	-0.34	6.35E-01	0.72	2.36E-01
ZNF727	-0.86	8.06E-01	-0.86	8.04E-01	0.69	2.45E-01
AARS2	-0.86	8.06E-01	-0.47	6.80E-01	-2.29	9.89E-01
CLEC1A	-0.86	8.06E-01	1.93	2.65E-02	1.67	4.73E-02
GFPT1	-0.86	8.06E-01	0.79	2.14E-01	0.70	2.43E-01
SCN8A	-0.87	8.07E-01	-1.28	9.00E-01	-1.11	8.67E-01
MTTP	-0.87	8.07E-01	-1.35	9.11E-01	-0.04	5.15E-01
LCE3E	-0.87	8.07E-01	-0.99	8.38E-01	-0.17	5.68E-01
KRT74	-0.87	8.07E-01	-1.76	9.61E-01	0.40	3.45E-01
RBL2	-0.87	8.07E-01	0.81	2.08E-01	0.72	2.35E-01
UNC45B	-0.87	8.07E-01	-0.75	7.73E-01	0.28	3.88E-01
KRTDAP	-0.87	8.07E-01	-2.71	9.97E-01	0.26	3.98E-01
S100A1	-0.87	8.07E-01	-0.96	8.32E-01	-0.82	7.94E-01
ACAD11	-0.87	8.07E-01	-0.17	5.66E-01	-0.75	7.74E-01
C1orf170	-0.87	8.07E-01	-0.99	8.39E-01	-1.36	9.13E-01

NR4A2	-0.87	8.07E-01	0.41	3.41E-01	-1.16	8.77E-01
C12orf4	-0.87	8.07E-01	0.54	2.93E-01	-0.10	5.39E-01
HMMR	-0.87	8.07E-01	-0.69	7.56E-01	-1.17	8.78E-01
DHX57	-0.87	8.08E-01	-0.48	6.86E-01	-0.60	7.24E-01
CXCL3	-0.87	8.08E-01	-0.57	7.17E-01	-0.11	5.44E-01
RBP2	-0.87	8.08E-01	1.79	3.67E-02	0.84	2.01E-01
SLC1A5	-0.87	8.08E-01	-0.92	8.21E-01	1.20	1.15E-01
CASQ2	-0.87	8.08E-01	-1.00	8.42E-01	-0.42	6.64E-01
TTC12	-0.87	8.08E-01	-1.43	9.24E-01	-0.73	7.68E-01
DTNBP1	-0.87	8.08E-01	-0.57	7.15E-01	-0.91	8.20E-01
AMIGO3	-0.87	8.08E-01	-1.33	9.08E-01	0.41	3.41E-01
GMPPB	-0.87	8.08E-01	-1.33	9.08E-01	0.41	3.41E-01
CHMP4B	-0.87	8.08E-01	0.15	4.41E-01	-0.70	7.57E-01
SMR3B	-0.87	8.08E-01	-1.32	9.07E-01	-0.79	7.85E-01
CENPN	-0.87	8.08E-01	-1.31	9.06E-01	-0.64	7.40E-01
TMEM247	-0.87	8.08E-01	-1.16	8.76E-01	-1.23	8.91E-01
KCNK1	-0.87	8.08E-01	-1.86	9.69E-01	-0.48	6.86E-01
KCNIP1	-0.87	8.08E-01	-0.28	6.10E-01	-0.92	8.22E-01
ZNF439	-0.87	8.08E-01	-0.10	5.39E-01	1.35	8.86E-02
ZNF778	-0.87	8.08E-01	-1.01	8.43E-01	-1.42	9.22E-01
ID2	-0.87	8.08E-01	-0.23	5.90E-01	-0.35	6.36E-01
RIC8B	-0.87	8.08E-01	0.01	4.94E-01	-0.61	7.28E-01
SERPINB3	-0.87	8.08E-01	-2.61	9.96E-01	-0.18	5.71E-01
PARM1	-0.87	8.08E-01	0.49	3.13E-01	-1.09	8.62E-01
ATF2	-0.87	8.08E-01	-0.68	7.52E-01	-2.20	9.86E-01
BCL2L14	-0.87	8.09E-01	-0.59	7.22E-01	-0.06	5.24E-01
THNSL1	-0.87	8.09E-01	1.00	1.58E-01	1.65	4.99E-02
C19orf18	-0.87	8.09E-01	-0.41	6.58E-01	0.53	2.97E-01
TMEM194B	-0.87	8.09E-01	-0.65	7.42E-01	-0.24	5.97E-01
PTRH2	-0.87	8.09E-01	-1.82	9.66E-01	-0.47	6.82E-01
MRPL33	-0.87	8.09E-01	-0.91	8.19E-01	-0.40	6.54E-01

CTSA	-0.87	8.09E-01	-0.98	8.37E-01	-0.93	8.23E-01
EIF3M	-0.87	8.09E-01	1.04	1.49E-01	1.97	2.43E-02
SFTPB	-0.87	8.09E-01	-1.53	9.38E-01	0.36	3.60E-01
MTMR14	-0.87	8.09E-01	-0.45	6.72E-01	0.50	3.08E-01
SRD5A1	-0.87	8.09E-01	-0.48	6.83E-01	-1.48	9.31E-01
IL12A	-0.87	8.09E-01	0.15	4.39E-01	-1.35	9.11E-01
TMEM55B	-0.87	8.09E-01	-1.22	8.88E-01	-1.04	8.51E-01
RSPO3	-0.88	8.09E-01	0.16	4.38E-01	-0.38	6.50E-01
UFC1	-0.88	8.09E-01	1.39	8.25E-02	0.68	2.49E-01
SUMO2	-0.88	8.09E-01	0.35	3.65E-01	-1.13	8.71E-01
ZCCHC7	-0.88	8.09E-01	-1.52	9.36E-01	-0.21	5.84E-01
ISCA2	-0.88	8.09E-01	1.50	6.66E-02	1.92	2.73E-02
KCNT1	-0.88	8.10E-01	-1.97	9.76E-01	0.09	4.63E-01
PSG2	-0.88	8.10E-01	0.18	4.28E-01	0.35	3.64E-01
NXPH4	-0.88	8.10E-01	-0.95	8.28E-01	-0.96	8.31E-01
OR51Q1	-0.88	8.10E-01	0.43	3.33E-01	0.70	2.42E-01
ZNF484	-0.88	8.10E-01	-1.52	9.36E-01	-1.07	8.57E-01
SLC43A2	-0.88	8.10E-01	-1.05	8.54E-01	0.91	1.82E-01
ADORA1	-0.88	8.10E-01	-0.56	7.13E-01	-0.66	7.46E-01
RPS16	-0.88	8.10E-01	-0.37	6.44E-01	0.95	1.71E-01
PRKAB2	-0.88	8.10E-01	1.35	8.79E-02	1.37	8.49E-02
PAGR1	-0.88	8.10E-01	-0.71	7.61E-01	-1.09	8.63E-01
FAM86A	-0.88	8.10E-01	0.09	4.63E-01	0.42	3.36E-01
NLE1	-0.88	8.10E-01	-2.27	9.88E-01	-0.55	7.08E-01
TOMM40	-0.88	8.10E-01	-0.89	8.12E-01	-1.32	9.07E-01
C11orf42	-0.88	8.10E-01	-0.67	7.48E-01	-0.44	6.69E-01
TMEM69	-0.88	8.10E-01	0.67	2.52E-01	0.40	3.46E-01
PKP2	-0.88	8.10E-01	-0.68	7.53E-01	-0.95	8.30E-01
TMEM56-RWDD3	-0.88	8.10E-01	0.07	4.74E-01	-0.57	7.14E-01
PUS7L	-0.88	8.10E-01	0.14	4.46E-01	-1.25	8.95E-01
FBXO17	-0.88	8.10E-01	-0.39	6.53E-01	-1.15	8.75E-01

ANKRD34C	-0.88	8.10E-01	-0.58	7.19E-01	-0.70	7.59E-01
LYPD1	-0.88	8.11E-01	-0.48	6.86E-01	-1.41	9.21E-01
PRDM5	-0.88	8.11E-01	-0.72	7.63E-01	-1.04	8.50E-01
PRR23C	-0.88	8.11E-01	-0.33	6.30E-01	0.50	3.09E-01
LPHN1	-0.88	8.11E-01	-0.38	6.47E-01	-1.17	8.79E-01
TASP1	-0.88	8.11E-01	-1.43	9.23E-01	-1.07	8.58E-01
SLC9A3	-0.88	8.11E-01	0.16	4.35E-01	-0.96	8.32E-01
DNM2	-0.88	8.11E-01	-0.21	5.85E-01	-0.21	5.85E-01
RNF115	-0.88	8.11E-01	-0.57	7.16E-01	-1.48	9.31E-01
OR4C13	-0.88	8.11E-01	-1.19	8.84E-01	-0.49	6.87E-01
CBX1	-0.88	8.11E-01	0.93	1.76E-01	1.76	3.93E-02
NTSR2	-0.88	8.11E-01	0.80	2.11E-01	-0.50	6.93E-01
ZCCHC8	-0.88	8.11E-01	-0.32	6.25E-01	-0.82	7.93E-01
TMEM63A	-0.88	8.11E-01	-1.29	9.01E-01	0.40	3.46E-01
TCEANC2	-0.88	8.11E-01	0.04	4.83E-01	-0.31	6.22E-01
GRB2	-0.88	8.11E-01	-0.43	6.65E-01	0.41	3.42E-01
ZFYVE27	-0.88	8.11E-01	-1.53	9.38E-01	-0.27	6.06E-01
CYB5R4	-0.88	8.11E-01	-0.34	6.31E-01	0.77	2.21E-01
IGFBPL1	-0.88	8.11E-01	0.00	4.99E-01	-1.39	9.18E-01
XPA	-0.88	8.11E-01	-0.67	7.49E-01	-0.04	5.15E-01
AP1G2	-0.88	8.11E-01	-0.17	5.66E-01	-0.51	6.95E-01
TRAPPC2P1	-0.88	8.11E-01	-1.47	9.29E-01	0.42	3.36E-01
SEMA3G	-0.88	8.11E-01	0.25	4.01E-01	-0.56	7.12E-01
IGFBP4	-0.88	8.11E-01	-0.84	8.00E-01	-0.05	5.18E-01
C1orf147	-0.88	8.12E-01	-1.68	9.54E-01	-0.31	6.22E-01
SNCA	-0.88	8.12E-01	-1.77	9.62E-01	-0.34	6.34E-01
G3BP2	-0.88	8.12E-01	1.11	1.34E-01	2.03	2.13E-02
PPAPDC3	-0.88	8.12E-01	-0.85	8.01E-01	-0.88	8.10E-01
OR9Q2	-0.88	8.12E-01	-0.36	6.40E-01	-1.55	9.39E-01
SIRPB1	-0.88	8.12E-01	0.13	4.47E-01	-1.94	9.74E-01
PRICKLE4	-0.88	8.12E-01	-0.73	7.68E-01	-1.72	9.57E-01

MLF1	-0.89	8.12E-01	0.48	3.14E-01	-0.98	8.36E-01
ECHDC3	-0.89	8.12E-01	-0.49	6.89E-01	-0.62	7.32E-01
SPAG4	-0.89	8.12E-01	-2.94	9.98E-01	-0.48	6.84E-01
LRRC16A	-0.89	8.12E-01	-0.53	7.02E-01	-0.68	7.52E-01
GRIN2C	-0.89	8.12E-01	0.04	4.84E-01	-0.77	7.79E-01
EVI5L	-0.89	8.12E-01	-0.89	8.14E-01	0.75	2.27E-01
PNMT	-0.89	8.12E-01	0.14	4.43E-01	-1.01	8.43E-01
PFKFB4	-0.89	8.13E-01	0.75	2.25E-01	0.23	4.11E-01
NPAT	-0.89	8.13E-01	-0.69	7.56E-01	-0.81	7.91E-01
ZNF682	-0.89	8.13E-01	-0.60	7.26E-01	-0.99	8.39E-01
OR2L8	-0.89	8.13E-01	-0.83	7.97E-01	-1.50	9.33E-01
DENND2D	-0.89	8.13E-01	-1.29	9.02E-01	-0.92	8.22E-01
FBLN1	-0.89	8.13E-01	-1.29	9.02E-01	-0.39	6.51E-01
SFRP1	-0.89	8.13E-01	-0.69	7.56E-01	-0.32	6.26E-01
ZDHHHC17	-0.89	8.13E-01	-0.79	7.86E-01	-0.37	6.44E-01
KCNK17	-0.89	8.13E-01	-0.88	8.11E-01	-0.40	6.56E-01
IGFALS	-0.89	8.13E-01	-0.44	6.71E-01	-0.06	5.23E-01
OR1S1	-0.89	8.13E-01	-0.70	7.58E-01	-0.02	5.10E-01
COG7	-0.89	8.13E-01	0.58	2.80E-01	0.57	2.85E-01
EEF1A2	-0.89	8.13E-01	-1.14	8.72E-01	-0.60	7.27E-01
MRE11A	-0.89	8.14E-01	-0.86	8.06E-01	-0.47	6.80E-01
ANO1	-0.89	8.14E-01	-1.56	9.40E-01	0.11	4.56E-01
KCTD13	-0.89	8.14E-01	-0.89	8.14E-01	-0.36	6.42E-01
CEBPA	-0.89	8.14E-01	0.22	4.13E-01	-0.20	5.78E-01
RMND5A	-0.89	8.14E-01	0.05	4.80E-01	1.07	1.43E-01
TMEM74B	-0.89	8.14E-01	0.63	2.63E-01	1.95	2.57E-02
MNDA	-0.89	8.14E-01	-0.91	8.20E-01	-1.28	9.00E-01
NEBL	-0.89	8.14E-01	-0.58	7.20E-01	-0.20	5.78E-01
STMN1	-0.89	8.14E-01	-0.96	8.30E-01	-0.36	6.42E-01
TTC7A	-0.89	8.14E-01	-1.02	8.46E-01	-1.12	8.69E-01
FGFR3	-0.89	8.14E-01	-0.46	6.77E-01	-0.70	7.59E-01

POLR1E	-0.89	8.14E-01	-0.59	7.22E-01	-1.41	9.21E-01
TMEM88	-0.89	8.14E-01	-0.18	5.71E-01	0.83	2.02E-01
AHRR	-0.89	8.14E-01	0.12	4.52E-01	0.04	4.82E-01
GXYLT1	-0.89	8.14E-01	0.17	4.31E-01	-1.12	8.69E-01
FAM149B1	-0.89	8.14E-01	-0.96	8.32E-01	-0.66	7.44E-01
RAPGEF4	-0.89	8.14E-01	-1.18	8.82E-01	-0.70	7.57E-01
ENO3	-0.89	8.14E-01	0.75	2.27E-01	1.23	1.09E-01
WDFY3	-0.89	8.14E-01	-0.20	5.80E-01	-0.20	5.78E-01
ILDR1	-0.89	8.15E-01	-0.87	8.07E-01	-0.02	5.06E-01
TEKT1	-0.89	8.15E-01	1.07	1.43E-01	-0.04	5.15E-01
SLC24A5	-0.89	8.15E-01	0.20	4.20E-01	0.80	2.12E-01
RBM18	-0.90	8.15E-01	-0.61	7.29E-01	-0.53	7.01E-01
DNAJC5G	-0.90	8.15E-01	-0.94	8.25E-01	0.15	4.40E-01
SARS2	-0.90	8.15E-01	-0.46	6.77E-01	-1.78	9.63E-01
PPP1R13L	-0.90	8.15E-01	-0.31	6.23E-01	-0.25	5.99E-01
EREG	-0.90	8.15E-01	-0.44	6.69E-01	0.09	4.63E-01
CTH	-0.90	8.15E-01	-0.92	8.22E-01	0.00	5.00E-01
SREK1IP1	-0.90	8.15E-01	-1.47	9.29E-01	-0.33	6.29E-01
GOLGA7	-0.90	8.15E-01	0.71	2.39E-01	-0.06	5.25E-01
ECM2	-0.90	8.15E-01	0.25	4.01E-01	-1.66	9.51E-01
ALK	-0.90	8.15E-01	-1.10	8.65E-01	-0.73	7.68E-01
C1orf122	-0.90	8.15E-01	-1.73	9.58E-01	-0.74	7.69E-01
GALNTL6	-0.90	8.15E-01	-0.59	7.22E-01	-1.64	9.50E-01
ADAM7	-0.90	8.15E-01	-1.64	9.50E-01	-0.06	5.24E-01
RPL26L1	-0.90	8.15E-01	-0.38	6.46E-01	0.02	4.91E-01
SGIP1	-0.90	8.15E-01	0.59	2.77E-01	0.93	1.76E-01
CAPSL	-0.90	8.15E-01	0.53	2.99E-01	0.78	2.17E-01
PLAGL1	-0.90	8.15E-01	-0.03	5.11E-01	0.09	4.66E-01
POLD1	-0.90	8.16E-01	0.05	4.78E-01	-0.14	5.55E-01
UBE2Z	-0.90	8.16E-01	-1.23	8.91E-01	-1.30	9.03E-01
FAM209A	-0.90	8.16E-01	-1.63	9.48E-01	0.27	3.92E-01

SV2C	-0.90	8.16E-01	-0.84	8.01E-01	-0.57	7.14E-01
IKZF3	-0.90	8.16E-01	-0.87	8.09E-01	-1.21	8.87E-01
RIPPLY2	-0.90	8.16E-01	-0.21	5.82E-01	0.73	2.32E-01
DQX1	-0.90	8.16E-01	-1.88	9.70E-01	0.19	4.25E-01
CXCL16	-0.90	8.16E-01	-0.67	7.48E-01	0.63	2.63E-01
C19orf84	-0.90	8.16E-01	-0.23	5.90E-01	-0.33	6.29E-01
LRR1	-0.90	8.16E-01	-0.89	8.14E-01	-0.67	7.48E-01
ACP6	-0.90	8.16E-01	-0.14	5.56E-01	0.30	3.82E-01
PDCL2	-0.90	8.17E-01	-1.07	8.57E-01	0.07	4.74E-01
HELZ	-0.90	8.17E-01	-1.25	8.95E-01	-0.56	7.12E-01
CAMSAP2	-0.90	8.17E-01	-0.09	5.35E-01	0.89	1.87E-01
GLIPR1L2	-0.90	8.17E-01	-0.82	7.93E-01	-0.64	7.37E-01
PPHLN1	-0.90	8.17E-01	0.04	4.85E-01	-0.43	6.66E-01
CPLX4	-0.90	8.17E-01	-0.15	5.60E-01	-1.66	9.51E-01
TBC1D17	-0.90	8.17E-01	0.63	2.65E-01	-0.32	6.24E-01
FKBP1A	-0.90	8.17E-01	-0.51	6.95E-01	-1.17	8.78E-01
CENPF	-0.90	8.17E-01	1.02	1.54E-01	-0.33	6.30E-01
ACR	-0.90	8.17E-01	-0.52	6.99E-01	-2.54	9.94E-01
SEC14L2	-0.90	8.17E-01	-0.38	6.47E-01	-1.16	8.76E-01
RWDD1	-0.90	8.17E-01	1.01	1.56E-01	-0.52	7.00E-01
AC022431.2	-0.90	8.17E-01	-1.03	8.49E-01	-1.56	9.41E-01
ZC3H7B	-0.90	8.17E-01	-0.44	6.70E-01	-0.75	7.72E-01
PRELID1	-0.90	8.17E-01	0.10	4.59E-01	-0.29	6.16E-01
WDR3	-0.91	8.17E-01	-0.10	5.38E-01	-1.46	9.28E-01
PDCD6	-0.91	8.17E-01	0.08	4.68E-01	-0.03	5.11E-01
ZNF812	-0.91	8.17E-01	-0.84	8.01E-01	-0.19	5.77E-01
SRSF6	-0.91	8.17E-01	0.46	3.24E-01	-1.03	8.48E-01
MAGOH	-0.91	8.17E-01	1.33	9.14E-02	1.07	1.41E-01
CHAMP1	-0.91	8.17E-01	0.40	3.44E-01	0.92	1.79E-01
CHRNA	-0.91	8.17E-01	-1.36	9.13E-01	-0.52	6.97E-01
CMA1	-0.91	8.17E-01	-0.43	6.66E-01	-1.54	9.38E-01



LRP3	-0.91	8.17E-01	-0.62	7.33E-01	-1.21	8.86E-01
RBFA	-0.91	8.17E-01	-0.69	7.56E-01	-0.10	5.39E-01
TULP1	-0.91	8.17E-01	-1.78	9.63E-01	0.26	3.96E-01
NTF3	-0.91	8.17E-01	-1.52	9.36E-01	-0.83	7.97E-01
TNFSF15	-0.91	8.17E-01	-0.50	6.91E-01	-1.12	8.69E-01
ADAMTS4	-0.91	8.18E-01	-0.18	5.70E-01	-0.47	6.81E-01
ZNF808	-0.91	8.18E-01	0.83	2.04E-01	1.46	7.16E-02
KLHL20	-0.91	8.18E-01	0.34	3.69E-01	-0.77	7.78E-01
LENG1	-0.91	8.18E-01	-2.52	9.94E-01	0.31	3.77E-01
C4BPB	-0.91	8.18E-01	-1.27	8.97E-01	-0.79	7.86E-01
STON2	-0.91	8.18E-01	0.27	3.92E-01	-1.61	9.47E-01
GCNT7	-0.91	8.18E-01	-1.58	9.42E-01	0.14	4.46E-01
KRT14	-0.91	8.18E-01	-0.47	6.81E-01	-0.86	8.05E-01
RPH3A	-0.91	8.18E-01	-0.69	7.56E-01	-0.09	5.36E-01
HTR3D	-0.91	8.18E-01	0.58	2.81E-01	0.63	2.65E-01
METTL2A	-0.91	8.18E-01	-0.16	5.65E-01	0.26	3.97E-01
OR10H3	-0.91	8.18E-01	-0.45	6.74E-01	-1.25	8.94E-01
LMTK2	-0.91	8.18E-01	-0.42	6.64E-01	-0.46	6.76E-01
ZNF354B	-0.91	8.18E-01	1.18	1.18E-01	0.74	2.29E-01
WNT3A	-0.91	8.18E-01	-0.42	6.61E-01	-0.82	7.93E-01
PCGF5	-0.91	8.18E-01	0.01	4.96E-01	-0.76	7.77E-01
CLK2	-0.91	8.18E-01	-0.21	5.83E-01	-0.43	6.67E-01
EEF1G	-0.91	8.18E-01	0.47	3.18E-01	-0.01	5.06E-01
CD69	-0.91	8.18E-01	0.23	4.09E-01	0.09	4.64E-01
CES3	-0.91	8.19E-01	-1.36	9.12E-01	1.51	6.56E-02
PHAX	-0.91	8.19E-01	-0.80	7.89E-01	-0.09	5.36E-01
IL26	-0.91	8.19E-01	-1.40	9.19E-01	-1.49	9.33E-01
PTEN	-0.91	8.19E-01	-0.66	7.44E-01	-1.46	9.28E-01
ZNF665	-0.91	8.19E-01	-1.21	8.88E-01	-0.90	8.15E-01
RRP8	-0.91	8.19E-01	-0.61	7.30E-01	0.73	2.32E-01
TNPO1	-0.91	8.19E-01	-0.39	6.52E-01	-0.80	7.89E-01

DDX60	-0.91	8.19E-01	0.84	2.02E-01	-0.46	6.78E-01
PPIA	-0.91	8.19E-01	-1.22	8.89E-01	0.05	4.78E-01
CANX	-0.91	8.19E-01	-0.29	6.15E-01	-2.04	9.80E-01
HNRNPK	-0.91	8.19E-01	0.37	3.56E-01	2.33	9.93E-03
TINAG	-0.91	8.19E-01	-1.60	9.45E-01	-1.11	8.67E-01
INTS10	-0.91	8.19E-01	1.62	5.30E-02	0.50	3.09E-01
PXDNL	-0.91	8.19E-01	-0.87	8.08E-01	-0.51	6.94E-01
S1PR5	-0.91	8.20E-01	-0.14	5.58E-01	-0.69	7.56E-01
CCDC11	-0.91	8.20E-01	0.30	3.81E-01	-0.08	5.32E-01
SPOCK3	-0.91	8.20E-01	-1.37	9.15E-01	-0.16	5.64E-01
PGAP2	-0.91	8.20E-01	0.01	4.95E-01	-0.49	6.88E-01
MZB1	-0.91	8.20E-01	-0.25	6.01E-01	-0.84	8.00E-01
ECHDC1	-0.91	8.20E-01	-0.88	8.11E-01	-0.20	5.79E-01
ULBP2	-0.91	8.20E-01	-0.69	7.54E-01	-0.82	7.94E-01
TBC1D22A	-0.91	8.20E-01	-0.46	6.78E-01	0.88	1.90E-01
FMNL1	-0.91	8.20E-01	-2.00	9.78E-01	-0.74	7.70E-01
INCA1	-0.92	8.20E-01	0.87	1.91E-01	0.52	3.00E-01
PRR19	-0.92	8.20E-01	-0.36	6.42E-01	0.00	4.99E-01
RNF185	-0.92	8.20E-01	-1.07	8.58E-01	-0.88	8.09E-01
PSMF1	-0.92	8.20E-01	-0.97	8.35E-01	-1.45	9.26E-01
FAM84B	-0.92	8.20E-01	0.24	4.05E-01	-0.28	6.09E-01
UGT1A9	-0.92	8.20E-01	-0.53	7.02E-01	-0.24	5.94E-01
CSHL1	-0.92	8.20E-01	-0.60	7.25E-01	-1.09	8.61E-01
CYP4F31P	-0.92	8.20E-01	-0.32	6.25E-01	0.18	4.29E-01
L3MBTL4	-0.92	8.20E-01	-0.55	7.09E-01	-1.35	9.12E-01
DLEC1	-0.92	8.20E-01	-0.68	7.52E-01	-0.51	6.96E-01
ARFGAP3	-0.92	8.20E-01	-0.42	6.62E-01	-0.24	5.95E-01
C1orf109	-0.92	8.20E-01	-0.73	7.67E-01	-0.09	5.36E-01
CNOT8	-0.92	8.20E-01	0.26	3.98E-01	0.78	2.17E-01
POMT1	-0.92	8.20E-01	0.78	2.17E-01	1.82	3.48E-02
TM9SF4	-0.92	8.20E-01	0.93	1.77E-01	2.21	1.35E-02

ESF1	-0.92	8.20E-01	-1.08	8.60E-01	-0.02	5.08E-01
PLXDC2	-0.92	8.20E-01	-0.06	5.23E-01	-0.09	5.38E-01
ACAP2	-0.92	8.21E-01	-0.25	5.98E-01	-0.06	5.25E-01
GFI1B	-0.92	8.21E-01	0.06	4.78E-01	-0.05	5.21E-01
C1orf192	-0.92	8.21E-01	-0.50	6.91E-01	-0.71	7.62E-01
LOH12CR2	-0.92	8.21E-01	-0.95	8.30E-01	-1.93	9.73E-01
ABHD17C	-0.92	8.21E-01	-0.03	5.12E-01	1.09	1.38E-01
RASSF4	-0.92	8.21E-01	0.14	4.46E-01	-0.63	7.37E-01
MROH9	-0.92	8.21E-01	0.72	2.35E-01	-0.73	7.67E-01
NCKAP1	-0.92	8.21E-01	-1.57	9.41E-01	-0.86	8.04E-01
DYSF	-0.92	8.21E-01	-0.42	6.62E-01	0.92	1.78E-01
HOXB2	-0.92	8.21E-01	0.53	2.97E-01	0.93	1.76E-01
REG1A	-0.92	8.21E-01	-0.76	7.78E-01	-0.30	6.16E-01
SENP7	-0.92	8.21E-01	0.67	2.52E-01	-0.09	5.37E-01
CDH11	-0.92	8.21E-01	0.08	4.67E-01	-2.29	9.89E-01
C16orf90	-0.92	8.21E-01	0.39	3.48E-01	-0.57	7.16E-01
CXXC1	-0.92	8.22E-01	-0.08	5.31E-01	-1.13	8.70E-01
ZNF486	-0.92	8.22E-01	-1.20	8.84E-01	-0.90	8.16E-01
NACAD	-0.92	8.22E-01	1.38	8.35E-02	0.97	1.65E-01
C19orf53	-0.92	8.22E-01	0.08	4.66E-01	0.14	4.46E-01
FHL5	-0.92	8.22E-01	-0.53	7.03E-01	0.35	3.61E-01
GLTP	-0.92	8.22E-01	-1.39	9.18E-01	-0.39	6.53E-01
ANKRD13A	-0.92	8.22E-01	-1.59	9.44E-01	-0.68	7.53E-01
AVPR1B	-0.92	8.22E-01	-0.76	7.77E-01	-0.10	5.41E-01
ST6GALNAC5	-0.92	8.22E-01	-0.54	7.06E-01	-0.17	5.67E-01
MAP6D1	-0.92	8.22E-01	1.00	1.59E-01	2.17	1.48E-02
PKD1	-0.92	8.22E-01	-0.91	8.19E-01	0.02	4.92E-01
TRPM8	-0.92	8.22E-01	-0.29	6.13E-01	-0.68	7.51E-01
IRX1	-0.93	8.23E-01	-0.04	5.15E-01	0.69	2.46E-01
MS4A15	-0.93	8.23E-01	-0.16	5.65E-01	-0.24	5.95E-01
ST8SIA1	-0.93	8.23E-01	-1.06	8.57E-01	-1.33	9.09E-01

PSAT1	-0.93	8.23E-01	-1.29	9.01E-01	-0.14	5.56E-01
RFC3	-0.93	8.23E-01	0.08	4.68E-01	1.70	4.44E-02
E2F8	-0.93	8.23E-01	-0.36	6.42E-01	-2.39	9.91E-01
KLF11	-0.93	8.23E-01	-0.87	8.07E-01	-1.07	8.58E-01
C2orf54	-0.93	8.23E-01	0.61	2.72E-01	2.06	1.98E-02
XCL1	-0.93	8.23E-01	-0.55	7.08E-01	-0.09	5.36E-01
HBD	-0.93	8.23E-01	-0.85	8.02E-01	-1.38	9.17E-01
RIAD1	-0.93	8.23E-01	0.09	4.62E-01	-1.45	9.27E-01
DENND6A	-0.93	8.23E-01	-0.26	6.03E-01	0.00	4.98E-01
ABCC6	-0.93	8.24E-01	0.89	1.88E-01	-1.15	8.76E-01
SCO2	-0.93	8.24E-01	-1.09	8.63E-01	-0.57	7.15E-01
SDHAF2	-0.93	8.24E-01	-0.32	6.26E-01	-0.90	8.15E-01
SERPINC1	-0.93	8.24E-01	0.76	2.23E-01	0.32	3.76E-01
TMEM44	-0.93	8.24E-01	1.21	1.13E-01	0.35	3.64E-01
PRDM16	-0.93	8.24E-01	-0.39	6.53E-01	-0.49	6.88E-01
PTPN18	-0.93	8.24E-01	-0.10	5.38E-01	0.26	3.98E-01
NCAPH2	-0.93	8.24E-01	-0.69	7.56E-01	0.76	2.24E-01
NEK7	-0.93	8.24E-01	0.26	3.97E-01	1.84	3.32E-02
RPAP3	-0.93	8.24E-01	0.48	3.17E-01	-1.01	8.44E-01
PPM1K	-0.93	8.24E-01	-0.33	6.29E-01	-0.39	6.53E-01
PCSK9	-0.93	8.24E-01	-1.01	8.45E-01	-0.57	7.15E-01
PCED1A	-0.93	8.24E-01	-1.59	9.44E-01	-1.05	8.54E-01
PPM1D	-0.93	8.24E-01	-1.57	9.42E-01	-0.71	7.62E-01
CHRM3	-0.93	8.24E-01	-0.83	7.98E-01	-1.72	9.57E-01
GHSR	-0.93	8.24E-01	0.53	2.97E-01	-0.06	5.23E-01
TRAP1	-0.93	8.24E-01	-0.37	6.45E-01	-1.22	8.89E-01
MTRNR2L5	-0.93	8.24E-01	0.59	2.77E-01	1.63	5.12E-02
CREB3L3	-0.93	8.25E-01	-0.74	7.70E-01	-0.17	5.66E-01
NUP85	-0.93	8.25E-01	0.14	4.43E-01	-0.84	7.99E-01
DHH	-0.93	8.25E-01	-1.14	8.73E-01	-1.34	9.09E-01
RP11-321F6.1	-0.93	8.25E-01	-0.60	7.25E-01	-0.56	7.11E-01

COL5A1	-0.93	8.25E-01	0.72	2.37E-01	-0.25	6.00E-01
WDR89	-0.93	8.25E-01	-1.47	9.29E-01	-0.91	8.18E-01
SPATS1	-0.93	8.25E-01	0.33	3.72E-01	-0.46	6.77E-01
OTOF	-0.93	8.25E-01	-0.63	7.37E-01	-0.01	5.04E-01
RTN4R	-0.93	8.25E-01	-0.80	7.89E-01	-0.02	5.07E-01
MAN1B1	-0.94	8.25E-01	-1.30	9.02E-01	-0.73	7.67E-01
SIAH2	-0.94	8.25E-01	-0.34	6.33E-01	0.64	2.62E-01
LHB	-0.94	8.25E-01	0.53	2.99E-01	-0.35	6.36E-01
SIRT5	-0.94	8.25E-01	-1.39	9.18E-01	-0.62	7.33E-01
KIAA1009	-0.94	8.25E-01	-0.31	6.20E-01	-1.12	8.68E-01
ERICH2	-0.94	8.25E-01	-0.99	8.38E-01	0.08	4.67E-01
TRAPPC3L	-0.94	8.25E-01	-0.13	5.52E-01	-0.15	5.58E-01
ITPR2	-0.94	8.25E-01	0.15	4.42E-01	-1.91	9.72E-01
MT3	-0.94	8.26E-01	-0.60	7.25E-01	-0.71	7.62E-01
PLEKHH1	-0.94	8.26E-01	-0.23	5.91E-01	-1.63	9.48E-01
OR9A2	-0.94	8.26E-01	-1.54	9.39E-01	-0.55	7.08E-01
DOC2B	-0.94	8.26E-01	0.16	4.38E-01	0.99	1.60E-01
BIVM	-0.94	8.26E-01	-0.24	5.93E-01	-0.33	6.28E-01
SLCO1C1	-0.94	8.26E-01	0.18	4.28E-01	0.47	3.19E-01
CCDC167	-0.94	8.26E-01	-1.14	8.72E-01	0.88	1.91E-01
CAPN14	-0.94	8.26E-01	-1.16	8.77E-01	0.38	3.51E-01
SYCP3	-0.94	8.26E-01	0.26	3.99E-01	0.26	3.96E-01
LSP1	-0.94	8.26E-01	-1.38	9.16E-01	-0.45	6.75E-01
PPAP2A	-0.94	8.26E-01	-0.17	5.66E-01	0.11	4.58E-01
CALML5	-0.94	8.26E-01	-0.52	6.97E-01	0.09	4.62E-01
CLEC4E	-0.94	8.26E-01	0.01	4.95E-01	-0.08	5.32E-01
ASPHD1	-0.94	8.26E-01	-0.54	7.06E-01	-0.49	6.89E-01
FCAR	-0.94	8.26E-01	-0.73	7.66E-01	-0.68	7.52E-01
ASIC4	-0.94	8.26E-01	-0.56	7.13E-01	-0.42	6.63E-01
UBTD2	-0.94	8.26E-01	-0.22	5.85E-01	0.32	3.75E-01
NYAP2	-0.94	8.26E-01	-0.79	7.87E-01	-1.33	9.09E-01

MAP3K9	-0.94	8.26E-01	-1.89	9.70E-01	0.02	4.93E-01
SAMHD1	-0.94	8.27E-01	-0.08	5.33E-01	1.51	6.55E-02
FBXO38	-0.94	8.27E-01	-1.38	9.16E-01	-0.52	6.97E-01
KCNS2	-0.94	8.27E-01	-0.78	7.83E-01	0.41	3.41E-01
SIRT1	-0.94	8.27E-01	-0.34	6.34E-01	-0.63	7.35E-01
MUC16	-0.94	8.27E-01	0.25	4.02E-01	0.26	3.97E-01
NDUFB6	-0.94	8.27E-01	-1.40	9.19E-01	-0.71	7.61E-01
ECI1	-0.94	8.27E-01	-0.51	6.96E-01	-0.99	8.39E-01
CDKL4	-0.94	8.27E-01	-1.69	9.54E-01	-0.38	6.48E-01
MRPL18	-0.94	8.27E-01	0.37	3.54E-01	-0.50	6.92E-01
QDPR	-0.94	8.27E-01	-0.55	7.10E-01	0.11	4.57E-01
EML3	-0.94	8.27E-01	1.07	1.43E-01	0.10	4.60E-01
NADSYN1	-0.94	8.27E-01	0.08	4.68E-01	0.84	2.00E-01
COL9A3	-0.94	8.27E-01	-0.03	5.11E-01	0.36	3.58E-01
KALRN	-0.94	8.27E-01	0.25	4.03E-01	-1.04	8.50E-01
NALCN	-0.94	8.27E-01	-1.17	8.79E-01	-0.18	5.70E-01
HOXB9	-0.94	8.27E-01	-0.59	7.23E-01	-1.11	8.67E-01
PPP4C	-0.94	8.27E-01	-1.32	9.06E-01	-0.02	5.08E-01
SLCO1B1	-0.94	8.27E-01	-0.67	7.50E-01	-0.10	5.40E-01
AFG3L2	-0.94	8.27E-01	-1.03	8.49E-01	-0.90	8.17E-01
CCDC114	-0.94	8.27E-01	-0.17	5.66E-01	-2.15	9.84E-01
GMNC	-0.94	8.27E-01	-0.15	5.61E-01	0.55	2.92E-01
SLC35F3	-0.94	8.27E-01	-1.00	8.41E-01	-1.13	8.71E-01
TMEM159	-0.95	8.28E-01	-1.03	8.49E-01	-0.41	6.58E-01
EIF5A2	-0.95	8.28E-01	-1.48	9.31E-01	-0.93	8.23E-01
ERVW-1	-0.95	8.28E-01	-1.67	9.53E-01	-0.21	5.82E-01
YAF2	-0.95	8.28E-01	-0.18	5.70E-01	0.44	3.29E-01
SRSF7	-0.95	8.28E-01	-0.88	8.12E-01	-0.47	6.79E-01
PPEF2	-0.95	8.28E-01	-1.42	9.22E-01	0.59	2.78E-01
PHLDB1	-0.95	8.28E-01	0.82	2.06E-01	0.60	2.75E-01
TRMT10A	-0.95	8.28E-01	-1.03	8.50E-01	-0.87	8.06E-01

IFITM5	-0.95	8.28E-01	-0.92	8.22E-01	-0.19	5.75E-01
KRTAP10-9	-0.95	8.28E-01	-0.78	7.82E-01	-0.71	7.60E-01
ZNF609	-0.95	8.28E-01	-0.58	7.20E-01	-0.24	5.96E-01
ATP11A	-0.95	8.28E-01	0.05	4.81E-01	-1.57	9.41E-01
SFN	-0.95	8.28E-01	0.72	2.37E-01	1.43	7.65E-02
BRD8	-0.95	8.28E-01	-0.79	7.85E-01	-0.11	5.44E-01
KISS1R	-0.95	8.28E-01	-0.76	7.76E-01	0.01	4.96E-01
COL11A1	-0.95	8.28E-01	-0.74	7.71E-01	-0.27	6.05E-01
PTTG2	-0.95	8.28E-01	-0.47	6.79E-01	-1.63	9.48E-01
KIF12	-0.95	8.28E-01	-0.69	7.54E-01	-0.31	6.23E-01
DAZAP2	-0.95	8.28E-01	-0.92	8.20E-01	0.62	2.68E-01
TACC2	-0.95	8.29E-01	-0.83	7.98E-01	-0.88	8.10E-01
TTC32	-0.95	8.29E-01	-0.19	5.77E-01	-0.52	6.98E-01
PAQR7	-0.95	8.29E-01	-1.81	9.65E-01	-0.65	7.43E-01
NKD1	-0.95	8.29E-01	-1.26	8.97E-01	0.95	1.71E-01
FUT9	-0.95	8.29E-01	-0.63	7.36E-01	-0.80	7.87E-01
C2orf50	-0.95	8.29E-01	0.97	1.66E-01	0.10	4.58E-01
PRB2	-0.95	8.29E-01	0.00	5.01E-01	0.07	4.70E-01
SFXN5	-0.95	8.29E-01	-1.08	8.61E-01	-1.17	8.80E-01
CRB2	-0.95	8.29E-01	-0.87	8.08E-01	-1.42	9.23E-01
AHCYL1	-0.95	8.29E-01	0.15	4.42E-01	1.10	1.36E-01
TMEM256	-0.95	8.29E-01	-0.10	5.40E-01	-1.15	8.74E-01
AC104667.3	-0.95	8.29E-01	-0.02	5.07E-01	0.94	1.73E-01
ZBTB45	-0.95	8.29E-01	-2.27	9.88E-01	-0.35	6.36E-01
MITF	-0.95	8.29E-01	0.82	2.07E-01	0.16	4.35E-01
MAN1C1	-0.95	8.29E-01	-1.16	8.76E-01	0.00	5.01E-01
FAM32A	-0.95	8.29E-01	-1.25	8.95E-01	-0.58	7.20E-01
HRNR	-0.95	8.29E-01	-0.30	6.20E-01	-1.42	9.22E-01
TIMM10B	-0.95	8.29E-01	-1.53	9.38E-01	-1.03	8.48E-01
THOC6	-0.95	8.30E-01	-1.08	8.60E-01	-1.09	8.62E-01
DES	-0.95	8.30E-01	-0.64	7.37E-01	-0.37	6.45E-01

TEX35	-0.95	8.30E-01	-0.16	5.64E-01	-0.33	6.29E-01
NPFFR1	-0.95	8.30E-01	0.68	2.48E-01	-0.01	5.02E-01
BAIAP3	-0.95	8.30E-01	-0.05	5.19E-01	-0.95	8.28E-01
FHOD3	-0.95	8.30E-01	0.58	2.82E-01	0.17	4.31E-01
CD180	-0.95	8.30E-01	-0.21	5.83E-01	0.92	1.79E-01
TTC22	-0.95	8.30E-01	-1.04	8.51E-01	0.86	1.96E-01
TMEM50A	-0.95	8.30E-01	0.85	1.97E-01	1.42	7.85E-02
PROKR2	-0.95	8.30E-01	0.02	4.92E-01	-0.35	6.39E-01
CHKA	-0.95	8.30E-01	-0.37	6.46E-01	-0.76	7.77E-01
ABL1	-0.95	8.30E-01	-0.92	8.21E-01	-0.55	7.09E-01
SLC5A10	-0.95	8.30E-01	-1.19	8.82E-01	-0.22	5.88E-01
PARS2	-0.95	8.30E-01	1.01	1.57E-01	1.14	1.27E-01
SMARCA2	-0.95	8.30E-01	-0.33	6.30E-01	-0.46	6.77E-01
CBY1	-0.95	8.30E-01	-0.24	5.95E-01	-0.80	7.88E-01
WIPF3	-0.95	8.30E-01	-1.15	8.76E-01	0.52	3.00E-01
USB1	-0.95	8.30E-01	-0.20	5.80E-01	-0.44	6.69E-01
ZNF136	-0.96	8.30E-01	-0.36	6.41E-01	-0.05	5.18E-01
C21orf91	-0.96	8.30E-01	-1.78	9.62E-01	-0.73	7.68E-01
CUZD1	-0.96	8.30E-01	0.51	3.05E-01	-0.04	5.16E-01
CLPP	-0.96	8.31E-01	-2.00	9.77E-01	-0.33	6.28E-01
GIMAP8	-0.96	8.31E-01	-0.50	6.92E-01	0.08	4.69E-01
KANSL3	-0.96	8.31E-01	-1.11	8.66E-01	-0.93	8.24E-01
RFPL4B	-0.96	8.31E-01	-0.09	5.36E-01	-0.50	6.91E-01
LSM6	-0.96	8.31E-01	-1.10	8.65E-01	-1.45	9.26E-01
ISX	-0.96	8.31E-01	-0.63	7.36E-01	0.27	3.92E-01
BOP1	-0.96	8.31E-01	-0.62	7.32E-01	-0.69	7.55E-01
PAN3	-0.96	8.31E-01	0.51	3.06E-01	0.21	4.16E-01
KCNK4	-0.96	8.31E-01	-0.76	7.75E-01	-1.52	9.36E-01
SLC38A2	-0.96	8.31E-01	-0.96	8.31E-01	-1.27	8.98E-01
POM121C	-0.96	8.31E-01	-2.23	9.87E-01	-0.06	5.25E-01
HNRNPC	-0.96	8.31E-01	-0.27	6.06E-01	0.65	2.58E-01



NOL11	-0.96	8.31E-01	0.34	3.68E-01	-0.06	5.22E-01
BTBD17	-0.96	8.32E-01	-1.12	8.69E-01	-0.27	6.08E-01
PLEKHG2	-0.96	8.32E-01	-1.64	9.49E-01	0.53	2.99E-01
SSUH2	-0.96	8.32E-01	0.00	5.01E-01	-1.67	9.53E-01
DNAH8	-0.96	8.32E-01	0.12	4.50E-01	-0.42	6.63E-01
CCDC62	-0.96	8.32E-01	-0.49	6.88E-01	0.64	2.60E-01
OR52B1P	-0.96	8.32E-01	-2.41	9.92E-01	-0.52	6.97E-01
LOR	-0.96	8.32E-01	0.56	2.88E-01	-0.99	8.38E-01
MRPL54	-0.96	8.32E-01	-1.11	8.66E-01	-0.69	7.55E-01
KITLG	-0.96	8.32E-01	-0.17	5.69E-01	-1.28	8.99E-01
ATP10A	-0.96	8.32E-01	-0.32	6.27E-01	-1.06	8.54E-01
TLX3	-0.96	8.32E-01	-1.10	8.64E-01	0.29	3.85E-01
HERC1	-0.96	8.32E-01	-0.23	5.92E-01	0.39	3.47E-01
C16orf3	-0.96	8.32E-01	-1.68	9.53E-01	-0.20	5.80E-01
RASSF8	-0.96	8.32E-01	0.05	4.80E-01	-0.54	7.07E-01
OR13C2	-0.96	8.32E-01	-0.29	6.16E-01	0.49	3.14E-01
RPL5	-0.96	8.32E-01	-0.39	6.52E-01	0.39	3.48E-01
TIMM44	-0.96	8.32E-01	-0.65	7.42E-01	-0.74	7.71E-01
IQCD	-0.96	8.32E-01	-1.28	9.00E-01	-0.62	7.31E-01
DNTTIP2	-0.96	8.32E-01	-0.93	8.24E-01	-0.12	5.46E-01
CACNA1D	-0.96	8.32E-01	0.52	3.03E-01	-1.47	9.30E-01
TRMT10B	-0.96	8.32E-01	-1.15	8.74E-01	-0.70	7.58E-01
OR11H4	-0.96	8.32E-01	-1.39	9.18E-01	-0.80	7.90E-01
DHX37	-0.96	8.32E-01	-0.44	6.70E-01	-0.51	6.96E-01
CCDC146	-0.96	8.32E-01	0.25	4.00E-01	-0.72	7.63E-01
GBP5	-0.96	8.32E-01	-0.50	6.92E-01	0.11	4.56E-01
SFMBT1	-0.96	8.32E-01	-0.34	6.32E-01	1.53	6.26E-02
NOC2L	-0.96	8.32E-01	-1.59	9.44E-01	-0.16	5.65E-01
SMIM13	-0.96	8.32E-01	-1.44	9.26E-01	-0.47	6.81E-01
RLN2	-0.96	8.32E-01	-1.30	9.04E-01	-1.08	8.59E-01
C17orf77	-0.96	8.32E-01	-0.77	7.78E-01	-2.13	9.83E-01

OTUB1	-0.96	8.33E-01	-1.00	8.42E-01	-1.07	8.58E-01
CBLN1	-0.96	8.33E-01	0.44	3.32E-01	-0.21	5.85E-01
RABGAP1L	-0.96	8.33E-01	-0.26	6.03E-01	-0.05	5.21E-01
MRC2	-0.96	8.33E-01	0.65	2.57E-01	-0.19	5.77E-01
INA	-0.96	8.33E-01	-0.94	8.25E-01	-0.59	7.23E-01
KCMF1	-0.97	8.33E-01	0.01	4.96E-01	0.15	4.40E-01
PLCB1	-0.97	8.33E-01	-0.47	6.81E-01	-1.64	9.49E-01
C17orf96	-0.97	8.33E-01	-0.88	8.11E-01	0.21	4.17E-01
RPAIN	-0.97	8.33E-01	0.26	3.98E-01	0.25	4.01E-01
FZR1	-0.97	8.33E-01	0.49	3.13E-01	1.80	3.60E-02
MYO1H	-0.97	8.33E-01	-0.55	7.09E-01	-1.59	9.44E-01
CPA2	-0.97	8.33E-01	0.64	2.60E-01	-0.94	8.27E-01
MC2R	-0.97	8.33E-01	-0.49	6.90E-01	-0.72	7.65E-01
TPP2	-0.97	8.33E-01	0.73	2.31E-01	0.44	3.31E-01
TOX4	-0.97	8.33E-01	1.44	7.45E-02	0.40	3.45E-01
HLCS	-0.97	8.33E-01	0.03	4.90E-01	0.48	3.16E-01
EXOSC5	-0.97	8.33E-01	0.87	1.93E-01	1.14	1.27E-01
TJP1	-0.97	8.33E-01	0.21	4.18E-01	-0.51	6.96E-01
FOXN4	-0.97	8.34E-01	-0.84	8.00E-01	-0.46	6.76E-01
PAGR1	-0.97	8.34E-01	-1.01	8.44E-01	-0.79	7.85E-01
RBFOX1	-0.97	8.34E-01	-0.37	6.44E-01	-2.38	9.91E-01
POLR3C	-0.97	8.34E-01	-0.66	7.45E-01	-0.86	8.06E-01
ZNF720	-0.97	8.34E-01	0.11	4.54E-01	-1.14	8.73E-01
RFX1	-0.97	8.34E-01	0.61	2.70E-01	0.14	4.43E-01
IFIT1	-0.97	8.34E-01	-0.61	7.30E-01	1.01	1.57E-01
RNF122	-0.97	8.34E-01	-0.93	8.25E-01	0.32	3.74E-01
OR51F2	-0.97	8.34E-01	0.02	4.91E-01	0.12	4.53E-01
MYLK4	-0.97	8.34E-01	-1.24	8.92E-01	-1.59	9.44E-01
TNFSF13B	-0.97	8.34E-01	-0.30	6.17E-01	-0.44	6.71E-01
WDR82	-0.97	8.34E-01	-0.78	7.82E-01	-0.74	7.70E-01
ZNF776	-0.97	8.34E-01	-2.39	9.92E-01	-0.09	5.37E-01

DCAF7	-0.97	8.34E-01	-0.17	5.68E-01	-0.58	7.18E-01
SCP2	-0.97	8.34E-01	-0.90	8.16E-01	-0.65	7.42E-01
LATS2	-0.97	8.34E-01	-1.05	8.52E-01	0.15	4.40E-01
FAM196A	-0.97	8.35E-01	0.01	4.95E-01	1.02	1.55E-01
OSBPL5	-0.97	8.35E-01	-1.47	9.29E-01	-0.64	7.40E-01
TMA7	-0.97	8.35E-01	0.08	4.68E-01	0.36	3.59E-01
CAP1	-0.97	8.35E-01	-0.09	5.35E-01	-1.91	9.72E-01
CCND1	-0.97	8.35E-01	-1.21	8.88E-01	-0.59	7.22E-01
CCDC59	-0.97	8.35E-01	0.82	2.07E-01	0.83	2.04E-01
FUZ	-0.97	8.35E-01	-0.59	7.24E-01	-1.63	9.49E-01
CES2	-0.97	8.35E-01	-0.84	8.00E-01	0.30	3.81E-01
ACSL6	-0.97	8.35E-01	-0.29	6.14E-01	-1.44	9.25E-01
METTL14	-0.97	8.35E-01	-0.65	7.42E-01	-1.15	8.76E-01
SFI1	-0.97	8.35E-01	-0.23	5.91E-01	-0.56	7.13E-01
ERO1LB	-0.97	8.35E-01	-0.49	6.87E-01	-0.44	6.70E-01
AGFG1	-0.97	8.35E-01	-0.60	7.26E-01	1.27	1.02E-01
UGT1A10	-0.97	8.35E-01	-0.59	7.22E-01	-0.13	5.53E-01
TNNT2	-0.97	8.35E-01	-0.27	6.06E-01	-1.41	9.21E-01
RBKS	-0.97	8.35E-01	-0.95	8.28E-01	-0.64	7.39E-01
PMFBP1	-0.98	8.35E-01	-0.93	8.24E-01	-0.12	5.49E-01
RP11-322L20.1	-0.98	8.35E-01	0.08	4.69E-01	-0.20	5.78E-01
VEZT	-0.98	8.35E-01	-0.43	6.66E-01	-0.45	6.75E-01
SYT4	-0.98	8.35E-01	-0.19	5.75E-01	-0.74	7.72E-01
CD3EAP	-0.98	8.36E-01	-1.44	9.25E-01	-1.01	8.43E-01
APOC3	-0.98	8.36E-01	-1.49	9.32E-01	0.21	4.16E-01
GDF7	-0.98	8.36E-01	0.28	3.89E-01	-0.48	6.85E-01
RWDD3	-0.98	8.36E-01	0.65	2.59E-01	-0.01	5.02E-01
CSDC2	-0.98	8.36E-01	-1.19	8.83E-01	-0.75	7.72E-01
ZNF557	-0.98	8.36E-01	-1.68	9.53E-01	-0.62	7.31E-01
MYPN	-0.98	8.36E-01	0.61	2.70E-01	-1.11	8.67E-01
PEBP1	-0.98	8.36E-01	-0.61	7.31E-01	-0.02	5.09E-01

KRTAP21-3	-0.98	8.36E-01	-1.83	9.66E-01	-0.69	7.55E-01
C2CD4C	-0.98	8.36E-01	-0.35	6.36E-01	-0.22	5.87E-01
ZNF446	-0.98	8.36E-01	-0.68	7.53E-01	-1.14	8.73E-01
PAPOLG	-0.98	8.36E-01	0.34	3.65E-01	-0.04	5.15E-01
ATP2B4	-0.98	8.36E-01	0.09	4.66E-01	-0.17	5.67E-01
TMEM56	-0.98	8.36E-01	-0.44	6.70E-01	-0.73	7.66E-01
ZNF556	-0.98	8.36E-01	0.01	4.98E-01	-1.19	8.82E-01
PIM1	-0.98	8.36E-01	0.58	2.80E-01	-0.41	6.59E-01
C19orf71	-0.98	8.36E-01	-0.19	5.75E-01	1.32	9.26E-02
KRT9	-0.98	8.36E-01	-1.49	9.32E-01	-0.78	7.81E-01
OR6C4	-0.98	8.36E-01	-1.18	8.81E-01	-0.31	6.21E-01
C15orf48	-0.98	8.37E-01	-0.90	8.16E-01	-1.12	8.68E-01
H6PD	-0.98	8.37E-01	-0.48	6.86E-01	0.04	4.86E-01
RD3	-0.98	8.37E-01	1.27	1.01E-01	1.29	9.93E-02
SHMT2	-0.98	8.37E-01	-0.49	6.90E-01	-0.90	8.15E-01
CCDC116	-0.98	8.37E-01	-0.21	5.84E-01	1.06	1.45E-01
SLC13A4	-0.98	8.37E-01	-1.09	8.63E-01	-1.55	9.39E-01
ARL4D	-0.98	8.37E-01	-0.49	6.87E-01	-0.67	7.50E-01
SLC48A1	-0.98	8.37E-01	-1.15	8.74E-01	-0.29	6.16E-01
MAP3K3	-0.98	8.37E-01	-1.05	8.53E-01	-0.92	8.22E-01
FGF17	-0.98	8.37E-01	0.11	4.57E-01	0.08	4.66E-01
CCDC67	-0.98	8.37E-01	-0.59	7.21E-01	-0.49	6.86E-01
MTERF	-0.98	8.37E-01	-1.29	9.02E-01	-0.06	5.23E-01
LRRC73	-0.98	8.37E-01	-0.68	7.53E-01	-0.27	6.07E-01
TRAF2	-0.98	8.37E-01	-0.21	5.84E-01	-0.34	6.33E-01
FAM168B	-0.98	8.37E-01	-0.39	6.51E-01	-0.39	6.52E-01
PAPOLB	-0.98	8.37E-01	-0.60	7.26E-01	-1.74	9.59E-01
C17orf85	-0.98	8.37E-01	-1.77	9.62E-01	0.36	3.58E-01
MATN3	-0.98	8.37E-01	-1.18	8.80E-01	-1.32	9.07E-01
KIAA1683	-0.98	8.37E-01	-1.32	9.07E-01	-0.61	7.28E-01
SIX5	-0.98	8.37E-01	-0.52	6.99E-01	0.44	3.29E-01

MEPE	-0.98	8.37E-01	0.17	4.33E-01	-0.82	7.94E-01
RP11-315O6.2	-0.98	8.37E-01	-1.55	9.40E-01	0.08	4.69E-01
MSMB	-0.98	8.38E-01	-0.65	7.41E-01	-0.82	7.94E-01
DNAH7	-0.99	8.38E-01	-0.64	7.39E-01	-1.14	8.74E-01
MRPS22	-0.99	8.38E-01	0.90	1.83E-01	-0.69	7.55E-01
TYR	-0.99	8.38E-01	0.11	4.55E-01	0.49	3.10E-01
UBBP4	-0.99	8.38E-01	-0.17	5.69E-01	0.88	1.89E-01
TMEM147	-0.99	8.38E-01	-0.23	5.90E-01	0.58	2.82E-01
MDM1	-0.99	8.38E-01	-0.56	7.12E-01	-0.71	7.61E-01
FZD7	-0.99	8.38E-01	-2.02	9.78E-01	-0.59	7.24E-01
WDR38	-0.99	8.38E-01	-0.75	7.73E-01	-0.14	5.56E-01
DRG1	-0.99	8.38E-01	-0.72	7.65E-01	-0.70	7.58E-01
LIN9	-0.99	8.38E-01	0.20	4.22E-01	0.62	2.69E-01
DLG5	-0.99	8.38E-01	0.67	2.53E-01	0.27	3.94E-01
ACOT8	-0.99	8.38E-01	-1.55	9.39E-01	-0.60	7.26E-01
LRP1	-0.99	8.38E-01	-1.03	8.47E-01	-1.16	8.77E-01
C6orf57	-0.99	8.38E-01	-1.16	8.76E-01	0.23	4.07E-01
SFXN4	-0.99	8.38E-01	0.50	3.07E-01	1.53	6.31E-02
TNPO3	-0.99	8.38E-01	-2.01	9.78E-01	0.31	3.79E-01
C21orf67	-0.99	8.38E-01	-0.97	8.34E-01	-0.48	6.83E-01
NR6A1	-0.99	8.38E-01	-1.08	8.60E-01	-0.67	7.48E-01
S100P	-0.99	8.38E-01	-0.79	7.85E-01	-0.88	8.11E-01
TBC1D21	-0.99	8.38E-01	-1.35	9.11E-01	-1.19	8.83E-01
NT5C	-0.99	8.38E-01	0.11	4.58E-01	-0.94	8.27E-01
ATP1A1	-0.99	8.39E-01	-1.08	8.60E-01	-0.74	7.69E-01
ETAA1	-0.99	8.39E-01	0.60	2.74E-01	-0.64	7.40E-01
OXSRI	-0.99	8.39E-01	-0.66	7.45E-01	-0.47	6.80E-01
ZNF22	-0.99	8.39E-01	0.25	4.01E-01	-0.78	7.82E-01
OAZ2	-0.99	8.39E-01	-0.84	8.01E-01	-0.73	7.68E-01
EXPH5	-0.99	8.39E-01	-0.81	7.90E-01	-2.06	9.80E-01
LCE1B	-0.99	8.39E-01	0.20	4.21E-01	-0.12	5.49E-01

FHOD1	-0.99	8.39E-01	-2.00	9.77E-01	-0.85	8.02E-01
IQGAP2	-0.99	8.39E-01	-0.85	8.02E-01	-1.54	9.38E-01
ZGLP1	-0.99	8.39E-01	-1.27	8.98E-01	-0.19	5.75E-01
P2RX4	-0.99	8.39E-01	0.51	3.05E-01	0.84	1.99E-01
VPS16	-0.99	8.39E-01	-1.42	9.22E-01	-0.87	8.07E-01
CA4	-0.99	8.39E-01	0.37	3.57E-01	-0.17	5.67E-01
OTOP1	-0.99	8.40E-01	-1.85	9.68E-01	0.28	3.90E-01
RYR1	-0.99	8.40E-01	0.38	3.52E-01	-0.65	7.43E-01
CPEB3	-0.99	8.40E-01	-0.32	6.26E-01	-0.99	8.39E-01
CRISP2	-0.99	8.40E-01	-1.60	9.45E-01	-0.91	8.19E-01
HMGB1	-0.99	8.40E-01	-1.52	9.36E-01	-0.96	8.31E-01
PNLIP	-0.99	8.40E-01	-0.66	7.46E-01	0.96	1.68E-01
SLC20A1	-1.00	8.40E-01	-0.77	7.81E-01	-1.24	8.93E-01
ELAVL3	-1.00	8.40E-01	-0.26	6.03E-01	-0.12	5.48E-01
VPS25	-1.00	8.40E-01	-1.49	9.32E-01	-0.78	7.82E-01
UNC119	-1.00	8.40E-01	-0.66	7.45E-01	-0.78	7.83E-01
SLC52A2	-1.00	8.40E-01	-1.04	8.51E-01	-0.44	6.71E-01
ARPC4	-1.00	8.40E-01	-0.42	6.62E-01	-0.73	7.67E-01
P2RX7	-1.00	8.41E-01	0.18	4.30E-01	-0.18	5.72E-01
GPR139	-1.00	8.41E-01	-0.78	7.83E-01	-0.34	6.34E-01
HSPB9	-1.00	8.41E-01	0.91	1.82E-01	0.81	2.09E-01
SNX27	-1.00	8.41E-01	-1.02	8.47E-01	-1.62	9.47E-01
DMP1	-1.00	8.41E-01	-0.47	6.81E-01	0.82	2.07E-01
ANKRD16	-1.00	8.41E-01	-1.47	9.30E-01	-0.33	6.30E-01
CAMKV	-1.00	8.41E-01	1.05	1.46E-01	0.93	1.75E-01
ALDH1L2	-1.00	8.41E-01	-0.70	7.59E-01	-1.11	8.67E-01
GC	-1.00	8.41E-01	0.58	2.81E-01	-0.43	6.66E-01
KLB	-1.00	8.41E-01	-1.97	9.76E-01	-0.46	6.79E-01
FGFR2	-1.00	8.41E-01	-0.86	8.04E-01	-1.57	9.42E-01
FNIP1	-1.00	8.41E-01	-0.35	6.36E-01	-1.07	8.58E-01
MAP7D1	-1.00	8.42E-01	-1.07	8.58E-01	-0.86	8.06E-01

TPCN1	-1.00	8.42E-01	-1.18	8.80E-01	-0.54	7.04E-01
SYT9	-1.00	8.42E-01	-0.12	5.49E-01	-0.60	7.26E-01
LDHAL6B	-1.00	8.42E-01	-1.01	8.44E-01	-1.53	9.36E-01
CAND1	-1.00	8.42E-01	1.02	1.54E-01	0.04	4.86E-01
LDHB	-1.00	8.42E-01	-0.47	6.80E-01	0.24	4.05E-01
MTAP	-1.00	8.42E-01	0.19	4.25E-01	-0.53	7.03E-01
PLA2G16	-1.00	8.42E-01	-0.75	7.73E-01	-1.36	9.13E-01
TMEM125	-1.00	8.42E-01	-2.33	9.90E-01	0.57	2.84E-01
PLXND1	-1.00	8.42E-01	0.69	2.45E-01	-0.29	6.15E-01
OR51G2	-1.00	8.42E-01	0.61	2.71E-01	-0.29	6.13E-01
YWHAG	-1.00	8.42E-01	-0.69	7.54E-01	-1.17	8.80E-01
DHRS1	-1.00	8.42E-01	-0.78	7.82E-01	-0.05	5.18E-01
MLXIPL	-1.00	8.42E-01	-1.36	9.14E-01	-0.23	5.92E-01
HS3ST3A1	-1.00	8.42E-01	-0.70	7.57E-01	-0.83	7.97E-01
TBC1D30	-1.00	8.42E-01	-0.39	6.52E-01	-0.43	6.68E-01
TAF1B	-1.00	8.42E-01	0.68	2.47E-01	1.57	5.82E-02
REGL	-1.00	8.42E-01	-1.06	8.55E-01	-0.36	6.39E-01
PCNA	-1.00	8.42E-01	-1.18	8.81E-01	-0.33	6.29E-01
IL3	-1.00	8.42E-01	-0.49	6.89E-01	-0.70	7.58E-01
METTL21B	-1.00	8.42E-01	0.08	4.67E-01	-0.39	6.51E-01
TTC30B	-1.00	8.42E-01	-1.82	9.65E-01	-0.76	7.77E-01
POLR2B	-1.00	8.42E-01	0.94	1.74E-01	-1.40	9.19E-01
LIPG	-1.00	8.43E-01	0.41	3.40E-01	-0.63	7.37E-01
S100Z	-1.01	8.43E-01	-0.46	6.78E-01	-1.30	9.03E-01
PEX1	-1.01	8.43E-01	-0.22	5.88E-01	0.25	4.00E-01
WDR7	-1.01	8.43E-01	0.08	4.70E-01	0.24	4.04E-01
RBPM52	-1.01	8.43E-01	-0.28	6.09E-01	-0.22	5.89E-01
CLIC4	-1.01	8.43E-01	-0.92	8.22E-01	0.02	4.93E-01
ZNF215	-1.01	8.43E-01	-0.24	5.96E-01	-0.44	6.71E-01
SPINT4	-1.01	8.43E-01	-0.33	6.29E-01	-0.19	5.75E-01
ZNF586	-1.01	8.43E-01	-0.96	8.32E-01	-0.92	8.20E-01

TRIM9	-1.01	8.43E-01	0.10	4.61E-01	-2.27	9.88E-01
CCM2L	-1.01	8.43E-01	0.18	4.30E-01	0.27	3.95E-01
CA7	-1.01	8.43E-01	-0.82	7.94E-01	0.19	4.25E-01
MKNK1	-1.01	8.43E-01	-0.65	7.43E-01	1.49	6.79E-02
RMND1	-1.01	8.43E-01	-0.87	8.07E-01	0.17	4.31E-01
WIPF2	-1.01	8.43E-01	-0.32	6.24E-01	-0.67	7.49E-01
PCTP	-1.01	8.43E-01	0.08	4.69E-01	-1.37	9.15E-01
PGLYRP3	-1.01	8.43E-01	-1.02	8.45E-01	-1.31	9.04E-01
RIMS4	-1.01	8.43E-01	-1.54	9.38E-01	-0.57	7.17E-01
BEST3	-1.01	8.43E-01	-0.27	6.07E-01	-0.76	7.76E-01
ACADVL	-1.01	8.43E-01	-1.16	8.77E-01	-0.37	6.45E-01
SCAMP4	-1.01	8.43E-01	0.24	4.04E-01	0.24	4.05E-01
SYDE1	-1.01	8.43E-01	-0.98	8.37E-01	-1.24	8.92E-01
LIMS1	-1.01	8.44E-01	-0.26	6.02E-01	-1.35	9.12E-01
CLDN23	-1.01	8.44E-01	-1.15	8.75E-01	-0.18	5.72E-01
TBX20	-1.01	8.44E-01	-0.96	8.33E-01	-0.54	7.06E-01
ZNF93	-1.01	8.44E-01	-0.21	5.83E-01	-0.34	6.35E-01
GANC	-1.01	8.44E-01	-0.46	6.79E-01	-0.92	8.20E-01
43352	-1.01	8.44E-01	-1.31	9.04E-01	-0.95	8.29E-01
SLC30A10	-1.01	8.44E-01	-1.21	8.87E-01	-0.83	7.98E-01
ATOH1	-1.01	8.44E-01	-0.12	5.46E-01	0.42	3.38E-01
SLC35D2	-1.01	8.44E-01	-0.04	5.17E-01	1.09	1.37E-01
EIF4ENIF1	-1.01	8.44E-01	-0.76	7.76E-01	-0.42	6.64E-01
UBAP1L	-1.01	8.44E-01	-1.09	8.61E-01	-0.34	6.32E-01
TONSL	-1.01	8.44E-01	-0.02	5.06E-01	0.03	4.87E-01
PABPC4L	-1.01	8.44E-01	-0.95	8.28E-01	-1.28	8.99E-01
FLRT1	-1.01	8.44E-01	0.31	3.78E-01	0.22	4.14E-01
C8orf33	-1.01	8.44E-01	0.00	5.00E-01	0.54	2.95E-01
KCNA4	-1.01	8.44E-01	-2.59	9.95E-01	0.16	4.38E-01
SLC4A7	-1.01	8.44E-01	-0.59	7.23E-01	-1.04	8.50E-01
RABL6	-1.01	8.45E-01	-0.37	6.43E-01	-1.12	8.70E-01



C10orf105	-1.01	8.45E-01	0.12	4.51E-01	-0.97	8.33E-01
ZNF493	-1.01	8.45E-01	-0.67	7.48E-01	-0.96	8.32E-01
SLC46A2	-1.01	8.45E-01	0.08	4.70E-01	-1.93	9.73E-01
LGALS2	-1.01	8.45E-01	-1.10	8.64E-01	-0.87	8.07E-01
TEX30	-1.01	8.45E-01	-0.95	8.29E-01	-0.05	5.22E-01
OR5L2	-1.01	8.45E-01	-0.90	8.17E-01	-0.41	6.58E-01
ARID1A	-1.02	8.45E-01	0.62	2.67E-01	1.61	5.37E-02
PARP1	-1.02	8.45E-01	-0.74	7.70E-01	-0.86	8.05E-01
CMYA5	-1.02	8.45E-01	-1.99	9.77E-01	-0.64	7.38E-01
VPS28	-1.02	8.45E-01	0.10	4.62E-01	-0.40	6.56E-01
NFYB	-1.02	8.45E-01	-1.73	9.58E-01	0.11	4.57E-01
B4GALT3	-1.02	8.45E-01	0.83	2.04E-01	0.91	1.82E-01
SEL1L	-1.02	8.45E-01	-0.05	5.21E-01	-1.00	8.42E-01
LRIT1	-1.02	8.45E-01	-0.25	5.98E-01	-0.71	7.60E-01
CAPS2	-1.02	8.45E-01	-0.74	7.71E-01	-1.29	9.02E-01
RNASE12	-1.02	8.46E-01	-0.90	8.17E-01	-1.44	9.24E-01
GRIN3B	-1.02	8.46E-01	-0.75	7.74E-01	-0.57	7.17E-01
TENM3	-1.02	8.46E-01	-0.78	7.83E-01	0.20	4.23E-01
CLDN6	-1.02	8.46E-01	-0.40	6.55E-01	-1.82	9.65E-01
CEP44	-1.02	8.46E-01	-1.95	9.75E-01	-0.11	5.45E-01
CYP2B6	-1.02	8.46E-01	-0.57	7.17E-01	-0.39	6.53E-01
MISP	-1.02	8.46E-01	-0.11	5.43E-01	-0.57	7.14E-01
LIN28A	-1.02	8.46E-01	-0.39	6.53E-01	-0.85	8.02E-01
NOL10	-1.02	8.46E-01	-0.19	5.77E-01	-0.19	5.75E-01
ZNF850	-1.02	8.46E-01	0.08	4.70E-01	-0.26	6.04E-01
MS4A7	-1.02	8.46E-01	0.42	3.37E-01	0.28	3.89E-01
PMPCB	-1.02	8.46E-01	-1.04	8.51E-01	-0.25	5.98E-01
CLIP1	-1.02	8.47E-01	-0.44	6.69E-01	-1.15	8.74E-01
GPATCH3	-1.02	8.47E-01	0.34	3.65E-01	1.53	6.27E-02
SDF4	-1.02	8.47E-01	-1.22	8.88E-01	-0.98	8.37E-01
CCDC8	-1.02	8.47E-01	-1.45	9.27E-01	0.00	4.98E-01

FLVCR1	-1.02	8.47E-01	-0.51	6.96E-01	0.03	4.88E-01
IRAK4	-1.02	8.47E-01	-0.38	6.48E-01	-0.92	8.21E-01
ASNS	-1.02	8.47E-01	-1.83	9.67E-01	0.13	4.50E-01
RDH12	-1.02	8.47E-01	-0.62	7.31E-01	-1.58	9.43E-01
SVOP	-1.02	8.47E-01	-2.71	9.97E-01	1.06	1.44E-01
IL22RA1	-1.02	8.47E-01	-0.79	7.87E-01	-1.17	8.79E-01
UGT1A8	-1.02	8.47E-01	-0.60	7.26E-01	-0.09	5.35E-01
DPPA5	-1.02	8.47E-01	-0.55	7.08E-01	0.01	4.97E-01
PDE4DIP	-1.02	8.47E-01	-0.53	7.02E-01	-0.11	5.43E-01
MTPAP	-1.02	8.47E-01	-1.41	9.21E-01	-0.11	5.45E-01
FAM53C	-1.02	8.47E-01	-0.03	5.11E-01	1.73	4.19E-02
PRSS12	-1.02	8.47E-01	-0.23	5.91E-01	-1.22	8.88E-01
PTX3	-1.03	8.47E-01	-0.44	6.71E-01	-1.02	8.47E-01
ANKRD36C	-1.03	8.47E-01	-1.16	8.78E-01	-0.55	7.10E-01
UBL7	-1.03	8.47E-01	-0.87	8.07E-01	-0.63	7.35E-01
OOSP1	-1.03	8.47E-01	-0.42	6.64E-01	-0.23	5.90E-01
ANKS1B	-1.03	8.47E-01	0.09	4.64E-01	-0.61	7.29E-01
LRRC17	-1.03	8.48E-01	-0.95	8.30E-01	-0.78	7.82E-01
ICAM1	-1.03	8.48E-01	-0.29	6.15E-01	-0.06	5.22E-01
HOXB7	-1.03	8.48E-01	-0.32	6.26E-01	-2.04	9.79E-01
ZNF671	-1.03	8.48E-01	-1.69	9.55E-01	-0.14	5.57E-01
KAT2B	-1.03	8.48E-01	-1.42	9.22E-01	-0.58	7.17E-01
RAD51AP1	-1.03	8.48E-01	0.11	4.57E-01	-0.61	7.27E-01
ANO6	-1.03	8.48E-01	-0.92	8.22E-01	-0.25	5.98E-01
CSF1	-1.03	8.48E-01	-0.59	7.21E-01	0.44	3.32E-01
CRAT	-1.03	8.48E-01	-0.51	6.95E-01	-0.08	5.32E-01
COX7A2	-1.03	8.48E-01	-1.03	8.48E-01	0.45	3.25E-01
FAM86C1	-1.03	8.48E-01	-0.27	6.07E-01	-1.83	9.66E-01
NPFFR2	-1.03	8.48E-01	-0.11	5.45E-01	1.36	8.68E-02
CLK3	-1.03	8.48E-01	-1.08	8.61E-01	-0.74	7.71E-01
LEPROTL1	-1.03	8.49E-01	-0.48	6.84E-01	-0.88	8.12E-01

TCP1	-1.03	8.49E-01	0.57	2.83E-01	-0.22	5.88E-01
CD244	-1.03	8.49E-01	-0.82	7.93E-01	-1.14	8.73E-01
POLR1B	-1.03	8.49E-01	-1.21	8.88E-01	0.00	5.00E-01
EMC3	-1.03	8.49E-01	-0.23	5.91E-01	0.07	4.70E-01
FAU	-1.03	8.49E-01	1.52	6.48E-02	1.34	9.00E-02
TSR3	-1.03	8.49E-01	-0.25	5.98E-01	0.27	3.92E-01
SLC25A10	-1.03	8.49E-01	-1.15	8.75E-01	-0.80	7.87E-01
SLC25A10	-1.03	8.49E-01	-1.15	8.75E-01	-0.80	7.87E-01
MUC13	-1.03	8.49E-01	-1.09	8.62E-01	-0.46	6.79E-01
GAD2	-1.03	8.49E-01	-0.62	7.33E-01	-0.73	7.67E-01
CPNE4	-1.03	8.49E-01	-1.88	9.70E-01	-1.10	8.65E-01
TLR9	-1.03	8.49E-01	-0.24	5.93E-01	0.00	4.99E-01
TEN1	-1.03	8.49E-01	-0.15	5.60E-01	0.94	1.73E-01
RBFOX3	-1.03	8.49E-01	-0.60	7.24E-01	-1.07	8.58E-01
PTGER4	-1.03	8.49E-01	-0.79	7.85E-01	-0.77	7.78E-01
CATSPER2	-1.03	8.49E-01	-0.34	6.32E-01	-0.90	8.17E-01
LRAT	-1.03	8.49E-01	-0.87	8.07E-01	0.26	3.96E-01
TRPS1	-1.03	8.49E-01	0.08	4.69E-01	1.33	9.14E-02
WWC2	-1.03	8.49E-01	-0.67	7.49E-01	-1.45	9.27E-01
UGT1A1	-1.03	8.49E-01	0.41	3.40E-01	-0.56	7.13E-01
AHCTF1	-1.03	8.49E-01	-0.76	7.77E-01	-0.79	7.86E-01
SOSTDC1	-1.03	8.49E-01	-0.63	7.36E-01	-0.47	6.82E-01
CTD-3088G3.8	-1.03	8.49E-01	-1.60	9.45E-01	-1.26	8.97E-01
ARPC3	-1.03	8.50E-01	-1.46	9.28E-01	-1.57	9.42E-01
GART	-1.03	8.50E-01	0.47	3.20E-01	-0.64	7.37E-01
ARHGAP30	-1.03	8.50E-01	-0.66	7.47E-01	1.02	1.55E-01
CEACAM18	-1.03	8.50E-01	-1.24	8.92E-01	-0.94	8.27E-01
SULT1C3	-1.04	8.50E-01	-0.89	8.12E-01	0.36	3.59E-01
DDT	-1.04	8.50E-01	-0.90	8.17E-01	-0.40	6.56E-01
SNX1	-1.04	8.50E-01	-1.64	9.49E-01	0.29	3.86E-01
NMBR	-1.04	8.50E-01	-0.92	8.21E-01	0.01	4.95E-01

NSRP1	-1.04	8.50E-01	-0.85	8.02E-01	-0.92	8.22E-01
PIGW	-1.04	8.50E-01	-0.96	8.33E-01	-1.34	9.10E-01
PEX26	-1.04	8.50E-01	-0.53	7.03E-01	0.42	3.38E-01
PLCD3	-1.04	8.50E-01	-1.30	9.03E-01	-0.52	7.00E-01
OR7G2	-1.04	8.50E-01	0.08	4.67E-01	-0.79	7.86E-01
C19orf33	-1.04	8.50E-01	-0.30	6.20E-01	-0.39	6.53E-01
HIRIP3	-1.04	8.50E-01	-1.13	8.71E-01	-1.68	9.54E-01
VSIG8	-1.04	8.50E-01	-1.82	9.66E-01	-0.26	6.04E-01
GRM4	-1.04	8.50E-01	-2.21	9.86E-01	-0.46	6.76E-01
UBE2D1	-1.04	8.51E-01	-0.06	5.24E-01	0.63	2.63E-01
MUC15	-1.04	8.51E-01	-1.55	9.40E-01	-0.78	7.83E-01
DCLRE1B	-1.04	8.51E-01	0.23	4.07E-01	-0.33	6.31E-01
PPIL4	-1.04	8.51E-01	-0.43	6.66E-01	-0.46	6.78E-01
HNF4A	-1.04	8.51E-01	-0.23	5.89E-01	-0.43	6.65E-01
MSANTD4	-1.04	8.51E-01	-0.44	6.70E-01	0.75	2.27E-01
TXNL1	-1.04	8.51E-01	1.24	1.07E-01	0.36	3.59E-01
FAM102B	-1.04	8.51E-01	-0.93	8.25E-01	-0.62	7.33E-01
C4orf21	-1.04	8.51E-01	0.40	3.44E-01	0.33	3.71E-01
HACE1	-1.04	8.51E-01	-0.94	8.27E-01	-0.66	7.46E-01
NUFIP1	-1.04	8.51E-01	-0.29	6.13E-01	-0.62	7.32E-01
GADD45GIP1	-1.04	8.51E-01	-0.22	5.88E-01	0.60	2.73E-01
SNCB	-1.04	8.51E-01	-1.52	9.36E-01	-0.56	7.11E-01
SMPD3	-1.04	8.51E-01	-1.11	8.66E-01	0.30	3.84E-01
ACER1	-1.04	8.51E-01	-0.28	6.11E-01	-0.98	8.36E-01
AKR7A2	-1.04	8.51E-01	-1.04	8.52E-01	0.44	3.29E-01
SPCS3	-1.04	8.51E-01	-1.44	9.25E-01	-0.30	6.17E-01
ZFP36L1	-1.04	8.51E-01	-0.70	7.57E-01	-1.11	8.68E-01
C9orf89	-1.04	8.51E-01	-1.12	8.69E-01	-0.30	6.18E-01
TPSG1	-1.04	8.51E-01	1.06	1.44E-01	0.25	4.00E-01
ZNF212	-1.04	8.52E-01	1.08	1.40E-01	0.12	4.52E-01
LRIF1	-1.04	8.52E-01	-0.53	7.03E-01	0.08	4.70E-01

HLX	-1.04	8.52E-01	-0.08	5.34E-01	-0.88	8.09E-01
PRKACA	-1.04	8.52E-01	-0.36	6.39E-01	-0.71	7.61E-01
ZSWIM3	-1.04	8.52E-01	-0.83	7.96E-01	-0.82	7.94E-01
PRPF4	-1.04	8.52E-01	-0.14	5.54E-01	0.60	2.74E-01
NFKBIB	-1.04	8.52E-01	-1.09	8.62E-01	-1.14	8.73E-01
C14orf1	-1.04	8.52E-01	-1.99	9.77E-01	0.01	4.95E-01
PREB	-1.04	8.52E-01	-0.25	6.00E-01	-0.77	7.79E-01
IFNW1	-1.04	8.52E-01	0.32	3.73E-01	0.76	2.23E-01
CTC-534A2.2	-1.04	8.52E-01	-1.41	9.21E-01	-0.27	6.06E-01
LMBRD2	-1.04	8.52E-01	0.03	4.87E-01	0.85	1.98E-01
CCDC183	-1.05	8.52E-01	-1.23	8.91E-01	-1.41	9.21E-01
PTPDC1	-1.05	8.52E-01	0.25	4.02E-01	-1.13	8.70E-01
CDNF	-1.05	8.52E-01	-1.35	9.12E-01	-0.35	6.36E-01
FAM118B	-1.05	8.52E-01	-0.23	5.90E-01	0.40	3.43E-01
TMEM181	-1.05	8.52E-01	-0.65	7.42E-01	-0.54	7.04E-01
RBM5	-1.05	8.52E-01	1.33	9.15E-02	0.47	3.20E-01
DEPDC5	-1.05	8.52E-01	-0.60	7.25E-01	-0.61	7.30E-01
HRH3	-1.05	8.52E-01	0.89	1.86E-01	-0.55	7.08E-01
TIGD3	-1.05	8.52E-01	0.44	3.30E-01	-0.23	5.92E-01
DEFB108B	-1.05	8.52E-01	-0.61	7.28E-01	-1.27	8.98E-01
LHFP	-1.05	8.53E-01	-0.20	5.80E-01	-1.32	9.06E-01
MRPS7	-1.05	8.53E-01	-0.04	5.17E-01	-0.69	7.54E-01
CDC26	-1.05	8.53E-01	-0.04	5.17E-01	1.54	6.21E-02
ANGPT1	-1.05	8.53E-01	1.08	1.41E-01	-0.43	6.68E-01
UIMC1	-1.05	8.53E-01	-0.45	6.74E-01	-2.36	9.91E-01
CSNK1G2	-1.05	8.53E-01	0.65	2.56E-01	-0.85	8.03E-01
ADRM1	-1.05	8.53E-01	-0.34	6.32E-01	0.35	3.63E-01
B3GALT1	-1.05	8.53E-01	-1.36	9.14E-01	0.41	3.42E-01
SMCO1	-1.05	8.53E-01	-1.99	9.77E-01	-0.81	7.92E-01
PRR21	-1.05	8.53E-01	0.03	4.90E-01	0.70	2.43E-01
ANKDD1A	-1.05	8.53E-01	-0.67	7.50E-01	-0.61	7.30E-01

SMPDL3B	-1.05	8.53E-01	-1.40	9.20E-01	0.24	4.04E-01
RPL21	-1.05	8.54E-01	-1.13	8.71E-01	-0.12	5.49E-01
PTPRG	-1.05	8.54E-01	0.21	4.16E-01	-0.38	6.49E-01
C20orf166	-1.05	8.54E-01	0.56	2.88E-01	-1.07	8.58E-01
CTDSPL	-1.05	8.54E-01	-1.06	8.55E-01	-0.28	6.10E-01
PDE1B	-1.05	8.54E-01	-0.12	5.47E-01	0.36	3.59E-01
UBA5	-1.05	8.54E-01	-0.85	8.03E-01	-0.67	7.49E-01
SGSM3	-1.05	8.54E-01	0.39	3.48E-01	-0.65	7.43E-01
GSK3B	-1.05	8.54E-01	0.37	3.54E-01	-1.00	8.42E-01
BRPF1	-1.05	8.54E-01	-0.45	6.74E-01	0.45	3.28E-01
ZMYND11	-1.05	8.54E-01	-1.22	8.90E-01	-0.74	7.71E-01
CNTD1	-1.06	8.54E-01	-0.63	7.37E-01	-0.85	8.03E-01
CROT	-1.06	8.54E-01	-0.42	6.64E-01	-0.80	7.88E-01
RNF24	-1.06	8.54E-01	-0.43	6.65E-01	-1.70	9.56E-01
SLC23A1	-1.06	8.55E-01	-1.02	8.46E-01	-0.73	7.68E-01
UGGT1	-1.06	8.55E-01	-0.55	7.08E-01	-1.28	8.99E-01
TEKT5	-1.06	8.55E-01	-0.30	6.16E-01	-0.70	7.57E-01
IRF2	-1.06	8.55E-01	0.39	3.50E-01	-0.85	8.02E-01
ZCRB1	-1.06	8.55E-01	-0.10	5.41E-01	-0.52	7.00E-01
BCL7B	-1.06	8.55E-01	-1.04	8.50E-01	-0.86	8.06E-01
ANKRD45	-1.06	8.55E-01	-0.39	6.51E-01	-0.73	7.69E-01
TADA3	-1.06	8.55E-01	-0.43	6.67E-01	-1.12	8.69E-01
TMEM8A	-1.06	8.55E-01	-0.50	6.93E-01	-0.34	6.34E-01
TFB1M	-1.06	8.55E-01	-0.50	6.93E-01	-0.51	6.94E-01
CPNE7	-1.06	8.55E-01	0.58	2.83E-01	0.07	4.71E-01
ZNF879	-1.06	8.55E-01	-0.45	6.72E-01	0.01	4.95E-01
HOXC5	-1.06	8.55E-01	-0.11	5.43E-01	-0.60	7.24E-01
CCZ1	-1.06	8.55E-01	-0.25	5.98E-01	0.55	2.92E-01
SLC25A1	-1.06	8.55E-01	-0.26	6.02E-01	-1.42	9.23E-01
PDGFC	-1.06	8.55E-01	-0.55	7.10E-01	-1.52	9.36E-01
GIPC3	-1.06	8.56E-01	-1.19	8.83E-01	-0.76	7.77E-01

SMAD3	-1.06	8.56E-01	0.73	2.33E-01	-1.10	8.65E-01
DYRK2	-1.06	8.56E-01	-0.74	7.71E-01	-0.54	7.06E-01
JUN	-1.06	8.56E-01	0.09	4.65E-01	0.51	3.04E-01
RP11-162A12.2	-1.06	8.56E-01	0.84	2.01E-01	-0.15	5.58E-01
BATF3	-1.06	8.56E-01	-0.25	6.00E-01	0.07	4.73E-01
PODN	-1.06	8.56E-01	-0.73	7.67E-01	-0.88	8.12E-01
TSSC4	-1.06	8.56E-01	-0.28	6.09E-01	0.04	4.85E-01
HMSD	-1.06	8.56E-01	-0.22	5.89E-01	0.02	4.93E-01
OR8B8	-1.06	8.56E-01	-0.60	7.24E-01	0.00	5.01E-01
HTRA1	-1.06	8.56E-01	-1.33	9.09E-01	0.03	4.87E-01
CCNE2	-1.06	8.56E-01	-1.60	9.45E-01	-1.14	8.73E-01
ADM2	-1.06	8.56E-01	-1.40	9.19E-01	-1.30	9.03E-01
ZNF233	-1.06	8.56E-01	-1.29	9.02E-01	-0.57	7.16E-01
ITGA9	-1.06	8.56E-01	-1.19	8.84E-01	-0.05	5.22E-01
PAX8	-1.06	8.56E-01	0.32	3.73E-01	0.30	3.82E-01
SLC46A1	-1.06	8.56E-01	-0.94	8.27E-01	-0.39	6.51E-01
ALDH3B2	-1.07	8.57E-01	0.07	4.74E-01	-1.23	8.91E-01
LYAR	-1.07	8.57E-01	-0.49	6.86E-01	-1.13	8.72E-01
POLL	-1.07	8.57E-01	0.27	3.92E-01	0.81	2.09E-01
PDLIM3	-1.07	8.57E-01	-0.58	7.21E-01	-0.88	8.10E-01
POLA2	-1.07	8.57E-01	-0.57	7.15E-01	-1.15	8.76E-01
NAT8L	-1.07	8.57E-01	-0.38	6.47E-01	-0.33	6.29E-01
EIF1	-1.07	8.57E-01	-0.11	5.46E-01	-1.04	8.50E-01
FOXA1	-1.07	8.57E-01	-1.71	9.57E-01	-0.42	6.64E-01
CCDC17	-1.07	8.57E-01	0.21	4.17E-01	0.34	3.67E-01
GRM7	-1.07	8.57E-01	-1.90	9.72E-01	0.88	1.89E-01
NUDT21	-1.07	8.57E-01	-1.12	8.69E-01	1.18	1.18E-01
APOBEC3C	-1.07	8.57E-01	-0.15	5.60E-01	-1.65	9.51E-01
DPYSL3	-1.07	8.58E-01	-1.30	9.04E-01	-0.61	7.28E-01
VANGL1	-1.07	8.58E-01	-0.49	6.87E-01	-0.63	7.36E-01
OR56B3P	-1.07	8.58E-01	-0.32	6.26E-01	0.37	3.57E-01

ZNF843	-1.07	8.58E-01	-0.77	7.79E-01	-0.17	5.67E-01
MMP9	-1.07	8.58E-01	-1.42	9.22E-01	0.28	3.89E-01
RP11-144F15.1	-1.07	8.58E-01	-0.56	7.11E-01	-0.01	5.04E-01
ELOVL6	-1.07	8.58E-01	-0.89	8.13E-01	-1.29	9.02E-01
C1QBP	-1.07	8.58E-01	-0.57	7.16E-01	0.79	2.15E-01
AQP10	-1.07	8.58E-01	-1.09	8.63E-01	-0.49	6.88E-01
CEBPG	-1.07	8.58E-01	-1.45	9.27E-01	-0.92	8.21E-01
SLC25A33	-1.07	8.58E-01	0.08	4.68E-01	-0.69	7.56E-01
GRIN2D	-1.07	8.58E-01	-1.12	8.68E-01	-0.33	6.28E-01
DCSTAMP	-1.07	8.58E-01	-0.68	7.51E-01	0.16	4.35E-01
WFDC1	-1.07	8.58E-01	-0.29	6.14E-01	-0.62	7.31E-01
OR4D11	-1.07	8.58E-01	0.94	1.72E-01	0.80	2.11E-01
FBXO27	-1.07	8.58E-01	-1.56	9.41E-01	-0.99	8.39E-01
GHRH	-1.07	8.58E-01	-0.19	5.75E-01	-1.35	9.11E-01
CHST12	-1.07	8.58E-01	-0.53	7.00E-01	0.08	4.67E-01
POLR3H	-1.07	8.58E-01	-0.07	5.28E-01	-0.50	6.92E-01
EMCN	-1.07	8.58E-01	-0.73	7.67E-01	0.51	3.06E-01
ADAD1	-1.07	8.58E-01	-0.80	7.87E-01	0.84	2.00E-01
UTF1	-1.07	8.58E-01	-0.38	6.49E-01	-0.57	7.16E-01
SCN1B	-1.07	8.59E-01	-1.12	8.68E-01	-1.07	8.58E-01
KLHL3	-1.07	8.59E-01	-1.62	9.48E-01	-0.11	5.42E-01
PDRG1	-1.07	8.59E-01	-1.28	9.00E-01	-1.57	9.41E-01
FYN	-1.07	8.59E-01	-1.21	8.88E-01	-1.45	9.26E-01
ITIH2	-1.07	8.59E-01	-1.07	8.58E-01	0.64	2.62E-01
WFIKKN2	-1.07	8.59E-01	-1.36	9.13E-01	-1.16	8.78E-01
SYNGR4	-1.07	8.59E-01	0.33	3.72E-01	-1.51	9.34E-01
CD79B	-1.07	8.59E-01	-0.76	7.75E-01	-2.55	9.95E-01
KCNH4	-1.08	8.59E-01	1.12	1.31E-01	1.31	9.54E-02
C19orf25	-1.08	8.59E-01	0.42	3.36E-01	-0.13	5.51E-01
DNAJC18	-1.08	8.59E-01	-0.43	6.66E-01	-0.58	7.20E-01
RINT1	-1.08	8.59E-01	-0.74	7.69E-01	-0.16	5.65E-01



TJP2	-1.08	8.59E-01	-0.62	7.33E-01	-0.63	7.37E-01
TIMM17A	-1.08	8.59E-01	-0.35	6.36E-01	-0.12	5.49E-01
43347	-1.08	8.59E-01	0.35	3.63E-01	-0.04	5.17E-01
TTPA	-1.08	8.59E-01	-0.95	8.30E-01	-0.79	7.84E-01
DENND4C	-1.08	8.59E-01	-0.21	5.83E-01	0.58	2.82E-01
CCDC54	-1.08	8.59E-01	-0.53	7.03E-01	-0.52	6.99E-01
PPA1	-1.08	8.59E-01	0.67	2.53E-01	1.21	1.13E-01
IFNA6	-1.08	8.60E-01	-1.99	9.77E-01	-0.93	8.23E-01
CYTIP	-1.08	8.60E-01	-0.48	6.85E-01	-0.60	7.26E-01
SMLR1	-1.08	8.60E-01	0.04	4.84E-01	0.01	4.95E-01
CD97	-1.08	8.60E-01	-0.08	5.30E-01	0.30	3.83E-01
HEBP1	-1.08	8.60E-01	-1.05	8.54E-01	0.66	2.56E-01
P4HA1	-1.08	8.60E-01	-0.56	7.13E-01	-1.17	8.80E-01
TMEM262	-1.08	8.60E-01	1.40	8.01E-02	0.71	2.40E-01
ARPC4-TTLL3	-1.08	8.60E-01	-0.87	8.07E-01	0.35	3.63E-01
MANSC1	-1.08	8.60E-01	-0.78	7.81E-01	-1.97	9.76E-01
CRYBB3	-1.08	8.60E-01	-0.55	7.10E-01	-1.84	9.67E-01
SELT	-1.08	8.60E-01	0.53	2.99E-01	0.00	5.01E-01
SLC25A51	-1.08	8.60E-01	1.31	9.52E-02	0.12	4.53E-01
GAA	-1.08	8.60E-01	-0.53	7.02E-01	-1.34	9.10E-01
SLC9C2	-1.08	8.60E-01	0.27	3.92E-01	-1.06	8.55E-01
PABPC1L	-1.08	8.60E-01	-0.77	7.80E-01	-0.70	7.59E-01
UCK1	-1.08	8.60E-01	-0.28	6.09E-01	0.63	2.65E-01
PIDD	-1.08	8.60E-01	0.04	4.84E-01	0.13	4.48E-01
CDK5RAP2	-1.08	8.60E-01	-0.97	8.33E-01	-1.24	8.92E-01
ADH4	-1.08	8.61E-01	-0.53	7.03E-01	-1.92	9.72E-01
SLC3A1	-1.08	8.61E-01	-0.28	6.09E-01	-0.31	6.23E-01
SHISA4	-1.08	8.61E-01	-1.03	8.48E-01	0.41	3.41E-01
VSTM2B	-1.08	8.61E-01	-1.34	9.09E-01	0.02	4.92E-01
OR1L4	-1.08	8.61E-01	-1.00	8.42E-01	-2.29	9.89E-01
DCAKD	-1.08	8.61E-01	-1.03	8.49E-01	-0.38	6.48E-01

SPA17	-1.08	8.61E-01	-1.18	8.81E-01	-0.66	7.44E-01
MRRF	-1.09	8.61E-01	-0.52	6.99E-01	-0.41	6.61E-01
CYB5B	-1.09	8.61E-01	0.17	4.32E-01	-0.66	7.46E-01
LUC7L	-1.09	8.61E-01	-0.89	8.14E-01	0.61	2.71E-01
TOMM6	-1.09	8.61E-01	-1.80	9.64E-01	-1.12	8.70E-01
UNC5A	-1.09	8.61E-01	-0.19	5.77E-01	-2.04	9.79E-01
TMEM215	-1.09	8.61E-01	-0.37	6.43E-01	-2.21	9.86E-01
TAGLN2	-1.09	8.61E-01	-0.33	6.28E-01	-0.31	6.23E-01
PDIK1L	-1.09	8.62E-01	-2.02	9.78E-01	-1.15	8.75E-01
GALNT18	-1.09	8.62E-01	0.25	4.01E-01	0.21	4.16E-01
SDHA	-1.09	8.62E-01	-0.28	6.11E-01	-0.10	5.41E-01
SKIV2L2	-1.09	8.62E-01	-0.57	7.16E-01	-0.06	5.25E-01
ECD	-1.09	8.62E-01	-0.63	7.35E-01	-1.26	8.97E-01
GPR125	-1.09	8.62E-01	-1.03	8.48E-01	-0.13	5.52E-01
TRAF7	-1.09	8.62E-01	0.07	4.72E-01	-0.64	7.39E-01
FUT10	-1.09	8.62E-01	-1.42	9.22E-01	-1.22	8.89E-01
MARS2	-1.09	8.62E-01	0.05	4.81E-01	-0.35	6.36E-01
MFAP3	-1.09	8.62E-01	0.44	3.30E-01	0.23	4.10E-01
USH1G	-1.09	8.62E-01	-0.52	6.98E-01	-0.97	8.34E-01
ARL16	-1.09	8.62E-01	-0.87	8.08E-01	-0.56	7.12E-01
PLVAP	-1.09	8.62E-01	-0.16	5.65E-01	-0.20	5.79E-01
KRTAP13-4	-1.09	8.62E-01	-1.84	9.67E-01	-0.32	6.25E-01
BYSL	-1.09	8.63E-01	-1.11	8.67E-01	-1.05	8.54E-01
DUSP23	-1.09	8.63E-01	-0.60	7.26E-01	-2.81	9.98E-01
PTF1A	-1.09	8.63E-01	0.29	3.86E-01	0.14	4.45E-01
NDUFAF5	-1.09	8.63E-01	-0.84	8.00E-01	0.27	3.94E-01
GLS2	-1.09	8.63E-01	-1.23	8.91E-01	-1.59	9.44E-01
RASSF2	-1.09	8.63E-01	0.43	3.32E-01	-1.06	8.56E-01
SDHC	-1.09	8.63E-01	-0.38	6.47E-01	-0.52	6.99E-01
RAD9B	-1.09	8.63E-01	-0.85	8.03E-01	-1.73	9.58E-01
GEMIN6	-1.09	8.63E-01	-0.69	7.56E-01	-0.56	7.14E-01

GPN3	-1.09	8.63E-01	-0.80	7.88E-01	-1.80	9.64E-01
IMPA2	-1.09	8.63E-01	-0.07	5.28E-01	-1.09	8.61E-01
C1orf220	-1.09	8.63E-01	0.00	4.98E-01	0.42	3.37E-01
AP1M1	-1.09	8.63E-01	-0.82	7.95E-01	-0.93	8.25E-01
AKT1S1	-1.09	8.63E-01	0.21	4.16E-01	-0.41	6.61E-01
MROH7-TTC4	-1.09	8.63E-01	1.33	9.19E-02	0.17	4.34E-01
TNS4	-1.09	8.63E-01	-0.82	7.94E-01	-1.05	8.52E-01
ZNF780A	-1.10	8.63E-01	-0.95	8.30E-01	-0.13	5.50E-01
SHC2	-1.10	8.63E-01	-1.35	9.12E-01	0.03	4.89E-01
TMEM104	-1.10	8.63E-01	-0.11	5.45E-01	-0.69	7.55E-01
CNOT6	-1.10	8.63E-01	0.82	2.05E-01	-0.01	5.05E-01
TMED6	-1.10	8.63E-01	-0.14	5.57E-01	0.86	1.96E-01
FILIP1L	-1.10	8.64E-01	-0.91	8.19E-01	-0.31	6.21E-01
KLHDC9	-1.10	8.64E-01	0.68	2.49E-01	0.89	1.86E-01
FAS	-1.10	8.64E-01	0.51	3.04E-01	-0.12	5.49E-01
HEY1	-1.10	8.64E-01	0.17	4.34E-01	-0.90	8.16E-01
LMAN1L	-1.10	8.64E-01	-1.93	9.73E-01	0.45	3.25E-01
C22orf23	-1.10	8.64E-01	-1.31	9.04E-01	-0.26	6.04E-01
NFATC1	-1.10	8.64E-01	-0.42	6.63E-01	-0.99	8.38E-01
NUDCD1	-1.10	8.64E-01	0.86	1.95E-01	0.38	3.54E-01
A2ML1	-1.10	8.64E-01	-0.07	5.30E-01	-1.10	8.65E-01
FOXD2	-1.10	8.64E-01	-1.26	8.96E-01	-1.79	9.63E-01
EIF2AK1	-1.10	8.64E-01	-1.25	8.94E-01	-0.18	5.73E-01
LRMP	-1.10	8.64E-01	1.19	1.18E-01	-1.84	9.67E-01
APOD	-1.10	8.64E-01	-1.08	8.59E-01	0.10	4.61E-01
NELFCD	-1.10	8.64E-01	-1.41	9.21E-01	-1.18	8.81E-01
CCDC87	-1.10	8.64E-01	-0.12	5.49E-01	-0.51	6.94E-01
TRPC3	-1.10	8.64E-01	-0.93	8.24E-01	0.23	4.10E-01
SERPINB10	-1.10	8.64E-01	-0.15	5.58E-01	-0.16	5.65E-01
PWWP2A	-1.10	8.64E-01	0.19	4.23E-01	0.04	4.83E-01
RHBDF1	-1.10	8.64E-01	-0.80	7.87E-01	-1.42	9.22E-01

SPATS2L	-1.10	8.64E-01	0.22	4.13E-01	-0.01	5.02E-01
ZNF286A	-1.10	8.64E-01	0.46	3.25E-01	0.86	1.95E-01
SIM2	-1.10	8.64E-01	-1.53	9.37E-01	-0.65	7.42E-01
SLC22A6	-1.10	8.65E-01	-0.07	5.27E-01	-0.40	6.55E-01
TMEM14A	-1.10	8.65E-01	-1.80	9.64E-01	-0.48	6.83E-01
PAK1	-1.10	8.65E-01	-0.12	5.47E-01	-0.85	8.03E-01
LYRM1	-1.10	8.65E-01	-0.41	6.60E-01	-0.33	6.31E-01
FCHO2	-1.10	8.65E-01	-0.40	6.56E-01	-1.03	8.49E-01
NEUROG1	-1.10	8.65E-01	-0.24	5.95E-01	0.42	3.38E-01
CHD7	-1.10	8.65E-01	0.22	4.14E-01	-0.50	6.91E-01
ZEB1	-1.10	8.65E-01	-0.48	6.83E-01	-0.78	7.83E-01
GLIPR1	-1.10	8.65E-01	-0.75	7.73E-01	-0.95	8.29E-01
ZNF419	-1.10	8.65E-01	-0.84	7.99E-01	-0.90	8.17E-01
TRIM16L	-1.10	8.65E-01	-1.09	8.61E-01	-0.95	8.30E-01
MVD	-1.10	8.65E-01	-1.62	9.48E-01	-0.83	7.97E-01
SDCBP	-1.10	8.65E-01	-0.57	7.15E-01	-0.41	6.60E-01
NUDT13	-1.10	8.65E-01	-0.65	7.41E-01	-1.46	9.28E-01
FAM171A2	-1.11	8.65E-01	-0.77	7.78E-01	-0.33	6.28E-01
PPOX	-1.11	8.65E-01	0.84	2.02E-01	0.53	3.00E-01
POLR1A	-1.11	8.66E-01	-0.12	5.48E-01	0.38	3.53E-01
IFIT1B	-1.11	8.66E-01	-0.05	5.21E-01	1.00	1.59E-01
LAMTOR3	-1.11	8.66E-01	-0.34	6.32E-01	0.74	2.31E-01
MS4A12	-1.11	8.66E-01	-1.01	8.44E-01	-0.05	5.22E-01
MCM6	-1.11	8.66E-01	-1.39	9.18E-01	-1.23	8.91E-01
RASAL1	-1.11	8.66E-01	-0.45	6.74E-01	-1.39	9.17E-01
KMT2E	-1.11	8.66E-01	-0.66	7.47E-01	-0.67	7.49E-01
SCGB1A1	-1.11	8.66E-01	-1.35	9.11E-01	-1.10	8.65E-01
REV1	-1.11	8.66E-01	-0.16	5.62E-01	-0.60	7.25E-01
AC011294.3	-1.11	8.66E-01	-0.35	6.38E-01	1.91	2.80E-02
OR1L8	-1.11	8.66E-01	0.30	3.83E-01	-0.45	6.73E-01
ARHGAP19	-1.11	8.66E-01	0.38	3.53E-01	-0.57	7.17E-01

KRT23	-1.11	8.66E-01	-1.01	8.44E-01	-1.12	8.69E-01
C1orf213	-1.11	8.66E-01	1.40	8.13E-02	0.69	2.44E-01
FAM216A	-1.11	8.66E-01	-0.84	8.00E-01	-1.76	9.61E-01
ASXL1	-1.11	8.66E-01	1.99	2.34E-02	2.60	4.73E-03
GAB2	-1.11	8.67E-01	-0.52	6.98E-01	-0.51	6.96E-01
NUMB	-1.11	8.67E-01	0.70	2.43E-01	1.09	1.37E-01
ADCK2	-1.11	8.67E-01	-0.62	7.34E-01	0.25	4.01E-01
THAP7	-1.11	8.67E-01	-1.32	9.06E-01	-0.92	8.20E-01
R3HDM4	-1.11	8.67E-01	-0.14	5.56E-01	-0.14	5.56E-01
CCM2	-1.11	8.67E-01	1.20	1.15E-01	0.27	3.92E-01
PSMC4	-1.11	8.67E-01	-1.26	8.96E-01	-0.43	6.67E-01
FAM53A	-1.11	8.67E-01	-0.48	6.86E-01	-0.94	8.26E-01
ZNF469	-1.11	8.67E-01	-0.78	7.82E-01	-1.89	9.70E-01
RP11-286N22.8	-1.11	8.67E-01	-0.38	6.49E-01	-0.75	7.74E-01
B9D1	-1.11	8.67E-01	-0.77	7.80E-01	-0.94	8.26E-01
SP140L	-1.11	8.67E-01	-0.99	8.39E-01	-0.27	6.06E-01
THTPA	-1.11	8.67E-01	-1.01	8.43E-01	-1.35	9.11E-01
C4BPA	-1.11	8.67E-01	-0.23	5.91E-01	-0.34	6.34E-01
TRIM28	-1.11	8.67E-01	-2.15	9.84E-01	-1.11	8.66E-01
ZNF235	-1.11	8.67E-01	-1.13	8.71E-01	-0.73	7.67E-01
DNAJB14	-1.11	8.67E-01	-0.54	7.06E-01	0.91	1.82E-01
MTX1	-1.11	8.68E-01	-1.74	9.59E-01	-0.36	6.40E-01
CYP27B1	-1.12	8.68E-01	-0.18	5.71E-01	-0.65	7.41E-01
TPST2	-1.12	8.68E-01	0.09	4.63E-01	-1.14	8.73E-01
GNRH1	-1.12	8.68E-01	-0.43	6.65E-01	-0.85	8.01E-01
CHP2	-1.12	8.68E-01	-1.48	9.31E-01	-0.19	5.76E-01
USP8	-1.12	8.68E-01	-0.01	5.02E-01	-1.48	9.31E-01
SCRT2	-1.12	8.68E-01	-0.81	7.91E-01	0.16	4.38E-01
PSPN	-1.12	8.68E-01	-1.01	8.43E-01	-1.11	8.66E-01
SPINK7	-1.12	8.68E-01	-1.49	9.32E-01	-0.53	7.02E-01
USP18	-1.12	8.68E-01	-0.23	5.92E-01	-0.58	7.18E-01

LRIG1		-1.12	8.68E-01	-0.99	8.39E-01	-0.23	5.91E-01
PZP		-1.12	8.68E-01	-1.60	9.45E-01	-1.12	8.69E-01
CSK		-1.12	8.68E-01	-1.56	9.41E-01	0.13	4.48E-01
CCDC85B		-1.12	8.68E-01	-0.81	7.90E-01	-0.22	5.86E-01
ZPBP		-1.12	8.68E-01	-0.39	6.52E-01	0.34	3.67E-01
UBE2QL1		-1.12	8.68E-01	-1.06	8.57E-01	0.68	2.47E-01
PALD1		-1.12	8.69E-01	-1.07	8.58E-01	-0.35	6.38E-01
ZP3		-1.12	8.69E-01	-0.85	8.01E-01	-1.66	9.52E-01
SNX4		-1.12	8.69E-01	-0.46	6.77E-01	-0.68	7.53E-01
FGFBP3		-1.12	8.69E-01	0.19	4.24E-01	-0.60	7.26E-01
ZBTB3		-1.12	8.69E-01	-0.50	6.92E-01	-1.63	9.49E-01
ZHX3		-1.12	8.69E-01	-0.31	6.21E-01	-1.39	9.17E-01
	STX18	-1.12	8.69E-01	-1.53	9.36E-01	-0.74	7.70E-01
DLGAP1		-1.12	8.69E-01	-1.65	9.50E-01	-1.40	9.19E-01
RPS27		-1.12	8.69E-01	0.25	4.02E-01	0.03	4.88E-01
IQCE		-1.12	8.69E-01	0.46	3.24E-01	-0.73	7.67E-01
TBX6		-1.12	8.69E-01	-1.20	8.85E-01	-0.33	6.29E-01
C11orf72		-1.12	8.69E-01	-0.61	7.30E-01	0.14	4.46E-01
TFAP4		-1.12	8.69E-01	-0.62	7.33E-01	-1.29	9.01E-01
IL20		-1.12	8.69E-01	-1.29	9.01E-01	0.47	3.19E-01
NUDC		-1.12	8.69E-01	-0.01	5.04E-01	1.92	2.75E-02
NSMCE2		-1.12	8.69E-01	-0.48	6.83E-01	0.31	3.77E-01
TNFSF8		-1.12	8.69E-01	-1.04	8.51E-01	0.08	4.69E-01
DCLRE1C		-1.12	8.70E-01	-0.44	6.69E-01	-0.95	8.28E-01
SARDH		-1.12	8.70E-01	-0.31	6.21E-01	0.29	3.84E-01
LURAP1		-1.12	8.70E-01	0.06	4.74E-01	0.87	1.93E-01
ULBP1		-1.12	8.70E-01	-0.53	7.04E-01	-1.09	8.62E-01
NHP2L1		-1.13	8.70E-01	-0.66	7.45E-01	-1.65	9.50E-01
SIX6		-1.13	8.70E-01	0.43	3.33E-01	-0.38	6.47E-01
ERBB2		-1.13	8.70E-01	-0.16	5.64E-01	-1.42	9.22E-01
TFG		-1.13	8.70E-01	-0.52	6.98E-01	0.75	2.25E-01

CLCC1	-1.13	8.70E-01	-0.39	6.50E-01	-1.04	8.51E-01
DENND2C	-1.13	8.70E-01	-1.84	9.67E-01	-0.77	7.81E-01
DDX39A	-1.13	8.70E-01	-0.56	7.12E-01	-1.29	9.02E-01
PREX1	-1.13	8.70E-01	-0.74	7.72E-01	-0.63	7.36E-01
ZDHHHC2	-1.13	8.70E-01	0.36	3.61E-01	-0.17	5.67E-01
CYS1	-1.13	8.70E-01	-1.64	9.49E-01	-0.94	8.27E-01
LAMA4	-1.13	8.70E-01	-0.46	6.76E-01	-0.70	7.57E-01
GFRA3	-1.13	8.70E-01	-0.21	5.85E-01	-0.70	7.59E-01
PRRT3	-1.13	8.70E-01	-0.61	7.29E-01	-0.28	6.09E-01
FBXL4	-1.13	8.70E-01	0.64	2.62E-01	-0.31	6.21E-01
FITM1	-1.13	8.71E-01	-0.35	6.37E-01	-0.99	8.39E-01
SELP	-1.13	8.71E-01	0.82	2.06E-01	-0.04	5.16E-01
MOK	-1.13	8.71E-01	-0.44	6.70E-01	-0.79	7.84E-01
CLN8	-1.13	8.71E-01	-1.55	9.39E-01	-0.98	8.37E-01
UQCRB	-1.13	8.71E-01	-0.45	6.74E-01	0.36	3.59E-01
JOSD1	-1.13	8.71E-01	0.85	1.98E-01	-1.01	8.44E-01
ZNF529	-1.13	8.71E-01	0.05	4.79E-01	0.38	3.52E-01
ZNF189	-1.13	8.71E-01	-0.99	8.40E-01	-0.50	6.93E-01
MRGPRX2	-1.13	8.71E-01	-0.20	5.79E-01	-0.54	7.05E-01
BHLHA15	-1.13	8.71E-01	-0.72	7.63E-01	-0.35	6.36E-01
MARVELD1	-1.13	8.71E-01	0.69	2.46E-01	0.38	3.53E-01
KIAA1644	-1.13	8.71E-01	0.20	4.23E-01	-0.92	8.21E-01
ZSWIM1	-1.13	8.71E-01	-0.93	8.23E-01	-0.18	5.73E-01
CBR4	-1.13	8.71E-01	-0.54	7.05E-01	-0.57	7.16E-01
SCYL2	-1.13	8.72E-01	-1.63	9.48E-01	-0.79	7.86E-01
TMEM87A	-1.13	8.72E-01	-0.64	7.38E-01	-0.59	7.22E-01
FXVD6-FXYD2	-1.13	8.72E-01	-1.09	8.62E-01	-0.78	7.82E-01
SHISA5	-1.13	8.72E-01	0.46	3.22E-01	-0.45	6.72E-01
CACNG1	-1.13	8.72E-01	-0.65	7.43E-01	-0.71	7.61E-01
CPM	-1.13	8.72E-01	-1.29	9.01E-01	-1.18	8.81E-01
BEND6	-1.13	8.72E-01	-0.81	7.91E-01	-0.42	6.63E-01

PIGL	-1.13	8.72E-01	-1.61	9.47E-01	-0.22	5.87E-01
ADCY1	-1.13	8.72E-01	-1.94	9.74E-01	-0.63	7.34E-01
EIF4G2	-1.13	8.72E-01	-1.28	9.00E-01	0.02	4.91E-01
INMT	-1.14	8.72E-01	0.50	3.10E-01	-0.47	6.80E-01
ZNF638	-1.14	8.72E-01	-1.49	9.32E-01	0.41	3.41E-01
KIN	-1.14	8.72E-01	-1.13	8.70E-01	-0.22	5.87E-01
SOCS2	-1.14	8.72E-01	-1.28	9.00E-01	-0.26	6.04E-01
TUBA1B	-1.14	8.72E-01	-1.43	9.24E-01	-1.73	9.59E-01
OR1L6	-1.14	8.72E-01	-1.52	9.36E-01	-1.33	9.08E-01
KRTAP19-6	-1.14	8.72E-01	-0.36	6.41E-01	-1.54	9.38E-01
TNFRSF19	-1.14	8.72E-01	-1.03	8.47E-01	-0.63	7.37E-01
MMP21	-1.14	8.72E-01	0.08	4.67E-01	-0.45	6.72E-01
TLDC2	-1.14	8.73E-01	0.04	4.85E-01	0.85	1.98E-01
KRTAP11-1	-1.14	8.73E-01	-0.45	6.73E-01	0.88	1.89E-01
PRDX6	-1.14	8.73E-01	0.29	3.85E-01	0.41	3.42E-01
ACVR2B	-1.14	8.73E-01	-0.31	6.22E-01	-0.50	6.93E-01
BIRC2	-1.14	8.73E-01	0.75	2.25E-01	0.43	3.34E-01
ZBTB16	-1.14	8.73E-01	-2.50	9.94E-01	0.60	2.74E-01
APITD1	-1.14	8.73E-01	-0.39	6.53E-01	1.39	8.22E-02
APITD1-CORT	-1.14	8.73E-01	-0.39	6.53E-01	1.39	8.22E-02
BCL6	-1.14	8.73E-01	-2.17	9.85E-01	0.12	4.51E-01
ZNF365	-1.14	8.73E-01	-0.39	6.51E-01	0.29	3.85E-01
CTXN3	-1.14	8.73E-01	0.22	4.13E-01	-0.55	7.08E-01
SLC9A1	-1.14	8.73E-01	0.42	3.38E-01	0.75	2.27E-01
CYP4F12	-1.14	8.73E-01	-0.73	7.67E-01	-0.02	5.06E-01
PCIF1	-1.14	8.73E-01	-1.05	8.53E-01	-1.39	9.17E-01
NCBP1	-1.14	8.73E-01	-0.78	7.83E-01	0.44	3.30E-01
C4orf6	-1.14	8.73E-01	-0.19	5.75E-01	0.71	2.40E-01
NOA1	-1.14	8.73E-01	1.01	1.57E-01	-0.70	7.58E-01
SEC14L3	-1.14	8.73E-01	-0.52	6.99E-01	-1.55	9.40E-01
SAP25	-1.14	8.73E-01	0.68	2.47E-01	0.35	3.64E-01



RFPL2	-1.14	8.73E-01	-1.04	8.51E-01	0.10	4.61E-01
DSTN	-1.14	8.73E-01	-0.85	8.01E-01	-0.39	6.52E-01
MYO5C	-1.14	8.73E-01	-0.19	5.76E-01	-0.72	7.64E-01
SNX24	-1.14	8.73E-01	0.37	3.55E-01	-0.33	6.28E-01
MYO7A	-1.14	8.73E-01	-0.93	8.24E-01	-0.94	8.26E-01
HBZ	-1.14	8.73E-01	0.19	4.25E-01	0.26	3.97E-01
ALDH2	-1.14	8.73E-01	-0.74	7.72E-01	-0.95	8.28E-01
PLA2G6	-1.14	8.73E-01	-0.70	7.58E-01	-1.09	8.63E-01
GZMK	-1.14	8.74E-01	0.33	3.72E-01	-0.72	7.66E-01
RNASE3	-1.14	8.74E-01	-0.91	8.17E-01	-1.23	8.90E-01
SETBP1	-1.14	8.74E-01	1.02	1.54E-01	0.96	1.68E-01
ZNF319	-1.14	8.74E-01	-0.41	6.60E-01	-0.50	6.93E-01
SLC7A10	-1.15	8.74E-01	-0.10	5.41E-01	-1.13	8.70E-01
NASP	-1.15	8.74E-01	0.22	4.13E-01	0.22	4.12E-01
EPHA8	-1.15	8.74E-01	-0.87	8.07E-01	-0.45	6.74E-01
C17orf80	-1.15	8.74E-01	-0.87	8.09E-01	-0.28	6.11E-01
ME2	-1.15	8.74E-01	-1.13	8.71E-01	-0.76	7.75E-01
SP5	-1.15	8.74E-01	-0.20	5.77E-01	0.17	4.32E-01
DLGAP3	-1.15	8.74E-01	-1.59	9.44E-01	-0.98	8.36E-01
CCDC51	-1.15	8.74E-01	0.24	4.05E-01	0.39	3.49E-01
CARS	-1.15	8.74E-01	0.43	3.34E-01	0.07	4.71E-01
OR2Y1	-1.15	8.74E-01	-1.15	8.76E-01	-0.69	7.56E-01
DERL3	-1.15	8.74E-01	-0.60	7.26E-01	-0.54	7.06E-01
IL22RA2	-1.15	8.74E-01	0.56	2.89E-01	-1.10	8.63E-01
AFMID	-1.15	8.75E-01	0.16	4.35E-01	-0.80	7.89E-01
TNR	-1.15	8.75E-01	0.88	1.88E-01	-1.65	9.51E-01
GPR135	-1.15	8.75E-01	-1.91	9.72E-01	-0.03	5.14E-01
KRTAP19-3	-1.15	8.75E-01	-1.91	9.72E-01	-0.17	5.68E-01
ZDHHC21	-1.15	8.75E-01	-0.90	8.17E-01	-0.63	7.36E-01
KISS1	-1.15	8.75E-01	0.32	3.75E-01	0.81	2.09E-01
MAPK8IP2	-1.15	8.75E-01	-1.51	9.34E-01	0.80	2.13E-01

TPBG	-1.15	8.75E-01	-0.85	8.04E-01	-0.43	6.67E-01
IFNA16	-1.15	8.75E-01	-1.53	9.37E-01	-0.61	7.27E-01
KNDC1	-1.15	8.75E-01	-1.59	9.44E-01	-1.00	8.41E-01
PNLDC1	-1.15	8.75E-01	0.39	3.49E-01	-0.84	8.01E-01
DCST1	-1.15	8.75E-01	-1.29	9.01E-01	-0.51	6.93E-01
S100A14	-1.15	8.75E-01	-0.35	6.38E-01	-1.04	8.50E-01
SLC19A3	-1.15	8.75E-01	-1.32	9.06E-01	-0.34	6.33E-01
XKR7	-1.15	8.75E-01	0.52	3.03E-01	-0.40	6.56E-01
CD53	-1.15	8.75E-01	-0.70	7.57E-01	-0.28	6.10E-01
CASP9	-1.15	8.75E-01	-0.57	7.16E-01	-0.26	6.01E-01
RFX4	-1.15	8.75E-01	-0.25	5.99E-01	-0.03	5.14E-01
SOX5	-1.15	8.76E-01	-0.41	6.60E-01	1.93	2.67E-02
CCDC68	-1.15	8.76E-01	-1.31	9.05E-01	-1.31	9.05E-01
RP11-625H11.1	-1.15	8.76E-01	-0.06	5.23E-01	0.52	3.00E-01
YAE1D1	-1.15	8.76E-01	-0.64	7.38E-01	-1.09	8.62E-01
HKDC1	-1.15	8.76E-01	-0.05	5.21E-01	0.01	4.95E-01
S100B	-1.15	8.76E-01	-0.67	7.48E-01	-1.95	9.74E-01
FBXL22	-1.15	8.76E-01	-0.56	7.11E-01	0.63	2.65E-01
AHNAK	-1.15	8.76E-01	0.67	2.51E-01	0.84	2.01E-01
GPALPP1	-1.16	8.76E-01	-0.09	5.36E-01	-0.94	8.27E-01
RHBDL1	-1.16	8.76E-01	-0.51	6.94E-01	-0.08	5.33E-01
CRADD	-1.16	8.76E-01	-0.94	8.26E-01	-1.78	9.62E-01
UFL1	-1.16	8.76E-01	-0.16	5.64E-01	0.38	3.51E-01
RPGRIP1	-1.16	8.76E-01	1.13	1.29E-01	0.38	3.51E-01
WDR74	-1.16	8.76E-01	-1.04	8.50E-01	-0.64	7.39E-01
CTC-432M15.3	-1.16	8.76E-01	-0.44	6.69E-01	-1.14	8.72E-01
THUMPD1	-1.16	8.76E-01	-0.21	5.81E-01	-0.05	5.19E-01
CDKL2	-1.16	8.76E-01	0.53	2.97E-01	0.92	1.78E-01
ISL2	-1.16	8.77E-01	-0.43	6.66E-01	-0.93	8.23E-01
ABCC12	-1.16	8.77E-01	-0.97	8.33E-01	0.26	3.96E-01
EPG5	-1.16	8.77E-01	-1.87	9.69E-01	-1.56	9.41E-01

ABCB1	-1.16	8.77E-01	-0.40	6.55E-01	-1.62	9.47E-01
ADARB2	-1.16	8.77E-01	0.52	3.01E-01	-0.48	6.84E-01
NOS1	-1.16	8.77E-01	-0.76	7.77E-01	-1.43	9.23E-01
DLX3	-1.16	8.77E-01	-0.83	7.98E-01	-1.88	9.70E-01
IMMP1L	-1.16	8.77E-01	-0.62	7.34E-01	-0.65	7.43E-01
JUND	-1.16	8.77E-01	-0.47	6.82E-01	-0.06	5.26E-01
TCF23	-1.16	8.77E-01	-0.86	8.04E-01	-1.78	9.63E-01
ANKRD30A	-1.16	8.77E-01	-0.01	5.06E-01	0.62	2.68E-01
PFDN2	-1.16	8.77E-01	0.73	2.33E-01	0.28	3.91E-01
USP47	-1.16	8.77E-01	-0.06	5.23E-01	-1.07	8.57E-01
MAP1B	-1.16	8.77E-01	-1.24	8.93E-01	-1.08	8.59E-01
GIMAP2	-1.16	8.77E-01	-0.04	5.17E-01	0.67	2.51E-01
AES	-1.16	8.77E-01	-2.41	9.92E-01	-0.97	8.34E-01
HIC2	-1.16	8.78E-01	-1.00	8.40E-01	-1.43	9.24E-01
C14orf132	-1.16	8.78E-01	-0.50	6.92E-01	0.90	1.85E-01
SUMO1	-1.16	8.78E-01	-1.25	8.95E-01	-1.95	9.74E-01
CMSS1	-1.16	8.78E-01	-0.99	8.39E-01	-0.26	6.02E-01
RP11-6L6.2	-1.16	8.78E-01	-1.55	9.39E-01	-0.68	7.53E-01
TSPYL4	-1.17	8.78E-01	0.65	2.58E-01	-0.40	6.54E-01
RCC1	-1.17	8.78E-01	-0.25	5.99E-01	0.30	3.82E-01
DCTN6	-1.17	8.78E-01	-0.04	5.17E-01	-0.88	8.10E-01
SOHLH1	-1.17	8.78E-01	-0.28	6.10E-01	-0.80	7.88E-01
ERMP1	-1.17	8.78E-01	-0.28	6.11E-01	-0.53	7.02E-01
JUNB	-1.17	8.78E-01	-0.89	8.12E-01	-1.75	9.60E-01
OR10H4	-1.17	8.79E-01	-0.55	7.08E-01	-0.08	5.32E-01
ADAMTSL3	-1.17	8.79E-01	-0.87	8.09E-01	0.56	2.86E-01
NRROS	-1.17	8.79E-01	-0.13	5.52E-01	-0.87	8.07E-01
PDGFRA	-1.17	8.79E-01	-0.64	7.39E-01	-0.27	6.06E-01
KIAA1377	-1.17	8.79E-01	1.36	8.68E-02	0.25	4.00E-01
TSTD2	-1.17	8.79E-01	-1.15	8.74E-01	0.04	4.85E-01
CDC42EP2	-1.17	8.79E-01	0.04	4.84E-01	-0.07	5.27E-01

ROBO4	-1.17	8.79E-01	-0.39	6.51E-01	-1.21	8.87E-01
CXCL17	-1.17	8.79E-01	-0.29	6.16E-01	-0.10	5.40E-01
PSMA4	-1.17	8.79E-01	-0.41	6.58E-01	0.55	2.91E-01
RPL13	-1.17	8.79E-01	-1.65	9.50E-01	-1.20	8.84E-01
FAM159A	-1.17	8.79E-01	-0.06	5.24E-01	0.27	3.93E-01
KIF3C	-1.17	8.79E-01	-0.02	5.10E-01	-1.09	8.63E-01
GGA1	-1.17	8.79E-01	-0.05	5.22E-01	-1.06	8.56E-01
RANGRF	-1.17	8.79E-01	0.00	5.01E-01	-0.13	5.52E-01
MASTL	-1.17	8.79E-01	-1.19	8.84E-01	0.40	3.44E-01
MRPL51	-1.17	8.79E-01	0.34	3.65E-01	0.55	2.91E-01
TTLL3	-1.17	8.79E-01	-1.09	8.63E-01	0.66	2.53E-01
SSFA2	-1.17	8.79E-01	-1.28	8.99E-01	-0.95	8.29E-01
SYF2	-1.17	8.79E-01	-2.58	9.95E-01	-0.53	7.04E-01
KIF27	-1.17	8.79E-01	-0.19	5.75E-01	1.03	1.51E-01
LASP1	-1.17	8.80E-01	-1.59	9.44E-01	-0.28	6.10E-01
KANK4	-1.17	8.80E-01	-0.20	5.78E-01	-0.97	8.35E-01
NR1H2	-1.17	8.80E-01	-1.18	8.81E-01	-0.94	8.26E-01
TMEM165	-1.17	8.80E-01	-1.27	8.98E-01	-0.42	6.61E-01
FAM98B	-1.17	8.80E-01	-0.80	7.89E-01	-1.44	9.25E-01
PLCD1	-1.17	8.80E-01	-0.11	5.45E-01	1.32	9.35E-02
HHIPL2	-1.17	8.80E-01	-1.00	8.40E-01	-1.70	9.55E-01
ZNF286A	-1.18	8.80E-01	-0.28	6.09E-01	0.36	3.60E-01
RAB44	-1.18	8.80E-01	-0.55	7.08E-01	-0.27	6.05E-01
GP1BA	-1.18	8.80E-01	-0.21	5.82E-01	-1.30	9.04E-01
C12orf45	-1.18	8.80E-01	-1.63	9.48E-01	-0.54	7.05E-01
ATRNL	-1.18	8.80E-01	-0.37	6.46E-01	-0.24	5.93E-01
LRRC7	-1.18	8.80E-01	1.29	9.77E-02	-0.88	8.11E-01
INTS8	-1.18	8.80E-01	-1.36	9.13E-01	-1.77	9.62E-01
NT5DC1	-1.18	8.81E-01	0.66	2.55E-01	-0.31	6.21E-01
SLC16A6	-1.18	8.81E-01	-1.40	9.19E-01	-0.43	6.65E-01
GNAL	-1.18	8.81E-01	-1.30	9.04E-01	0.82	2.06E-01

ELAC2	-1.18	8.81E-01	-0.74	7.71E-01	-0.35	6.37E-01
CDCA8	-1.18	8.81E-01	-1.09	8.62E-01	-0.83	7.96E-01
SLC8A2	-1.18	8.81E-01	-1.21	8.88E-01	-0.48	6.84E-01
NDST3	-1.18	8.81E-01	-0.19	5.75E-01	-0.69	7.54E-01
POU5F2	-1.18	8.81E-01	-0.62	7.34E-01	0.25	4.02E-01
PTPN9	-1.18	8.81E-01	-0.63	7.36E-01	-1.91	9.72E-01
PREX2	-1.18	8.81E-01	-1.19	8.82E-01	-1.03	8.48E-01
ZNF700	-1.18	8.81E-01	-0.83	7.96E-01	-0.91	8.18E-01
FAM46B	-1.18	8.81E-01	0.38	3.51E-01	1.39	8.29E-02
MAN1A2	-1.18	8.81E-01	-1.25	8.95E-01	-0.17	5.69E-01
VAMP8	-1.18	8.81E-01	0.24	4.05E-01	0.45	3.27E-01
ANKRD18A	-1.18	8.82E-01	0.01	4.96E-01	-0.58	7.18E-01
PPARGC1A	-1.18	8.82E-01	-0.20	5.79E-01	-0.68	7.53E-01
HOMEZ	-1.18	8.82E-01	-0.40	6.57E-01	-0.86	8.05E-01
MPV17	-1.18	8.82E-01	-2.44	9.93E-01	-0.04	5.17E-01
REG3G	-1.18	8.82E-01	-1.91	9.72E-01	-0.29	6.13E-01
APOBEC3A	-1.18	8.82E-01	-0.90	8.17E-01	-0.43	6.68E-01
LMBR1L	-1.18	8.82E-01	-0.80	7.88E-01	-1.47	9.29E-01
ZNF280A	-1.18	8.82E-01	-1.11	8.67E-01	-1.44	9.25E-01
IRF5	-1.18	8.82E-01	-1.91	9.72E-01	0.00	5.00E-01
ACER3	-1.19	8.82E-01	0.49	3.13E-01	0.68	2.48E-01
CBX6	-1.19	8.82E-01	-0.66	7.44E-01	-1.32	9.07E-01
TOMM34	-1.19	8.82E-01	-0.36	6.40E-01	0.56	2.86E-01
ZNF154	-1.19	8.82E-01	-0.11	5.46E-01	-1.78	9.63E-01
TBX18	-1.19	8.82E-01	0.49	3.13E-01	0.78	2.18E-01
PHACTR4	-1.19	8.83E-01	-0.79	7.84E-01	-0.09	5.36E-01
STK17B	-1.19	8.83E-01	-0.86	8.05E-01	-0.69	7.56E-01
TCTE3	-1.19	8.83E-01	-1.24	8.93E-01	-0.47	6.82E-01
CCDC122	-1.19	8.83E-01	0.09	4.65E-01	-0.16	5.64E-01
SLC26A7	-1.19	8.83E-01	-0.30	6.17E-01	-0.54	7.04E-01
HNF1B	-1.19	8.83E-01	-0.43	6.65E-01	-1.14	8.73E-01

FKBP9	-1.19	8.83E-01	-1.09	8.63E-01	0.30	3.82E-01
IL17B	-1.19	8.83E-01	-0.52	6.98E-01	0.39	3.48E-01
MB21D2	-1.19	8.83E-01	0.23	4.09E-01	0.13	4.50E-01
TMEM201	-1.19	8.83E-01	0.06	4.74E-01	-0.74	7.70E-01
ECSCR	-1.19	8.83E-01	-0.40	6.55E-01	0.77	2.21E-01
ZNF260	-1.19	8.83E-01	-0.88	8.11E-01	-0.77	7.80E-01
CCNC	-1.19	8.84E-01	0.03	4.89E-01	0.00	5.00E-01
OR2L3	-1.19	8.84E-01	-0.22	5.86E-01	0.53	2.97E-01
PNLIPRP3	-1.19	8.84E-01	-0.60	7.27E-01	0.28	3.92E-01
BFSP1	-1.19	8.84E-01	-1.13	8.71E-01	-0.84	8.01E-01
NGFR	-1.19	8.84E-01	-0.57	7.17E-01	-1.35	9.11E-01
LAPTM4A	-1.19	8.84E-01	-0.40	6.55E-01	-0.64	7.39E-01
SSH2	-1.19	8.84E-01	-1.02	8.47E-01	-1.47	9.29E-01
SDF2	-1.20	8.84E-01	-2.67	9.96E-01	-0.54	7.06E-01
HNRNPH3	-1.20	8.84E-01	-0.11	5.42E-01	0.38	3.51E-01
TAS2R13	-1.20	8.84E-01	0.05	4.80E-01	0.42	3.39E-01
ADAT3	-1.20	8.84E-01	0.40	3.43E-01	-0.03	5.13E-01
FAM120B	-1.20	8.84E-01	-0.81	7.90E-01	-0.29	6.14E-01
NEXN	-1.20	8.84E-01	-1.22	8.89E-01	1.01	1.56E-01
PEX10	-1.20	8.84E-01	-1.36	9.12E-01	-0.22	5.89E-01
RUSC2	-1.20	8.84E-01	0.64	2.60E-01	-0.66	7.45E-01
MYO1G	-1.20	8.84E-01	0.60	2.76E-01	-0.55	7.08E-01
PHLDA1	-1.20	8.85E-01	-0.02	5.08E-01	0.04	4.86E-01
RFPL4A	-1.20	8.85E-01	0.23	4.08E-01	0.60	2.75E-01
C2orf81	-1.20	8.85E-01	-0.74	7.70E-01	-0.61	7.30E-01
USP7	-1.20	8.85E-01	-1.68	9.53E-01	0.29	3.86E-01
LRCH4	-1.20	8.85E-01	0.38	3.51E-01	0.20	4.21E-01
MST1R	-1.20	8.85E-01	1.20	1.16E-01	0.94	1.74E-01
GRP	-1.20	8.85E-01	-0.06	5.22E-01	-0.58	7.20E-01
RAB3GAP1	-1.20	8.85E-01	-0.76	7.75E-01	-1.26	8.96E-01
CCDC149	-1.20	8.85E-01	-0.31	6.21E-01	0.36	3.61E-01

43350	-1.20	8.85E-01	-0.68	7.50E-01	-1.00	8.41E-01
IL31RA	-1.20	8.85E-01	1.47	7.08E-02	1.19	1.17E-01
LPIN2	-1.20	8.85E-01	-1.27	8.98E-01	-0.87	8.07E-01
EXOC2	-1.20	8.85E-01	-0.01	5.04E-01	-1.28	9.01E-01
RIOK2	-1.20	8.85E-01	-0.99	8.40E-01	0.10	4.61E-01
NLRP5	-1.20	8.85E-01	-2.17	9.85E-01	-0.99	8.40E-01
GIT1	-1.20	8.85E-01	0.28	3.89E-01	0.13	4.50E-01
MAP3K19	-1.20	8.86E-01	-1.35	9.11E-01	-1.56	9.41E-01
MYOM1	-1.20	8.86E-01	-0.59	7.22E-01	-0.34	6.33E-01
C9orf3	-1.20	8.86E-01	-0.09	5.37E-01	-1.51	9.35E-01
POLE	-1.20	8.86E-01	-1.41	9.20E-01	-0.63	7.36E-01
VTCN1	-1.20	8.86E-01	-0.62	7.33E-01	-0.52	6.99E-01
ZNF69	-1.20	8.86E-01	-0.32	6.27E-01	-0.56	7.14E-01
RNF19A	-1.20	8.86E-01	-0.65	7.43E-01	-1.08	8.59E-01
TXNDC9	-1.21	8.86E-01	-0.54	7.07E-01	-0.45	6.73E-01
RNF183	-1.21	8.86E-01	-0.60	7.24E-01	0.26	3.97E-01
PSMC1	-1.21	8.86E-01	-0.66	7.46E-01	-0.65	7.44E-01
PAPD4	-1.21	8.86E-01	-1.02	8.47E-01	-0.76	7.77E-01
CEACAM16	-1.21	8.86E-01	0.27	3.92E-01	0.85	1.98E-01
KLHL38	-1.21	8.86E-01	0.25	4.00E-01	-0.15	5.58E-01
MAP3K1	-1.21	8.86E-01	-0.44	6.70E-01	-0.61	7.29E-01
SH3PXD2B	-1.21	8.86E-01	-0.75	7.73E-01	0.72	2.37E-01
SPEG	-1.21	8.87E-01	-0.44	6.70E-01	0.23	4.10E-01
HIST1H2BM	-1.21	8.87E-01	0.35	3.61E-01	0.28	3.89E-01
ELP4	-1.21	8.87E-01	-0.72	7.63E-01	-0.43	6.67E-01
CLINT1	-1.21	8.87E-01	0.05	4.81E-01	-0.91	8.19E-01
NFU1	-1.21	8.87E-01	0.61	2.70E-01	0.55	2.90E-01
PTH	-1.21	8.87E-01	-0.72	7.63E-01	0.13	4.46E-01
ATG12	-1.21	8.87E-01	-0.71	7.62E-01	-0.61	7.28E-01
CYP4F3	-1.21	8.87E-01	-0.81	7.90E-01	-0.37	6.46E-01
FAM96B	-1.21	8.87E-01	-0.93	8.25E-01	-0.44	6.71E-01

GPR65	-1.21	8.87E-01	-1.39	9.18E-01	-0.96	8.33E-01
FAM126A	-1.21	8.87E-01	0.04	4.85E-01	-1.25	8.94E-01
CDC42EP3	-1.21	8.87E-01	-0.83	7.96E-01	0.19	4.24E-01
TBXA2R	-1.21	8.87E-01	-0.63	7.37E-01	-2.44	9.93E-01
C1orf127	-1.21	8.87E-01	0.00	5.02E-01	0.56	2.88E-01
PQLC1	-1.21	8.87E-01	-1.17	8.78E-01	-1.76	9.61E-01
GALNTL5	-1.21	8.87E-01	-0.36	6.41E-01	-1.59	9.44E-01
SESN2	-1.21	8.87E-01	-0.26	6.03E-01	-0.34	6.32E-01
TRMT11	-1.21	8.88E-01	-0.19	5.75E-01	0.04	4.84E-01
FAT2	-1.21	8.88E-01	-0.17	5.69E-01	0.31	3.79E-01
LALBA	-1.21	8.88E-01	-0.28	6.09E-01	-1.03	8.48E-01
MED29	-1.21	8.88E-01	0.76	2.23E-01	2.01	2.23E-02
SLMAP	-1.21	8.88E-01	-0.03	5.10E-01	0.19	4.25E-01
ABR	-1.22	8.88E-01	-0.59	7.21E-01	-0.52	6.98E-01
ALKBH7	-1.22	8.88E-01	-0.90	8.16E-01	-1.15	8.76E-01
GGA3	-1.22	8.88E-01	-0.13	5.51E-01	-1.12	8.69E-01
PRKACB	-1.22	8.88E-01	-1.03	8.48E-01	-0.31	6.23E-01
ABCG8	-1.22	8.88E-01	-0.19	5.75E-01	-0.60	7.25E-01
HES7	-1.22	8.88E-01	0.52	3.01E-01	1.87	3.08E-02
PPTC7	-1.22	8.88E-01	-2.30	9.89E-01	-1.69	9.54E-01
SELV	-1.22	8.88E-01	-0.90	8.15E-01	0.24	4.04E-01
ZNF331	-1.22	8.88E-01	-0.61	7.30E-01	-0.35	6.38E-01
PRR14L	-1.22	8.89E-01	-0.59	7.22E-01	-0.41	6.58E-01
C5orf47	-1.22	8.89E-01	-0.33	6.29E-01	0.03	4.86E-01
CLUL1	-1.22	8.89E-01	-0.30	6.19E-01	-1.45	9.26E-01
TBATA	-1.22	8.89E-01	-0.72	7.64E-01	-0.49	6.86E-01
BAD	-1.22	8.89E-01	0.20	4.20E-01	-0.14	5.56E-01
CYP26C1	-1.22	8.89E-01	-0.14	5.56E-01	-0.67	7.48E-01
DDB1	-1.22	8.89E-01	-0.86	8.04E-01	-1.07	8.57E-01
ITGB3	-1.22	8.89E-01	0.92	1.79E-01	1.22	1.12E-01
ITGB3	-1.22	8.89E-01	0.92	1.79E-01	1.22	1.12E-01



PAWR	-1.22	8.89E-01	-1.10	8.64E-01	-0.89	8.12E-01
SPAG1	-1.22	8.89E-01	-1.78	9.63E-01	-0.54	7.06E-01
VENTX	-1.22	8.89E-01	-0.47	6.83E-01	0.44	3.31E-01
NPRL3	-1.22	8.90E-01	0.23	4.08E-01	0.64	2.60E-01
EPRS	-1.22	8.90E-01	-1.04	8.51E-01	-0.36	6.41E-01
NRDE2	-1.23	8.90E-01	-2.13	9.83E-01	-1.02	8.47E-01
PPFIA3	-1.23	8.90E-01	-0.35	6.37E-01	-0.20	5.81E-01
UBR4	-1.23	8.90E-01	-0.21	5.83E-01	-1.23	8.90E-01
LARGE	-1.23	8.90E-01	0.48	3.14E-01	-0.48	6.83E-01
RGS6	-1.23	8.90E-01	-1.13	8.71E-01	0.45	3.26E-01
COX5A	-1.23	8.90E-01	-0.51	6.97E-01	0.33	3.70E-01
SMAD7	-1.23	8.90E-01	-1.19	8.83E-01	0.15	4.40E-01
CELA3A	-1.23	8.90E-01	-0.55	7.10E-01	0.48	3.15E-01
NTF4	-1.23	8.90E-01	0.87	1.92E-01	0.60	2.75E-01
IFIT3	-1.23	8.90E-01	-0.38	6.48E-01	0.02	4.94E-01
RFPL4AL1	-1.23	8.90E-01	0.51	3.05E-01	0.22	4.13E-01
P2RX2	-1.23	8.90E-01	-0.74	7.69E-01	-0.13	5.51E-01
KANK2	-1.23	8.90E-01	-0.62	7.33E-01	-0.81	7.92E-01
KRTAP9-1	-1.23	8.91E-01	-1.20	8.86E-01	-1.73	9.58E-01
HOXB5	-1.23	8.91E-01	0.49	3.11E-01	-0.53	7.01E-01
EZR	-1.23	8.91E-01	0.52	3.00E-01	-0.57	7.15E-01
CDCA3	-1.23	8.91E-01	-0.21	5.82E-01	0.63	2.63E-01
C19orf68	-1.23	8.91E-01	-1.05	8.52E-01	-1.95	9.74E-01
ANP32B	-1.23	8.91E-01	0.17	4.33E-01	-0.58	7.19E-01
MYT1	-1.23	8.91E-01	0.08	4.66E-01	-0.02	5.08E-01
POP1	-1.23	8.91E-01	-1.50	9.34E-01	-0.58	7.21E-01
ZFP62	-1.23	8.91E-01	-0.33	6.28E-01	0.03	4.89E-01
TMEM150A	-1.23	8.91E-01	-0.11	5.45E-01	0.06	4.78E-01
DAP3	-1.23	8.91E-01	0.05	4.80E-01	-0.01	5.05E-01
CRBN	-1.23	8.91E-01	-0.71	7.62E-01	-0.51	6.96E-01
TTBK2	-1.23	8.91E-01	-0.92	8.20E-01	-1.02	8.45E-01

ORMDL3	-1.23	8.91E-01	-1.32	9.07E-01	-1.33	9.08E-01
ACAT2	-1.23	8.91E-01	0.29	3.85E-01	-0.42	6.64E-01
SHANK2	-1.23	8.91E-01	0.33	3.69E-01	-0.81	7.90E-01
USP13	-1.23	8.91E-01	-0.98	8.37E-01	1.05	1.46E-01
NR3C1	-1.23	8.91E-01	-0.10	5.39E-01	-0.22	5.88E-01
GDA	-1.23	8.91E-01	-0.27	6.08E-01	-1.26	8.96E-01
EXOSC3	-1.23	8.92E-01	-1.09	8.63E-01	-0.60	7.27E-01
MSRB1	-1.23	8.92E-01	-1.44	9.25E-01	-1.16	8.78E-01
ST3GAL4	-1.24	8.92E-01	-0.25	5.98E-01	-1.92	9.73E-01
TNFRSF11A	-1.24	8.92E-01	0.31	3.77E-01	-0.31	6.20E-01
TTLL12	-1.24	8.92E-01	0.15	4.40E-01	0.31	3.80E-01
CHCHD5	-1.24	8.92E-01	-1.08	8.60E-01	-1.13	8.71E-01
IL4R	-1.24	8.92E-01	-1.53	9.37E-01	-0.78	7.81E-01
TMEM233	-1.24	8.92E-01	-0.36	6.42E-01	0.71	2.39E-01
AMBP	-1.24	8.92E-01	-0.62	7.32E-01	-1.15	8.74E-01
SAR1B	-1.24	8.92E-01	-2.00	9.77E-01	0.56	2.89E-01
PCP4L1	-1.24	8.92E-01	-0.62	7.33E-01	0.71	2.39E-01
ZNF708	-1.24	8.92E-01	-0.22	5.87E-01	-1.37	9.14E-01
HSF2BP	-1.24	8.92E-01	-0.69	7.55E-01	-0.55	7.10E-01
ACTN2	-1.24	8.92E-01	1.08	1.39E-01	0.74	2.30E-01
BPIFB1	-1.24	8.92E-01	0.12	4.51E-01	-0.51	6.94E-01
C1orf43	-1.24	8.92E-01	-0.85	8.03E-01	-1.71	9.56E-01
NUTM2F	-1.24	8.92E-01	-0.46	6.78E-01	-0.53	7.00E-01
RSRC2	-1.24	8.92E-01	-0.95	8.29E-01	-0.52	6.98E-01
TMEM241	-1.24	8.92E-01	-1.65	9.51E-01	0.13	4.50E-01
SMIM21	-1.24	8.92E-01	0.36	3.58E-01	0.03	4.86E-01
TMEM72	-1.24	8.92E-01	-1.46	9.28E-01	-0.77	7.78E-01
RAB3C	-1.24	8.92E-01	-0.96	8.31E-01	-0.75	7.73E-01
RAD54B	-1.24	8.93E-01	0.02	4.92E-01	-0.85	8.03E-01
DTX2	-1.24	8.93E-01	-0.70	7.58E-01	-0.87	8.07E-01
FAM104A	-1.24	8.93E-01	-1.04	8.51E-01	-0.31	6.20E-01

BLVRA	-1.24	8.93E-01	-0.19	5.75E-01	-1.10	8.64E-01
C6orf58	-1.24	8.93E-01	-0.26	6.02E-01	-0.32	6.25E-01
DDX27	-1.24	8.93E-01	-0.83	7.96E-01	-0.94	8.27E-01
RPS24	-1.24	8.93E-01	-0.73	7.67E-01	-1.73	9.58E-01
TRNAU1AP	-1.24	8.93E-01	-0.25	5.97E-01	0.55	2.91E-01
MLLT6	-1.24	8.93E-01	-1.14	8.72E-01	-0.57	7.16E-01
RAPGEF6	-1.24	8.93E-01	-0.49	6.88E-01	-1.16	8.77E-01
TRIAP1	-1.24	8.93E-01	-0.50	6.90E-01	-0.07	5.28E-01
BRE	-1.24	8.93E-01	-1.43	9.24E-01	0.28	3.89E-01
ZNF648	-1.25	8.93E-01	-0.77	7.78E-01	-0.25	5.97E-01
SMARCB1	-1.25	8.94E-01	-0.19	5.74E-01	-0.78	7.82E-01
GPR157	-1.25	8.94E-01	0.83	2.03E-01	0.30	3.83E-01
CD160	-1.25	8.94E-01	-0.72	7.63E-01	-1.61	9.47E-01
CEP95	-1.25	8.94E-01	1.13	1.30E-01	0.59	2.79E-01
ACAA1	-1.25	8.94E-01	-1.27	8.99E-01	-0.60	7.27E-01
MMP13	-1.25	8.94E-01	0.12	4.53E-01	0.48	3.17E-01
ALDH8A1	-1.25	8.94E-01	-1.47	9.29E-01	-0.74	7.71E-01
MAS1	-1.25	8.94E-01	-0.11	5.44E-01	0.11	4.55E-01
PHOSPHO1	-1.25	8.94E-01	-1.58	9.43E-01	0.42	3.36E-01
CCDC3	-1.25	8.94E-01	0.43	3.35E-01	-1.28	9.00E-01
IFI44L	-1.25	8.95E-01	-0.71	7.60E-01	-1.82	9.65E-01
MON2	-1.25	8.95E-01	0.52	3.02E-01	-0.80	7.88E-01
SLC8A3	-1.25	8.95E-01	-1.20	8.84E-01	-1.65	9.51E-01
HTN3	-1.25	8.95E-01	-0.08	5.34E-01	-0.79	7.86E-01
FAM179A	-1.25	8.95E-01	0.36	3.61E-01	-1.17	8.79E-01
MET	-1.25	8.95E-01	-0.27	6.07E-01	-1.17	8.80E-01
ZNF169	-1.25	8.95E-01	-0.62	7.31E-01	-0.19	5.74E-01
CROCC	-1.25	8.95E-01	-1.45	9.27E-01	-0.43	6.67E-01
NRAS	-1.25	8.95E-01	-0.68	7.53E-01	-1.03	8.49E-01
RAPGEF2	-1.26	8.95E-01	0.30	3.81E-01	-0.42	6.63E-01
SCG2	-1.26	8.95E-01	-0.60	7.27E-01	-0.97	8.33E-01

LYRM4	-1.26	8.95E-01	0.12	4.54E-01	-1.42	9.23E-01
LTB4R	-1.26	8.95E-01	-0.98	8.36E-01	-1.47	9.30E-01
CORO2A	-1.26	8.95E-01	-1.16	8.76E-01	-1.08	8.60E-01
TTC30A	-1.26	8.95E-01	-0.33	6.30E-01	0.47	3.18E-01
ZNF763	-1.26	8.95E-01	-1.04	8.51E-01	-1.15	8.76E-01
CSDE1	-1.26	8.96E-01	-1.24	8.92E-01	-0.15	5.60E-01
TYMS	-1.26	8.96E-01	-0.75	7.74E-01	-0.61	7.30E-01
CORO6	-1.26	8.96E-01	-0.47	6.82E-01	-1.38	9.16E-01
PLOD3	-1.26	8.96E-01	-0.28	6.10E-01	-0.94	8.26E-01
CBR3	-1.26	8.96E-01	-0.22	5.88E-01	-1.12	8.68E-01
ZNF763	-1.26	8.96E-01	-1.05	8.54E-01	-1.17	8.78E-01
EPB42	-1.26	8.96E-01	-0.21	5.83E-01	-1.12	8.68E-01
KRT86	-1.26	8.96E-01	-0.67	7.50E-01	-0.77	7.80E-01
TXNL4A	-1.26	8.96E-01	-1.08	8.59E-01	-0.44	6.69E-01
NOL4	-1.26	8.96E-01	0.25	4.01E-01	-1.46	9.27E-01
BCL2L2	-1.26	8.96E-01	-0.52	6.97E-01	-0.14	5.54E-01
ABHD17B	-1.26	8.96E-01	-1.05	8.52E-01	-0.47	6.81E-01
SH3GLB2	-1.26	8.96E-01	-1.58	9.43E-01	-0.41	6.59E-01
HHLA1	-1.26	8.96E-01	-1.57	9.42E-01	-1.74	9.59E-01
LAMA1	-1.26	8.96E-01	-1.09	8.61E-01	-1.42	9.22E-01
AC004381.6	-1.26	8.96E-01	-0.30	6.18E-01	-0.23	5.91E-01
GNRHR	-1.26	8.96E-01	-1.18	8.81E-01	-1.05	8.52E-01
FAM194A	-1.26	8.96E-01	-0.20	5.80E-01	-0.40	6.54E-01
PRKCB	-1.26	8.96E-01	-0.82	7.93E-01	-0.28	6.12E-01
ADAM33	-1.26	8.97E-01	-0.13	5.53E-01	-0.94	8.27E-01
OAS3	-1.26	8.97E-01	-0.79	7.86E-01	-0.90	8.16E-01
VN1R4	-1.26	8.97E-01	-1.07	8.58E-01	-0.85	8.03E-01
JAKMIP3	-1.26	8.97E-01	-0.07	5.28E-01	2.11	1.76E-02
DENND5B	-1.26	8.97E-01	-1.41	9.21E-01	-1.23	8.90E-01
OLFM4	-1.26	8.97E-01	-1.38	9.17E-01	-1.32	9.06E-01
COX10	-1.26	8.97E-01	-0.82	7.93E-01	-0.87	8.07E-01

GALP	-1.26	8.97E-01	0.19	4.26E-01	-0.71	7.61E-01
C12orf76	-1.27	8.97E-01	-1.45	9.26E-01	-0.99	8.39E-01
TRPV3	-1.27	8.97E-01	-1.46	9.28E-01	-0.24	5.95E-01
KIF1C	-1.27	8.97E-01	-0.85	8.02E-01	-0.17	5.66E-01
DDX46	-1.27	8.97E-01	-1.38	9.17E-01	0.22	4.12E-01
NEUROD4	-1.27	8.97E-01	-1.25	8.94E-01	-1.20	8.85E-01
LRP12	-1.27	8.97E-01	0.51	3.05E-01	-0.76	7.78E-01
MED25	-1.27	8.98E-01	-0.38	6.47E-01	-0.32	6.26E-01
KIAA1045	-1.27	8.98E-01	-0.75	7.74E-01	0.27	3.94E-01
DDX51	-1.27	8.98E-01	-1.68	9.53E-01	0.02	4.91E-01
HES6	-1.27	8.98E-01	-0.92	8.21E-01	0.30	3.84E-01
VIM	-1.27	8.98E-01	-0.52	7.00E-01	-1.53	9.38E-01
CDHR1	-1.27	8.98E-01	-0.22	5.87E-01	0.28	3.89E-01
PPP2R5C	-1.27	8.98E-01	-0.87	8.09E-01	1.01	1.56E-01
AKAP10	-1.27	8.98E-01	-0.42	6.61E-01	-0.51	6.96E-01
NPEPL1	-1.27	8.98E-01	-0.09	5.38E-01	0.29	3.85E-01
FAM218A	-1.27	8.98E-01	-0.01	5.04E-01	-0.34	6.32E-01
43354	-1.27	8.98E-01	-1.17	8.78E-01	-1.10	8.64E-01
NUDCD3	-1.27	8.98E-01	0.51	3.06E-01	0.81	2.10E-01
NOX5	-1.27	8.98E-01	0.25	4.01E-01	-0.16	5.63E-01
STK35	-1.27	8.98E-01	-0.96	8.32E-01	0.16	4.37E-01
INO80C	-1.27	8.98E-01	-0.47	6.80E-01	-1.04	8.52E-01
PRSS1	-1.27	8.98E-01	-0.66	7.46E-01	-0.54	7.05E-01
APOE	-1.27	8.98E-01	-0.37	6.44E-01	-0.40	6.56E-01
POLQ	-1.27	8.98E-01	-0.51	6.94E-01	-0.34	6.32E-01
SCAMP2	-1.27	8.99E-01	-0.97	8.35E-01	0.01	4.96E-01
EIF3E	-1.27	8.99E-01	-0.57	7.16E-01	-1.87	9.69E-01
ATHL1	-1.27	8.99E-01	-1.28	9.00E-01	-2.03	9.79E-01
EP400NL	-1.27	8.99E-01	-1.38	9.17E-01	0.01	4.96E-01
FAM188B	-1.27	8.99E-01	0.56	2.89E-01	0.13	4.50E-01
CENPC	-1.27	8.99E-01	-1.74	9.59E-01	-0.36	6.41E-01

SEPP1	-1.28	8.99E-01	-1.65	9.51E-01	-0.37	6.44E-01
PPP4R1	-1.28	8.99E-01	-1.00	8.41E-01	-0.99	8.39E-01
COL4A4	-1.28	8.99E-01	-0.61	7.31E-01	0.19	4.27E-01
CDKN1B	-1.28	8.99E-01	0.68	2.50E-01	-0.28	6.09E-01
PPP1R3C	-1.28	8.99E-01	-1.35	9.11E-01	0.01	4.97E-01
BSPRY	-1.28	8.99E-01	-0.88	8.11E-01	-0.71	7.60E-01
MSS51	-1.28	8.99E-01	-0.51	6.96E-01	-1.35	9.12E-01
NSMAF	-1.28	8.99E-01	-1.06	8.56E-01	0.45	3.25E-01
STRIP1	-1.28	8.99E-01	0.57	2.86E-01	0.52	3.01E-01
EIF2A	-1.28	9.00E-01	0.19	4.24E-01	-0.58	7.19E-01
LPP	-1.28	9.00E-01	-1.95	9.74E-01	0.23	4.08E-01
GAN	-1.28	9.00E-01	-1.45	9.27E-01	-1.29	9.02E-01
ZBTB49	-1.28	9.00E-01	-0.66	7.45E-01	-0.79	7.85E-01
RP11-766F14.2	-1.28	9.00E-01	-0.25	5.97E-01	0.25	4.02E-01
ATP5I	-1.28	9.00E-01	-0.29	6.14E-01	-0.76	7.76E-01
GCKR	-1.28	9.00E-01	0.45	3.27E-01	1.11	1.34E-01
RBM8A	-1.28	9.00E-01	0.55	2.91E-01	0.19	4.23E-01
FTCD	-1.28	9.00E-01	-0.73	7.69E-01	0.24	4.05E-01
HS3ST3B1	-1.28	9.00E-01	-1.65	9.51E-01	-1.01	8.44E-01
BPI	-1.28	9.00E-01	0.95	1.71E-01	-0.17	5.66E-01
CSNK1G1	-1.28	9.00E-01	-0.67	7.50E-01	-1.25	8.94E-01
BTBD2	-1.28	9.00E-01	0.00	5.00E-01	-0.14	5.56E-01
RPL9	-1.28	9.00E-01	-1.33	9.09E-01	-1.30	9.03E-01
MYL7	-1.28	9.00E-01	-0.39	6.51E-01	-0.79	7.85E-01
TRIM67	-1.28	9.00E-01	-0.86	8.06E-01	-1.46	9.28E-01
PHLDB2	-1.28	9.01E-01	0.22	4.13E-01	0.60	2.73E-01
SULT1C2	-1.29	9.01E-01	-0.82	7.93E-01	-1.49	9.31E-01
PLEKHG3	-1.29	9.01E-01	-0.39	6.51E-01	-1.23	8.90E-01
ARGFX	-1.29	9.01E-01	-1.22	8.89E-01	-0.94	8.26E-01
KIAA0101	-1.29	9.01E-01	-0.50	6.91E-01	-1.01	8.44E-01
NKAIN3	-1.29	9.01E-01	-2.36	9.91E-01	0.74	2.29E-01

ZNF773	-1.29	9.01E-01	-0.64	7.40E-01	-1.56	9.41E-01
CTDSP2	-1.29	9.02E-01	-0.66	7.44E-01	-0.24	5.96E-01
SIK1	-1.29	9.02E-01	-0.18	5.72E-01	0.60	2.76E-01
C2orf47	-1.29	9.02E-01	-0.89	8.12E-01	-1.67	9.53E-01
PARG	-1.29	9.02E-01	0.02	4.93E-01	-0.13	5.52E-01
ANAPC10	-1.29	9.02E-01	0.51	3.03E-01	0.11	4.56E-01
TDO2	-1.29	9.02E-01	-0.45	6.74E-01	-0.72	7.63E-01
EPB41L4A-AS2	-1.29	9.02E-01	-0.30	6.17E-01	0.83	2.02E-01
DDX6	-1.29	9.02E-01	0.16	4.36E-01	-0.59	7.22E-01
HELT	-1.29	9.02E-01	-0.27	6.08E-01	0.19	4.24E-01
CTD-2116N17.1	-1.29	9.02E-01	-0.68	7.51E-01	-1.26	8.97E-01
DDX58	-1.29	9.02E-01	-1.82	9.65E-01	-1.45	9.26E-01
RPS20	-1.29	9.02E-01	-0.64	7.40E-01	-1.15	8.75E-01
TWF1	-1.29	9.02E-01	-0.02	5.09E-01	-0.06	5.22E-01
MOAP1	-1.30	9.02E-01	-1.03	8.48E-01	-0.59	7.22E-01
CMPK1	-1.30	9.02E-01	0.95	1.72E-01	0.84	2.00E-01
HTRA3	-1.30	9.02E-01	-1.02	8.47E-01	-1.35	9.11E-01
PUS7	-1.30	9.03E-01	-0.37	6.44E-01	-0.58	7.19E-01
APEX1	-1.30	9.03E-01	-1.25	8.94E-01	0.20	4.20E-01
RHOU	-1.30	9.03E-01	0.09	4.64E-01	-0.09	5.36E-01
ELOVL1	-1.30	9.03E-01	-0.77	7.81E-01	-0.37	6.45E-01
WDR73	-1.30	9.03E-01	-0.03	5.12E-01	1.09	1.39E-01
C1orf198	-1.30	9.03E-01	0.32	3.73E-01	-0.21	5.85E-01
CCDC42B	-1.30	9.03E-01	-0.80	7.89E-01	-0.43	6.67E-01
SUPT5H	-1.30	9.03E-01	-0.49	6.87E-01	0.95	1.71E-01
CAPS	-1.30	9.03E-01	0.03	4.88E-01	-0.80	7.87E-01
ATXN2	-1.30	9.04E-01	-1.21	8.87E-01	-0.91	8.18E-01
MTERFD1	-1.30	9.04E-01	-0.52	6.99E-01	0.11	4.57E-01
RAB7A	-1.30	9.04E-01	-0.16	5.62E-01	0.13	4.50E-01
NDUFS8	-1.30	9.04E-01	-0.96	8.33E-01	-0.20	5.79E-01
TFF1	-1.30	9.04E-01	0.78	2.17E-01	0.92	1.80E-01

FOXJ2	-1.30	9.04E-01	0.84	1.99E-01	0.26	3.96E-01	
HINT3	-1.30	9.04E-01	-0.41	6.59E-01	-0.10	5.39E-01	
IKZF5	-1.30	9.04E-01	-0.19	5.77E-01	0.16	4.35E-01	
RNF220	-1.30	9.04E-01	0.54	2.94E-01	0.21	4.17E-01	
TMEM216	-1.30	9.04E-01	-0.89	8.13E-01	-1.25	8.95E-01	
ATRIP	-1.30	9.04E-01	0.32	3.74E-01	0.43	3.34E-01	
LARP1	-1.31	9.04E-01	-0.37	6.44E-01	0.51	3.05E-01	
LRG1	-1.31	9.04E-01	-0.95	8.29E-01	-0.74	7.70E-01	
MACROD1	-1.31	9.04E-01	-0.25	6.00E-01	-1.03	8.49E-01	
PGLYRP4	-1.31	9.04E-01	-1.19	8.84E-01	-1.15	8.75E-01	
NUS1	-1.31	9.04E-01	-1.19	8.82E-01	-0.51	6.94E-01	
GALNT9	-1.31	9.04E-01	-1.01	8.44E-01	-1.75	9.60E-01	
ZNF592	-1.31	9.05E-01	-1.05	8.53E-01	-0.02	5.06E-01	
POMGNT1	-1.31	9.05E-01	0.11	4.57E-01	0.94	1.74E-01	
VPS29	-1.31	9.05E-01	-1.66	9.51E-01	-1.22	8.88E-01	
PEX11A	-1.31	9.05E-01	0.02	4.93E-01	-0.61	7.29E-01	
EIF5B	-1.31	9.05E-01	-0.42	6.62E-01	-0.41	6.57E-01	
MINOS1-NBL1	-1.31	9.05E-01	-0.37	6.44E-01	-1.51	9.34E-01	
PURA	-1.31	9.05E-01	-0.81	7.91E-01	-0.58	7.21E-01	
STXBP5	-1.31	9.05E-01	-0.29	6.14E-01	0.35	3.62E-01	
AVIL	-1.31	9.05E-01	-0.67	7.50E-01	-0.73	7.68E-01	
NRN1	-1.31	9.05E-01	-1.08	8.59E-01	-0.99	8.38E-01	
	EPN2	-1.31	9.05E-01	-0.69	7.54E-01	-1.27	8.97E-01
PLXNB2	-1.31	9.05E-01	-0.68	7.52E-01	0.21	4.16E-01	
CD52	-1.31	9.06E-01	-1.51	9.35E-01	-0.92	8.22E-01	
SPAM1	-1.31	9.06E-01	0.20	4.20E-01	-0.11	5.43E-01	
ANGPTL5	-1.31	9.06E-01	0.57	2.84E-01	0.31	3.79E-01	
PLIN1	-1.31	9.06E-01	-0.02	5.08E-01	-0.66	7.44E-01	
TAF1C	-1.31	9.06E-01	2.20	1.39E-02	1.62	5.27E-02	
VPREB1	-1.31	9.06E-01	-1.01	8.44E-01	-1.29	9.02E-01	
SPRR4	-1.31	9.06E-01	-0.94	8.27E-01	-1.15	8.76E-01	



NTN4	-1.32	9.06E-01	-0.08	5.30E-01	0.36	3.59E-01
CCDC34	-1.32	9.06E-01	-0.46	6.78E-01	-2.10	9.82E-01
SLAMF6	-1.32	9.06E-01	0.28	3.88E-01	-0.66	7.47E-01
CLDN20	-1.32	9.06E-01	-0.93	8.23E-01	-0.44	6.72E-01
LRR8D	-1.32	9.06E-01	-0.62	7.32E-01	-1.48	9.31E-01
ZNF479	-1.32	9.06E-01	0.57	2.83E-01	0.71	2.38E-01
PSG1	-1.32	9.06E-01	-1.92	9.72E-01	-0.66	7.45E-01
CHST8	-1.32	9.06E-01	-0.50	6.91E-01	0.34	3.66E-01
TMUB2	-1.32	9.06E-01	-1.34	9.10E-01	-1.04	8.52E-01
CYYR1	-1.32	9.06E-01	-2.54	9.95E-01	-0.37	6.45E-01
UNC5C	-1.32	9.06E-01	-0.85	8.03E-01	-0.32	6.25E-01
FBXO15	-1.32	9.06E-01	-0.84	8.01E-01	0.45	3.26E-01
EBLN2	-1.32	9.07E-01	-0.04	5.16E-01	-0.03	5.13E-01
NENF	-1.32	9.07E-01	-0.08	5.30E-01	0.93	1.76E-01
PCYOX1L	-1.32	9.07E-01	-0.99	8.39E-01	0.33	3.71E-01
ANKLE2	-1.32	9.07E-01	-1.54	9.38E-01	-0.41	6.58E-01
CTNNBIP1	-1.32	9.07E-01	0.34	3.66E-01	0.31	3.80E-01
PCNX	-1.32	9.07E-01	0.48	3.14E-01	0.06	4.75E-01
ARSA	-1.32	9.07E-01	-1.69	9.54E-01	-1.06	8.55E-01
FAM73A	-1.32	9.07E-01	-0.80	7.87E-01	0.83	2.04E-01
SUDS3	-1.32	9.07E-01	-1.06	8.56E-01	-1.13	8.70E-01
FAM135A	-1.32	9.07E-01	-0.36	6.39E-01	0.22	4.12E-01
C5orf22	-1.32	9.07E-01	-0.93	8.23E-01	-1.44	9.25E-01
CTCF	-1.32	9.07E-01	-1.07	8.59E-01	-0.36	6.41E-01
MAP10	-1.32	9.07E-01	-1.22	8.88E-01	-1.72	9.57E-01
DST	-1.32	9.07E-01	-0.87	8.07E-01	-0.80	7.88E-01
SPESP1	-1.33	9.07E-01	0.74	2.31E-01	-0.03	5.13E-01
HOXB6	-1.33	9.08E-01	0.06	4.74E-01	-0.26	6.04E-01
ZNFX1	-1.33	9.08E-01	-0.72	7.63E-01	-1.01	8.44E-01
CILP	-1.33	9.08E-01	0.57	2.86E-01	0.90	1.85E-01
FBXO39	-1.33	9.08E-01	0.17	4.32E-01	0.18	4.27E-01

STEAP2	-1.33	9.08E-01	-1.62	9.48E-01	-0.38	6.48E-01
COG1	-1.33	9.08E-01	-1.49	9.32E-01	-0.56	7.13E-01
ZNF347	-1.33	9.08E-01	-0.70	7.59E-01	-0.21	5.81E-01
ZFP2	-1.33	9.08E-01	0.73	2.34E-01	0.26	3.96E-01
SPRY2	-1.33	9.08E-01	-0.90	8.17E-01	-1.22	8.88E-01
POC1A	-1.33	9.08E-01	-1.30	9.03E-01	-0.46	6.75E-01
MYOF	-1.33	9.08E-01	-0.48	6.84E-01	0.41	3.42E-01
IRF2BP1	-1.33	9.08E-01	-0.69	7.53E-01	0.43	3.34E-01
DUSP4	-1.33	9.08E-01	-0.56	7.12E-01	-1.35	9.12E-01
IBSP	-1.33	9.09E-01	-1.84	9.67E-01	-0.05	5.21E-01
FBXW12	-1.33	9.09E-01	0.14	4.46E-01	0.65	2.58E-01
TRPM4	-1.33	9.09E-01	-0.12	5.48E-01	0.96	1.68E-01
ZACN	-1.33	9.09E-01	0.15	4.39E-01	0.16	4.38E-01
ETV5	-1.33	9.09E-01	-1.39	9.17E-01	-0.45	6.72E-01
TNP2	-1.33	9.09E-01	0.69	2.45E-01	0.45	3.26E-01
RTKN	-1.33	9.09E-01	-1.18	8.82E-01	-0.64	7.39E-01
SERP1	-1.33	9.09E-01	0.40	3.45E-01	-0.33	6.30E-01
IL17RA	-1.33	9.09E-01	-1.02	8.46E-01	0.36	3.61E-01
ZNF346	-1.33	9.09E-01	-0.90	8.16E-01	-2.18	9.86E-01
LIPE	-1.33	9.09E-01	-1.01	8.43E-01	-0.12	5.48E-01
TNFAIP8L2	-1.33	9.09E-01	-0.78	7.81E-01	-2.34	9.90E-01
ARG1	-1.34	9.09E-01	-1.85	9.68E-01	-0.85	8.01E-01
DNAH17	-1.34	9.09E-01	-0.42	6.62E-01	1.31	9.57E-02
KRTAP19-2	-1.34	9.09E-01	-1.49	9.32E-01	-0.19	5.76E-01
KIF3B	-1.34	9.09E-01	1.79	3.67E-02	2.47	6.82E-03
MVP	-1.34	9.09E-01	-0.88	8.11E-01	-0.66	7.45E-01
CKM	-1.34	9.09E-01	-1.05	8.54E-01	-1.28	8.99E-01
AGAP2	-1.34	9.10E-01	-0.83	7.96E-01	-1.34	9.09E-01
FAM207A	-1.34	9.10E-01	-0.94	8.25E-01	-0.30	6.17E-01
MTRR	-1.34	9.10E-01	-0.64	7.38E-01	0.53	3.00E-01
ZBTB26	-1.34	9.10E-01	-0.66	7.44E-01	-2.65	9.96E-01

RIOK3	-1.34	9.10E-01	-1.31	9.06E-01	-0.16	5.65E-01
MS4A14	-1.34	9.10E-01	0.05	4.82E-01	0.38	3.50E-01
PPM1L	-1.34	9.10E-01	-1.91	9.72E-01	-0.70	7.58E-01
SGTA	-1.34	9.10E-01	-1.77	9.61E-01	-1.21	8.87E-01
DDIT4L	-1.34	9.10E-01	0.40	3.45E-01	1.84	3.31E-02
HIATL1	-1.34	9.10E-01	-0.14	5.54E-01	1.27	1.01E-01
TNFAIP1	-1.34	9.10E-01	-0.85	8.02E-01	-1.14	8.73E-01
IFI27L1	-1.34	9.10E-01	-1.28	9.00E-01	-0.11	5.43E-01
KAT6B	-1.34	9.10E-01	0.42	3.39E-01	0.68	2.49E-01
NMD3	-1.34	9.10E-01	-0.55	7.09E-01	-0.07	5.26E-01
FSBP	-1.34	9.10E-01	0.11	4.56E-01	-1.04	8.50E-01
ALOXE3	-1.34	9.10E-01	1.23	1.10E-01	0.00	5.00E-01
SFRP2	-1.34	9.10E-01	-0.60	7.25E-01	0.26	3.98E-01
TRPC7	-1.34	9.10E-01	-1.94	9.74E-01	-0.41	6.57E-01
FANCF	-1.34	9.11E-01	-1.88	9.70E-01	-0.38	6.48E-01
PMVK	-1.35	9.11E-01	-0.94	8.26E-01	-1.34	9.10E-01
RFT1	-1.35	9.11E-01	-0.51	6.96E-01	0.15	4.42E-01
HS6ST1	-1.35	9.11E-01	-0.77	7.78E-01	0.54	2.93E-01
DARS2	-1.35	9.11E-01	0.48	3.16E-01	-0.39	6.53E-01
OGG1	-1.35	9.11E-01	-0.30	6.16E-01	-0.74	7.71E-01
KRTAP3-1	-1.35	9.11E-01	-0.64	7.40E-01	-1.46	9.28E-01
SCAPER	-1.35	9.11E-01	-0.58	7.20E-01	-0.98	8.36E-01
GPR137C	-1.35	9.11E-01	0.77	2.22E-01	0.80	2.11E-01
NTSR1	-1.35	9.11E-01	-0.76	7.75E-01	-0.58	7.18E-01
NDUFB2	-1.35	9.11E-01	-0.50	6.90E-01	0.22	4.12E-01
CAPNS1	-1.35	9.11E-01	0.16	4.35E-01	0.11	4.57E-01
B3GALNT1	-1.35	9.11E-01	-1.11	8.67E-01	-1.07	8.58E-01
PDYN	-1.35	9.11E-01	-1.77	9.62E-01	-1.09	8.61E-01
GULP1	-1.35	9.11E-01	-1.48	9.31E-01	0.49	3.13E-01
LGI2	-1.35	9.11E-01	-0.03	5.10E-01	-0.18	5.71E-01
DFNB31	-1.35	9.11E-01	-0.95	8.29E-01	-1.95	9.74E-01

DHRS9	-1.35	9.12E-01	0.68	2.49E-01	0.22	4.15E-01
PAX6	-1.35	9.12E-01	0.24	4.06E-01	0.58	2.81E-01
SPAG9	-1.35	9.12E-01	-0.63	7.36E-01	0.40	3.46E-01
YWHAH	-1.35	9.12E-01	0.02	4.90E-01	-0.42	6.63E-01
SMAD2	-1.35	9.12E-01	-1.05	8.54E-01	-0.65	7.41E-01
COA4	-1.35	9.12E-01	-0.82	7.94E-01	0.46	3.21E-01
FNDC1	-1.35	9.12E-01	-1.28	8.99E-01	-0.96	8.30E-01
FCGR3B	-1.35	9.12E-01	-0.98	8.36E-01	-1.05	8.53E-01
ZCCHC4	-1.35	9.12E-01	-0.23	5.91E-01	-2.61	9.95E-01
PABPC1	-1.35	9.12E-01	-1.50	9.33E-01	-1.02	8.45E-01
MAP1LC3B2	-1.35	9.12E-01	0.22	4.12E-01	-1.13	8.72E-01
TUBB6	-1.35	9.12E-01	-1.01	8.43E-01	-1.68	9.54E-01
ALDOB	-1.35	9.12E-01	-1.18	8.81E-01	-0.27	6.07E-01
OR3A3	-1.35	9.12E-01	0.50	3.07E-01	0.05	4.81E-01
BLMH	-1.35	9.12E-01	-0.96	8.31E-01	-1.32	9.07E-01
SCD	-1.35	9.12E-01	-0.78	7.83E-01	0.42	3.36E-01
SLC8B1	-1.35	9.12E-01	-1.01	8.45E-01	-1.88	9.70E-01
SLC17A8	-1.35	9.12E-01	-1.97	9.75E-01	-0.30	6.19E-01
EPHA1	-1.35	9.12E-01	0.28	3.88E-01	0.45	3.26E-01
NAP1L5	-1.35	9.12E-01	-1.23	8.90E-01	-1.34	9.10E-01
MOGAT3	-1.35	9.12E-01	-0.82	7.95E-01	-1.18	8.81E-01
HEATR6	-1.35	9.12E-01	-0.24	5.93E-01	-0.62	7.32E-01
GIMAP4	-1.36	9.12E-01	-0.64	7.40E-01	-1.21	8.87E-01
ZNF358	-1.36	9.12E-01	-0.08	5.32E-01	0.01	4.95E-01
DYNLT1	-1.36	9.12E-01	0.01	4.95E-01	-0.02	5.09E-01
TRAPPC3	-1.36	9.12E-01	-1.21	8.86E-01	-1.48	9.31E-01
SPNS3	-1.36	9.12E-01	-0.19	5.74E-01	1.04	1.49E-01
HTR1A	-1.36	9.13E-01	-0.87	8.09E-01	-1.59	9.44E-01
TCTN1	-1.36	9.13E-01	-2.41	9.92E-01	-1.55	9.39E-01
HELZ2	-1.36	9.13E-01	-0.16	5.62E-01	-0.35	6.36E-01
ZNF287	-1.36	9.13E-01	0.69	2.45E-01	0.94	1.74E-01

OTUD3	-1.36	9.13E-01	-0.04	5.17E-01	0.78	2.17E-01
TCF20	-1.36	9.13E-01	-1.08	8.60E-01	-1.18	8.81E-01
ZFAND2A	-1.36	9.13E-01	-0.41	6.58E-01	0.00	5.02E-01
BAZ1B	-1.36	9.13E-01	-1.50	9.33E-01	-0.95	8.30E-01
ZNF532	-1.36	9.13E-01	-2.07	9.81E-01	-0.70	7.59E-01
C19orf82	-1.36	9.13E-01	-1.11	8.67E-01	-0.21	5.83E-01
BRK1	-1.36	9.13E-01	-0.51	6.96E-01	-0.70	7.57E-01
AKAP9	-1.36	9.13E-01	-0.56	7.12E-01	-0.04	5.17E-01
EML4	-1.36	9.13E-01	-0.42	6.62E-01	-0.51	6.96E-01
ARL14	-1.36	9.13E-01	-0.56	7.14E-01	0.49	3.12E-01
EXOG	-1.36	9.13E-01	-0.89	8.14E-01	0.40	3.46E-01
FAXDC2	-1.36	9.13E-01	-0.15	5.60E-01	0.17	4.32E-01
ARHGEF28	-1.36	9.13E-01	-1.11	8.67E-01	-1.16	8.77E-01
SCN4B	-1.36	9.13E-01	-0.72	7.65E-01	-0.81	7.92E-01
NMNAT1	-1.36	9.13E-01	0.62	2.66E-01	1.85	3.18E-02
CRHBP	-1.36	9.13E-01	-1.24	8.93E-01	-0.58	7.20E-01
DIP2C	-1.36	9.13E-01	-2.36	9.91E-01	-1.17	8.79E-01
FCRL3	-1.36	9.13E-01	-0.81	7.90E-01	-0.29	6.15E-01
PIK3C2G	-1.36	9.14E-01	-0.10	5.40E-01	0.33	3.70E-01
PLEKHM3	-1.36	9.14E-01	0.78	2.19E-01	-0.03	5.13E-01
KCTD1	-1.36	9.14E-01	-2.26	9.88E-01	-0.43	6.68E-01
SRSF5	-1.36	9.14E-01	-0.82	7.95E-01	-1.51	9.34E-01
C2orf53	-1.36	9.14E-01	-1.31	9.06E-01	-1.29	9.01E-01
NEUROG3	-1.36	9.14E-01	-0.03	5.12E-01	-0.30	6.19E-01
PRODH	-1.36	9.14E-01	-0.52	7.00E-01	0.10	4.61E-01
PDCD10	-1.36	9.14E-01	0.25	4.01E-01	0.87	1.92E-01
PLOD1	-1.37	9.14E-01	-0.54	7.06E-01	-0.81	7.92E-01
FBXL12	-1.37	9.14E-01	-1.13	8.70E-01	-0.35	6.36E-01
PPIC	-1.37	9.14E-01	-0.32	6.24E-01	-1.21	8.86E-01
SLCO1A2	-1.37	9.14E-01	-0.55	7.10E-01	-2.73	9.97E-01
CAMK1	-1.37	9.14E-01	-0.39	6.53E-01	-0.64	7.40E-01

NACA2	-1.37	9.14E-01	-0.38	6.48E-01	-0.51	6.94E-01
RCAN2	-1.37	9.14E-01	-1.00	8.42E-01	-0.86	8.05E-01
BPIFC	-1.37	9.14E-01	-1.31	9.05E-01	-1.90	9.71E-01
ZFAND3	-1.37	9.14E-01	-1.03	8.49E-01	-1.45	9.26E-01
THOP1	-1.37	9.14E-01	0.32	3.75E-01	0.50	3.08E-01
ANKMY1	-1.37	9.14E-01	0.09	4.62E-01	-0.29	6.16E-01
INMT-FAM188B	-1.37	9.14E-01	0.68	2.48E-01	0.01	4.96E-01
FAM71F1	-1.37	9.14E-01	-0.68	7.52E-01	-1.61	9.47E-01
FAM26D	-1.37	9.15E-01	-0.28	6.09E-01	-0.51	6.95E-01
CP	-1.37	9.15E-01	-1.29	9.01E-01	0.09	4.63E-01
FUT3	-1.37	9.15E-01	-1.62	9.47E-01	-0.90	8.15E-01
MAML2	-1.37	9.15E-01	-1.10	8.65E-01	-1.36	9.13E-01
CD1A	-1.37	9.15E-01	-0.44	6.72E-01	-1.90	9.71E-01
WDR20	-1.37	9.15E-01	-0.22	5.85E-01	-0.87	8.07E-01
EMP1	-1.37	9.15E-01	0.18	4.28E-01	0.44	3.32E-01
PRDM7	-1.37	9.15E-01	-0.24	5.94E-01	0.73	2.34E-01
ARPC5	-1.37	9.15E-01	-0.66	7.45E-01	-1.06	8.55E-01
GAST	-1.37	9.15E-01	0.61	2.71E-01	0.33	3.71E-01
TACR1	-1.37	9.15E-01	-0.45	6.74E-01	-1.10	8.64E-01
UTS2B	-1.37	9.15E-01	-0.73	7.67E-01	0.26	3.99E-01
SLC26A2	-1.37	9.15E-01	-0.71	7.61E-01	-0.60	7.25E-01
COA1	-1.37	9.15E-01	-0.27	6.07E-01	-1.06	8.55E-01
ACAP1	-1.37	9.15E-01	-1.82	9.66E-01	-1.10	8.64E-01
PDGFRL	-1.37	9.15E-01	-0.27	6.08E-01	0.33	3.72E-01
ZNF71	-1.37	9.15E-01	-0.14	5.54E-01	0.22	4.12E-01
hsa-mir-1199	-1.37	9.15E-01	-1.13	8.72E-01	-0.81	7.92E-01
EIF3D	-1.37	9.15E-01	-0.10	5.39E-01	-0.50	6.91E-01
DNAJC16	-1.38	9.15E-01	-0.67	7.49E-01	-0.12	5.46E-01
RNF135	-1.38	9.15E-01	0.05	4.82E-01	-0.10	5.40E-01
PTCRA	-1.38	9.16E-01	-0.38	6.48E-01	-0.01	5.04E-01
TEF	-1.38	9.16E-01	-1.25	8.94E-01	-0.94	8.27E-01

KCTD21	-1.38	9.16E-01	-0.40	6.54E-01	0.09	4.63E-01
CRY1	-1.38	9.16E-01	-0.80	7.89E-01	0.42	3.38E-01
PCBP4	-1.38	9.16E-01	-2.03	9.79E-01	-1.11	8.66E-01
GK5	-1.38	9.16E-01	-1.43	9.23E-01	-1.15	8.75E-01
SMR3A	-1.38	9.16E-01	-1.80	9.64E-01	-1.43	9.24E-01
IL4I1	-1.38	9.16E-01	-0.32	6.24E-01	0.43	3.35E-01
SEZ6L2	-1.38	9.17E-01	-1.03	8.48E-01	-0.78	7.82E-01
FBXL6	-1.38	9.17E-01	-1.13	8.70E-01	-0.32	6.27E-01
ZNF304	-1.38	9.17E-01	-0.55	7.07E-01	-0.29	6.14E-01
NTRK2	-1.38	9.17E-01	-1.26	8.95E-01	-0.73	7.66E-01
HOXC12	-1.38	9.17E-01	-0.38	6.46E-01	-0.50	6.90E-01
C5orf52	-1.38	9.17E-01	-0.21	5.82E-01	0.33	3.71E-01
APOBEC3D	-1.38	9.17E-01	-0.40	6.55E-01	-1.70	9.55E-01
RET	-1.38	9.17E-01	-1.17	8.80E-01	-0.21	5.82E-01
CIPC	-1.39	9.17E-01	0.28	3.91E-01	0.02	4.92E-01
MYPOP	-1.39	9.17E-01	-0.22	5.85E-01	-0.14	5.54E-01
FAM153B	-1.39	9.17E-01	-1.49	9.32E-01	-1.06	8.55E-01
RAPGEF3	-1.39	9.17E-01	-0.63	7.36E-01	-1.04	8.52E-01
FAM172A	-1.39	9.17E-01	-0.89	8.13E-01	0.17	4.34E-01
TMX4	-1.39	9.18E-01	-0.05	5.20E-01	0.08	4.70E-01
PPIB	-1.39	9.18E-01	-0.96	8.32E-01	-0.66	7.44E-01
IGDCC3	-1.39	9.18E-01	-1.39	9.17E-01	0.88	1.90E-01
CFHR1	-1.39	9.18E-01	-1.60	9.45E-01	-0.90	8.16E-01
CD300LG	-1.39	9.18E-01	-0.62	7.32E-01	-1.65	9.50E-01
LRRD1	-1.39	9.18E-01	-0.87	8.07E-01	-0.59	7.23E-01
ST6GALNAC4	-1.39	9.18E-01	-0.92	8.21E-01	-1.73	9.58E-01
ACOT11	-1.39	9.18E-01	-0.42	6.63E-01	-0.37	6.43E-01
PLCB3	-1.39	9.18E-01	0.18	4.27E-01	-1.01	8.44E-01
DPY19L1	-1.39	9.18E-01	-1.65	9.51E-01	-1.12	8.68E-01
CANT1	-1.39	9.18E-01	-0.88	8.11E-01	0.60	2.75E-01
C9orf85	-1.39	9.18E-01	-0.71	7.61E-01	-0.57	7.14E-01

NEDD4L	-1.39	9.18E-01	-0.61	7.28E-01	-2.24	9.87E-01
POLR2G	-1.39	9.18E-01	-0.99	8.39E-01	-0.14	5.54E-01
DBI	-1.39	9.18E-01	-0.88	8.11E-01	-0.86	8.06E-01
SPRR2B	-1.40	9.19E-01	-1.24	8.92E-01	-1.23	8.91E-01
KRT35	-1.40	9.19E-01	-1.02	8.47E-01	-0.56	7.11E-01
CCDC140	-1.40	9.19E-01	-0.12	5.49E-01	0.90	1.85E-01
ZNF581	-1.40	9.19E-01	-0.24	5.94E-01	0.78	2.16E-01
OFCC1	-1.40	9.19E-01	-1.19	8.83E-01	-0.98	8.37E-01
SLC47A1	-1.40	9.19E-01	-0.56	7.11E-01	-0.75	7.73E-01
APBB2	-1.40	9.19E-01	-0.84	8.00E-01	-0.24	5.95E-01
B4GALT6	-1.40	9.19E-01	-1.06	8.55E-01	-1.12	8.69E-01
MYL5	-1.40	9.19E-01	-0.36	6.40E-01	-0.44	6.70E-01
COPS7A	-1.40	9.19E-01	-0.04	5.17E-01	0.50	3.10E-01
TGFB1I1	-1.40	9.19E-01	-0.23	5.91E-01	-1.12	8.68E-01
PTOV1	-1.40	9.19E-01	-0.84	7.98E-01	-1.56	9.41E-01
CCDC64B	-1.40	9.20E-01	-1.01	8.43E-01	-1.83	9.66E-01
GPR12	-1.40	9.20E-01	0.18	4.30E-01	-0.74	7.70E-01
SMAD1	-1.40	9.20E-01	-0.78	7.81E-01	0.32	3.74E-01
IFNAR2	-1.40	9.20E-01	-0.64	7.39E-01	-0.30	6.20E-01
PRKAA2	-1.40	9.20E-01	-0.38	6.48E-01	-1.39	9.17E-01
EEFSEC	-1.40	9.20E-01	-0.64	7.40E-01	-0.31	6.23E-01
FAM151A	-1.40	9.20E-01	-0.54	7.04E-01	0.25	4.02E-01
AURKC	-1.40	9.20E-01	-0.16	5.63E-01	-0.60	7.25E-01
HDAC11	-1.40	9.20E-01	-0.47	6.80E-01	-1.64	9.50E-01
ABCA3	-1.40	9.20E-01	-1.64	9.49E-01	-0.90	8.15E-01
PTCHD4	-1.41	9.20E-01	0.28	3.89E-01	-0.06	5.25E-01
SLC8A1	-1.41	9.20E-01	-0.96	8.30E-01	-1.05	8.54E-01
RIPK2	-1.41	9.20E-01	0.49	3.11E-01	-0.32	6.25E-01
GPATCH2L	-1.41	9.20E-01	-0.45	6.73E-01	-1.41	9.21E-01
NADK2	-1.41	9.20E-01	-1.56	9.41E-01	-1.25	8.95E-01
STOX1	-1.41	9.20E-01	-1.82	9.66E-01	-0.99	8.39E-01



SYNDIG1L	-1.41	9.20E-01	0.11	4.57E-01	0.55	2.91E-01
CDC25C	-1.41	9.20E-01	-0.83	7.97E-01	-0.36	6.40E-01
CAPN5	-1.41	9.20E-01	-0.42	6.63E-01	-0.50	6.91E-01
PRIMA1	-1.41	9.21E-01	-1.68	9.53E-01	-0.55	7.10E-01
CCDC152	-1.41	9.21E-01	-1.28	9.00E-01	-0.91	8.18E-01
NIPAL2	-1.41	9.21E-01	-0.59	7.23E-01	1.54	6.15E-02
OR5K3	-1.41	9.21E-01	0.39	3.47E-01	0.32	3.74E-01
MS4A4A	-1.41	9.21E-01	-2.32	9.90E-01	-0.47	6.82E-01
TBP	-1.41	9.21E-01	-0.75	7.73E-01	0.43	3.35E-01
CASKIN1	-1.41	9.21E-01	-0.92	8.21E-01	-1.07	8.58E-01
RPIA	-1.41	9.21E-01	-1.24	8.92E-01	-0.78	7.82E-01
GLUD1	-1.41	9.21E-01	-2.57	9.95E-01	-0.45	6.75E-01
MEP1B	-1.41	9.21E-01	-1.54	9.39E-01	-0.32	6.27E-01
COL5A3	-1.41	9.21E-01	0.72	2.36E-01	-1.43	9.23E-01
KRTAP8-1	-1.41	9.21E-01	-0.39	6.52E-01	-0.68	7.52E-01
BCL2L15	-1.41	9.21E-01	-0.96	8.32E-01	-1.10	8.64E-01
PFKL	-1.41	9.21E-01	-0.20	5.80E-01	-1.16	8.77E-01
TMEM249	-1.41	9.21E-01	-0.68	7.52E-01	-0.51	6.94E-01
PFN1	-1.41	9.21E-01	-0.74	7.70E-01	-0.04	5.18E-01
AQP9	-1.42	9.22E-01	-1.16	8.77E-01	-0.53	7.01E-01
ST6GALNAC6	-1.42	9.22E-01	-1.50	9.33E-01	-1.53	9.37E-01
TMEM57	-1.42	9.22E-01	1.00	1.59E-01	1.12	1.31E-01
AGO2	-1.42	9.22E-01	-2.11	9.83E-01	-0.54	7.06E-01
COL6A2	-1.42	9.22E-01	-1.74	9.59E-01	-0.97	8.34E-01
ELMOD3	-1.42	9.22E-01	-0.03	5.11E-01	0.38	3.52E-01
WDR18	-1.42	9.22E-01	-0.72	7.63E-01	-0.13	5.51E-01
PVRL4	-1.42	9.22E-01	-0.18	5.70E-01	0.51	3.06E-01
CLEC2D	-1.42	9.23E-01	-1.65	9.51E-01	0.16	4.36E-01
EF3	-1.42	9.23E-01	-1.11	8.67E-01	-0.22	5.87E-01
KCNA7	-1.42	9.23E-01	0.12	4.54E-01	-0.43	6.66E-01
FBP1	-1.42	9.23E-01	-0.37	6.44E-01	-0.76	7.77E-01

PAPSS1	-1.42	9.23E-01	-0.40	6.55E-01	0.00	5.01E-01
DRC1	-1.42	9.23E-01	-0.57	7.16E-01	-0.19	5.74E-01
EDC3	-1.42	9.23E-01	-1.80	9.64E-01	-0.54	7.05E-01
UXS1	-1.42	9.23E-01	-0.23	5.91E-01	1.18	1.19E-01
HOXC4	-1.42	9.23E-01	-0.82	7.94E-01	-1.02	8.47E-01
SLC4A5	-1.42	9.23E-01	-1.02	8.46E-01	-0.15	5.59E-01
SLC25A34	-1.43	9.23E-01	-1.31	9.04E-01	-1.55	9.40E-01
CD300E	-1.43	9.23E-01	-1.15	8.76E-01	-1.59	9.44E-01
TJAP1	-1.43	9.23E-01	-0.72	7.65E-01	-0.69	7.56E-01
ZBTB22	-1.43	9.23E-01	-0.29	6.14E-01	-0.28	6.12E-01
MAMDC4	-1.43	9.23E-01	-0.59	7.23E-01	-0.63	7.35E-01
GTPBP10	-1.43	9.23E-01	-0.88	8.11E-01	0.48	3.15E-01
C7orf72	-1.43	9.23E-01	-0.50	6.91E-01	-0.43	6.65E-01
DCDC2	-1.43	9.24E-01	-1.18	8.81E-01	-2.51	9.94E-01
CCKAR	-1.43	9.24E-01	-0.27	6.05E-01	-1.55	9.39E-01
POLD2	-1.43	9.24E-01	0.09	4.66E-01	-0.50	6.92E-01
SPATA3	-1.43	9.24E-01	-1.01	8.44E-01	-1.27	8.98E-01
C16orf72	-1.43	9.24E-01	-1.53	9.37E-01	-0.98	8.35E-01
CCDC85A	-1.44	9.24E-01	-1.08	8.61E-01	-2.29	9.89E-01
CAV3	-1.44	9.25E-01	-0.90	8.16E-01	-0.12	5.49E-01
BPIFB2	-1.44	9.25E-01	-0.34	6.34E-01	0.16	4.35E-01
ALS2CL	-1.44	9.25E-01	-1.46	9.28E-01	-0.82	7.95E-01
MYCL	-1.44	9.25E-01	-2.94	9.98E-01	-0.61	7.28E-01
GOPC	-1.44	9.25E-01	-0.93	8.24E-01	-1.32	9.06E-01
DARS	-1.44	9.25E-01	-1.46	9.28E-01	-1.26	8.96E-01
TMED7-TICAM2	-1.44	9.25E-01	-0.43	6.65E-01	-1.64	9.49E-01
TICAM2	-1.44	9.25E-01	-0.43	6.65E-01	-1.64	9.49E-01
DTYMK	-1.44	9.25E-01	-1.95	9.74E-01	-0.68	7.52E-01
EOMES	-1.44	9.25E-01	-0.48	6.84E-01	0.27	3.92E-01
C16orf92	-1.44	9.25E-01	-0.28	6.11E-01	0.06	4.75E-01
APLP2	-1.44	9.25E-01	0.99	1.62E-01	0.31	3.77E-01

MS4A6E	-1.44	9.25E-01	0.41	3.39E-01	0.37	3.58E-01
RP11-480I12.4	-1.44	9.26E-01	-0.30	6.18E-01	-0.56	7.12E-01
WDR43	-1.44	9.26E-01	0.11	4.55E-01	-0.65	7.43E-01
PP13004	-1.44	9.26E-01	-1.42	9.22E-01	-1.87	9.69E-01
CELF3	-1.44	9.26E-01	-0.86	8.05E-01	-2.12	9.83E-01
ZNF483	-1.45	9.26E-01	-1.86	9.69E-01	-0.20	5.79E-01
TBC1D2B	-1.45	9.26E-01	-0.89	8.13E-01	-0.29	6.13E-01
PBXIP1	-1.45	9.26E-01	0.62	2.68E-01	-0.85	8.03E-01
FABP6	-1.45	9.26E-01	-1.96	9.75E-01	-0.65	7.41E-01
SLIRP	-1.45	9.26E-01	-1.46	9.27E-01	-1.60	9.45E-01
ITPK1	-1.45	9.26E-01	-0.45	6.73E-01	0.66	2.55E-01
OMP	-1.45	9.26E-01	-0.86	8.06E-01	-0.35	6.37E-01
CCER2	-1.45	9.26E-01	-1.26	8.96E-01	-1.33	9.07E-01
N4BP2L1	-1.45	9.26E-01	-1.66	9.52E-01	0.10	4.62E-01
DCBLD1	-1.45	9.26E-01	-0.49	6.86E-01	-1.34	9.10E-01
ALKBH1	-1.45	9.27E-01	-1.38	9.16E-01	-1.91	9.72E-01
VCAM1	-1.45	9.27E-01	-1.10	8.65E-01	-0.05	5.21E-01
MYO1B	-1.45	9.27E-01	0.02	4.90E-01	0.19	4.25E-01
MS4A1	-1.45	9.27E-01	-0.19	5.74E-01	0.42	3.38E-01
C7orf13	-1.45	9.27E-01	-0.57	7.15E-01	-1.21	8.87E-01
SPECC1	-1.45	9.27E-01	-0.48	6.84E-01	-1.03	8.47E-01
OR9Q1	-1.45	9.27E-01	-0.95	8.29E-01	-0.98	8.36E-01
AK8	-1.45	9.27E-01	-0.56	7.12E-01	-0.35	6.38E-01
PARL	-1.45	9.27E-01	1.32	9.30E-02	1.03	1.51E-01
IGFBP6	-1.46	9.27E-01	-0.03	5.13E-01	-0.42	6.64E-01
TBC1D7	-1.46	9.27E-01	1.31	9.54E-02	0.78	2.17E-01
ZNF580	-1.46	9.27E-01	-0.10	5.39E-01	0.85	1.98E-01
CLK4	-1.46	9.27E-01	-0.93	8.24E-01	-1.79	9.63E-01
STX16	-1.46	9.27E-01	-0.50	6.91E-01	0.36	3.58E-01
SCRN1	-1.46	9.27E-01	-1.30	9.03E-01	-0.54	7.07E-01
CPNE8	-1.46	9.27E-01	-0.86	8.06E-01	-0.81	7.92E-01

SH2D1B	-1.46	9.27E-01	0.49	3.12E-01	0.56	2.87E-01
C17orf99	-1.46	9.28E-01	-1.56	9.41E-01	-1.32	9.06E-01
PCNP	-1.46	9.28E-01	-1.24	8.93E-01	-1.59	9.44E-01
BTG1	-1.46	9.28E-01	-1.37	9.14E-01	-0.87	8.08E-01
SLC7A2	-1.46	9.28E-01	-1.58	9.43E-01	-0.05	5.21E-01
MAL2	-1.46	9.28E-01	-0.72	7.63E-01	-1.24	8.93E-01
RP9	-1.46	9.28E-01	-1.39	9.17E-01	-0.17	5.66E-01
MEIS3	-1.46	9.28E-01	-1.96	9.75E-01	-0.67	7.50E-01
CECR5	-1.46	9.28E-01	-1.12	8.68E-01	-0.68	7.52E-01
FAM215A	-1.46	9.28E-01	0.03	4.86E-01	0.13	4.47E-01
IDI1	-1.46	9.28E-01	-1.52	9.35E-01	-0.25	5.98E-01
C7orf63	-1.46	9.28E-01	-1.44	9.24E-01	-0.19	5.77E-01
HOPX	-1.46	9.28E-01	-1.07	8.57E-01	-0.40	6.54E-01
IFNA8	-1.46	9.28E-01	-1.49	9.32E-01	-1.34	9.09E-01
ABCA13	-1.46	9.28E-01	-0.26	6.04E-01	-1.06	8.55E-01
AGMAT	-1.46	9.28E-01	-0.83	7.95E-01	-0.34	6.32E-01
ARL14EP	-1.47	9.29E-01	-0.54	7.05E-01	-0.93	8.24E-01
STEAP1	-1.47	9.29E-01	-1.76	9.61E-01	-0.33	6.29E-01
KIAA1671	-1.47	9.29E-01	-0.60	7.26E-01	-0.30	6.18E-01
ABHD14A-ACY1	-1.47	9.29E-01	-0.94	8.26E-01	-2.08	9.81E-01
ACY1	-1.47	9.29E-01	-0.94	8.26E-01	-2.08	9.81E-01
TMEM52B	-1.47	9.29E-01	0.00	5.00E-01	-1.15	8.76E-01
ADH6	-1.47	9.29E-01	-0.25	5.98E-01	-1.69	9.54E-01
TCF7L1	-1.47	9.29E-01	-0.73	7.68E-01	-1.32	9.07E-01
CAPN1	-1.47	9.29E-01	1.22	1.12E-01	0.52	3.02E-01
C6orf211	-1.47	9.29E-01	-0.96	8.32E-01	-0.81	7.92E-01
CPN2	-1.47	9.29E-01	-0.41	6.61E-01	0.31	3.80E-01
EIF2S2	-1.47	9.29E-01	0.30	3.81E-01	0.45	3.25E-01
FBXO43	-1.47	9.30E-01	-1.10	8.64E-01	-0.41	6.59E-01
FMO2	-1.47	9.30E-01	-0.17	5.69E-01	-0.13	5.53E-01
FKBP2	-1.47	9.30E-01	1.24	1.08E-01	1.31	9.52E-02

CLYBL	-1.47	9.30E-01	-0.97	8.34E-01	-0.81	7.92E-01
COX20	-1.47	9.30E-01	-2.11	9.83E-01	-1.30	9.03E-01
ARHGAP8	-1.48	9.30E-01	-0.94	8.26E-01	-1.39	9.18E-01
IFFO2	-1.48	9.30E-01	-2.08	9.81E-01	-0.99	8.39E-01
CUX2	-1.48	9.30E-01	-1.24	8.92E-01	-0.05	5.19E-01
FLI1	-1.48	9.30E-01	-0.71	7.62E-01	-1.91	9.72E-01
NDUFV1	-1.48	9.30E-01	-1.47	9.29E-01	-0.26	6.01E-01
BCL9	-1.48	9.30E-01	-1.13	8.70E-01	0.96	1.68E-01
TMEM53	-1.48	9.30E-01	0.08	4.69E-01	0.11	4.56E-01
OOSP2	-1.48	9.30E-01	-0.54	7.05E-01	-0.94	8.25E-01
GATAD1	-1.48	9.30E-01	-1.08	8.61E-01	0.50	3.10E-01
ATP8B2	-1.48	9.30E-01	-0.33	6.28E-01	0.35	3.63E-01
RHOD	-1.48	9.30E-01	-0.35	6.36E-01	-0.58	7.20E-01
NAE1	-1.48	9.30E-01	-0.54	7.05E-01	0.20	4.21E-01
GALNT10	-1.48	9.30E-01	-0.06	5.23E-01	0.57	2.83E-01
ITLN2	-1.48	9.30E-01	-1.30	9.04E-01	-0.12	5.47E-01
TGFB3	-1.48	9.30E-01	-1.61	9.46E-01	-0.54	7.05E-01
PEMT	-1.48	9.31E-01	0.07	4.74E-01	0.33	3.71E-01
RALY	-1.48	9.31E-01	0.41	3.43E-01	0.63	2.65E-01
VIPR1	-1.48	9.31E-01	-0.33	6.29E-01	1.31	9.52E-02
ST8SIA5	-1.48	9.31E-01	-0.54	7.05E-01	-1.39	9.18E-01
MBD1	-1.48	9.31E-01	0.43	3.32E-01	0.07	4.72E-01
VWCE	-1.48	9.31E-01	-0.86	8.05E-01	-0.82	7.95E-01
HYKK	-1.48	9.31E-01	-0.58	7.19E-01	0.35	3.64E-01
ZSCAN2	-1.48	9.31E-01	0.40	3.45E-01	1.39	8.30E-02
43168	-1.48	9.31E-01	-1.36	9.14E-01	-0.74	7.71E-01
ACTB	-1.48	9.31E-01	-0.76	7.75E-01	-1.69	9.55E-01
ADNP2	-1.48	9.31E-01	-1.30	9.03E-01	-0.19	5.75E-01
PARVB	-1.48	9.31E-01	-1.19	8.82E-01	-0.88	8.10E-01
NPC1	-1.48	9.31E-01	-1.07	8.59E-01	-0.67	7.48E-01
ZNF528	-1.48	9.31E-01	-1.36	9.13E-01	-0.89	8.12E-01

TRNT1	-1.48	9.31E-01	-0.45	6.73E-01	-0.44	6.71E-01
OC90	-1.48	9.31E-01	-0.73	7.66E-01	-0.42	6.63E-01
GPR137	-1.48	9.31E-01	0.19	4.26E-01	-0.02	5.09E-01
RIMBP2	-1.49	9.31E-01	-0.84	7.99E-01	-0.14	5.54E-01
WSCD1	-1.49	9.31E-01	-1.51	9.34E-01	-1.12	8.68E-01
GDPD1	-1.49	9.32E-01	-1.23	8.90E-01	-0.30	6.18E-01
AP4B1	-1.49	9.32E-01	-0.75	7.74E-01	-1.23	8.91E-01
HES4	-1.49	9.32E-01	-0.46	6.77E-01	-0.39	6.53E-01
LMCD1	-1.49	9.32E-01	0.00	4.99E-01	-0.37	6.43E-01
BPHL	-1.49	9.32E-01	-1.62	9.47E-01	-1.25	8.94E-01
SRD5A3	-1.49	9.32E-01	-1.42	9.22E-01	-1.28	9.00E-01
SNW1	-1.49	9.32E-01	-1.57	9.42E-01	-1.60	9.46E-01
ALX3	-1.49	9.32E-01	0.63	2.64E-01	0.55	2.91E-01
LRPPRC	-1.49	9.32E-01	0.46	3.24E-01	0.05	4.78E-01
GSTP1	-1.49	9.32E-01	0.08	4.66E-01	0.10	4.61E-01
BBS9	-1.49	9.32E-01	-0.48	6.86E-01	-0.49	6.88E-01
OST4	-1.49	9.32E-01	-1.64	9.50E-01	-1.20	8.85E-01
TFAM	-1.49	9.32E-01	1.78	3.76E-02	0.96	1.68E-01
PRDX5	-1.49	9.32E-01	-0.12	5.49E-01	0.26	3.96E-01
CMBL	-1.49	9.32E-01	-0.26	6.02E-01	1.26	1.04E-01
ZNF703	-1.49	9.32E-01	0.30	3.83E-01	0.26	3.97E-01
ALX4	-1.49	9.32E-01	-1.41	9.20E-01	-0.93	8.25E-01
FAM214A	-1.49	9.32E-01	-1.18	8.81E-01	0.17	4.33E-01
PRR5-ARHGAP8	-1.49	9.32E-01	-0.94	8.27E-01	-1.41	9.21E-01
GNB3	-1.49	9.32E-01	0.07	4.73E-01	0.55	2.90E-01
MED11	-1.49	9.32E-01	0.34	3.67E-01	1.47	7.01E-02
LRIG3	-1.49	9.32E-01	-1.50	9.33E-01	-0.21	5.82E-01
CYBA	-1.49	9.32E-01	-0.95	8.29E-01	-1.56	9.40E-01
RASGRP1	-1.49	9.33E-01	-1.02	8.47E-01	-1.36	9.13E-01
BRCA2	-1.49	9.33E-01	-1.87	9.69E-01	-0.27	6.08E-01
CHRM1	-1.50	9.33E-01	-1.61	9.46E-01	-0.41	6.58E-01

NDUFA11	-1.50	9.33E-01	-0.62	7.32E-01	-1.77	9.61E-01
GDPD4	-1.50	9.33E-01	-0.05	5.18E-01	-0.75	7.74E-01
CHIC2	-1.50	9.33E-01	0.31	3.80E-01	0.94	1.73E-01
PRPSAP2	-1.50	9.33E-01	-0.85	8.02E-01	-0.32	6.27E-01
PLEKHM2	-1.50	9.33E-01	-0.72	7.65E-01	-1.25	8.94E-01
CDS1	-1.50	9.33E-01	-1.65	9.51E-01	-0.83	7.97E-01
POLR3G	-1.50	9.33E-01	-0.74	7.71E-01	-1.65	9.51E-01
TMEM204	-1.50	9.33E-01	0.04	4.86E-01	0.16	4.36E-01
ADAP2	-1.50	9.33E-01	-0.45	6.74E-01	-1.23	8.91E-01
NANOGB	-1.50	9.33E-01	-1.38	9.15E-01	-1.57	9.42E-01
LMO2	-1.50	9.33E-01	-0.83	7.98E-01	-0.74	7.70E-01
C3orf80	-1.50	9.33E-01	-0.42	6.63E-01	-0.06	5.26E-01
PDE6B	-1.50	9.34E-01	-0.13	5.52E-01	-0.30	6.18E-01
NUAK2	-1.50	9.34E-01	-0.27	6.06E-01	-1.63	9.48E-01
TMPRSS11D	-1.50	9.34E-01	-1.97	9.76E-01	-1.44	9.26E-01
IFT80	-1.50	9.34E-01	-1.70	9.55E-01	-0.86	8.06E-01
OIT3	-1.51	9.34E-01	-0.80	7.88E-01	-1.22	8.89E-01
SOD2	-1.51	9.34E-01	0.24	4.04E-01	-0.75	7.73E-01
OTOGL	-1.51	9.34E-01	0.45	3.27E-01	-0.29	6.13E-01
C17orf107	-1.51	9.34E-01	0.47	3.21E-01	1.23	1.10E-01
PACS2	-1.51	9.34E-01	0.50	3.08E-01	0.73	2.33E-01
KCNQ3	-1.51	9.34E-01	-1.12	8.68E-01	-0.93	8.23E-01
MINOS1	-1.51	9.34E-01	-0.31	6.22E-01	-1.46	9.28E-01
JDP2	-1.51	9.34E-01	-1.42	9.21E-01	-1.09	8.63E-01
RASAL3	-1.51	9.34E-01	-0.43	6.65E-01	0.74	2.30E-01
DESI2	-1.51	9.34E-01	-0.70	7.58E-01	-0.52	6.98E-01
PLA2G12B	-1.51	9.34E-01	-0.55	7.08E-01	-2.55	9.95E-01
GPR124	-1.51	9.34E-01	0.61	2.69E-01	-0.70	7.59E-01
MTFP1	-1.51	9.34E-01	-1.36	9.13E-01	-0.56	7.13E-01
MPI	-1.51	9.35E-01	-0.50	6.90E-01	0.11	4.57E-01
HAUS3	-1.51	9.35E-01	1.19	1.16E-01	1.26	1.04E-01

PDS5B	-1.51	9.35E-01	-1.56	9.40E-01	-0.93	8.24E-01
PGK2	-1.51	9.35E-01	-0.52	6.99E-01	0.06	4.74E-01
ENPEP	-1.51	9.35E-01	-0.85	8.03E-01	0.30	3.81E-01
C18orf8	-1.51	9.35E-01	-1.10	8.64E-01	-0.52	7.00E-01
CRYGN	-1.52	9.35E-01	0.31	3.78E-01	-0.50	6.90E-01
CLPX	-1.52	9.35E-01	-0.27	6.08E-01	-0.46	6.78E-01
RUVBL2	-1.52	9.35E-01	-0.16	5.62E-01	-0.47	6.82E-01
UNCX	-1.52	9.35E-01	0.33	3.71E-01	0.68	2.49E-01
CPLX3	-1.52	9.35E-01	-1.38	9.17E-01	-0.37	6.43E-01
HSD17B12	-1.52	9.35E-01	-1.68	9.54E-01	-0.54	7.05E-01
CCDC147	-1.52	9.35E-01	-1.56	9.40E-01	-1.17	8.78E-01
PIP4K2C	-1.52	9.35E-01	-0.60	7.27E-01	-1.36	9.14E-01
GEMIN5	-1.52	9.35E-01	0.72	2.36E-01	1.19	1.18E-01
VMAC	-1.52	9.35E-01	-0.63	7.35E-01	-0.94	8.28E-01
PSG8	-1.52	9.36E-01	-1.05	8.53E-01	-0.92	8.22E-01
ANKRD49	-1.52	9.36E-01	-0.63	7.36E-01	-0.07	5.26E-01
TSPAN16	-1.52	9.36E-01	-1.19	8.83E-01	-1.45	9.26E-01
AGXT	-1.52	9.36E-01	0.38	3.52E-01	1.26	1.04E-01
LIPA	-1.52	9.36E-01	-0.51	6.95E-01	0.19	4.25E-01
ADAD2	-1.52	9.36E-01	1.93	2.67E-02	0.76	2.22E-01
SLC16A8	-1.52	9.36E-01	-0.57	7.15E-01	-0.06	5.22E-01
CD300A	-1.52	9.36E-01	0.99	1.60E-01	0.27	3.92E-01
FBP2	-1.52	9.36E-01	-0.36	6.40E-01	-1.37	9.15E-01
OLFML1	-1.52	9.36E-01	0.11	4.56E-01	-0.15	5.61E-01
KRTAP1-4	-1.52	9.36E-01	-0.69	7.55E-01	-0.51	6.95E-01
HIATL2	-1.52	9.36E-01	-1.23	8.91E-01	-2.17	9.85E-01
SASH1	-1.53	9.37E-01	-0.67	7.48E-01	-0.87	8.09E-01
ATP5C1	-1.53	9.37E-01	-1.04	8.51E-01	-1.19	8.83E-01
MRO	-1.53	9.37E-01	-1.27	8.98E-01	-0.31	6.21E-01
FBXO21	-1.53	9.37E-01	-0.11	5.42E-01	-0.46	6.76E-01
E2F3	-1.53	9.37E-01	-2.07	9.81E-01	-1.39	9.18E-01



PBLD	-1.53	9.37E-01	0.77	2.21E-01	0.47	3.20E-01
EDARADD	-1.53	9.37E-01	-1.42	9.22E-01	-0.62	7.31E-01
FBXO18	-1.53	9.37E-01	-0.65	7.42E-01	-0.23	5.92E-01
INTS3	-1.53	9.37E-01	0.22	4.13E-01	0.92	1.78E-01
SOGA3	-1.53	9.37E-01	-1.47	9.29E-01	-0.07	5.29E-01
SOGA3	-1.53	9.37E-01	-1.47	9.29E-01	-0.07	5.29E-01
GJA9	-1.53	9.37E-01	-0.51	6.95E-01	0.16	4.35E-01
TOPORS	-1.53	9.37E-01	-2.01	9.78E-01	-0.77	7.80E-01
FRAT2	-1.53	9.37E-01	-0.06	5.22E-01	0.03	4.88E-01
CDK1	-1.53	9.37E-01	-0.18	5.72E-01	-0.21	5.82E-01
DENR	-1.53	9.38E-01	-0.92	8.22E-01	0.01	4.98E-01
TLE4	-1.54	9.38E-01	0.06	4.76E-01	-0.24	5.93E-01
TSHZ1	-1.54	9.38E-01	-0.83	7.96E-01	-0.47	6.82E-01
CLDN24	-1.54	9.38E-01	-1.20	8.85E-01	-0.73	7.68E-01
WTAP	-1.54	9.38E-01	0.19	4.23E-01	-0.49	6.88E-01
SRGAP3	-1.54	9.38E-01	-0.84	7.98E-01	0.03	4.88E-01
UBA6	-1.54	9.38E-01	-0.43	6.67E-01	-1.02	8.46E-01
KIF4B	-1.54	9.38E-01	0.11	4.55E-01	0.81	2.09E-01
SNX2	-1.54	9.38E-01	-0.12	5.46E-01	-1.04	8.51E-01
BCL3	-1.54	9.38E-01	0.88	1.90E-01	0.88	1.89E-01
PCDHB2	-1.54	9.38E-01	-0.35	6.38E-01	-0.43	6.66E-01
CNBD1	-1.55	9.39E-01	-1.87	9.69E-01	-1.65	9.50E-01
MAFA	-1.55	9.39E-01	-0.92	8.23E-01	-0.32	6.24E-01
SPEM1	-1.55	9.39E-01	-1.64	9.49E-01	-0.96	8.32E-01
CHAF1B	-1.55	9.39E-01	-0.97	8.34E-01	-0.93	8.23E-01
USP35	-1.55	9.39E-01	-1.19	8.83E-01	-0.85	8.01E-01
DPF2	-1.55	9.39E-01	0.98	1.65E-01	-0.25	5.98E-01
TGFBRAP1	-1.55	9.39E-01	0.17	4.34E-01	-1.20	8.85E-01
UBE2S	-1.55	9.39E-01	0.17	4.34E-01	-0.43	6.66E-01
TTLL9	-1.55	9.39E-01	-1.03	8.48E-01	-1.18	8.82E-01
ADRB2	-1.55	9.39E-01	-0.67	7.48E-01	-0.01	5.02E-01

SLC31A1	-1.55	9.39E-01	0.04	4.85E-01	1.80	3.58E-02
C2orf49	-1.55	9.39E-01	0.71	2.39E-01	0.10	4.62E-01
KCNN4	-1.55	9.39E-01	-2.49	9.94E-01	-0.75	7.72E-01
PCDHAC2	-1.55	9.39E-01	-1.23	8.90E-01	-1.28	9.00E-01
E2F7	-1.55	9.40E-01	-2.08	9.81E-01	-0.23	5.90E-01
OC90	-1.55	9.40E-01	-0.95	8.28E-01	-0.60	7.26E-01
MFSD2A	-1.55	9.40E-01	-1.12	8.69E-01	-1.27	8.97E-01
SEC24A	-1.55	9.40E-01	-1.80	9.64E-01	-1.12	8.68E-01
MBOAT4	-1.55	9.40E-01	-0.37	6.44E-01	-0.75	7.72E-01
AP003068.23	-1.55	9.40E-01	0.01	4.94E-01	-0.16	5.65E-01
TIAM1	-1.55	9.40E-01	-1.06	8.56E-01	-1.22	8.89E-01
GSAP	-1.56	9.40E-01	-1.27	8.99E-01	-0.10	5.38E-01
VPS37A	-1.56	9.40E-01	0.43	3.35E-01	-0.35	6.38E-01
GLP1R	-1.56	9.40E-01	-0.90	8.16E-01	-1.86	9.68E-01
PPP1R14B	-1.56	9.40E-01	0.99	1.62E-01	1.21	1.13E-01
DNAJC5	-1.56	9.40E-01	-1.36	9.13E-01	-0.63	7.37E-01
PCGF3	-1.56	9.40E-01	-0.35	6.37E-01	-0.40	6.54E-01
SEC13	-1.56	9.40E-01	-0.23	5.91E-01	-0.97	8.35E-01
TRIP4	-1.56	9.40E-01	-0.76	7.77E-01	-0.41	6.58E-01
LIP1	-1.56	9.40E-01	-0.91	8.19E-01	-1.11	8.66E-01
SSBP2	-1.56	9.41E-01	-0.46	6.77E-01	-1.86	9.69E-01
EFCAB4B	-1.56	9.41E-01	0.66	2.53E-01	-0.14	5.54E-01
CCDC175	-1.56	9.41E-01	-2.18	9.85E-01	-1.02	8.47E-01
FTCDNL1	-1.56	9.41E-01	-0.41	6.58E-01	-0.50	6.90E-01
PYGO2	-1.56	9.41E-01	-0.04	5.17E-01	-0.76	7.75E-01
PIK3C3	-1.56	9.41E-01	-1.53	9.37E-01	-0.11	5.42E-01
HAUS6	-1.56	9.41E-01	-1.23	8.90E-01	-0.92	8.21E-01
STK32B	-1.56	9.41E-01	0.20	4.22E-01	0.60	2.75E-01
DUSP7	-1.56	9.41E-01	-1.28	8.99E-01	-0.34	6.33E-01
SQSTM1	-1.57	9.41E-01	-0.80	7.90E-01	-1.40	9.19E-01
BMP6	-1.57	9.41E-01	-1.22	8.89E-01	-1.09	8.63E-01

DOPEY2	-1.57	9.41E-01	-0.85	8.02E-01	-1.13	8.70E-01
ALPP	-1.57	9.41E-01	-0.27	6.06E-01	0.42	3.36E-01
PRMT2	-1.57	9.42E-01	-0.44	6.70E-01	-1.07	8.58E-01
ADAMTS10	-1.57	9.42E-01	-0.41	6.59E-01	-0.13	5.52E-01
C14orf178	-1.57	9.42E-01	-1.64	9.50E-01	-1.66	9.51E-01
GNPTG	-1.57	9.42E-01	-1.21	8.87E-01	-1.32	9.07E-01
TET1	-1.57	9.42E-01	-1.69	9.55E-01	-1.04	8.51E-01
ASF1B	-1.57	9.42E-01	-1.19	8.82E-01	-1.10	8.64E-01
TEFM	-1.57	9.42E-01	-0.82	7.93E-01	-1.51	9.34E-01
PTPN2	-1.57	9.42E-01	-1.07	8.58E-01	-0.84	7.99E-01
AHCYL2	-1.57	9.42E-01	-0.46	6.76E-01	0.47	3.20E-01
TMED7	-1.57	9.42E-01	-0.39	6.50E-01	-1.43	9.24E-01
HJURP	-1.57	9.42E-01	-0.93	8.23E-01	-0.13	5.53E-01
IL21	-1.57	9.42E-01	-0.54	7.05E-01	0.02	4.94E-01
POLN	-1.57	9.42E-01	0.52	3.01E-01	0.71	2.39E-01
MTR	-1.57	9.42E-01	-0.58	7.17E-01	0.14	4.43E-01
MYCBP	-1.58	9.42E-01	-0.56	7.13E-01	0.13	4.48E-01
SNX30	-1.58	9.42E-01	-1.06	8.56E-01	-2.41	9.92E-01
CRLF3	-1.58	9.43E-01	0.08	4.67E-01	0.35	3.65E-01
C1orf172	-1.58	9.43E-01	0.01	4.96E-01	1.12	1.31E-01
RASA3	-1.58	9.43E-01	-1.48	9.31E-01	-0.86	8.06E-01
PLA2G2E	-1.58	9.43E-01	-0.48	6.85E-01	0.07	4.73E-01
PALM	-1.58	9.43E-01	0.17	4.31E-01	-0.63	7.34E-01
ALG10B	-1.58	9.43E-01	-0.52	6.97E-01	0.41	3.40E-01
DESI1	-1.58	9.43E-01	-1.72	9.58E-01	-1.07	8.57E-01
SIRPD	-1.58	9.43E-01	-1.62	9.47E-01	-0.81	7.91E-01
LGALS3BP	-1.58	9.43E-01	-0.90	8.16E-01	-0.64	7.38E-01
CCDC112	-1.58	9.43E-01	0.05	4.81E-01	-1.28	9.00E-01
PHPT1	-1.58	9.43E-01	0.03	4.89E-01	-0.08	5.31E-01
GRIP1	-1.58	9.43E-01	-0.78	7.82E-01	-0.64	7.39E-01
ATAD5	-1.58	9.43E-01	-1.04	8.50E-01	-1.69	9.55E-01

STK17A	-1.58	9.43E-01	-0.90	8.17E-01	-1.71	9.57E-01
AC016757.3	-1.58	9.43E-01	-0.66	7.45E-01	-0.19	5.75E-01
WBSCR27	-1.58	9.43E-01	-0.97	8.35E-01	-0.44	6.70E-01
PRSS55	-1.59	9.44E-01	-0.01	5.05E-01	0.92	1.78E-01
KLHDC8A	-1.59	9.44E-01	0.18	4.29E-01	-0.62	7.33E-01
GTF2F1	-1.59	9.44E-01	-1.44	9.25E-01	-1.34	9.09E-01
GPR150	-1.59	9.44E-01	1.48	6.88E-02	1.37	8.49E-02
ACTA2	-1.59	9.44E-01	-1.40	9.19E-01	-1.11	8.66E-01
PPP1R26	-1.59	9.44E-01	-0.21	5.83E-01	-0.76	7.75E-01
HAPLN1	-1.59	9.44E-01	-1.73	9.58E-01	-0.97	8.35E-01
TXNDC16	-1.59	9.44E-01	0.79	2.14E-01	0.77	2.20E-01
METTL17	-1.59	9.44E-01	-1.28	9.00E-01	-0.17	5.67E-01
LAMC2	-1.59	9.44E-01	0.11	4.56E-01	-0.36	6.42E-01
MEDAG	-1.59	9.44E-01	-0.92	8.21E-01	-1.54	9.38E-01
AEBP1	-1.59	9.44E-01	-0.31	6.23E-01	-0.47	6.80E-01
MRPL48	-1.59	9.44E-01	-0.88	8.10E-01	-0.55	7.08E-01
AKAP13	-1.59	9.44E-01	-1.08	8.59E-01	-0.22	5.86E-01
RPS15A	-1.59	9.44E-01	-1.74	9.59E-01	-1.13	8.71E-01
BEST1	-1.59	9.44E-01	-0.72	7.63E-01	0.25	4.01E-01
C5orf24	-1.59	9.44E-01	-1.00	8.42E-01	-1.08	8.59E-01
KRT72	-1.59	9.44E-01	-0.33	6.27E-01	-0.93	8.25E-01
CDC16	-1.59	9.44E-01	0.05	4.80E-01	-0.83	7.96E-01
PARVG	-1.59	9.44E-01	-1.05	8.53E-01	-1.64	9.49E-01
C17orf53	-1.59	9.44E-01	-1.01	8.43E-01	-2.58	9.95E-01
RPGRIP1L	-1.59	9.45E-01	-1.47	9.30E-01	-1.31	9.06E-01
ZNF317	-1.59	9.45E-01	-0.12	5.47E-01	-1.31	9.06E-01
PHOX2A	-1.60	9.45E-01	-0.04	5.16E-01	0.43	3.32E-01
C15orf54	-1.60	9.45E-01	1.09	1.37E-01	0.95	1.72E-01
HSPB3	-1.60	9.45E-01	0.58	2.80E-01	0.86	1.94E-01
TMEM92	-1.60	9.45E-01	-1.22	8.88E-01	-0.54	7.04E-01
GLYATL2	-1.60	9.45E-01	1.52	6.37E-02	1.50	6.74E-02

UBXN4	-1.60	9.45E-01	-1.80	9.64E-01	-1.06	8.57E-01
HSBP1L1	-1.60	9.45E-01	-1.19	8.83E-01	-0.67	7.49E-01
OR51I2	-1.60	9.45E-01	-0.82	7.94E-01	-1.14	8.72E-01
TTC40	-1.60	9.45E-01	-0.03	5.13E-01	-0.41	6.57E-01
AGPS	-1.60	9.45E-01	0.21	4.16E-01	0.44	3.30E-01
PLEKHN1	-1.60	9.45E-01	-1.40	9.19E-01	-1.84	9.67E-01
MMP25	-1.60	9.46E-01	-0.41	6.59E-01	0.00	5.00E-01
VMP1	-1.60	9.46E-01	-0.43	6.66E-01	-1.79	9.63E-01
PLD4	-1.61	9.46E-01	-0.94	8.27E-01	-1.18	8.82E-01
CUEDC1	-1.61	9.46E-01	-0.35	6.38E-01	-0.79	7.85E-01
ABLIM1	-1.61	9.46E-01	-1.21	8.88E-01	-0.01	5.04E-01
BRF2	-1.61	9.46E-01	-0.60	7.27E-01	0.01	4.97E-01
SPZ1	-1.61	9.46E-01	-0.74	7.71E-01	-0.73	7.68E-01
CLECL1	-1.61	9.46E-01	-0.78	7.81E-01	0.75	2.27E-01
F5	-1.61	9.46E-01	0.21	4.18E-01	0.30	3.81E-01
PXMP2	-1.61	9.46E-01	-1.08	8.61E-01	-0.71	7.62E-01
DPYS	-1.61	9.46E-01	-1.25	8.95E-01	0.88	1.89E-01
AIRE	-1.61	9.46E-01	-0.76	7.77E-01	-1.45	9.26E-01
FHL2	-1.61	9.47E-01	-0.44	6.69E-01	-0.93	8.25E-01
CCDC88B	-1.61	9.47E-01	0.22	4.14E-01	0.61	2.70E-01
EFCAB5	-1.61	9.47E-01	-1.36	9.13E-01	-1.44	9.24E-01
RPS9	-1.61	9.47E-01	-0.75	7.73E-01	0.16	4.36E-01
MLLT3	-1.61	9.47E-01	-1.00	8.41E-01	-1.78	9.62E-01
STOML2	-1.61	9.47E-01	0.29	3.86E-01	0.66	2.54E-01
MEIS1	-1.62	9.47E-01	-0.91	8.19E-01	-0.45	6.75E-01
RNF14	-1.62	9.47E-01	-1.25	8.95E-01	-0.73	7.68E-01
IMP3	-1.62	9.47E-01	-1.00	8.41E-01	-0.90	8.15E-01
RCN2	-1.62	9.47E-01	-0.35	6.38E-01	-0.93	8.24E-01
FNDC8	-1.62	9.47E-01	-1.74	9.59E-01	-1.30	9.03E-01
MAN2A1	-1.62	9.47E-01	-0.71	7.61E-01	0.46	3.21E-01
ITGB2	-1.62	9.47E-01	-0.62	7.33E-01	-1.35	9.11E-01

GIMAP7	-1.62	9.47E-01	-0.26	6.02E-01	-1.18	8.81E-01
ATP1A2	-1.62	9.48E-01	-2.27	9.88E-01	-0.13	5.51E-01
C20orf197	-1.62	9.48E-01	-1.49	9.31E-01	-1.06	8.55E-01
CYP51A1	-1.62	9.48E-01	-0.71	7.63E-01	-0.49	6.88E-01
XRCC6BP1	-1.62	9.48E-01	-2.47	9.93E-01	-1.29	9.02E-01
SNTB1	-1.63	9.48E-01	-0.43	6.67E-01	-0.62	7.32E-01
IER5L	-1.63	9.48E-01	-0.33	6.29E-01	-0.32	6.26E-01
FTO	-1.63	9.48E-01	1.11	1.34E-01	2.72	3.29E-03
DCHS2	-1.63	9.48E-01	-0.36	6.39E-01	-1.56	9.40E-01
MORC3	-1.63	9.48E-01	-1.40	9.20E-01	-1.16	8.77E-01
SLC1A1	-1.63	9.48E-01	-0.58	7.20E-01	-0.82	7.93E-01
PSMB1	-1.63	9.48E-01	-0.53	7.03E-01	0.27	3.95E-01
TBCE	-1.63	9.49E-01	-1.64	9.50E-01	-0.87	8.09E-01
RER1	-1.63	9.49E-01	-0.32	6.26E-01	-0.01	5.04E-01
RIN2	-1.63	9.49E-01	-1.05	8.52E-01	-0.35	6.38E-01
SHC1	-1.63	9.49E-01	-0.20	5.79E-01	-0.10	5.39E-01
TTLL5	-1.63	9.49E-01	-2.16	9.85E-01	-1.37	9.15E-01
USP33	-1.63	9.49E-01	-0.44	6.69E-01	0.05	4.80E-01
MAPRE1	-1.64	9.49E-01	-1.02	8.46E-01	-0.38	6.48E-01
CLEC4C	-1.64	9.49E-01	-2.16	9.85E-01	-0.41	6.59E-01
U2AF2	-1.64	9.49E-01	-1.05	8.52E-01	-1.57	9.42E-01
OSBPL1A	-1.64	9.49E-01	-2.66	9.96E-01	-0.49	6.88E-01
OLR1	-1.64	9.49E-01	-0.19	5.74E-01	-0.61	7.28E-01
GREM2	-1.64	9.49E-01	-0.33	6.30E-01	-0.68	7.52E-01
ZNF181	-1.64	9.49E-01	-1.04	8.50E-01	-0.25	6.00E-01
PSTK	-1.64	9.49E-01	-0.46	6.79E-01	-1.04	8.50E-01
TMEM251	-1.64	9.49E-01	-0.63	7.34E-01	-0.48	6.86E-01
NDUFA8	-1.64	9.49E-01	-0.96	8.32E-01	-0.27	6.07E-01
APOBEC4	-1.64	9.50E-01	-0.81	7.90E-01	-0.94	8.27E-01
PDCD5	-1.64	9.50E-01	-1.04	8.51E-01	-3.06	9.99E-01
TMEM256-PLSCR3	-1.64	9.50E-01	-1.01	8.43E-01	-1.04	8.50E-01

C17orf61-PLSCR3	-1.64	9.50E-01	-1.01	8.43E-01	-1.04	8.50E-01
SMPDL3A	-1.65	9.50E-01	-0.17	5.67E-01	-0.93	8.25E-01
DNAJB13	-1.65	9.50E-01	-1.60	9.45E-01	0.41	3.42E-01
ZFPL1	-1.65	9.50E-01	1.04	1.48E-01	1.01	1.56E-01
ACSL3	-1.65	9.50E-01	-1.62	9.48E-01	0.02	4.91E-01
VEGFB	-1.65	9.50E-01	-0.61	7.29E-01	-0.27	6.08E-01
ZNF562	-1.65	9.50E-01	-1.09	8.62E-01	-0.43	6.66E-01
DTX3	-1.65	9.50E-01	-1.05	8.54E-01	-2.06	9.80E-01
C2orf83	-1.65	9.51E-01	-1.67	9.53E-01	-0.28	6.09E-01
C14orf166	-1.65	9.51E-01	-0.61	7.27E-01	0.21	4.16E-01
LCT	-1.65	9.51E-01	-1.87	9.70E-01	-1.37	9.15E-01
C15orf27	-1.65	9.51E-01	-1.15	8.75E-01	-2.50	9.94E-01
TSPEAR	-1.65	9.51E-01	-0.56	7.11E-01	-0.17	5.69E-01
KCNK5	-1.65	9.51E-01	-0.82	7.95E-01	0.07	4.72E-01
RPL23A	-1.65	9.51E-01	-1.27	8.98E-01	-1.67	9.52E-01
SLC44A3	-1.65	9.51E-01	0.03	4.87E-01	-0.25	5.99E-01
SLC6A4	-1.65	9.51E-01	-2.07	9.81E-01	-1.36	9.13E-01
KBTBD8	-1.65	9.51E-01	-0.71	7.60E-01	-1.26	8.96E-01
PTPRR	-1.65	9.51E-01	-1.21	8.86E-01	-1.10	8.64E-01
DNAJB4	-1.65	9.51E-01	-0.84	8.01E-01	0.46	3.24E-01
DAZL	-1.66	9.51E-01	-0.94	8.27E-01	-1.09	8.62E-01
ZNF846	-1.66	9.51E-01	-1.17	8.80E-01	-0.59	7.21E-01
MINK1	-1.66	9.51E-01	0.85	1.97E-01	1.35	8.85E-02
SNAP25	-1.66	9.51E-01	-0.18	5.71E-01	-0.09	5.34E-01
MAP4K3	-1.66	9.51E-01	-1.84	9.67E-01	-0.62	7.33E-01
SPERT	-1.66	9.52E-01	-1.47	9.29E-01	-0.62	7.32E-01
TRIM33	-1.66	9.52E-01	-1.53	9.37E-01	-0.30	6.16E-01
CAMK2N2	-1.66	9.52E-01	-1.14	8.72E-01	-0.79	7.86E-01
PPP4R2	-1.67	9.52E-01	-0.30	6.20E-01	-0.25	5.99E-01
TNFRSF12A	-1.67	9.52E-01	-1.03	8.48E-01	-1.69	9.55E-01
CGB1	-1.67	9.52E-01	-0.70	7.57E-01	-0.82	7.94E-01

SLC6A11	-1.67	9.52E-01	-1.64	9.49E-01	-0.17	5.67E-01
SLC35G3	-1.67	9.52E-01	-0.60	7.24E-01	-0.14	5.56E-01
CDH26	-1.67	9.52E-01	-0.15	5.58E-01	0.11	4.57E-01
GCNT4	-1.67	9.53E-01	-0.43	6.66E-01	-0.65	7.41E-01
GJA5	-1.67	9.53E-01	-0.80	7.88E-01	0.02	4.94E-01
GLYATL1	-1.67	9.53E-01	-0.25	5.98E-01	-0.43	6.68E-01
PCSK4	-1.67	9.53E-01	-1.49	9.32E-01	-2.36	9.91E-01
NFE2L2	-1.68	9.53E-01	0.05	4.78E-01	0.72	2.36E-01
TRMT10C	-1.68	9.53E-01	-1.20	8.85E-01	-1.07	8.58E-01
AMBN	-1.68	9.53E-01	-1.51	9.34E-01	-1.30	9.04E-01
SLC25A25	-1.68	9.53E-01	-0.84	7.98E-01	-1.54	9.38E-01
BECN1	-1.68	9.53E-01	-1.64	9.49E-01	-0.83	7.97E-01
HCFC1R1	-1.68	9.53E-01	-0.78	7.82E-01	-2.34	9.90E-01
TMC1	-1.68	9.54E-01	-0.07	5.28E-01	0.48	3.14E-01
ZNF57	-1.68	9.54E-01	1.43	7.58E-02	1.82	3.44E-02
TSC1	-1.68	9.54E-01	-1.16	8.76E-01	0.11	4.54E-01
ING5	-1.68	9.54E-01	-0.49	6.89E-01	0.14	4.45E-01
STX16-NPEPL1	-1.69	9.54E-01	-0.03	5.10E-01	0.26	3.97E-01
PLEKHG4B	-1.69	9.54E-01	-1.70	9.55E-01	-0.95	8.30E-01
MRPL22	-1.69	9.54E-01	0.55	2.93E-01	1.20	1.15E-01
NUP205	-1.69	9.54E-01	-1.86	9.68E-01	-1.63	9.49E-01
ULK3	-1.69	9.55E-01	-1.30	9.02E-01	-0.86	8.04E-01
FLVCR2	-1.69	9.55E-01	-2.29	9.89E-01	-0.59	7.21E-01
CDAN1	-1.70	9.55E-01	-1.36	9.13E-01	-1.67	9.53E-01
ZC3HAV1	-1.70	9.55E-01	-0.86	8.04E-01	0.26	3.98E-01
PTDSS1	-1.70	9.55E-01	0.49	3.10E-01	0.19	4.26E-01
C14orf164	-1.70	9.55E-01	-0.84	8.00E-01	-0.69	7.56E-01
PAAF1	-1.70	9.55E-01	-1.39	9.18E-01	-0.23	5.89E-01
AQP6	-1.70	9.55E-01	-1.37	9.15E-01	-2.04	9.79E-01
GLTSCR2	-1.70	9.56E-01	0.09	4.64E-01	-0.57	7.15E-01
TEX26	-1.70	9.56E-01	-1.85	9.68E-01	-2.29	9.89E-01



PCED1B	-1.70	9.56E-01	-1.31	9.04E-01	-0.70	7.57E-01
FLAD1	-1.70	9.56E-01	-0.54	7.06E-01	-0.25	5.99E-01
RNF145	-1.70	9.56E-01	-0.05	5.21E-01	0.44	3.29E-01
AGFG2	-1.70	9.56E-01	0.09	4.64E-01	-0.02	5.09E-01
TRIM59	-1.70	9.56E-01	-1.61	9.47E-01	-1.19	8.83E-01
TBL2	-1.71	9.56E-01	-1.24	8.93E-01	-1.32	9.07E-01
PGAM5	-1.71	9.56E-01	-1.15	8.75E-01	-0.81	7.90E-01
INPPL1	-1.71	9.56E-01	0.11	4.56E-01	1.17	1.20E-01
RXRA	-1.71	9.56E-01	-0.16	5.64E-01	-1.47	9.29E-01
TAC4	-1.71	9.56E-01	-1.11	8.66E-01	-1.34	9.09E-01
FUT5	-1.71	9.56E-01	-0.86	8.04E-01	-1.33	9.08E-01
PCDHB3	-1.71	9.57E-01	-1.08	8.61E-01	-0.76	7.77E-01
EXOC3L4	-1.71	9.57E-01	-1.05	8.52E-01	-0.61	7.30E-01
AMTN	-1.71	9.57E-01	-1.92	9.73E-01	-0.09	5.36E-01
SUSD3	-1.72	9.57E-01	-0.51	6.94E-01	-0.11	5.45E-01
C5orf27	-1.72	9.57E-01	-0.70	7.58E-01	-0.60	7.25E-01
CYP4F22	-1.72	9.57E-01	-0.59	7.21E-01	-0.02	5.06E-01
B3GALNT2	-1.72	9.57E-01	-0.49	6.89E-01	-0.95	8.29E-01
SPTSSB	-1.72	9.57E-01	-0.49	6.86E-01	0.02	4.93E-01
RTN4	-1.72	9.57E-01	-1.17	8.79E-01	-0.26	6.04E-01
STARD7	-1.72	9.57E-01	-0.62	7.34E-01	-0.39	6.50E-01
NKX2-5	-1.72	9.57E-01	0.36	3.58E-01	0.53	2.98E-01
TIMM22	-1.72	9.57E-01	-1.28	9.00E-01	-0.37	6.45E-01
IFT140	-1.72	9.58E-01	-0.39	6.53E-01	-0.05	5.21E-01
GDF6	-1.72	9.58E-01	-1.33	9.08E-01	-0.66	7.44E-01
GCM2	-1.72	9.58E-01	-0.41	6.59E-01	0.71	2.39E-01
SLC39A4	-1.72	9.58E-01	-0.71	7.60E-01	-1.32	9.07E-01
PPP5C	-1.73	9.58E-01	-1.59	9.44E-01	-1.46	9.28E-01
TFEC	-1.73	9.58E-01	-2.04	9.79E-01	-2.12	9.83E-01
CYTH4	-1.73	9.58E-01	-1.34	9.09E-01	-1.75	9.60E-01
ANAPC7	-1.73	9.58E-01	-1.28	8.99E-01	-1.24	8.92E-01

GLI3	-1.73	9.58E-01	-1.00	8.42E-01	1.51	6.55E-02
CD22	-1.74	9.59E-01	-1.33	9.08E-01	-2.55	9.95E-01
CD38	-1.74	9.59E-01	-1.26	8.96E-01	-1.65	9.51E-01
MTG1	-1.74	9.59E-01	-0.06	5.23E-01	0.30	3.83E-01
TCL1B	-1.74	9.59E-01	-0.65	7.44E-01	-0.73	7.69E-01
RTP4	-1.74	9.59E-01	-0.80	7.88E-01	-0.37	6.43E-01
ATP6V1C1	-1.74	9.59E-01	-1.20	8.85E-01	-2.01	9.78E-01
C1orf143	-1.74	9.59E-01	0.50	3.07E-01	0.50	3.08E-01
TOMM5	-1.74	9.59E-01	0.11	4.57E-01	-0.14	5.54E-01
PLXDC1	-1.74	9.59E-01	-0.91	8.18E-01	0.08	4.69E-01
PRDX3	-1.75	9.60E-01	0.09	4.63E-01	-0.57	7.16E-01
CKS1B	-1.75	9.60E-01	-0.02	5.08E-01	0.13	4.48E-01
FAM216B	-1.75	9.60E-01	-0.45	6.72E-01	0.06	4.75E-01
GFPT2	-1.75	9.60E-01	-1.10	8.63E-01	0.09	4.65E-01
TMPRSS3	-1.75	9.60E-01	-1.15	8.76E-01	0.24	4.04E-01
SEC31A	-1.75	9.60E-01	-0.77	7.80E-01	-1.35	9.11E-01
HPN	-1.75	9.60E-01	-2.12	9.83E-01	-0.61	7.29E-01
PDE4D	-1.75	9.60E-01	-2.29	9.89E-01	-0.97	8.35E-01
CNKSR1	-1.75	9.60E-01	-1.45	9.27E-01	-2.14	9.84E-01
MUC5AC	-1.75	9.60E-01	-1.28	9.00E-01	-1.24	8.92E-01
TMEM102	-1.76	9.60E-01	-0.86	8.06E-01	-0.60	7.25E-01
CHRNE	-1.76	9.60E-01	0.91	1.81E-01	1.63	5.19E-02
LINC00692	-1.76	9.60E-01	0.25	4.03E-01	0.29	3.85E-01
MAFF	-1.76	9.61E-01	-0.92	8.21E-01	-0.68	7.52E-01
RPS6KA4	-1.76	9.61E-01	-0.20	5.79E-01	0.16	4.37E-01
MARK1	-1.76	9.61E-01	-0.65	7.42E-01	-0.66	7.45E-01
MCFD2	-1.76	9.61E-01	-0.33	6.31E-01	-1.05	8.54E-01
AP3S1	-1.76	9.61E-01	-0.44	6.69E-01	-0.90	8.16E-01
RTL1	-1.76	9.61E-01	-1.47	9.30E-01	-1.23	8.91E-01
KCNC4	-1.76	9.61E-01	-0.86	8.05E-01	-1.97	9.76E-01
USF1	-1.77	9.61E-01	-0.58	7.20E-01	0.85	1.96E-01

CCR4	-1.77	9.61E-01	-0.54	7.07E-01	0.06	4.75E-01
TARBP1	-1.77	9.62E-01	-0.71	7.61E-01	-1.68	9.54E-01
ISPD	-1.77	9.62E-01	0.04	4.83E-01	-0.16	5.65E-01
COA7	-1.77	9.62E-01	0.88	1.90E-01	0.83	2.04E-01
TCF21	-1.77	9.62E-01	-1.95	9.74E-01	-1.64	9.50E-01
TMTC2	-1.77	9.62E-01	-0.83	7.96E-01	-0.51	6.95E-01
STAB2	-1.77	9.62E-01	-0.39	6.52E-01	-0.40	6.54E-01
CAPG	-1.77	9.62E-01	-0.36	6.39E-01	0.69	2.45E-01
RBM11	-1.78	9.62E-01	1.43	7.62E-02	1.23	1.10E-01
RRAGC	-1.78	9.62E-01	-0.88	8.11E-01	-0.62	7.33E-01
FASTKD3	-1.78	9.62E-01	-0.32	6.25E-01	0.51	3.04E-01
TRMT1	-1.78	9.62E-01	0.69	2.46E-01	1.31	9.59E-02
ITIH4	-1.78	9.62E-01	0.08	4.68E-01	0.90	1.83E-01
MMP15	-1.78	9.62E-01	-0.24	5.96E-01	0.28	3.91E-01
OSER1	-1.78	9.62E-01	-0.51	6.97E-01	-0.52	6.98E-01
FGD5	-1.78	9.63E-01	-0.24	5.95E-01	-0.28	6.11E-01
NR2F2	-1.78	9.63E-01	-0.23	5.91E-01	-0.36	6.42E-01
KNTC1	-1.78	9.63E-01	-1.39	9.17E-01	-0.82	7.94E-01
S100A16	-1.79	9.63E-01	-1.34	9.10E-01	-1.19	8.83E-01
C6orf222	-1.79	9.63E-01	-1.99	9.77E-01	-0.50	6.91E-01
TMC8	-1.79	9.63E-01	0.12	4.54E-01	0.36	3.61E-01
EIF2B4	-1.79	9.63E-01	-1.06	8.55E-01	-0.51	6.96E-01
VSIG10L	-1.79	9.63E-01	-2.06	9.80E-01	-1.51	9.35E-01
KDELC1	-1.79	9.63E-01	-0.46	6.79E-01	-0.18	5.73E-01
TTLL2	-1.79	9.63E-01	-1.64	9.49E-01	-0.12	5.48E-01
SLC15A4	-1.79	9.63E-01	-0.13	5.53E-01	-0.56	7.11E-01
EGLN2	-1.79	9.63E-01	-1.05	8.53E-01	-0.76	7.78E-01
CPSF1	-1.79	9.63E-01	-0.52	6.98E-01	-0.16	5.62E-01
C8orf56	-1.79	9.64E-01	-0.50	6.93E-01	-0.83	7.96E-01
PAIP2	-1.79	9.64E-01	0.68	2.48E-01	0.45	3.26E-01
C1orf180	-1.80	9.64E-01	-0.09	5.37E-01	0.89	1.85E-01

PDCD2	-1.80	9.64E-01	-0.68	7.52E-01	0.33	3.71E-01
BPGM	-1.80	9.64E-01	0.11	4.58E-01	0.51	3.07E-01
NSUN5	-1.80	9.64E-01	-1.08	8.60E-01	-0.80	7.88E-01
EGR4	-1.80	9.64E-01	-0.78	7.83E-01	-0.97	8.34E-01
IFT81	-1.80	9.64E-01	-2.03	9.79E-01	-1.36	9.14E-01
GAS2	-1.80	9.64E-01	-1.43	9.23E-01	-0.27	6.07E-01
FCGR3A	-1.80	9.64E-01	-1.10	8.64E-01	-2.29	9.89E-01
WIP1	-1.81	9.64E-01	-2.71	9.97E-01	-1.62	9.47E-01
C1orf131	-1.81	9.65E-01	-0.13	5.53E-01	-0.27	6.06E-01
LCA5	-1.81	9.65E-01	-1.02	8.46E-01	0.07	4.71E-01
BICD2	-1.81	9.65E-01	-0.05	5.20E-01	0.03	4.87E-01
TUBD1	-1.81	9.65E-01	-1.18	8.80E-01	-2.40	9.92E-01
EXOC6B	-1.81	9.65E-01	-0.71	7.62E-01	-1.11	8.66E-01
OR6P1	-1.81	9.65E-01	-0.94	8.27E-01	-2.03	9.79E-01
SNRPA	-1.81	9.65E-01	-1.23	8.90E-01	-0.51	6.95E-01
FAM109A	-1.82	9.65E-01	-0.25	5.99E-01	0.20	4.22E-01
RCOR2	-1.82	9.65E-01	-0.07	5.28E-01	-0.12	5.47E-01
SIGLEC9	-1.82	9.65E-01	-0.33	6.30E-01	-0.14	5.54E-01
DLX1	-1.82	9.65E-01	-0.46	6.76E-01	-0.14	5.58E-01
ZP2	-1.82	9.66E-01	-2.12	9.83E-01	-0.13	5.53E-01
FBXO10	-1.82	9.66E-01	-1.52	9.36E-01	-0.34	6.35E-01
C19orf67	-1.82	9.66E-01	0.06	4.77E-01	-0.20	5.79E-01
NCK2	-1.83	9.66E-01	-0.69	7.56E-01	-1.32	9.06E-01
PIGN	-1.83	9.66E-01	0.48	3.14E-01	1.03	1.52E-01
MROH7	-1.83	9.66E-01	-1.26	8.97E-01	-1.02	8.46E-01
SERPING1	-1.83	9.66E-01	0.43	3.34E-01	0.57	2.84E-01
PRNP	-1.83	9.67E-01	-0.48	6.86E-01	-0.10	5.42E-01
USP39	-1.84	9.67E-01	-1.19	8.84E-01	-0.39	6.53E-01
RNF32	-1.84	9.67E-01	-0.52	6.97E-01	0.02	4.94E-01
GNPDA1	-1.84	9.67E-01	-1.23	8.90E-01	-0.97	8.35E-01
TC2N	-1.84	9.67E-01	-0.95	8.30E-01	-0.43	6.66E-01

RIMS2	-1.84	9.67E-01	-0.48	6.84E-01	-0.32	6.26E-01
GOLGA7B	-1.84	9.67E-01	-0.99	8.38E-01	-0.55	7.08E-01
DCD	-1.84	9.67E-01	-1.65	9.50E-01	-1.55	9.39E-01
KBTBD2	-1.85	9.68E-01	-1.37	9.15E-01	-1.26	8.96E-01
C17orf103	-1.85	9.68E-01	-1.06	8.55E-01	-1.47	9.29E-01
CEP128	-1.85	9.68E-01	-0.94	8.26E-01	-0.81	7.92E-01
C19orf69	-1.85	9.68E-01	-0.43	6.66E-01	-0.29	6.16E-01
LACRT	-1.85	9.68E-01	-0.25	5.99E-01	-0.54	7.07E-01
PPP1R3D	-1.85	9.68E-01	-2.11	9.83E-01	-1.61	9.46E-01
CAPZA2	-1.85	9.68E-01	-0.11	5.46E-01	-1.16	8.77E-01
LRP2	-1.85	9.68E-01	0.00	5.00E-01	-0.39	6.52E-01
PPP1R1A	-1.85	9.68E-01	-1.58	9.43E-01	-0.45	6.73E-01
LMOD1	-1.85	9.68E-01	-1.52	9.36E-01	-0.54	7.04E-01
HPS3	-1.86	9.68E-01	-2.08	9.81E-01	-0.78	7.83E-01
SLC39A10	-1.86	9.69E-01	-0.77	7.79E-01	-1.12	8.69E-01
ZNF823	-1.86	9.69E-01	-0.10	5.40E-01	0.47	3.19E-01
CABP2	-1.86	9.69E-01	-1.30	9.04E-01	-1.12	8.68E-01
PLA2G3	-1.86	9.69E-01	-2.20	9.86E-01	-1.18	8.81E-01
MAB21L1	-1.86	9.69E-01	0.25	4.01E-01	0.11	4.55E-01
VDAC3	-1.87	9.69E-01	-1.45	9.26E-01	-1.24	8.92E-01
NAT8	-1.87	9.69E-01	-1.07	8.57E-01	-2.11	9.82E-01
MIA	-1.87	9.69E-01	-0.73	7.67E-01	-0.49	6.89E-01
DNA2	-1.88	9.70E-01	-0.76	7.75E-01	-0.34	6.33E-01
TAB2	-1.88	9.70E-01	-0.64	7.39E-01	-1.90	9.71E-01
RGS1	-1.88	9.70E-01	-1.52	9.36E-01	-0.95	8.30E-01
ITPRIP	-1.88	9.70E-01	-0.54	7.05E-01	-0.62	7.33E-01
RNFT1	-1.88	9.70E-01	-1.17	8.80E-01	-2.46	9.93E-01
IGLON5	-1.88	9.70E-01	-1.19	8.82E-01	-1.13	8.71E-01
IFNA10	-1.88	9.70E-01	-2.29	9.89E-01	-2.15	9.84E-01
RNF125	-1.89	9.70E-01	-0.16	5.64E-01	-0.66	7.46E-01
LMF1	-1.89	9.71E-01	-0.57	7.17E-01	0.65	2.59E-01

PPAP2B	-1.89	9.71E-01	-0.13	5.50E-01	0.18	4.28E-01
ZG16	-1.89	9.71E-01	-0.36	6.40E-01	-0.36	6.39E-01
SNUPN	-1.89	9.71E-01	-0.64	7.39E-01	-1.16	8.76E-01
RAB31	-1.89	9.71E-01	-1.34	9.10E-01	-0.16	5.62E-01
GATA6	-1.89	9.71E-01	-2.25	9.88E-01	-1.68	9.54E-01
HK3	-1.90	9.71E-01	-1.21	8.87E-01	-2.77	9.97E-01
SLC10A1	-1.90	9.71E-01	-1.26	8.96E-01	-1.80	9.64E-01
RP11-613M10.8	-1.90	9.71E-01	-1.48	9.31E-01	-0.33	6.31E-01
DLD	-1.90	9.71E-01	-0.43	6.68E-01	-0.41	6.59E-01
DGCR6	-1.90	9.71E-01	-1.18	8.81E-01	-0.16	5.64E-01
DGCR6L	-1.90	9.71E-01	-1.22	8.88E-01	-0.95	8.30E-01
ERCC2	-1.90	9.71E-01	-0.73	7.67E-01	-0.62	7.32E-01
C2orf69	-1.90	9.71E-01	-0.68	7.50E-01	-0.84	7.99E-01
HBQ1	-1.90	9.71E-01	-0.18	5.70E-01	-0.08	5.33E-01
HMCN2	-1.90	9.71E-01	-0.94	8.27E-01	-0.52	6.97E-01
TSPAN11	-1.90	9.72E-01	-0.27	6.08E-01	-1.04	8.52E-01
N4BP2L2	-1.91	9.72E-01	-1.96	9.75E-01	-0.62	7.34E-01
RNF224	-1.91	9.72E-01	-0.39	6.53E-01	-0.04	5.15E-01
COPS4	-1.91	9.72E-01	-0.76	7.76E-01	-0.32	6.24E-01
HES3	-1.91	9.72E-01	-0.65	7.41E-01	-0.70	7.57E-01
RPUSD4	-1.91	9.72E-01	-0.23	5.89E-01	0.70	2.41E-01
ADCK1	-1.92	9.72E-01	-1.14	8.72E-01	-1.92	9.72E-01
LMAN1	-1.92	9.72E-01	-1.34	9.10E-01	-2.41	9.92E-01
ADH1B	-1.92	9.72E-01	0.20	4.22E-01	-0.62	7.33E-01
PRG3	-1.92	9.73E-01	0.26	3.97E-01	-0.06	5.24E-01
ADCK5	-1.92	9.73E-01	-0.66	7.47E-01	-0.31	6.23E-01
ARL6IP1	-1.92	9.73E-01	-2.17	9.85E-01	-1.24	8.93E-01
RP11-113D6.10	-1.92	9.73E-01	-0.78	7.82E-01	-0.16	5.64E-01
RPS6KB1	-1.92	9.73E-01	-1.31	9.04E-01	-2.54	9.94E-01
MATR3	-1.92	9.73E-01	0.21	4.15E-01	0.10	4.58E-01
JKAMP	-1.92	9.73E-01	-1.69	9.54E-01	-1.09	8.61E-01

TMEM229B	-1.92	9.73E-01	-1.43	9.24E-01	-0.84	8.00E-01
RIC3	-1.93	9.73E-01	-0.29	6.12E-01	-0.11	5.46E-01
RP11-211G3.3	-1.93	9.73E-01	-1.73	9.58E-01	0.05	4.81E-01
TPMT	-1.93	9.73E-01	-0.08	5.30E-01	0.97	1.66E-01
ASAP1	-1.93	9.73E-01	-1.68	9.53E-01	-1.16	8.77E-01
FLT4	-1.94	9.74E-01	-0.32	6.27E-01	-0.63	7.37E-01
GIPC2	-1.94	9.74E-01	-0.53	7.04E-01	0.33	3.70E-01
MICAL2	-1.94	9.74E-01	-1.24	8.93E-01	0.86	1.94E-01
MRPS26	-1.94	9.74E-01	-0.59	7.23E-01	-0.44	6.71E-01
SREK1	-1.95	9.74E-01	-0.28	6.11E-01	-0.92	8.20E-01
SLC26A11	-1.95	9.74E-01	0.56	2.86E-01	-0.48	6.83E-01
OR10P1	-1.95	9.74E-01	-0.37	6.43E-01	-0.17	5.67E-01
SLC35E3	-1.95	9.75E-01	-0.23	5.90E-01	-0.74	7.72E-01
CER1	-1.95	9.75E-01	-0.09	5.35E-01	-0.29	6.13E-01
GIMAP6	-1.96	9.75E-01	-0.60	7.26E-01	-0.25	6.00E-01
RXFP2	-1.96	9.75E-01	-1.41	9.21E-01	-1.16	8.76E-01
SLC9A9	-1.96	9.75E-01	-1.00	8.41E-01	-2.77	9.97E-01
ZNF561	-1.97	9.76E-01	-0.91	8.18E-01	-0.27	6.05E-01
SIN3B	-1.97	9.76E-01	0.38	3.52E-01	0.41	3.40E-01
ZCCHC24	-1.97	9.76E-01	-0.60	7.27E-01	-0.54	7.04E-01
CNGB3	-1.98	9.76E-01	-0.54	7.04E-01	-0.07	5.27E-01
STIL	-1.98	9.76E-01	0.89	1.87E-01	1.20	1.15E-01
THAP10	-1.98	9.76E-01	-1.20	8.85E-01	0.08	4.68E-01
METTL11B	-1.98	9.76E-01	-0.93	8.25E-01	-1.64	9.50E-01
NKX2-4	-1.98	9.76E-01	0.07	4.72E-01	0.04	4.82E-01
RHBDD3	-1.98	9.76E-01	-1.71	9.56E-01	-2.00	9.77E-01
ACTRT2	-1.99	9.77E-01	-0.52	6.97E-01	-0.60	7.27E-01
RUFY2	-1.99	9.77E-01	0.06	4.77E-01	0.09	4.65E-01
RTP2	-1.99	9.77E-01	-0.71	7.60E-01	-0.36	6.40E-01
ITGBL1	-1.99	9.77E-01	0.67	2.50E-01	0.38	3.53E-01
ZZZ3	-1.99	9.77E-01	0.00	4.99E-01	0.38	3.51E-01

OR2L2	-1.99	9.77E-01	0.38	3.53E-01	0.64	2.59E-01
PRRX1	-2.00	9.77E-01	-1.77	9.62E-01	-1.76	9.61E-01
ZNF431	-2.00	9.77E-01	-0.85	8.03E-01	0.21	4.19E-01
C19orf70	-2.00	9.77E-01	-0.24	5.94E-01	-0.21	5.84E-01
PRSS22	-2.00	9.77E-01	0.68	2.48E-01	1.20	1.16E-01
OR7D4	-2.00	9.77E-01	-1.44	9.26E-01	-1.58	9.43E-01
NPY	-2.00	9.78E-01	0.59	2.77E-01	0.65	2.57E-01
WDR41	-2.01	9.78E-01	-0.96	8.33E-01	-1.18	8.81E-01
FAM35A	-2.01	9.78E-01	-1.23	8.90E-01	-0.53	7.00E-01
CYP39A1	-2.01	9.78E-01	-0.49	6.87E-01	0.08	4.66E-01
C1orf95	-2.01	9.78E-01	-1.06	8.55E-01	-0.53	7.02E-01
STAC2	-2.01	9.78E-01	-0.18	5.71E-01	0.10	4.62E-01
HNRNPU	-2.01	9.78E-01	-1.96	9.75E-01	-2.17	9.85E-01
KIAA1407	-2.01	9.78E-01	-1.44	9.25E-01	-1.53	9.37E-01
ALPPL2	-2.01	9.78E-01	-0.54	7.05E-01	-0.40	6.56E-01
DHRS3	-2.01	9.78E-01	0.37	3.57E-01	-0.27	6.06E-01
FAM210A	-2.01	9.78E-01	-0.21	5.84E-01	0.51	3.03E-01
IPPK	-2.02	9.78E-01	-0.20	5.78E-01	-0.67	7.50E-01
PMM1	-2.02	9.79E-01	-1.47	9.30E-01	-1.67	9.52E-01
TYW5	-2.03	9.79E-01	-0.68	7.52E-01	-1.09	8.62E-01
IL17REL	-2.03	9.79E-01	-0.09	5.37E-01	-0.03	5.11E-01
SPRR2E	-2.03	9.79E-01	-0.58	7.18E-01	-0.61	7.28E-01
LPGAT1	-2.03	9.79E-01	-1.39	9.17E-01	-0.38	6.49E-01
C4orf50	-2.04	9.79E-01	-1.33	9.08E-01	-1.64	9.50E-01
SPATA6L	-2.04	9.79E-01	-1.04	8.51E-01	-0.60	7.25E-01
SYNDIG1	-2.04	9.79E-01	-1.44	9.26E-01	-0.77	7.78E-01
KRTAP2-1	-2.04	9.79E-01	-0.05	5.22E-01	0.14	4.44E-01
EVC2	-2.04	9.79E-01	-0.40	6.55E-01	0.41	3.41E-01
DNAJB5	-2.04	9.79E-01	-1.17	8.79E-01	-2.42	9.92E-01
B3GAT2	-2.04	9.80E-01	-1.29	9.02E-01	-0.57	7.17E-01
CHIT1	-2.04	9.80E-01	-1.51	9.34E-01	-0.58	7.20E-01



SRL	-2.05	9.80E-01	-1.71	9.57E-01	-0.76	7.78E-01
RAP1B	-2.05	9.80E-01	-0.97	8.34E-01	-1.07	8.59E-01
VILL	-2.05	9.80E-01	0.33	3.69E-01	0.08	4.67E-01
DHCR7	-2.05	9.80E-01	0.05	4.79E-01	0.37	3.55E-01
ARGLU1	-2.05	9.80E-01	-0.20	5.80E-01	0.06	4.74E-01
FEZF2	-2.05	9.80E-01	0.62	2.68E-01	0.64	2.62E-01
OR52L1	-2.06	9.80E-01	-0.33	6.28E-01	0.16	4.36E-01
GFRAL	-2.06	9.80E-01	-0.74	7.69E-01	-0.23	5.92E-01
UBTF	-2.06	9.80E-01	-1.93	9.73E-01	-1.67	9.53E-01
CST5	-2.06	9.80E-01	-0.28	6.09E-01	0.07	4.72E-01
TBC1D20	-2.07	9.81E-01	-0.54	7.04E-01	-0.28	6.11E-01
SMC4	-2.07	9.81E-01	-1.61	9.47E-01	-1.50	9.34E-01
ANKFN1	-2.07	9.81E-01	-0.28	6.10E-01	-0.44	6.70E-01
SLC43A3	-2.07	9.81E-01	-0.24	5.93E-01	0.88	1.89E-01
C9orf9	-2.08	9.81E-01	-0.78	7.83E-01	-0.75	7.73E-01
SOX30	-2.08	9.81E-01	-0.76	7.76E-01	-0.28	6.10E-01
QTRTD1	-2.08	9.81E-01	-1.63	9.49E-01	-1.39	9.18E-01
PPP1R2	-2.08	9.81E-01	-1.50	9.33E-01	-2.62	9.96E-01
DUPD1	-2.08	9.81E-01	0.13	4.47E-01	0.26	3.96E-01
PGLYRP2	-2.09	9.82E-01	0.71	2.40E-01	0.98	1.63E-01
CREM	-2.09	9.82E-01	-1.38	9.16E-01	-1.03	8.48E-01
RNASE2	-2.09	9.82E-01	-0.49	6.90E-01	-0.59	7.22E-01
TMEM156	-2.09	9.82E-01	0.40	3.43E-01	-0.23	5.91E-01
UBAC1	-2.10	9.82E-01	-0.36	6.40E-01	0.04	4.84E-01
FAM69C	-2.10	9.82E-01	-0.58	7.18E-01	-0.24	5.94E-01
CXCR4	-2.10	9.82E-01	0.26	3.96E-01	-0.32	6.24E-01
UCN2	-2.12	9.83E-01	-0.09	5.34E-01	0.29	3.86E-01
MIA-RAB4B	-2.12	9.83E-01	-1.04	8.52E-01	-0.93	8.23E-01
YPEL3	-2.12	9.83E-01	-0.52	6.99E-01	-0.19	5.73E-01
SOX8	-2.13	9.83E-01	-0.10	5.40E-01	0.71	2.39E-01
STXBP5L	-2.13	9.83E-01	-1.82	9.65E-01	-2.03	9.79E-01

MBP	-2.14	9.84E-01	-1.43	9.24E-01	-0.42	6.63E-01
FKBP8	-2.14	9.84E-01	-1.44	9.25E-01	-1.47	9.29E-01
DCP1A	-2.15	9.84E-01	-0.78	7.83E-01	-0.37	6.43E-01
IFNLR1	-2.15	9.84E-01	-1.27	8.97E-01	-0.61	7.29E-01
MIIP	-2.15	9.84E-01	0.42	3.39E-01	0.98	1.63E-01
SMG1	-2.15	9.84E-01	-3.14	9.99E-01	-1.39	9.17E-01
CUL2	-2.15	9.84E-01	-1.20	8.85E-01	-1.14	8.73E-01
WDR31	-2.16	9.84E-01	-0.39	6.53E-01	-1.28	8.99E-01
MAS1L	-2.16	9.85E-01	-0.75	7.75E-01	-0.44	6.71E-01
GAS8	-2.17	9.85E-01	-1.48	9.31E-01	-0.53	7.01E-01
LTBR	-2.17	9.85E-01	-0.01	5.06E-01	0.14	4.44E-01
BEND3	-2.17	9.85E-01	-1.12	8.68E-01	-0.54	7.06E-01
SLC36A4	-2.17	9.85E-01	-1.60	9.46E-01	-0.86	8.05E-01
LRIT2	-2.17	9.85E-01	0.02	4.92E-01	0.52	3.03E-01
CYP7A1	-2.18	9.85E-01	-0.72	7.65E-01	0.00	5.01E-01
PPP1R9A	-2.19	9.86E-01	-0.42	6.62E-01	-1.18	8.81E-01
HBM	-2.19	9.86E-01	0.35	3.64E-01	0.49	3.13E-01
HECW2	-2.19	9.86E-01	-0.07	5.30E-01	0.52	3.02E-01
SLC14A1	-2.20	9.86E-01	-1.12	8.69E-01	-1.28	9.00E-01
CLEC2B	-2.20	9.86E-01	-1.80	9.64E-01	-1.30	9.03E-01
ATP2A2	-2.20	9.86E-01	-1.64	9.49E-01	-1.32	9.06E-01
PCDHB5	-2.20	9.86E-01	-1.66	9.52E-01	-0.51	6.96E-01
FOXE3	-2.20	9.86E-01	-1.19	8.82E-01	-1.67	9.52E-01
UBE2N	-2.21	9.87E-01	-1.00	8.40E-01	-0.61	7.28E-01
L3HYPDH	-2.21	9.87E-01	-2.11	9.83E-01	-1.01	8.44E-01
CYSLTR2	-2.22	9.87E-01	-0.51	6.95E-01	0.03	4.89E-01
EFCAB13	-2.22	9.87E-01	-0.12	5.47E-01	0.73	2.33E-01
ACAA2	-2.22	9.87E-01	-0.40	6.54E-01	-1.00	8.42E-01
SOX11	-2.24	9.87E-01	-0.23	5.93E-01	0.52	3.03E-01
PGGT1B	-2.24	9.88E-01	-0.90	8.16E-01	-1.40	9.19E-01
KRTAP19-8	-2.25	9.88E-01	-0.34	6.32E-01	0.03	4.90E-01

UPF3A	-2.26	9.88E-01	-0.19	5.74E-01	-0.05	5.21E-01
SPEF2	-2.27	9.88E-01	-0.99	8.39E-01	-1.69	9.54E-01
OTOP2	-2.28	9.89E-01	-1.09	8.61E-01	-1.68	9.54E-01
CCDC40	-2.28	9.89E-01	-0.54	7.06E-01	0.06	4.75E-01
LIN54	-2.28	9.89E-01	-0.60	7.25E-01	-0.27	6.08E-01
CYB5RL	-2.29	9.89E-01	-1.90	9.71E-01	-0.87	8.09E-01
CNOT10	-2.30	9.89E-01	-0.21	5.85E-01	0.43	3.33E-01
FAM131B	-2.31	9.90E-01	-0.08	5.30E-01	-0.12	5.47E-01
IFLTD1	-2.32	9.90E-01	-1.11	8.65E-01	-0.25	6.00E-01
LINC00908	-2.32	9.90E-01	-1.04	8.51E-01	-1.49	9.32E-01
GORAB	-2.34	9.90E-01	-0.81	7.90E-01	-0.81	7.92E-01
EYA3	-2.36	9.91E-01	-0.91	8.19E-01	-0.07	5.26E-01
MUSTN1	-2.37	9.91E-01	0.36	3.60E-01	0.84	2.00E-01
VCAN	-2.37	9.91E-01	-0.69	7.54E-01	0.89	1.86E-01
PPP1R3E	-2.38	9.91E-01	0.00	4.99E-01	-0.24	5.94E-01
IFNA5	-2.41	9.92E-01	-1.52	9.36E-01	-1.23	8.91E-01
HECW1	-2.41	9.92E-01	-0.07	5.28E-01	-0.71	7.61E-01
MDM2	-2.42	9.92E-01	-0.24	5.94E-01	-0.26	6.02E-01
LHX6	-2.43	9.92E-01	-1.51	9.35E-01	-1.02	8.47E-01
CNOT7	-2.44	9.93E-01	-0.43	6.67E-01	-1.20	8.85E-01
CCR8	-2.45	9.93E-01	-0.98	8.35E-01	-1.08	8.60E-01
LILRB3	-2.47	9.93E-01	-1.93	9.73E-01	-1.38	9.16E-01
LILRA6	-2.47	9.93E-01	-1.93	9.73E-01	-1.38	9.16E-01
FAM167B	-2.49	9.94E-01	-0.45	6.73E-01	-0.37	6.44E-01
ALOX15B	-2.51	9.94E-01	-0.82	7.93E-01	-0.24	5.93E-01
ZNF442	-2.52	9.94E-01	1.58	5.69E-02	1.61	5.36E-02
TBC1D16	-2.54	9.94E-01	-0.23	5.91E-01	0.26	3.97E-01
SLC5A4	-2.56	9.95E-01	-1.04	8.52E-01	-0.45	6.75E-01
PROL1	-2.56	9.95E-01	-1.94	9.74E-01	-1.32	9.07E-01
KDM1B	-2.56	9.95E-01	-0.94	8.27E-01	-0.77	7.81E-01
RAB4B	-2.58	9.95E-01	-1.34	9.09E-01	-0.60	7.25E-01

RAB4B-EGLN2	-2.58	9.95E-01	-1.38	9.17E-01	-0.72	7.65E-01
KLC3	-2.59	9.95E-01	-0.64	7.39E-01	-0.50	6.93E-01
SNAI1	-2.60	9.95E-01	-1.73	9.58E-01	-1.29	9.01E-01
C17orf112	-2.60	9.95E-01	-1.18	8.81E-01	-0.86	8.04E-01
TGFB2	-2.60	9.95E-01	-0.51	6.96E-01	-0.54	7.05E-01
C12orf79	-2.63	9.96E-01	-1.59	9.44E-01	-2.32	9.90E-01
RNPEPL1	-2.64	9.96E-01	-1.88	9.70E-01	-1.03	8.48E-01
ZBTB5	-2.66	9.96E-01	-0.57	7.17E-01	0.23	4.09E-01
ZNF519	-2.66	9.96E-01	-1.73	9.58E-01	-2.37	9.91E-01
PSG3	-2.67	9.96E-01	-1.05	8.52E-01	-0.69	7.55E-01
GRHPR	-2.70	9.97E-01	-0.53	7.02E-01	-0.84	8.01E-01
RAB6C	-2.77	9.97E-01	0.31	3.77E-01	0.82	2.07E-01
KLRF2	-2.78	9.97E-01	-0.62	7.31E-01	-0.48	6.84E-01
RP11-1220K2.2	-2.97	9.99E-01	-2.13	9.83E-01	-1.33	9.09E-01
THAP9	-2.98	9.99E-01	-0.56	7.13E-01	-0.24	5.95E-01
MUC7	-2.99	9.99E-01	-2.47	9.93E-01	-1.15	8.75E-01
NPS	-3.12	9.99E-01	-0.58	7.18E-01	-0.56	7.11E-01
FAM212A	-3.15	9.99E-01	0.42	3.38E-01	0.22	4.12E-01
AC006455.1	-3.37	1.00E+00	0.51	3.04E-01	0.46	3.22E-01