

Supplemental Table S2. *nac017*-dependent retrograde signaling genes

AGI	p-value	Adjusted p-value	FC WT_AA vs WT_Control	FC <i>rao2</i> _AA vs WT_AA	FC <i>nac017</i> _AA vs WT_AA
AT2G04050	4E-05	3E-03	5.53	4.53	5.86
AT1G74870	4E-06	2E-03	4.49	4.33	5.12
AT2G47520	6E-06	2E-03	5.03	4.13	4.59
AT4G33070	3E-04	5E-03	3.98	3.82	3.56
AT1G05680	5E-04	7E-03	4.11	3.81	2.36
AT1G17180	3E-03	2E-02	4.11	3.71	3.67
AT2G21640	3E-05	3E-03	4.37	3.67	4.16
AT5G51440	1E-02	3E-02	1.45	3.66	4.10
AT2G41730	2E-04	5E-03	4.43	3.60	3.73
AT2G03760	2E-04	5E-03	4.84	3.56	3.67
AT5G40690	7E-06	3E-03	4.94	3.36	3.50
AT1G78340	5E-04	6E-03	4.04	3.31	3.51
AT5G42830	2E-06	2E-03	4.98	3.29	3.89
AT4G17260	3E-06	2E-03	3.44	3.29	3.62
AT2G35480	6E-05	3E-03	2.65	3.04	2.74
AT1G10170	3E-06	2E-03	3.97	3.02	3.08
AT1G32870	2E-05	3E-03	3.79	2.85	2.85
AT2G46310	2E-04	5E-03	2.60	2.80	2.42
AT4G27585	3E-04	5E-03	2.29	2.61	3.03
AT1G71330	1E-05	3E-03	3.63	2.57	2.43
AT1G24090	2E-04	5E-03	2.74	2.56	2.03
AT2G04040	8E-04	8E-03	3.98	2.54	2.56
AT2G36790	7E-05	4E-03	4.45	2.46	2.03
AT3G61630	1E-05	3E-03	4.93	2.45	2.44
AT5G43450	2E-04	5E-03	3.68	2.45	2.26
AT2G36750	1E-03	1E-02	2.74	2.43	1.94
AT3G55620	3E-05	3E-03	2.11	2.30	2.61
AT5G65110	3E-05	3E-03	3.16	2.26	2.21
AT5G59510	2E-04	5E-03	4.35	2.25	1.23
AT5G64230	2E-03	1E-02	2.44	2.09	1.58
AT5G15090	2E-04	4E-03	1.49	2.08	2.77
AT4G27940	2E-05	3E-03	2.66	2.07	2.19
AT3G08590	4E-04	6E-03	1.47	2.02	2.44
AT2G47000	1E-05	3E-03	4.98	1.96	1.55
AT5G56350	1E-04	4E-03	1.83	1.92	2.05
AT2G47010	2E-03	1E-02	1.79	1.87	2.21
AT1G32940	6E-04	7E-03	2.64	1.87	1.77
AT4G17080	9E-05	4E-03	1.75	1.85	2.07
AT4G37910	8E-05	4E-03	1.15	1.85	2.16
AT1G54120	1E-03	9E-03	1.27	1.84	2.03
AT5G05190	6E-04	7E-03	2.60	1.82	1.57
AT5G01550	2E-05	3E-03	4.36	1.76	2.34
AT4G37370	3E-06	2E-03	5.08	1.71	1.12
AT1G14040	3E-04	5E-03	2.14	1.71	1.40
AT5G55200	3E-04	5E-03	1.46	1.66	1.47
AT1G43910	5E-05	3E-03	1.92	1.61	1.96
AT3G03870	5E-05	3E-03	2.50	1.56	1.51
AT1G32230	5E-05	3E-03	1.26	1.55	1.37
AT1G76560	1E-03	9E-03	2.03	1.53	1.49
AT4G36110	1E-03	9E-03	1.20	1.52	1.28
AT4G05020	3E-03	2E-02	2.30	1.51	1.51
AT1G64160	4E-03	2E-02	3.35	1.50	2.07
AT3G47340	2E-02	5E-02	4.14	1.45	1.35
AT1G69550	4E-04	6E-03	1.67	1.42	1.56
AT1G22400	1E-03	1E-02	1.42	1.37	0.71
AT1G05060	1E-03	9E-03	1.57	1.36	1.38
AT2G34500	2E-03	1E-02	3.34	1.36	1.17
AT1G10585	1E-02	4E-02	1.37	1.36	1.21
AT3G11020	2E-04	5E-03	1.25	1.34	1.46

AT1G23550	3E-06	2E-03	3.48	1.34	1.07
AT4G03320	6E-03	3E-02	1.29	1.29	1.00
AT5G09570	1E-02	3E-02	2.09	1.29	2.35
AT1G21390	7E-03	3E-02	1.29	1.25	0.83
AT2G38240	5E-03	2E-02	1.52	1.25	1.98
AT3G22850	1E-04	4E-03	1.68	1.24	1.78
AT2G41380	1E-04	4E-03	2.78	1.24	1.01
AT5G14730	4E-06	2E-03	4.74	1.24	1.14
AT2G05710	2E-04	5E-03	1.05	1.24	1.49
AT4G00234	2E-04	5E-03	1.21	1.22	0.76
AT2G25140	5E-03	2E-02	1.15	1.22	1.42
AT2G16060	1E-04	4E-03	2.58	1.21	1.34
AT1G61820	6E-03	2E-02	1.37	1.20	0.69
AT2G30250	2E-04	5E-03	3.56	1.19	1.11
AT5G19550	8E-04	8E-03	1.17	1.19	1.37
AT4G35770	8E-03	3E-02	4.63	1.18	1.14
AT1G74750	6E-04	7E-03	1.71	1.17	0.84
AT3G50930	3E-04	6E-03	5.30	1.16	1.32
AT3G03680	1E-04	4E-03	1.26	1.14	2.39
AT3G46660	5E-03	2E-02	2.17	1.13	1.08
AT3G46600	4E-04	6E-03	2.22	1.13	0.65
AT3G06500	8E-05	4E-03	2.33	1.13	1.10
AT4G00900	6E-04	7E-03	1.81	1.12	1.08
AT1G42990	4E-05	3E-03	2.88	1.10	1.05
AT1G07520	6E-05	3E-03	3.09	1.09	0.75
AT1G17290	2E-05	3E-03	1.74	1.09	1.06
AT2G33480	1E-03	1E-02	1.69	1.08	1.50
AT4G19810	5E-04	6E-03	2.00	1.08	1.14
AT2G34070	2E-03	1E-02	2.00	1.08	0.66
AT3G55450	4E-04	6E-03	2.17	0.99	0.99
AT3G25250	2E-07	2E-03	5.44	0.98	1.31
AT5G03030	6E-04	7E-03	1.12	0.97	0.74
AT2G45170	1E-04	4E-03	2.86	0.95	1.12
AT3G22370	5E-05	3E-03	3.22	0.93	0.92
AT5G33290	1E-03	1E-02	1.45	0.90	0.70
AT2G15490	1E-04	4E-03	4.25	0.89	0.64
AT5G43460	6E-05	3E-03	1.50	0.88	1.00
AT5G58070	4E-03	2E-02	1.37	0.88	0.85
AT5G12030	4E-03	2E-02	3.44	0.87	0.64
AT1G02750	7E-05	3E-03	1.39	0.86	0.92
AT3G03270	5E-04	6E-03	1.29	0.85	0.85
AT1G33420	6E-05	3E-03	1.20	0.84	0.96
AT4G37010	2E-04	5E-03	2.22	0.80	0.98
AT3G56710	2E-04	5E-03	3.73	0.77	0.97
AT5G60800	1E-04	4E-03	2.53	0.76	0.80
AT5G44390	9E-03	3E-02	1.14	0.74	1.46
AT5G38900	2E-03	1E-02	2.35	0.73	1.05
AT3G10930	1E-04	4E-03	4.27	0.73	0.80
AT5G57480	1E-03	1E-02	1.24	0.71	0.91
AT1G03090	1E-02	3E-02	2.13	0.68	0.77
AT4G04960	2E-05	3E-03	2.31	0.66	0.87
AT5G06870	2E-03	1E-02	1.93	0.65	1.01
AT5G61160	1E-02	4E-02	2.03	0.63	1.19
AT1G44350	1E-03	1E-02	2.14	0.62	0.74
AT5G46050	9E-03	3E-02	1.39	0.61	0.64
