```
                                Signal peptide                  β1                  β2                  β3                                                  β4                                  β5                  β6
Secondary Structure             ═══════════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════ ═══════════
Bat CoV YN2012_Ra3376 QBP43259.1  - M L L L N V T T I V G C I I T A S L Q V D Q L T I T A N T L E R V D F H L A S S R K V C Q S S H S F N P T R Y K C N N N T L T L S V F E - - G Y K E T F E V R C F V K D - - T F Y R G
Bat CoV YN2012_Ra4259 QBP43281.1  - M L L L N V T T I I G C M L T A T I H S N Y L S I S A D T L E R V D F Y L A S G G K V C Q H S H S F N P T K Y K C E N N T L S V F V F A - - G Y K Q T F E V R C F V K D - - S F E S G
Bat CoV YN2012_Ra4125 QBP43270.1  - M L L L N V T T I I G C M L T A T I H S N Y L S I S A D T L E R V D F Y L A S G R K V C Q H S H S F N P T K Y K C E N N T L S V L C L L - - D T N K L L R F V V L L K T - - L L R V V
Bat CoV HKU32_TLC26A QCX35170.1   - M S V I A C L V L V T V - - - - - - T V S H L N L F V D F N G R V D Y Y L G S G R K I C S F G H S F N P Q L Y N C T N T S L S L D I W Q - - G Y I G E F S V H C V G D - - - S I V S N
Bat CoV YN2012_Ra4259 QBP43282.1  - - M F F L L L I V V P V - - - - - - S C C N V S L V Q Y - N T T F Q Y T I D G E Y - - K K V E W K Y N N T H L I C S D G E V Y E Q F N T T V K C D N I S L V F D I A N V T L P N V T I
Bat CoV YN2012_Ra4125 QBP43271.1  - - M L F L L L I V V P V - - - - - - S C C N V S L V Q Y - N T T F Q Y T I D G E Y - - K K V E W K Y N N T H L I C S D G E V Y E Q F N T T V K C D N I S L V F D I A N V T L P N V T I
Bat CoV YN2012_Ra3376 QBP43260.1  - - M L F I I L V I V A V V - - - - - D C C E V S V V P H - N S T F Q Y T I D G D Y - - K H I N W K Y N D S L I I C S D G L V Y Q Q F N L T V K C D N L S L E F D T L Y V S I P S I T I
Bat CoV YN2012_Ra13591 QBP43292.1 - M L V N C V Y S L I T V V T - - - L N C T W F L L D A N - T V T I S L N V S G A - - - Q R V D W F K N I T K K L C S D G H S F Q G D - - V F I C N K T T L T T Q L K V G - - S N V S F
Bat CoV HKU32_TLC26A QCX35171.1   M L S M L T P L I V I A L S A - - - L H C C S C C T P Y - - I N G S T V S V E S N Y - - K S V E W K F N - N S Y I C S S G G V Y D T F N A T F T C E N S T L T G N Y S G - - I D V L Q I
consensus/85%                     . . . h h . h . . h h s h . . . . . p s s . h s h s . . . . . p h p h . h s s . . . . p p . p h p h p . s . h . C p s s . h . . . h . . . . . h p p . . . . . s h . . . . . s . . p .

                                                                    β7                                                                                                                  TM region
                                                                    ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════ ═══════
Bat CoV YN2012_Ra3376 QBP43259.1  - - - - - - - - - - - - - - - - - - Y V A I S Y S - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - N I V R P N T P L I V I C I V I F C V L C Y S S Y - - - - - -
Bat CoV YN2012_Ra4259 QBP43281.1  - - - - - - - - - - - - - - - - - - Y V S I S E S - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - S K S K P N I P L L L V C S F V A I A L S C S F Y F - - - - -
Bat CoV YN2012_Ra4125 QBP43270.1  - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - T C P F L S L L S L N L T Y H C F - - - - - -
Bat CoV YN2012_Ra4259 QBP43282.1  - - - - - - - - - - - - - - - - - - V V Y V - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - - N S A H C N C P V C F T L L L L L Y T L H Q W Q Y S F C R V -
Bat CoV YN2012_Ra4125 QBP43271.1  E C K T K K - G E A S S V T F N N T I T V V T T H S P - - - - - - - - - - - - - - - - - - T T N P S K S L I P S T K R H Y Y F L L L A F I P P A W F A V L I I Y Y V N P S G
Bat CoV YN2012_Ra3376 QBP43260.1  E C K T K K - G E A S S V T F N N T I T V V T T Q S P - - - - - - - - - - - - - - - - - - T T N P S K S L I P S T K R H Y Y F L L L A F I P P A W F A V L I I Y Y V N P S G
Bat CoV YN2012_Ra13591 QBP43292.1 E C K T N N - G T H S V V T L N T I D S V K Y L S T P - - - - - - - - - - - - - - - - - - L Q F P E Y S L I P S T K R L Y Y Y L P L S L I P P A W F T V P L I H Y V D T S -
Bat CoV HKU32_TLC26A QCX35171.1   N F H A T H - G G - - - - - - - T V H N G V F N V S V Y E S T A I T Q P P P L S S L L S P L H H Q A V E Y P S T K R L Y Y L L P L A F V I P A W L V V L F I H Y A D F S K
consensus/85%                     E C K M H N G S S L S A I V N F T T Q A P P T T V F V - - - - - - - - - - - - - - - - - - T T Q T S R L I P S T K R T H Y S L F V A F T I V - P V V L V F I H Y A D F S -
                                  . . . . . . . . . . . . . . . . . . . s . . . . . . . . . . . . . . . . . . .
```