Table S1 Distribution of serovars and serogroups among *Salmonella spp.* isolates recovered from patients with diarrhea, food of animal origin, and pets in China.

Serogroup	Serovars	Patients with Diarrhea				Food of animal origin				Pets			Total
		≤5	5-59	≥60	Total	Aquatic product	Chicken meat	Pork	Total	Turtle	pigeon	Total	
Group A	Paratyphi A	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Total	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1
Group B	Typhimurium	333	195	65	593	3	29	29	61	5	5	10	664
	Derby	34	31	10	75	1	9	44	54	0	0	0	129
	Stanley	20	10	3	33	3	0	0	3	0	0	0	36
	Agona	15	8	0	23	4	43	3	50	0	2	2	75
	Saintpaul	12	3	3	18	0	0	0	0	0	0	0	18
	Paratyphi B	7	4	1	12	3	1	0	4	0	0	0	16
	Indiana	0	1	0	1	0	93	1	94	0	0	0	95
	Schileissheim	0	0	0	0	0	8	0	8	0	0	0	8
	Reading	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Brandenburg	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Schwarzengrund	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1
	Total	421	253	83	757	14	183	78	275	5	7	12	1044
Group C1	Infantis	15	19	11	45	0	7	3	10	0	0	0	55
	Rissen	18	11	6	35	1	3	7	11	0	0	0	46
	Thompson	14	14	5	33	15	0	3	18	19	0	19	70
	Mbandaka	2	7	0	9	0	1	0	1	0	0	0	10
	Virchow	1	6	0	7	0	0	0	0	4	0	4	11
	Braenderup	0	6	1	7	0	0	0	0	0	0	0	7
	Bareilly	5	0	1	6	0	0	0	0	0	0	0	6
	Tennessee	0	4	1	5	0	0	0	0	0	0	0	5
	Montevideo	0	3	1	4	0	0	0	0	0	0	0	4
	Singapore	2	0	1	3	0	0	0	0	0	0	0	3
	Livingston	0	2	0	2	1	0	0	1	4	0	4	7
	Oranieburg	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Isangi	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	2
	Total	57	73	27	157	17	11	15	43	27	0	27	227
Group C2-C3	Litchfield	1	12	6	19	1	0	0	1	0	0	0	20
	Gold-coast	4	8	3	15	0	0	0	0	0	0	0	15
	Bovismorbificans	5	3	1	9	0	0	1	1	0	0	0	10
	Newport	1	7	0	8	0	0	0	0	0	0	0	8
	Corvallis	2	4	0	6	0	16	0	16	0	2	2	24
	Hadar	3	1	0	4	0	0	0	0	0	0	0	4
	Chailey	0	3	1	4	0	0	0	0	0	0	0	4
	Sandiego	0	2	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2
	Albany	0	0	1	1	0	9	0	9	0	0	0	10
	Altona	0	1	0	1	0	1	0	1	0	0	0	2
	Muenchen	1	0	0	1	1	4	0	5	0	0	0	6
	Manhattan	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Brunei	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Kottbus	1	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Kentucky	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Total	20	42	13	74	2	30	1	33	0	2	2	109
Group D1	Enteritis	170	183	63	416	1	252	2	255	1	0	1	672

	Javiana	9	0	1	10	0	0	0	0	0	0	0	10
	Panama	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Houston	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Total	180	183	65	428	1	252	2	255	1	0	1	684
Group E1	London	26	42	9	77	0	0	20	20	0	0	0	97
	Give	2	18	4	24	0	0	2	2	0	0	0	26
	Meleagridis	0	7	2	9	0	0	2	2	0	0	0	11
	Uganda	0	2	2	4	0	0	0	0	0	0	0	4
	Muenster	0	4	0	4	0	4	0	4	0	0	0	8
	Lexington	0	1	1	2	0	0	0	0	0	0	0	2
	Weltevreden	1	0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	2
	Anatum	0	0	0	0	0	2	1	3	0	0	0	3
	Orion	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	1	2
	Total	29	74	18	121	2	6	25	33	1	0	1	155
Group E4	Senftenberg	1	17	2	20	0	1	0	1	0	0	0	21
	Liverpool	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1
	Total	1	17	2	20	0	2	0	2	0	0	0	22
Group F	Aberdeen	2	3	0	5	9	0	0	9	0	0	0	14
	Total	2	3	0	5	9	0	0	9	0	0	0	14
Group G	Poona	1	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2
	Worthington	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	2
	Havana	0	0	0	0	3	1	0	4	3	0	3	7
	Total	2	1	0	3	3	1	0	4	4	0	4	11
Group H	Carrau	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Total	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
Group I	Hvittingfoss	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	3	3
	Total	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	3	3
Group K	Cerro	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Total	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
Group M	Amoutive	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1
	Pomona	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	1
	Total	1	0	0	1	0	0	0	0	1	0	1	2
Group Q	Wandsworth	3	0	0	3	4	0	0	4	0	0	0	7
	Total	3	0	0	3	4	0	0	4	0	0	0	7
Group R	Johannesburg	0	0	0	0	0	1	1	2	0	0	0	2
	Total	0	0	0	0	0	1	1	2	0	0	0	2
Overall		717	646	209	1572	52	486	122	660	42	9	51	2283

Patient age distribution is indicated (≤5, 5-59, and ≥60 years old).

Table S2 Antimicrobial resistance profiles of *Salmonella spp.* isolates recovered from patients with diarrhea, food of animal origin, and pets in China (n = 2283).

Antimicrobial resistance profile	Patients with diarrhea				Food of animal origin				Pets (n=51)	Overall (n=2,283)
	≤5 (n=717)	5-59 (n=646)	≥60 (n=209)	Total (n=1,572)	Aquatic product (n=52)	Chicken meat (n=486)	Pork (n=122)	Total (n=660)		
NAL	44(6.1)	25(3.9)	49(23.4)	118(7.5)	2(3.8)	163(33.5)	5(4.1)	170(25.8)	1(2)	289(12.7)
NAL-AMP-TET	36(5.0)	26(4.0)	97(46.4)	159(10.1)	2(3.8)	3(0.6)	15(12.3)	20(3)	4(7.8)	183(8.0)
AMP-TET	84(11.7)	19(2.9)	65(31.1)	168(10.7)	0(0.0)	1(0.2)	2(1.6)	3(0.5)	0(0.0)	171(7.5)
NAL-AMP-SAM	27(3.8)	5(0.8)	26(12.4)	58(3.7)	0(0.0)	46(9.5)	0(0.0)	46(7)	0(0.0)	104(4.6)
CHL-NAL-AMP-SAM-TET-SXT	22(3.1)	9(1.4)	19(9.1)	50(3.2)	4(7.7)	14(2.9)	1(0.8)	19(2.9)	1(2.0)	70(3.1)
GEN-CHL-NAL-AMP-SAM-TET-SXT	36(5.0)	3(0.5)	22(10.5)	61(3.9)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(3.9)	63(2.8)
NAL-AMP	29(4.0)	3(0.5)	14(6.7)	46(2.9)	1(1.9)	12(2.5)	1(0.8)	14(2.1)	0(0.0)	60(2.6)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-CAZ-CTX-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	59(12.1)	0(0.0)	59(8.9)	0(0.0)	59(2.6)
NAL-AMP-SAM-TET	10(1.4)	14(2.2)	24(11.5)	48(3.1)	0(0.0)	7(1.4)	2(1.6)	9(1.4)	1(2.0)	58(2.5)
TET	22(3.1)	7(1.1)	19(9.1)	48(3.1)	0(0.0)	3(0.6)	6(4.9)	9(1.4)	0(0.0)	57(2.5)
CHL-AMP-SAM-TET-SXT	17(2.4)	4(0.6)	7(3.3)	28(1.8)	1(1.9)	4(0.8)	1(0.8)	6(0.9)	8(15.7)	42(1.8)
AMP-SAM-TET	16(2.2)	4(0.6)	6(2.9)	26(1.7)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	3(5.9)	29(1.3)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-TET-SXT	17(2.4)	1(0.2)	10(4.8)	28(1.8)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(2.0)	29(1.3)
NAL-AMP-SAM-TET-SXT	4(0.6)	2(0.3)	1(0.5)	7(0.4)	2(3.8)	14(2.9)	2(1.6)	18(2.7)	1(2.0)	26(1.1)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	15(12.3)	16(2.4)	7(13.7)	23(1.0)
CHL-NAL-AMP-TET	8(1.1)	1(0.2)	3(1.4)	12(0.8)	0(0.0)	2(0.4)	8(6.6)	10(1.5)	0(0.0)	22(1.0)
GEN-CHL-NAL-AMP-TET-SXT	12(1.7)	2(0.3)	7(3.3)	21(1.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	21(0.9)
NAL-TET	11(1.5)	1(0.2)	4(1.9)	16(1.0)	1(1.9)	2(0.4)	2(1.6)	5(0.8)	0(0.0)	21(0.9)
CHL-NAL-AMP-TET-SXT	1(0.1)	1(0.2)	6(2.9)	8(0.5)	0(0.0)	4(0.8)	7(5.7)	11(1.7)	1(2.0)	20(0.9)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET-CTX-SXT	3(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.2)	0(0.0)	16(3.3)	1(0.8)	17(2.6)	0(0.0)	20(0.9)
GEN-CHL-NAL-AMP-SAM-TET-CTX-SXT	4(0.6)	3(0.5)	10(4.8)	17(1.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.8)	1(0.2)	0(0.0)	18(0.8)
TET-SXT	0(0.0)	0(0.0)	2(1.0)	2(0.1)	6(11.5)	4(0.8)	5(4.1)	15(2.3)	1(2.0)	18(0.8)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-TET	12(1.7)	0(0.0)	5(2.4)	17(1.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	17(0.7)

AMP-SAM-TET-SXT	5(0.7)	0(0.0)	0(0.0)	5(0.3)	2(3.8)	6(1.2)	3(2.5)	11(1.7)	0(0.0)	16(0.7)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX-SXT	2(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)	0(0.0)	11(2.3)	1(0.8)	12(1.8)	1(2.0)	15(0.7)
CHL-AMP-TET	8(1.1)	1(0.2)	4(1.9)	13(0.8)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(2.0)	14(0.6)
CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	7(1.4)	3(2.5)	10(1.5)	3(5.9)	14(0.6)
CHL-NAL-TET	5(0.7)	2(0.3)	4(1.9)	11(0.7)	0(0.0)	1(0.2)	1(0.8)	2(0.3)	1(2.0)	14(0.6)
NAL-TET-SXT	1(0.1)	1(0.2)	1(0.5)	3(0.2)	1(1.9)	4(0.8)	6(4.9)	11(1.7)	0(0.0)	14(0.6)
CHL-AMP-TET-SXT	6(0.8)	1(0.2)	3(1.4)	10(0.6)	0(0.0)	1(0.2)	1(0.8)	2(0.3)	0(0.0)	12(0.5)
CHL-CIP-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	11(2.3)	0(0.0)	11(1.7)	0(0.0)	12(0.5)
CHL-CIP-NAL-AMP-TET	6(0.8)	0(0.0)	6(2.9)	12(0.8)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	12(0.5)
GEN-CHL-NAL-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX-SXT	9(1.3)	0(0.0)	3(1.4)	12(0.8)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	12(0.5)
CHL-TET-SXT	5(0.7)	0(0.0)	5(2.4)	10(0.6)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	11(0.5)
CHL-CIP-NAL-AMP-TET-SXT	7(1.0)	0(0.0)	2(1.0)	9(0.6)	1(1.9)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	10(0.4)
GEN-CHL-CIP-AMP-SAM-TET-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	9(7.4)	9(1.4)	0(0.0)	9(0.4)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-TET-CTX	3(0.4)	4(0.6)	2(1.0)	9(0.6)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	9(0.4)
AMP-TET-SXT	4(0.6)	0(0.0)	2(1.0)	6(0.4)	1(1.9)	0(0.0)	1(0.8)	2(0.3)	0(0.0)	8(0.4)
CHL-CIP-AMP-TET-CAZ-CTX	6(0.8)	1(0.2)	1(0.5)	8(0.5)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	8(0.4)
CHL-NAL-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX-SXT	5(0.7)	2(0.3)	0(0.0)	7(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(2.0)	8(0.4)
CIP-NAL-AMP-SAM-TET	2(0.3)	2(0.3)	3(1.4)	7(0.4)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	8(0.4)
NAL-AMP-TET-CAZ-CTX	2(0.3)	1(0.2)	5(2.4)	8(0.5)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	8(0.4)
NAL-AMP-TET-SXT	3(0.4)	0(0.0)	2(1.0)	5(0.3)	2(3.8)	0(0.0)	1(0.8)	3(0.5)	0(0.0)	8(0.4)
CHL-AMP-SAM-SXT	6(0.8)	0(0.0)	1(0.5)	7(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	7(0.3)
CHL-NAL-AMP-SAM-TET	5(0.7)	0(0.0)	1(0.5)	6(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(2.0)	7(0.3)
CHL-TET	2(0.3)	0(0.0)	4(1.9)	6(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.8)	1(0.2)	0(0.0)	7(0.3)
CIP-NAL-AMP-SAM-TET-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	6(1.2)	1(0.8)	7(1.1)	0(0.0)	7(0.3)
GEN-CHL-AMP-TET-SXT	3(0.4)	1(0.2)	2(1.0)	6(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(2.0)	7(0.3)
GEN-CHL-CIP-AMP-TET	0(0.0)	1(0.2)	6(2.9)	7(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	7(0.3)
GEN-CHL-NAL-AMP-SAM-TET	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	6(1.2)	0(0.0)	6(0.9)	0(0.0)	7(0.3)
NAL-AMP-CAZ-CTX	1(0.1)	1(0.2)	5(2.4)	7(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	7(0.3)
CHL	4(0.6)	0(0.0)	1(0.5)	5(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.8)	1(0.2)	0(0.0)	6(0.3)

GEN-CHL-AMP-SAM-TET-SXT	1(0.1)	0(0.0)	4(1.9)	5(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.8)	1(0.2)	0(0.0)	6(0.3)
GEN-CHL-NAL-AMP-SAM-CTX-SXT	0(0.0)	2(0.3)	4(1.9)	6(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	6(0.3)
GEN-NAL-AMP-TET	4(0.6)	0(0.0)	2(1.0)	6(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	6(0.3)
CHL-AMP-SAM-TET	3(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.2)	0(0.0)	2(0.4)	0(0.0)	2(0.3)	0(0.0)	5(0.2)
CHL-CIP-NAL-AMP-TET-CAZ-CTX	2(0.3)	0(0.0)	3(1.4)	5(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	5(0.2)
CHL-NAL	5(0.7)	0(0.0)	0(0.0)	5(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	5(0.2)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-TET-CAZ-CTX	2(0.3)	2(0.3)	1(0.5)	5(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	5(0.2)
GEN-NAL-AMP-TET-CTX	1(0.1)	1(0.2)	3(1.4)	5(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	5(0.2)
NAL-AMP-CTX	3(0.4)	0(0.0)	2(1.0)	5(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	5(0.2)
NAL-AMP-SAM-CAZ-CTX	4(0.6)	0(0.0)	1(0.5)	5(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	5(0.2)
AMP	3(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	4(0.2)
AMP-CTX	1(0.1)	0(0.0)	3(1.4)	4(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.2)
CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.8)	0(0.0)	4(0.6)	0(0.0)	4(0.2)
CHL-CIP-NAL-AMP-TET-CTX	1(0.1)	0(0.0)	3(1.4)	4(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.2)
CHL-NAL-AMP-SAM-TET-CTX-SXT	1(0.1)	0(0.0)	3(1.4)	4(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.2)
CHL-NAL-TET-SXT	1(0.1)	1(0.2)	1(0.5)	3(0.2)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.8)	1(0.2)	0(0.0)	4(0.2)
CIP-AMP-SAM-TET	2(0.3)	0(0.0)	1(0.5)	3(0.2)	1(1.9)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	4(0.2)
CIP-NAL	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.4)	2(1.6)	4(0.6)	0(0.0)	4(0.2)
CIP-NAL-TET	0(0.0)	0(0.0)	3(1.4)	3(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	4(0.2)
GEN-CHL-AMP-SAM-CTX-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.8)	0(0.0)	4(0.6)	0(0.0)	4(0.2)
GEN-CHL-AMP-TET	3(0.4)	0(0.0)	1(0.5)	4(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.2)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-CTX-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.8)	0(0.0)	4(0.6)	0(0.0)	4(0.2)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.4)	2(1.6)	4(0.6)	0(0.0)	4(0.2)
GEN-CHL-NAL-AMP-TET	3(0.4)	0(0.0)	1(0.5)	4(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.2)
GEN-CHL-NAL-AMP-TET-CAZ-CTX	4(0.6)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.2)
NAL-AMP-TET-CTX	2(0.3)	0(0.0)	2(1.0)	4(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	4(0.2)
AMP-SAM	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	1(2.0)	3(0.1)
CHL-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX	3(0.4)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.2)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.1)
CHL-AMP-TET-CAZ-CTX	1(0.1)	1(0.2)	1(0.5)	3(0.2)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.1)

CHL-CIP-AMP-SAM-TET-SXT	2(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)	1(1.9)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	3(0.1)
CHL-CIP-AMP-TET	2(0.3)	0(0.0)	1(0.5)	3(0.2)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.1)
CHL-CIP-AMP-TET-SXT	2(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	3(0.1)
CHL-CIP-NAL-TET	2(0.3)	1(0.2)	0(0.0)	3(0.2)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.1)
CHL-NAL-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX	1(0.1)	0(0.0)	1(0.5)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.8)	1(0.2)	0(0.0)	3(0.1)
CHL-NAL-AMP-TET-CAZ-CTX	0(0.0)	3(0.5)	0(0.0)	3(0.2)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.1)
CHL-SXT	1(0.1)	0(0.0)	2(1)	3(0.2)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.1)
CIP	1(0.1)	0(0.0)	1(0.5)	2(0.1)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	3(0.1)
CIP-AMP-SAM-TET-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(3.8)	1(0.2)	0(0.0)	3(0.5)	0(0.0)	3(0.1)
CIP-NAL-AMP-TET	1(0.1)	0(0.0)	2(1.0)	3(0.2)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.1)
GEN-CHL-CIP-AMP-TET-SXT	1(0.1)	1(0.2)	1(0.5)	3(0.2)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.1)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(1.9)	2(0.4)	0(0.0)	3(0.5)	0(0.0)	3(0.1)
GEN-CHL-NAL-AMP-TET-CTX	2(0.3)	1(0.2)	0(0.0)	3(0.2)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	3(0.1)
CHL-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX-SXT	0(0.0)	1(0.2)	1(0.5)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
CHL-AMP-SAM-TET-CTX-SXT	1(0.1)	1(0.2)	0(0.0)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
CHL-AMP-TET-CTX	1(0.1)	0(0.0)	1(0.5)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	1(0.8)	2(0.3)	0(0.0)	2(0.1)
CHL-NAL-AMP-CAZ-CTX	1(0.1)	1(0.2)	0(0.0)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
CHL-NAL-AMP-TET-CTX-SXT	2(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
CIP-AMP-TET	0(0.0)	2(0.3)	0(0.0)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
CIP-NAL-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX	0(0.0)	1(0.2)	1(0.5)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
CIP-NAL-AMP-TET-SXT	0(0.0)	1(0.2)	1(0.5)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
GEN-CHL-AMP-SAM-CTX	2(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
GEN-CHL-AMP-SAM-TET	0(0.0)	2(0.3)	0(0.0)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
GEN-CHL-CIP-NAL-TET-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(2)	2(0.1)
GEN-CHL-NAL-AMP-SAM-TET-IPN-CAZ-CTX-SXT-MEM	2(0.3)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
GEN-CHL-NAL-AMP-TET-CTX-SXT	1(0.1)	0(0.0)	1(0.5)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
GEN-CIP-NAL-AMP-TET-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.8)	1(0.2)	0(0.0)	2(0.1)
GEN-NAL-AMP-SAM-CTX	1(0.1)	1(0.2)	0(0.0)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)

NAL-AMP-SAM-CTX-SXT	1(0.1)	0(0.0)	1(0.5)	2(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	2(0.1)
NAL-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	2(0.1)
AMP-SAM-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(2)	1(0)
AMP-SAM-TET-CAZ-CTX-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
AMP-SAM-TET-CTX	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
AMP-SXT	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
AMP-TET-CAZ-CTX	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
AMP-TET-CTX	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CHL-AMP	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CHL-AMP-CTX	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CHL-AMP-SAM-TET-CTX	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CHL-AMP-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CHL-CIP-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0)
CHL-CIP-AMP-SAM-TET-CTX-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0)
CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-CTX-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.8)	1(0.2)	0(0.0)	1(0)
CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET-CTX-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(2.0)	1(0)
CHL-CIP-NAL-AMP-TET-CAZ-CTX-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CHL-CIP-NAL-TET-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.8)	1(0.2)	0(0.0)	1(0)
CHL-CIP-TET	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CHL-NAL-AMP	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CHL-NAL-AMP-SAM-CAZ-CTX-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CHL-NAL-AMP-SAM-TET-CTX	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CHL-NAL-CAZ-CTX	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(1.9)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0)
CHL-SAM-TET-CTX	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CIP-AMP-SAM-TET-CTX	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(1.9)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0)
CIP-AMP-TET-CAZ-CTX	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CIP-NAL-AMP-TET-CAZ-CTX	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
CIP-NAL-TET-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(1.9)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0)
GEN-AMP-SAM	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)

GEN-AMP-SAM-TET-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET-CAZ-CTX	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET-CAZ-SXT	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-SAM-TET-IPN-CAZ-CTX-SXT-MEM	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0)
GEN-CHL-CIP-NAL-AMP-TET-CAZ-CTX-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
GEN-CHL-NAL-AMP-SAM	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
GEN-CHL-NAL-AMP-SAM-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
GEN-CHL-NAL-TET-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
GEN-CHL-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
GEN-CIP	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
GEN-NAL-AMP-SAM-TET	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
GEN-NAL-AMP-SAM-TET-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
GEN-NAL-AMP-TET-SXT	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
NAL-AMP-CAZ-SXT	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
NAL-AMP-SAM-SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
NAL-CAZ-CTX-SXT	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
NAL-SXT	0(0.0)	1(0.2)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
SAM-TET-SXT	0(0.0)	0(0.0)	1(0.5)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
SXT	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	1(0.1)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	0(0.0)	1(0)
Pan susceptible	100(13.9)	34(5.3)	121(57.9)	255(16.2)	18(34.6)	43(8.8)	8(6.6)	69(10.5)	7(13.7)	331(14.5)

Patient age distribution is indicated (≤5, 5-59, and ≥60 years old).

Table S3 The antimicrobial susceptibility phenotypes of isolates among different *Salmonella* serovars.

Serovars	Pan susceptible	Resistant to ≥ 1 class of antimicrobials	Resistant to ≥ 3 classes of antimicrobials	Resistant to IPN and MEM
Indiana(n=95)	2(2.1)	93(97.9)	90(94.7)	1(1.1)
Corvallis(n=24)	2(8.3)	22(91.7)	19(79.2)	0
Derby(n=129)	8(6.2)	121(93.8)	85(65.9)	0
Thompson(n=70)	15(21.4)	55(78.6)	46(65.7)	0
London(n=97)	25(25.8)	72(74.2)	63(64.9)	0
Typhimurium(n=664)	53(8.0)	611(92.0)	417(62.8)	0
Rissen(n=46)	3(6.5)	43(93.5)	28(60.9)	0
Enteritis(n=672)	16(2.4)	656(97.6)	362(53.9)	2(0.3)
Litchfield(n=20)	4(20.0)	16(80.0)	10(50.0)	0
Gold-coast(n=15)	7(46.7)	8(53.3)	7(46.7)	0
Agona(n=74)	32(43.2)	42(56.8)	34(45.9)	0
Virchow(n=11)	4(36.4)	7(63.6)	5(45.5)	0
Saintpaul(n=18)	10(55.6)	8(44.4)	8(44.4)	0
Infantis(n=55)	15(27.3)	40(72.7)	23(41.8)	0
Give(n=26)	8(30.8)	18(69.2)	9(34.6)	0
Meleagridis(n=11)	2(18.2)	9(81.8)	3(27.3)	0
Stanley(n=36)	23(63.9)	13(36.1)	7(19.4)	0
Senftenberg(n=21)	15(71.4)	6(28.6)	4(19.0)	0
Paratyphi B(n=16)	11(68.8)	5(31.3)	3(18.8)	0
Aberdeen(n=14)	11(78.6)	3(21.4)	2(14.3)	0
Albany(n=10)	0	10	10	0
Bovismorbificans(n=10)	5	5	3	0
Javiana(n=10)	8	2	2	0
Mbandaka(n=10)	6	4	2	0
Agona (n=1)	0	1	0	0
Altona(n=2)	0	2	1	0
Amoutive(n=1)	1	0	0	0
Anatum(n=3)	0	3	1	0
Bareilly(n=6)	0	6	4	0
Braenderup(n=7)	0	7	0	0
Brandenburg(n=1)	1	0	0	0
Brunei(n=1)	0	1	0	0
Carrau(n=1)	0	1	0	0
Cerro(n=1)	1	0	0	0
Chailey(n=4)	4	0	0	0
Hadar(n=4)	0	4	1	0
Havana(n=7)	0	7	7	0
Houston(n=1)	1	0	0	0
Hvittingfoss(n=3)	1	2	2	0
Isangi(n=2)	0	2	2	0
Johannesburg(n=2)	0	2	1	0
Kentucky(n=1)	0	1	1	0
Kottbus(n=1)	0	1	0	0
Lexington(n=2)	2	0	0	0
Liverpool(n=1)	0	1	1	0

Livingston(n=7)	1	6	4	0
Manhattan(n=1)	1	0	0	0
Montevideo(n=4)	1	3	2	0
Muenchen(n=6)	5	1	1	0
Muenster(n=8)	4	4	2	0
Newport(n=8)	3	5	2	0
Oranieburg(n=1)	1	0	0	0
Orion(n=2)	0	2	1	0
Panama(n=1)	1	0	0	0
Paratyphi A(n=1)	0	1	1	0
Pomona(n=1)	0	1	1	0
Poona(n=2)	1	1	1	0
Reading(n=1)	0	1	1	0
Sandiego(n=2)	1	1	1	0
Schileissheim(n=8)	4	4	4	0
Singapore(n=3)	1	2	0	0
Tennessee(n=5)	3	2	2	0
Uganda(n=4)	2	2	0	0
Wandsworth(n=7)	5	2	0	0
Weltevreden(n=2)	0	2	0	0
Worthington(n=2)	1	1	1	0
Overall(n=2,283)	331(14.5)	1,952(85.5)	1,288(56.4)	3(0.1)

Table S4 Distribution of *bla*$_{CTX-M}$ genes, *gyr*A/*par*C mutations and PMQRs in ESBLs-producing *Salmonella spp.* isolates recovered from patients with diarrhea, food of animal origin, and pets in China (n = 222).

Source	Patients with diarrhea			Food of animal origin		Pets	Serovars										
	≤5	5-59	≥60	Chicken meat	Pork	Turtle	Agona	Derby	Enteritis	Give	Havan	Hvittingf	Indiana	Saintpaul	Stanley	Thompson	Typhimurium
bla$_{CTX-M}$																	
bla$_{CTX-M-14}$	21	10	6	7	1	1	0	1	23	0	0	0	7	1	0	4	10
bla$_{CTX-M-24}$	1	0	0	5	0	0	0	0	1	0	0	0	5	0	0	0	0
bla$_{CTX-M-27}$	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0
bla$_{CTX-M-65}$	4	19	7	55	0	1	1	1	10	8	0	0	53	0	0	1	12
bla$_{CTX-M-79}$	23	4	7	8	1	1	0	0	25	0	0	0	8	0	0	1	10
bla$_{CTX-M-90}$	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0
bla$_{CTX-M-123}$	1	0	0	61	0	0	0	0	1	0	0	0	61	0	0	0	0
bla$_{CTX-M-130}$	15	6	4	11	1	0	0	3	7	0	0	0	10	2	1	1	13
*gyr*A mutation																	
S83Y	3	2	12	1	0	5	0	1	5	8	0	0	0	0	0	5	4
S83F	4	0	0	90	1	0	0	0	2	0	0	0	89	0	0	0	4
D87G	3	2	1	2	1	0	0	0	7	0	0	0	2	0	0	0	0
D87N	1	0	0	92	1	0	0	1	3	0	0	0	88	0	0	0	2
D87Y	4	0	3	1	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	1
*par*C mutation																	
S80R	0	0	0	89	1	0	0	0	1	0	0	0	89	0	0	0	0
PMRQ																	
*qnr*B	21	9	22	49	1	14	1	3	16	7	0	1	48	2	1	17	20
*qnr*S	46	18	38	97	3	20	1	6	49	8	1	1	92	3	1	21	39
*qep*A	0	0	0	29	3	20	0	3	3	0	1	1	26	0	0	17	1
aac(6')-Ib	46	18	38	97	3	20	1	6	49	8	1	1	92	3	1	21	39
*oqx*A	45	17	36	97	3	20	1	6	45	8	1	1	92	3	1	21	39
*oqx*B	45	17	36	97	3	20	1	6	45	8	1	1	92	3	1	21	39

Patient age distribution is indicated (≤5, 5-59, and ≥60 years old).