

Mitochondrial DNA genomes revealed different patterns of high-altitude adaptation in high-altitude Tajiks compared with Tibetans and Sherpas

Yu Chen¹, Liang Gong¹, Xinyuan Liu¹, Xingshu Chen¹, Shenghong Yang^{2#}, Yongjun Luo^{1#}

(1 Department of Military Medical Geography, Army Health Service Training Base, Third Military Medical University(Army Medical University), Chongqing 40038, China; 2 Health Department of the 957th Hospital of PLA, Ali, Tibet, China 859000)

[#]Corresponding author:

Prof. Shenghong Yang, Health Department of the 957th Hospital of PLA, Ali, Tibet, 859000, China.

(E-mail: kevinsh0751@163.com)

Prof. Yongjun Luo, Army Health Service Training Base, Third Military Medical University(Army Medical University), Chongqing 400038, China.

(E-mail: luo.yongjun@qq.com)

F1e2	0.97	1.47	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
F1g	0.00	1.47	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
F2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
F2a	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
F2b1	1.94	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
F2c2	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
F2d	1.94	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
F2e	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
F2h	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.47	0.00
F2i	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
F3a1	0.00	2.94	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
F4b	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G1	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G1a1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	4.00	3.49	0.00	0.00	0.00	0.00
G1c2	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G2a1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	7.41	0.00	0.00	0.00	0.00	2.94	0.00
G2a1d2	0.00	0.00	0.00	1.85	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G2a1d2a	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G2a1f	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G2a2	0.00	1.47	0.00	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G2a3	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G2b1a2	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G2b1b	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.47	0.00
G2b2	0.00	1.47	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G3a1	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	1.47	0.00	0.00
G3a1a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.32	1.47	0.00	0.00
G3a3	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
G3b	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.47	0.00	0.00
G3b1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.47	0.00	0.00
H	0.00	0.00	0.00	1.85	7.14	0.00	2.00	2.33	0.00	0.00	0.00	9.09
H10a1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.32	0.00	0.00	0.00
H13a2b2a	0.00	0.00	0.00	1.85	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
H14a	0.00	0.00	5.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	7.58
H15a1a1	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	10.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

J1b1	0.00	0.00	0.00	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
J1b1a	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
J1b1a1	0.00	1.47	5.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.33	0.00	0.00	1.52
J1b1b1	0.00	0.00	0.00	3.70	7.14	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	3.03
J1b2	0.00	0.00	0.00	5.56	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
J1b6	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.00	0.00	0.00	0.00	0.00
J1c1b1a	0.00	2.94	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
J1d	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00
J1d1	0.00	1.47	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.03
J1d2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
J1d6a	0.00	0.00	0.00	0.00	3.57	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
J2b1a2a	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	2.00	2.33	0.00	0.00	0.00
K1a12	0.00	0.00	2.50	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
K1a12a	0.00	2.94	1.25	0.00	0.00	0.00	2.00	3.49	0.00	0.00	4.55
K1a2a	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
K1a4i	0.00	7.35	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
K1b1a1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.52
K1b1a1a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
K1b2a	0.00	0.00	3.75	0.00	0.00	0.00	0.00	2.33	0.00	0.00	1.52
K3	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
M10a1a	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
M10a1a1	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
M10a1b	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
M11a2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.32	1.47	0.00
M11b	0.00	0.00	0.00	0.00	3.57	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
M11c	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
M13a1b	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.47	0.00
M13a2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.63	5.88	0.00
M13b2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.47	0.00
M30	0.00	2.94	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	1.52
M30a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.47	0.00
M30c1	0.00	0.00	0.00	0.00	3.57	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
M33a	0.00	0.00	0.00	0.00	7.14	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
M35a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00

M9a1a1c1b1a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	13.16	2.94	0.00
M9a1a1c1b1a1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.32	0.00	0.00
M9a1a2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.95	7.35	0.00
M9a1b1	0.00	0.00	0.00	1.85	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.94	0.00
M9a1b1c	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.94	0.00
N10a	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
N11a1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.47	0.00
N1a1b1	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	2.33	0.00	0.00	0.00
N9a	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
N9a1	0.00	2.94	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
N9a2a	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
N9a3	0.97	4.41	0.00	0.00	0.00	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
N9a4b1	1.94	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
N9a9	1.94	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
R0a	0.00	0.00	2.50	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.03
R0a`b	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
R11b1a	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
R11b1b	0.97	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
R1a1	0.00	0.00	0.00	1.85	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
R2	0.00	0.00	3.75	0.00	3.57	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	6.06
R2d	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
T	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
T1a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.52
T1a1b	0.00	0.00	0.00	1.85	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
T1a1b1	0.00	2.94	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.03
T1a1n	0.00	0.00	3.75	0.00	0.00	0.00	6.00	1.16	0.00	0.00	3.03
T2	0.00	0.00	1.25	0.00	3.57	0.00	2.00	0.00	0.00	0.00	0.00
T2a1a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	4.00	0.00	0.00	0.00	0.00
T2a1b	0.00	0.00	0.00	0.00	3.57	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
T2b34	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00
T2d1b	0.00	0.00	5.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.52
T2d2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.00	0.00	0.00	0.00	0.00
T2g	0.00	2.94	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
T2g1b	0.00	0.00	0.00	0.00	3.57	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

U1a1	0.00	0.00	0.00	1.85	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U1a1c1a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.47	0.00
U2a2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.32	0.00	0.00
U2b	0.00	1.47	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U2b1a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.95	0.00	0.00
U2b2	0.00	0.00	3.75	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	5.81	0.00	0.00	1.52
U2c1b	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U2e1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U2e1h	0.00	0.00	0.00	1.85	0.00	0.00	8.00	2.33	0.00	0.00	0.00	1.52
U2e3a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00	0.00
U3	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00	0.00
U4a1	0.00	1.47	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	2.33	0.00	0.00	0.00	0.00
U4a2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.70	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U4b	0.00	0.00	0.00	5.56	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U4b1a1a1	0.00	0.00	2.50	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00	0.00
U4b1a4	0.00	0.00	0.00	0.00	3.57	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U4b2	0.00	0.00	10.00	0.00	0.00	0.00	0.00	3.49	0.00	0.00	0.00	3.03
U4c1	0.00	0.00	0.00	0.00	3.57	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U5a1a1	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00	0.00
U5a1b	0.00	1.47	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00	0.00
U5a1b1	0.00	0.00	0.00	1.85	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U5a1d2b	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00	0.00
U5a1g	0.00	1.47	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U5a2a1	0.00	1.47	1.25	1.85	0.00	0.00	2.00	1.16	0.00	0.00	0.00	0.00
U5a2b	0.00	0.00	2.50	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00	1.52
U5b2	0.00	1.47	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
U5b2a1b	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00	0.00
U7a3a	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00	3.03
U7a3b	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.16	0.00	0.00	0.00	0.00
V1a1	0.00	0.00	0.00	1.85	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
W	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	1.32	0.00	0.00	0.00
W1c	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
W3	0.00	0.00	1.25	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
W3b	0.00	0.00	2.50	0.00	0.00	0.00	4.00	0.00	0.00	0.00	0.00	12.12

