

PeIMT1 ATGACGACCTACACCAATGGCAACTACACACAACCAAAAACCCCTAGSCAAAGATGAACAATTAGCTGGTTTGGCAGTGACATTAGCAAATGCAGCTGCTT : 100
 McIMT1 ATGACGACCTACACCAATGGCAACTACACACAACCAAAAACCCCTAGSCAAAGATGAACAATTAGCTGGTTTGGCAGTGACATTAGCAAATGCAGCTGCTT : 100

PeIMT1 TTCCAATGATCCTGAAATCAGCCTTTGAGCTAAAAATCCTTGACATATTCTCAAAGCAGGGGAAGGCGTGTTTGTATCGACTTCTGAGATCGCTAGCCA : 200
 McIMT1 TTCCAATGATCCTGAAATCAGCCTTTGAGCTAAAAATCCTTGACATATTCTCAAAGCAGGGGAAGGCGTGTTTGTATCGACTTCTGAGATCGCTAGCCA : 200

PeIMT1 AATCGGGCAAAAGAACCCCTAATGCCCCGGTGTGTGGACCCGGATGCTCCGGCTCCTGGCTAGCCACTCTGTGTTAACATGCAAGCTCCAAAAGGGTGAG : 300
 McIMT1 AATCGGGCAAAAGAACCCCTAATGCCCCGGTGTGTGGACCCGGATGCTCCGGCTCCTGGCTAGCCACTCTGTGTTAACATGCAAGCTCCAAAAGGGTGAG : 300

PeIMT1 GGTGGTCTCAAAGGGTGTATGGTCCAGCTCCCCTTTGCAACTATCTTGCTAGTAAATGATGGTCAAGGCTCTCTGGCCCTTTGCTTGTGTTTGCATCATG : 400
 McIMT1 GGTGGTCTCAAAGGGTGTATGGTCCAGCTCCCCTTTGCAACTATCTTGCTAGTAAATGATGGTCAAGGCTCTCTGGCCCTTTGCTTGTGTTTGCATCATG : 400

PeIMT1 ACAAGGTCATGATGGAGAGTGGTTCCTTCACTTGAATGATTACATACTAGAAGGAGGTGTTCCATTCAAGCGCGCTCATGGGATGATCCAATTCGACTACAC : 500
 McIMT1 ACAAGGTCATGATGGAGAGTGGTTCCTTCACTTGAATGATTACATACTAGAAGGAGGTGTTCCATTCAAGCGCGCTCATGGGATGATCCAATTCGACTACAC : 500

PeIMT1 TGGGACTGATGAAAGGTTCAATCATGTGTCAACCAAGGGATGGCACACCACACTATCCTGGTCATGAAGAAGCTCCTTGACAACACTACAATGGGTTTAAAT : 600
 McIMT1 TGGGACTGATGAAAGGTTCAATCATGTGTCAACCAAGGGATGGCACACCACACTATCCTGGTCATGAAGAAGCTCCTTGACAACACTACAATGGGTTTAAAT : 600

PeIMT1 GATGTCAAGGTCCTAGTGTGATGTGGGTGGTAAACATGGTGTCAATGTGAGCATGATCGTCGCTAAGCATACTCACATTAAGGGCATCAACTATGACTTGC : 700
 McIMT1 GATGTCAAGGTCCTAGTGTGATGTGGGTGGTAAACATGGTGTCAATGTGAGCATGATCGTCGCTAAGCATACTCACATTAAGGGCATCAACTATGACTTGC : 700

PeIMT1 CTCATGTCTTGGTGTGCTCCTTCTTACCCCGGTGTGGAGCATGTGGTGGTAAACATGTTTGGAGGCATACCACAAGCAGATGCCATTTTCATGAAGTG : 800
 McIMT1 CTCATGTCTTGGTGTGCTCCTTCTTACCCCGGTGTGGAGCATGTGGTGGTAAACATGTTTGGAGGCATACCACAAGCAGATGCCATTTTCATGAAGTG : 800

PeIMT1 GGTGTTGCATGATGGAGCGACGAGCATTGCGTGAAGATACTCAACAAGTGCTATGAGAGCCTGGCAAGGGGAGGAAGATCATCCTTGTGGAATCGCTT : 900
 McIMT1 GGTGTTGCATGATGGAGCGACGAGCATTGCGTGAAGATACTCAACAAGTGCTATGAGAGCCTGGCAAGGGGAGGAAGATCATCCTTGTGGAATCGCTT : 900

PeIMT1 ATACCAGTAATCCCAGAAGACAACCTCGAATCACACATGGTGTTAGCCTTGATTGCCACACTTTGGTGCACAACCAAGGTGGAAAAGAGAGATCAAAGG : 1000
 McIMT1 ATACCAGTAATCCCAGAAGACAACCTCGAATCACACATGGTGTTAGCCTTGATTGCCACACTTTGGTGCACAACCAAGGTGGAAAAGAGAGATCAAAGG : 1000

PeIMT1 AGGATTTTGAAGCCTTAGCTTCCAAGACTGGCTTCTCTACAGTTGATGTCATTTGCTGTGCCTATGACACTTGGGTGATGGAGCTCTACAAGAAG : 1095
 McIMT1 AGGATTTTGAAGCCTTAGCTTCCAAGACTGGCTTCTCTACAGTTGATGTCATTTGCTGTGCCTATGACACTTGGGTGATGGAGCTCTACAAGAAG : 1095

Figure S4. Nucleotide sequences of PeIMT1 and McIMT1. The nucleotide sequences were aligned using ClustalX, and the resulting alignment was shaded and modified using drawing software.