

Table S2. Primer sequences used for QPCR validation of our dataset.

Gene	Primer	Sequence (5'-3')	P-value	Cluster
Cyp4a12b	Forward primer Reverse primer	GAGTGTCTCTAATGGCTGCTT CCTTGATTTGATCACTTGGTCTGTG	0.018	1
Zdhhc9	Forward primer Reverse primer	GAAGTCGCTACCACCTCTGG AAGAGCCCTGAACAAGGGAC	0.013	2
Fabp4	Forward primer Reverse primer	TGAAATCACCGCAGACGACA ACACATTCCACCACCAGCTT	0.017	8
Per1	Forward primer Reverse primer	AGAGTCCCAGACCAGGTGTC GGAGGACGAAACAGGGAAGG	0.00061	4
Nr1d2	Forward primer Reverse primer	GGGATGTCACGAGATGCTGT AGGTGTCATTCTGCAGGTGG	9,59E- 13	4
Cldn23	Forward primer Reverse primer	CAAGATGAGCCCCACTACGG TACCAGGAGACCGGGATGAG	0.00095	5
Galnt4	Forward primer Reverse primer	CCATGGCAGGAGGACTGTTT TTTTCGCCTCCCCAGACTTC	0.014	5
Plin4	Forward primer Reverse primer	TCAGTGGAGGAGTGTGGTCA CCAGCTGAGCTTGTTCTCA	0.013	6
Pon1	Forward primer Reverse primer	ACAGGGGACCTCTGGGTG TTCTGGATTCTGAAGCACCTCTG	0.017	6
Etfb	Forward primer Reverse primer	CACAGTGCCAGGAGACCATC GGCCTAAGCTTTCTGCCTGT	0.018	6
Scn4b	Forward primer Reverse primer	TAACGGCTCATCGATCCTGC CCCGTTCGATGAGAATCCTGG	0.010	7
Gpd1	Forward primer Reverse primer	TGCTCGAACTGGAAAGTCCAT GCCCTTGTGTTGGAGAATGC	0.00019	7
Gusb	Forward primer Reverse primer	GCAGTTGTGTGGGTGAATGG CACTCTGGACCAGCTTGCTA		

Selected genes for RT-qPCR validation and their primer sequences. Exact p-value and gene expression cluster are indicated.