```
EHEC O157:H7        1 MKKTRTANLHHLYHEPLPENLKLTPKVEVDNVHQRQTTDVYEHALTITAW     50
                      ||||||||||||||||.|||::|||||||||||||||:|||||||||||||||
C. rodentium        1 MKKTRTANLHHLYHEALPEDVKLTPKVEVDNVHQRRTTDVYEHALTITAW     50

EHEC O157:H7       51 QQIYDQLHPGKFHGEFTEILLDDIQVFREYTGLALRQSCLVWPNSFWFGI    100
                      ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||.||||||
C. rodentium       51 QQIYDQLHPGKFHGEFTEILLDDIQVFREYTGLALRQSCLVWPKSFWFGI    100

EHEC O157:H7      101 PATRGEQGFIGSQCLGSAEIATRPGGTEFELSTPDDYTIILGVVLSEDVIT    150
                      |.||||||||||:|.||||||||||||||||||||||||||||||:||||::
C. rodentium      101 PTTRGEQGFIGTQSLGSAEIATRPGGTEFELSTPDDYTIILGVVISEDVLS    150

EHEC O157:H7      151 RQANFLHNPDRVLHMLRSQSALEVKEQHKAALWGFVQQALATFCENPENL    200
                      |||.|||||:||||||||:||||||||||||||||||||||||||.||||||
C. rodentium      151 RQARFLHNPERVLHMLRNQSALEVKEQHKAALWGFVQQALATFSENPENL    200

EHEC O157:H7      201 HQPAVRKVLGDNLLMAMGAMLEEAQPMVTAESISHQSYRRLLSRAREYVL    250
                      ||||||||||||||||:|||.|||||||:.||||||||.||||||||||||||
C. rodentium      201 HQPAVRKVLGDNLLLAMGTMLEEAQPINTAESISHQGYRRLLSRAREYVL    250

EHEC O157:H7      251 ENMSEPVTVLDLCNQLHVSRRTLQNAFHAILGIGPNAWLKRIRLNAVRRE    300
                      |||:||:||||||||||||||||||||||:||||||||||||||||||||||
C. rodentium      251 ENMAEPLTVLDLCNQLHVSRRTLQNAFHAVLGIGPNAWLKRIRLNAVRRE    300

EHEC O157:H7      301 LISPWSQSTTVKDAAMQWGFWHLGQFATDYQQLFAEKPSLTLHQRMREWG    350
                      ||||||||.||||||||||||||||||||||||||||||.|||.|||:|.
C. rodentium      301 LISPWSQSRTVKDAAMQWGFWHLGQFATDYQQLFAEKPSSTLHHRMRQWM    350
```

92.0% sequence identity, 96.3% similarity

Fig. S1. Alignment of EHEC and *C. rodentium* EutR amino acid sequences.