

Table S7. Gene-level copy number associations with expression of 18 genes differentially expressed by race in breast and prostate tumors

Gene Symbol	Cytoband	Breast Tumors				Prostate Tumors			
		Beta coefficient*	T-statistic	P value	FDR [†]	Beta coefficient*	T-statistic	P value	FDR [†]
TOP1MT	8q24.3	0.53	15.16	2.65E-46	7.94E-46	0.44	7.55	5.33E-13	1.07E-12
GLI4	8q24.3	0.51	10.63	6.63E-25	1.08E-24	0.48	7.29	2.75E-12	4.96E-12
RB1	13q14.2	0.67	14.75	3.53E-44	9.06E-44	0.29	9.38	1.70E-18	5.09E-18
GUSBP3	5q13	1.12	14.04	1.40E-40	3.15E-40	0.41	4.32	2.12E-05	2.94E-05
KBTBD7	13q14.11	0.56	8.95	2.14E-18	3.21E-18	0.32	6.13	2.82E-09	4.24E-09
MARVELD2	5q13.2	0.69	13.42	1.70E-37	3.40E-37	0.45	7.78	1.15E-13	2.59E-13
KBTBD6	13q14.11	0.49	15.82	8.21E-50	3.69E-49	0.36	10.06	1.08E-20	4.84E-20
OCLN	5q13.2	0.50	7.29	6.83E-13	9.46E-13	0.37	4.09	5.58E-05	6.69E-05
ARSB	5q14.1	-0.01	-0.16	0.869	0.869	0.38	6.23	1.60E-09	2.61E-09
WISP1	8q24.22	-0.01	-0.22	0.824	0.869	-0.07	-0.70	0.485	0.494
PVT1	8q24.21	0.61	15.63	7.98E-49	2.87E-48	0.56	7.83	8.65E-14	2.22E-13
SOHLH2	13q13.3	0.46	4.29	2.01E-05	2.58E-05	0.96	4.11	5.06E-05	6.50E-05
MTERFD1/MTERF3	8q22.1	0.67	26.12	6.50E-112	1.17E-110	0.40	10.64	1.24E-22	7.41E-22
C11orf87	11q22.3	0.10	1.26	0.209	0.235	-0.15	-0.68	0.494	0.494
CDADC1	13q14.2	0.43	17.42	1.19E-58	7.15E-58	0.34	13.58	4.60E-33	4.14E-32
SNX31	8q22.3	0.18	2.10	0.036	0.043	0.44	2.34	0.020	0.023
SUGT1	13q14.3	0.45	18.98	1.12E-67	1.01E-66	0.34	15.37	1.04E-39	1.87E-38
PELO	5q11.2	0.30	13.29	7.05E-37	1.27E-36	0.36	9.97	2.08E-20	7.49E-20

Abbreviations: AA=African American; EA=European American; FDR=False Discovery Rate

* log₂.Fold.Change is the log₂(expression in AA Tumors/expression in EA Tumors).

† Adjusted pvalue using Benjamini-Hochberg False Discovery Rate method.