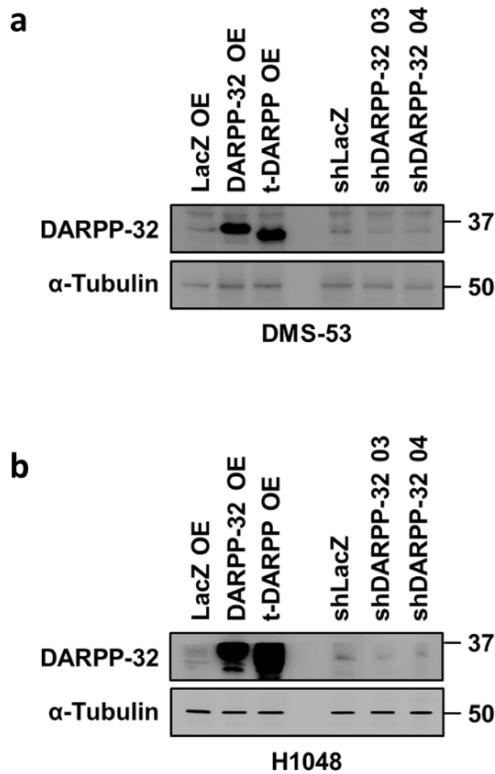


Supplementary Figures and Tables:

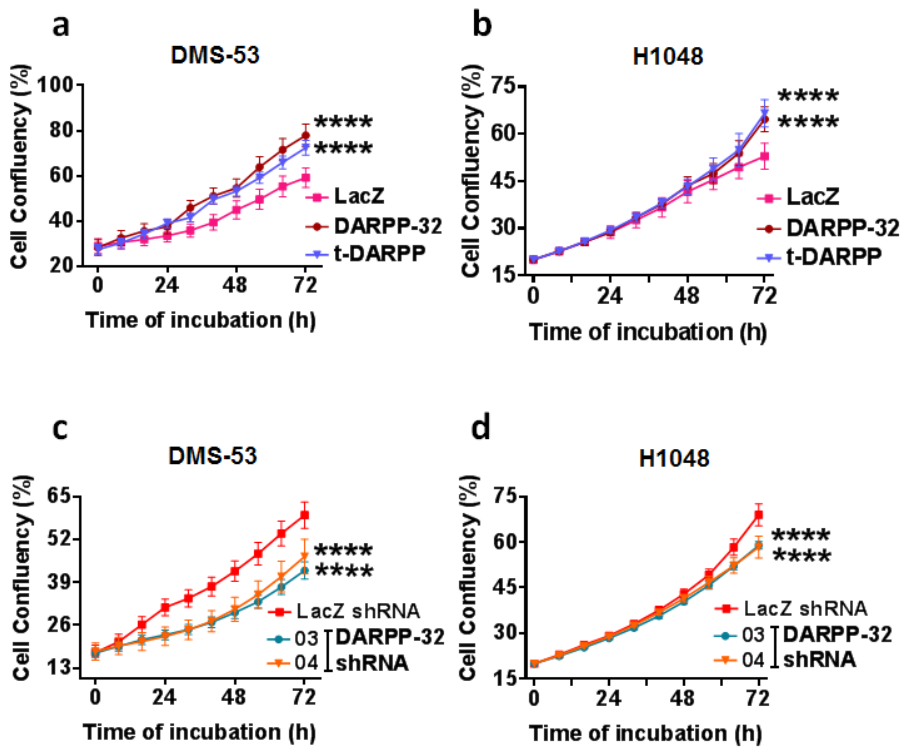
Supplementary Figures 1-8:	p. 2 - 9
Supplementary Table 1: List of primers used in this study	p. 10
Supplementary Table 2: Immunostaining scores of patient-derived human SCLC tissue samples	p. 11
Supplementary Table 3: List of upregulated genes with fold change relative to normal	p. 12 - 84
Supplementary Table 4: List of downregulated genes with fold change relative to normal	p. 85 - 148
Supplementary Table 5: List of Notch pathway genes enriched in GSEA	p. 149
Supplementary Table 6: List of genes from 4 pathways enriched in GSEA	p. 150 - 161

Supplementary Figure 1



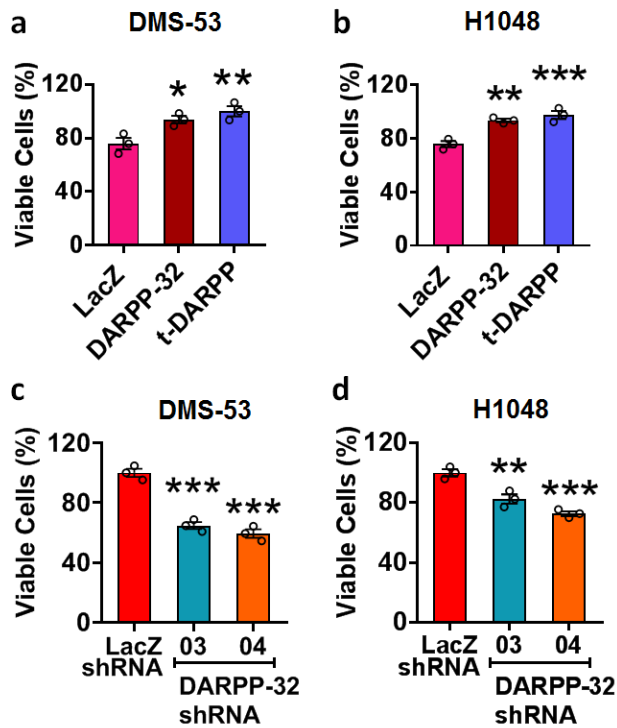
Supplementary Figure 1: Depletion and overexpression of DARPP-32 isoforms in SCLC cells. **a-b** DMS-53 (**a**: left 3 lanes) and H1048 cells (**b**: left 3 lanes) transduced with retrovirus encoding LacZ (control), DARPP-32, and t-DARPP cDNAs were subjected to western blot using antibodies against DARPP-32 and α -Tubulin (loading control). Cell lysates from DMS-53 (**a**: right 3 lanes) and H1048 (**b**: right 3 lanes) cells transduced with shRNA encoded to knockdown LacZ or DARPP-32 (i.e. shDARPP-32 03 and shDARPP-32 04 represent two distinct shRNAs) were used to detect DARPP-32 expression.

Supplementary Figure 2



Supplementary Figure 2: DARPP-32 isoforms promote cell growth and proliferation. a-b DMS-53 (a) and H1048 (b) cells expressing control-, DARPP-32- or t-DARPP-overexpressing clones were seeded into 96-well cell culture plates. Images were captured at every 6h interval using IncuCyte® live cell analysis imaging system. Cell confluency was determined by measuring the area occupied by the cells in each well. c-d DMS-53 (c) and H1048 (d) cells were transduced with lentivirus encoding control shRNA (LacZ) or DARPP-32 shRNAs (clone numbers 03 and 04). The cell-occupied area in each well was assessed using the IncuCyte® live cell analysis imaging system. The line graph represents average values of three independent experiments. Error bars indicate SEM. ****P<0.0001, 2-way ANOVA followed by Dunnett's test for multiple comparison.

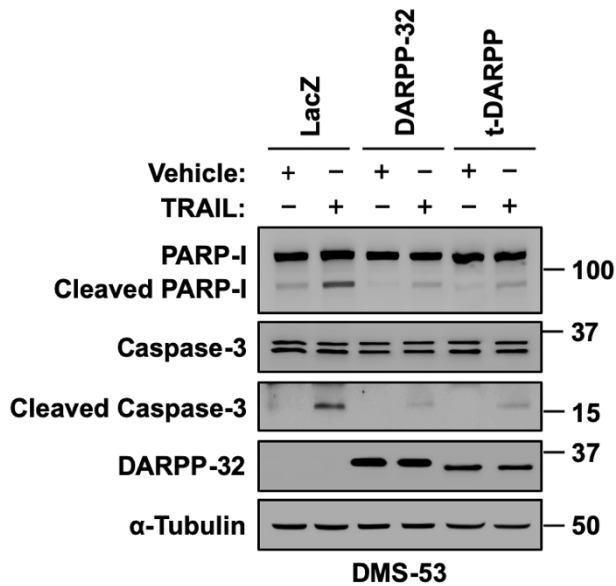
Supplementary Figure 3



Supplementary Figure 3: Overexpression of DARPP-32 isoforms increases SCLC cell viability.

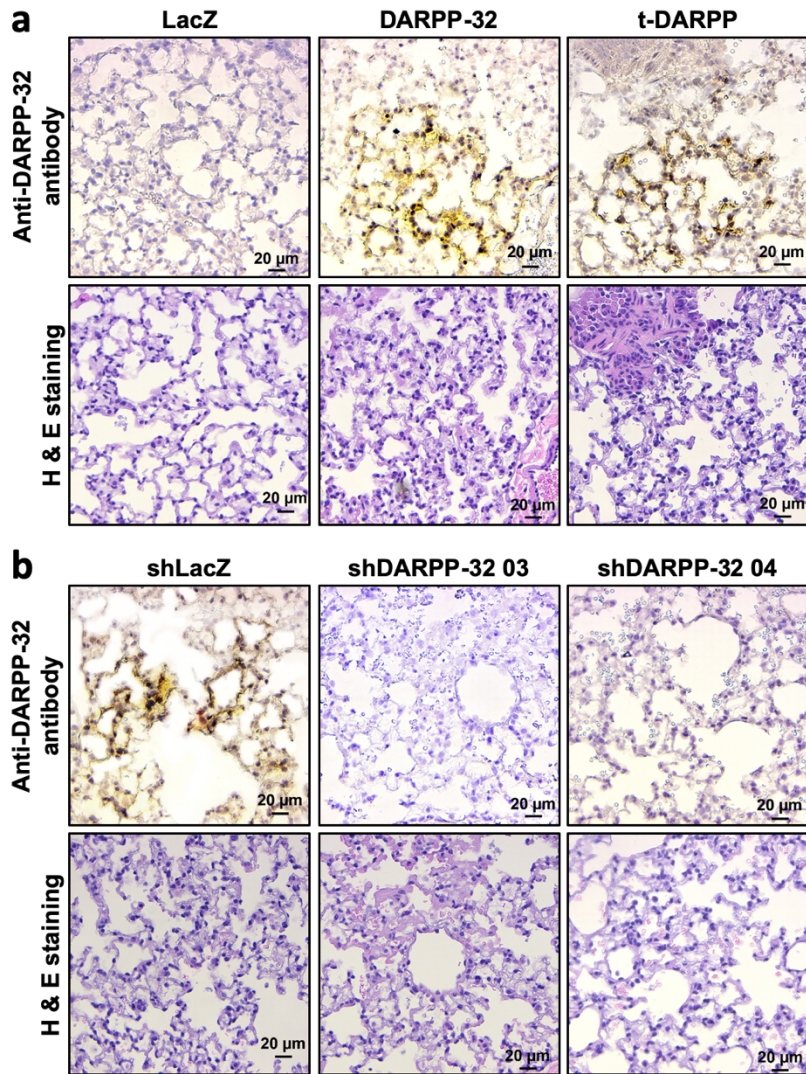
a-b Human DMS-53 (a) and H1048 (b) cells transduced with control-, DARPP-32- or t-DARPP-overexpressing clones were plated into 96-well cell culture plates for 72h. MTS-1 reagents were used to quantify viable cells by measuring absorbance at 490 nm. **c-d** Colorimeter-based cell survival assays using MTS reagents were performed in DMS-53 (c) and H1048 (d) cells transduced with control shRNA or DARPP-32 shRNAs. Each open circle on a bar graph represents an independent experiment. Experiments were repeated three times. Error bars indicate SEM. * $P < 0.05$, ** $P < 0.01$, and *** $P < 0.001$, one-way ANOVA followed by Dunnett's test for multiple comparison.

Supplementary Figure 4



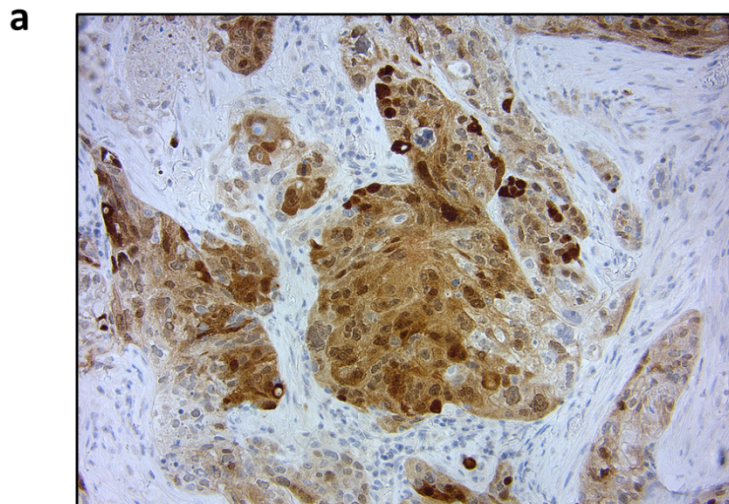
Supplementary Figure 4: Overexpression of DARPP-32 isoforms protects cells from TRAIL-induced apoptosis. Human SCLC DMS-53 cells transduced with retrovirus encoding LacZ (control), DARPP-32, and t-DARPP cDNA plasmids were treated with either vehicle (water) or TRAIL (250 nM) for 24h. Cells were lysed and immunoblotted with antibodies to detect cleaved and uncleaved PARP-I, cleaved and uncleaved (i.e., pro-) caspase-3, DARPP-32 and α -tubulin (loading control). Experiments were performed three times. Results of one representative experiment were shown.

Supplementary Figure 5

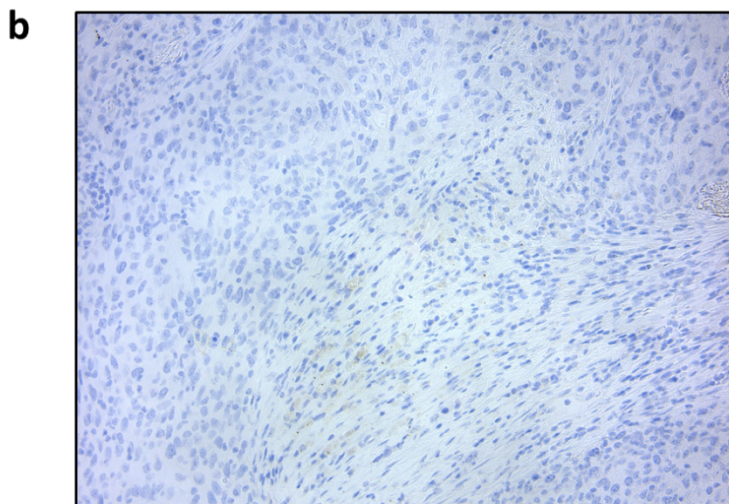


Supplementary Figure 5: Verification of DARPP-32 and t-DARPP expression in explanted tumor xenografts. **a** Human SCLC DMS-53 cells stably overexpress LacZ, DARPP-32, or t-DARPP proteins were orthotopically injected into SCID mice. The tumors were grown over the time in vivo and animals were sacrificed at the end of the experiment. Lung tissues harvested from mice were fixed in formaldehyde, embedded in paraffin, serially cross-sectioned, and subjected to immunohistochemistry (IHC) with an antibody that detects both DARPP-32 and t-DARPP protein. Nuclei and cytosol were stained with hematoxylin and eosin (H & E), respectively. **b** DARPP-32-ablated DMS-53 cells were orthotopically injected into SCID mice and explanted tumors were subjected to IHC using anti-DARPP-32 antibody. H & E staining were performed to visualize tissue morphology. Scale bar indicates 20 μm. IHC experiments were repeated in three mice lung tissues from each group. Results represent one single experiment.

Supplementary Figure 6



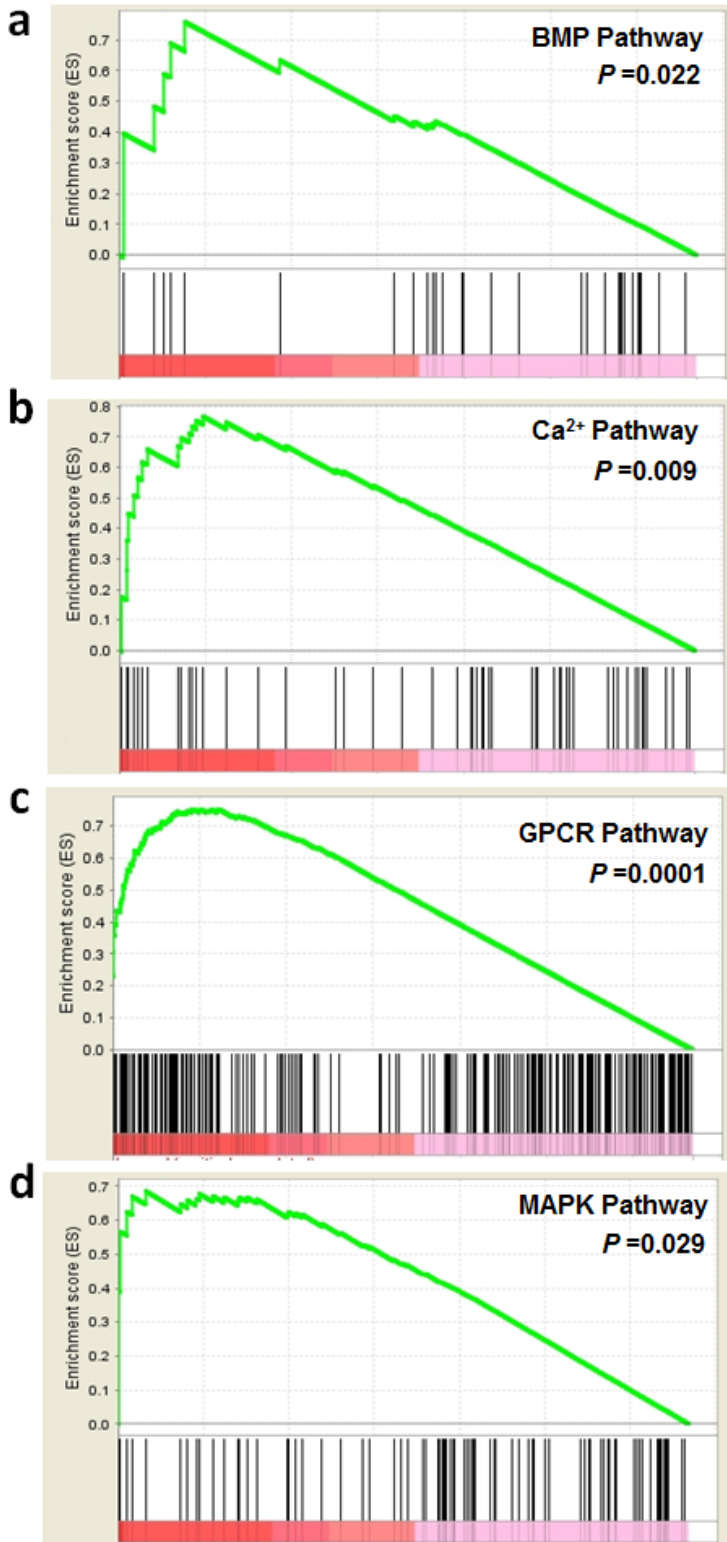
Positive Staining



Negative Staining

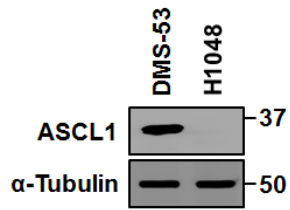
Supplementary Figure 6: Antibody specificity controls for DARPP-32 antibody used in the IHC studies. **a.** IHC was performed using a C-terminal DARPP-32 antibody that detects both DARPP-32 and t-DARPP (i.e. positive staining) and **b.** no primary antibody (i.e. negative staining). Serial sections of the same reference human SCLC tissues were used for antibody specificity controls shown in this figure.

Supplementary Figure 7



Supplementary Figure 7: Gene set enrichment analysis (GSEA). **a** Bone morphogenetic protein (BMP) pathway, **b** Calcium signaling (Ca²⁺) pathway, **c** G protein coupled receptor (GPCR) pathway and **d** mitogen-activated protein kinase (MAPK) pathway were shown to be enriched in a subset of SCLC patients with elevated t-DARPP levels in tumor tissue by performing GSEA.

Supplementary Figure 8



Supplementary Figure 8: ASCL1 is upregulated in DMS-53 cells. Two human SCLC cell lines, namely DMS-53 and H1048, were lysed and immunoblotted with antibodies against ASCL1 and α -tubulin (loading control).

Supplementary Table 1: List of primers used in this study

Primers used in site-directed mutagenesis

Name	Forward Primer (5'-3')	Reverse Primer (5'-3')
ASCL1-SDM01	GGAGGCTTCTCTGCCCTCATCTCCCTTCTACTGATCCCCAGCCTGGGATC	GATCCCAGGCTGGGGATCAGTAGAAGGGAGATGAGGGCAGAGAAGCCTCC
ASCL1-SDM02	ATAAGCCCTCCTGCTCAAATGGGGCTACTGATCCATGTTCCCTGAGGCCTTTTC	GAAAAGGCCTCAGGGAACATGGATCAGTAGCCCCATTTGAGCAGGAGGGCTTAT
ASCL1-SDM03	CCTACACCCCTGGGCCAACAACTTATCATCACTGATTTTCCCAACAAGTATATAAGTCAACAAACA	TGTTTGTGACTTATATACTTGTGGGAAAATCAGTGATGATAAGTTGTGGCCAGGGGTGTAGG

Primers used in sanger sequencing

Name	Forward Primer (5'-3')	Reverse Primer (5'-3')
DARPP-32 promoter	CCTCTGTCAGCCAGTCTTCC	TCTTCTGGAATTGGGGTCAG

Supplementary Table 2: Immunostaining scores of patient-derived human SCLC tissue samples

SCLC Patient No.	Figure No.	DARPP-32+ cells (%)	Intensity	IHC score
1	4G	95	3	285
2	4H	30	3	90
3	4I	10	3	30
4	4J	80	3	240
5	4K	>90	3	>270
6	4L	90	3	270

Supplementary Table 3: List of upregulated genes with fold change relative to normal

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>OR51E1</i>	711.6
<i>AMER3</i>	283.8
<i>FEZF2</i>	261.8
<i>FGF5</i>	250.1
<i>AC005307.3</i>	229.3
<i>ELAVL2</i>	229.1
<i>CALCA</i>	229.0
<i>AC005307.1</i>	182.8
<i>GABRG3</i>	170.6
<i>DLX6-AS1</i>	163.6
<i>C18orf42</i>	145.0
<i>GFY</i>	137.4
<i>RP11-51M18.1</i>	128.2
<i>SIM1</i>	125.3
<i>RP11-669N7.2</i>	122.6
<i>KLK12</i>	122.1
<i>EMX2OS</i>	121.7
<i>STMN2</i>	118.7
<i>MARCH11</i>	117.4
<i>CACNG5</i>	114.3
<i>MIR519A2</i>	111.7
<i>RP11-277I20.3</i>	109.5
<i>BRS3</i>	108.0
<i>RP11-139K4.2</i>	104.6
<i>RP11-665C14.2</i>	102.5
<i>TBXT</i>	101.6
<i>GAD2</i>	94.4
<i>RP11-438B23.2</i>	91.2
<i>ATP2B3</i>	88.5
<i>LCN15</i>	88.2
<i>IL1RAPL2</i>	81.8
<i>CNTNAP2</i>	80.2
<i>TUNAR</i>	79.9
<i>KCNH5</i>	79.6
<i>LRRC53</i>	79.0
<i>SYT4</i>	75.5
<i>CGA</i>	71.9
<i>RP11-1038A11.2</i>	70.5
<i>GABRG2</i>	69.3
<i>GRIK3</i>	69.1
<i>TPH1</i>	67.9
<i>CTNNA2</i>	67.0
<i>CASC18</i>	66.5
<i>EMX1</i>	66.0
<i>CPA5</i>	65.5
<i>RP11-52L5.6</i>	65.2
<i>FUT9</i>	64.8
<i>PDX1</i>	63.7
<i>CER1</i>	63.6

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-64C1.1</i>	63.2
<i>LRTM2</i>	62.3
<i>EPHA6</i>	61.6
<i>MAGEA9</i>	61.4
<i>GABRQ</i>	61.1
<i>HMGB3P18</i>	59.5
<i>CNTN2</i>	58.6
<i>LINC01249</i>	57.6
<i>MAGEC1</i>	57.4
<i>NKX2-2</i>	57.4
<i>SOX1</i>	56.8
<i>KCNH6</i>	56.2
<i>RP11-474D1.3</i>	56.0
<i>DLX5</i>	55.7
<i>ATOH7</i>	55.0
<i>HAPLN1</i>	54.6
<i>SLC24A2</i>	54.6
<i>RP5-984P4.6</i>	54.4
<i>SYT6</i>	54.3
<i>SLITRK1</i>	53.4
<i>RET</i>	52.8
<i>POU3F2</i>	52.3
<i>CTD-2140G10.2</i>	52.2
<i>BARHL2</i>	51.7
<i>LINC00626</i>	51.3
<i>LINC00002</i>	51.0
<i>PEX5L</i>	50.8
<i>FGF12-AS2</i>	50.3
<i>KCNB2</i>	50.2
<i>RNF186</i>	49.8
<i>SLC18A1</i>	49.5
<i>PCSK1</i>	49.4
<i>NELL1</i>	49.4
<i>ADCY2</i>	49.3
<i>RP11-317N12.1</i>	48.7
<i>RP11-1C8.4</i>	48.6
<i>TEX101</i>	48.6
<i>AC012506.2</i>	48.6
<i>TACR3</i>	48.2
<i>DLX6</i>	48.1
<i>ZMAT4</i>	48.1
<i>CPLX2</i>	47.4
<i>VEGF</i>	47.3
<i>GLYATL3</i>	47.1
<i>ASCL1</i>	47.0
<i>FLJ36000</i>	45.8
<i>STXBP5L</i>	45.7
<i>RP1-212P9.2</i>	45.6
<i>GRP</i>	45.6
<i>NXPH1</i>	45.6
<i>FOXD3</i>	45.5

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CACNA1E</i>	45.0
<i>POU4F1</i>	44.7
<i>RAX</i>	44.6
<i>RP11-48F14.2</i>	44.6
<i>TEX15</i>	44.2
<i>FOXD3-AS1</i>	44.2
<i>IGFBPL1</i>	44.0
<i>KCNC2</i>	43.9
<i>RP11-277I20.2</i>	43.6
<i>ZIC2</i>	43.5
<i>CALCB</i>	43.4
<i>HOXC13</i>	43.4
<i>CHGA</i>	43.3
<i>PNMA6D</i>	43.2
<i>NCAN</i>	42.9
<i>NEUROG3</i>	42.8
<i>SORCS3</i>	42.7
<i>KIRREL3</i>	42.6
<i>SELV</i>	42.5
<i>PTH2</i>	42.4
<i>NAT16</i>	42.2
<i>ZIC5</i>	41.7
<i>SYT14</i>	41.7
<i>ONECUT2</i>	41.5
<i>KRT83</i>	41.0
<i>RP11-114G22.1</i>	41.0
<i>CTD-2566J3.1</i>	40.5
<i>AC079466.1</i>	40.5
<i>MARCH4</i>	40.2
<i>CTD-2089N3.1</i>	40.0
<i>RP11-300M24.1</i>	39.9
<i>RP11-328N19.1</i>	39.8
<i>PTF1A</i>	39.8
<i>RP11-501O2.5</i>	39.8
<i>LMO1</i>	39.7
<i>TRH</i>	39.5
<i>SPAG11B</i>	38.9
<i>ACBD7</i>	38.4
<i>CADPS</i>	38.4
<i>RP11-81H3.2</i>	38.0
<i>MYO3A</i>	38.0
<i>OTOG</i>	37.9
<i>FOXL2</i>	37.8
<i>GNG8</i>	37.8
<i>TBX20</i>	37.8
<i>TMEM145</i>	37.8
<i>ZBTB8B</i>	37.6
<i>RTBDN</i>	37.5
<i>RP11-675F6.3</i>	37.5
<i>RP11-13A1.1</i>	37.3
<i>TPSP2</i>	37.1

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>AL109763.2</i>	36.8
<i>DLK1</i>	36.7
<i>ACTL6B</i>	36.6
<i>UMODL1</i>	36.6
<i>SP8</i>	36.6
<i>SCN3A</i>	36.6
<i>FAM132B</i>	36.0
<i>BEST3</i>	35.8
<i>OPRD1</i>	35.7
<i>CST1</i>	35.6
<i>NLRP11</i>	35.5
<i>KCNK2</i>	35.3
<i>OLFM3</i>	35.2
<i>LINC00404</i>	35.2
<i>ATP4B</i>	35.1
<i>CHRNA2</i>	34.9
<i>NEUROD1</i>	34.9
<i>DCX</i>	34.8
<i>GPR6</i>	34.5
<i>PRKCG</i>	34.5
<i>LINC00461</i>	34.5
<i>LL22NC03-121E8</i>	34.5
<i>RP11-1C8.7</i>	34.2
<i>SHOX2</i>	34.0
<i>ST8SIA5</i>	34.0
<i>DLX1</i>	34.0
<i>CASC20</i>	34.0
<i>RP11-153K16.1</i>	33.7
<i>DLX2</i>	33.5
<i>SVOP</i>	33.5
<i>CTD-2147F2.1</i>	33.4
<i>SOWAHA</i>	33.4
<i>PAQR9</i>	33.3
<i>NPC1L1</i>	33.3
<i>RP11-13K12.2</i>	33.2
<i>LINC00669</i>	33.2
<i>ISL1</i>	33.1
<i>ATCAY</i>	33.1
<i>SEZ6L</i>	33.0
<i>DCAF12L2</i>	33.0
<i>RP11-742D12.2</i>	32.9
<i>PHYHIPL</i>	32.9
<i>BRINP2</i>	32.8
<i>RP11-1103G16.1</i>	32.8
<i>CLVS2</i>	32.7
<i>AC012123.1</i>	32.6
<i>RP11-316M20.1</i>	32.6
<i>KCNC1</i>	32.5
<i>DLL3</i>	32.3
<i>SCG3</i>	32.3
<i>HTR1E</i>	32.2

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>TMEM74</i>	32.0
<i>VIL1</i>	32.0
<i>OPCML</i>	32.0
<i>GNG4</i>	32.0
<i>LINGO2</i>	31.9
<i>TCERG1L</i>	31.7
<i>TMEM132B</i>	31.7
<i>BARX1-AS1</i>	31.7
<i>PCDHGC4</i>	31.7
<i>PCDH8</i>	31.5
<i>GRIN2C</i>	31.4
<i>RP11-429B14.4</i>	31.4
<i>RP11-30L8.1</i>	31.4
<i>KCNH7</i>	31.3
<i>HIST1H3J</i>	31.2
<i>GJD2</i>	31.1
<i>PTPRN</i>	31.1
<i>AF131216.5</i>	30.9
<i>AC113607.2</i>	30.9
<i>RAB3B</i>	30.9
<i>CEND1</i>	30.8
<i>PCDHA5</i>	30.7
<i>TRIM67</i>	30.6
<i>FAM163B</i>	30.6
<i>CHRNA4</i>	30.6
<i>KLHL1</i>	30.6
<i>RALYL</i>	30.5
<i>WNT16</i>	30.5
<i>MUC13</i>	30.5
<i>NRSN1</i>	30.3
<i>LINC00592</i>	30.3
<i>GNG13</i>	30.3
<i>FOXP3</i>	30.1
<i>AC012354.6</i>	30.1
<i>SLC25A48</i>	30.1
<i>RP13-786C16.1</i>	30.0
<i>RP11-675F6.4</i>	30.0
<i>GABBR2</i>	30.0
<i>HOXA13</i>	30.0
<i>RIMS2</i>	29.8
<i>CYP4F23P</i>	29.7
<i>BSND</i>	29.7
<i>DNER</i>	29.7
<i>FRRS1L</i>	29.6
<i>SSTR2</i>	29.5
<i>SYT13</i>	29.5
<i>DRD2</i>	29.5
<i>LINC00403</i>	29.4
<i>B3GALT5</i>	29.4
<i>ATRNL1</i>	29.4
<i>CNPY1</i>	29.2

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>DAPL1</i>	29.2
<i>AC009410.1</i>	29.2
<i>INA</i>	29.1
<i>NDST4</i>	29.0
<i>SLC7A14</i>	28.9
<i>C8orf12</i>	28.8
<i>CAMK2B</i>	28.8
<i>CTD-2314G24.2</i>	28.7
<i>SLC6A15</i>	28.7
<i>ZDHHC22</i>	28.7
<i>C21orf88</i>	28.6
<i>RP11-85O21.2</i>	28.6
<i>LYPD1</i>	28.5
<i>SLC6A17</i>	28.3
<i>C1QL4</i>	28.3
<i>RP11-1070N10.5</i>	28.3
<i>CDK5R2</i>	28.2
<i>RP13-714J12.1</i>	28.1
<i>COX6B2</i>	28.1
<i>RP11-78L16.1</i>	28.1
<i>TRDN</i>	28.0
<i>LMX1B</i>	27.9
<i>HOXB8</i>	27.8
<i>XKR7</i>	27.7
<i>HOXB9</i>	27.6
<i>CTD-2203A3.1</i>	27.6
<i>RP11-398J5.1</i>	27.4
<i>RP11-87G24.6</i>	27.4
<i>GCK</i>	27.3
<i>MUC19</i>	27.3
<i>RP11-138J23.1</i>	27.2
<i>RP4-738P15.1</i>	27.1
<i>CTB-49A3.4</i>	27.1
<i>RP11-143K11.1</i>	27.1
<i>ONECUT1</i>	26.9
<i>KIF4B</i>	26.9
<i>SIX3-AS1</i>	26.9
<i>RP11-423G4.7</i>	26.9
<i>NGB</i>	26.8
<i>SLC35D3</i>	26.8
<i>KLK2</i>	26.7
<i>ELOVL2</i>	26.6
<i>ENTPD8</i>	26.6
<i>TRPM5</i>	26.5
<i>FOXN4</i>	26.5
<i>ATP4A</i>	26.5
<i>ELAVL4</i>	26.4
<i>CALML3-AS1</i>	26.3
<i>TAAR1</i>	26.3
<i>SHANK2-AS3</i>	26.3
<i>IGFL4</i>	26.3

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RGS7</i>	26.2
<i>AF064860.7</i>	26.2
<i>CTD-2021H9.3</i>	26.1
<i>CNTNAP5</i>	26.1
<i>RP11-89K21.1</i>	26.1
<i>RP11-844P9.2</i>	26.0
<i>CRYBA2</i>	26.0
<i>RP11-445F12.1</i>	25.9
<i>CABP7</i>	25.9
<i>CAMKV</i>	25.8
<i>RUNDC3A</i>	25.7
<i>HMGB3P13</i>	25.7
<i>DPYSL5</i>	25.7
<i>KCNK10</i>	25.7
<i>SEZ6</i>	25.6
<i>LINC00491</i>	25.6
<i>RP11-389G6.3</i>	25.4
<i>CACNA1A</i>	25.3
<i>GHRH</i>	25.3
<i>TUSC8</i>	25.2
<i>BEX1</i>	25.2
<i>RP11-531A24.3</i>	25.1
<i>AC069277.2</i>	25.1
<i>RP11-60A24.3</i>	25.1
<i>HIST1H2BH</i>	25.1
<i>TMSB15A</i>	25.1
<i>INSM1</i>	25.1
<i>KIF4A</i>	25.0
<i>TMSB15A</i>	24.9
<i>CTD-2292M14.1</i>	24.9
<i>RP11-478J18.2</i>	24.9
<i>COL22A1</i>	24.9
<i>C11orf87</i>	24.9
<i>FLRT1</i>	24.8
<i>MAGEC2</i>	24.8
<i>ZAN</i>	24.7
<i>KCNK9</i>	24.7
<i>KIF1A</i>	24.6
<i>CALB1</i>	24.6
<i>LINC00355</i>	24.6
<i>EPHA7</i>	24.5
<i>SCRT2</i>	24.5
<i>RP3-410B11.1</i>	24.5
<i>MTUS2-AS1</i>	24.4
<i>RP11-19O2.2</i>	24.4
<i>SMOC1</i>	24.4
<i>AC013733.3</i>	24.4
<i>C19orf45</i>	24.3
<i>ST18</i>	24.3
<i>SUCNR1</i>	24.3
<i>EPHB1</i>	24.3

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>E2F7</i>	24.2
<i>HOXC-AS2</i>	24.2
<i>GAD1</i>	24.2
<i>NPPB</i>	24.2
<i>OXT</i>	24.1
<i>NKX2-5</i>	24.1
<i>FEZF1-AS1</i>	24.0
<i>SYT5</i>	23.9
<i>DGKB</i>	23.9
<i>NRXN1</i>	23.8
<i>CALY</i>	23.8
<i>ZYG11A</i>	23.8
<i>TRPM8</i>	23.7
<i>FSTL5</i>	23.6
<i>ASXL3</i>	23.6
<i>MSI1</i>	23.6
<i>BTBD17</i>	23.5
<i>KIF5C</i>	23.5
<i>KCNJ6</i>	23.3
<i>CLSTN2</i>	23.3
<i>AGMO</i>	23.3
<i>FOXE1</i>	23.2
<i>RPRML</i>	23.2
<i>MIR770</i>	23.2
<i>SYT1</i>	23.2
<i>NKAIN2</i>	23.2
<i>BEST2</i>	23.1
<i>GABRR1</i>	23.1
<i>PRLHR</i>	23.1
<i>RP11-8L2.1</i>	23.1
<i>SCGB1D2</i>	23.1
<i>MMP12</i>	23.1
<i>CTD-2006C1.6</i>	23.1
<i>PCP4</i>	23.1
<i>LINC01096</i>	23.1
<i>CRABP1</i>	23.0
<i>SOX2-OT</i>	23.0
<i>CTB-107G13.1</i>	23.0
<i>TAF7L</i>	23.0
<i>DMBX1</i>	22.9
<i>AC144833.1</i>	22.9
<i>PENK</i>	22.8
<i>MELK</i>	22.8
<i>RP13-766D20.4</i>	22.8
<i>SLC38A3</i>	22.7
<i>ELOVL4</i>	22.6
<i>RP11-734K21.5</i>	22.5
<i>LA16c-329F2.1</i>	22.5
<i>PAX1</i>	22.5
<i>RGS17</i>	22.5
<i>LINC00237</i>	22.3

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP5-1063M23.2</i>	22.3
<i>AOC1</i>	22.3
<i>DAND5</i>	22.3
<i>HEPACAM2</i>	22.3
<i>TRIM9</i>	22.3
<i>NPPA</i>	22.2
<i>NCAM1</i>	22.2
<i>SPOCK3</i>	22.2
<i>RP11-424C20.2</i>	22.2
<i>PASD1</i>	22.2
<i>DEPDC1</i>	22.2
<i>MIR7-3HG</i>	22.1
<i>BRSK2</i>	22.1
<i>ATP1A3</i>	22.0
<i>LRFN2</i>	22.0
<i>GLYATL1</i>	21.9
<i>GLDC</i>	21.9
<i>TAGLN3</i>	21.9
<i>ZNF488</i>	21.9
<i>DPYSL4</i>	21.9
<i>DBX1</i>	21.9
<i>SHISA7</i>	21.8
<i>SCN8A</i>	21.7
<i>RIPPLY2</i>	21.7
<i>LINC01143</i>	21.7
<i>CHGB</i>	21.6
<i>HOXD10</i>	21.6
<i>RP11-57G22.1</i>	21.5
<i>BIRC5</i>	21.5
<i>FAM64A</i>	21.5
<i>RP11-120K24.5</i>	21.5
<i>ZNF695</i>	21.5
<i>KCNMB2</i>	21.4
<i>UNC79</i>	21.4
<i>UCHL1</i>	21.4
<i>FOXB1</i>	21.4
<i>TCEAL5</i>	21.3
<i>HOXD11</i>	21.3
<i>CH17-38B12.2</i>	21.3
<i>BBOX1-AS1</i>	21.3
<i>RP11-713C5.1</i>	21.3
<i>RP11-3B12.5</i>	21.2
<i>INSRR</i>	21.2
<i>NUF2</i>	21.2
<i>LRRC14B</i>	21.1
<i>GRM4</i>	21.1
<i>LIN28A</i>	21.1
<i>UNC80</i>	21.1
<i>LINC00381</i>	21.1
<i>ELAVL3</i>	21.1
<i>RP11-629G13.1</i>	21.0

Gene Name	Fold change relative to normal
AC010975.1	21.0
OGDHL	21.0
ASPM	21.0
LINC00466	20.9
ENTPD2	20.9
RP11-227D2.3	20.9
SIX2	20.9
RP11-353N14.1	20.9
POU6F2-AS2	20.8
AP000251.3	20.8
ALX4	20.8
RAET1K	20.8
ELOVL2-AS1	20.8
RP11-527D7.1	20.7
SPSB4	20.7
LINC00928	20.7
LINC00648	20.7
KCNA1	20.6
CDH2	20.6
CTD-2320G14.2	20.6
HIST1H2AL	20.6
FAM111B	20.5
FEV	20.4
RP11-357K6.1	20.4
CLSPN	20.4
DPP10	20.4
AMH	20.4
RPS11P6	20.3
C12orf56	20.2
KLK3	20.2
RP11-438D14.2	20.2
C1orf95	20.1
INHBE	20.0
SNAI1P1	20.0
GPR144	20.0
DLGAP5	19.9
RP11-96H17.1	19.8
DRAXIN	19.8
SLC12A1	19.8
RP11-551L14.1	19.8
L1CAM	19.8
LHX2	19.8
C6orf183	19.7
ST8SIA3	19.7
OTOP3	19.7
PPM1E	19.7
RP5-984P4.4	19.7
UNC5A	19.7
RP11-1038A11.3	19.6
CNTD2	19.6
SOX2	19.6

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-883G14.1</i>	19.5
<i>GRM2</i>	19.5
<i>RPL32P33</i>	19.4
<i>RP5-823G15.5</i>	19.4
<i>RIMBP2</i>	19.4
<i>SPOCK1</i>	19.4
<i>RP11-728G15.1</i>	19.4
<i>NPTX2</i>	19.4
<i>RP11-117L6.1</i>	19.3
<i>RP11-74E22.8</i>	19.3
<i>DGCR9</i>	19.3
<i>RP11-385J1.2</i>	19.3
<i>CTD-2377D24.4</i>	19.3
<i>RP11-494H4.3</i>	19.3
<i>MNX1-AS1</i>	19.2
<i>RP11-397A16.1</i>	19.2
<i>SOX11</i>	19.2
<i>PROX1-AS1</i>	19.2
<i>MEX3A</i>	19.2
<i>C1QL1</i>	19.1
<i>RP11-108E14.1</i>	19.1
<i>RGS4</i>	19.0
<i>AP3B2</i>	19.0
<i>SSTR5-AS1</i>	19.0
<i>RP11-15G16.1</i>	19.0
<i>SYT10</i>	19.0
<i>RCOR2</i>	19.0
<i>TUBB2B</i>	18.9
<i>NMNAT2</i>	18.9
<i>RP11-74E22.4</i>	18.9
<i>HP09025</i>	18.9
<i>SLC5A12</i>	18.8
<i>TPH2</i>	18.8
<i>PAH</i>	18.8
<i>CCDC177</i>	18.8
<i>SCGN</i>	18.7
<i>CLGN</i>	18.7
<i>CDKN2A</i>	18.7
<i>RAD54L</i>	18.7
<i>PAX4</i>	18.7
<i>BAI2</i>	18.7
<i>AC108676.1</i>	18.7
<i>SV2A</i>	18.6
<i>AC007128.1</i>	18.6
<i>TOP2A</i>	18.6
<i>HIST1H1B</i>	18.6
<i>PROX1</i>	18.6
<i>GPR139</i>	18.6
<i>ALG1L3P</i>	18.5
<i>RP11-561B11.6</i>	18.5
<i>ADCYAP1</i>	18.5

Gene Name	Fold change relative to normal
AC116614.1	18.5
FAM155B	18.4
HNF4G	18.4
HERC2P10	18.4
RP11-142C4.4	18.4
RP11-431M3.1	18.3
LL09NC01-254D1	18.3
CELF4	18.3
SALL1	18.3
NXPH4	18.3
DLGAP3	18.3
GDAP1L1	18.3
ASNAP3	18.3
HOXD12	18.2
INSM2	18.2
HIST1H2BF	18.2
GPRIN1	18.2
FAM19A1	18.2
FSD1	18.1
TERT	18.1
RP5-1119A7.17	18.1
MEIOB	18.0
PBK	18.0
PHF21B	18.0
LINC01346	18.0
FRMD5	18.0
RP11-540E16.2	18.0
HES6	18.0
KRT9	17.9
RP11-796E10.1	17.9
RP11-55K22.2	17.9
NEK2	17.9
HNF1A	17.9
DDX25	17.9
MIR490	17.8
RP11-100K18.1	17.7
RP11-378I6.1	17.7
SNX18P7	17.7
LA16c-321D4.2	17.7
LINC01250	17.7
VWC2L	17.7
RP11-1L9.1	17.6
MAGEA6	17.6
GLYATL1P2	17.6
KRTAP4-1	17.5
TMEM178B	17.5
SCN2A	17.5
RP11-365D9.1	17.5
RP11-576D8.4	17.5
PROKR1	17.5
TMEFF2	17.5

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>PCDHGA1</i>	17.4
<i>UNC13A</i>	17.4
<i>CTD-2307P3.1</i>	17.4
<i>NR0B1</i>	17.4
<i>LINC01152</i>	17.4
<i>KIF14</i>	17.4
<i>UBE2SP2</i>	17.4
<i>CELF3</i>	17.3
<i>RP11-672L10.2</i>	17.3
<i>KIF18B</i>	17.3
<i>CA9</i>	17.2
<i>DPF1</i>	17.2
<i>RP11-268G13.1</i>	17.2
<i>PRSS29P</i>	17.2
<i>TSHR</i>	17.2
<i>FGF12-AS3</i>	17.2
<i>SRRM4</i>	17.2
<i>KCNJ3</i>	17.2
<i>MCM10</i>	17.1
<i>CTD-2034I21.2</i>	17.1
<i>RP11-115D19.1</i>	17.1
<i>NRCAM</i>	17.1
<i>SHD</i>	17.0
<i>CTD-2089N3.2</i>	17.0
<i>CD24P4</i>	17.0
<i>RFX4</i>	17.0
<i>SULT4A1</i>	17.0
<i>KIF5A</i>	16.9
<i>LINC00634</i>	16.9
<i>GPX2</i>	16.9
<i>C9orf53</i>	16.9
<i>RP11-379L18.1</i>	16.9
<i>ESPL1</i>	16.9
<i>CCNE2</i>	16.8
<i>GNGT1</i>	16.8
<i>TTK</i>	16.7
<i>MIR335</i>	16.7
<i>RP11-552E20.4</i>	16.7
<i>SATL1</i>	16.7
<i>CA6</i>	16.6
<i>E2F8</i>	16.6
<i>BHLHE23</i>	16.6
<i>SIX3</i>	16.6
<i>PCDHB17</i>	16.6
<i>OPTC</i>	16.6
<i>MTNR1B</i>	16.6
<i>RP11-616M22.7</i>	16.6
<i>A1CF</i>	16.6
<i>EYA2</i>	16.6
<i>ASF1B</i>	16.6
<i>DEPDC1B</i>	16.6

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>HOXD4</i>	16.6
<i>FBLL1</i>	16.5
<i>ILDR2</i>	16.5
<i>STIL</i>	16.5
<i>CTD-3006G17.2</i>	16.5
<i>C6orf195</i>	16.5
<i>ADAMTS18</i>	16.5
<i>GPR158</i>	16.4
<i>AC105402.4</i>	16.4
<i>NOL4</i>	16.4
<i>HOXA10</i>	16.4
<i>CTD-2527I21.15</i>	16.4
<i>BARX1</i>	16.4
<i>CTSV</i>	16.4
<i>NKX2-4</i>	16.3
<i>RP11-776H12.1</i>	16.3
<i>VENTXP5</i>	16.3
<i>RP11-771K4.1</i>	16.3
<i>AVPR1B</i>	16.3
<i>RP11-474D1.4</i>	16.2
<i>CCKBR</i>	16.2
<i>RP11-353N14.2</i>	16.2
<i>LINC01079</i>	16.2
<i>U82695.5</i>	16.1
<i>CDCA8</i>	16.1
<i>ASTN1</i>	16.0
<i>RP11-65D17.1</i>	16.0
<i>RP11-685A21.1</i>	16.0
<i>ERVMER61-1</i>	16.0
<i>WNK3</i>	16.0
<i>PTCHD2</i>	16.0
<i>RP1-76B20.11</i>	15.9
<i>RELN</i>	15.9
<i>ADARB2-AS1</i>	15.9
<i>DNAJC22</i>	15.9
<i>CENPI</i>	15.9
<i>RP11-108K3.2</i>	15.9
<i>NKAIN1</i>	15.9
<i>ADD2</i>	15.8
<i>MAST1</i>	15.8
<i>CDC25C</i>	15.8
<i>PCDHGB1</i>	15.8
<i>KCNH8</i>	15.8
<i>SLC6A5</i>	15.8
<i>SLCO6A1</i>	15.8
<i>RNF144A-AS1</i>	15.8
<i>RP11-25H12.1</i>	15.8
<i>CTD-2234N14.2</i>	15.8
<i>TPX2</i>	15.8
<i>CPNE4</i>	15.8
<i>SLITRK6</i>	15.7

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP4-676L2.1</i>	15.7
<i>RP11-656G20.1</i>	15.7
<i>EXO1</i>	15.7
<i>LINC00898</i>	15.7
<i>CHST8</i>	15.7
<i>RIPPLY3</i>	15.7
<i>SYN1</i>	15.6
<i>UHRF1</i>	15.6
<i>TMEM151B</i>	15.6
<i>NGEF</i>	15.6
<i>RP5-1028L10.2</i>	15.6
<i>ADCY1</i>	15.6
<i>RP11-567M16.1</i>	15.6
<i>RPS16P9</i>	15.6
<i>LINC00958</i>	15.5
<i>MYT1</i>	15.5
<i>KRT17P1</i>	15.5
<i>OR51E2</i>	15.5
<i>RP11-538I12.3</i>	15.5
<i>SNAP25</i>	15.5
<i>RP11-605F22.2</i>	15.5
<i>HIST1H3G</i>	15.5
<i>RP11-103J17.2</i>	15.5
<i>KIF2C</i>	15.4
<i>TUBB3</i>	15.4
<i>RHBDL3</i>	15.4
<i>HOXB-AS3</i>	15.4
<i>FGF12</i>	15.4
<i>RP11-284F21.10</i>	15.4
<i>PCDH19</i>	15.4
<i>CENPF</i>	15.4
<i>DDC</i>	15.4
<i>WNK2</i>	15.4
<i>TMPRSS4-AS1</i>	15.3
<i>MGAT5B</i>	15.3
<i>APLP1</i>	15.3
<i>CFHR3</i>	15.3
<i>RP11-450H6.3</i>	15.3
<i>RP11-375B1.3</i>	15.3
<i>CKAP2L</i>	15.3
<i>FMN2</i>	15.3
<i>CTC-338M12.9</i>	15.3
<i>EPHA8</i>	15.2
<i>RP11-794G24.1</i>	15.2
<i>KIF19</i>	15.2
<i>EEF1A2</i>	15.2
<i>RP5-827C21.2</i>	15.1
<i>CCDC129</i>	15.1
<i>SOHLH2</i>	15.1
<i>LINC01413</i>	15.1
<i>GINS2</i>	15.1

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-402J6.1</i>	15.0
<i>AIRE</i>	15.0
<i>BRIP1</i>	15.0
<i>UBE2T</i>	15.0
<i>IGSF1</i>	15.0
<i>FOXE3</i>	15.0
<i>FAM72B</i>	14.9
<i>AC005624.2</i>	14.9
<i>FOXD1</i>	14.9
<i>AMPH</i>	14.9
<i>RP11-657O9.1</i>	14.9
<i>BHMT</i>	14.9
<i>LHX1</i>	14.8
<i>RP11-57A19.2</i>	14.8
<i>PCDHB1</i>	14.8
<i>TROAP</i>	14.8
<i>CAMK2N2</i>	14.8
<i>RBFox3</i>	14.8
<i>KIRREL3-AS3</i>	14.8
<i>TRPA1</i>	14.7
<i>TOMM20P3</i>	14.7
<i>IQGAP3</i>	14.7
<i>MROH3P</i>	14.7
<i>COCH</i>	14.7
<i>UBE2QL1</i>	14.7
<i>AC006946.15</i>	14.7
<i>TENM3</i>	14.7
<i>MAP1B</i>	14.7
<i>DPP10-AS1</i>	14.6
<i>ACTL8</i>	14.6
<i>MUC6</i>	14.6
<i>SH3GL2</i>	14.6
<i>ANK1</i>	14.6
<i>MMP26</i>	14.6
<i>KCNJ4</i>	14.6
<i>GRM8</i>	14.5
<i>VSX1</i>	14.5
<i>GINS1</i>	14.5
<i>VWA5B2</i>	14.5
<i>RP11-680H20.2</i>	14.5
<i>THEG</i>	14.5
<i>GPIHBP1</i>	14.5
<i>NDC80</i>	14.4
<i>BSX</i>	14.4
<i>HERC2P5</i>	14.4
<i>ORC6</i>	14.4
<i>LHX3</i>	14.4
<i>RP11-672L10.1</i>	14.4
<i>AC067961.1</i>	14.4
<i>B4GALNT4</i>	14.4
<i>MNX1</i>	14.4

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>FOXM1</i>	14.3
<i>KLHL14</i>	14.3
<i>CHRM4</i>	14.3
<i>NR5A1</i>	14.3
<i>CACNA1B</i>	14.3
<i>PPFIA4</i>	14.3
<i>PFN2</i>	14.3
<i>RP11-108M12.3</i>	14.3
<i>RP11-758M4.1</i>	14.3
<i>PCDH8P1</i>	14.3
<i>ESPNP</i>	14.3
<i>KCNH3</i>	14.2
<i>VWA5B1</i>	14.2
<i>SOX21</i>	14.2
<i>CDKN2C</i>	14.2
<i>LINC01116</i>	14.2
<i>ECT2</i>	14.2
<i>SCN5A</i>	14.1
<i>U91319.1</i>	14.1
<i>NUSAP1</i>	14.1
<i>HIST1H3F</i>	14.1
<i>CTA-254O6.1</i>	14.1
<i>LINC00470</i>	14.1
<i>MAGED4</i>	14.0
<i>HJURP</i>	14.0
<i>FAM72C</i>	14.0
<i>LHFPL5</i>	14.0
<i>FBXO43</i>	14.0
<i>TFF3</i>	14.0
<i>PKIB</i>	14.0
<i>MKI67</i>	14.0
<i>KIAA0087</i>	13.9
<i>TUBB2BP1</i>	13.9
<i>GP2</i>	13.9
<i>RP11-161I6.2</i>	13.9
<i>OTP</i>	13.9
<i>POU4F2</i>	13.9
<i>USH1C</i>	13.9
<i>GRM5</i>	13.8
<i>RP11-109M17.2</i>	13.8
<i>TRPM2-AS</i>	13.8
<i>RP11-666A20.3</i>	13.8
<i>RP1-40E16.9</i>	13.8
<i>HOXA10-AS</i>	13.8
<i>FEZF1</i>	13.8
<i>CTD-2568A17.1</i>	13.8
<i>DGCR5</i>	13.8
<i>RP11-279F6.1</i>	13.8
<i>GTSE1</i>	13.8
<i>ZNF711</i>	13.8
<i>CELSR3</i>	13.8

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SNCB</i>	13.8
<i>CCDC169</i>	13.8
<i>CTD-2377D24.6</i>	13.7
<i>DNAJC12</i>	13.7
<i>KRT8P30</i>	13.7
<i>LINC01208</i>	13.7
<i>CHD5</i>	13.7
<i>MS4A8</i>	13.7
<i>C12orf42</i>	13.7
<i>HIST1H4B</i>	13.7
<i>FAM57B</i>	13.6
<i>RP11-738B7.1</i>	13.6
<i>TLX1</i>	13.6
<i>CDC20</i>	13.6
<i>SP9</i>	13.6
<i>MIR196A1</i>	13.5
<i>SLC30A2</i>	13.5
<i>CTD-2587H24.10</i>	13.5
<i>CBX2</i>	13.5
<i>SRCIN1</i>	13.5
<i>BUB1B</i>	13.4
<i>RP11-284F21.9</i>	13.4
<i>RNF183</i>	13.4
<i>CDIPT-AS1</i>	13.4
<i>GSX1</i>	13.4
<i>AC018641.7</i>	13.4
<i>ANO4</i>	13.4
<i>RP11-496N12.6</i>	13.3
<i>GNAO1</i>	13.3
<i>CUX2</i>	13.3
<i>HIST1H4A</i>	13.3
<i>LINC01018</i>	13.3
<i>NCAPG</i>	13.3
<i>SLC8A2</i>	13.3
<i>HIST1H3C</i>	13.3
<i>B4GALNT1</i>	13.3
<i>RP4-694A7.2</i>	13.3
<i>SI</i>	13.3
<i>TYMSOS</i>	13.2
<i>RASAL1</i>	13.2
<i>SCML2</i>	13.2
<i>USP41</i>	13.2
<i>LINC01234</i>	13.2
<i>FZD9</i>	13.2
<i>ST8SIA6-AS1</i>	13.2
<i>NMU</i>	13.2
<i>CRMP1</i>	13.2
<i>SEC11C</i>	13.2
<i>XKR5</i>	13.2
<i>MCM2</i>	13.2
<i>UGT8</i>	13.2

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>ORC1</i>	13.2
<i>SRRM3</i>	13.1
<i>MAPT</i>	13.1
<i>CASC5</i>	13.1
<i>AP001631.9</i>	13.1
<i>KC6</i>	13.1
<i>ALX3</i>	13.1
<i>HOXB5</i>	13.1
<i>FAM131C</i>	13.1
<i>KLHDC8A</i>	13.1
<i>DYNC1I1</i>	13.1
<i>CKMT1B</i>	13.1
<i>MMP16</i>	13.1
<i>TFF1</i>	13.1
<i>RP11-286B14.1</i>	13.0
<i>EFTUD1P1</i>	13.0
<i>ESCO2</i>	13.0
<i>DUSP26</i>	13.0
<i>GAS2</i>	13.0
<i>AC003102.3</i>	12.9
<i>AC008088.4</i>	12.9
<i>CCL25</i>	12.9
<i>CNTFR</i>	12.9
<i>AC009014.3</i>	12.9
<i>PCDHGA8</i>	12.8
<i>CTD-2318O12.1</i>	12.8
<i>RAB3C</i>	12.8
<i>RP11-480I12.4</i>	12.8
<i>CHRNA5</i>	12.8
<i>DIRAS2</i>	12.8
<i>TMEM8C</i>	12.8
<i>PCSK2</i>	12.8
<i>RP13-614K11.2</i>	12.8
<i>CCDC34</i>	12.8
<i>EMILIN3</i>	12.8
<i>CTD-2256P15.1</i>	12.8
<i>LINC01122</i>	12.7
<i>CDCA5</i>	12.7
<i>RP11-513G11.4</i>	12.7
<i>LYPD6</i>	12.7
<i>MAD2L1</i>	12.7
<i>RP11-209K10.2</i>	12.7
<i>SLC30A10</i>	12.7
<i>RP11-698N11.2</i>	12.7
<i>CACNG2</i>	12.6
<i>RP11-449P1.1</i>	12.6
<i>TMEM63C</i>	12.6
<i>PNMA6C</i>	12.6
<i>RRM2</i>	12.6
<i>SPC24</i>	12.6
<i>GREB1L</i>	12.6

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>LRFN5</i>	12.6
<i>GS1-24F4.2</i>	12.6
<i>CDC45</i>	12.6
<i>WDR62</i>	12.6
<i>ADAM22</i>	12.5
<i>KIAA1549L</i>	12.5
<i>POLQ</i>	12.5
<i>PRSS3P2</i>	12.5
<i>CSAG1</i>	12.5
<i>RP11-373E16.3</i>	12.5
<i>AK5</i>	12.5
<i>ATP2B2</i>	12.5
<i>HIST1H2AE</i>	12.5
<i>HDAC1P2</i>	12.5
<i>NCAPH</i>	12.5
<i>CDC6</i>	12.5
<i>TAL2</i>	12.4
<i>WASF1</i>	12.4
<i>CECR6</i>	12.4
<i>NAT8L</i>	12.4
<i>DRP2</i>	12.4
<i>BVES-AS1</i>	12.4
<i>IGF2BP3</i>	12.4
<i>TP73</i>	12.4
<i>RPS27P25</i>	12.4
<i>CCNB2</i>	12.4
<i>UBE2SP1</i>	12.4
<i>KIAA2022</i>	12.4
<i>SCG5</i>	12.3
<i>NPTX1</i>	12.3
<i>PEG10</i>	12.3
<i>IGFL1P2</i>	12.3
<i>RP11-546J1.1</i>	12.3
<i>KCNT1</i>	12.3
<i>EBF3</i>	12.3
<i>RP11-715J22.6</i>	12.2
<i>KCNC4-AS1</i>	12.2
<i>E2F2</i>	12.2
<i>RP11-541G9.1</i>	12.2
<i>RP11-120K24.4</i>	12.2
<i>MUC2</i>	12.2
<i>ZACN</i>	12.2
<i>NKX3-2</i>	12.2
<i>BSN</i>	12.2
<i>PHGR1</i>	12.2
<i>UBE2C</i>	12.2
<i>SNORD113-3</i>	12.1
<i>PODXL2</i>	12.1
<i>SPATA16</i>	12.1
<i>SLC38A11</i>	12.1
<i>RP11-379L18.3</i>	12.1

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>FAR2P3</i>	12.1
<i>RP11-461O7.1</i>	12.1
<i>SCG2</i>	12.1
<i>MPPED1</i>	12.1
<i>PDX1-AS1</i>	12.1
<i>SIX4</i>	12.1
<i>RP11-396O20.2</i>	12.0
<i>RP1-90L14.1</i>	12.0
<i>SLC38A8</i>	12.0
<i>PRC1</i>	12.0
<i>RP11-120J1.1</i>	12.0
<i>RP11-441F2.5</i>	12.0
<i>GRK1</i>	12.0
<i>RP5-827C21.6</i>	12.0
<i>KIF24</i>	12.0
<i>SGOL1</i>	12.0
<i>NETO2</i>	11.9
<i>MAFA</i>	11.9
<i>CNIH2</i>	11.9
<i>RP11-563K23.1</i>	11.9
<i>RP11-159H10.3</i>	11.9
<i>ARHGEF7-IT1</i>	11.9
<i>GPT2</i>	11.9
<i>AC005618.6</i>	11.9
<i>RAB9B</i>	11.9
<i>HIST1H3B</i>	11.9
<i>PATE2</i>	11.9
<i>SEMA5B</i>	11.8
<i>SPAG5</i>	11.8
<i>C20orf203</i>	11.8
<i>MEST</i>	11.8
<i>RP11-410N8.3</i>	11.8
<i>CTC-537E7.2</i>	11.8
<i>ERCC6L</i>	11.8
<i>LRRC10</i>	11.8
<i>FAM171B</i>	11.8
<i>LL0XNC01-16G2.</i>	11.7
<i>SRSF12</i>	11.7
<i>STYK1</i>	11.7
<i>RP11-36N20.1</i>	11.7
<i>C1QL3</i>	11.7
<i>CABYR</i>	11.7
<i>LINC00951</i>	11.7
<i>Metazoa_SRP</i>	11.7
<i>CLPSL2</i>	11.7
<i>FLJ46066</i>	11.7
<i>UBA52P6</i>	11.7
<i>AC009336.24</i>	11.7
<i>NEURL1</i>	11.7
<i>SRPK3</i>	11.6
<i>CHRNA3</i>	11.6

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>TUBA3GP</i>	11.6
<i>CELF5</i>	11.6
<i>CENPA</i>	11.6
<i>RP11-482D24.2</i>	11.6
<i>C16orf59</i>	11.6
<i>FOXO6</i>	11.6
<i>EYA1</i>	11.6
<i>Six3os1_2</i>	11.6
<i>LSAMP-AS1</i>	11.6
<i>DEPDC1-AS1</i>	11.5
<i>OR2B6</i>	11.5
<i>KIF15</i>	11.5
<i>RP11-470P21.2</i>	11.5
<i>SCGB2A1</i>	11.5
<i>NWD2</i>	11.5
<i>ADAM23</i>	11.4
<i>PAK7</i>	11.4
<i>GRIK1</i>	11.4
<i>ZNF724P</i>	11.4
<i>GRIK5</i>	11.4
<i>TRIP13</i>	11.4
<i>RP11-482D24.3</i>	11.4
<i>GPR142</i>	11.4
<i>XRCC2</i>	11.3
<i>MANEAL</i>	11.3
<i>LECT1</i>	11.3
<i>CDC25A</i>	11.3
<i>CTD-2555A7.2</i>	11.3
<i>LRRC9</i>	11.3
<i>PNMA3</i>	11.3
<i>ZNF367</i>	11.3
<i>RP11-321L2.1</i>	11.3
<i>UBE2S</i>	11.3
<i>RP11-480I12.7</i>	11.3
<i>AC010729.1</i>	11.2
<i>RP11-80B9.1</i>	11.2
<i>KIRREL2</i>	11.2
<i>FAM83D</i>	11.2
<i>TICRR</i>	11.2
<i>LINC01397</i>	11.2
<i>KCNF1</i>	11.2
<i>DSCAML1</i>	11.2
<i>RAD51AP1</i>	11.2
<i>CDCA2</i>	11.1
<i>OR7E83P</i>	11.1
<i>PACSIN1</i>	11.1
<i>TRIM45</i>	11.1
<i>MGAT4C</i>	11.1
<i>RP11-78F17.1</i>	11.1
<i>GPR62</i>	11.1
<i>RP11-107C16.2</i>	11.1

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CD24</i>	11.0
<i>CACNA2D1</i>	11.0
<i>CTD-2231H16.1</i>	11.0
<i>STX1A</i>	11.0
<i>ITIH6</i>	11.0
<i>CDX2</i>	11.0
<i>SYP</i>	11.0
<i>RP4-616B8.6</i>	11.0
<i>BRSK1</i>	11.0
<i>TNNT1</i>	11.0
<i>IL23A</i>	11.0
<i>UMOD</i>	11.0
<i>OR2W6P</i>	11.0
<i>IGSF9</i>	11.0
<i>AC093702.1</i>	10.9
<i>CLPSL1</i>	10.9
<i>MAGED4B</i>	10.9
<i>KLF2P4</i>	10.9
<i>MAP7D2</i>	10.9
<i>KIFC1</i>	10.9
<i>RP11-97012.2</i>	10.9
<i>RP11-22011.2</i>	10.9
<i>AC053503.4</i>	10.9
<i>ARHGAP26-AS1</i>	10.9
<i>KIF20A</i>	10.9
<i>AC007326.9</i>	10.9
<i>PCDHA1</i>	10.8
<i>NEIL3</i>	10.8
<i>GABRA3</i>	10.8
<i>PNMAL1</i>	10.8
<i>RP11-439M11.1</i>	10.8
<i>LINC01134</i>	10.8
<i>PEX5L-AS2</i>	10.8
<i>POLE2</i>	10.8
<i>CCDC150</i>	10.7
<i>AURKB</i>	10.7
<i>TLX2</i>	10.7
<i>MESTP3</i>	10.7
<i>RP11-149I2.4</i>	10.7
<i>RAB26</i>	10.7
<i>MFI2</i>	10.7
<i>RP11-416N4.1</i>	10.7
<i>CCDC178</i>	10.7
<i>EVX2</i>	10.7
<i>RP11-485G7.6</i>	10.7
<i>AC096574.4</i>	10.7
<i>SEPT3</i>	10.7
<i>RP11-519M16.1</i>	10.6
<i>HPDL</i>	10.6
<i>ANKRD18B</i>	10.6
<i>RP11-157E16.1</i>	10.6

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RFC4</i>	10.6
<i>TOX3</i>	10.6
<i>MYOD1</i>	10.6
<i>VCX3A</i>	10.6
<i>RP11-715J22.2</i>	10.6
<i>RP5-944M2.3</i>	10.6
<i>KIF25-AS1</i>	10.6
<i>EZH2P1</i>	10.6
<i>RP11-575G13.2</i>	10.6
<i>GPR137C</i>	10.6
<i>SYT2</i>	10.6
<i>PTPRH</i>	10.6
<i>NKX6-1</i>	10.6
<i>NOVA1-AS1</i>	10.6
<i>RP11-346D19.1</i>	10.6
<i>SKA3</i>	10.6
<i>ASTN2</i>	10.5
<i>RP11-364C11.3</i>	10.5
<i>SAPCD2</i>	10.5
<i>LINC00866</i>	10.5
<i>SLCO5A1</i>	10.5
<i>SIX1</i>	10.5
<i>FSIP2</i>	10.5
<i>RP1-310O13.13</i>	10.5
<i>JPH3</i>	10.5
<i>VAT1L</i>	10.5
<i>RP11-187E13.1</i>	10.5
<i>HCN4</i>	10.5
<i>PCDHA4</i>	10.5
<i>GPR19</i>	10.5
<i>LINC00051</i>	10.5
<i>GPR149</i>	10.4
<i>FAM83F</i>	10.4
<i>FOXB2</i>	10.4
<i>RP11-390F4.3</i>	10.4
<i>RP11-713P17.5</i>	10.4
<i>CTD-2532D12.4</i>	10.4
<i>KLK1</i>	10.4
<i>GAP43</i>	10.4
<i>CSMD3</i>	10.4
<i>CDKN3</i>	10.4
<i>PLEKHG4B</i>	10.4
<i>RP11-255E6.6</i>	10.4
<i>LINC00354</i>	10.4
<i>HIST1H2BJ</i>	10.4
<i>RP3-497J21.1</i>	10.4
<i>TIGD3</i>	10.4
<i>DNAJC6</i>	10.4
<i>ALLC</i>	10.4
<i>CTD-2523D13.2</i>	10.4
<i>TBX10</i>	10.4

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>FAM222A-AS1</i>	10.4
<i>RP11-485G7.5</i>	10.3
<i>CDK5R1</i>	10.3
<i>MLLT11</i>	10.3
<i>RP11-483C6.1</i>	10.3
<i>HIST1H2BO</i>	10.3
<i>TFAP2A-AS1</i>	10.3
<i>BUB1</i>	10.3
<i>AC234791.1</i>	10.3
<i>SPC25</i>	10.3
<i>PARPBP</i>	10.3
<i>SOX21-AS1</i>	10.3
<i>HIST2H3C</i>	10.3
<i>HMMR</i>	10.3
<i>GRIA2</i>	10.3
<i>OR7E85P</i>	10.3
<i>AGBL4</i>	10.2
<i>OIP5</i>	10.2
<i>DBH</i>	10.2
<i>HELLS</i>	10.2
<i>CACNA1G</i>	10.2
<i>PLK1</i>	10.2
<i>SMC1B</i>	10.2
<i>RP4-604G5.1</i>	10.2
<i>LINGO1</i>	10.2
<i>RAB39B</i>	10.1
<i>HOXD-AS2</i>	10.1
<i>AC090627.1</i>	10.1
<i>RP11-144N1.1</i>	10.1
<i>CLVS1</i>	10.1
<i>RP11-484D2.2</i>	10.1
<i>RP5-1092A11.5</i>	10.1
<i>HMGB1P1</i>	10.1
<i>MYBL2</i>	10.1
<i>RP11-168K9.2</i>	10.1
<i>CTC-480C2.1</i>	10.1
<i>C2orf70</i>	10.0
<i>SBK1</i>	10.0
<i>LINC00269</i>	10.0
<i>AC011322.1</i>	10.0
<i>TDRG1</i>	10.0
<i>RP11-117L5.4</i>	10.0
<i>DDX11-AS1</i>	9.9
<i>ASB15</i>	9.9
<i>REEP2</i>	9.9
<i>RAB39A</i>	9.9
<i>NRG1-IT1</i>	9.9
<i>LINC00884</i>	9.9
<i>LINC00846</i>	9.9
<i>CA5A</i>	9.9
<i>CTC-344H19.4</i>	9.9

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>HIST3H2A</i>	9.9
<i>JAKMIP2</i>	9.8
<i>RP4-753M9.1</i>	9.8
<i>YBX2</i>	9.8
<i>RP11-579O24.3</i>	9.8
<i>RP11-254F7.4</i>	9.8
<i>CENPK</i>	9.8
<i>RP11-38M8.1</i>	9.8
<i>LINC00511</i>	9.8
<i>CCNA2</i>	9.8
<i>RP11-280K24.4</i>	9.8
<i>AC064850.4</i>	9.7
<i>C10orf71</i>	9.7
<i>AURKA</i>	9.7
<i>TCF19</i>	9.7
<i>RP11-561N12.6</i>	9.7
<i>U95743.1</i>	9.7
<i>CDH18</i>	9.7
<i>FAM222A</i>	9.7
<i>RASSF6</i>	9.7
<i>SCARNA22</i>	9.7
<i>LINC00303</i>	9.7
<i>LINC01117</i>	9.7
<i>CNKSR3</i>	9.6
<i>MIP</i>	9.6
<i>KLF14</i>	9.6
<i>TCEB3B</i>	9.6
<i>NCAM1-AS1</i>	9.6
<i>WDR72</i>	9.6
<i>HMSD</i>	9.6
<i>AC018685.1</i>	9.6
<i>AC012531.25</i>	9.6
<i>LRP4</i>	9.6
<i>CLDN11</i>	9.6
<i>HIST1H4J</i>	9.6
<i>CTD-2587H24.5</i>	9.6
<i>PAX9</i>	9.6
<i>KIF23</i>	9.6
<i>PPFIA2</i>	9.6
<i>LGALS17A</i>	9.6
<i>RP4-760C5.3</i>	9.5
<i>AC005481.5</i>	9.5
<i>CDCA3</i>	9.5
<i>RP1-159G19.1</i>	9.5
<i>NEB</i>	9.5
<i>RP11-111M22.5</i>	9.5
<i>NPAS3</i>	9.5
<i>AC093063.2</i>	9.5
<i>TTBK1</i>	9.5
<i>RP11-680F20.11</i>	9.5
<i>EZH2</i>	9.5

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CLCN3P1</i>	9.5
<i>ZFR2</i>	9.5
<i>KCNG3</i>	9.5
<i>AMER2</i>	9.5
<i>PDIA2</i>	9.5
<i>FAM171A2</i>	9.5
<i>HGFAC</i>	9.5
<i>LMNB1</i>	9.5
<i>PTTG1</i>	9.4
<i>RP11-170M17.1</i>	9.4
<i>LINC00871</i>	9.4
<i>RP11-1042B17.3</i>	9.4
<i>TRO</i>	9.4
<i>MTUS2</i>	9.4
<i>ACRV1</i>	9.4
<i>AK4P1</i>	9.4
<i>PCDHB8</i>	9.4
<i>AUNIP</i>	9.4
<i>RP11-159H10.1</i>	9.3
<i>ASS1P11</i>	9.3
<i>TCEAL2</i>	9.3
<i>LINC00391</i>	9.3
<i>GPC2</i>	9.3
<i>PAX3</i>	9.3
<i>NOVA1</i>	9.3
<i>ANKS4B</i>	9.3
<i>CPT1C</i>	9.3
<i>CCNB1</i>	9.3
<i>TFAP2A</i>	9.3
<i>MIR4697</i>	9.3
<i>MMD2</i>	9.2
<i>RP11-352G9.1</i>	9.2
<i>CDH4</i>	9.2
<i>RP11-133K1.11</i>	9.2
<i>ZNF667</i>	9.2
<i>RP5-928E24.2</i>	9.2
<i>PCDHA9</i>	9.2
<i>HIST1H2BI</i>	9.2
<i>NPTXR</i>	9.2
<i>RP11-120D5.1</i>	9.2
<i>TSSC1-IT1</i>	9.1
<i>RP11-713P17.3</i>	9.1
<i>CENPU</i>	9.1
<i>RP11-319E16.1</i>	9.1
<i>CCDC110</i>	9.1
<i>RASL10B</i>	9.1
<i>PTPRG-AS1</i>	9.1
<i>LGR4</i>	9.1
<i>NPM1P9</i>	9.1
<i>AC008074.4</i>	9.1
<i>RP11-430H10.1</i>	9.1

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-108L7.15</i>	9.1
<i>TENM4</i>	9.1
<i>AC097713.3</i>	9.1
<i>RP11-423H2.3</i>	9.0
<i>KCNH2</i>	9.0
<i>CNTFR-AS1</i>	9.0
<i>MARK1</i>	9.0
<i>EN2</i>	9.0
<i>KIAA1524</i>	9.0
<i>STRA6</i>	9.0
<i>RP11-524C21.2</i>	9.0
<i>RP11-83M16.6</i>	9.0
<i>RNF157-AS1</i>	8.9
<i>RP11-64K12.10</i>	8.9
<i>RP11-650L12.2</i>	8.9
<i>KIF11</i>	8.9
<i>PSAT1</i>	8.9
<i>RP5-1178H5.2</i>	8.9
<i>FANCI</i>	8.9
<i>ABCC8</i>	8.9
<i>GJB4</i>	8.9
<i>BTBD7P1</i>	8.9
<i>C5orf34</i>	8.9
<i>C17orf104</i>	8.9
<i>CDH24</i>	8.9
<i>SLIT1</i>	8.8
<i>RP11-98G7.1</i>	8.8
<i>PGBD5</i>	8.8
<i>RP11-408N14.1</i>	8.8
<i>RP11-946L16.1</i>	8.8
<i>RP11-88E10.4</i>	8.8
<i>RNU4-1</i>	8.8
<i>MAPK8IP2</i>	8.8
<i>LINC01063</i>	8.8
<i>CHAF1B</i>	8.8
<i>RP11-66N24.7</i>	8.8
<i>CCNE1</i>	8.8
<i>RP1-102D24.5</i>	8.7
<i>KCND2</i>	8.7
<i>RP11-288C17.1</i>	8.7
<i>FOXD2-AS1</i>	8.7
<i>RP11-254F7.1</i>	8.7
<i>SNCAIP</i>	8.7
<i>SYT7</i>	8.7
<i>BRWD1-AS1</i>	8.7
<i>NPPC</i>	8.7
<i>HOXD8</i>	8.7
<i>IZUMO2</i>	8.7
<i>AC034110.1</i>	8.7
<i>BAI1</i>	8.6
<i>STMN1</i>	8.6

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-500B12.1</i>	8.6
<i>HTR3E</i>	8.6
<i>RP11-368L12.1</i>	8.6
<i>LL0XNC01-116E7</i>	8.6
<i>BTBD11</i>	8.6
<i>LRRC16B</i>	8.6
<i>LINC01121</i>	8.6
<i>SERPINH1P1</i>	8.6
<i>AC090945.1</i>	8.6
<i>AC073043.1</i>	8.6
<i>RP11-238F2.1</i>	8.6
<i>VSX2</i>	8.6
<i>RP5-890O15.3</i>	8.6
<i>RP11-54D18.4</i>	8.6
<i>RNU6-438P</i>	8.6
<i>FAM71E2</i>	8.5
<i>RP4-669H2.1</i>	8.5
<i>MYO18B</i>	8.5
<i>LGSN</i>	8.5
<i>AC006262.5</i>	8.5
<i>RP11-831F12.3</i>	8.5
<i>WASIR2</i>	8.5
<i>NTN3</i>	8.5
<i>ADAMTS20</i>	8.5
<i>DGKI</i>	8.5
<i>RP11-536L3.4</i>	8.5
<i>CDHR2</i>	8.5
<i>LINC00471</i>	8.5
<i>RP11-564D11.3</i>	8.5
<i>CASKIN1</i>	8.4
<i>RP11-554D20.2</i>	8.4
<i>RP11-191L9.4</i>	8.4
<i>PRDM12</i>	8.4
<i>MTMR7</i>	8.4
<i>RP11-374A4.1</i>	8.4
<i>GPR173</i>	8.4
<i>RP11-1145L24.1</i>	8.4
<i>SMPD3</i>	8.4
<i>RNASEH2A</i>	8.4
<i>ANLN</i>	8.4
<i>CCDC168</i>	8.4
<i>GRIK2</i>	8.4
<i>RNF157</i>	8.4
<i>RP11-434D9.2</i>	8.4
<i>HCN2</i>	8.4
<i>RP11-324L17.1</i>	8.3
<i>MIAT</i>	8.3
<i>RP11-245D16.4</i>	8.3
<i>C7orf33</i>	8.3
<i>CEP41</i>	8.3
<i>CTD-2147F2.2</i>	8.3

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SYCE2</i>	8.3
<i>TYMS</i>	8.3
<i>LINC01248</i>	8.3
<i>RP11-32D17.4</i>	8.3
<i>NEK2P4</i>	8.3
<i>MCM4</i>	8.2
<i>ARHGAP33</i>	8.2
<i>RP11-384O8.1</i>	8.2
<i>RP11-65M17.3</i>	8.2
<i>MFI2-AS1</i>	8.2
<i>RP11-513G11.2</i>	8.2
<i>SHISA9</i>	8.2
<i>C1orf127</i>	8.2
<i>TAS2R2P</i>	8.2
<i>CHEK1</i>	8.2
<i>COL11A1</i>	8.2
<i>ZNF157</i>	8.2
<i>RP11-1055B8.9</i>	8.2
<i>DMC1</i>	8.2
<i>KCNA2</i>	8.2
<i>CDC7</i>	8.2
<i>KNTC1</i>	8.2
<i>UBL4B</i>	8.2
<i>MYCL</i>	8.2
<i>RP11-100G15.7</i>	8.2
<i>AC104655.3</i>	8.2
<i>AC097468.4</i>	8.2
<i>FAM212B-AS1</i>	8.1
<i>WDR76</i>	8.1
<i>FATE1</i>	8.1
<i>CTD-3099C6.9</i>	8.1
<i>TAC3</i>	8.1
<i>GRIN3A</i>	8.1
<i>C2CD4C</i>	8.1
<i>GNAZ</i>	8.1
<i>FHOD3</i>	8.1
<i>RP11-313C15.1</i>	8.1
<i>NTF3</i>	8.1
<i>HIST1H4C</i>	8.1
<i>XRCC6BP1</i>	8.1
<i>RP11-381E24.1</i>	8.1
<i>AC004540.4</i>	8.1
<i>RFC3</i>	8.0
<i>RP11-173M1.5</i>	8.0
<i>CST4</i>	8.0
<i>RP11-944C7.1</i>	8.0
<i>HIST2H3A</i>	8.0
<i>RP11-93H24.3</i>	8.0
<i>HOXB6</i>	8.0
<i>AP001046.6</i>	8.0
<i>RP11-646E18.4</i>	8.0

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>DTL</i>	8.0
<i>ARHGEF39</i>	8.0
<i>RP5-983L19.2</i>	8.0
<i>ENPP7P4</i>	8.0
<i>RP4-565E6.1</i>	7.9
<i>PIF1</i>	7.9
<i>RP11-679B19.1</i>	7.9
<i>CENPE</i>	7.9
<i>CKAP2</i>	7.9
<i>AC084219.4</i>	7.9
<i>MTCL1-AS1</i>	7.9
<i>RNF182</i>	7.9
<i>MIR137HG</i>	7.9
<i>OTOF</i>	7.9
<i>HIST1H2BB</i>	7.9
<i>AHSG</i>	7.9
<i>MARCKSL1</i>	7.9
<i>RECQL4</i>	7.9
<i>FLJ35934</i>	7.9
<i>C17orf53</i>	7.9
<i>EME1</i>	7.9
<i>CKMT1A</i>	7.8
<i>PCDHB9</i>	7.8
<i>HOXB2</i>	7.8
<i>RP1-127B20.4</i>	7.8
<i>RP11-325N19.3</i>	7.8
<i>HIST1H2AD</i>	7.8
<i>AWAT1</i>	7.8
<i>TSACC</i>	7.8
<i>CDK1</i>	7.8
<i>PSRC1</i>	7.8
<i>RP11-521B24.3</i>	7.8
<i>TIMELESS</i>	7.8
<i>HTR1D</i>	7.8
<i>PGAM1P7</i>	7.8
<i>PRR11</i>	7.8
<i>ZWINT</i>	7.8
<i>RP11-496D24.2</i>	7.8
<i>ARG2</i>	7.8
<i>RP11-284F21.7</i>	7.8
<i>SYNGR3</i>	7.8
<i>HMGB3</i>	7.8
<i>GINS4</i>	7.7
<i>CEP55</i>	7.7
<i>FAM178B</i>	7.7
<i>SCAMP5</i>	7.7
<i>LRRIQ4</i>	7.7
<i>RP11-575L7.4</i>	7.7
<i>BVES</i>	7.7
<i>ACYP1</i>	7.7
<i>DMRT3</i>	7.7

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>POF1B</i>	7.7
<i>AC008079.9</i>	7.7
<i>WDHD1</i>	7.7
<i>RP11-402G3.3</i>	7.7
<i>CTD-2540M10.1</i>	7.7
<i>RP11-390F4.10</i>	7.7
<i>PAFAH1B3</i>	7.7
<i>MYCNOS</i>	7.7
<i>RP11-680G10.1</i>	7.7
<i>ASPHD1</i>	7.7
<i>DKFZP434H168</i>	7.6
<i>RP3-407E4.4</i>	7.6
<i>RP11-158H5.8</i>	7.6
<i>MED12L</i>	7.6
<i>MRAP2</i>	7.6
<i>TRBV26OR9-2</i>	7.6
<i>MTHFD1P1</i>	7.6
<i>RPRM</i>	7.6
<i>TET1</i>	7.6
<i>GAL</i>	7.6
<i>ESPN</i>	7.6
<i>KRTAP10-6</i>	7.6
<i>RP11-304L19.3</i>	7.6
<i>Metazoa_SRP</i>	7.6
<i>RP5-850O15.3</i>	7.6
<i>CPSF4L</i>	7.6
<i>TMEM132D</i>	7.6
<i>TMSB15B</i>	7.6
<i>METTL11B</i>	7.6
<i>RACGAP1</i>	7.6
<i>SMIM24</i>	7.6
<i>SNRPF2</i>	7.5
<i>Six3os1_1</i>	7.5
<i>snoU13</i>	7.5
<i>C1orf111</i>	7.5
<i>MYLK2</i>	7.5
<i>BMP8B</i>	7.5
<i>RP11-544I20.2</i>	7.5
<i>CXXC4</i>	7.5
<i>FANCB</i>	7.5
<i>SNORA70</i>	7.5
<i>AF038458.5</i>	7.5
<i>CALHM3</i>	7.5
<i>C2orf48</i>	7.5
<i>RP1-74M1.3</i>	7.5
<i>TMPRSS3</i>	7.5
<i>FLJ22184</i>	7.5
<i>SNORA2</i>	7.5
<i>PPIE</i>	7.5
<i>ZNF883</i>	7.5
<i>NLGN1</i>	7.5

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>DBH-AS1</i>	7.5
<i>TMEM35</i>	7.4
<i>GPR37L1</i>	7.4
<i>MAP6D1</i>	7.4
<i>GCM1</i>	7.4
<i>MAPK8IP1</i>	7.4
<i>MKRN9P</i>	7.4
<i>AC092198.1</i>	7.4
<i>AC024592.9</i>	7.4
<i>CCDC150P1</i>	7.4
<i>RP11-96H17.3</i>	7.4
<i>GLYATL1P3</i>	7.4
<i>ATXN8OS</i>	7.4
<i>KHDC1</i>	7.4
<i>STARD6</i>	7.4
<i>CDCA7</i>	7.4
<i>AL160471.6</i>	7.4
<i>TDRD12</i>	7.4
<i>OR1H1P</i>	7.3
<i>RP11-746B8.1</i>	7.3
<i>RP11-457M11.5</i>	7.3
<i>MSL3P1</i>	7.3
<i>RP11-375B1.1</i>	7.3
<i>KCNH4</i>	7.3
<i>THEMIS3P</i>	7.3
<i>AC007966.1</i>	7.3
<i>CDT1</i>	7.3
<i>SKP2</i>	7.3
<i>CTD-2026G6.3</i>	7.3
<i>AC004593.3</i>	7.3
<i>KSR2</i>	7.3
<i>SPIN4</i>	7.3
<i>TMPO-AS1</i>	7.3
<i>Six3os1_4</i>	7.3
<i>CSTL1</i>	7.3
<i>PCBP3</i>	7.3
<i>EPHX4</i>	7.3
<i>ENHO</i>	7.3
<i>RMI2</i>	7.3
<i>SV2C</i>	7.2
<i>HIST2H2AB</i>	7.2
<i>AC078864.2</i>	7.2
<i>PKMYT1</i>	7.2
<i>BIK</i>	7.2
<i>NCAPG2</i>	7.2
<i>RP11-480I12.5</i>	7.2
<i>LINC01102</i>	7.2
<i>ATAD5</i>	7.2
<i>CIB2</i>	7.2
<i>CTC-340I23.2</i>	7.2
<i>SSX2IP</i>	7.2

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>KCNIP3</i>	7.2
<i>CSMD2</i>	7.2
<i>CEACAM7</i>	7.2
<i>FTLP12</i>	7.2
<i>RP11-332J15.2</i>	7.2
<i>CCDC144CP</i>	7.2
<i>MT3</i>	7.2
<i>HYLS1</i>	7.1
<i>RP13-685P2.8</i>	7.1
<i>AC011242.6</i>	7.1
<i>GEMIN8P4</i>	7.1
<i>TBX15</i>	7.1
<i>DISP2</i>	7.1
<i>LINC00907</i>	7.1
<i>CDKAL1</i>	7.1
<i>GALNT8</i>	7.1
<i>RP11-26M5.3</i>	7.1
<i>KB-1836B5.1</i>	7.1
<i>KCNH1-IT1</i>	7.1
<i>LLNLR-268E12.1</i>	7.1
<i>RP11-5P18.10</i>	7.1
<i>PLK4</i>	7.1
<i>RP1-39G22.7</i>	7.1
<i>HIST1H1E</i>	7.1
<i>C3orf67</i>	7.1
<i>RP5-928E24.4</i>	7.1
<i>SV2B</i>	7.1
<i>RP11-21A7A.4</i>	7.1
<i>MTCL1</i>	7.1
<i>LRRN1</i>	7.1
<i>LINC00954</i>	7.1
<i>CTD-2165H16.4</i>	7.1
<i>RP11-111M22.4</i>	7.0
<i>HOXD9</i>	7.0
<i>RPL7AP26</i>	7.0
<i>PRKRIRP8</i>	7.0
<i>RP11-567G11.1</i>	7.0
<i>BDH1</i>	7.0
<i>RP11-22P6.3</i>	7.0
<i>BNIP3P27</i>	7.0
<i>ZNF92P3</i>	7.0
<i>SH2D6</i>	7.0
<i>RP11-70F11.8</i>	7.0
<i>FOXD2</i>	7.0
<i>HIST1H2AG</i>	7.0
<i>ZCCHC18</i>	7.0
<i>KPNA2</i>	7.0
<i>TUBB8</i>	7.0
<i>CARM1P1</i>	7.0
<i>SGOL2</i>	7.0
<i>FAM83C-AS1</i>	7.0

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>STMN3</i>	7.0
<i>RP1-86C11.7</i>	7.0
<i>FANCA</i>	7.0
<i>LINC00661</i>	6.9
<i>AC003682.17</i>	6.9
<i>TMEM198</i>	6.9
<i>C10orf90</i>	6.9
<i>TCP10L</i>	6.9
<i>RP11-2E11.5</i>	6.9
<i>RP11-22B23.2</i>	6.9
<i>ENC1</i>	6.9
<i>DPY19L2P2</i>	6.9
<i>GREB1</i>	6.9
<i>AC092573.2</i>	6.9
<i>TLL7-IT1</i>	6.9
<i>AL158069.1</i>	6.9
<i>PRC1-AS1</i>	6.9
<i>RP11-421G1.2</i>	6.9
<i>RP11-527L4.2</i>	6.9
<i>HIST3H2BB</i>	6.9
<i>CTD-2510F5.4</i>	6.9
<i>PCDHA8</i>	6.9
<i>KRT75</i>	6.9
<i>LRP4-AS1</i>	6.9
<i>NRIP3</i>	6.9
<i>PNMA5</i>	6.9
<i>RP11-423C15.3</i>	6.9
<i>ACTL6A</i>	6.9
<i>ADPRHL1</i>	6.9
<i>NUP62CL</i>	6.9
<i>SMC2</i>	6.9
<i>DCAF4L2</i>	6.8
<i>RP11-573M3.3</i>	6.8
<i>RPL39L</i>	6.8
<i>ZBTB20-AS4</i>	6.8
<i>FBXO5</i>	6.8
<i>RP11-438D14.3</i>	6.8
<i>PCSK1N</i>	6.8
<i>RP1-152L7.5</i>	6.8
<i>C1orf234</i>	6.8
<i>SYN2</i>	6.8
<i>HNRNPCP4</i>	6.8
<i>RASD2</i>	6.8
<i>PAQR4</i>	6.8
<i>AKAP8P1</i>	6.8
<i>RP3-407E4.3</i>	6.8
<i>HIST3H2BA</i>	6.8
<i>GGH</i>	6.8
<i>E2F1</i>	6.8
<i>RP11-829H16.3</i>	6.8
<i>IGFBP5</i>	6.8

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-474P2.6</i>	6.8
<i>PAK3</i>	6.8
<i>RPL9P5</i>	6.8
<i>ZNF705G</i>	6.8
<i>DDN</i>	6.8
<i>LINC01280</i>	6.8
<i>SMCO2</i>	6.7
<i>RP1-101D8.1</i>	6.7
<i>RNFT2</i>	6.7
<i>RAD51</i>	6.7
<i>HOXB1</i>	6.7
<i>FAM72D</i>	6.7
<i>C3orf14</i>	6.7
<i>CTD-2377O17.1</i>	6.7
<i>RP11-91H12.4</i>	6.7
<i>CCDC28B</i>	6.7
<i>ENO2</i>	6.7
<i>HIST1H3I</i>	6.7
<i>STRCP1</i>	6.7
<i>HIST2H4A</i>	6.7
<i>SMKR1</i>	6.7
<i>TDGF1P7</i>	6.7
<i>WSCD1</i>	6.7
<i>HIST1H4L</i>	6.7
<i>AC079610.2</i>	6.7
<i>TMEM61</i>	6.7
<i>ADAMTS14</i>	6.7
<i>LINC01342</i>	6.7
<i>TRIT1</i>	6.6
<i>MESTP1</i>	6.6
<i>RP11-353N14.5</i>	6.6
<i>SPP1</i>	6.6
<i>HOXC4</i>	6.6
<i>RIMS4</i>	6.6
<i>RP11-114H23.2</i>	6.6
<i>FEN1</i>	6.6
<i>RP11-542G1.1</i>	6.6
<i>C2CD4A</i>	6.6
<i>RP5-1017F8.2</i>	6.6
<i>BCAN</i>	6.6
<i>AC133680.1</i>	6.6
<i>CTC-273B12.10</i>	6.6
<i>VANGL2</i>	6.6
<i>AC002310.17</i>	6.6
<i>TSPEAR</i>	6.6
<i>CCNF</i>	6.6
<i>FAM81A</i>	6.6
<i>FAR2P2</i>	6.6
<i>DFNB31</i>	6.6
<i>IGSF9B</i>	6.6
<i>WNT11</i>	6.6

Gene Name	Fold change relative to normal
AC120042.1	6.6
AC104088.1	6.5
APOBEC3B	6.5
HMGB3P6	6.5
KIAA1211	6.5
ZNF878	6.5
RP11-30L15.4	6.5
LL09NC01-139C3	6.5
RP11-154J22.1	6.5
RP11-111M22.2	6.5
RP6-191P20.5	6.5
KIRREL3-AS2	6.5
RP4-621N11.2	6.5
RP11-410N8.4	6.5
RP11-166D18.1	6.5
C9orf163	6.5
CLIP3	6.5
MTL5	6.5
CENPW	6.5
CTD-2083E4.4	6.5
AC105402.2	6.5
PCDHB10	6.4
CENPV	6.4
RP11-586D19.1	6.4
RP11-146F11.5	6.4
HOXB3	6.4
RP11-565P22.2	6.4
MEX3B	6.4
SYT11	6.4
ARNTL2	6.4
VAX2	6.4
DDX12P	6.4
FBLN7	6.4
ARHGEF7-AS2	6.4
TXNDC16	6.4
RNF165	6.4
SLC35G2	6.4
RNU6-678P	6.4
FAM27E3	6.4
RP11-351C21.2	6.4
CPLX1	6.4
PCNA	6.4
RP11-484K9.4	6.4
ARHGAP19-SLIT1	6.4
SLC13A3	6.4
AL121578.2	6.3
SLC7A9	6.3
CCDC154	6.3
KALRN	6.3
RP11-269C23.5	6.3
RP11-317P15.4	6.3

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>HIST1H4K</i>	6.3
<i>FAM131B</i>	6.3
<i>CTD-2620I22.3</i>	6.3
<i>KRT80</i>	6.3
<i>C19orf57</i>	6.3
<i>ANKRD18A</i>	6.3
<i>ZNF252P-AS1</i>	6.3
<i>B4GALT6</i>	6.3
<i>GMNN</i>	6.3
<i>CDH8</i>	6.3
<i>CIART</i>	6.3
<i>CDCA4</i>	6.3
<i>MPP2</i>	6.3
<i>RP11-687F6.5</i>	6.3
<i>CTD-2340E1.2</i>	6.3
<i>RNU2-22P</i>	6.3
<i>RP11-480G7.2</i>	6.3
<i>RP11-44N12.5</i>	6.2
<i>RP11-687F6.1</i>	6.2
<i>EPHA10</i>	6.2
<i>OR1J1</i>	6.2
<i>KIAA0101</i>	6.2
<i>MTBP</i>	6.2
<i>RP11-132A1.6</i>	6.2
<i>HIST2H2BC</i>	6.2
<i>RP11-115C10.1</i>	6.2
<i>KIF18A</i>	6.2
<i>GAREML</i>	6.2
<i>VASH2</i>	6.2
<i>MAPK6PS3</i>	6.2
<i>RP11-34F20.7</i>	6.2
<i>GFRA4</i>	6.2
<i>SNAP25-AS1</i>	6.2
<i>RP4-738P11.4</i>	6.2
<i>GNRH2</i>	6.2
<i>AC097468.7</i>	6.2
<i>SCRT1</i>	6.2
<i>RP11-680F20.10</i>	6.2
<i>HOXD3</i>	6.2
<i>IL12RB2</i>	6.2
<i>RAD54B</i>	6.2
<i>ASPDH</i>	6.2
<i>SLC36A4</i>	6.2
<i>RP11-231I16.1</i>	6.2
<i>SDK2</i>	6.2
<i>MSI2</i>	6.2
<i>RP11-430E17.1</i>	6.1
<i>IPO9-AS1</i>	6.1
<i>TRIM36</i>	6.1
<i>PRTFDC1</i>	6.1
<i>MDK</i>	6.1

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>FLJ12825</i>	6.1
<i>PSIP1</i>	6.1
<i>SLC16A14</i>	6.1
<i>CHRM5</i>	6.1
<i>RHEBL1</i>	6.1
<i>PDZD4</i>	6.1
<i>KLHL23</i>	6.1
<i>CKS1B</i>	6.1
<i>AC023593.1</i>	6.1
<i>DIRAS1</i>	6.1
<i>LINC01132</i>	6.1
<i>FANCG</i>	6.1
<i>ABLIM2</i>	6.1
<i>IZUMO4</i>	6.1
<i>OVOL3</i>	6.1
<i>AC073415.2</i>	6.1
<i>CTD-2349P21.6</i>	6.1
<i>GDAP1</i>	6.0
<i>RMI1</i>	6.0
<i>CTD-3105H18.9</i>	6.0
<i>SPTBN2</i>	6.0
<i>RBP1</i>	6.0
<i>OR13A1</i>	6.0
<i>RP11-174O3.3</i>	6.0
<i>HOXB7</i>	6.0
<i>KLF1</i>	6.0
<i>HFM1</i>	6.0
<i>C15orf41</i>	6.0
<i>NHS</i>	6.0
<i>C9orf84</i>	6.0
<i>FAIM2</i>	6.0
<i>TLL2</i>	6.0
<i>RP11-38J22.3</i>	6.0
<i>TMEM169</i>	6.0
<i>AC007204.2</i>	6.0
<i>LCT</i>	6.0
<i>HIST1H3D</i>	6.0
<i>AL353997.3</i>	6.0
<i>RP11-143K11.5</i>	6.0
<i>RP11-7I15.4</i>	6.0
<i>GRIP1</i>	5.9
<i>FAM72A</i>	5.9
<i>ARTN</i>	5.9
<i>MEGF11</i>	5.9
<i>RP11-634H22.1</i>	5.9
<i>AC004158.2</i>	5.9
<i>OXCT1</i>	5.9
<i>RP5-842K16.1</i>	5.9
<i>CTD-3222D19.12</i>	5.9
<i>CTD-3149D2.3</i>	5.9
<i>SNORA81</i>	5.9

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-428P16.2</i>	5.9
<i>AK4</i>	5.9
<i>CTC-453G23.5</i>	5.9
<i>AP001626.2</i>	5.9
<i>FGF9</i>	5.9
<i>RP11-190P13.1</i>	5.9
<i>HOXA11</i>	5.9
<i>RP4-536B24.3</i>	5.9
<i>CRHR2</i>	5.9
<i>RP11-307O13.1</i>	5.9
<i>C19orf48</i>	5.9
<i>SPTBN4</i>	5.9
<i>HIST1H2AH</i>	5.9
<i>RP11-728F11.4</i>	5.9
<i>FAM3B</i>	5.9
<i>RP11-142E9.1</i>	5.9
<i>ASNS</i>	5.9
<i>RP11-977B10.2</i>	5.8
<i>FGF17</i>	5.8
<i>MCM6</i>	5.8
<i>SH2D7</i>	5.8
<i>RP11-192N10.2</i>	5.8
<i>RP11-161H23.10</i>	5.8
<i>CALHM1</i>	5.8
<i>RPL31P61</i>	5.8
<i>UCK2</i>	5.8
<i>RP11-895M11.2</i>	5.8
<i>RP11-98D18.9</i>	5.8
<i>RP11-973D8.5</i>	5.8
<i>RP11-95O2.1</i>	5.8
<i>ZFP69B</i>	5.8
<i>QPCT</i>	5.8
<i>TMEM132A</i>	5.8
<i>DSCC1</i>	5.8
<i>PLSCR2</i>	5.8
<i>TUBA1A</i>	5.8
<i>CTC-327F10.4</i>	5.8
<i>BRCA1</i>	5.8
<i>RP11-91I20.2</i>	5.8
<i>RP11-114H23.1</i>	5.8
<i>RP11-168F9.2</i>	5.8
<i>ATAD2</i>	5.8
<i>TBCAP2</i>	5.8
<i>RP11-142A23.1</i>	5.8
<i>NYAP1</i>	5.7
<i>GPR61</i>	5.7
<i>SALL4</i>	5.7
<i>IL17RD</i>	5.7
<i>MAD2L2</i>	5.7
<i>GSG2</i>	5.7
<i>TMEM179</i>	5.7

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RASL11B</i>	5.7
<i>RP11-159D12.11</i>	5.7
<i>TMEM106C</i>	5.7
<i>ARHGEF7-AS1</i>	5.7
<i>C1orf112</i>	5.7
<i>MYOM3</i>	5.7
<i>SOX4</i>	5.7
<i>SPTB</i>	5.7
<i>CTD-2256P15.2</i>	5.7
<i>RIMKLA</i>	5.7
<i>KIF3C</i>	5.7
<i>RP11-572C21.1</i>	5.7
<i>ADARB2</i>	5.7
<i>DNM1</i>	5.7
<i>TFDP1</i>	5.7
<i>ZNF840</i>	5.7
<i>AC093375.1</i>	5.6
<i>HNRNPA3P9</i>	5.6
<i>AC010980.2</i>	5.6
<i>Y_RNA</i>	5.6
<i>RP11-55K13.1</i>	5.6
<i>MND1</i>	5.6
<i>PDCL2</i>	5.6
<i>TARDBPP2</i>	5.6
<i>DNA2</i>	5.6
<i>GGTA2P</i>	5.6
<i>CKS1BP7</i>	5.6
<i>RP11-319E16.2</i>	5.6
<i>SNORA70</i>	5.6
<i>RP11-267D19.2</i>	5.6
<i>RP11-20I20.1</i>	5.6
<i>RP11-441F2.2</i>	5.6
<i>ACAN</i>	5.6
<i>CCDC136</i>	5.6
<i>FBXL16</i>	5.6
<i>AC092835.2</i>	5.6
<i>FZD3</i>	5.6
<i>RP4-758J18.13</i>	5.6
<i>AF038458.3</i>	5.6
<i>RP11-80H5.2</i>	5.6
<i>CRYGN</i>	5.6
<i>RNU2-11P</i>	5.6
<i>C16orf92</i>	5.5
<i>WIPF3</i>	5.5
<i>RP11-739L10.1</i>	5.5
<i>RP11-781A6.1</i>	5.5
<i>RHCE</i>	5.5
<i>CBFA2T2</i>	5.5
<i>AC003088.1</i>	5.5
<i>RP11-465B22.8</i>	5.5
<i>RETNLB</i>	5.5

Gene Name	Fold change relative to normal
AC004381.6	5.5
RPS6KA6	5.5
RP11-707O23.5	5.5
RNA5SP323	5.5
DDX11	5.5
Six3os1_5	5.5
TCTEX1D2	5.5
RP11-421M1.8	5.5
AC006116.21	5.5
PRPH	5.5
FAM60CP	5.5
RRM1	5.5
LINC00594	5.5
NAALADL2-AS2	5.5
NPM2	5.5
AC105402.3	5.5
GPRC5B	5.5
RP11-173B14.4	5.5
NMNAT3	5.5
RP5-940J5.3	5.5
BARD1	5.4
DIAPH3	5.4
TRAIP	5.4
KCNB1	5.4
YEATS2-AS1	5.4
LINC00683	5.4
CENPL	5.4
MKRN7P	5.4
ARHGAP11A	5.4
RP11-133K1.7	5.4
HMGB2	5.4
MCM8	5.4
FGD1	5.4
CTD-2210P15.2	5.4
HRASLS	5.4
LINC01206	5.4
ARID3C	5.4
RP11-98D18.1	5.4
RP11-175P19.2	5.4
GS1-279B7.1	5.4
CDKN2B-AS1	5.4
CTD-2116N20.1	5.4
RP11-108M9.3	5.4
AC073321.4	5.4
C9orf40	5.4
RP11-18B3.2	5.4
HIF1A-AS1	5.4
RP11-369G6.2	5.4
RP5-1033H22.2	5.4
LINC00652	5.4
RP11-809H16.3	5.4

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SLC12A5</i>	5.4
<i>RP11-168O16.1</i>	5.4
<i>CPE</i>	5.3
<i>RP5-1074L1.4</i>	5.3
<i>CTD-2582D11.1</i>	5.3
<i>AGPAT5</i>	5.3
<i>PPAT</i>	5.3
<i>RP11-230B22.1</i>	5.3
<i>FIGNL1</i>	5.3
<i>RP11-343N15.2</i>	5.3
<i>RNU7-75P</i>	5.3
<i>RP11-626I20.3</i>	5.3
<i>RP11-594N15.2</i>	5.3
<i>PYCR1</i>	5.3
<i>CKM</i>	5.3
<i>POLA1</i>	5.3
<i>PTGES3L</i>	5.3
<i>RP11-168A11.4</i>	5.3
<i>C12orf75</i>	5.3
<i>DONSON</i>	5.3
<i>MMS22L</i>	5.3
<i>GPSM2</i>	5.3
<i>IQCC</i>	5.3
<i>CEP97</i>	5.3
<i>RP6-65G23.3</i>	5.3
<i>LINC00925</i>	5.3
<i>RAC3</i>	5.3
<i>LL0XNC01-116E7</i>	5.3
<i>NT5M</i>	5.3
<i>PCLO</i>	5.3
<i>RP11-53B5.1</i>	5.3
<i>PCYT1B</i>	5.3
<i>AC011747.3</i>	5.3
<i>MRPL23-AS1</i>	5.3
<i>AC011747.4</i>	5.3
<i>RP11-53I6.4</i>	5.2
<i>FAM161A</i>	5.2
<i>RP11-406D1.2</i>	5.2
<i>RP1-228H13.5</i>	5.2
<i>RP11-266L9.1</i>	5.2
<i>MAP2</i>	5.2
<i>TAS2R38</i>	5.2
<i>CHN2</i>	5.2
<i>GLYATL1P4</i>	5.2
<i>TOPBP1</i>	5.2
<i>CTC-453G23.4</i>	5.2
<i>PHGDH</i>	5.2
<i>CTXN2</i>	5.2
<i>PRR19</i>	5.2
<i>RAB6B</i>	5.2
<i>BMP8A</i>	5.2

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CLTCL1</i>	5.2
<i>AC004076.5</i>	5.2
<i>AC093388.3</i>	5.2
<i>RP11-157D18.2</i>	5.2
<i>RP11-71H17.1</i>	5.2
<i>AC073621.2</i>	5.2
<i>RP11-188D8.1</i>	5.2
<i>BCYRN1</i>	5.2
<i>AC012360.4</i>	5.2
<i>FAM60BP</i>	5.2
<i>TMEM194A</i>	5.2
<i>RP11-210N13.1</i>	5.2
<i>AF064860.5</i>	5.2
<i>AC069257.6</i>	5.2
<i>HOXA-AS3</i>	5.2
<i>SMC4</i>	5.1
<i>ADAMTSL1</i>	5.1
<i>AC022182.2</i>	5.1
<i>PPP1R14D</i>	5.1
<i>RP11-814H16.2</i>	5.1
<i>RP11-307L3.4</i>	5.1
<i>CADM4</i>	5.1
<i>RP11-243J16.8</i>	5.1
<i>ZDHHC13</i>	5.1
<i>RPS6KL1</i>	5.1
<i>RP11-27N21.3</i>	5.1
<i>LL0XNC01-116E7</i>	5.1
<i>CRHR1-IT1</i>	5.1
<i>MURC</i>	5.1
<i>RP11-701I24.3</i>	5.1
<i>FMR1-AS1</i>	5.1
<i>RP11-434D11.4</i>	5.1
<i>APBA2</i>	5.1
<i>LINC01399</i>	5.1
<i>MAGEA8</i>	5.1
<i>NRTN</i>	5.1
<i>CCDC64</i>	5.1
<i>TMEM59L</i>	5.1
<i>ECE2</i>	5.1
<i>TMPO</i>	5.1
<i>MFSD6L</i>	5.1
<i>ZNF738</i>	5.1
<i>ADAM11</i>	5.1
<i>CHAF1A</i>	5.1
<i>HNRNPA1P16</i>	5.1
<i>RP11-696L21.2</i>	5.1
<i>AC068831.16</i>	5.1
<i>RP11-332J15.3</i>	5.1
<i>RP11-621H8.2</i>	5.1
<i>CACNA1C-AS1</i>	5.0
<i>RP11-334C17.6</i>	5.0

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RASGEF1C</i>	5.0
<i>RP11-421E14.2</i>	5.0
<i>SALL4P7</i>	5.0
<i>EMC3-AS1</i>	5.0
<i>RP11-63N3.1</i>	5.0
<i>AC020915.2</i>	5.0
<i>LINC00337</i>	5.0
<i>SLC7A4</i>	5.0
<i>FLJ37201</i>	5.0
<i>KLC3</i>	5.0
<i>CERS6</i>	5.0
<i>LAGE3P1</i>	5.0
<i>SPP2</i>	5.0
<i>MPHOSPH9</i>	5.0
<i>RP5-836N17.4</i>	5.0
<i>RP11-260M19.2</i>	5.0
<i>PROX1-AS1</i>	5.0
<i>CEP85</i>	5.0
<i>HMGA1P8</i>	5.0
<i>PLEK2</i>	5.0
<i>CTD-2529O21.1</i>	5.0
<i>BEX2</i>	5.0
<i>SNORA47</i>	5.0
<i>RP1-80N2.3</i>	5.0
<i>RP11-346J10.2</i>	5.0
<i>SLMO1</i>	5.0
<i>EIF3EP1</i>	5.0
<i>LINC00618</i>	5.0
<i>SNORA70</i>	5.0
<i>CTD-2562G15.3</i>	5.0
<i>PCDHB3</i>	5.0
<i>STK32A</i>	5.0
<i>PRIM1</i>	5.0
<i>HOXB-AS1</i>	5.0
<i>STAM-AS1</i>	5.0
<i>RP11-546B8.5</i>	5.0
<i>C16orf47</i>	5.0
<i>PSD</i>	4.9
<i>RP13-395E19.2</i>	4.9
<i>AC018705.5</i>	4.9
<i>RP5-1120P11.1</i>	4.9
<i>TEX30</i>	4.9
<i>C4orf46</i>	4.9
<i>RP5-908M14.10</i>	4.9
<i>LARP1P1</i>	4.9
<i>RP11-95G17.2</i>	4.9
<i>RP11-798M19.3</i>	4.9
<i>FRAS1</i>	4.9
<i>HIST1H2AB</i>	4.9
<i>AC078864.1</i>	4.9
<i>CTD-2521M24.6</i>	4.9

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>PMAIP1</i>	4.9
<i>RP11-649A18.4</i>	4.9
<i>ZP3</i>	4.9
<i>CTD-2105E13.16</i>	4.9
<i>LIG1</i>	4.9
<i>SLFN13</i>	4.9
<i>EPHB2</i>	4.9
<i>RP11-404P21.3</i>	4.9
<i>RP11-599J14.2</i>	4.9
<i>NUAK1</i>	4.9
<i>AC140481.8</i>	4.9
<i>CTC-276P9.4</i>	4.9
<i>MYEF2</i>	4.9
<i>FRMPD3</i>	4.9
<i>ZNF530</i>	4.9
<i>IL22RA1</i>	4.9
<i>SRCRB4D</i>	4.9
<i>RP11-393I2.4</i>	4.9
<i>RAB19</i>	4.9
<i>ANO9</i>	4.9
<i>ATP8A2</i>	4.9
<i>C4orf50</i>	4.9
<i>SLC7A11</i>	4.9
<i>C21orf58</i>	4.9
<i>TRIM46</i>	4.9
<i>ZNF713</i>	4.9
<i>DLEU2</i>	4.9
<i>HOXB4</i>	4.8
<i>RFC5</i>	4.8
<i>FETUB</i>	4.8
<i>FAXC</i>	4.8
<i>HMGN2P4</i>	4.8
<i>ASS1P2</i>	4.8
<i>RP11-635N19.2</i>	4.8
<i>AC015933.2</i>	4.8
<i>GPR63</i>	4.8
<i>CGREF1</i>	4.8
<i>RP11-13K12.1</i>	4.8
<i>RP3-486I3.7</i>	4.8
<i>SUV39H2</i>	4.8
<i>GOLGA7B</i>	4.8
<i>FSD1L</i>	4.8
<i>ATP6V0E2-AS1</i>	4.8
<i>BRI3BP</i>	4.8
<i>RPL18P10</i>	4.8
<i>TMCC2</i>	4.8
<i>KATNAL2</i>	4.8
<i>ZNF625</i>	4.8
<i>NR0B2</i>	4.8
<i>MYRIP</i>	4.8
<i>ANKRD13B</i>	4.8

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>NUP155</i>	4.8
<i>RP3-428L16.2</i>	4.8
<i>HIST1H2BE</i>	4.8
<i>CEP78</i>	4.8
<i>RNF6P1</i>	4.8
<i>SLC29A4</i>	4.8
<i>CELSR2</i>	4.8
<i>HSF2BP</i>	4.8
<i>SYNJ2</i>	4.8
<i>RP11-342A23.1</i>	4.8
<i>RP3-322G13.7</i>	4.8
<i>RP11-849F2.7</i>	4.8
<i>OLIG3</i>	4.8
<i>MESP1</i>	4.8
<i>YWHAZP4</i>	4.8
<i>RP11-489G11.3</i>	4.8
<i>RP11-383I23.2</i>	4.8
<i>LZTS1</i>	4.8
<i>AC159540.2</i>	4.8
<i>DNMT3B</i>	4.8
<i>DSP</i>	4.8
<i>CTHRC1</i>	4.7
<i>RP11-94H18.1</i>	4.7
<i>SKA2</i>	4.7
<i>INCENP</i>	4.7
<i>SRD5A1</i>	4.7
<i>RP11-312J18.5</i>	4.7
<i>GLP1R</i>	4.7
<i>ADCY5</i>	4.7
<i>POLE</i>	4.7
<i>CTB-92J24.2</i>	4.7
<i>CA8</i>	4.7
<i>NCAPD3</i>	4.7
<i>AC012363.8</i>	4.7
<i>LL0XNC01-116E7</i>	4.7
<i>PAX6</i>	4.7
<i>RP11-435J9.2</i>	4.7
<i>TUBB4BP2</i>	4.7
<i>AC002116.7</i>	4.7
<i>RP11-530N7.2</i>	4.7
<i>CTD-2574D22.2</i>	4.7
<i>RP5-1025A1.3</i>	4.7
<i>RBFADN</i>	4.7
<i>UNG</i>	4.7
<i>SUV420H2</i>	4.7
<i>RP11-535M15.2</i>	4.7
<i>AMOT</i>	4.7
<i>SLC38A1</i>	4.7
<i>RP11-281P23.2</i>	4.7
<i>SASS6</i>	4.7
<i>RP4-726N1.2</i>	4.7

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-889L3.4</i>	4.7
<i>RP3-337H4.8</i>	4.7
<i>PSMC3IP</i>	4.7
<i>DUSP4</i>	4.7
<i>RP11-264C15.2</i>	4.7
<i>STRIP2</i>	4.6
<i>GUSBP8</i>	4.6
<i>RP11-1C8.5</i>	4.6
<i>CTD-2547G23.4</i>	4.6
<i>MCM7</i>	4.6
<i>BSN-AS2</i>	4.6
<i>RP11-77E14.2</i>	4.6
<i>AC007461.2</i>	4.6
<i>TNFRSF11A</i>	4.6
<i>COL6A4P1</i>	4.6
<i>RP11-196G18.22</i>	4.6
<i>RP4-777D9.2</i>	4.6
<i>HSD11B2</i>	4.6
<i>TUBB2A</i>	4.6
<i>IBSP</i>	4.6
<i>FBXO45</i>	4.6
<i>ERC2</i>	4.6
<i>XXbac-B562F10.1</i>	4.6
<i>CBX1</i>	4.6
<i>DBF4</i>	4.6
<i>LRRN2</i>	4.6
<i>NKPD1</i>	4.6
<i>RBBP4P4</i>	4.6
<i>AC011523.2</i>	4.6
<i>TTC9B</i>	4.6
<i>RP11-219B4.7</i>	4.6
<i>SEC61A2</i>	4.6
<i>HS3ST1</i>	4.6
<i>AC074117.13</i>	4.6
<i>TCP11X2</i>	4.6
<i>MNS1</i>	4.6
<i>ZMPSTE24</i>	4.6
<i>Y_RNA</i>	4.6
<i>GYLTL1B</i>	4.6
<i>RPL7AP2</i>	4.5
<i>CTB-102L5.8</i>	4.5
<i>DPYSL3</i>	4.5
<i>BRCA2</i>	4.5
<i>POLR3G</i>	4.5
<i>RP11-3B12.4</i>	4.5
<i>CENPN</i>	4.5
<i>AKR7L</i>	4.5
<i>RP11-87C12.5</i>	4.5
<i>SDK1</i>	4.5
<i>RP11-412D9.4</i>	4.5
<i>RP11-274H2.3</i>	4.5

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SSBP3-AS1</i>	4.5
<i>C1orf74</i>	4.5
<i>RP11-435O5.6</i>	4.5
<i>RP11-560J1.2</i>	4.5
<i>RP11-197P3.5</i>	4.5
<i>RP11-100I7.1</i>	4.5
<i>RP11-187A9.3</i>	4.5
<i>GBAP1</i>	4.5
<i>RP11-839D17.3</i>	4.5
<i>BAALC</i>	4.5
<i>ZC3HAV1L</i>	4.5
<i>RP4-751H13.7</i>	4.5
<i>DCLK2</i>	4.5
<i>FRMPD1</i>	4.5
<i>RP11-301O19.1</i>	4.5
<i>CBX8</i>	4.5
<i>CCDC87</i>	4.5
<i>NME1</i>	4.5
<i>H2AFX</i>	4.4
<i>CIT</i>	4.4
<i>ZNF8</i>	4.4
<i>FSTL4</i>	4.4
<i>AC114803.3</i>	4.4
<i>RP11-334G22.1</i>	4.4
<i>RP11-386G11.10</i>	4.4
<i>SATB2</i>	4.4
<i>MSH2</i>	4.4
<i>RN7SL381P</i>	4.4
<i>CDC20P1</i>	4.4
<i>RN7SL449P</i>	4.4
<i>RP11-25B7.1</i>	4.4
<i>RP11-181B11.1</i>	4.4
<i>PCA3</i>	4.4
<i>DBF4P1</i>	4.4
<i>RP11-70L8.4</i>	4.4
<i>MYADML2</i>	4.4
<i>UPF3B</i>	4.4
<i>RP5-943J3.2</i>	4.4
<i>TMEM246</i>	4.4
<i>CTPS1</i>	4.4
<i>MXD3</i>	4.4
<i>RP11-74C1.4</i>	4.4
<i>TUBBP2</i>	4.4
<i>AC083884.8</i>	4.4
<i>C18orf54</i>	4.4
<i>NCS1</i>	4.4
<i>CTC-444N24.13</i>	4.4
<i>SYTL4</i>	4.4
<i>RP11-325L7.1</i>	4.4
<i>RP11-506M12.1</i>	4.4
<i>RP11-332J15.1</i>	4.4

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>IGFL1P1</i>	4.4
<i>NARF-IT1</i>	4.4
<i>ZGRF1</i>	4.4
<i>RP11-2E11.9</i>	4.4
<i>DIRC3-AS1</i>	4.4
<i>RP3-467N11.1</i>	4.4
<i>TRAPPC13P1</i>	4.4
<i>FNDC7</i>	4.4
<i>SLC16A1</i>	4.3
<i>ANKRD20A1</i>	4.3
<i>NAV1</i>	4.3
<i>RP11-544A12.4</i>	4.3
<i>AC006262.11</i>	4.3
<i>RP11-689C9.1</i>	4.3
<i>RP11-386G11.5</i>	4.3
<i>SLC4A8</i>	4.3
<i>PPM1H</i>	4.3
<i>USP49</i>	4.3
<i>POMC</i>	4.3
<i>RP11-469L4.1</i>	4.3
<i>KCTD21-AS1</i>	4.3
<i>HNRNPA3P3</i>	4.3
<i>RP11-272P10.2</i>	4.3
<i>RP11-401N16.2</i>	4.3
<i>IGLVIVOR22-1</i>	4.3
<i>RP11-559M23.1</i>	4.3
<i>CDK2</i>	4.3
<i>ANKRD32</i>	4.3
<i>HTR6</i>	4.3
<i>RGAG1</i>	4.3
<i>FDPSP8</i>	4.3
<i>RP11-305P22.9</i>	4.3
<i>RP11-435D7.3</i>	4.3
<i>MZT1</i>	4.3
<i>PHF6</i>	4.3
<i>CTD-3138B18.6</i>	4.3
<i>OXCT1-AS1</i>	4.2
<i>PGF</i>	4.2
<i>RP11-18H7.1</i>	4.2
<i>PLEKHG5</i>	4.2
<i>RP11-312B8.1</i>	4.2
<i>RP11-705O1.8</i>	4.2
<i>RP5-1024G6.8</i>	4.2
<i>STK24-AS1</i>	4.2
<i>PRUNE2</i>	4.2
<i>CHTF18</i>	4.2
<i>ZNF681</i>	4.2
<i>RP1-274L7.4</i>	4.2
<i>CALR4P</i>	4.2
<i>LINC01301</i>	4.2
<i>SEZ6L2</i>	4.2

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CYP4F8</i>	4.2
<i>SLC2A1-AS1</i>	4.2
<i>MCM3</i>	4.2
<i>ATP6V1C2</i>	4.2
<i>RP11-16N11.2</i>	4.2
<i>ZNF93</i>	4.2
<i>HOXB-AS2</i>	4.2
<i>MCF2L-AS1</i>	4.2
<i>DNAH14</i>	4.2
<i>RP11-1012A1.7</i>	4.2
<i>RNU6-658P</i>	4.2
<i>SNORD88A</i>	4.2
<i>C16orf87</i>	4.2
<i>RP11-376M2.2</i>	4.2
<i>AC010642.1</i>	4.2
<i>FAM155A</i>	4.2
<i>SPDL1</i>	4.2
<i>AC006042.6</i>	4.2
<i>CDK2AP2P2</i>	4.2
<i>TNFRSF25</i>	4.2
<i>HMG2P3</i>	4.2
<i>SLC2A1</i>	4.2
<i>PTPRN2</i>	4.2
<i>AC139099.5</i>	4.2
<i>TSHZ2</i>	4.2
<i>RP11-831A10.1</i>	4.2
<i>SLC26A5</i>	4.2
<i>ZWILCH</i>	4.2
<i>LMNB2</i>	4.2
<i>RP11-466A19.3</i>	4.2
<i>RP11-466A19.8</i>	4.2
<i>KCNH1</i>	4.2
<i>LGI2</i>	4.2
<i>DHFRP1</i>	4.2
<i>CENPH</i>	4.2
<i>VN1R110P</i>	4.2
<i>RP11-152N13.5</i>	4.2
<i>U47924.29</i>	4.2
<i>PDK1</i>	4.1
<i>PCDHB14</i>	4.1
<i>IGFBP2</i>	4.1
<i>AC135050.5</i>	4.1
<i>KCND3</i>	4.1
<i>TK1</i>	4.1
<i>HAUS1P3</i>	4.1
<i>DBF4B</i>	4.1
<i>MCTS2P</i>	4.1
<i>NT5DC3</i>	4.1
<i>TUBG1</i>	4.1
<i>PI15</i>	4.1
<i>ZNF749</i>	4.1

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP13-455A7.1</i>	4.1
<i>SMS</i>	4.1
<i>ZNF726</i>	4.1
<i>ZNF793</i>	4.1
<i>RNU2-69P</i>	4.1
<i>HAUS5</i>	4.1
<i>PLXNB3</i>	4.1
<i>PM20D2</i>	4.1
<i>VPS37D</i>	4.1
<i>LRP8</i>	4.1
<i>ZNF519</i>	4.1
<i>EGLN3</i>	4.1
<i>HMG2</i>	4.1
<i>PLCB1</i>	4.1
<i>CACNB3</i>	4.1
<i>RP11-21B23.1</i>	4.1
<i>RCC2</i>	4.1
<i>PDCD6IPP2</i>	4.1
<i>RP11-335E6.3</i>	4.1
<i>RP11-398C13.6</i>	4.1
<i>LA16c-358B7.4</i>	4.1
<i>RP11-385M4.3</i>	4.0
<i>RP4-800J21.3</i>	4.0
<i>FLJ41941</i>	4.0
<i>AC093901.1</i>	4.0
<i>PVRL1</i>	4.0
<i>MDM1</i>	4.0
<i>KIF22</i>	4.0
<i>RP11-184M15.2</i>	4.0
<i>RP11-108M9.6</i>	4.0
<i>RP11-746P2.3</i>	4.0
<i>ZNF850</i>	4.0
<i>RP11-52A20.2</i>	4.0
<i>ZNF714</i>	4.0
<i>CTA-390C10.9</i>	4.0
<i>ICA1L</i>	4.0
<i>HIST1H2BL</i>	4.0
<i>USP1</i>	4.0
<i>GOLGA2P8</i>	4.0
<i>RP11-374M1.2</i>	4.0
<i>RP11-1E4.1</i>	4.0
<i>DNMT1</i>	4.0
<i>NEURL1B</i>	4.0
<i>HAUS1</i>	4.0
<i>CROCCP1</i>	4.0
<i>HYDIN2</i>	4.0
<i>SLC7A1</i>	4.0
<i>GKAP1</i>	4.0
<i>RP11-516A11.1</i>	4.0
<i>NARF</i>	4.0
<i>PSPH</i>	4.0

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP13-735L24.1</i>	4.0
<i>NFYC-AS1</i>	4.0
<i>RP11-650J17.1</i>	4.0
<i>RP4-665J23.2</i>	4.0
<i>ICA1</i>	4.0
<i>C14orf37</i>	4.0
<i>MCOLN3</i>	4.0
<i>CTD-2349P21.11</i>	4.0
<i>OR7E14P</i>	4.0
<i>SETSIP</i>	4.0
<i>ZNF525</i>	4.0
<i>AC079753.5</i>	4.0
<i>RP4-730K3.3</i>	4.0
<i>SAAL1</i>	4.0
<i>RP11-481A20.11</i>	4.0
<i>SRRM5</i>	4.0
<i>RP11-110I1.12</i>	4.0
<i>TTLL7</i>	4.0
<i>CTD-2203K17.1</i>	4.0
<i>FAM60A</i>	4.0
<i>GMPS</i>	4.0
<i>CTD-2555O16.3</i>	3.9
<i>CAPN10-AS1</i>	3.9
<i>TPI1P3</i>	3.9
<i>RP11-376O6.2</i>	3.9
<i>TPBGL</i>	3.9
<i>MIR1289-1</i>	3.9
<i>GINS3</i>	3.9
<i>RP11-115C21.2</i>	3.9
<i>SLC7A5</i>	3.9
<i>LRRFIP1P1</i>	3.9
<i>LARGE-AS1</i>	3.9
<i>RP11-656D10.3</i>	3.9
<i>SEPT5</i>	3.9
<i>SLC4A3</i>	3.9
<i>RP1-168L15.5</i>	3.9
<i>HPRT1</i>	3.9
<i>HSF2</i>	3.9
<i>C2ORF15</i>	3.9
<i>MAMSTR</i>	3.9
<i>NUDT19P3</i>	3.9
<i>NBEA</i>	3.9
<i>HNRNPA3P10</i>	3.9
<i>PGAP1</i>	3.9
<i>GLT1D1</i>	3.9
<i>RP11-573D15.8</i>	3.9
<i>ITGB3BP</i>	3.9
<i>AC068831.17</i>	3.9
<i>RP11-2E11.10</i>	3.9
<i>RP11-12G12.7</i>	3.9
<i>ASB16</i>	3.9

Gene Name	Fold change relative to normal
AC016831.6	3.9
CENPO	3.9
NCAPD2	3.9
FNBP1P1	3.9
SMAD9	3.9
HSPA4L	3.9
QSOX2	3.9
ANK2	3.9
RP11-613M5.1	3.8
RP11-398K22.12	3.8
MAFG-AS1	3.8
PLOD2	3.8
CHST1	3.8
LINC00449	3.8
SGSM1	3.8
RP11-118E18.2	3.8
POC1A	3.8
ZNF233	3.8
VN1R108P	3.8
OR7E116P	3.8
ZNF322	3.8
EMC9	3.8
CYP46A1	3.8
RP11-22C11.2	3.8
AK4P3	3.8
RP11-602N24.3	3.8
CCDC138	3.8
PAICS	3.8
AC012363.10	3.8
HDAC2	3.8
ZNF572	3.8
DTYMK	3.8
DLX2-AS1	3.8
AC024937.4	3.8
RAB3A	3.8
CEP57L1	3.8
UBAC2-AS1	3.8
XXYLT1	3.8
DHFR	3.8
AP001046.5	3.8
AL138935.1	3.8
KRT8P39	3.8
C3orf70	3.8
CKAP5	3.8
ZBED8	3.8
RPL12P37	3.8
SHCBP1	3.8
ZNF385C	3.7
HAUS6	3.7
CTB-55O6.10	3.7
ELOVL7	3.7

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SRGAP1</i>	3.7
<i>TMTC4</i>	3.7
<i>GAPDHP46</i>	3.7
<i>CEP89</i>	3.7
<i>CTD-2349P21.9</i>	3.7
<i>RP11-262H14.5</i>	3.7
<i>ZNF551</i>	3.7
<i>PARP1</i>	3.7
<i>RP4-761J14.9</i>	3.7
<i>RP11-977G19.14</i>	3.7
<i>MTHFD2</i>	3.7
<i>RGAG4</i>	3.7
<i>RP11-644C3.1</i>	3.7
<i>DHRS13</i>	3.7
<i>IMMP1L</i>	3.7
<i>TRIM37</i>	3.7
<i>ZFP30</i>	3.7
<i>RUVBL1</i>	3.7
<i>ZDHHC15</i>	3.7
<i>SRRM2-AS1</i>	3.7
<i>ULBP1</i>	3.7
<i>RP11-348M3.2</i>	3.7
<i>XPOTP1</i>	3.7
<i>IPO5P1</i>	3.7
<i>G2E3</i>	3.7
<i>AP001619.3</i>	3.7
<i>BORA</i>	3.7
<i>RP11-134K13.2</i>	3.7
<i>NFASC</i>	3.7
<i>KIAA1024</i>	3.7
<i>KDM1A</i>	3.7
<i>SPATS2</i>	3.7
<i>COQ3</i>	3.7
<i>JAKMIP1</i>	3.7
<i>LYSMD1</i>	3.7
<i>RP11-552F3.12</i>	3.7
<i>ARHGAP39</i>	3.6
<i>LEF1-AS1</i>	3.6
<i>ZSCAN23</i>	3.6
<i>LPGAT1</i>	3.6
<i>ASRGL1</i>	3.6
<i>JADE3</i>	3.6
<i>POLA2</i>	3.6
<i>CEP19</i>	3.6
<i>HIST1H2BD</i>	3.6
<i>RP11-632L2.2</i>	3.6
<i>THOC7-AS1</i>	3.6
<i>OCIAD2</i>	3.6
<i>CTD-2619J13.16</i>	3.6
<i>FANCC</i>	3.6
<i>NCR3LG1</i>	3.6

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>PIPOX</i>	3.6
<i>CCDC14</i>	3.6
<i>FLVCR1</i>	3.6
<i>GATS</i>	3.6
<i>MTFR2</i>	3.6
<i>PRKAA2</i>	3.6
<i>DDX39A</i>	3.6
<i>CTC-559E9.8</i>	3.6
<i>FA2H</i>	3.6
<i>TUSC3</i>	3.6
<i>RP11-409K20.7</i>	3.6
<i>DDIAS</i>	3.6
<i>RBM38</i>	3.6
<i>MAST2</i>	3.6
<i>SOGA1</i>	3.6
<i>RP4-739H11.3</i>	3.6
<i>RNU6-97P</i>	3.6
<i>RP11-375N15.2</i>	3.6
<i>PHF8</i>	3.6
<i>CREB3L4</i>	3.6
<i>JAM3</i>	3.6
<i>RP11-71H17.9</i>	3.6
<i>LINC01240</i>	3.6
<i>TSPY26P</i>	3.6
<i>LRR1</i>	3.6
<i>APOO</i>	3.6
<i>EFS</i>	3.6
<i>MSH6</i>	3.6
<i>PLEKHA6</i>	3.6
<i>EPB41</i>	3.6
<i>CHD7</i>	3.6
<i>WDR34</i>	3.6
<i>RAP1GAP2</i>	3.6
<i>ZEB1-AS1</i>	3.6
<i>SETBP1</i>	3.6
<i>RP1-167A14.2</i>	3.6
<i>PTOV1-AS1</i>	3.6
<i>ABCA5</i>	3.6
<i>PRDX2</i>	3.6
<i>KANTR</i>	3.5
<i>RP11-1023L17.1</i>	3.5
<i>ZNF43</i>	3.5
<i>ATP13A3</i>	3.5
<i>ERO1LB</i>	3.5
<i>USP37</i>	3.5
<i>TONSL</i>	3.5
<i>BOLA3-AS1</i>	3.5
<i>CNTLN</i>	3.5
<i>CBX5</i>	3.5
<i>PHF19</i>	3.5
<i>SDR42E1</i>	3.5

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>BTBD3</i>	3.5
<i>HMGB1P14</i>	3.5
<i>PDRG1</i>	3.5
<i>HDGFL1</i>	3.5
<i>TDP1</i>	3.5
<i>RP11-3B12.2</i>	3.5
<i>RP11-706O15.1</i>	3.5
<i>SLC1A4</i>	3.5
<i>TOX</i>	3.5
<i>BLM</i>	3.5
<i>RP11-815I9.4</i>	3.5
<i>RP11-580I16.2</i>	3.5
<i>UBA2</i>	3.5
<i>HOOK1</i>	3.5
<i>PCDHB16</i>	3.5
<i>VRK1</i>	3.5
<i>RP11-761I4.5</i>	3.5
<i>DBNDD1</i>	3.5
<i>NANOS1</i>	3.5
<i>NNT-AS1</i>	3.5
<i>RP11-49C9.2</i>	3.5
<i>SMC1A</i>	3.5
<i>INTS7</i>	3.5
<i>FAM122B</i>	3.5
<i>GAS2L3</i>	3.5
<i>PRMT6</i>	3.5
<i>ETNK2</i>	3.5
<i>PTGER4P2</i>	3.5
<i>MAPK12</i>	3.4
<i>MCF2L2</i>	3.4
<i>CTD-2528A14.3</i>	3.4
<i>CKS2</i>	3.4
<i>NDC1</i>	3.4
<i>RP4-736L20.3</i>	3.4
<i>NAPB</i>	3.4
<i>TDGP1</i>	3.4
<i>DKC1</i>	3.4
<i>SHF</i>	3.4
<i>OVOL2</i>	3.4
<i>BHLHB9</i>	3.4
<i>RP11-278A23.4</i>	3.4
<i>SKAP1</i>	3.4
<i>CAMK1D</i>	3.4
<i>ZDHHC23</i>	3.4
<i>RP5-935K16.1</i>	3.4
<i>PAIP2B</i>	3.4
<i>NUP210</i>	3.4
<i>ZNF92</i>	3.4
<i>PTTG3P</i>	3.4
<i>DCLK1</i>	3.4
<i>PGM2L1</i>	3.4

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>DEK</i>	3.4
<i>SHMT2</i>	3.4
<i>ACVR1C</i>	3.4
<i>SLC25A15</i>	3.4
<i>TUBAP2</i>	3.4
<i>LINC01002</i>	3.4
<i>CEP131</i>	3.4
<i>ALYREF</i>	3.4
<i>PRIM2</i>	3.4
<i>ROBO1</i>	3.4
<i>RNU4-39P</i>	3.4
<i>SLC22A17</i>	3.4
<i>GJC1</i>	3.4
<i>MAP1A</i>	3.4
<i>GUSBP2</i>	3.4
<i>BEND3</i>	3.4
<i>AC012512.1</i>	3.4
<i>TMEM201</i>	3.4
<i>PPP1R14B</i>	3.4
<i>PAICSP3</i>	3.4
<i>FAM24B</i>	3.4
<i>CDKN2D</i>	3.4
<i>ARL6IP6</i>	3.4
<i>CENPQ</i>	3.4
<i>MYL6B</i>	3.3
<i>HAUS8</i>	3.3
<i>CTC-137K3.1</i>	3.3
<i>RP11-433O3.1</i>	3.3
<i>AP001469.9</i>	3.3
<i>MIS18A</i>	3.3
<i>LDLRAD3</i>	3.3
<i>KIT</i>	3.3
<i>PPFIA3</i>	3.3
<i>UQCC2</i>	3.3
<i>RPL7P17</i>	3.3
<i>RP11-22B23.1</i>	3.3
<i>HMGA1P2</i>	3.3
<i>QSER1</i>	3.3
<i>RP11-65D24.2</i>	3.3
<i>HCN3</i>	3.3
<i>CMSS1</i>	3.3
<i>RP11-395L14.17</i>	3.3
<i>CEP72</i>	3.3
<i>ZC3H8</i>	3.3
<i>BTNL10</i>	3.3
<i>CTC-244M17.1</i>	3.3
<i>CDK4</i>	3.3
<i>RP11-138P22.1</i>	3.3
<i>KCTD1</i>	3.3
<i>IFT81</i>	3.3
<i>MCF2L</i>	3.3

Gene Name	Fold change relative to normal
ZNF587	3.3
TOB2P1	3.3
TMOD2	3.3
MAP2K6	3.3
HIST2H2BE	3.3
ZNF543	3.3
RBBP4P1	3.3
PLCB4	3.3
GATSL2	3.3
PPP1R14BP3	3.3
TBCCD1	3.3
FBXO16	3.3
GLB1L2	3.3
MIR1302-3	3.3
NFIB	3.3
RCC1	3.3
RAB3IP	3.3
UBXN7	3.3
BCL2	3.3
NABP2	3.3
HLTF	3.3
TSPYL5	3.2
ZNF138	3.2
NONO	3.2
FADS2	3.2
RBBP7	3.2
C12orf73	3.2
MTND3P10	3.2
ZNF473	3.2
PNMA1	3.2
RP11-798M19.6	3.2
ZNF286A	3.2
WDR90	3.2
NASP	3.2
KNSTRN	3.2
RHPN2	3.2
PIGX	3.2
H2AFY2	3.2
URB2	3.2
RP4-680D5.8	3.2
TMEM44	3.2
PMEL	3.2
RN7SL396P	3.2
SUZ12P1	3.2
ZNF280C	3.2
H2AFZ	3.2
LINC00526	3.2
RFWD3	3.2
BOC	3.2
CCP110	3.2
SMIM17	3.2

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RN7SL569P</i>	3.2
<i>DSN1</i>	3.2
<i>FBXO32</i>	3.2
<i>CCDC15</i>	3.2
<i>RBBP8</i>	3.2
<i>VAV2</i>	3.2
<i>KIAA0907</i>	3.2
<i>TMEM108</i>	3.2
<i>SH3BP4</i>	3.2
<i>YEATS4</i>	3.2
<i>LSM7</i>	3.2
<i>EID2B</i>	3.2
<i>TMEM150C</i>	3.2
<i>PAXBP1-AS1</i>	3.2
<i>SLC16A8</i>	3.2
<i>CTD-2368P22.1</i>	3.2
<i>RP11-440L14.1</i>	3.2
<i>PARD6G</i>	3.2
<i>IDH2</i>	3.1
<i>KDEL1C</i>	3.1
<i>KLF12</i>	3.1
<i>NCBP1</i>	3.1
<i>DBN1</i>	3.1
<i>GF11</i>	3.1
<i>ZNF620</i>	3.1
<i>SSBP3</i>	3.1
<i>PFKP</i>	3.1
<i>CCDC167</i>	3.1
<i>EFR3B</i>	3.1
<i>RSRC1</i>	3.1
<i>RNF219</i>	3.1
<i>RP11-598P20.3</i>	3.1
<i>PRPS2</i>	3.1
<i>ZNF680</i>	3.1
<i>KCNC4</i>	3.1
<i>KCNJ11</i>	3.1
<i>ZNF669</i>	3.1
<i>MRPS31P4</i>	3.1
<i>TDG</i>	3.1
<i>ILF2</i>	3.1
<i>ZNF606</i>	3.1
<i>POLR2H</i>	3.1
<i>GLS2</i>	3.1
<i>OLFM1</i>	3.1
<i>FKBP4</i>	3.1
<i>BSPRY</i>	3.1
<i>C19orf40</i>	3.1
<i>SPPL2B</i>	3.1
<i>KIAA1586</i>	3.1
<i>DNAJC3-AS1</i>	3.1
<i>ZNF253</i>	3.1

Gene Name	Fold change relative to normal
ZNF544	3.1
CA14	3.1
RP11-728K20.3	3.1
GNN	3.1
RBBP4	3.1
SPICE1	3.1
RP11-292F9.1	3.1
ZNF550	3.1
DNAJC9	3.1
ZNF708	3.1
TIPIN	3.1
GPX7	3.1
CTD-3193O13.8	3.0
RHPN1	3.0
NARS2	3.0
CTD-2293H3.2	3.0
CTC-359D24.3	3.0
OPA1	3.0
PGK1P2	3.0
SS18L1	3.0
GPR180	3.0
CABLES2	3.0
CTD-2561J22.2	3.0
RP3-508I15.9	3.0
RPGRIP1L	3.0
FANCL	3.0
RP4-585I14.3	3.0
CTD-2583A14.8	3.0
WDR53	3.0
GS1-257G1.1	3.0
SEMA6C	3.0
AP3M2	3.0
WHSC1	3.0
RP11-160O5.1	3.0
TFAP4	3.0
FKBP3	3.0
TMEM97	3.0
ZRANB3	3.0
KPTN	3.0
INSR	3.0
FADS1	3.0
AC004987.9	3.0
RFC2	3.0
EPT1	3.0
TACC3	3.0
TMEM14A	3.0
TPD52	3.0
ZNF221	3.0
SENP1	3.0
C11orf84	3.0
PRKDC	3.0

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>MAGEF1</i>	3.0
<i>SRPK1</i>	3.0
<i>PCNXL2</i>	3.0
<i>MARCH6</i>	3.0
<i>SLC39A6</i>	3.0
<i>SNRPD1</i>	3.0
<i>DARS2</i>	3.0
<i>MARCKS</i>	3.0
<i>SORD</i>	3.0
<i>FOXRED2</i>	3.0
<i>METTL4</i>	3.0
<i>BRX1</i>	3.0
<i>PARP2</i>	3.0
<i>CNKSR2</i>	3.0
<i>ARHGEF19</i>	3.0
<i>ENAH</i>	3.0
<i>LIN9</i>	3.0
<i>CEP76</i>	3.0
<i>ZFP37</i>	3.0
<i>SNRPB</i>	3.0
<i>XRCC3</i>	2.9
<i>ALMS1</i>	2.9
<i>NREP</i>	2.9
<i>HN1L</i>	2.9
<i>C17orf75</i>	2.9
<i>GLMN</i>	2.9
<i>ANP32E</i>	2.9
<i>TMEM38B</i>	2.9
<i>ZNF334</i>	2.9
<i>NAA40</i>	2.9
<i>SAE1</i>	2.9
<i>TBPL1</i>	2.9
<i>ZNF594</i>	2.9
<i>VBP1</i>	2.9
<i>PTBP2</i>	2.9
<i>FANCF</i>	2.9
<i>CTD-3138B18.5</i>	2.9
<i>RP11-15H20.6</i>	2.9
<i>ING1</i>	2.9
<i>NRSN2</i>	2.9
<i>ZNF137P</i>	2.9
<i>KIF21A</i>	2.9
<i>RP11-1033A18.1</i>	2.9
<i>APOA1BP</i>	2.9
<i>ATL1</i>	2.9
<i>LBR</i>	2.9
<i>C10orf35</i>	2.9
<i>BNIP3</i>	2.9
<i>TAF9B</i>	2.9
<i>CCDC18</i>	2.9
<i>CACYBP</i>	2.9

Gene Name	Fold change relative to normal
SOX12	2.9
ZNF347	2.9
AC024560.3	2.9
RP11-2711.4	2.9
NR2C2AP	2.9
TUBBP1	2.9
ZNF260	2.9
TTF2	2.9
TFDP2	2.9
POT1-AS1	2.9
PROSER3	2.9
TUBA1B	2.9
EFCAB7	2.8
IQCB1	2.8
ZNF227	2.8
IPO9	2.8
RNF168	2.8
SNAPC3	2.8
RAE1	2.8
RPRD1A	2.8
R3HDM1	2.8
C1orf109	2.8
TMEM237	2.8
MAP3K14-AS1	2.8
RHNO1	2.8
GEMIN2	2.8
LIG3	2.8
GDI1	2.8
ZNF491	2.8
EXOSC2	2.8
RAD51C	2.8
PLEKHH1	2.8
NAT14	2.8
GPR161	2.8
TBC1D30	2.8
SFXN1	2.8
ZNF81	2.8
RUSC1	2.8
ACVR2A	2.8
CASP8AP2	2.8
EXOSC5	2.8
LIN52	2.8
MTHFD1	2.8
NOP56	2.8
TMEM206	2.8
LMBRD2	2.8
PRPS1	2.8
AACS	2.8
RTTN	2.8
LSG1	2.8
PIAS2	2.8

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SENP5</i>	2.8
<i>TTC5</i>	2.8
<i>STK39</i>	2.8
<i>CSTF3</i>	2.8
<i>PGBD1</i>	2.8
<i>FBXO41</i>	2.8
<i>TPI1P1</i>	2.8
<i>E2F3</i>	2.8
<i>CCDC23</i>	2.8
<i>ARHGEF7</i>	2.8
<i>CENPP</i>	2.8
<i>RIC8B</i>	2.8
<i>CCT5</i>	2.8
<i>TSPYL4</i>	2.8
<i>GNL3L</i>	2.8
<i>RCCD1</i>	2.8
<i>CEP152</i>	2.8
<i>ERH</i>	2.7
<i>SMYD3</i>	2.7
<i>CENPJ</i>	2.7
<i>NNT</i>	2.7
<i>ATG4D</i>	2.7
<i>LFNG</i>	2.7
<i>PXYLP1</i>	2.7
<i>DCTN3</i>	2.7
<i>ANAPC11</i>	2.7
<i>TBC1D31</i>	2.7
<i>CBX3P9</i>	2.7
<i>PPP5C</i>	2.7
<i>PIGCP1</i>	2.7
<i>KIAA1731</i>	2.7
<i>NUP205</i>	2.7
<i>DROSHA</i>	2.7
<i>RBL1</i>	2.7
<i>SAC3D1</i>	2.7
<i>WRAP73</i>	2.7
<i>THOP1</i>	2.7
<i>POU2F1</i>	2.7
<i>STRA13</i>	2.7
<i>ZNF121</i>	2.7
<i>BRWD3</i>	2.7
<i>GAPDH</i>	2.7
<i>CYB5RL</i>	2.7
<i>ZNF772</i>	2.7
<i>SLC25A14</i>	2.7
<i>SUV39H1</i>	2.7
<i>HN1</i>	2.7
<i>GAS5-AS1</i>	2.7
<i>PHF13</i>	2.7
<i>L2HGDH</i>	2.7
<i>KIF2A</i>	2.7

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>DCTPP1</i>	2.7
<i>ASB16-AS1</i>	2.7
<i>DCAKD</i>	2.7
<i>RNF138</i>	2.7
<i>YEATS2</i>	2.7
<i>NDUFA7</i>	2.7
<i>SP4</i>	2.7
<i>STRBP</i>	2.7
<i>GTF3C5</i>	2.7
<i>AGAP1</i>	2.7
<i>POLD1</i>	2.7
<i>NUCKS1</i>	2.7
<i>CHML</i>	2.7
<i>TSEN54</i>	2.7
<i>SRP9</i>	2.7
<i>XPR1</i>	2.7
<i>ZBTB18</i>	2.7
<i>ZNF107</i>	2.7
<i>ANGPT2</i>	2.6
<i>PAPD7</i>	2.6
<i>ZNF480</i>	2.6
<i>MASTL</i>	2.6
<i>CCDC77</i>	2.6
<i>SNRNP25</i>	2.6
<i>ANKEF1</i>	2.6
<i>HTATSF1</i>	2.6
<i>TIMM50</i>	2.6
<i>XPO5</i>	2.6
<i>ZNF232</i>	2.6
<i>SUZ12</i>	2.6
<i>ZBTB39</i>	2.6
<i>PHKA1</i>	2.6
<i>YPEL1</i>	2.6
<i>FYTTD1</i>	2.6
<i>NUP85</i>	2.6
<i>NUP62</i>	2.6
<i>VANGL1</i>	2.6
<i>PKIA</i>	2.6
<i>DTX3</i>	2.6
<i>ZNF3</i>	2.6
<i>C11orf80</i>	2.6
<i>SLC25A13</i>	2.6
<i>SAMD1</i>	2.6
<i>GRAMD1B</i>	2.6
<i>HSP90AA1</i>	2.6
<i>PJA1</i>	2.6
<i>SNRPE</i>	2.6
<i>C17orf80</i>	2.6
<i>EIF4A3</i>	2.6
<i>TRERF1</i>	2.6
<i>POLE3</i>	2.6

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>NT5DC2</i>	2.6
<i>TDRKH</i>	2.6
<i>LPHN1</i>	2.6
<i>TMEM176A</i>	2.6
<i>ATP5G1</i>	2.6
<i>MED14</i>	2.6
<i>PRPF4</i>	2.6
<i>TMEM260</i>	2.6
<i>INTS2</i>	2.6
<i>ZNF254</i>	2.6
<i>FAF1</i>	2.6
<i>NOL11</i>	2.6
<i>PIAS3</i>	2.6
<i>JAG2</i>	2.6
<i>RP1-283E3.8</i>	2.6
<i>MED27</i>	2.6
<i>GADD45G</i>	2.6
<i>ODF2</i>	2.6
<i>GPC6</i>	2.6
<i>AC019097.7</i>	2.6
<i>ARL6IP1</i>	2.6
<i>KIFC2</i>	2.6
<i>KPNB1</i>	2.6
<i>DHX36</i>	2.6
<i>CHEK2</i>	2.6
<i>TUFT1</i>	2.6
<i>ZNF611</i>	2.6
<i>EXTL3</i>	2.6
<i>KIF20B</i>	2.6
<i>CSE1L</i>	2.6
<i>PSD3</i>	2.6
<i>PER3</i>	2.6
<i>GGCT</i>	2.5
<i>SETP14</i>	2.5
<i>SOCS4</i>	2.5
<i>B4GALT2</i>	2.5
<i>SLX4IP</i>	2.5
<i>CDCA7L</i>	2.5
<i>U2SURP</i>	2.5
<i>EPCAM</i>	2.5
<i>ZMYM3</i>	2.5
<i>PGAM5</i>	2.5
<i>TMEM38A</i>	2.5
<i>C11orf30</i>	2.5
<i>LINC00680</i>	2.5
<i>C2CD3</i>	2.5
<i>ATP7B</i>	2.5
<i>SUPT16H</i>	2.5
<i>CAND1</i>	2.5
<i>ZNF417</i>	2.5
<i>KDM1B</i>	2.5

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>DYRK2</i>	2.5
<i>DCUN1D2</i>	2.5
<i>CCT3</i>	2.5
<i>NUP107</i>	2.5
<i>VPS72</i>	2.5
<i>RTN3P1</i>	2.5
<i>LRRC8B</i>	2.5
<i>FUZ</i>	2.5
<i>BCOR</i>	2.5
<i>HDGFRP3</i>	2.5
<i>DLG3</i>	2.5
<i>USP11</i>	2.5
<i>RP11-156P1.3</i>	2.5
<i>PHTF1</i>	2.5
<i>BRD3</i>	2.5
<i>CSTF2</i>	2.5
<i>ZNF428</i>	2.5
<i>C12orf65</i>	2.5
<i>ZNF776</i>	2.5
<i>TBC1D16</i>	2.5
<i>GOLM1</i>	2.5
<i>TARS</i>	2.5
<i>SNRNP40</i>	2.5
<i>IRGQ</i>	2.5
<i>GTPBP3</i>	2.5
<i>DOLPP1</i>	2.5
<i>PTMA</i>	2.5
<i>KIAA1549</i>	2.5
<i>EIF1AXP1</i>	2.5
<i>TRIM28</i>	2.5
<i>WDR31</i>	2.5
<i>KIAA1467</i>	2.5
<i>SRM</i>	2.5
<i>FANCE</i>	2.5
<i>KIAA1841</i>	2.5
<i>RIF1</i>	2.5
<i>UBE2E3</i>	2.5
<i>CDC25B</i>	2.5
<i>BPHL</i>	2.5
<i>KDF1</i>	2.5
<i>CDK2AP1</i>	2.4
<i>HACE1</i>	2.4
<i>RQCD1</i>	2.4
<i>IFT122</i>	2.4
<i>IVNS1ABP</i>	2.4
<i>TIAM1</i>	2.4
<i>SMC3</i>	2.4
<i>AIF1L</i>	2.4
<i>ANKRD18EP</i>	2.4
<i>TRMT6</i>	2.4
<i>BCL9</i>	2.4

Gene Name	Fold change relative to normal
OCRL	2.4
ACAP3	2.4
PROSER1	2.4
ACVR2B	2.4
LSM14B	2.4
GDF11	2.4
XPOT	2.4
TMED8	2.4
CARHSP1	2.4
DHX40	2.4
CTDSPL2	2.4
ALG6	2.4
TLL5	2.4
PTOV1	2.4
STOML2	2.4
SUGP2	2.4
PHTF2	2.4
PPP1R3E	2.4
CLSTN1	2.4
OLA1	2.4
AHI1	2.4
SPIRE2	2.4
FBXL19-AS1	2.4
LSM4	2.4
HPSE	2.4
LRRC58	2.4
RPA2	2.4
NGFRAP1	2.4
CBX3	2.4
PDIK1L	2.4
CTPS2	2.4
ZNF184	2.4
TBCB	2.4
ERI3	2.4
IPP	2.4
POT1	2.4
MAZ	2.4
INPPL1	2.4
DVL3	2.4
SSRP1	2.4
MBNL3	2.4
EXOC5	2.4
DCAF16	2.4
FYN	2.4
HSPA14	2.4
C7orf73	2.4
ILF3	2.4
FARSB	2.4
PPME1	2.4
AP4M1	2.4
PGK1	2.3

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>PLEKHJ1</i>	2.3
<i>H2AFV</i>	2.3
<i>TAF2</i>	2.3
<i>TNPO2</i>	2.3
<i>SF3B3</i>	2.3
<i>CASP2</i>	2.3
<i>SIKE1</i>	2.3
<i>CKB</i>	2.3
<i>TADA1</i>	2.3
<i>FAM136A</i>	2.3
<i>ZNF48</i>	2.3
<i>SMG9</i>	2.3
<i>LRRC20</i>	2.3
<i>RBMX</i>	2.3
<i>MORF4L2</i>	2.3
<i>ZNF292</i>	2.3
<i>ZNF675</i>	2.3
<i>PTAR1</i>	2.3
<i>COIL</i>	2.3
<i>ARHGEF16</i>	2.3
<i>TUBGCP3</i>	2.3
<i>CEBPG</i>	2.3
<i>PRMT1</i>	2.3
<i>RANBP1</i>	2.3
<i>TBL1XR1</i>	2.3
<i>SHFM1</i>	2.3
<i>ZBTB41</i>	2.3
<i>DNMT3A</i>	2.3
<i>KNOP1</i>	2.3
<i>ZNF275</i>	2.3
<i>WDR5</i>	2.3
<i>CMIP</i>	2.3
<i>PYGO2</i>	2.3
<i>PRUNE</i>	2.3
<i>TCF3</i>	2.3
<i>BUB3</i>	2.3
<i>HDAC1</i>	2.3
<i>NAB1</i>	2.3
<i>USP18</i>	2.3
<i>SGPL1</i>	2.3
<i>ZNF664</i>	2.3
<i>SLC25A40</i>	2.3
<i>RALGPS1</i>	2.3
<i>CPSF6</i>	2.3
<i>KIAA1715</i>	2.3
<i>HSPD1</i>	2.3
<i>NUP43</i>	2.3
<i>ZNF124</i>	2.3
<i>PHC1</i>	2.3
<i>FLAD1</i>	2.3
<i>ST14</i>	2.3

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CDK8</i>	2.3
<i>DCAF12</i>	2.2
<i>NLN</i>	2.2
<i>UMPS</i>	2.2
<i>ATXN7L3B</i>	2.2
<i>HINFP</i>	2.2
<i>TPI1</i>	2.2
<i>H1FX</i>	2.2
<i>FMR1</i>	2.2
<i>NEDD1</i>	2.2
<i>PLEKHB1</i>	2.2
<i>RAD21</i>	2.2
<i>PPM1D</i>	2.2
<i>U2AF2</i>	2.2
<i>CDK19</i>	2.2
<i>PRMT5</i>	2.2
<i>AP1S1</i>	2.2
<i>IPO5</i>	2.2
<i>MRPS26</i>	2.2
<i>GPD2</i>	2.2
<i>RAD1</i>	2.2
<i>KDM5B</i>	2.2
<i>CCT2</i>	2.2
<i>KLHL42</i>	2.2
<i>PRPF19</i>	2.2
<i>BANF1</i>	2.2
<i>PDZD11</i>	2.2
<i>VPS35</i>	2.2
<i>UNK</i>	2.2
<i>STAG2</i>	2.2
<i>RAVER2</i>	2.2
<i>SET</i>	2.2
<i>PHIP</i>	2.2
<i>TXNL4A</i>	2.2
<i>CERS4</i>	2.2
<i>HNRNPR</i>	2.2
<i>ENOPH1</i>	2.2
<i>HAX1</i>	2.2
<i>PRDX4</i>	2.2
<i>HDGF</i>	2.2
<i>TSN</i>	2.2
<i>PKP4</i>	2.2
<i>FOXRED1</i>	2.2
<i>POMT2</i>	2.2
<i>SPAST</i>	2.1
<i>EXTL2</i>	2.1
<i>FAM127B</i>	2.1
<i>PCCB</i>	2.1
<i>RBBP5</i>	2.1
<i>ZCCHC11</i>	2.1
<i>BTF3L4</i>	2.1

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>FXR1</i>	2.1
<i>RNF144A</i>	2.1
<i>PCNXL4</i>	2.1
<i>SUMO2</i>	2.1
<i>PPIF</i>	2.1
<i>DNAJB11</i>	2.1
<i>TROVE2</i>	2.1
<i>ZBTB33</i>	2.1
<i>PHLPP1</i>	2.1
<i>NUCB2</i>	2.1
<i>NUP188</i>	2.1
<i>KLHDC3</i>	2.1
<i>HNRNPA3</i>	2.1
<i>UBE2O</i>	2.1
<i>GSK3B</i>	2.1
<i>TOP3A</i>	2.1
<i>PNN</i>	2.1
<i>ELK1</i>	2.1
<i>HNRNPL</i>	2.1
<i>ARID2</i>	2.1
<i>VPS45</i>	2.1
<i>SLC44A1</i>	2.1
<i>PREP</i>	2.1
<i>TMEM183A</i>	2.1
<i>SLBP</i>	2.1
<i>WSB2</i>	2.1
<i>H3F3A</i>	2.1
<i>HCFC1</i>	2.1
<i>NAA50</i>	2.1
<i>MORC4</i>	2.1
<i>MRPL37</i>	2.1
<i>FUBP1</i>	2.1
<i>YWHAQ</i>	2.1
<i>COPG2</i>	2.1
<i>ZNF326</i>	2.1
<i>S100PBP</i>	2.1
<i>PAXIP1</i>	2.1
<i>ELAVL1</i>	2.1
<i>MAGED1</i>	2.1
<i>NUDT21</i>	2.1
<i>HYOU1</i>	2.0
<i>RECQL</i>	2.0
<i>NRAS</i>	2.0
<i>SNRPC</i>	2.0
<i>SUDS3</i>	2.0
<i>RTN3</i>	2.0
<i>APEX1</i>	2.0
<i>ZNF146</i>	2.0
<i>HSD17B10</i>	2.0
<i>FZR1</i>	2.0
<i>NELFCD</i>	2.0

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>XPO1</i>	2.0
<i>TBL1X</i>	2.0
<i>CCT6A</i>	2.0
<i>FH</i>	2.0
<i>FAM102B</i>	2.0
<i>SEPTIN11</i>	2.0
<i>ABI2</i>	2.0
<i>MRPL3</i>	2.0
<i>DHX9</i>	2.0
<i>SMARCD1</i>	2.0
<i>FOXK2</i>	2.0
<i>RNF187</i>	2.0
<i>LDOC1L</i>	2.0
<i>STIP1</i>	2.0
<i>GTF2A1</i>	2.0
<i>NVL</i>	2.0
<i>TOMM70A</i>	2.0
<i>UBAP2L</i>	2.0
<i>FOXJ3</i>	2.0
<i>ATP9A</i>	2.0
<i>TULP4</i>	2.0
<i>CEP192</i>	2.0
<i>STK35</i>	2.0
<i>BAZ1B</i>	2.0
<i>SLC1A5</i>	2.0
<i>SMAD4</i>	2.0
<i>PTBP1</i>	2.0
<i>KIF1B</i>	2.0
<i>LRP3</i>	2.0
<i>TCP1</i>	2.0
<i>IARS</i>	2.0
<i>MTOR</i>	2.0
<i>SAMD4B</i>	2.0
<i>VDAC3</i>	2.0
<i>GPI</i>	2.0
<i>GTF3C4</i>	1.9
<i>SF3A2</i>	1.9
<i>XRCC5</i>	1.9
<i>PHF14</i>	1.9
<i>KHDRBS1</i>	1.9
<i>ZNF532</i>	1.9
<i>MEGF8</i>	1.9
<i>PSMD2</i>	1.9
<i>DNAJC10</i>	1.9
<i>SIGMAR1</i>	1.9
<i>SMG5</i>	1.9
<i>SLC35B2</i>	1.9
<i>HP1BP3</i>	1.9
<i>SMARCA4</i>	1.9
<i>NDUFB11</i>	1.9
<i>DCAF7</i>	1.9

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>HUWE1</i>	1.9
<i>CDKN1B</i>	1.9
<i>ADNP</i>	1.9
<i>KHSRP</i>	1.9
<i>DENND1A</i>	1.9
<i>TRIM33</i>	1.9
<i>ZMYM2</i>	1.9
<i>CDK5RAP2</i>	1.9
<i>TPGS2</i>	1.9
<i>ITM2C</i>	1.9
<i>MTMR4</i>	1.9
<i>AGO1</i>	1.9
<i>SPIN1</i>	1.9
<i>KCTD3</i>	1.9
<i>AUTS2</i>	1.8
<i>GID8</i>	1.8
<i>GSE1</i>	1.8
<i>SMPD4</i>	1.8
<i>STRN4</i>	1.8
<i>CDC5L</i>	1.8
<i>TLK2</i>	1.8
<i>FAM168A</i>	1.8
<i>SMARCC1</i>	1.8
<i>MIS18BP1</i>	1.8
<i>ANKIB1</i>	1.8
<i>HNRNPUL1</i>	1.8
<i>NCOA6</i>	1.7
<i>PHACTR4</i>	1.7

Supplementary Table 4: List of downregulated genes with fold change relative to normal

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>C8B</i>	0.002
<i>RP11-77A13.1</i>	0.003
<i>MCEMP1</i>	0.003
<i>KRT14</i>	0.003
<i>FABP4</i>	0.004
<i>CSF3</i>	0.004
<i>RETN</i>	0.005
<i>KRT1</i>	0.008
<i>CHIAP2</i>	0.008
<i>CXCL5</i>	0.008
<i>GPA33</i>	0.008
<i>CYP1A1</i>	0.008
<i>RP5-839B4.8</i>	0.008
<i>MARCO</i>	0.009
<i>SFTPC</i>	0.009
<i>CPB2</i>	0.010
<i>SLC19A3</i>	0.011
<i>HMGCS2</i>	0.011
<i>CYP1A2</i>	0.011
<i>GPIHBP1</i>	0.011
<i>LGI3</i>	0.011
<i>WIF1</i>	0.012
<i>HBG2</i>	0.012
<i>ITLN2</i>	0.012
<i>GPD1</i>	0.012
<i>FOSB</i>	0.012
<i>SLC46A2</i>	0.013
<i>DSG3</i>	0.013
<i>ANKRD1</i>	0.014
<i>C18orf63</i>	0.014
<i>RP11-613D13.8</i>	0.014
<i>TREM1</i>	0.014
<i>AGER</i>	0.014
<i>C10orf99</i>	0.015
<i>FGA</i>	0.015
<i>FOLR3</i>	0.015
<i>GDF10</i>	0.016
<i>HBA2</i>	0.016
<i>OLR1</i>	0.016
<i>CD300LG</i>	0.016
<i>CTB-134H23.3</i>	0.016
<i>CES1</i>	0.017
<i>CXCL2</i>	0.017
<i>PEBP4</i>	0.017
<i>RP11-635O16.2</i>	0.017

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>PPBP</i>	0.018
<i>FPR2</i>	0.018
<i>SHH</i>	0.018
<i>CTD-3080P12.3</i>	0.018
<i>RP11-528A4.2</i>	0.018
<i>RASGRF1</i>	0.018
<i>ODAM</i>	0.018
<i>SERPIND1</i>	0.019
<i>ITLN1</i>	0.019
<i>GGTLC1</i>	0.019
<i>RP11-701P16.5</i>	0.019
<i>RP11-238K6.1</i>	0.020
<i>PGC</i>	0.020
<i>VSIG4</i>	0.020
<i>RP11-302F12.1</i>	0.020
<i>TMEM213</i>	0.020
<i>SFTPA1</i>	0.020
<i>SCGB3A1</i>	0.021
<i>ALOX15B</i>	0.021
<i>HCAR2</i>	0.021
<i>AC008268.1</i>	0.021
<i>AP002856.5</i>	0.021
<i>ADRB2</i>	0.021
<i>CYP2B7P</i>	0.021
<i>KRT16</i>	0.021
<i>CLDN18</i>	0.021
<i>PLA2G1B</i>	0.022
<i>RBP4</i>	0.022
<i>SFTPA2</i>	0.022
<i>S100A7</i>	0.022
<i>RP11-357D18.1</i>	0.022
<i>UPK3B</i>	0.022
<i>SPRR2G</i>	0.022
<i>MSLN</i>	0.022
<i>CXCL3</i>	0.022
<i>RP11-164O23.8</i>	0.022
<i>S100A8</i>	0.022
<i>C4BPA</i>	0.023
<i>ECEL1P2</i>	0.023
<i>RSPO2</i>	0.023
<i>STEAP4</i>	0.023
<i>CD5L</i>	0.023
<i>ANXA8L2</i>	0.023
<i>TNNC1</i>	0.024
<i>RPL13AP17</i>	0.024
<i>RP11-325F22.5</i>	0.024
<i>MRC1</i>	0.024

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RN7SL8P</i>	0.024
<i>RXFP2</i>	0.024
<i>XAGE2B</i>	0.024
<i>AC079630.4</i>	0.024
<i>FGG</i>	0.024
<i>AGRP</i>	0.024
<i>GKN2</i>	0.025
<i>LINC01272</i>	0.025
<i>OVCH2</i>	0.025
<i>ACADL</i>	0.025
<i>TCF21</i>	0.025
<i>CTD-2369P2.8</i>	0.025
<i>F11</i>	0.025
<i>VEPH1</i>	0.026
<i>RBPM5-AS1</i>	0.026
<i>HBA1</i>	0.026
<i>NAPSA</i>	0.026
<i>HHIP</i>	0.026
<i>LINC01314</i>	0.026
<i>SFTPD</i>	0.026
<i>RP11-20D14.6</i>	0.027
<i>KRT6A</i>	0.027
<i>LINC00844</i>	0.027
<i>CTD-2589M5.4</i>	0.027
<i>CEACAM8</i>	0.027
<i>CD36</i>	0.027
<i>GSTA3</i>	0.027
<i>RP11-544M22.1</i>	0.027
<i>SIGLEC11</i>	0.027
<i>C16orf89</i>	0.027
<i>RP11-88I21.2</i>	0.027
<i>RP11-141J13.5</i>	0.027
<i>CH17-360D5.2</i>	0.027
<i>KRT16P1</i>	0.028
<i>WNT7A</i>	0.028
<i>SLC11A1</i>	0.028
<i>CAV1</i>	0.028
<i>PF4</i>	0.028
<i>SFTA1P</i>	0.028
<i>RP11-422N16.3</i>	0.028
<i>SCEL</i>	0.029
<i>GSTA2</i>	0.029
<i>PPARG</i>	0.029
<i>AC002066.1</i>	0.029
<i>SLPI</i>	0.029
<i>XXyac-YM21GA2</i>	0.029
<i>EMR1</i>	0.029

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>ADAMTS7P3</i>	0.030
<i>CHIA</i>	0.030
<i>OVCH1</i>	0.030
<i>SCGB1A1</i>	0.030
<i>TPSB2</i>	0.030
<i>TPSAB1</i>	0.030
<i>CNTN6</i>	0.031
<i>ADAMTS9-AS1</i>	0.031
<i>SUSD2</i>	0.031
<i>CCL23</i>	0.031
<i>NALCN-AS1</i>	0.031
<i>HP</i>	0.031
<i>ALOX5AP</i>	0.031
<i>MGC27382</i>	0.031
<i>AQP9</i>	0.031
<i>HBB</i>	0.031
<i>PLA2G4F</i>	0.032
<i>KRT79</i>	0.032
<i>CPAMD8</i>	0.032
<i>ANGPT4</i>	0.032
<i>RP11-476D10.1</i>	0.032
<i>SDPR</i>	0.032
<i>ANXA8</i>	0.032
<i>HYAL1</i>	0.032
<i>RP11-664D7.4</i>	0.032
<i>ADH1B</i>	0.032
<i>ZDHHC19</i>	0.032
<i>SLC34A2</i>	0.033
<i>CFTR</i>	0.033
<i>ALPP</i>	0.033
<i>CTD-2015H3.2</i>	0.033
<i>RP5-1103B4.3</i>	0.033
<i>EPGN</i>	0.033
<i>ABCA8</i>	0.033
<i>CCL20</i>	0.033
<i>WFDC5</i>	0.033
<i>SEC14L3</i>	0.033
<i>EDN3</i>	0.034
<i>SLC22A3</i>	0.034
<i>LEPREL1</i>	0.034
<i>AQP3</i>	0.034
<i>RP11-352D13.6</i>	0.034
<i>NTN4</i>	0.034
<i>RP11-357P18.2</i>	0.034
<i>RP11-133L19.3</i>	0.034
<i>MUC15</i>	0.034
<i>APOH</i>	0.035

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>HBM</i>	0.035
<i>SYNC</i>	0.035
<i>SEC14L6</i>	0.035
<i>AC079630.2</i>	0.035
<i>PIGR</i>	0.035
<i>TRHDE</i>	0.035
<i>FGFBP2</i>	0.035
<i>ATOH8</i>	0.035
<i>CAMP</i>	0.035
<i>FCGR3B</i>	0.035
<i>SELE</i>	0.035
<i>ATP13A4</i>	0.035
<i>RP11-251M1.1</i>	0.036
<i>RSPO1</i>	0.036
<i>SGMS2</i>	0.036
<i>MT1JP</i>	0.036
<i>TNNI2</i>	0.036
<i>RP11-403A3.3</i>	0.036
<i>FPR1</i>	0.036
<i>SCARA5</i>	0.036
<i>SPRR3</i>	0.036
<i>MYO16-AS1</i>	0.036
<i>FCER1A</i>	0.037
<i>ALPPL2</i>	0.037
<i>CCDC141</i>	0.037
<i>RP11-789C1.1</i>	0.037
<i>CYP4B1</i>	0.037
<i>AC007970.1</i>	0.037
<i>LINC00656</i>	0.037
<i>CD300C</i>	0.037
<i>AQP4</i>	0.037
<i>AREG</i>	0.037
<i>GYPE</i>	0.037
<i>CYP4Z2P</i>	0.037
<i>FIGF</i>	0.038
<i>SFTPB</i>	0.038
<i>BTNL9</i>	0.038
<i>LRRK2</i>	0.038
<i>FOLR1</i>	0.038
<i>DLC1</i>	0.038
<i>CAV2</i>	0.038
<i>INMT</i>	0.038
<i>ADTRP</i>	0.038
<i>C2orf91</i>	0.038
<i>NTF4</i>	0.038
<i>AQP7</i>	0.038
<i>GPRC5A</i>	0.038

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>AGBL1</i>	0.038
<i>WFDC12</i>	0.038
<i>DSG1</i>	0.038
<i>KRT6C</i>	0.039
<i>CHRNA2</i>	0.039
<i>TMPRSS2</i>	0.039
<i>AC092071.1</i>	0.039
<i>S100A9</i>	0.039
<i>KCNJ15</i>	0.039
<i>PTPRQ</i>	0.039
<i>CFD</i>	0.039
<i>KRT16P2</i>	0.039
<i>CLCA2</i>	0.039
<i>RP11-85G21.3</i>	0.039
<i>BTNL8</i>	0.039
<i>CHI3L2</i>	0.039
<i>WNT3A</i>	0.039
<i>ADRA1A</i>	0.040
<i>HAS1</i>	0.040
<i>TRIM71</i>	0.040
<i>S100A12</i>	0.040
<i>RP1-251M9.3</i>	0.040
<i>PRX</i>	0.040
<i>FCN3</i>	0.040
<i>CLEC3B</i>	0.040
<i>HSPB3</i>	0.040
<i>NPR1</i>	0.040
<i>PLA2G4E</i>	0.040
<i>RP1-35C21.1</i>	0.040
<i>EGR1</i>	0.040
<i>RP3-460G2.2</i>	0.041
<i>CLIC3</i>	0.041
<i>LINC01146</i>	0.041
<i>LINC00968</i>	0.041
<i>HCAR3</i>	0.041
<i>C2orf71</i>	0.041
<i>RP11-213H15.1</i>	0.041
<i>KRT24</i>	0.041
<i>RP11-720L2.4</i>	0.041
<i>FGF10</i>	0.041
<i>DMBT1</i>	0.042
<i>AKR1C3</i>	0.042
<i>ADH1A</i>	0.042
<i>ANKRD29</i>	0.042
<i>FGFR4</i>	0.042
<i>CLEC12A</i>	0.042
<i>IL1A</i>	0.042

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>AWAT2</i>	0.042
<i>SCGB3A2</i>	0.042
<i>IL1RL1</i>	0.042
<i>FAM107A</i>	0.042
<i>CYS1</i>	0.042
<i>SOCS3</i>	0.042
<i>ALAS2</i>	0.042
<i>C11orf96</i>	0.043
<i>LAMP3</i>	0.043
<i>DPEP2</i>	0.043
<i>SLC1A1</i>	0.043
<i>CSF3R</i>	0.043
<i>SIRPB1</i>	0.043
<i>AMZ1</i>	0.043
<i>IL6</i>	0.043
<i>RP11-286H15.1</i>	0.043
<i>DEFA3</i>	0.043
<i>ALDH2</i>	0.043
<i>RP11-79H23.3</i>	0.044
<i>LILRB3</i>	0.044
<i>TDRD10</i>	0.044
<i>ST8SIA6</i>	0.044
<i>PRAM1</i>	0.044
<i>ANXA3</i>	0.044
<i>FAM150B</i>	0.044
<i>AC093110.3</i>	0.045
<i>CTSH</i>	0.045
<i>ZMYND15</i>	0.045
<i>MATN3</i>	0.045
<i>MS4A2</i>	0.045
<i>CH17-360D5.3</i>	0.045
<i>ZFP36</i>	0.045
<i>HHIP-AS1</i>	0.045
<i>SLC22A31</i>	0.045
<i>GADD45B</i>	0.045
<i>SLC39A8</i>	0.045
<i>AC090616.2</i>	0.045
<i>PLBD1</i>	0.045
<i>TBX2-AS1</i>	0.046
<i>GALNT5</i>	0.046
<i>HPR</i>	0.046
<i>CTD-3107M8.2</i>	0.046
<i>FMO2</i>	0.046
<i>MSR1</i>	0.046
<i>CLEC1B</i>	0.046
<i>SYT15</i>	0.046
<i>AC006273.5</i>	0.046

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>PLA2G2A</i>	0.046
<i>CCIN</i>	0.046
<i>OR52K3P</i>	0.046
<i>VMO1</i>	0.046
<i>MT1A</i>	0.047
<i>MYOC</i>	0.047
<i>CTD-2135D7.5</i>	0.047
<i>SCTR</i>	0.047
<i>ADAMTS8</i>	0.047
<i>EDNRB</i>	0.047
<i>TMEM139</i>	0.047
<i>HPGDS</i>	0.047
<i>CTB-167B5.2</i>	0.047
<i>TMEM52B</i>	0.047
<i>SLC6A4</i>	0.047
<i>CXCR2</i>	0.047
<i>SFTA2</i>	0.048
<i>IRX6</i>	0.048
<i>TMEM150B</i>	0.048
<i>KNDC1</i>	0.048
<i>RP11-462G2.1</i>	0.048
<i>CPA3</i>	0.048
<i>FOS</i>	0.048
<i>PRG4</i>	0.048
<i>PTCRA</i>	0.048
<i>RP11-35J10.6</i>	0.048
<i>DCSTAMP</i>	0.048
<i>SERPINA1</i>	0.048
<i>SPINK6</i>	0.048
<i>RBMS3-AS3</i>	0.048
<i>GP9</i>	0.049
<i>CH25H</i>	0.049
<i>GPR116</i>	0.049
<i>ANPEP</i>	0.049
<i>RP11-359N11.1</i>	0.049
<i>C8A</i>	0.049
<i>SYNDIG1L</i>	0.049
<i>BNC1</i>	0.049
<i>RXFP1</i>	0.049
<i>C1orf162</i>	0.049
<i>EGR2</i>	0.049
<i>RP11-293P20.2</i>	0.050
<i>FGR</i>	0.050
<i>ALPL</i>	0.050
<i>GGTLC2</i>	0.050
<i>RASGRP4</i>	0.050
<i>CXCR1</i>	0.050

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>MYRF</i>	0.050
<i>HOPX</i>	0.050
<i>CTC-573N18.1</i>	0.050
<i>CASP14</i>	0.050
<i>ABCC6</i>	0.050
<i>NXF3</i>	0.051
<i>GPX3</i>	0.051
<i>AGTR2</i>	0.051
<i>SDR16C5</i>	0.051
<i>RP11-125O18.1</i>	0.051
<i>ZNF812</i>	0.051
<i>FHL5</i>	0.051
<i>GSTM5</i>	0.051
<i>C1orf116</i>	0.051
<i>LRP2</i>	0.051
<i>MMP19</i>	0.051
<i>HK3</i>	0.052
<i>IYD</i>	0.052
<i>AMICA1</i>	0.052
<i>AC013264.2</i>	0.052
<i>ITIH5</i>	0.052
<i>NDNF</i>	0.052
<i>AC064834.3</i>	0.052
<i>LRRN4</i>	0.052
<i>NLRC4</i>	0.052
<i>RP11-434D9.1</i>	0.052
<i>CCND2-AS1</i>	0.052
<i>SIGLEC5</i>	0.052
<i>HPGD</i>	0.053
<i>DOK2</i>	0.053
<i>RP11-470M17.2</i>	0.053
<i>LINC00551</i>	0.053
<i>PTGDS</i>	0.053
<i>CRTAC1</i>	0.053
<i>NCF2</i>	0.053
<i>CSRNP1</i>	0.054
<i>RP11-354E11.2</i>	0.054
<i>HNF1B</i>	0.054
<i>FBP1</i>	0.054
<i>TMEM236</i>	0.054
<i>CDH19</i>	0.054
<i>FOSL1</i>	0.054
<i>AC098828.3</i>	0.054
<i>TNXA</i>	0.054
<i>DIO3OS</i>	0.054
<i>CATSPERD</i>	0.054
<i>VGLL1</i>	0.054

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-246K15.1</i>	0.054
<i>COLEC12</i>	0.054
<i>ROS1</i>	0.054
<i>HBD</i>	0.054
<i>ZBED2</i>	0.054
<i>CCL17</i>	0.054
<i>SPRR1B</i>	0.055
<i>AC011899.9</i>	0.055
<i>GPR17</i>	0.055
<i>GPX1P1</i>	0.055
<i>PTPLA</i>	0.055
<i>SHE</i>	0.055
<i>GATA6</i>	0.055
<i>TEK</i>	0.055
<i>REG1A</i>	0.056
<i>ICAM1</i>	0.056
<i>CXCL16</i>	0.056
<i>SLC4A1</i>	0.056
<i>RP11-805I24.3</i>	0.056
<i>TPSD1</i>	0.056
<i>KHDRBS2</i>	0.056
<i>OR2S1P</i>	0.056
<i>AOC3</i>	0.056
<i>HSD17B6</i>	0.056
<i>ARHGAP31</i>	0.056
<i>CD52</i>	0.056
<i>RP1-186E20.1</i>	0.056
<i>DUSP1</i>	0.056
<i>RNASE4</i>	0.057
<i>SPI1</i>	0.057
<i>PLAC9</i>	0.057
<i>TGFBR2</i>	0.057
<i>STX11</i>	0.057
<i>PCDH15</i>	0.057
<i>CLEC12B</i>	0.057
<i>CYP1B1-AS1</i>	0.057
<i>S100A4</i>	0.057
<i>FGB</i>	0.057
<i>SCN7A</i>	0.057
<i>HLA-DRB5</i>	0.057
<i>PNMT</i>	0.057
<i>SIGLEC1</i>	0.057
<i>ADAMTSL4</i>	0.057
<i>GPR126</i>	0.057
<i>NFKBIZ</i>	0.058
<i>KANK3</i>	0.058
<i>RP11-371A19.2</i>	0.058

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CD33</i>	0.058
<i>RP3-462E2.3</i>	0.058
<i>DRAM1</i>	0.058
<i>RP11-1024P17.1</i>	0.058
<i>FGD5</i>	0.058
<i>CD163</i>	0.058
<i>EREG</i>	0.058
<i>LINC01108</i>	0.058
<i>SLC6A14</i>	0.058
<i>CTSPLP8</i>	0.059
<i>SERPINB7</i>	0.059
<i>HBG1</i>	0.059
<i>KLF2</i>	0.059
<i>SLC5A9</i>	0.059
<i>RP11-206P5.2</i>	0.059
<i>EPAS1</i>	0.059
<i>RP11-750H9.5</i>	0.059
<i>SIGLEC17P</i>	0.059
<i>GSTA1</i>	0.060
<i>RP1-240B8.3</i>	0.060
<i>RRAD</i>	0.060
<i>SULT1A2</i>	0.060
<i>MALL</i>	0.060
<i>TMEM100</i>	0.060
<i>PADI4</i>	0.060
<i>ALDH3B1</i>	0.060
<i>SH3RF2</i>	0.060
<i>RP11-287F9.2</i>	0.060
<i>SPOCD1</i>	0.060
<i>AQP1</i>	0.060
<i>SELENBP1</i>	0.061
<i>CMTM5</i>	0.061
<i>AC079467.1</i>	0.061
<i>BMP3</i>	0.061
<i>GATA1</i>	0.061
<i>HLA-DRB1</i>	0.061
<i>OSCAR</i>	0.062
<i>LY86</i>	0.062
<i>WWC2-AS2</i>	0.062
<i>RP11-76E17.3</i>	0.062
<i>NLRP12</i>	0.062
<i>TACSTD2</i>	0.062
<i>RP11-1008C21.1</i>	0.062
<i>RP1-78O14.1</i>	0.062
<i>CLIC5</i>	0.062
<i>CTD-2306A12.1</i>	0.063
<i>FLRT3</i>	0.063

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-274B18.2</i>	0.063
<i>ORM1</i>	0.063
<i>TMPRSS11D</i>	0.063
<i>ICAM5</i>	0.063
<i>ZNF385B</i>	0.063
<i>CA3</i>	0.063
<i>GLIPR2</i>	0.063
<i>RGCC</i>	0.063
<i>CA2</i>	0.063
<i>C1QA</i>	0.063
<i>AP001626.1</i>	0.064
<i>SLC6A13</i>	0.064
<i>GATA6-AS1</i>	0.064
<i>GYPE</i>	0.064
<i>CATSPER1</i>	0.064
<i>RP11-101E5.1</i>	0.064
<i>MFAP4</i>	0.064
<i>EDN1</i>	0.064
<i>ANGPT1</i>	0.064
<i>AC019117.1</i>	0.064
<i>ADAMTS9-AS2</i>	0.065
<i>CTA-363E6.2</i>	0.065
<i>FAM189A2</i>	0.065
<i>IL6R</i>	0.065
<i>C1QB</i>	0.065
<i>RP11-526F3.1</i>	0.065
<i>TMEM92</i>	0.065
<i>DPYS</i>	0.065
<i>KRT16P3</i>	0.065
<i>TLR2</i>	0.065
<i>CACNA2D2</i>	0.065
<i>LIPH</i>	0.065
<i>CYBRD1</i>	0.065
<i>LYVE1</i>	0.065
<i>RP11-35J10.7</i>	0.065
<i>ADH7</i>	0.065
<i>ITGAM</i>	0.066
<i>HBEGF</i>	0.066
<i>ADRB1</i>	0.066
<i>MIR223</i>	0.066
<i>RP11-815M8.1</i>	0.066
<i>EMR3</i>	0.066
<i>CSF2</i>	0.066
<i>CPM</i>	0.066
<i>C8orf34</i>	0.066
<i>THBD</i>	0.066
<i>GUCA2A</i>	0.067

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>FFAR4</i>	0.067
<i>MNDA</i>	0.067
<i>LINC01186</i>	0.067
<i>PDLIM2</i>	0.067
<i>RP11-317J10.2</i>	0.067
<i>PLA2G12B</i>	0.067
<i>AC007182.6</i>	0.067
<i>BHLHE41</i>	0.067
<i>LINC00694</i>	0.067
<i>SPATA20P1</i>	0.067
<i>LINC00842</i>	0.067
<i>AC093787.1</i>	0.067
<i>CYP2S1</i>	0.067
<i>MICA</i>	0.068
<i>RP11-720L2.3</i>	0.068
<i>PROS1</i>	0.068
<i>TMEM132C</i>	0.068
<i>WWC2</i>	0.068
<i>RP11-452C13.1</i>	0.068
<i>RND1</i>	0.068
<i>SIGLEC22P</i>	0.068
<i>MAP1LC3C</i>	0.068
<i>KRT4</i>	0.068
<i>TNNT3</i>	0.069
<i>RP11-655M14.4</i>	0.069
<i>AHNAK</i>	0.069
<i>MFAP3L</i>	0.069
<i>YAP1</i>	0.069
<i>PDE1B</i>	0.069
<i>SLC7A7</i>	0.069
<i>CAPN8</i>	0.069
<i>SLC39A12</i>	0.069
<i>TSKS</i>	0.069
<i>SEMA3B</i>	0.069
<i>CXCL1</i>	0.069
<i>MYZAP</i>	0.070
<i>RP11-336K24.5</i>	0.070
<i>RP5-826L7.1</i>	0.070
<i>FGFBP1</i>	0.070
<i>CTD-2078B5.2</i>	0.070
<i>PTAFR</i>	0.070
<i>SLC16A5</i>	0.070
<i>ATP1A2</i>	0.070
<i>FCN1</i>	0.070
<i>C11orf97</i>	0.070
<i>ACP5</i>	0.071
<i>C1QTNF7</i>	0.071

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>FENRRR</i>	0.071
<i>SPOCK2</i>	0.071
<i>AC013275.2</i>	0.071
<i>RP11-789C1.2</i>	0.071
<i>FGFR2</i>	0.071
<i>TLR8</i>	0.071
<i>C19orf33</i>	0.071
<i>APOC1</i>	0.071
<i>ZBTB16</i>	0.071
<i>GCSAML</i>	0.071
<i>MS4A7</i>	0.071
<i>ABCC13</i>	0.071
<i>CD97</i>	0.071
<i>SLCO2B1</i>	0.071
<i>PAPSS2</i>	0.071
<i>CYP4F32P</i>	0.072
<i>CYP17A1</i>	0.072
<i>TRPV2</i>	0.072
<i>PTH1R</i>	0.072
<i>ASPA</i>	0.072
<i>HSPB6</i>	0.072
<i>CHRD1</i>	0.072
<i>MAP3K8</i>	0.072
<i>C15orf59</i>	0.072
<i>PRELID2P1</i>	0.072
<i>RP11-1008C21.2</i>	0.073
<i>LDHD</i>	0.073
<i>NEDD9</i>	0.073
<i>DPP4</i>	0.073
<i>SERPINA9</i>	0.073
<i>BCL2A1</i>	0.073
<i>ID1</i>	0.074
<i>LIMS2</i>	0.074
<i>CTD-3247F14.2</i>	0.074
<i>GCNT4</i>	0.074
<i>LINC00211</i>	0.074
<i>SOD3</i>	0.074
<i>APOBR</i>	0.074
<i>RP11-1149M10.2</i>	0.074
<i>CYBB</i>	0.074
<i>FCGR3A</i>	0.074
<i>HIGD1B</i>	0.074
<i>CTD-2530N21.5</i>	0.074
<i>ADCY8</i>	0.074
<i>RP11-395E19.6</i>	0.074
<i>DKK1</i>	0.074
<i>RP11-335L23.5</i>	0.074

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>C5AR1</i>	0.074
<i>TYROBP</i>	0.075
<i>RP11-365O16.3</i>	0.075
<i>MIR27A</i>	0.075
<i>OSTN</i>	0.075
<i>IL34</i>	0.075
<i>SOSTDC1</i>	0.075
<i>ASZ1</i>	0.075
<i>DCN</i>	0.075
<i>TEKT4</i>	0.075
<i>HSPB8</i>	0.076
<i>C10orf115</i>	0.076
<i>PI3</i>	0.076
<i>RP11-272L13.4</i>	0.076
<i>RP11-44D19.1</i>	0.076
<i>ABCA3</i>	0.076
<i>ASPG</i>	0.076
<i>CH17-360D5.1</i>	0.077
<i>CTD-3032H12.1</i>	0.077
<i>VIPR1</i>	0.077
<i>LINC01166</i>	0.077
<i>CST6</i>	0.077
<i>ABCB1</i>	0.077
<i>PSCA</i>	0.077
<i>COL6A5</i>	0.077
<i>HLF</i>	0.077
<i>AGTR1</i>	0.077
<i>AC006129.1</i>	0.077
<i>DNAH17-AS1</i>	0.078
<i>ABI3BP</i>	0.078
<i>RP11-481H12.1</i>	0.078
<i>S100A3</i>	0.078
<i>RP11-64C12.8</i>	0.078
<i>LYPD2</i>	0.078
<i>LIF</i>	0.078
<i>PTPN13</i>	0.078
<i>LDB2</i>	0.078
<i>SIRPD</i>	0.078
<i>SIGLEC6</i>	0.078
<i>RP11-616M22.5</i>	0.078
<i>MLPH</i>	0.078
<i>LRG1</i>	0.079
<i>ZNF365</i>	0.079
<i>ADAMTSL3</i>	0.079
<i>TREM2</i>	0.079
<i>A2M</i>	0.079
<i>TIMP3</i>	0.079

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CPED1</i>	0.079
<i>RP1-229K20.5</i>	0.079
<i>MS4A14</i>	0.079
<i>FBLN5</i>	0.079
<i>RP11-356N1.2</i>	0.079
<i>FILIP1</i>	0.079
<i>AXL</i>	0.079
<i>STARD13-AS</i>	0.079
<i>ADAMTS1</i>	0.079
<i>RP11-280O1.2</i>	0.079
<i>GGTA1P</i>	0.079
<i>TBX2</i>	0.080
<i>RBP2</i>	0.080
<i>CTD-2003C8.2</i>	0.080
<i>SELPLG</i>	0.080
<i>PGAM1P5</i>	0.080
<i>NFE2</i>	0.080
<i>S1PR4</i>	0.080
<i>S100A10</i>	0.080
<i>FAM46B</i>	0.080
<i>VIM</i>	0.081
<i>FMO5</i>	0.081
<i>SLURP1</i>	0.081
<i>RP11-236L14.2</i>	0.081
<i>RP11-16K12.1</i>	0.081
<i>CLEC14A</i>	0.081
<i>RP11-95I16.6</i>	0.081
<i>NFAM1</i>	0.081
<i>CCDC69</i>	0.081
<i>SIRPB2</i>	0.081
<i>MT1M</i>	0.081
<i>PTPRB</i>	0.081
<i>GREM2</i>	0.082
<i>TBX4</i>	0.082
<i>EMCN</i>	0.082
<i>SRPX</i>	0.082
<i>RNASE1</i>	0.082
<i>PROSER2</i>	0.082
<i>NCF1</i>	0.082
<i>RP11-806O11.1</i>	0.082
<i>RBPMS</i>	0.082
<i>KRT13</i>	0.082
<i>C1QC</i>	0.082
<i>PSAPL1</i>	0.083
<i>SCN2B</i>	0.083
<i>SNTN</i>	0.083
<i>KLK7</i>	0.083

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>EHD2</i>	0.083
<i>SPN</i>	0.083
<i>MALRD1</i>	0.083
<i>LRRC36</i>	0.083
<i>KRT27</i>	0.084
<i>CEBPA</i>	0.084
<i>HEMGN</i>	0.084
<i>AC016745.3</i>	0.084
<i>PHOSPHO1</i>	0.084
<i>C12orf54</i>	0.084
<i>EPDR1</i>	0.084
<i>LYZ</i>	0.084
<i>LINC00961</i>	0.084
<i>CD164L2</i>	0.084
<i>EPHA2</i>	0.084
<i>RP4-575N6.5</i>	0.084
<i>CCDC68</i>	0.084
<i>S1PR1</i>	0.084
<i>MS4A4A</i>	0.085
<i>AC079325.6</i>	0.085
<i>RP11-243M5.1</i>	0.085
<i>SLC15A3</i>	0.085
<i>MITF</i>	0.085
<i>SHROOM4</i>	0.085
<i>LINC00163</i>	0.085
<i>LRRC18</i>	0.085
<i>ANGPTL1</i>	0.085
<i>CTD-3035K23.7</i>	0.085
<i>FCGR1C</i>	0.085
<i>WDR38</i>	0.085
<i>ALOX5</i>	0.085
<i>EFEMP1</i>	0.086
<i>TUBB1</i>	0.086
<i>BTK</i>	0.086
<i>DEFA4</i>	0.086
<i>RP11-82L18.4</i>	0.086
<i>ANKRD2</i>	0.086
<i>SIGLEC7</i>	0.086
<i>DUOXA1</i>	0.087
<i>P2RX1</i>	0.087
<i>CMTM2</i>	0.087
<i>DAW1</i>	0.087
<i>VNN1</i>	0.087
<i>PDZD2</i>	0.087
<i>VWA3A</i>	0.087
<i>CD300LF</i>	0.087
<i>AC060834.2</i>	0.087

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SPARCL1</i>	0.087
<i>ODF3L1</i>	0.087
<i>CES1P1</i>	0.087
<i>SH3GL3</i>	0.087
<i>ZC3H12A</i>	0.087
<i>C15orf52</i>	0.087
<i>EGFL7</i>	0.088
<i>ARG1</i>	0.088
<i>PILRA</i>	0.088
<i>FAM162B</i>	0.088
<i>RN7SKP18</i>	0.088
<i>PDPN</i>	0.088
<i>NOSTRIN</i>	0.088
<i>PDE4C</i>	0.088
<i>UNC13D</i>	0.088
<i>P2RY12</i>	0.088
<i>JAM2</i>	0.088
<i>WFDC1</i>	0.088
<i>COL4A3</i>	0.089
<i>CFI</i>	0.089
<i>EVI2B</i>	0.089
<i>WTIP</i>	0.089
<i>RP11-276H7.3</i>	0.089
<i>FLVCR2</i>	0.089
<i>RAPGEF3</i>	0.089
<i>CTSG</i>	0.089
<i>SPTLC3</i>	0.089
<i>C7</i>	0.089
<i>CLEC1A</i>	0.089
<i>NNMT</i>	0.090
<i>MMP28</i>	0.090
<i>MAOA</i>	0.090
<i>SYT8</i>	0.090
<i>ACVRL1</i>	0.090
<i>RP11-622C24.2</i>	0.090
<i>CRISP2</i>	0.090
<i>TM4SF4</i>	0.090
<i>LINC00113</i>	0.090
<i>CD44</i>	0.090
<i>SIGLEC9</i>	0.090
<i>AC104654.2</i>	0.090
<i>IL1RN</i>	0.090
<i>CD1C</i>	0.090
<i>RP11-64B16.2</i>	0.090
<i>SPATS1</i>	0.090
<i>MAMDC2</i>	0.090
<i>RASGRP2</i>	0.090

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>TMEM204</i>	0.090
<i>AC017060.1</i>	0.090
<i>AOC4P</i>	0.091
<i>AC105053.3</i>	0.091
<i>SLC4A4</i>	0.091
<i>PDZK1IP1</i>	0.091
<i>LINC00689</i>	0.091
<i>RP3-425P12.2</i>	0.091
<i>NPR3</i>	0.091
<i>WISP2</i>	0.091
<i>CYP27A1</i>	0.091
<i>CLEC7A</i>	0.091
<i>LINC01160</i>	0.091
<i>FOXF1</i>	0.091
<i>SOCS2</i>	0.091
<i>EVPLL</i>	0.091
<i>RP11-403A21.1</i>	0.092
<i>STAC</i>	0.092
<i>VNN3</i>	0.092
<i>IL33</i>	0.092
<i>BMP4</i>	0.092
<i>PCAT19</i>	0.092
<i>IL1R1</i>	0.092
<i>HSPA12B</i>	0.092
<i>JUNB</i>	0.092
<i>RBMS3</i>	0.092
<i>SPRR2C</i>	0.092
<i>DTX4</i>	0.092
<i>CD55</i>	0.092
<i>FSTL3</i>	0.093
<i>CLEC4E</i>	0.093
<i>ITGB6</i>	0.093
<i>RP11-144A16.8</i>	0.093
<i>CD1E</i>	0.093
<i>LRRC52</i>	0.093
<i>C10orf128</i>	0.093
<i>CYP4F29P</i>	0.093
<i>CYP2A6</i>	0.093
<i>ITGB2</i>	0.093
<i>SOWAHD</i>	0.093
<i>KLK5</i>	0.093
<i>MFSD7</i>	0.093
<i>TNS1</i>	0.094
<i>CASP12</i>	0.094
<i>ATP2C2</i>	0.094
<i>DAB2</i>	0.094
<i>SLC10A2</i>	0.094

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CYR61</i>	0.094
<i>GPR65</i>	0.094
<i>BST1</i>	0.094
<i>PECAM1</i>	0.094
<i>C3</i>	0.094
<i>LINC00504</i>	0.094
<i>AHCYL2</i>	0.094
<i>RP11-114G11.5</i>	0.094
<i>RP11-213O5.4</i>	0.094
<i>GPR133</i>	0.094
<i>ROBO4</i>	0.094
<i>RP11-312J18.6</i>	0.094
<i>ABCG2</i>	0.094
<i>CREB3L1</i>	0.095
<i>CATIP</i>	0.095
<i>C3orf55</i>	0.095
<i>TNFSF12</i>	0.095
<i>MGC32805</i>	0.095
<i>CTB-138E5.1</i>	0.095
<i>LCNL1</i>	0.095
<i>PTRF</i>	0.095
<i>KLK8</i>	0.095
<i>FABP3</i>	0.095
<i>RASSF9</i>	0.095
<i>REM1</i>	0.096
<i>F3</i>	0.096
<i>NCF1C</i>	0.096
<i>DUOX1</i>	0.096
<i>TREML1</i>	0.096
<i>RP11-470L19.2</i>	0.096
<i>CGNL1</i>	0.096
<i>RP3-369A17.4</i>	0.096
<i>RP11-320N7.2</i>	0.096
<i>EGF</i>	0.097
<i>BNIPL</i>	0.097
<i>TBX5-AS1</i>	0.097
<i>FCGR2A</i>	0.097
<i>BCAS1</i>	0.097
<i>IRX3</i>	0.097
<i>MIR221</i>	0.097
<i>AVPI1</i>	0.097
<i>PTGS2</i>	0.097
<i>LINC01081</i>	0.097
<i>MGAM</i>	0.097
<i>CDH16</i>	0.097
<i>CLEC4D</i>	0.097
<i>FXVD1</i>	0.098

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CTSW</i>	0.098
<i>FGFR3</i>	0.098
<i>TFPI</i>	0.098
<i>TIE1</i>	0.098
<i>CHP2</i>	0.098
<i>LAMA3</i>	0.098
<i>SLC47A1</i>	0.098
<i>LMOD3</i>	0.098
<i>IL7R</i>	0.099
<i>B3GNT7</i>	0.099
<i>GNG11</i>	0.099
<i>RP11-625L16.4</i>	0.099
<i>NPY4R</i>	0.099
<i>SYT15</i>	0.099
<i>FAM110D</i>	0.099
<i>CR1</i>	0.099
<i>RP11-212I21.2</i>	0.099
<i>PI16</i>	0.099
<i>SCIMP</i>	0.099
<i>RP11-134G8.8</i>	0.099
<i>KPNA7</i>	0.099
<i>C20orf85</i>	0.099
<i>PRODH</i>	0.099
<i>UPK2</i>	0.099
<i>LATS2</i>	0.099
<i>VENTX</i>	0.099
<i>RP11-327J17.9</i>	0.099
<i>SLC24A4</i>	0.099
<i>LIPN</i>	0.099
<i>TEPP</i>	0.099
<i>CCL2</i>	0.099
<i>RP11-95I16.2</i>	0.099
<i>MYL3</i>	0.099
<i>CEBPE</i>	0.100
<i>CAPNS2</i>	0.100
<i>GGT2</i>	0.100
<i>CELA3B</i>	0.100
<i>RP11-800A3.4</i>	0.100
<i>RP11-838N2.4</i>	0.100
<i>COX7A1</i>	0.100
<i>TGM4</i>	0.100
<i>CISH</i>	0.100
<i>CTSS</i>	0.101
<i>XXyac-YM21GA2</i>	0.101
<i>RP5-899E9.1</i>	0.101
<i>RNF128</i>	0.101
<i>OIT3</i>	0.101

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>GPR87</i>	0.101
<i>AC003075.4</i>	0.101
<i>RP1</i>	0.101
<i>LEPREL1-AS1</i>	0.101
<i>ARRB1</i>	0.101
<i>RAMP3</i>	0.101
<i>RP11-676J12.7</i>	0.101
<i>RP11-403B2.7</i>	0.101
<i>Z84812.4</i>	0.101
<i>CYGB</i>	0.101
<i>IL13RA2</i>	0.101
<i>RP11-320G24.1</i>	0.102
<i>ARHGAP6</i>	0.102
<i>AC009238.8</i>	0.102
<i>ENPP3</i>	0.102
<i>RP11-44B19.1</i>	0.102
<i>SOX17</i>	0.102
<i>MYL9</i>	0.102
<i>HSPA8P20</i>	0.102
<i>SPINK7</i>	0.102
<i>NAPSB</i>	0.102
<i>TNFAIP8L2</i>	0.102
<i>SLC51B</i>	0.102
<i>ADCY7</i>	0.103
<i>CA4</i>	0.103
<i>ARHGAP40</i>	0.103
<i>ARHGEF15</i>	0.103
<i>NR3C2</i>	0.103
<i>TRPC6</i>	0.103
<i>GNG7</i>	0.103
<i>RP11-403A3.2</i>	0.103
<i>RP11-512N21.3</i>	0.103
<i>NCF1B</i>	0.103
<i>ERP27</i>	0.103
<i>RRAS</i>	0.103
<i>AP000438.2</i>	0.103
<i>RP11-63P12.6</i>	0.103
<i>CD93</i>	0.103
<i>GAPT</i>	0.103
<i>LINC01169</i>	0.103
<i>HKDC1</i>	0.104
<i>SLCO2A1</i>	0.104
<i>HHLA2</i>	0.104
<i>AP001189.4</i>	0.104
<i>EVA1A</i>	0.104
<i>MGAT3</i>	0.104
<i>LINC01165</i>	0.104

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>GHR</i>	0.105
<i>TAL1</i>	0.105
<i>RN7SKP51</i>	0.105
<i>AC108868.5</i>	0.105
<i>EMP1</i>	0.105
<i>LINC01094</i>	0.105
<i>WDFY4</i>	0.105
<i>ESAM</i>	0.105
<i>CXCL17</i>	0.105
<i>RP13-580F15.2</i>	0.105
<i>SGK1</i>	0.105
<i>GMFG</i>	0.105
<i>TMEM150A</i>	0.105
<i>CAT</i>	0.105
<i>RP11-473M20.9</i>	0.105
<i>GRTP1-AS1</i>	0.105
<i>MYCT1</i>	0.105
<i>LINC00443</i>	0.106
<i>PAQR5</i>	0.106
<i>MYO1F</i>	0.106
<i>SEMA3G</i>	0.106
<i>DKK2</i>	0.106
<i>PPP1R42</i>	0.106
<i>C10orf54</i>	0.106
<i>LCN6</i>	0.106
<i>GPC5</i>	0.106
<i>LLNLR-470E3.1</i>	0.106
<i>CTD-2562J17.7</i>	0.106
<i>GIMAP8</i>	0.106
<i>RMDN2</i>	0.106
<i>TDRD9</i>	0.106
<i>VIM-AS1</i>	0.107
<i>FAT4</i>	0.107
<i>S100P</i>	0.107
<i>THEMIS2</i>	0.107
<i>LRRC32</i>	0.107
<i>KRT73</i>	0.107
<i>KMO</i>	0.107
<i>PTGER2</i>	0.107
<i>FCER1G</i>	0.107
<i>PLXDC2</i>	0.107
<i>BLVRB</i>	0.107
<i>GCSAML-AS1</i>	0.107
<i>LRRC25</i>	0.107
<i>ITGAX</i>	0.107
<i>SLC37A2</i>	0.108
<i>LIPA</i>	0.108

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>NTRK3</i>	0.108
<i>TNFSF13</i>	0.108
<i>MPP7</i>	0.108
<i>KLF15</i>	0.108
<i>LDLR</i>	0.108
<i>PHLDA3</i>	0.108
<i>RIN3</i>	0.108
<i>METRN</i>	0.108
<i>LPAL2</i>	0.108
<i>AC004988.1</i>	0.108
<i>APOE</i>	0.108
<i>LRP1</i>	0.109
<i>SHC3</i>	0.109
<i>SERPING1</i>	0.109
<i>CAV3</i>	0.109
<i>RP11-1223D19.1</i>	0.109
<i>RPL23AP35</i>	0.109
<i>RP11-56A10.1</i>	0.109
<i>ANG</i>	0.109
<i>CTSD</i>	0.109
<i>PTPN21</i>	0.109
<i>AFF3</i>	0.109
<i>SGCA</i>	0.109
<i>CST5</i>	0.109
<i>HLA-DMA</i>	0.109
<i>RP11-408O19.5</i>	0.109
<i>PRSS57</i>	0.109
<i>RGN</i>	0.110
<i>CLDN1</i>	0.110
<i>TBC1D2</i>	0.110
<i>RP11-283G6.4</i>	0.110
<i>ACE2</i>	0.110
<i>PCDH20</i>	0.110
<i>C10orf107</i>	0.110
<i>PIH1D3</i>	0.110
<i>CYMP</i>	0.110
<i>AP002954.4</i>	0.110
<i>LINC01267</i>	0.110
<i>RP11-589N15.2</i>	0.110
<i>KCNA10</i>	0.110
<i>TGM2</i>	0.110
<i>SQRDL</i>	0.111
<i>KLB</i>	0.111
<i>RP11-548P2.2</i>	0.111
<i>P2RY13</i>	0.111
<i>PPP1R14A</i>	0.111
<i>G0S2</i>	0.111

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>AC019117.2</i>	0.111
<i>ELF5</i>	0.111
<i>AC123886.2</i>	0.112
<i>CD69</i>	0.112
<i>FCGR1A</i>	0.112
<i>AADAC</i>	0.112
<i>SNTB1</i>	0.112
<i>HNMT</i>	0.112
<i>RP11-203P23.2</i>	0.112
<i>RP11-121A8.1</i>	0.112
<i>GLRX</i>	0.112
<i>SMG8</i>	0.112
<i>GATA5</i>	0.112
<i>CYP4A11</i>	0.112
<i>CEBPD</i>	0.112
<i>RP11-20J15.3</i>	0.112
<i>CTD-2626G11.2</i>	0.113
<i>TLR5</i>	0.113
<i>SEMA3C</i>	0.113
<i>AC116035.1</i>	0.113
<i>NUPR1</i>	0.113
<i>BX842568.1</i>	0.113
<i>KLF8</i>	0.113
<i>CD74</i>	0.113
<i>CEACAM6</i>	0.113
<i>CTD-2515H24.2</i>	0.113
<i>TSC22D3</i>	0.113
<i>CTD-2531D15.4</i>	0.113
<i>NCF4</i>	0.113
<i>PALMD</i>	0.114
<i>LAPTM5</i>	0.114
<i>EMR4P</i>	0.114
<i>GPR97</i>	0.114
<i>RP11-567J20.3</i>	0.114
<i>TGFB1</i>	0.114
<i>RP11-352D13.5</i>	0.114
<i>CTA-85E5.10</i>	0.114
<i>SH2D3C</i>	0.114
<i>AHR</i>	0.114
<i>FCGR1B</i>	0.114
<i>MYBPC3</i>	0.114
<i>CASS4</i>	0.114
<i>SIGLEC18P</i>	0.115
<i>IL4R</i>	0.115
<i>RP11-472G21.2</i>	0.115
<i>IL1B</i>	0.115
<i>WARSP1</i>	0.115

Gene Name	Fold change relative to normal
AJUBA	0.115
P2RY2	0.115
KLF9	0.115
AC006273.4	0.115
RN7SL475P	0.115
PMP22	0.115
APOBEC3A	0.115
ATP13A4-AS1	0.115
HRCT1	0.115
IL18R1	0.115
S100A14	0.115
Metazoa_SRP	0.116
IL18	0.116
SLC16A11	0.116
RP4-666F24.3	0.116
GNGT2	0.116
AC109642.1	0.116
RTKN2	0.116
FAM124B	0.116
RP11-440I14.3	0.116
MYH2	0.116
SIGLEC16	0.116
RP11-1C1.7	0.116
RP1-151F17.2	0.116
HCK	0.116
CX3CR1	0.116
CX3CL1	0.116
CR2	0.116
LINC00890	0.116
RNU6ATAC18P	0.117
DENND3	0.117
FGD2	0.117
RP11-475O23.2	0.117
LGALS3	0.117
TRAV5	0.117
AC007381.3	0.117
ACOXL	0.118
RBMY1KP	0.118
DHRS9	0.118
FAM166B	0.118
GPR123	0.118
RP11-626H12.1	0.118
GABRE	0.118
CARD16	0.118
AOX1	0.118
ST6GALNAC1	0.118
MUC1	0.119

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CTSC</i>	0.119
<i>SIRPA</i>	0.119
<i>TMEM119</i>	0.119
<i>CD37</i>	0.119
<i>NR4A1</i>	0.119
<i>C1orf186</i>	0.119
<i>CD302</i>	0.119
<i>KIAA1462</i>	0.120
<i>CLIP4</i>	0.120
<i>RP11-155N3.4</i>	0.120
<i>EMP2</i>	0.120
<i>AQP10</i>	0.120
<i>CORIN</i>	0.120
<i>KLRB1</i>	0.120
<i>ADPRH</i>	0.120
<i>OR5BA1P</i>	0.120
<i>ZNF727P</i>	0.120
<i>AC092652.1</i>	0.120
<i>PRELP</i>	0.121
<i>TRGJP2</i>	0.121
<i>PER1</i>	0.121
<i>RP11-93B14.10</i>	0.121
<i>AC083949.1</i>	0.121
<i>RP11-820L6.1</i>	0.121
<i>AC016735.2</i>	0.121
<i>ACSL5</i>	0.121
<i>SLC25A47P1</i>	0.121
<i>ABCC6P2</i>	0.121
<i>RP11-120M18.5</i>	0.121
<i>HMOX1</i>	0.121
<i>RP11-720N19.1</i>	0.121
<i>DLEC1</i>	0.121
<i>STOM</i>	0.121
<i>DAPK2</i>	0.121
<i>SLC6A12</i>	0.121
<i>CTC-436P18.3</i>	0.121
<i>RP11-350G8.5</i>	0.121
<i>ORM2</i>	0.121
<i>ASAH1</i>	0.121
<i>C3AR1</i>	0.121
<i>TBXAS1</i>	0.121
<i>ENG</i>	0.122
<i>RP11-277P12.10</i>	0.122
<i>C5AR2</i>	0.122
<i>ACKR4</i>	0.122
<i>RP11-732A21.3</i>	0.122
<i>PEG3</i>	0.122

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SIRPAP1</i>	0.122
<i>LAMB3</i>	0.122
<i>RP11-673E1.3</i>	0.122
<i>IL1R2</i>	0.122
<i>AC011516.2</i>	0.123
<i>TNIP3</i>	0.123
<i>ACOX2</i>	0.123
<i>RP11-800A3.7</i>	0.123
<i>RP11-44F14.1</i>	0.123
<i>LTA4H</i>	0.123
<i>RP11-641D5.2</i>	0.123
<i>PDE6G</i>	0.123
<i>KIF1C</i>	0.123
<i>TLR4</i>	0.123
<i>C6orf229</i>	0.123
<i>COL13A1</i>	0.123
<i>CNN2</i>	0.123
<i>OSMR</i>	0.123
<i>PKDCC</i>	0.123
<i>LAIR1</i>	0.124
<i>TCTEX1D4</i>	0.124
<i>RP11-671P2.1</i>	0.124
<i>SIDT2</i>	0.124
<i>DNASE2B</i>	0.124
<i>ABCC3</i>	0.124
<i>AC018647.3</i>	0.124
<i>TNXB</i>	0.124
<i>GGT1</i>	0.124
<i>MLC1</i>	0.124
<i>ALS2CL</i>	0.124
<i>CALCRL</i>	0.125
<i>STARD8</i>	0.125
<i>CD22</i>	0.125
<i>BHLHE40</i>	0.125
<i>BIN2</i>	0.125
<i>GLP2R</i>	0.125
<i>RP4-530I15.10</i>	0.125
<i>PRKCQ</i>	0.125
<i>PCP4L1</i>	0.125
<i>APBB1IP</i>	0.125
<i>MSRB3</i>	0.125
<i>TMBIM1</i>	0.125
<i>RP11-467L13.5</i>	0.125
<i>NPC2</i>	0.125
<i>RP11-1100L3.8</i>	0.125
<i>LINC01010</i>	0.125
<i>AC073130.1</i>	0.125

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-164J13.1</i>	0.126
<i>GIMAP1</i>	0.126
<i>AKAP13</i>	0.126
<i>ATP13A5</i>	0.126
<i>RP11-446E9.2</i>	0.126
<i>HGF</i>	0.126
<i>APOC1P1</i>	0.126
<i>RP11-588K22.2</i>	0.126
<i>SNORA48</i>	0.126
<i>AP001434.2</i>	0.126
<i>RP11-370I10.2</i>	0.126
<i>GP1B1</i>	0.126
<i>RP11-259K15.2</i>	0.126
<i>KCNJ8</i>	0.127
<i>TFEC</i>	0.127
<i>RP1-28O10.1</i>	0.127
<i>RPSAP47</i>	0.127
<i>RP11-373D23.3</i>	0.127
<i>RP11-736K20.5</i>	0.127
<i>LMTK3</i>	0.127
<i>LPL</i>	0.127
<i>TNFRSF10B</i>	0.127
<i>CDA</i>	0.127
<i>SMAD6</i>	0.128
<i>RP13-577H12.2</i>	0.128
<i>RP11-627G18.1</i>	0.128
<i>CARD6</i>	0.128
<i>KLRF1</i>	0.128
<i>OSGIN1</i>	0.128
<i>FERMT3</i>	0.128
<i>NEXN</i>	0.128
<i>ARHGAP18</i>	0.128
<i>IFITM2</i>	0.128
<i>ALDH1A1</i>	0.128
<i>FIBIN</i>	0.128
<i>BMP2</i>	0.128
<i>SPATC1</i>	0.128
<i>CTC-441N14.2</i>	0.128
<i>PDE4A</i>	0.128
<i>C19orf35</i>	0.128
<i>RP11-7F17.3</i>	0.128
<i>MROH9</i>	0.129
<i>GAS2L1</i>	0.129
<i>FAM20A</i>	0.129
<i>C1orf200</i>	0.129
<i>TMEM125</i>	0.129
<i>TRIB1</i>	0.129

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-823E8.3</i>	0.129
<i>CSF2RB</i>	0.129
<i>CD53</i>	0.129
<i>CAPN11</i>	0.129
<i>SRGN</i>	0.129
<i>SECISBP2L</i>	0.130
<i>SLC2A9</i>	0.130
<i>ECSCR</i>	0.130
<i>OSMR-AS1</i>	0.130
<i>RP11-82L18.2</i>	0.130
<i>TPRG1</i>	0.130
<i>LIMCH1</i>	0.130
<i>SLC43A2</i>	0.130
<i>SASH3</i>	0.130
<i>DENND2C</i>	0.130
<i>LILRA5</i>	0.130
<i>ADAM29</i>	0.130
<i>CFP</i>	0.130
<i>RP11-93B14.9</i>	0.131
<i>CA12</i>	0.131
<i>VSIG2</i>	0.131
<i>RP11-70C1.1</i>	0.131
<i>ZYX</i>	0.131
<i>CCRL2</i>	0.131
<i>NIM1K</i>	0.131
<i>IGJ</i>	0.131
<i>AC007277.3</i>	0.131
<i>MS4A3</i>	0.131
<i>C8orf4</i>	0.131
<i>CETP</i>	0.131
<i>SH2D4B</i>	0.131
<i>GPSM3</i>	0.131
<i>CRIM1</i>	0.131
<i>RP11-359M6.1</i>	0.131
<i>ABCA6</i>	0.132
<i>GPR110</i>	0.132
<i>FTL</i>	0.132
<i>AC106788.1</i>	0.132
<i>MRGPRF</i>	0.132
<i>PRRG1</i>	0.132
<i>MYH11</i>	0.132
<i>EFEMP2</i>	0.132
<i>LINC00892</i>	0.132
<i>SULT1A1</i>	0.132
<i>ACE</i>	0.132
<i>KRT40</i>	0.132
<i>AC092569.2</i>	0.132

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SAMD4A</i>	0.132
<i>GPNMB</i>	0.132
<i>TLR7</i>	0.132
<i>RP11-85G21.2</i>	0.133
<i>CTB-43E15.2</i>	0.133
<i>SLC1A7</i>	0.133
<i>MIR24-2</i>	0.133
<i>ITPR1</i>	0.133
<i>MYO1G</i>	0.133
<i>LTBP4</i>	0.133
<i>USP30-AS1</i>	0.133
<i>RP11-432J24.5</i>	0.133
<i>RP4-575N6.4</i>	0.133
<i>PTGDR</i>	0.133
<i>RP13-213K19.1</i>	0.133
<i>TPK1</i>	0.133
<i>EVI2A</i>	0.134
<i>KLF4</i>	0.134
<i>RP11-300J18.1</i>	0.134
<i>MDFIC</i>	0.134
<i>SH2D1B</i>	0.134
<i>RNF144B</i>	0.134
<i>EMP3</i>	0.134
<i>RP11-202D1.3</i>	0.134
<i>SLC15A2</i>	0.134
<i>GSDMC</i>	0.135
<i>EPPIN</i>	0.135
<i>DEFB4A</i>	0.135
<i>C11orf21</i>	0.135
<i>CTD-2245E15.3</i>	0.135
<i>RP11-381N20.1</i>	0.135
<i>CD4</i>	0.135
<i>SLA</i>	0.135
<i>MMRN2</i>	0.135
<i>AC144831.1</i>	0.135
<i>LINC00702</i>	0.135
<i>RAB31</i>	0.135
<i>RENBP</i>	0.135
<i>KLHL6</i>	0.135
<i>OSR1</i>	0.136
<i>OMG</i>	0.136
<i>FAM89A</i>	0.136
<i>RPL31P40</i>	0.136
<i>LPXN</i>	0.136
<i>SHISA3</i>	0.136
<i>TENC1</i>	0.136
<i>TMEM71</i>	0.136

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP11-309N17.4</i>	0.136
<i>ANKDD1B</i>	0.136
<i>RP11-159H3.1</i>	0.136
<i>SEMA3E</i>	0.136
<i>ZEB2</i>	0.136
<i>MPZL2</i>	0.136
<i>P2RX2</i>	0.136
<i>SLC16A4</i>	0.136
<i>TRPC2</i>	0.136
<i>RP1-120G22.11</i>	0.137
<i>CTD-3023J11.2</i>	0.137
<i>OGN</i>	0.137
<i>MTUS1</i>	0.137
<i>ABLIM3</i>	0.137
<i>RP11-432J24.2</i>	0.137
<i>CEACAM3</i>	0.137
<i>RP11-333A23.4</i>	0.137
<i>RP11-443B7.3</i>	0.137
<i>FAM3D</i>	0.137
<i>RP4-576H24.2</i>	0.137
<i>RGS18</i>	0.137
<i>ZNF300P1</i>	0.137
<i>GUCY1A3</i>	0.137
<i>SECTM1</i>	0.138
<i>COL4A4</i>	0.138
<i>RP11-459E5.1</i>	0.138
<i>OLFML1</i>	0.138
<i>RP1-29C18.9</i>	0.138
<i>SYNPO</i>	0.138
<i>LGALS4</i>	0.138
<i>PARM1</i>	0.139
<i>RP11-626A5.2</i>	0.139
<i>MRC2</i>	0.139
<i>ITPKC</i>	0.139
<i>TRBV28</i>	0.139
<i>SYDE1</i>	0.139
<i>TRAV18</i>	0.139
<i>FUOM</i>	0.139
<i>ADCY4</i>	0.139
<i>CITED2</i>	0.139
<i>TP63</i>	0.139
<i>CTRB1</i>	0.139
<i>CELF2-AS2</i>	0.139
<i>CCDC42B</i>	0.139
<i>HVCN1</i>	0.139
<i>PRKG1</i>	0.140
<i>AC083900.1</i>	0.140

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>EDAR</i>	0.140
<i>VSTM4</i>	0.140
<i>GJA5</i>	0.140
<i>TMEM243</i>	0.140
<i>RP11-864I4.3</i>	0.140
<i>PCOLCE2</i>	0.140
<i>ACSL1</i>	0.140
<i>AGPAT9</i>	0.140
<i>AC147651.4</i>	0.141
<i>KRT87P</i>	0.141
<i>CTGF</i>	0.141
<i>TSPO</i>	0.141
<i>RP11-156K13.1</i>	0.141
<i>CD86</i>	0.141
<i>RAB11FIP1</i>	0.141
<i>ARAP2</i>	0.141
<i>UBTD1</i>	0.141
<i>ABCC9</i>	0.141
<i>RP11-264B14.1</i>	0.141
<i>DHRS3</i>	0.142
<i>VNN2</i>	0.142
<i>ITGA8</i>	0.142
<i>HNRNPA1P33</i>	0.142
<i>C20orf166-AS1</i>	0.142
<i>SVEP1</i>	0.142
<i>DNAAF1</i>	0.142
<i>IFFO1</i>	0.142
<i>AKR1C1</i>	0.142
<i>TSPAN32</i>	0.142
<i>UNC45B</i>	0.142
<i>ADAMTSL4-AS1</i>	0.142
<i>FRMD4B</i>	0.142
<i>RP11-541N10.3</i>	0.142
<i>LINC00982</i>	0.143
<i>FAH</i>	0.143
<i>CLEC2B</i>	0.143
<i>CDC42EP1</i>	0.143
<i>TRIM61</i>	0.143
<i>CDH5</i>	0.143
<i>HS3ST2</i>	0.143
<i>RP3-332B22.1</i>	0.143
<i>RCVRN</i>	0.143
<i>ADAMTSL5</i>	0.143
<i>CA1</i>	0.143
<i>SEMA4A</i>	0.143
<i>OR6K3</i>	0.143
<i>CAPN3</i>	0.143

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>PLCD3</i>	0.143
<i>C5orf38</i>	0.144
<i>PTPRE</i>	0.145
<i>ITGAL</i>	0.145
<i>ALDH3A1</i>	0.145
<i>THSD1</i>	0.145
<i>TCL1A</i>	0.145
<i>AC008592.5</i>	0.145
<i>IL20RA</i>	0.145
<i>LRRC2</i>	0.145
<i>FKBP5</i>	0.146
<i>RAB27B</i>	0.146
<i>GPRIN2</i>	0.146
<i>FAM83E</i>	0.146
<i>DAAM2</i>	0.146
<i>CELF2</i>	0.146
<i>RILPL2</i>	0.146
<i>ZCCHC24</i>	0.146
<i>VWF</i>	0.146
<i>DNAJC5B</i>	0.146
<i>SLED1</i>	0.147
<i>AJ239322.1</i>	0.147
<i>TNFRSF10D</i>	0.147
<i>ELL2</i>	0.147
<i>PLCB2</i>	0.147
<i>UPB1</i>	0.147
<i>KRBOX1</i>	0.147
<i>ATP10A</i>	0.147
<i>LRRN4CL</i>	0.147
<i>CCR1</i>	0.147
<i>FCGRT</i>	0.147
<i>CASP10</i>	0.148
<i>CSF1R</i>	0.148
<i>CAPG</i>	0.148
<i>GJA4</i>	0.148
<i>CXCL8</i>	0.148
<i>FAM81B</i>	0.148
<i>NCKAP5</i>	0.148
<i>ZFPM2</i>	0.148
<i>RHOB</i>	0.148
<i>Y_RNA</i>	0.148
<i>CTD-3203P2.3</i>	0.148
<i>LRRC71</i>	0.148
<i>NHLRC4</i>	0.148
<i>ARHGDIB</i>	0.148
<i>FOXF2</i>	0.149
<i>LINC00472</i>	0.149

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>IL1RAP</i>	0.149
<i>PRSS30P</i>	0.149
<i>FTLP3</i>	0.149
<i>RP4-555D20.2</i>	0.149
<i>ART4</i>	0.149
<i>MIR23A</i>	0.149
<i>RP11-793H13.3</i>	0.149
<i>RASL12</i>	0.149
<i>RP11-340F14.6</i>	0.149
<i>TMEM130</i>	0.149
<i>SLC31A2</i>	0.149
<i>RP11-597D13.9</i>	0.149
<i>ATP8B5P</i>	0.149
<i>ZEB2-AS1</i>	0.149
<i>TMC8</i>	0.150
<i>RP5-887A10.1</i>	0.150
<i>DOCK2</i>	0.150
<i>RP5-899B16.1</i>	0.150
<i>PGM5</i>	0.150
<i>GBGT1</i>	0.150
<i>BCAT1</i>	0.150
<i>MST1L</i>	0.150
<i>PYCARD</i>	0.150
<i>CD1B</i>	0.150
<i>IGFBP4</i>	0.150
<i>RP11-800A3.2</i>	0.150
<i>IL18RAP</i>	0.151
<i>LSP1</i>	0.151
<i>ITGA5</i>	0.151
<i>NKAPL</i>	0.151
<i>CRYAB</i>	0.151
<i>RASSF8</i>	0.151
<i>BOK</i>	0.151
<i>KCNQ1</i>	0.151
<i>HDC</i>	0.151
<i>TNFRSF10C</i>	0.151
<i>PLA2G15</i>	0.151
<i>TMEM163</i>	0.151
<i>EDNRA</i>	0.152
<i>FGF7</i>	0.152
<i>AC008063.2</i>	0.152
<i>CASP1</i>	0.152
<i>NRGN</i>	0.152
<i>VGLL3</i>	0.152
<i>CLDN5</i>	0.152
<i>RP11-276H19.1</i>	0.152
<i>LAMB2</i>	0.152

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>MAGI2-AS3</i>	0.152
<i>RHOBTB2</i>	0.152
<i>DOCK8</i>	0.152
<i>FMO3</i>	0.153
<i>SNX20</i>	0.153
<i>MYOF</i>	0.153
<i>TMC5</i>	0.153
<i>MGP</i>	0.153
<i>SPDEF</i>	0.153
<i>SLAMF8</i>	0.153
<i>MEFV</i>	0.153
<i>SPRED1</i>	0.153
<i>CAMK1G</i>	0.153
<i>RTN4RL1</i>	0.153
<i>RP11-276H7.2</i>	0.154
<i>GPR85</i>	0.154
<i>KLHL4</i>	0.154
<i>SNCG</i>	0.154
<i>STARD13</i>	0.154
<i>NFKBIA</i>	0.154
<i>LEPR</i>	0.154
<i>SEC14L4</i>	0.154
<i>TMEM88</i>	0.154
<i>CATIP-AS1</i>	0.154
<i>C11orf88</i>	0.154
<i>LMO7</i>	0.154
<i>SELP</i>	0.154
<i>GS1-115G20.1</i>	0.155
<i>RP11-863P13.4</i>	0.155
<i>FAM216B</i>	0.155
<i>CD40LG</i>	0.155
<i>LHFPL3-AS1</i>	0.155
<i>RP11-8L8.2</i>	0.155
<i>RP11-557H15.4</i>	0.155
<i>CEBPB</i>	0.155
<i>CCND1</i>	0.155
<i>HSD11B1</i>	0.155
<i>GIMAP6</i>	0.155
<i>RP11-160E2.17</i>	0.155
<i>GALNT18</i>	0.156
<i>TNFRSF1A</i>	0.156
<i>WDR86-AS1</i>	0.156
<i>RP11-472F19.1</i>	0.156
<i>RPS6KA2</i>	0.156
<i>RNF125</i>	0.156
<i>RP11-283G6.3</i>	0.156
<i>OSM</i>	0.157

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>NLRP3</i>	0.157
<i>TNFRSF12A</i>	0.157
<i>TWIST2</i>	0.157
<i>RP11-483P21.2</i>	0.157
<i>RP11-356K23.1</i>	0.157
<i>MLKL</i>	0.157
<i>FCRL1</i>	0.157
<i>TMEM37</i>	0.157
<i>CDHR4</i>	0.157
<i>TMEM144</i>	0.157
<i>PPP1R15A</i>	0.157
<i>PLTP</i>	0.158
<i>ROPN1L</i>	0.158
<i>DOK3</i>	0.158
<i>PLEKHO2</i>	0.158
<i>WFS1</i>	0.158
<i>PDE4D</i>	0.158
<i>VDR</i>	0.158
<i>CLCF1</i>	0.158
<i>TIMM8AP1</i>	0.158
<i>RP11-647P12.1</i>	0.158
<i>RP4-541C22.5</i>	0.158
<i>HAVCR2</i>	0.158
<i>AL365331.2</i>	0.158
<i>RFTN1</i>	0.158
<i>CLEC10A</i>	0.158
<i>LCN2</i>	0.158
<i>AC096558.1</i>	0.158
<i>EGR3</i>	0.158
<i>MMRN1</i>	0.158
<i>MVP</i>	0.158
<i>GLIPR1</i>	0.159
<i>PGM5P4</i>	0.159
<i>AMY1A</i>	0.159
<i>GPR39</i>	0.159
<i>IL16</i>	0.159
<i>S100A11</i>	0.159
<i>RP11-27M24.2</i>	0.159
<i>LG14</i>	0.159
<i>ERG</i>	0.160
<i>PID1</i>	0.160
<i>STAP1</i>	0.160
<i>WAS</i>	0.160
<i>CHI3L1</i>	0.160
<i>CSTA</i>	0.160
<i>PALM3</i>	0.160
<i>CCDC17</i>	0.160

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>EMILIN2</i>	0.160
<i>IGFALS</i>	0.161
<i>AP000439.2</i>	0.161
<i>CD101</i>	0.161
<i>OR7E47P</i>	0.161
<i>SPNS2</i>	0.161
<i>SNHG18</i>	0.161
<i>PARVG</i>	0.161
<i>CSGALNACT1</i>	0.161
<i>C10orf10</i>	0.161
<i>PDK4</i>	0.161
<i>IRX5</i>	0.161
<i>GSG1L</i>	0.161
<i>CXorf21</i>	0.161
<i>PCED1B-AS1</i>	0.162
<i>SLC9A3R2</i>	0.162
<i>NINJ2</i>	0.162
<i>SLC38A5</i>	0.162
<i>CTD-2547H18.1</i>	0.162
<i>XAGE1B</i>	0.162
<i>LRCOL1</i>	0.162
<i>C2orf54</i>	0.162
<i>PLEK</i>	0.162
<i>AMY1B</i>	0.162
<i>ARHGAP30</i>	0.162
<i>BMPR1B</i>	0.162
<i>WBSCR17</i>	0.162
<i>RP6-99M1.3</i>	0.162
<i>Y_RNA</i>	0.162
<i>AC098617.1</i>	0.163
<i>DEFA1</i>	0.163
<i>SCN1A</i>	0.163
<i>SSMEM1</i>	0.163
<i>CMKLR1</i>	0.163
<i>SOX7</i>	0.163
<i>CRTAP</i>	0.163
<i>MIR3677</i>	0.163
<i>PRSS8</i>	0.164
<i>IRF8</i>	0.164
<i>RP11-26P13.2</i>	0.164
<i>FUCA1</i>	0.164
<i>KCNE1</i>	0.164
<i>RP11-114M1.1</i>	0.164
<i>PPP1R14C</i>	0.164
<i>C4BPAP1</i>	0.164
<i>RP11-716O23.2</i>	0.164
<i>C16orf54</i>	0.164

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>C4BPB</i>	0.164
<i>TRGV7</i>	0.164
<i>GRN</i>	0.165
<i>FZD4</i>	0.165
<i>CTB-60B18.18</i>	0.165
<i>MBL1P</i>	0.165
<i>RPL7P19</i>	0.165
<i>SCUBE1</i>	0.165
<i>METTL7B</i>	0.166
<i>PIEZO1</i>	0.166
<i>HLA-E</i>	0.166
<i>RP11-23D24.2</i>	0.166
<i>CD300E</i>	0.166
<i>CXorf36</i>	0.166
<i>KCNAB1</i>	0.166
<i>LRRC4B</i>	0.166
<i>AC006159.5</i>	0.167
<i>F10</i>	0.167
<i>SYNE1</i>	0.167
<i>TLR3</i>	0.167
<i>RP11-153M7.5</i>	0.167
<i>ATXN1</i>	0.167
<i>GUCY1A2</i>	0.167
<i>RP11-1334A24.6</i>	0.167
<i>SPRY4</i>	0.167
<i>AC093673.5</i>	0.167
<i>AC124861.1</i>	0.168
<i>GAS2L2</i>	0.168
<i>RP5-1091N2.9</i>	0.168
<i>CCL21</i>	0.168
<i>KIF17</i>	0.168
<i>NDRG2</i>	0.168
<i>RSPO3</i>	0.168
<i>WDR63</i>	0.168
<i>RAC2</i>	0.168
<i>HMGB3P10</i>	0.169
<i>CXCL13</i>	0.169
<i>SPATA18</i>	0.169
<i>DUSP6</i>	0.169
<i>GPR34</i>	0.169
<i>C1orf132</i>	0.169
<i>DAPP1</i>	0.169
<i>RP11-692N5.2</i>	0.169
<i>GCOM1</i>	0.169
<i>MIR126</i>	0.169
<i>ARSJ</i>	0.169
<i>DNAH12</i>	0.170

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>MILR1</i>	0.170
<i>P2RX7</i>	0.170
<i>FTO-IT1</i>	0.170
<i>EVPL</i>	0.170
<i>RP11-169D4.1</i>	0.170
<i>RP11-779O18.1</i>	0.171
<i>HORMAD2</i>	0.171
<i>BCL6B</i>	0.171
<i>CA13</i>	0.171
<i>FCGR2B</i>	0.171
<i>CTSZ</i>	0.171
<i>SSPN</i>	0.171
<i>CTSB</i>	0.171
<i>TACC1</i>	0.171
<i>AC096921.2</i>	0.171
<i>AKR1C2</i>	0.171
<i>PEAR1</i>	0.172
<i>LAMC3</i>	0.172
<i>RP11-389C8.2</i>	0.172
<i>CTA-363E6.6</i>	0.172
<i>CTSE</i>	0.172
<i>PLCD1</i>	0.172
<i>POU1F1</i>	0.172
<i>ABI3</i>	0.172
<i>IL10RA</i>	0.172
<i>PKNOX2</i>	0.172
<i>CFH</i>	0.172
<i>AGR3</i>	0.172
<i>AKAP14</i>	0.172
<i>MRGPRX2</i>	0.172
<i>BANK1</i>	0.172
<i>KCNK6</i>	0.173
<i>LILRA2</i>	0.173
<i>MT1L</i>	0.173
<i>COMT</i>	0.173
<i>OR7E36P</i>	0.173
<i>ABCA4</i>	0.173
<i>OMD</i>	0.173
<i>PTPLAD2</i>	0.173
<i>TM4SF1</i>	0.173
<i>SOX8</i>	0.174
<i>RP11-59D5__B.2</i>	0.174
<i>NCKAP1L</i>	0.174
<i>TXNIP</i>	0.174
<i>FTCDNL1</i>	0.174
<i>HSPB7</i>	0.174
<i>SMIM1</i>	0.174

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RARA-AS1</i>	0.174
<i>RP11-3K16.2</i>	0.174
<i>SGMS1</i>	0.174
<i>CECR1</i>	0.174
<i>PLA2G5</i>	0.174
<i>RP11-368J21.3</i>	0.175
<i>DES</i>	0.175
<i>EFCC1</i>	0.175
<i>NR2F2-AS1</i>	0.175
<i>CXCR5</i>	0.175
<i>EDEM1</i>	0.175
<i>ACSM2B</i>	0.175
<i>VEGFC</i>	0.175
<i>JDP2</i>	0.175
<i>RNU1-38P</i>	0.175
<i>ARPC1B</i>	0.175
<i>CLEC4A</i>	0.175
<i>RP1-151F17.1</i>	0.175
<i>ERBB2</i>	0.175
<i>AC020594.5</i>	0.176
<i>CDKL2</i>	0.176
<i>CD109</i>	0.176
<i>ITPRIP</i>	0.176
<i>CD79B</i>	0.176
<i>ARL11</i>	0.177
<i>SLC16A12</i>	0.177
<i>NR4A3</i>	0.177
<i>LCP1</i>	0.177
<i>PSORS1C1</i>	0.177
<i>PROCR</i>	0.177
<i>IL7</i>	0.177
<i>NMUR1</i>	0.177
<i>AC061992.2</i>	0.177
<i>RAB43</i>	0.178
<i>IL15RA</i>	0.178
<i>KCNA3</i>	0.178
<i>CCDC64B</i>	0.178
<i>SCD</i>	0.178
<i>KCNQ3</i>	0.178
<i>ECM2</i>	0.178
<i>NTM</i>	0.179
<i>RP11-370F5.4</i>	0.179
<i>CTD-3224I3.3</i>	0.179
<i>LINC00035</i>	0.179
<i>C1orf158</i>	0.179
<i>MFAP5</i>	0.179
<i>RP11-378A13.1</i>	0.179

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RPL9P33</i>	0.179
<i>DIO3</i>	0.179
<i>LHFPL3</i>	0.179
<i>SAMHD1</i>	0.180
<i>AC092375.1</i>	0.180
<i>CARD9</i>	0.180
<i>DPYD</i>	0.180
<i>MMP25</i>	0.180
<i>FOLR2</i>	0.180
<i>RP11-561I11.3</i>	0.180
<i>IFNGR1</i>	0.180
<i>LINC00402</i>	0.180
<i>VTN</i>	0.180
<i>CYTIP</i>	0.180
<i>GPC4</i>	0.180
<i>PRICKLE1</i>	0.180
<i>AKAP7</i>	0.181
<i>RAB20</i>	0.181
<i>TBC1D10C</i>	0.181
<i>CCND2</i>	0.181
<i>SELM</i>	0.181
<i>BTBD19</i>	0.181
<i>CTD-3105H18.14</i>	0.182
<i>RP11-136H19.1</i>	0.182
<i>TOR4A</i>	0.182
<i>MAGI1-AS1</i>	0.182
<i>RP11-332H18.5</i>	0.182
<i>EIF4EBP3</i>	0.182
<i>TNRC6C-AS1</i>	0.182
<i>RAB40A</i>	0.183
<i>MT1X</i>	0.183
<i>HTR1F</i>	0.183
<i>MPEG1</i>	0.183
<i>DAPK1</i>	0.183
<i>RBMS2</i>	0.183
<i>SYNPO2</i>	0.183
<i>TYMP</i>	0.183
<i>MS4A6A</i>	0.183
<i>DEFB124</i>	0.183
<i>RP13-258O15.1</i>	0.183
<i>GSAP</i>	0.183
<i>RP5-1042I8.7</i>	0.183
<i>ITGB4</i>	0.184
<i>TSPAN4</i>	0.184
<i>ARID5B</i>	0.184
<i>C22orf34</i>	0.184
<i>IL12RB1</i>	0.184

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>MBNL1-AS1</i>	0.184
<i>LYL1</i>	0.184
<i>CPNE8</i>	0.185
<i>RP11-342A23.2</i>	0.185
<i>RARA</i>	0.185
<i>RP11-231P20.2</i>	0.185
<i>LINC00996</i>	0.185
<i>HMHA1</i>	0.185
<i>RP11-13N12.1</i>	0.185
<i>MARCH2</i>	0.186
<i>MAPKAPK3</i>	0.186
<i>CDK15</i>	0.186
<i>CCL22</i>	0.186
<i>PCDP1</i>	0.186
<i>LUM</i>	0.186
<i>PABPC5</i>	0.186
<i>CD244</i>	0.186
<i>RP11-568K15.1</i>	0.186
<i>IQGAP2</i>	0.186
<i>TTN</i>	0.186
<i>PRKCD</i>	0.186
<i>RNASE6</i>	0.186
<i>LL22NC03-86G7.</i>	0.187
<i>IER2</i>	0.187
<i>GIMAP7</i>	0.187
<i>AC007405.4</i>	0.187
<i>EGFL6</i>	0.187
<i>MATK</i>	0.187
<i>RP13-884E18.2</i>	0.188
<i>RBM47</i>	0.188
<i>CPEB2</i>	0.188
<i>GIMAP5</i>	0.188
<i>SLC6A7</i>	0.189
<i>GAS1</i>	0.189
<i>RMDN3</i>	0.189
<i>DPT</i>	0.189
<i>GYPB</i>	0.189
<i>TMEM64</i>	0.189
<i>NOD2</i>	0.189
<i>DOK4</i>	0.189
<i>C19orf38</i>	0.189
<i>SERPINB1</i>	0.190
<i>RP11-354P11.4</i>	0.190
<i>NKD2</i>	0.190
<i>TNFSF14</i>	0.190
<i>RP4-728D4.2</i>	0.190
<i>RP11-845C23.2</i>	0.190

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SERTAD1</i>	0.190
<i>PPM1M</i>	0.190
<i>ENPP2</i>	0.190
<i>ATP11A</i>	0.190
<i>RP11-46D6.1</i>	0.190
<i>RP5-875H18.9</i>	0.190
<i>C7orf72</i>	0.190
<i>ARHGAP24</i>	0.191
<i>ARHGAP15</i>	0.191
<i>TRPM4</i>	0.191
<i>IGSF6</i>	0.191
<i>RP11-64B16.4</i>	0.191
<i>THRB</i>	0.191
<i>RP11-714G18.1</i>	0.191
<i>LRRC4</i>	0.192
<i>RGS5</i>	0.192
<i>TNS4</i>	0.192
<i>ACKR1</i>	0.192
<i>GIMAP2</i>	0.192
<i>SASH1</i>	0.192
<i>CTB-133G6.1</i>	0.192
<i>MKX</i>	0.192
<i>KCNA3</i>	0.192
<i>HCST</i>	0.192
<i>PHYHD1</i>	0.192
<i>TESPA1</i>	0.192
<i>TACC2</i>	0.193
<i>PXMP4</i>	0.193
<i>BMPER</i>	0.193
<i>KCNA5</i>	0.193
<i>PSAP</i>	0.193
<i>ANGPTL5</i>	0.193
<i>KDR</i>	0.193
<i>LY96</i>	0.193
<i>RP11-366M4.11</i>	0.193
<i>GRIN3B</i>	0.193
<i>COL28A1</i>	0.193
<i>CTA-445C9.15</i>	0.193
<i>RP5-978I12.1</i>	0.193
<i>HEG1</i>	0.193
<i>SLC5A5</i>	0.193
<i>LINC01290</i>	0.193
<i>RP4-782L23.1</i>	0.193
<i>CD34</i>	0.193
<i>RXRG</i>	0.193
<i>RP11-138H10.2</i>	0.194
<i>MXRA8</i>	0.194

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>BTC</i>	0.194
<i>KCNS3</i>	0.194
<i>NCAM2</i>	0.194
<i>DYNLRB2</i>	0.194
<i>FAM71A</i>	0.194
<i>PRKCQ-AS1</i>	0.194
<i>PIK3IP1</i>	0.194
<i>CATIP-AS2</i>	0.195
<i>CD14</i>	0.195
<i>NCEH1</i>	0.195
<i>USP44</i>	0.195
<i>PDCD1LG2</i>	0.195
<i>RP11-815J21.1</i>	0.195
<i>OTUD1</i>	0.195
<i>LINC01336</i>	0.195
<i>PCDHGA10</i>	0.195
<i>PTPN14</i>	0.195
<i>CDKL1</i>	0.196
<i>IKZF1</i>	0.196
<i>SH3D19</i>	0.196
<i>DDR2</i>	0.196
<i>NPL</i>	0.196
<i>RP11-38P22.2</i>	0.196
<i>FAM198B</i>	0.196
<i>GFPT2</i>	0.197
<i>TSPAN19</i>	0.197
<i>LYN</i>	0.197
<i>SNX25</i>	0.197
<i>MIR6124</i>	0.197
<i>CTC-205M6.5</i>	0.197
<i>SH2D4A</i>	0.198
<i>TMCC3</i>	0.198
<i>MROH6</i>	0.198
<i>SNX33</i>	0.198
<i>LMNA</i>	0.198
<i>ARHGAP29</i>	0.198
<i>PRCD</i>	0.198
<i>HSD17B13</i>	0.199
<i>TRIP6</i>	0.199
<i>TM4SF18</i>	0.199
<i>LPCAT2</i>	0.199
<i>CBX7</i>	0.199
<i>FAM209B</i>	0.199
<i>C10orf67</i>	0.199
<i>ETV1</i>	0.199
<i>CARNS1</i>	0.199
<i>TMC6</i>	0.199

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RAMP2</i>	0.199
<i>CCL24</i>	0.199
<i>PLAGL1</i>	0.200
<i>GALNT15</i>	0.200
<i>CTD-3128G10.7</i>	0.200
<i>PTPRC</i>	0.200
<i>IGF1</i>	0.200
<i>FTH1</i>	0.200
<i>EFNA1</i>	0.200
<i>LINC01093</i>	0.200
<i>CXCL12</i>	0.201
<i>IQSEC2</i>	0.201
<i>REST</i>	0.201
<i>SLC26A9</i>	0.201
<i>EDA2R</i>	0.201
<i>PZP</i>	0.201
<i>COX4I2</i>	0.201
<i>CREG1</i>	0.202
<i>RP11-345J18.2</i>	0.202
<i>CPQ</i>	0.202
<i>ZNF750</i>	0.202
<i>RP11-122K13.7</i>	0.202
<i>PLIN5</i>	0.202
<i>RIN1</i>	0.202
<i>ANK3</i>	0.202
<i>TEKT1</i>	0.202
<i>PRICKLE2</i>	0.202
<i>TSPAN18</i>	0.202
<i>PCDH12</i>	0.203
<i>PTPN22</i>	0.203
<i>RP11-357N13.2</i>	0.203
<i>PLD1</i>	0.203
<i>RP11-582J16.4</i>	0.203
<i>RPL26P30</i>	0.203
<i>MGAT1</i>	0.203
<i>LDLRAD1</i>	0.203
<i>RNF149</i>	0.203
<i>ST3GAL5</i>	0.203
<i>RP11-434H14.1</i>	0.203
<i>RP11-473M20.16</i>	0.203
<i>PTGIR</i>	0.203
<i>CGN</i>	0.203
<i>RP11-151D14.1</i>	0.204
<i>NCMAP</i>	0.204
<i>MT-TN</i>	0.204
<i>GOLGA2P7</i>	0.204
<i>BIRC3</i>	0.205

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>ERICH2</i>	0.205
<i>PLL</i>	0.205
<i>GAB1</i>	0.205
<i>MIR222HG</i>	0.205
<i>QSOX1</i>	0.205
<i>MT1E</i>	0.205
<i>C1orf87</i>	0.205
<i>LGALS9</i>	0.205
<i>MYD88</i>	0.205
<i>CUBN</i>	0.205
<i>Y_RNA</i>	0.206
<i>AC026202.3</i>	0.206
<i>SMAGP</i>	0.206
<i>GIMAP4</i>	0.206
<i>DKK3</i>	0.206
<i>PCDHAC2</i>	0.206
<i>SNED1</i>	0.206
<i>RP11-347C12.3</i>	0.206
<i>GRK5</i>	0.206
<i>VILL</i>	0.207
<i>RNU6-917P</i>	0.207
<i>CYTH4</i>	0.207
<i>ZFP36L2</i>	0.207
<i>AMN</i>	0.207
<i>PPP1R1B</i>	0.207
<i>RP11-472N13.3</i>	0.207
<i>PTPRM</i>	0.208
<i>AC135178.7</i>	0.208
<i>LINC01140</i>	0.208
<i>GPR157</i>	0.208
<i>ALDH1A2</i>	0.208
<i>MT-TC</i>	0.208
<i>PNPLA6</i>	0.209
<i>CYP1B1</i>	0.209
<i>FTH1P15</i>	0.209
<i>EVA1B</i>	0.209
<i>GM2A</i>	0.209
<i>MUM1L1</i>	0.209
<i>EVA1C</i>	0.210
<i>RNU6-1010P</i>	0.210
<i>NABP1</i>	0.210
<i>CYP2G1P</i>	0.210
<i>HLA-DMB</i>	0.211
<i>LPAR6</i>	0.211
<i>PRDM6</i>	0.211
<i>MED4-AS1</i>	0.211
<i>F2RL3</i>	0.212

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SIAE</i>	0.212
<i>FILIP1L</i>	0.212
<i>MYH1</i>	0.212
<i>RCSD1</i>	0.212
<i>BEST1</i>	0.212
<i>APOD</i>	0.212
<i>CTB-11I22.2</i>	0.212
<i>LMF1</i>	0.212
<i>RBMS2P1</i>	0.213
<i>ANXA2</i>	0.213
<i>RHOF</i>	0.213
<i>H1FNT</i>	0.213
<i>LRP10</i>	0.213
<i>SEMA6B</i>	0.213
<i>RP11-6J21.2</i>	0.213
<i>S100A6</i>	0.213
<i>RP11-640B6.1</i>	0.214
<i>PARD6B</i>	0.214
<i>CELSR1</i>	0.214
<i>LAMA2</i>	0.214
<i>VAMP5</i>	0.214
<i>SPINK14</i>	0.214
<i>ACSS2</i>	0.215
<i>CD79A</i>	0.215
<i>FUT7</i>	0.215
<i>SLC16A6</i>	0.215
<i>HFE</i>	0.215
<i>FCRLA</i>	0.216
<i>CTSL</i>	0.216
<i>PRKCE</i>	0.216
<i>RAB32</i>	0.216
<i>ADAMTS10</i>	0.216
<i>AC026806.2</i>	0.216
<i>TRIM6</i>	0.216
<i>IL6ST</i>	0.216
<i>RP11-218M22.1</i>	0.217
<i>LMOD1</i>	0.217
<i>HAS2</i>	0.217
<i>PPM1J</i>	0.217
<i>CLIC2</i>	0.217
<i>TNFRSF8</i>	0.217
<i>VAMP8</i>	0.217
<i>SMIM3</i>	0.217
<i>GAA</i>	0.217
<i>MIR23B</i>	0.218
<i>FAXDC2</i>	0.218
<i>ITM2A</i>	0.218

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>ANXA2P2</i>	0.218
<i>VWA5A</i>	0.218
<i>GPR4</i>	0.218
<i>SLC27A1</i>	0.218
<i>PLK3</i>	0.219
<i>CSF1</i>	0.219
<i>ALPK1</i>	0.219
<i>TEX14</i>	0.219
<i>CU639417.1</i>	0.219
<i>CSTB</i>	0.219
<i>ARHGEF6</i>	0.219
<i>ADAP2</i>	0.219
<i>LCP2</i>	0.219
<i>GLDN</i>	0.219
<i>GZMM</i>	0.220
<i>PDGFA</i>	0.220
<i>MAN2B1</i>	0.220
<i>ITGA10</i>	0.220
<i>TNFAIP3</i>	0.221
<i>P2RY14</i>	0.221
<i>MECOM</i>	0.221
<i>KLHDC8B</i>	0.221
<i>PITPNM3</i>	0.221
<i>RP11-503N18.3</i>	0.222
<i>PCYOX1</i>	0.222
<i>AL928768.3</i>	0.222
<i>SLC7A2</i>	0.222
<i>PARP15</i>	0.222
<i>RP11-532F6.3</i>	0.222
<i>EHD1</i>	0.222
<i>GAS7</i>	0.223
<i>GANC</i>	0.223
<i>PAG1</i>	0.224
<i>IRF5</i>	0.224
<i>QKI</i>	0.224
<i>SDC1</i>	0.224
<i>PPL</i>	0.224
<i>RP3-453C12.14</i>	0.224
<i>PRSS22</i>	0.224
<i>TKT</i>	0.225
<i>PQLC3</i>	0.225
<i>COL14A1</i>	0.225
<i>FAM46C</i>	0.226
<i>ADAMTS9</i>	0.226
<i>CD180</i>	0.226
<i>RP11-94C24.13</i>	0.226
<i>LINC00935</i>	0.227

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SLC40A1</i>	0.227
<i>ADAMTS4</i>	0.227
<i>HLX</i>	0.227
<i>LGALS9DP</i>	0.227
<i>PSTPIP2</i>	0.227
<i>EPHX2</i>	0.228
<i>KLF6</i>	0.228
<i>CD83</i>	0.228
<i>TTC7A</i>	0.228
<i>PARVB</i>	0.228
<i>ST8SIA1</i>	0.228
<i>AP001205.1</i>	0.228
<i>CCDC135</i>	0.228
<i>LAMC2</i>	0.229
<i>SDC4</i>	0.229
<i>KIF13A</i>	0.229
<i>POLR3H</i>	0.229
<i>ACAA1</i>	0.229
<i>KCTD11</i>	0.230
<i>SPTBN1</i>	0.230
<i>TNS3</i>	0.230
<i>RP11-1094H24.4</i>	0.230
<i>MANBA</i>	0.230
<i>AC079767.4</i>	0.231
<i>NOTCH2</i>	0.231
<i>STK10</i>	0.231
<i>ANXA11</i>	0.231
<i>SEPT10P1</i>	0.231
<i>TLR1</i>	0.232
<i>GABARAPL1</i>	0.232
<i>FEZ2</i>	0.232
<i>GVINP1</i>	0.232
<i>NDST1</i>	0.232
<i>EPHA1-AS1</i>	0.232
<i>RASAL3</i>	0.232
<i>ANO2</i>	0.233
<i>FAS</i>	0.233
<i>INPP5D</i>	0.233
<i>FMNL1</i>	0.233
<i>LACTB</i>	0.233
<i>CD1D</i>	0.233
<i>PHACTR2</i>	0.233
<i>ANKRD20A11P</i>	0.233
<i>FAM92B</i>	0.233
<i>TRGC2</i>	0.234
<i>LGALS1</i>	0.234
<i>RNF145</i>	0.235

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>PXDC1</i>	0.235
<i>FAM179A</i>	0.235
<i>ORAI3</i>	0.235
<i>ZNF257</i>	0.235
<i>FASN</i>	0.236
<i>NAGPA</i>	0.236
<i>TOM1</i>	0.237
<i>RP11-723D22.3</i>	0.237
<i>CYSLTR1</i>	0.237
<i>CEACAM4</i>	0.237
<i>SLC2A3</i>	0.238
<i>PPP2R5A</i>	0.238
<i>SELL</i>	0.238
<i>WWTR1</i>	0.238
<i>ST6GALNAC6</i>	0.238
<i>FHOD1</i>	0.238
<i>RP5-1009N12.1</i>	0.238
<i>HCLS1</i>	0.238
<i>C1S</i>	0.239
<i>BMP1</i>	0.239
<i>PPAP2B</i>	0.239
<i>SOX18</i>	0.239
<i>FAM78A</i>	0.239
<i>RP11-53M11.3</i>	0.239
<i>SUMF1</i>	0.239
<i>RP11-111E14.1</i>	0.239
<i>TSPAN12</i>	0.239
<i>FXD5</i>	0.239
<i>SCARF2</i>	0.239
<i>RP11-394B2.6</i>	0.239
<i>TNFRSF1B</i>	0.240
<i>PIK3CG</i>	0.240
<i>IQSEC1</i>	0.240
<i>ITGA3</i>	0.240
<i>TNFSF9</i>	0.240
<i>PLAUR</i>	0.240
<i>EEF1A1P6</i>	0.241
<i>AASS</i>	0.241
<i>HRASLS2</i>	0.241
<i>KRT7</i>	0.241
<i>THRB-IT1</i>	0.241
<i>CHP1</i>	0.241
<i>RP11-62H7.2</i>	0.241
<i>RP11-262D11.2</i>	0.241
<i>FCRLB</i>	0.241
<i>RGS19</i>	0.241
<i>MARVELD1</i>	0.241

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CLC</i>	0.242
<i>AIM1</i>	0.242
<i>RP11-556I13.2</i>	0.242
<i>ZDHHC3</i>	0.242
<i>EEF1DP1</i>	0.242
<i>MYADM</i>	0.243
<i>MYLK</i>	0.243
<i>TPST2</i>	0.243
<i>CCDC102A</i>	0.243
<i>PIK3AP1</i>	0.243
<i>B4GALT1-AS1</i>	0.243
<i>LIMD1</i>	0.243
<i>RP11-249C24.10</i>	0.243
<i>STK17B</i>	0.244
<i>ICAM3</i>	0.244
<i>RP11-473M20.5</i>	0.244
<i>ATP1B2</i>	0.244
<i>C8orf58</i>	0.244
<i>RP11-24F11.2</i>	0.245
<i>NEIL1</i>	0.245
<i>ST6GALNAC2</i>	0.245
<i>ACTN2</i>	0.246
<i>MT2A</i>	0.246
<i>RP11-367J11.2</i>	0.246
<i>CTC-510F12.4</i>	0.246
<i>RP11-245J9.6</i>	0.247
<i>MAN2B2</i>	0.247
<i>ALDH1A3</i>	0.248
<i>ANTXRPL1</i>	0.248
<i>RP1-93H18.7</i>	0.248
<i>VAMP7</i>	0.248
<i>PLEC</i>	0.248
<i>RP11-58E21.3</i>	0.249
<i>RP11-420A23.1</i>	0.249
<i>MS4A1</i>	0.249
<i>CTDSPL</i>	0.249
<i>C4orf32</i>	0.249
<i>FCHO2</i>	0.249
<i>ZBTB4</i>	0.249
<i>C1orf194</i>	0.249
<i>GBP3</i>	0.249
<i>OCLN</i>	0.250
<i>NUDT18</i>	0.250
<i>FHL1</i>	0.250
<i>KCNE3</i>	0.250
<i>ABCA9</i>	0.250
<i>MR1</i>	0.250

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RHOQP2</i>	0.250
<i>SH3KBP1</i>	0.250
<i>TNKS1BP1</i>	0.250
<i>ROBO3</i>	0.251
<i>MT-ND6</i>	0.251
<i>GUCY1B3</i>	0.251
<i>USHBP1</i>	0.251
<i>LBH</i>	0.252
<i>PFKFB3</i>	0.252
<i>TPP1</i>	0.252
<i>FAM212A</i>	0.252
<i>STAT4</i>	0.252
<i>GPD1L</i>	0.252
<i>ARHGAP9</i>	0.252
<i>RYR2</i>	0.252
<i>ODF3B</i>	0.253
<i>HOXA-AS2</i>	0.253
<i>PPM1F</i>	0.253
<i>GPCPD1</i>	0.253
<i>PIK3R1</i>	0.253
<i>RPS20P35</i>	0.253
<i>EFCAB1</i>	0.254
<i>FYCO1</i>	0.254
<i>HPCAL1</i>	0.255
<i>RHOQ</i>	0.255
<i>OLFML3</i>	0.255
<i>CMTM7</i>	0.256
<i>GCSHP4</i>	0.256
<i>RP4-647J21.1</i>	0.256
<i>PTK2B</i>	0.257
<i>SEPTIN10</i>	0.257
<i>RP11-318K15.2</i>	0.257
<i>CST3</i>	0.257
<i>RNF180</i>	0.257
<i>CNN1</i>	0.257
<i>EPB41L2</i>	0.257
<i>RIN2</i>	0.257
<i>ARHGAP25</i>	0.257
<i>TST</i>	0.257
<i>MYO1C</i>	0.257
<i>HYAL2</i>	0.258
<i>MAFF</i>	0.258
<i>BCRP3</i>	0.258
<i>SAMSN1</i>	0.258
<i>AC011513.4</i>	0.258
<i>WI2-1896O14.1</i>	0.258
<i>REL</i>	0.258

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CTD-3252C9.4</i>	0.258
<i>AC093484.4</i>	0.259
<i>LINC00963</i>	0.259
<i>PMM1</i>	0.259
<i>B2M</i>	0.260
<i>RARRES1</i>	0.260
<i>STXBP6</i>	0.260
<i>UNC93B1</i>	0.260
<i>SH3TC1</i>	0.260
<i>APOL3</i>	0.260
<i>RP11-385D13.1</i>	0.260
<i>SNORD89</i>	0.260
<i>APLP2</i>	0.261
<i>ST3GAL6</i>	0.261
<i>MAFK</i>	0.261
<i>TMEM232</i>	0.261
<i>UPP1</i>	0.262
<i>KIAA0513</i>	0.262
<i>FLNA</i>	0.262
<i>TRIM22</i>	0.263
<i>DOCK11</i>	0.263
<i>RP11-452N17.1</i>	0.263
<i>KCNAB2</i>	0.263
<i>CTSA</i>	0.263
<i>ITIH3</i>	0.263
<i>RAB37</i>	0.263
<i>PPAP2A</i>	0.263
<i>PTGES</i>	0.264
<i>CLDN16</i>	0.265
<i>PCED1B</i>	0.265
<i>MYC</i>	0.266
<i>GLUL</i>	0.266
<i>TRADD</i>	0.266
<i>IL2RG</i>	0.266
<i>SPRYD3</i>	0.266
<i>C15orf26</i>	0.266
<i>CD40</i>	0.266
<i>KRT19</i>	0.266
<i>KIAA1217</i>	0.267
<i>USP25</i>	0.267
<i>IL15</i>	0.267
<i>SLC46A3</i>	0.267
<i>PDGFRB</i>	0.267
<i>IL32</i>	0.267
<i>BCL9L</i>	0.267
<i>ENTPD3</i>	0.267
<i>MEF2C</i>	0.268

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SOD2</i>	0.268
<i>RP11-286E11.1</i>	0.268
<i>FZD5</i>	0.268
<i>USP54</i>	0.268
<i>CD300LB</i>	0.269
<i>KIF16B</i>	0.269
<i>RP3-416H24.1</i>	0.269
<i>S100A16</i>	0.269
<i>SEPP1</i>	0.269
<i>PTP4A1P7</i>	0.270
<i>CD247</i>	0.271
<i>GALC</i>	0.271
<i>LAMA5</i>	0.271
<i>PHLDB2</i>	0.271
<i>PON2</i>	0.271
<i>BATF3</i>	0.271
<i>SLC16A3</i>	0.272
<i>ARID5A</i>	0.272
<i>SERPINB6</i>	0.272
<i>ARHGEF17</i>	0.272
<i>CCDC78</i>	0.273
<i>SPATA13</i>	0.273
<i>CD59</i>	0.273
<i>HIC1</i>	0.273
<i>MARCH2</i>	0.273
<i>PLA1A</i>	0.274
<i>CCPG1</i>	0.274
<i>LGMN</i>	0.274
<i>HSBP1L1</i>	0.274
<i>PLSCR4</i>	0.274
<i>CHPT1</i>	0.275
<i>EHBP1L1</i>	0.276
<i>ADAP1</i>	0.276
<i>VCL</i>	0.276
<i>POLD4</i>	0.277
<i>LAMA4</i>	0.277
<i>CACNB4</i>	0.277
<i>DTHD1</i>	0.277
<i>CD48</i>	0.277
<i>ATF7IP2</i>	0.278
<i>FBXO2</i>	0.278
<i>STAC3</i>	0.278
<i>PLK2</i>	0.278
<i>PDXK</i>	0.279
<i>SAT1</i>	0.279
<i>GPX1</i>	0.279
<i>RP4-607J23.2</i>	0.279

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>ZBTB42</i>	0.279
<i>RP11-665G4.1</i>	0.280
<i>ARL6IP5</i>	0.280
<i>ZBTB47</i>	0.280
<i>CIB1</i>	0.280
<i>MCOLN1</i>	0.280
<i>ICAM2</i>	0.281
<i>ANXA4</i>	0.281
<i>NOS3</i>	0.281
<i>MXD4</i>	0.281
<i>MYL12A</i>	0.281
<i>SUCLG2</i>	0.282
<i>IQSEC3</i>	0.282
<i>TPT1P4</i>	0.282
<i>PLCE1</i>	0.282
<i>HSD17B11</i>	0.282
<i>FAM101B</i>	0.282
<i>PDGFB</i>	0.283
<i>AK1</i>	0.283
<i>RUNX1</i>	0.283
<i>RAB27A</i>	0.283
<i>SPRY1</i>	0.284
<i>CD58</i>	0.284
<i>CACHD1</i>	0.284
<i>IRAK2</i>	0.285
<i>ITPKB</i>	0.285
<i>IFITM3</i>	0.286
<i>GPR68</i>	0.287
<i>DOK7</i>	0.287
<i>FOSL2</i>	0.288
<i>TXNDC11</i>	0.288
<i>ITGB2-AS1</i>	0.289
<i>CAST</i>	0.289
<i>LINC00324</i>	0.289
<i>SFXN3</i>	0.289
<i>FAM13A</i>	0.289
<i>MOB3C</i>	0.289
<i>WDR11-AS1</i>	0.290
<i>RETSAT</i>	0.290
<i>AGR2</i>	0.290
<i>FTH1P23</i>	0.290
<i>NR1H3</i>	0.291
<i>HEXB</i>	0.291
<i>AGPAT2</i>	0.291
<i>AC010733.5</i>	0.292
<i>FTH1P10</i>	0.292
<i>TAGAP</i>	0.292

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>AMT</i>	0.293
<i>AXIN2</i>	0.293
<i>TGFB2</i>	0.293
<i>NCOA4</i>	0.293
<i>ICOS</i>	0.294
<i>UTRN</i>	0.294
<i>LINC-PINT</i>	0.294
<i>C10orf11</i>	0.294
<i>LURAP1L</i>	0.294
<i>IL17RA</i>	0.294
<i>STAT6</i>	0.294
<i>TIMP2</i>	0.294
<i>SH2B3</i>	0.294
<i>ACTG2</i>	0.294
<i>EHD4</i>	0.294
<i>HSD17B4</i>	0.295
<i>PRKCZ</i>	0.295
<i>CD81</i>	0.296
<i>TCF7L2</i>	0.296
<i>TK2</i>	0.297
<i>WBP1L</i>	0.297
<i>FGD4</i>	0.297
<i>TRIOBP</i>	0.297
<i>IL17RE</i>	0.297
<i>NAGLU</i>	0.297
<i>FLI1</i>	0.298
<i>EEF1A1P13</i>	0.298
<i>ATG7</i>	0.298
<i>NR4A2</i>	0.298
<i>RNPEPL1</i>	0.298
<i>RAI2</i>	0.298
<i>BCL3</i>	0.298
<i>EDEM2</i>	0.298
<i>BTG2</i>	0.299
<i>RASL11A</i>	0.299
<i>JADE2</i>	0.299
<i>ABHD14B</i>	0.299
<i>MARCH1</i>	0.300
<i>UBA7</i>	0.300
<i>TMEM173</i>	0.300
<i>GLB1</i>	0.301
<i>ACCS</i>	0.301
<i>EPHX1</i>	0.302
<i>NAMPT</i>	0.302
<i>ARRDC4</i>	0.302
<i>EOGT</i>	0.302
<i>VAT1</i>	0.302

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RASSF2</i>	0.303
<i>ERAP1</i>	0.303
<i>RP11-469M7.1</i>	0.303
<i>TRIM8</i>	0.304
<i>TXK</i>	0.304
<i>SDC2</i>	0.304
<i>FAM21A</i>	0.304
<i>ZDHHC7</i>	0.304
<i>LGALS1</i>	0.305
<i>LRPAP1</i>	0.305
<i>SLC23A1</i>	0.305
<i>FTH1P2</i>	0.305
<i>NHSL1</i>	0.305
<i>NMRK1</i>	0.305
<i>SHANK3</i>	0.305
<i>GALM</i>	0.306
<i>RP5-1148A21.3</i>	0.306
<i>C20orf194</i>	0.306
<i>ERRFI1</i>	0.306
<i>SNX22</i>	0.307
<i>SLC22A4</i>	0.307
<i>RP11-507E23.1</i>	0.307
<i>RNASET2</i>	0.308
<i>AP5B1</i>	0.308
<i>TMEM63B</i>	0.308
<i>SPG20</i>	0.308
<i>BAIAP2</i>	0.308
<i>RP11-493K19.3</i>	0.309
<i>USP53</i>	0.309
<i>TNFSF13B</i>	0.309
<i>SQSTM1</i>	0.309
<i>ARHGAP23</i>	0.310
<i>CYB5A</i>	0.310
<i>MAP3K7CL</i>	0.310
<i>PPFIBP1</i>	0.310
<i>TPT1</i>	0.310
<i>SAT2</i>	0.311
<i>DNAH1</i>	0.311
<i>SNX24</i>	0.311
<i>SMAD7</i>	0.312
<i>HEXA</i>	0.312
<i>TMEM2</i>	0.312
<i>DNASE1L3</i>	0.312
<i>SESN2</i>	0.312
<i>TCIRG1</i>	0.313
<i>BAG3</i>	0.313
<i>PEAK1</i>	0.313

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RAB11FIP5</i>	0.313
<i>PHACTR1</i>	0.313
<i>PHYKPL</i>	0.313
<i>CTDSP1</i>	0.313
<i>EPS8L1</i>	0.313
<i>TGM1</i>	0.314
<i>CCR2</i>	0.314
<i>CCND3</i>	0.314
<i>COL4A3BP</i>	0.314
<i>IGFBP6</i>	0.314
<i>SLC6A6</i>	0.314
<i>DDX60L</i>	0.314
<i>TOM1L2</i>	0.314
<i>CRY2</i>	0.315
<i>EEF1A1P5</i>	0.315
<i>CFLAR</i>	0.315
<i>UBL3</i>	0.315
<i>YBX3</i>	0.316
<i>CYBA</i>	0.316
<i>SNX18</i>	0.316
<i>CDS1</i>	0.316
<i>JUN</i>	0.317
<i>ST3GAL1</i>	0.318
<i>CTBS</i>	0.319
<i>CCDC88B</i>	0.319
<i>CAPN2</i>	0.319
<i>TAOK3</i>	0.319
<i>METTL7A</i>	0.319
<i>AC016712.2</i>	0.319
<i>MAST4</i>	0.320
<i>RAB8B</i>	0.320
<i>SPATS2L</i>	0.321
<i>REEP5</i>	0.321
<i>CYB5R3</i>	0.321
<i>SNX30</i>	0.322
<i>ARRB2</i>	0.322
<i>MSMO1</i>	0.323
<i>GRINA</i>	0.324
<i>DHCR24</i>	0.324
<i>DOCK9</i>	0.324
<i>CD151</i>	0.324
<i>NAB2</i>	0.325
<i>FAM129B</i>	0.325
<i>CYSTM1</i>	0.326
<i>PAPLN</i>	0.326
<i>NFKB1</i>	0.326
<i>ADCY9</i>	0.326

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RP5-115904.2</i>	0.327
<i>PRR29</i>	0.327
<i>RARB</i>	0.327
<i>SMCO3</i>	0.328
<i>SEPT4</i>	0.328
<i>MTMR14</i>	0.328
<i>RNF130</i>	0.328
<i>NEDD4L</i>	0.329
<i>ITM2B</i>	0.329
<i>C10orf32</i>	0.331
<i>TAGLN</i>	0.331
<i>MT-ND5</i>	0.331
<i>MCL1</i>	0.332
<i>ARAP1</i>	0.332
<i>CYP4V2</i>	0.332
<i>MID1IP1</i>	0.333
<i>NEBL-AS1</i>	0.333
<i>ASL</i>	0.334
<i>SPSB2</i>	0.334
<i>LXN</i>	0.335
<i>NCOA7</i>	0.335
<i>ATP6V0E1</i>	0.335
<i>RP11-29G8.3</i>	0.335
<i>ENTPD3-AS1</i>	0.336
<i>SNX2</i>	0.336
<i>PTPN6</i>	0.336
<i>SSFA2</i>	0.337
<i>LRRFIP1</i>	0.337
<i>SIPA1</i>	0.337
<i>IL5RA</i>	0.338
<i>ALAS1</i>	0.338
<i>ARSA</i>	0.338
<i>MAP2K3</i>	0.338
<i>OSTF1</i>	0.339
<i>ERICH2</i>	0.339
<i>STAT5A</i>	0.340
<i>FBXW4</i>	0.340
<i>MPST</i>	0.341
<i>ELTD1</i>	0.342
<i>PDE4B</i>	0.342
<i>KIAA0930</i>	0.343
<i>PIK3CD</i>	0.343
<i>TNFSF10</i>	0.343
<i>ABLIM1</i>	0.343
<i>DOK1</i>	0.344
<i>FOXO1</i>	0.344
<i>PNRC1</i>	0.345

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>TPT1P9</i>	0.346
<i>SNAP23</i>	0.346
<i>CYTH1</i>	0.346
<i>FAM65A</i>	0.346
<i>GNAI2</i>	0.347
<i>RHOG</i>	0.347
<i>TOB2</i>	0.348
<i>SCAMP2</i>	0.349
<i>UBE2Q2P6</i>	0.349
<i>DCUN1D3</i>	0.349
<i>ANXA5</i>	0.349
<i>SDCBP</i>	0.350
<i>PLEKHB2</i>	0.350
<i>IDUA</i>	0.351
<i>TMEM87A</i>	0.351
<i>RBKS</i>	0.351
<i>HDAC7</i>	0.352
<i>STK17A</i>	0.352
<i>STXBP2</i>	0.352
<i>RASSF5</i>	0.352
<i>MMP24-AS1</i>	0.353
<i>NFIL3</i>	0.354
<i>MKNK2</i>	0.355
<i>OBFC1</i>	0.355
<i>NFKB2</i>	0.356
<i>CASP7</i>	0.356
<i>LRP2BP</i>	0.356
<i>TAX1BP3</i>	0.356
<i>BLVRA</i>	0.357
<i>RGS10</i>	0.358
<i>MYO5C</i>	0.359
<i>RECK</i>	0.359
<i>EFCAB4A</i>	0.359
<i>BRI3</i>	0.359
<i>CD9</i>	0.360
<i>TRIP10</i>	0.360
<i>LITAF</i>	0.361
<i>GLTSCR2</i>	0.361
<i>SMARCD3</i>	0.361
<i>TMEM43</i>	0.361
<i>FNIP2</i>	0.361
<i>CC2D2A</i>	0.362
<i>TBC1D9</i>	0.363
<i>LMCD1</i>	0.363
<i>SFT2D1</i>	0.363
<i>XPB1</i>	0.363
<i>SHISA5</i>	0.363

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>RAPGEF2</i>	0.364
<i>NEK5</i>	0.365
<i>NR3C1</i>	0.365
<i>EFR3A</i>	0.366
<i>CDHR3</i>	0.366
<i>TMEM120A</i>	0.366
<i>SUSD3</i>	0.368
<i>IGFBP7</i>	0.368
<i>PIM3</i>	0.369
<i>TBC1D22A</i>	0.370
<i>WIPF1</i>	0.371
<i>MT-ND3</i>	0.371
<i>IMPDH1</i>	0.371
<i>CAB39L</i>	0.371
<i>ANKRD44</i>	0.373
<i>SESN1</i>	0.373
<i>DES1</i>	0.373
<i>SP100</i>	0.374
<i>OSTM1</i>	0.374
<i>DUSP5</i>	0.375
<i>ZBTB38</i>	0.375
<i>PRNP</i>	0.377
<i>CRIP1</i>	0.377
<i>GGA2</i>	0.378
<i>ERGIC1</i>	0.378
<i>RBMS1</i>	0.379
<i>CTD-3157E16.2</i>	0.379
<i>RPS27L</i>	0.380
<i>ETS1</i>	0.380
<i>ACSL4</i>	0.381
<i>CD63</i>	0.381
<i>ADD3</i>	0.381
<i>FGF2</i>	0.382
<i>SNX10</i>	0.382
<i>TSPAN13</i>	0.383
<i>TRIM16</i>	0.384
<i>SLC25A37</i>	0.384
<i>VASP</i>	0.385
<i>B4GALT1</i>	0.386
<i>SMIM14</i>	0.386
<i>AC114498.1</i>	0.386
<i>TES</i>	0.387
<i>PRR13</i>	0.388
<i>DNAJB12</i>	0.389
<i>IQGAP1</i>	0.389
<i>EBF1</i>	0.389
<i>FAIM3</i>	0.390

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>SH3BGRL3</i>	0.391
<i>IFIT5</i>	0.391
<i>TNIP2</i>	0.391
<i>CASP4</i>	0.391
<i>GSTK1</i>	0.392
<i>AKNA</i>	0.392
<i>DUSP3</i>	0.393
<i>MBNL1</i>	0.393
<i>PAPSS1</i>	0.393
<i>TPPP3</i>	0.395
<i>PNKD</i>	0.397
<i>PDLIM1</i>	0.397
<i>NR1H2</i>	0.397
<i>JUND</i>	0.398
<i>MIR6723</i>	0.399
<i>PDLIM5</i>	0.400
<i>SACM1L</i>	0.401
<i>NRBF2</i>	0.401
<i>MED15</i>	0.402
<i>PACSIN2</i>	0.404
<i>SGPP1</i>	0.405
<i>C12orf49</i>	0.407
<i>SOCS1</i>	0.407
<i>RAP1A</i>	0.409
<i>SKI</i>	0.409
<i>CCDC85B</i>	0.410
<i>ISG20</i>	0.412
<i>LAP3</i>	0.413
<i>ARHGEF1</i>	0.413
<i>SBDS</i>	0.413
<i>ARRDC3</i>	0.414
<i>TMSB4XP1</i>	0.416
<i>ARPC2</i>	0.418
<i>SWAP70</i>	0.418
<i>EPB41L5</i>	0.418
<i>CTD-2287O16.1</i>	0.420
<i>HIPK3</i>	0.420
<i>AC022431.1</i>	0.420
<i>SLC20A2</i>	0.421
<i>YPEL5</i>	0.421
<i>ELK3</i>	0.422
<i>C4orf3</i>	0.423
<i>PDCD4</i>	0.423
<i>GSTO1</i>	0.424
<i>SNX1</i>	0.425
<i>ARL8B</i>	0.425
<i>ISCU</i>	0.427

Gene Name	Fold change relative to normal
<i>CLTB</i>	0.427
<i>TNIP1</i>	0.428
<i>EML3</i>	0.428
<i>PTEN</i>	0.431
<i>PUS10</i>	0.433
<i>GLTP</i>	0.435
<i>SYPL1</i>	0.436
<i>CYFIP1</i>	0.438
<i>TSC22D1</i>	0.438
<i>EIF3L</i>	0.439
<i>GLUD1</i>	0.440
<i>LRRC23</i>	0.442
<i>STX12</i>	0.443
<i>PRDX5</i>	0.447
<i>RPL13</i>	0.447
<i>TRAM1</i>	0.447
<i>TMEM159</i>	0.449
<i>RPL13P12</i>	0.449
<i>FBXL5</i>	0.451
<i>RPL3</i>	0.453
<i>ETF1</i>	0.454
<i>CRLS1</i>	0.454
<i>PTPN1</i>	0.456
<i>ATP6V1E1</i>	0.457
<i>DSTN</i>	0.459
<i>NUMB</i>	0.460
<i>EZR</i>	0.461
<i>ANAPC16</i>	0.466
<i>FBXO7</i>	0.467
<i>WSB1</i>	0.472
<i>RPL9</i>	0.473
<i>RRM2B</i>	0.474
<i>TMOD3</i>	0.475
<i>ACTB</i>	0.476
<i>RPL34</i>	0.477
<i>RPS12</i>	0.483
<i>EEF1A1</i>	0.487
<i>CFL2</i>	0.491
<i>RPS20</i>	0.503
<i>RPS14</i>	0.507
<i>RPL14</i>	0.515
<i>PTP4A1</i>	0.518
<i>RPS24</i>	0.521
<i>RPS27A</i>	0.530
<i>RPS25</i>	0.548

Supplementary Table 5: List of Notch pathway genes enriched in GSEA

Gene Name	Gene ID	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR
<i>ASCL1</i>	ENSG00000139352	3.64E-10	46.951	52381.507	1114.694	5.97E-08
<i>DLL3</i>	ENSG00000090932	8.05E-08	32.311	3720.250	114.170	5.47E-06
<i>DNER</i>	ENSG00000187957	8.35E-05	29.658	4387.691	146.976	1.84E-03
<i>ONECUT1</i>	ENSG00000169856	2.88E-04	26.944	35.679	0.361	5.06E-03
<i>RIPPLY2</i>	ENSG00000203877	6.14E-05	21.680	386.241	16.862	1.43E-03
<i>HOXD3</i>	ENSG00000128652	4.09E-03	6.186	23.146	2.903	4.10E-02
<i>HOXD3</i>	ENSG00000278500	1.32E-02	4.291	4.952	0.387	9.84E-02
<i>MDK</i>	ENSG00000110492	1.06E-06	6.130	17448.795	2845.605	4.86E-05
<i>NROB2</i>	ENSG00000131910	4.55E-03	4.792	1334.924	277.785	4.44E-02
<i>MESP1</i>	ENSG00000166823	1.13E-04	4.759	476.771	99.402	2.34E-03
<i>NEURL1B</i>	ENSG00000214357	1.05E-05	4.011	6762.319	1685.068	3.29E-04
<i>DTX3</i>	ENSG00000178498	1.03E-03	2.613	3870.078	1480.639	1.41E-02
<i>JAG2</i>	ENSG00000184916	3.34E-03	2.570	4545.401	1767.954	3.51E-02
<i>CDKN1B</i>	ENSG00000111276	2.96E-03	1.876	11237.719	5989.367	3.20E-02
<i>RPS27A</i>	ENSG00000143947	3.84E-03	0.530	28169.443	53194.604	3.91E-02
<i>ANXA4</i>	ENSG00000196975	1.06E-03	0.281	3441.288	12244.611	1.43E-02
<i>KRT19</i>	ENSG00000171345	4.66E-06	0.266	5675.278	21299.344	1.67E-04
<i>MYC</i>	ENSG00000136997	4.75E-03	0.266	1587.685	5982.610	4.59E-02
<i>NOTCH2</i>	ENSG00000134250	7.90E-04	0.231	2419.812	10489.328	1.14E-02
<i>KCNA5</i>	ENSG00000130037	3.89E-03	0.193	16.980	92.361	3.95E-02
<i>TP63</i>	ENSG00000073282	2.95E-04	0.139	116.928	847.205	5.16E-03
<i>BMP2</i>	ENSG00000125845	2.31E-06	0.128	625.451	4885.299	9.32E-05
<i>TGFB1</i>	ENSG00000105329	1.14E-08	0.114	960.771	8447.230	1.06E-06
<i>DTX4</i>	ENSG00000110042	2.12E-07	0.092	606.659	6579.331	1.25E-05
<i>CEBPA</i>	ENSG00000245848	2.48E-04	0.084	237.201	2850.436	4.48E-03
<i>TBX2</i>	ENSG00000121068	1.30E-10	0.080	319.376	4018.305	2.55E-08
<i>TMEM100</i>	ENSG00000166292	2.68E-04	0.060	475.436	7962.384	4.78E-03
<i>TGFBR2</i>	ENSG00000163513	4.05E-12	0.057	2044.803	36069.602	1.47E-09
<i>HNF1B</i>	ENSG00000275410	8.81E-07	0.054	10.757	217.205	4.16E-05
<i>ANGPT4</i>	ENSG00000101280	6.30E-11	0.032	12.074	411.815	1.42E-08
<i>CNTN6</i>	ENSG00000134115	7.03E-09	0.031	29.971	1013.935	7.11E-07

Supplementary Table 6: List of genes from 4 pathways enriched in GSEA

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
CER1	2.43E-05	63.59812582	245.4751249	2.875509251	6.71E-04	BMP
DAND5	1.62E-04	22.27023927	103.6516828	3.699171911	3.15E-03	BMP
SOX11	6.92E-04	19.1967872	4754.919073	246.7455745	1.02E-02	BMP
VWC2L	3.88E-04	17.66795201	48.12948802	1.780712105	6.43E-03	BMP
FOXD1	1.14E-06	14.88642125	165.6873326	10.19727367	5.13E-05	BMP
RNF165	1.46E-04	6.398912653	1216.898998	189.329055	2.88E-03	BMP
ACVR2A	8.40E-04	2.811726766	2195.170946	780.0755199	1.19E-02	BMP
CTDSP2	4.75E-03	2.413768643	6533.891156	2706.339485	4.59E-02	BMP
UBE2O	3.60E-03	2.101327927	3802.820356	1809.198355	3.72E-02	BMP
SMAD4	5.28E-03	1.962241921	9544.92196	4863.803804	4.96E-02	BMP
TRIM33	5.20E-03	1.87338004	6752.454372	3603.956937	4.91E-02	BMP
SKI	4.17E-03	0.408880836	2914.365452	7129.110288	4.15E-02	BMP
SMAD7	1.85E-03	0.311593115	1079.763007	3467.507336	2.23E-02	BMP
SPG20	4.20E-04	0.307679151	1749.649315	5688.853568	6.85E-03	BMP
ITGA3	6.62E-06	0.239882717	4792.315481	19980.91259	2.25E-04	BMP
BMPER	1.98E-03	0.192536381	94.98074748	497.5070711	2.35E-02	BMP
SMAD6	7.90E-06	0.12755741	244.9537311	1927.180666	2.60E-04	BMP
ENG	7.56E-09	0.12153824	1301.794102	10718.21154	7.55E-07	BMP
C10orf54	1.41E-09	0.106184152	785.945086	7410.135034	1.82E-07	BMP
CYR61	5.81E-08	0.093959076	2452.86674	26115.33544	4.18E-06	BMP
FSTL3	1.50E-07	0.092506673	537.6995642	5822.358968	9.35E-06	BMP
BMP4	1.55E-06	0.092096173	74.86617106	822.7711615	6.65E-05	BMP
ACVRL1	2.26E-08	0.089740073	723.2839672	8069.909028	1.86E-06	BMP
GREM2	4.62E-07	0.081567049	13.80578629	180.5167574	2.42E-05	BMP
SOSTDC1	1.15E-03	0.074859534	75.09637506	1015.522161	1.52E-02	BMP
DKK1	1.03E-07	0.074398197	10.50903103	153.6950263	6.78E-06	BMP
CHRD1	5.62E-09	0.072361521	255.5510287	3544.406805	5.93E-07	BMP
GATA6	3.86E-12	0.055390683	150.4598025	2733.391297	1.41E-09	BMP
CAV1	2.49E-14	0.028013781	1790.150817	63937.20274	2.40E-11	BMP
ATP2B3	4.24E-05	88.48315779	1886.82196	20.33538187	1.06E-03	Calcium signaling
ADCY2	4.53E-06	49.25120083	3977.901353	79.7879054	1.63E-04	Calcium signaling
TACR3	6.69E-05	48.19854992	344.0985651	6.159936673	1.54E-03	Calcium signaling
CACNA1E	1.52E-08	45.04869609	1463.196723	31.50253282	1.35E-06	Calcium signaling
PRKCG	1.54E-04	34.52551166	217.9491251	5.341661993	3.02E-03	Calcium signaling

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
GRIN2C	5.49E-06	31.4288865	2868.582127	90.30397054	1.92E-04	Calcium signaling
CAMK2B	1.35E-06	28.7765234	4862.31382	168.0028275	5.91E-05	Calcium signaling
CACNA1A	5.36E-07	25.31665836	18718.79936	738.4261555	2.75E-05	Calcium signaling
AVPR1B	1.42E-06	16.27624179	36.49483494	1.303654334	6.14E-05	Calcium signaling
CCKBR	2.17E-04	16.24010675	262.4584671	15.22270538	4.02E-03	Calcium signaling
ADCY1	1.33E-10	15.56470948	6555.77866	420.2593026	2.58E-08	Calcium signaling
CACNA1B	1.25E-04	14.31484136	2330.635069	161.8823547	2.54E-03	Calcium signaling
GRM5	2.05E-04	13.84816353	20.85409833	0.578122491	3.83E-03	Calcium signaling
SLC8A2	2.35E-04	13.2897702	215.4779276	15.28906477	4.29E-03	Calcium signaling
ATP2B2	3.10E-04	12.4825988	218.7251819	16.60251895	5.36E-03	Calcium signaling
CACNA1G	7.01E-04	10.20324002	341.3202919	32.55015575	1.03E-02	Calcium signaling
MYLK2	2.94E-03	7.513037678	113.1414351	14.19244812	3.19E-02	Calcium signaling
CHRM5	9.01E-04	6.113588908	62.29108902	9.352526148	1.26E-02	Calcium signaling
HTR6	4.05E-03	4.275786626	17.93552147	3.428546869	4.07E-02	Calcium signaling
PLCB1	5.75E-05	4.080241973	3451.020423	845.0332612	1.36E-03	Calcium signaling
PLCB4	2.36E-03	3.284126522	2993.590456	910.8377248	2.69E-02	Calcium signaling
PHKA1	3.28E-04	2.622452374	1684.97018	641.8983025	5.62E-03	Calcium signaling
VDAC3	3.28E-03	1.951512874	8988.52414	4605.438553	3.47E-02	Calcium signaling
ADCY9	3.75E-03	0.326094091	1515.653839	4649.970011	3.84E-02	Calcium signaling
ITPKB	8.45E-04	0.285264487	1255.889974	4405.05133	1.20E-02	Calcium signaling
PLCE1	1.55E-03	0.28199756	532.1449996	1889.601465	1.93E-02	Calcium signaling
NOS3	7.91E-04	0.281163422	116.2067425	415.863408	1.14E-02	Calcium signaling
PDGFRB	3.46E-03	0.267184114	1567.228511	5868.467636	3.61E-02	Calcium signaling
PTK2B	1.48E-05	0.256548502	1893.11674	7382.074651	4.42E-04	Calcium signaling
RYR2	3.71E-03	0.252452596	142.6686407	568.091557	3.81E-02	Calcium signaling
MYLK	1.47E-04	0.242869953	2504.970921	10317.15955	2.89E-03	Calcium signaling
CYSLTR1	5.13E-03	0.236807884	228.3488493	967.5017473	4.86E-02	Calcium signaling
ERBB2	1.70E-07	0.175307804	1478.896253	8440.702077	1.04E-05	Calcium signaling
PLCD1	3.10E-06	0.171893018	237.1138877	1384.24467	1.18E-04	Calcium signaling
P2RX7	2.86E-04	0.169651456	317.9699405	1879.148559	5.03E-03	Calcium signaling
EDNRA	4.40E-05	0.151501404	296.7559273	1964.367441	1.09E-03	Calcium signaling
PLCB2	6.67E-06	0.146826443	697.9084062	4759.098997	2.26E-04	Calcium signaling
PLCD3	2.68E-05	0.143413198	166.3047334	1165.592305	7.25E-04	Calcium signaling
ADCY4	5.82E-06	0.138862546	159.2100246	1152.731005	2.01E-04	Calcium signaling
P2RX2	5.43E-04	0.136138147	8.850588404	71.35729726	8.39E-03	Calcium signaling
ITPR1	1.64E-09	0.132984195	573.8332887	4321.568463	2.04E-07	Calcium signaling
ADCY7	7.86E-05	0.102552507	251.3862942	2460.044604	1.75E-03	Calcium signaling

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
CHP2	3.16E-03	0.098109029	1.63919136	25.90059612	3.37E-02	Calcium signaling
BST1	1.76E-06	0.094032416	125.4151298	1343.378191	7.39E-05	Calcium signaling
P2RX1	5.90E-06	0.086699975	55.0601569	645.5994596	2.04E-04	Calcium signaling
AGTR1	1.36E-03	0.07722643	44.4762131	587.868514	1.74E-02	Calcium signaling
ADCY8	1.87E-05	0.07432983	12.74810857	183.9608498	5.38E-04	Calcium signaling
PTAFR	4.45E-08	0.070121139	507.1372672	7245.563234	3.29E-06	Calcium signaling
PDE1B	7.78E-08	0.06907475	72.72806923	1066.36643	5.31E-06	Calcium signaling
ADRB1	3.35E-06	0.065750018	97.69029337	1499.992653	1.26E-04	Calcium signaling
EDNRB	2.21E-10	0.047159822	497.4197741	10567.73745	3.90E-08	Calcium signaling
ADRA1A	1.44E-04	0.039706627	4.530461314	138.2830814	2.85E-03	Calcium signaling
TNNC1	1.06E-11	0.023613888	108.7571655	4646.992055	3.31E-09	Calcium signaling
ADRB2	2.58E-15	0.021057942	63.66013541	3069.581947	3.82E-12	Calcium signaling
OR51E1	2.50E-06	711.6332197	3689.053809	4.18533102	9.91E-05	GPCR
CALCA	5.17E-08	229.0152202	6783.963002	28.6266903	3.77E-06	GPCR
GABRG3	1.83E-05	170.6492226	693.0152637	3.066911369	5.30E-04	GPCR
BRS3	4.52E-06	108.0217973	125.1348097	0.167679236	1.63E-04	GPCR
GABRG2	4.95E-04	69.28928869	68.28928869	0	7.81E-03	GPCR
GRIK3	3.31E-05	69.10508064	6196.398153	88.68078897	8.64E-04	GPCR
ADCY2	4.53E-06	49.25120083	3977.901353	79.7879054	1.63E-04	GPCR
TACR3	6.69E-05	48.19854992	344.0985651	6.159936673	1.54E-03	GPCR
GRP	2.43E-06	45.58272122	57450.96108	1259.389015	9.66E-05	GPCR
CHGA	6.13E-07	43.30900625	794.5530103	17.369228	3.07E-05	GPCR
SORCS3	1.88E-03	42.70274275	91.10761109	1.156948363	2.26E-02	GPCR
PTH2	6.29E-05	42.39289966	41.39289966	0	1.46E-03	GPCR
GNG8	2.94E-03	37.77048715	614.4630874	15.29481465	3.19E-02	GPCR
TMEM145	7.16E-07	37.75653705	2096.442185	54.55176265	3.51E-05	GPCR
OPRD1	2.62E-04	35.69142893	128.1711461	2.619108285	4.70E-03	GPCR
KCNK2	1.12E-03	35.26482113	451.1890469	11.82266668	1.50E-02	GPCR
GPR6	1.94E-09	34.54562614	139.935248	3.079684283	2.38E-07	GPCR
HTR1E	2.87E-03	32.15388368	111.0523842	2.484878695	3.13E-02	GPCR
GNG4	2.57E-09	31.95374889	22053.53578	689.2018242	3.03E-07	GPCR
GNG13	4.04E-04	30.27736041	55.0927795	0.852631099	6.64E-03	GPCR
GABBR2	6.08E-05	29.98677811	961.165294	31.08631785	1.43E-03	GPCR
SSTR2	1.74E-05	29.48916593	2061.029585	68.9249884	5.07E-04	GPCR
DRD2	8.97E-08	29.45011355	1670.706103	55.76399515	6.01E-06	GPCR
ATRNL1	5.54E-04	29.35589029	632.0192374	20.56361913	8.52E-03	GPCR
TAAR1	3.33E-03	26.30907184	213.8238158	7.165389382	3.51E-02	GPCR

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
RGS7	2.39E-07	26.20801139	736.1335603	27.12626831	1.38E-05	GPCR
CACNA1A	5.36E-07	25.31665836	18718.79936	738.4261555	2.75E-05	GPCR
GHRH	2.20E-03	25.30988857	1831.406573	71.39884	2.55E-02	GPCR
SUCNR1	2.24E-04	24.27737334	14957.10695	615.1336624	4.13E-03	GPCR
DGKB	2.74E-05	23.85254444	1227.913917	50.52129241	7.38E-04	GPCR
CALY	1.13E-03	23.77278384	246.2843432	9.401993506	1.50E-02	GPCR
GABRR1	3.41E-04	23.14226193	102.3846838	3.467354319	5.81E-03	GPCR
PRLHR	2.87E-03	23.13996384	46.62286215	1.058035288	3.13E-02	GPCR
PENK	1.06E-04	22.82017322	2793.760114	121.4688388	2.22E-03	GPCR
NPPA	7.14E-06	22.2380525	691.291468	30.13093955	2.39E-04	GPCR
GRM4	3.84E-06	21.14186168	1035.389741	48.02074174	1.42E-04	GPCR
ENTPD2	2.45E-05	20.93010894	1485.32739	70.01383915	6.74E-04	GPCR
GPR144	9.87E-06	19.95137976	87.37020096	3.429277675	3.13E-04	GPCR
GRM2	8.96E-07	19.49790241	620.2748492	30.8636762	4.22E-05	GPCR
BAI2	4.08E-07	18.68223462	3469.838436	184.782831	2.17E-05	GPCR
GPR139	1.99E-03	18.60076829	17.60076829	0	2.35E-02	GPCR
ADCYAP1	9.86E-05	18.48414372	3958.682879	213.22052	2.09E-03	GPCR
NXPH4	2.07E-06	18.28273731	2659.577056	144.5239995	8.47E-05	GPCR
PROKR1	3.97E-03	17.46281696	115.8276887	5.690082647	4.01E-02	GPCR
TSHR	1.80E-03	17.2198513	435.1092617	24.32595979	2.18E-02	GPCR
GNGT1	1.47E-03	16.78703429	157.8445103	8.462333105	1.85E-02	GPCR
MTNR1B	6.06E-04	16.59779283	25.19335017	0.578122491	9.17E-03	GPCR
GPR158	3.18E-05	16.42598739	624.0676906	37.05358397	8.36E-04	GPCR
AVPR1B	1.42E-06	16.27624179	36.49483494	1.303654334	6.14E-05	GPCR
CCKBR	2.17E-04	16.24010675	262.4584671	15.22270538	4.02E-03	GPCR
CENPI	1.70E-13	15.88355388	1467.793091	91.47257276	1.07E-10	GPCR
ADCY1	1.33E-10	15.56470948	6555.77866	420.2593026	2.58E-08	GPCR
OR51E2	2.40E-03	15.51186049	25.94273255	0.736911737	2.72E-02	GPCR
APLP1	6.45E-17	15.31645822	5537.082685	360.5772396	2.02E-13	GPCR
GRM8	2.19E-04	14.53420597	1069.856582	72.6783684	4.06E-03	GPCR
CHRM4	1.40E-06	14.31998943	1066.968353	73.57885069	6.08E-05	GPCR
GRM5	2.05E-04	13.84816353	20.85409833	0.578122491	3.83E-03	GPCR
CELSR3	4.97E-10	13.78528819	4882.936799	353.2861586	7.70E-08	GPCR
GNAO1	3.77E-09	13.33402434	4436.961868	331.829891	4.26E-07	GPCR
FZD9	3.41E-06	13.21699065	1650.341281	123.9407921	1.28E-04	GPCR
NMU	4.67E-05	13.19619084	1021.389136	76.4760799	1.14E-03	GPCR
CCL25	5.06E-03	12.89260751	55.60985476	3.390877074	4.81E-02	GPCR

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
SCG5	2.01E-05	12.34042787	29.35671516	1.459940244	5.72E-04	GPCR
ZACN	5.21E-03	12.18374925	152.2773419	11.5804741	4.91E-02	GPCR
GRK1	4.22E-05	11.98359683	70.87789107	4.998023137	1.06E-03	GPCR
OR2B6	3.80E-05	11.53627388	36.44640191	2.24597026	9.71E-04	GPCR
GPR142	1.38E-06	11.35681305	54.11686535	3.853198262	6.02E-05	GPCR
GPR62	2.35E-05	11.07301628	52.93312019	3.870680114	6.53E-04	GPCR
OR2W6P	1.90E-04	10.97108683	9.971086835	0	3.59E-03	GPCR
GABRA3	8.56E-04	10.79247616	73.24029926	5.87889398	1.21E-02	GPCR
GPR19	5.27E-05	10.46257386	613.860875	57.76764968	1.26E-03	GPCR
GPR149	1.05E-03	10.44950739	11.47315034	0.193659172	1.43E-02	GPCR
GAP43	3.12E-03	10.411848	230.2961198	21.21470384	3.34E-02	GPCR
CDK5R1	3.95E-06	10.31356696	3354.502097	324.3483601	1.45E-04	GPCR
LGR4	7.49E-09	9.117346579	7688.772347	842.4221821	7.50E-07	GPCR
BAI1	3.03E-04	8.647167094	974.5701991	111.8196308	5.27E-03	GPCR
HTR3E	4.70E-03	8.637291207	10.65683114	0.349593392	4.55E-02	GPCR
DGKI	1.29E-04	8.472715039	143.9244771	16.10484496	2.61E-03	GPCR
GPR173	2.93E-08	8.420663415	1507.897862	178.1899032	2.35E-06	GPCR
TAC3	7.68E-04	8.10810137	54.27513361	5.817272144	1.11E-02	GPCR
GNAZ	5.45E-07	8.094189242	1943.085012	239.1827971	2.78E-05	GPCR
HTR1D	5.09E-03	7.798264142	76.50903028	8.939267107	4.84E-02	GPCR
GAL	4.66E-03	7.581370772	75.81451413	9.132008636	4.52E-02	GPCR
GPR37L1	4.30E-03	7.430433697	71.08278941	8.701020472	4.25E-02	GPCR
PCSK1N	2.18E-03	6.828050969	4274.688985	625.1946498	2.53E-02	GPCR
OR1J1	4.11E-03	6.230121405	7.647543872	0.388021727	4.11E-02	GPCR
CHRM5	9.01E-04	6.113588908	62.29108902	9.352526148	1.26E-02	GPCR
OR13A1	1.20E-03	6.013866636	5.013866636	0	1.58E-02	GPCR
CRHR2	8.40E-04	5.903483664	97.1416411	15.62436058	1.19E-02	GPCR
GPR61	1.66E-03	5.742880426	52.80112437	8.368317007	2.04E-02	GPCR
FZD3	9.48E-07	5.567284651	2894.657354	519.1202265	4.40E-05	GPCR
GPRC5B	5.05E-04	5.463753799	4975.696895	909.8567255	7.93E-03	GPCR
CPE	7.16E-06	5.341826908	29060.35666	5439.340384	2.40E-04	GPCR
GPSM2	1.07E-07	5.298408349	4111.462845	775.1694786	7.05E-06	GPCR
TAS2R38	5.21E-03	5.215921828	8.256366248	0.77463669	4.91E-02	GPCR
GPR63	2.17E-03	4.830263767	259.0556294	52.83880507	2.52E-02	GPCR
CELSR2	1.66E-07	4.772849405	6233.699397	1305.284541	1.02E-05	GPCR
GLP1R	1.68E-03	4.728882258	69.63566645	13.93707447	2.06E-02	GPCR
ADCY5	3.43E-05	4.728219703	1585.701116	334.5810888	8.92E-04	GPCR

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
POMC	1.34E-03	4.315204783	391.0959036	89.86379983	1.73E-02	GPCR
HTR6	4.05E-03	4.275786626	17.93552147	3.428546869	4.07E-02	GPCR
PLCB1	5.75E-05	4.080241973	3451.020423	845.0332612	1.36E-03	GPCR
GPR180	4.78E-04	3.040659268	3646.769524	1198.664021	7.60E-03	GPCR
INSR	1.20E-04	2.989932709	10505.6718	3513.016141	2.46E-03	GPCR
GPR161	2.23E-03	2.815386213	2780.120165	986.8290063	2.57E-02	GPCR
XPR1	1.20E-03	2.651384853	8189.522283	3088.14878	1.57E-02	GPCR
LPHN1	6.08E-04	2.587376667	6114.213804	2362.480309	9.19E-03	GPCR
GSK3B	1.86E-03	2.101031884	9220.488597	4388.028394	2.24E-02	GPCR
SIGMAR1	4.45E-03	1.915994641	4696.996297	2450.988224	4.37E-02	GPCR
EZR	6.72E-04	0.461082981	17993.38626	39025.35104	9.95E-03	GPCR
RAPGEF2	2.63E-03	0.364485275	1827.828016	5016.563514	2.93E-02	GPCR
RGS10	4.76E-03	0.358164849	655.3916918	1831.652463	4.59E-02	GPCR
GNAI2	1.69E-04	0.346710603	10982.63363	31678.54352	3.25E-03	GPCR
ELTD1	5.11E-03	0.341657063	523.6567962	1534.624031	4.85E-02	GPCR
PTPN6	2.96E-04	0.336038603	3110.360638	9257.938139	5.18E-03	GPCR
ADCY9	3.75E-03	0.326094091	1515.653839	4649.970011	3.84E-02	GPCR
ARRB2	1.13E-03	0.322314411	3612.975507	11211.5781	1.51E-02	GPCR
CCR2	3.21E-03	0.313660147	105.84957	339.6539558	3.41E-02	GPCR
GPR68	2.96E-03	0.286536012	180.7415567	633.2712574	3.20E-02	GPCR
PLCE1	1.55E-03	0.28199756	532.1449996	1889.601465	1.93E-02	GPCR
CACNB4	2.66E-03	0.277385296	258.962507	936.1892111	2.96E-02	GPCR
FZD5	1.53E-03	0.268460755	1184.425217	4414.636903	1.92E-02	GPCR
PDGFRB	3.46E-03	0.267184114	1567.228511	5868.467636	3.61E-02	GPCR
PPAP2A	7.28E-04	0.263373686	423.9666268	1612.550057	1.06E-02	GPCR
FLNA	7.74E-04	0.261882208	20396.33912	77886.45678	1.12E-02	GPCR
APLP2	2.66E-05	0.260731784	22662.86823	86923.07147	7.21E-04	GPCR
ACTN2	4.86E-03	0.24561065	42.38229671	175.6303564	4.66E-02	GPCR
RGS19	1.71E-05	0.241135346	606.3391404	2517.664937	5.00E-04	GPCR
PIK3CG	3.03E-03	0.239627683	248.4117623	1039.830338	3.26E-02	GPCR
CYSLTR1	5.13E-03	0.236807884	228.3488493	967.5017473	4.86E-02	GPCR
P2RY14	1.25E-04	0.220932878	94.95557034	433.3200126	2.54E-03	GPCR
GPR4	2.88E-03	0.218431406	139.2174637	640.9290448	3.14E-02	GPCR
CELSR1	6.19E-04	0.213715622	1819.444915	8517.071329	9.31E-03	GPCR
F2RL3	2.66E-03	0.211622216	165.4805527	785.687502	2.96E-02	GPCR
LPAR6	5.73E-05	0.210692634	428.4854267	2037.445384	1.35E-03	GPCR
GPR157	8.70E-05	0.208015478	258.9437035	1248.636357	1.90E-03	GPCR

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
GRK5	2.81E-04	0.206459494	1264.77568	6129.866918	4.95E-03	GPCR
PTGIR	1.92E-04	0.203476496	82.32939603	408.5283609	3.62E-03	GPCR
CXCL12	1.64E-04	0.200652326	697.4309425	3479.801627	3.18E-03	GPCR
CCL24	3.59E-03	0.199185533	26.9236971	139.1893834	3.72E-02	GPCR
RAMP2	1.55E-04	0.199132822	644.9994394	3243.063103	3.03E-03	GPCR
PSAP	1.58E-05	0.192643148	49748.80753	258247.5179	4.67E-04	GPCR
ENPP2	4.44E-04	0.190091358	1312.369965	6908.151363	7.17E-03	GPCR
IQGAP2	1.54E-03	0.186147471	730.4669569	3928.502514	1.93E-02	GPCR
CCL22	7.90E-04	0.185699616	50.57326467	276.7241321	1.14E-02	GPCR
HTR1F	3.95E-04	0.182673979	6.659729319	40.9311462	6.52E-03	GPCR
NMUR1	9.69E-04	0.177074523	33.18724696	192.0670004	1.34E-02	GPCR
CXCR5	4.09E-03	0.174776802	4.999095653	33.32432444	4.10E-02	GPCR
MRGPRX2	3.35E-03	0.172336605	0.317388498	6.644275556	3.52E-02	GPCR
AKR1C2	3.35E-06	0.17142009	116.4894201	684.3888584	1.26E-04	GPCR
GPR34	9.20E-04	0.169062933	263.6150121	1564.186455	1.28E-02	GPCR
CXCL13	4.94E-03	0.168824895	930.2673929	5515.173388	4.72E-02	GPCR
RAC2	7.65E-06	0.168411644	1078.143354	6406.771641	2.54E-04	GPCR
CCL21	3.42E-04	0.16780788	595.0201273	3550.800589	5.81E-03	GPCR
FZD4	6.00E-05	0.164539055	678.1093557	4126.34445	1.41E-03	GPCR
CMKLR1	1.62E-03	0.162874345	642.7451923	3951.403884	2.00E-02	GPCR
PLEK	9.75E-06	0.162218108	961.7193348	5933.72175	3.09E-04	GPCR
SPNS2	1.08E-05	0.160942235	350.7421499	2184.517985	3.37E-04	GPCR
GPR39	1.71E-03	0.159013347	58.02680117	370.2065832	2.09E-02	GPCR
PDE4D	4.41E-07	0.157804785	615.1573996	3903.554606	2.32E-05	GPCR
GPR85	7.89E-04	0.153578719	69.78103737	459.8779001	1.13E-02	GPCR
EDNRA	4.40E-05	0.151501404	296.7559273	1964.367441	1.09E-03	GPCR
CCR1	1.92E-05	0.147302415	435.4729579	2962.107956	5.50E-04	GPCR
OR6K3	1.80E-03	0.143339323	0.335573012	8.317561876	2.18E-02	GPCR
ADCY4	5.82E-06	0.138862546	159.2100246	1152.731005	2.01E-04	GPCR
RGS18	1.08E-04	0.137298312	98.33678587	722.5106105	2.25E-03	GPCR
DEFB4A	7.92E-04	0.134731248	0.547327491	10.48454803	1.14E-02	GPCR
PTGDR	2.92E-05	0.133206197	16.11536108	127.4877241	7.80E-04	GPCR
MRGPRF	7.38E-05	0.131820839	37.36223265	290.0179685	1.66E-03	GPCR
GPR110	7.25E-04	0.131563217	182.1656015	1391.225012	1.06E-02	GPCR
CCRL2	9.03E-07	0.130719697	188.6452516	1449.777935	4.25E-05	GPCR
AKAP13	4.64E-06	0.125693817	4684.776692	37278.29359	1.66E-04	GPCR
GLP2R	1.64E-05	0.124628622	4.686255491	44.62559861	4.83E-04	GPCR

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
CALCRL	2.15E-08	0.12450597	840.4512505	6757.32049	1.80E-06	GPCR
PDE6G	8.27E-05	0.122805909	45.38404742	376.7020803	1.82E-03	GPCR
C3AR1	2.22E-04	0.121366019	474.0822873	3913.458848	4.10E-03	GPCR
GABRE	2.10E-06	0.118033733	80.77075243	691.7744313	8.56E-05	GPCR
GPR123	1.17E-03	0.117918677	1.915311202	23.7230657	1.54E-02	GPCR
CX3CL1	1.16E-06	0.116410788	901.8914946	7755.080938	5.21E-05	GPCR
CX3CR1	4.67E-05	0.116305481	67.51466213	588.0922893	1.14E-03	GPCR
GNGT2	3.99E-06	0.115696425	58.96788749	517.321008	1.46E-04	GPCR
P2RY2	4.16E-08	0.114792769	52.71556626	466.9351039	3.13E-06	GPCR
GPR97	2.81E-03	0.113721878	29.14239541	264.0536197	3.08E-02	GPCR
P2RY13	9.77E-05	0.110822794	127.3190005	1156.875521	2.07E-03	GPCR
TGM2	1.24E-06	0.110335439	4155.951192	37674.57585	5.54E-05	GPCR
LRP1	1.05E-05	0.108523414	4884.78407	45019.55269	3.30E-04	GPCR
APOE	2.11E-04	0.108428591	8993.325896	82950.60749	3.92E-03	GPCR
PTGER2	3.19E-04	0.107052915	98.8264416	931.496246	5.48E-03	GPCR
GNG7	5.21E-09	0.102819188	101.7380867	998.2112253	5.53E-07	GPCR
ADCY7	7.86E-05	0.102552507	251.3862942	2460.044604	1.75E-03	GPCR
RAMP3	5.74E-07	0.101263172	275.5727976	2730.227879	2.91E-05	GPCR
ARRB1	4.01E-08	0.101262636	784.1072287	7752.177871	3.03E-06	GPCR
GPR87	4.67E-03	0.100914384	9.765956694	105.6840647	4.53E-02	GPCR
CISH	3.28E-09	0.100398571	395.4461499	3947.723037	3.75E-07	GPCR
CCL2	3.03E-06	0.099173725	506.3546535	5114.817259	1.16E-04	GPCR
GNG11	1.29E-12	0.098547542	606.2022685	6160.516111	5.73E-10	GPCR
GPR133	5.74E-06	0.094314595	413.1050478	4389.67831	1.99E-04	GPCR
C3	3.93E-07	0.094097715	5792.498703	61567.96256	2.10E-05	GPCR
GPR65	4.21E-08	0.093990621	138.0711542	1478.627989	3.15E-06	GPCR
NPR3	9.00E-05	0.090797592	283.6899312	3134.434805	1.95E-03	GPCR
P2RY12	3.25E-05	0.088054186	23.80967131	280.7545931	8.51E-04	GPCR
S1PR1	9.16E-09	0.084489982	701.978193	8319.25497	8.86E-07	GPCR
PSAPL1	4.81E-04	0.08259737	1.537772567	29.72461727	7.64E-03	GPCR
S1PR4	7.12E-09	0.080365574	96.27153758	1209.36325	7.19E-07	GPCR
AGTR1	1.36E-03	0.07722643	44.4762131	587.868514	1.74E-02	GPCR
VIPR1	6.41E-06	0.076979703	377.2993572	4913.274084	2.19E-04	GPCR
C5AR1	1.56E-09	0.07447867	576.8912597	7758.151141	1.98E-07	GPCR
ADCY8	1.87E-05	0.07432983	12.74810857	183.9608498	5.38E-04	GPCR
PTH1R	6.72E-08	0.07214764	36.92080028	524.6000102	4.68E-06	GPCR
CD97	1.76E-10	0.071348975	1030.750738	14459.62449	3.25E-08	GPCR

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
FCN1	7.45E-06	0.070440908	95.50807235	1369.057185	2.48E-04	GPCR
PTAFR	4.45E-08	0.070121139	507.1372672	7245.563234	3.29E-06	GPCR
CXCL1	1.67E-07	0.069441608	246.1928501	3558.722423	1.03E-05	GPCR
EMR3	5.60E-08	0.066045654	11.33786491	185.808126	4.06E-06	GPCR
ADRB1	3.35E-06	0.065750018	97.69029337	1499.992653	1.26E-04	GPCR
EDN1	2.25E-08	0.064152357	332.1849327	5192.650645	1.86E-06	GPCR
CA2	3.25E-12	0.063333849	364.6746923	5772.763915	1.20E-09	GPCR
EREG	9.71E-08	0.058157334	13.44561684	247.3885671	6.43E-06	GPCR
GPR126	7.52E-11	0.057377071	198.6929291	3479.361163	1.64E-08	GPCR
GPR17	9.42E-07	0.054760409	3.807133874	86.78484186	4.38E-05	GPCR
CCL17	2.30E-06	0.054491839	10.82089854	215.9297035	9.27E-05	GPCR
HPGD	1.85E-06	0.052719659	429.3862921	8162.677425	7.72E-05	GPCR
AGTR2	7.00E-04	0.050786953	94.28686608	1875.20758	1.03E-02	GPCR
CXCR1	1.06E-04	0.050106683	21.73033688	452.6388296	2.22E-03	GPCR
RXFP1	2.92E-06	0.049163169	36.46078899	760.9685649	1.12E-04	GPCR
GPR116	2.17E-12	0.048644244	1645.319099	33843.0682	8.98E-10	GPCR
CXCR2	5.23E-06	0.047199277	30.67709832	670.1352429	1.84E-04	GPCR
EDNRB	2.21E-10	0.047159822	497.4197741	10567.73745	3.90E-08	GPCR
SCTR	1.46E-07	0.047037072	95.96995065	2060.564339	9.14E-06	GPCR
AKR1C3	6.39E-14	0.041505004	132.2111541	3208.52036	4.77E-11	GPCR
HCAR3	4.29E-05	0.041104458	6.893260068	191.0292952	1.07E-03	GPCR
NPR1	2.42E-11	0.040331036	183.1349477	4564.589345	6.48E-09	GPCR
ADRA1A	1.44E-04	0.039706627	4.530461314	138.2830814	2.85E-03	GPCR
GPRC5A	1.82E-08	0.03825198	2108.71817	55152.1754	1.58E-06	GPCR
AREG	8.00E-13	0.037203463	120.2324825	3257.634384	3.83E-10	GPCR
FPR1	1.63E-08	0.036030132	215.8592327	6017.82977	1.43E-06	GPCR
CCL20	8.00E-06	0.033219699	99.22113059	3015.918703	2.63E-04	GPCR
CCL23	9.69E-05	0.030908794	3.833424906	155.3770129	2.06E-03	GPCR
EMR1	5.86E-11	0.029194362	26.74805354	949.4593268	1.33E-08	GPCR
PPARG	7.55E-20	0.028812268	157.1469696	5487.876039	5.92E-16	GPCR
PF4	6.29E-07	0.028055575	3.575422655	162.084256	3.13E-05	GPCR
CAV1	2.49E-14	0.028013781	1790.150817	63937.20274	2.40E-11	GPCR
AGRP	2.16E-15	0.024486733	8.474594595	385.9276672	3.48E-12	GPCR
RXFP2	2.14E-06	0.0240853	0.434539449	58.56078805	8.73E-05	GPCR
CXCL3	1.64E-13	0.022183877	59.49505964	2725.983245	1.05E-10	GPCR
ADRB2	2.58E-15	0.021057942	63.66013541	3069.581947	3.82E-12	GPCR
HCAR2	3.32E-13	0.020911719	30.80985792	1520.149806	1.80E-10	GPCR

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
FPR2	2.07E-09	0.017991581	46.06683192	2615.047597	2.54E-07	GPCR
PPBP	1.09E-08	0.017752394	7.609364591	483.9692134	1.03E-06	GPCR
CXCL2	1.08E-15	0.016868272	306.4248645	18224.03623	1.93E-12	GPCR
CXCL5	3.89E-13	0.008187224	28.64560614	3619.959441	2.07E-10	GPCR
FGF5	3.98E-06	250.0843804	1502.933697	5.013705035	1.46E-04	MAPK
CACNG5	2.68E-07	114.323245	239.568702	1.104285108	1.50E-05	MAPK
CACNA1E	1.52E-08	45.04869609	1463.196723	31.50253282	1.35E-06	MAPK
PRKCG	1.54E-04	34.52551166	217.9491251	5.341661993	3.02E-03	MAPK
CACNA1A	5.36E-07	25.31665836	18718.79936	738.4261555	2.75E-05	MAPK
FGF12	2.27E-08	15.3934378	2161.531901	139.484012	1.87E-06	MAPK
CACNA1B	1.25E-04	14.31484136	2330.635069	161.8823547	2.54E-03	MAPK
MAPT	1.83E-05	13.14448227	80.31690602	5.186390942	5.29E-04	MAPK
CACNG2	1.72E-03	12.64625778	63.00438713	4.061132568	2.10E-02	MAPK
CACNA2D1	7.51E-06	11.03474552	10628.59772	962.2843543	2.49E-04	MAPK
CACNA1G	7.01E-04	10.20324002	341.3202919	32.55015575	1.03E-02	MAPK
MAPK8IP2	5.70E-10	8.793468974	2464.539791	279.3830659	8.70E-08	MAPK
STMN1	6.52E-14	8.643312775	92106.78894	10655.53776	4.81E-11	MAPK
NTF3	9.88E-04	8.065565436	477.0552766	58.27114229	1.36E-02	MAPK
MAPK8IP1	9.84E-10	7.412878483	4631.668366	623.9486453	1.36E-07	MAPK
FGF9	9.64E-04	5.914575834	705.0320854	118.3715501	1.33E-02	MAPK
FGF17	3.33E-03	5.84373832	128.8429145	21.21915278	3.51E-02	MAPK
RPS6KA6	4.69E-03	5.514252496	1809.662792	327.3605154	4.54E-02	MAPK
RAC3	6.99E-06	5.283828579	1819.478089	343.5376892	2.36E-04	MAPK
DUSP4	2.58E-04	4.65670764	4090.987628	877.7297688	4.63E-03	MAPK
CACNB3	1.93E-05	4.076029334	3515.297815	861.6772595	5.54E-04	MAPK
MAPK12	1.89E-03	3.447943949	1229.604331	355.9096102	2.26E-02	MAPK
MAP2K6	1.08E-03	3.290546242	750.7035341	227.4433887	1.45E-02	MAPK
PPP5C	2.60E-05	2.722659607	9428.847311	3462.46906	7.07E-04	MAPK
GADD45G	3.53E-03	2.56738265	3635.258831	1415.329129	3.66E-02	MAPK
CDC25B	6.99E-05	2.457148456	11801.22489	4802.220116	1.59E-03	MAPK
ELK1	2.53E-03	2.08927206	4478.93334	2143.255612	2.84E-02	MAPK
NRAS	2.89E-03	2.039024506	9092.775873	4458.865905	3.15E-02	MAPK
RAP1A	9.38E-04	0.408570877	4369.919817	10697.06993	1.30E-02	MAPK
JUND	3.31E-04	0.397638012	10257.24327	25796.94425	5.66E-03	MAPK
DUSP3	2.65E-03	0.392789884	3326.185629	8469.649995	2.94E-02	MAPK
FGF2	5.18E-03	0.381772691	253.6959132	666.14021	4.90E-02	MAPK
DUSP5	2.60E-03	0.374634559	549.6021628	1468.704674	2.90E-02	MAPK

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
RAPGEF2	2.63E-03	0.364485275	1827.828016	5016.563514	2.93E-02	MAPK
NFKB2	3.39E-04	0.355578403	1075.890319	3027.559409	5.77E-03	MAPK
MKNK2	8.46E-04	0.35464169	5979.074516	16861.29984	1.20E-02	MAPK
MAP2K3	4.36E-05	0.338402115	1668.146923	4931.436447	1.09E-03	MAPK
NFKB1	1.27E-04	0.326074618	1733.616549	5318.69204	2.58E-03	MAPK
ARRB2	1.13E-03	0.322314411	3612.975507	11211.5781	1.51E-02	MAPK
TAOK3	1.44E-03	0.318981979	1507.25747	4727.34695	1.82E-02	MAPK
JUN	5.13E-03	0.316521107	17513.33224	55332.85249	4.87E-02	MAPK
TGFB2	3.14E-03	0.292979251	405.5352152	1386.590463	3.36E-02	MAPK
PDGFB	2.65E-03	0.282601253	638.2594819	2261.054659	2.94E-02	MAPK
CACNB4	2.66E-03	0.277385296	258.962507	936.1892111	2.96E-02	MAPK
MEF2C	2.85E-04	0.267936904	708.5218874	2647.093175	5.02E-03	MAPK
PDGFRB	3.46E-03	0.267184114	1567.228511	5868.467636	3.61E-02	MAPK
MYC	4.75E-03	0.265506185	1587.685439	5982.609917	4.59E-02	MAPK
FLNA	7.74E-04	0.261882208	20396.33912	77886.45678	1.12E-02	MAPK
FAS	1.38E-04	0.232672564	573.1946693	2466.822847	2.75E-03	MAPK
MECOM	2.52E-04	0.221360985	1561.326634	7056.822909	4.55E-03	MAPK
PDGFA	8.80E-06	0.219837675	368.1708183	1678.288222	2.84E-04	MAPK
CD14	4.64E-04	0.19451088	1354.723693	6968.911872	7.43E-03	MAPK
MAPKAPK3	3.12E-06	0.185630936	1051.170181	5667.075599	1.19E-04	MAPK
PLA2G5	3.85E-04	0.17426102	36.36384319	213.4130872	6.40E-03	MAPK
DUSP6	1.82E-07	0.169032279	2219.752443	13137.03761	1.10E-05	MAPK
RAC2	7.65E-06	0.168411644	1078.143354	6406.771641	2.54E-04	MAPK
RPS6KA2	1.32E-07	0.156055416	2063.889672	13230.77194	8.43E-06	MAPK
TNFRSF1A	3.39E-08	0.155998109	1589.905288	10197.23443	2.63E-06	MAPK
FGF7	3.60E-04	0.151571224	208.5338344	1381.411707	6.07E-03	MAPK
IL1R2	1.34E-03	0.122429152	51.64373102	428.9934287	1.72E-02	MAPK
NR4A1	2.34E-08	0.119400186	1837.467844	15396.5291	1.92E-06	MAPK
IL1B	2.11E-06	0.114573885	96.55690242	850.4759016	8.62E-05	MAPK
TGFB1	1.14E-08	0.113842842	960.7705508	8447.230363	1.06E-06	MAPK
RRAS	7.09E-11	0.103232344	697.7812849	6768.014987	1.57E-08	MAPK
ARRB1	4.01E-08	0.101262636	784.1072287	7752.177871	3.03E-06	MAPK
CHP2	3.16E-03	0.098109029	1.63919136	25.90059612	3.37E-02	MAPK
FGFR3	1.91E-05	0.09778406	348.0096079	3568.187133	5.48E-04	MAPK
EGF	8.66E-05	0.096658351	22.70470755	244.2422094	1.89E-03	MAPK
IL1R1	1.86E-08	0.092138537	1432.833859	15560.71727	1.61E-06	MAPK
RASGRP2	9.90E-09	0.090296033	166.4773197	1853.758331	9.44E-07	MAPK

Gene Name	P-value	FC relative to normal	Expression in cancer	Expression in normal	FDR	Pathway Name
MAP3K8	7.39E-13	0.07245303	291.4702115	4035.687124	3.62E-10	MAPK
FGFR2	1.37E-05	0.070806438	532.1341088	7528.458097	4.14E-04	MAPK
PLA2G12B	1.39E-03	0.066917413	13.0708473	209.2718349	1.77E-02	MAPK
CACNA2D2	7.13E-07	0.065156218	1482.145782	22761.92004	3.50E-05	MAPK
TGFBR2	4.05E-12	0.05671664	2044.803339	36069.6018	1.47E-09	MAPK
DUSP1	2.11E-16	0.056434711	4875.34923	86405.91379	5.50E-13	MAPK
RASGRP4	2.10E-08	0.049980307	39.15465542	802.4095391	1.78E-06	MAPK
FOS	1.09E-13	0.04796214	5301.259636	110549.9394	7.49E-11	MAPK
PLA2G2A	2.20E-05	0.046046185	31.71178169	709.412416	6.18E-04	MAPK
GADD45B	1.27E-12	0.04524149	770.4117456	17049.98004	5.71E-10	MAPK
IL1A	2.81E-08	0.04208595	9.26061916	242.8015345	2.26E-06	MAPK
FGFR4	4.61E-10	0.04179513	105.8142219	2554.661902	7.26E-08	MAPK
FGF10	9.14E-10	0.041493664	2.948929182	94.16944938	1.30E-07	MAPK
PLA2G4E	2.86E-04	0.0403535	33.52375272	854.5330378	5.03E-03	MAPK
NTF4	1.23E-09	0.038190112	5.671362936	173.6882272	1.63E-07	MAPK
PLA2G1B	1.29E-10	0.021556552	18.50079271	903.6341308	2.53E-08	MAPK
RASGRF1	2.25E-12	0.018242058	83.48843375	4630.518818	9.11E-10	MAPK