

PHYLUM

Bacterial group	Day 0		Day 7		Day 14		Day 28		Day 42		Day 0 vs Day 7 vs Day 14 vs Day 28 vs Day 42	
	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	P value	Q value
Actinobacteria	1.61 <sup>a</sup>	0.08-6.47	5.06 <sup>b</sup>	0.12-21.57	5.26 <sup>a,b</sup>	0.08-17.31	1.32 <sup>a</sup>	0-25.45	2.48 <sup>a,b</sup>	0-10.39	0.0053	0.006625
Bacteroidetes	24.34 <sup>a</sup>	0.89-48.6	0.73 <sup>b</sup>	0.24-11.36	0.81 <sup>b</sup>	0.29-13.01	15.43 <sup>a</sup>	0-63.69	9.02 <sup>a</sup>	0.39-31.14	0.0001	0.000167
Firmicutes	55.88	25.94-76.6	59.52	27.34-82.93	60.56	18.43-83.6	56.4	14.18-93.09	67.26	45.41-94.22	0.1117	0.1117
Fusobacteria	14.49 <sup>a</sup>	3.24-29.49	0.62 <sup>b</sup>	0.17-0.92	0.69 <sup>b,c</sup>	0.14-1.41	2.54 <sup>a,c</sup>	0.38-29.66	1.8 <sup>b,c</sup>	0-21.56	0.0001	0.000167
Proteobacteria	3.46 <sup>a</sup>	0.98-16.75	32.33 <sup>b</sup>	9.13-68	29.27 <sup>b</sup>	10.59-75.99	9.3 <sup>a</sup>	0.84-47.21	5.91 <sup>a</sup>	0.75-21.13	0.0001	0.000167

CLASS

Bacterial group	Day 0		Day 7		Day 14		Day 28		Day 42		Day 0 vs Day 7 vs Day 14 vs Day 28 vs Day 42	
	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	P value	Q value
Actinobacteria	0.01 <sup>a</sup>	0-1.74	3.15 <sup>b</sup>	0-15.95	1.28 <sup>b,c</sup>	0-16.97	0.14 <sup>a,c</sup>	0-12.12	0.2 <sup>a,b,c</sup>	0-6.1	0.0001	0.000167
Coriobacteriia	1.6	0-4.73	2.32	0.12-11.33	1.44	0-7.13	1.18	0-13.32	2.06	0-5.43	0.5792	0.643556
Bacteroidia	24.34 <sup>a</sup>	0.89-48.6	0.73 <sup>b</sup>	0.24-11.36	0.81 <sup>b</sup>	0.29-13.01	15.43 <sup>a</sup>	0-63.69	9.02 <sup>a</sup>	0.39-31.14	0.0001	0.000167
Bacilli	1.45 <sup>a</sup>	0.57-24.12	42.82 <sup>b</sup>	12.35-75.92	29.35 <sup>b,c</sup>	10.54-73.54	2.05 <sup>a</sup>	0.62-30.16	5.56 <sup>a,c</sup>	0.66-41.72	0.0001	0.000167
Clostridia	47.47 <sup>a</sup>	25.06-67.27	8.89 <sup>b</sup>	4.84-48.02	22.91 <sup>b</sup>	2.55-39.87	49.3 <sup>a</sup>	13.06-89.18	57.55 <sup>a</sup>	27.83-84.91	0.0001	0.000167
Erysipelotrichi	0.79 <sup>a,b</sup>	0.03-7.05	0.27 <sup>a,b</sup>	0-9.34	0.19 <sup>a</sup>	0-7.09	0.53 <sup>a,b</sup>	0.16-5.99	1.3 <sup>b</sup>	0.2-8.3	0.0234	0.033429
Fusobacteriia	14.49 <sup>a</sup>	3.24-29.49	0.62 <sup>b</sup>	0.17-0.92	0.69 <sup>b,c</sup>	0.14-1.41	2.54 <sup>a,c</sup>	0.38-29.66	1.8 <sup>b,c</sup>	0-21.56	0.0001	0.000167
Betaproteobacteria	0.96	0.12-4.37	0.71	0.21-12.58	0.73	0.24-3.65	0.7	0-9.94	0.64	0.12-5.36	0.7541	0.7541
Epsilonproteobacteria	0.19	0-2.24	0.1	0.02-0.31	0.11	0-0.4	0.16	0-18.55	0.12	0-1.42	0.0704	0.088
Gammaproteobacteria	0.96 <sup>a</sup>	0-16.17	27.91 <sup>b</sup>	8.86-64.33	26.5 <sup>b</sup>	9.46-72.24	4.4 <sup>a</sup>	0.6-45.01	3 <sup>a</sup>	0.53-19.89	0.0001	0.000167

ORDER

Bacterial group	Day 0		Day 7		Day 14		Day 28		Day 42		Day 0 vs Day 7 vs Day 14 vs Day 28 vs Day 42	
	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	P value	Q value

Bifidobacteriales	0.01 <sup>a</sup>	0-1.74	2.93 <sup>b</sup>	0-15.95	1.15 <sup>a,b</sup>	0-16.97	0.14 <sup>a,b</sup>	0-12.12	0.2 <sup>a,b</sup>	0-6.1	0.0002	0.000433
Coriobacteriales	1.6	0-4.73	2.32	0.12-11.33	1.44	0-7.13	1.18	0-13.32	2.06	0-5.43	0.5792	0.684509
Bacteroidales	24.34 <sup>a</sup>	0.89-48.6	0.73 <sup>b</sup>	0.24-11.36	0.81 <sup>b</sup>	0.29-13.01	15.43 <sup>a</sup>	0-63.69	9.02 <sup>a</sup>	0.39-31.14	0.0001	0.00026
Bacillales	0 <sup>a</sup>	0-0.55	0.28 <sup>a</sup>	0-7.36	0.04 <sup>a</sup>	0-3.93	0 <sup>a</sup>	0-0.16	0 <sup>a</sup>	0-1.07	0.0124	0.023029
Lactobacillales	1.29 <sup>a</sup>	0.57-23.89	42.46 <sup>b</sup>	5.11-75.59	28.99 <sup>b</sup>	8.91-73.12	0.99 <sup>a</sup>	0.62-29.97	4.92 <sup>a</sup>	0.51-41.72	0.0001	0.00026
Turicibacterales	0.1	0-6.03	0.18	0-0.45	0.21	0-0.33	0.22	0-1.96	0.16	0-2.54	0.318	0.4134
Clostridiales	47.47 <sup>a</sup>	25.06-67.27	8.89 <sup>b</sup>	4.84-48.02	22.91 <sup>b</sup>	2.55-39.87	49.3 <sup>a</sup>	13.06-89.18	57.55 <sup>a</sup>	27.83-84.91	0.0001	0.00026
Erysipelotrichales	0.79 <sup>a,b</sup>	0.03-7.05	0.27 <sup>a,b</sup>	0-9.34	0.19 <sup>a</sup>	0-7.09	0.53 <sup>a,b</sup>	0.16-5.99	1.3 <sup>b</sup>	0.2-8.3	0.0234	0.038025
Fusobacteriales	14.49 <sup>a</sup>	3.24-29.49	0.62 <sup>b</sup>	0.17-0.92	0.69 <sup>b,c</sup>	0.14-1.41	2.54 <sup>a,c</sup>	0.38-29.66	1.8 <sup>b,c</sup>	0-21.56	0.0001	0.00026
Burkholderiales	0.96	0.12-4.37	0.71	0.21-12.58	0.73	0.24-3.65	0.7	0-9.94	0.64	0.12-5.36	0.7541	0.7541
Campylobacteriales	0.19	0-2.24	0.1	0.02-0.31	0.11	0-0.4	0.16	0-18.55	0.12	0-1.42	0.0704	0.101689
Aeromonadales	0.07	0-3.13	0.08	0-2.31	0.06	0-1.67	0.09	0-6.6	0.08	0-2.17	0.7502	0.7541
Enterobacteriales	0.68 <sup>a</sup>	0-16	27.81 <sup>b</sup>	8.76-64.25	26.44 <sup>b</sup>	9.41-72.15	2.12 <sup>a</sup>	0.04-44.9	1.97 <sup>a</sup>	0.45-19.83	0.0001	0.00026

**FAMILY**

Bacterial group	Day 0		Day 7		Day 14		Day 28		Day 42		Day 0 vs Day 7 vs Day 14 vs Day 28 vs Day 42	
	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	P value	Q value
Bifidobacteriaceae	0.01 <sup>a</sup>	0-1.74	2.93 <sup>b</sup>	0-15.95	1.15 <sup>a,b</sup>	0-16.97	0.14 <sup>a,b</sup>	0-12.12	0.2 <sup>a,b</sup>	0-6.1	0.0002	0.000382
Coriobacteriaceae	1.6	0-4.73	2.32	0.12-11.33	1.44	0-7.13	1.18	0-13.32	2.06	0-5.43	0.5792	0.640168
Bacteroidaceae	20.62 <sup>a</sup>	0.79-48.42	0.6 <sup>b</sup>	0.22-4.43	0.66 <sup>b</sup>	0.29-12.75	15.37 <sup>a</sup>	0-63.18	8.36 <sup>a</sup>	0.39-31.1	0.0001	0.00021
Prevotellaceae	0.18 <sup>a</sup>	0-7.34	0.08 <sup>b</sup>	0-10.45	0.06 <sup>b</sup>	0-9.76	0.18 <sup>a,b</sup>	0-0.24	0.16 <sup>a,b</sup>	0-5.85	0.0051	0.008238
[Paraprevotellaceae]	0.2 <sup>a</sup>	0-3.82	0.03 <sup>b</sup>	0-1.24	0.02 <sup>b</sup>	0-0.15	0.07 <sup>a,b</sup>	0-2.24	0.15 <sup>a,b</sup>	0-1.7	0.0015	0.002625
Enterococcaceae	0.27 <sup>a</sup>	0-1.17	10.01 <sup>b</sup>	0.98-49.33	6.9 <sup>b</sup>	0.95-27.36	0.34 <sup>a</sup>	0-3.85	0.31 <sup>a</sup>	0-15.09	0.0001	0.00021
Lactobacillaceae	0.14	0-21.28	0.27	0-59.74	0.23	0-17.88	0.12	0-4.23	0.12	0-16.86	0.4982	0.581233
Streptococcaceae	0.51 <sup>a</sup>	0.33-19.29	12.29 <sup>b</sup>	0.47-58.66	19.97 <sup>b,d</sup>	2.01-64.89	0.53 <sup>a,c</sup>	0-29.08	0.67 <sup>a,c,d</sup>	0.42-41.4	0.0001	0.00021
Turicibacteraceae	0.1	0-6.03	0.18	0-0.45	0.21	0-0.33	0.22	0-1.96	0.16	0-2.54	0.318	0.392824
o__Clostridiales;f__	0.33 <sup>a,b</sup>	0-1.71	0 <sup>a</sup>	0-0.75	0 <sup>a</sup>	0-4.34	0.23 <sup>b</sup>	0-2.19	0.31 <sup>b</sup>	0-6.48	0.0001	0.00021
Clostridiaceae	10.89	4.47-41.14	6.34	1.19-46.38	8.16	1.35-32.85	13.05	2.19-29.95	9.36	3.67-22.53	0.2532	0.332325
Lachnospiraceae	19.91 <sup>a,d</sup>	11.84-39.78	1.28 <sup>b</sup>	0.32-10	1.27 <sup>a,b</sup>	0-34.3	25.13 <sup>a,d</sup>	8.42-85.45	29.85 <sup>d</sup>	12.19-63.22	0.0001	0.00021

Peptostreptococcaceae	0 <sup>a,b,c</sup>	0-11.15	0 <sup>a</sup>	0-0.1	0 <sup>a</sup>	0-14.85	0.22 <sup>b,c</sup>	0-2.22	0.37 <sup>b</sup>	0-4.37	0.0001	0.00021
Ruminococcaceae	2.05 <sup>a</sup>	0.27-11.26	0.12 <sup>b</sup>	0-0.53	0.14 <sup>b</sup>	0-4.48	0.36 <sup>a,b</sup>	0.09-6.48	1.2 <sup>a</sup>	0.21-5.75	0.0001	0.00021
Veillonellaceae	7.83 <sup>a</sup>	0.6-20.02	0.39 <sup>b,c</sup>	0.22-0.98	0.41 <sup>b,c</sup>	0.2-1.53	0.55 <sup>c,d</sup>	0.23-26.11	1.51 <sup>a,d</sup>	0.24-32.23	0.0001	0.00021
Erysipelotrichaceae	0.79 <sup>a,b</sup>	0.03-7.05	0.27 <sup>a,b</sup>	0-9.34	0.19 <sup>a</sup>	0-7.09	0.53 <sup>a,b</sup>	0.16-5.99	1.3 <sup>b</sup>	0.2-8.3	0.0234	0.0351
Fusobacteriaceae	14.49 <sup>a</sup>	3.24-29.49	0.62 <sup>b</sup>	0.17-0.92	0.69 <sup>b,c</sup>	0.14-1.41	2.54 <sup>a,c</sup>	0.38-29.66	1.8 <sup>b,c</sup>	0-21.56	0.0001	0.00021
Alcaligenaceae	0.96	0.12-4.37	0.71	0.21-12.58	0.73	0.24-3.65	0.7	0-9.94	0.64	0.12-5.36	0.7541	0.7541
Helicobacteraceae	0.14	0-1.49	0.1	0-0.28	0.11	0-0.4	0.12	0-18.55	0.1	0-1.42	0.053	0.0742
Succinivibrionaceae	0.07	0-3.13	0.08	0-2.31	0.06	0-1.67	0.09	0-6.6	0.08	0-2.17	0.7502	0.7541
Enterobacteriaceae	0.68 <sup>a</sup>	0-16	27.81 <sup>b</sup>	8.76-64.25	26.44 <sup>b</sup>	9.41-72.15	2.12 <sup>a</sup>	0.04-44.9	1.97 <sup>a</sup>	0.45-19.83	0.0001	0.00021

**GENUS**

Bacterial group	Day 0		Day 7		Day 14		Day 28		Day 42		Day 0 vs Day 7 vs Day 14 vs Day 28 vs Day 42	
	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	P value	Q value
Bifidobacterium	0.01 <sup>a</sup>	0-1.74	2.93 <sup>b</sup>	0-15.95	1.15 <sup>a,b</sup>	0-16.97	0.14 <sup>a,b</sup>	0-12.12	0.2 <sup>a,b</sup>	0-6.1	0.0002	0.000412
Collinsella	1.57	0-4.47	2.2	0.12-11.33	1.44	0-7.13	0.98	0-13.32	2.04	0-4.91	0.5594	0.575853
Bacteroides	20.62 <sup>a</sup>	0.79-48.37	0.6 <sup>b</sup>	0.22-4.43	0.66 <sup>b</sup>	0.29-12.75	15.36 <sup>a</sup>	0-63.18	8.34 <sup>a</sup>	0.39-31.07	0.0001	0.00025
Prevotella	0.18 <sup>a</sup>	0-7.34	0.08 <sup>b</sup>	0-10.45	0.06 <sup>b</sup>	0-9.76	0.18 <sup>a,b</sup>	0-0.24	0.16 <sup>a,b</sup>	0-5.85	0.0051	0.00714
[Prevotella]	0.2 <sup>a</sup>	0-3.82	0.03 <sup>b</sup>	0-1.24	0.02 <sup>b</sup>	0-0.15	0.07 <sup>a,b</sup>	0-2.24	0.15 <sup>a,b</sup>	0-1.7	0.0015	0.002625
Enterococcus	0.27 <sup>a</sup>	0-1.17	9.79 <sup>b</sup>	0.98-49.33	6.9 <sup>b</sup>	0.95-27.36	0.34 <sup>a</sup>	0-3.42	0.31 <sup>a</sup>	0-15.09	0.0001	0.00025
Lactobacillus	0.14	0-21.28	0.27	0-59.74	0.23	0-17.88	0.12	0-4.23	0.12	0-16.86	0.4982	0.532
Streptococcus	0.51 <sup>a</sup>	0.33-19.29	12.29 <sup>b</sup>	0.47-58.66	19.97 <sup>b</sup>	2.01-64.89	0.52 <sup>a</sup>	0-29.08	0.67 <sup>a,b</sup>	0.42-41.4	0.0001	0.00025
Turicibacter	0.1	0-6.03	0.18	0-0.45	0.21	0-0.33	0.22	0-1.96	0.16	0-2.54	0.318	0.371
o__Clostridiales;f__g__	0.33 <sup>a,b</sup>	0-1.71	0 <sup>a</sup>	0-0.75	0 <sup>a</sup>	0-4.34	0.23 <sup>b</sup>	0-2.19	0.31 <sup>b</sup>	0-6.48	0.0001	0.00025
f__Clostridiaceae;__	10.48 <sup>a</sup>	4.28-30.94	1.09 <sup>b</sup>	0.37-13.05	3.74 <sup>b</sup>	0.24-18.69	6.19 <sup>a,b</sup>	1.11-23.66	6.55 <sup>a,b</sup>	1.08-21.53	0.0002	0.000412
f__Clostridiaceae;g__	0.26 <sup>a</sup>	0-9.7	3.16 <sup>b</sup>	0.25-33.33	3.55 <sup>b</sup>	0.23-17.02	2.35 <sup>b</sup>	0-11.51	1.21 <sup>a,b</sup>	0-5.28	0.002	0.003333
Clostridium	0.12	0-5	0	0-9.77	0	0-6.45	0.5	0-4.27	0.47	0-10.95	0.197	0.24625
f__Lachnospiraceae;__	6 <sup>a</sup>	3.14-14.32	0.43 <sup>b</sup>	0-1.8	0.44 <sup>b</sup>	0-1.92	5.27 <sup>a</sup>	0.49-32.52	8.74 <sup>a</sup>	1.37-17.77	0.0001	0.00025
f__Lachnospiraceae;g__	1.74 <sup>a</sup>	0.18-4.15	0 <sup>b</sup>	0-0.97	0 <sup>b</sup>	0-0.84	1.03 <sup>a</sup>	0.02-5.14	1.35 <sup>a</sup>	0-9.57	0.0001	0.00025
Blautia	6.64 <sup>a,b</sup>	2.28-9.89	0.48 <sup>a</sup>	0.21-4.96	0.46 <sup>a</sup>	0-13.55	10.91 <sup>b</sup>	2.42-44.78	14.94 <sup>b</sup>	3.62-28.3	0.0001	0.00025

Dorea	0 <sup>a,b,c</sup>	0-1.01	0 <sup>a</sup>	0-0	0 <sup>a,c</sup>	0-0.13	0.77 <sup>b,c</sup>	0-7.66	0.64 <sup>b</sup>	0-8.35	0.0001	0.00025
[Ruminococcus]	3.07 <sup>a,c</sup>	1.72-15.7	0.5 <sup>b</sup>	0-6.87	0.54 <sup>a,b</sup>	0-25.2	4.89 <sup>a,b,c</sup>	1.44-24.25	4.36 <sup>c</sup>	1.86-38.88	0.0003	0.000553
f__Peptostreptococcaceae;g__	0 <sup>a,b</sup>	0-11.15	0 <sup>a</sup>	0-0.1	0 <sup>a,b</sup>	0-14.85	0.19 <sup>a,b</sup>	0-2.22	0.37 <sup>b</sup>	0-2.2	0.0001	0.00025
f__Ruminococcaceae;g__	0.43 <sup>a</sup>	0-1.28	0 <sup>b</sup>	0-0.23	0 <sup>b</sup>	0-0.3	0.01 <sup>a,b</sup>	0-0.49	0.36 <sup>a</sup>	0-4.34	0.0001	0.00025
Faecalibacterium	1.53 <sup>a</sup>	0-9.44	0.11 <sup>b</sup>	0-0.21	0.13 <sup>a,b</sup>	0-4.07	0.16 <sup>a,b</sup>	0-5.96	0.2 <sup>a,b</sup>	0.11-4.91	0.0039	0.005935
Oscillospira	0 <sup>a</sup>	0-0.45	0 <sup>a</sup>	0-0	0 <sup>a</sup>	0-0.38	0 <sup>a</sup>	0-0.63	0.01 <sup>a</sup>	0-1.51	0.0023	0.003659
Ruminococcus	0.04	0-0.1	0	0-0.32	0	0-0.86	0.01	0-0.29	0.06	0-0.2	0.3758	0.42429
Megamonas	5.23 <sup>a</sup>	0.54-19.96	0.35 <sup>b</sup>	0.22-0.68	0.39 <sup>b</sup>	0.2-0.76	0.51 <sup>b,c</sup>	0.23-26.09	0.72 <sup>a,c</sup>	0.24-31.84	0.0001	0.00025
Phascolarctobacterium	0.04	0-1.23	0	0-0.25	0	0-0.07	0	0-0.61	0	0-3.36	0.0654	0.084778
f__Erysipelotrichaceae;g__	0.12 <sup>a,b,c</sup>	0-5.4	0 <sup>a</sup>	0-0.4	0.01 <sup>a,c</sup>	0-0.23	0.16 <sup>b,c</sup>	0-1.85	0.2 <sup>b</sup>	0-2.07	0.0002	0.000412
Allobaculum	0.09	0-1.29	0	0-3.31	0	0-7.06	0	0-2.21	0	0-2.97	0.2596	0.31331
Catenibacterium	0.16 <sup>a</sup>	0-2.39	0.07 <sup>a,b</sup>	0-0.77	0 <sup>b</sup>	0-0.32	0 <sup>b</sup>	0-0.23	0 <sup>a,b</sup>	0-1.14	0.0003	0.000553
[Eubacterium]	0.23 <sup>a,b</sup>	0-2.95	0.03 <sup>a</sup>	0-8.27	0.05 <sup>a,b</sup>	0-5.36	0.2 <sup>a,b</sup>	0-4.42	0.66 <sup>b</sup>	0.06-4.5	0.0047	0.006854
Fusobacterium	14.46 <sup>a,c</sup>	3.24-29.49	0.6 <sup>b</sup>	0.17-0.92	0.69 <sup>b,c</sup>	0.14-1.2	1.02 <sup>c</sup>	0.38-29.66	1.2 <sup>b,c</sup>	0-21.56	0.0001	0.00025
Sutterella	0.96	0.12-4.37	0.71	0.21-12.58	0.73	0.24-3.65	0.7	0-9.94	0.64	0.12-5.36	0.7541	0.7541
Helicobacter	0.14	0-1.49	0.1	0-0.28	0.11	0-0.4	0.12	0-18.55	0.09	0-1.42	0.0598	0.0805
f__Succinivibrionaceae;g__	0.02	0-0.79	0.06	0-2.31	0.06	0-1.46	0.07	0-2.19	0.07	0-0.92	0.5016	0.532
f__Enterobacteriaceae;g__	0.68 <sup>a</sup>	0-16	24.89 <sup>b</sup>	8.63-63.53	26.09 <sup>b</sup>	9.41-66.66	2.12 <sup>a</sup>	0-44.9	1.97 <sup>a</sup>	0.45-19.83	0.0001	0.00025
Proteus	0 <sup>a</sup>	0-0.03	0.09 <sup>a</sup>	0-8.04	0 <sup>a</sup>	0-5.84	0 <sup>a</sup>	0-3.31	0 <sup>a</sup>	0-0	0.0001	0.00025

**SPECIES**

Bacterial group	Day 0		Day 7		Day 14		Day 28		Day 42		Day 0 vs Day 7 vs Day 14 vs Day 28 vs Day 42	
	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	Median	Range	P value	Q value
g__Bifidobacterium;s__	0.01 <sup>a</sup>	0-1.74	0.15 <sup>a</sup>	0-15.95	0.22 <sup>a</sup>	0-16.97	0 <sup>a</sup>	0-12.12	0.19 <sup>a</sup>	0-6.1	0.015	0.021207
Collinsella stercoris	1.57	0-4	2.2	0.12-11.33	1.44	0-7.13	0.98	0-13.32	1.91	0-4.91	0.4786	0.516384
g__Bacteroides;__	7.14 <sup>a</sup>	0.2-26.84	0.3 <sup>b</sup>	0-0.59	0.3 <sup>b</sup>	0-1.85	0.56 <sup>b</sup>	0-12.71	0.64 <sup>a,b</sup>	0-5.69	0.0001	0.000228
g__Bacteroides;s__	5.67 <sup>a</sup>	0.4-27.92	0.2 <sup>b</sup>	0-3.84	0.22 <sup>b</sup>	0.06-11.98	2.74 <sup>a</sup>	0-61.19	4.95 <sup>a</sup>	0.02-26.31	0.0001	0.000228
Bacteroides plebeius	2.61 <sup>a</sup>	0-8.39	0.11 <sup>b</sup>	0-0.19	0.11 <sup>b,c</sup>	0-0.34	0.29 <sup>a,c</sup>	0-9.84	0.33 <sup>a,c</sup>	0-11.6	0.0001	0.000228
Prevotella copri	0.18 <sup>a</sup>	0-7.34	0.08 <sup>b</sup>	0-10.45	0.06 <sup>b</sup>	0-9.76	0.18 <sup>a</sup>	0-0.24	0.16 <sup>a</sup>	0-5.85	0.0051	0.007744

g__[Prevotella];s__	0.2 <sup>a</sup>	0-3.82	0.03 <sup>b</sup>	0-1.24	0.02 <sup>b</sup>	0-0.15	0.07 <sup>a,b</sup>	0-2.24	0.15 <sup>a,b</sup>	0-1.7	0.0015	0.002795
g__Enterococcus;s__	0.27 <sup>a</sup>	0-1.17	9.79 <sup>b</sup>	0.98-49.03	6.13 <sup>b</sup>	0.95-26.58	0.34 <sup>a</sup>	0-3.42	0.31 <sup>a</sup>	0-15.09	0.0001	0.000228
g__Lactobacillus;s__	0.14	0-21.28	0.27	0-59.74	0.23	0-17.88	0.12	0-3.39	0.12	0-16.86	0.3983	0.441359
g__Streptococcus;s__	0.51 <sup>a</sup>	0.33-19.29	12.29 <sup>b</sup>	0.47-58.58	19.97 <sup>b</sup>	2.01-64.83	0.52 <sup>a</sup>	0-29.08	0.67 <sup>a,b</sup>	0.42-41.4	0.0001	0.000228
g__Turicibacter;s__	0.1	0-6.03	0.18	0-0.45	0.21	0-0.33	0.22	0-1.96	0.16	0-2.54	0.318	0.372514
o__Clostridiales;f__;g__;s__	0.33 <sup>a,b</sup>	0-1.71	0 <sup>a</sup>	0-0.75	0 <sup>a</sup>	0-4.34	0.23 <sup>b</sup>	0-2.19	0.31 <sup>b</sup>	0-6.48	0.0001	0.000228
f__Clostridiaceae;__;s__	10.48 <sup>a</sup>	4.28-30.94	1.09 <sup>b</sup>	0.37-13.05	3.74 <sup>b</sup>	0.24-18.69	6.19 <sup>a,b</sup>	1.11-23.66	6.55 <sup>a,b</sup>	1.08-21.53	0.0002	0.00041
f__Clostridiaceae;g__;s__	0.26 <sup>a</sup>	0-9.7	3.16 <sup>b</sup>	0.25-33.33	3.55 <sup>b</sup>	0.23-17.02	2.35 <sup>b</sup>	0-11.51	1.21 <sup>a,b</sup>	0-5.28	0.002	0.003565
g__Clostridium;__	0	0-1.85	0	0-9.77	0	0-2.15	0.2	0-1.63	0	0-10.95	0.1581	0.196427
Clostridium perfringens	0.04 <sup>a</sup>	0-3.15	0 <sup>a</sup>	0-0	0 <sup>a</sup>	0-5.96	0 <sup>a</sup>	0-4.07	0.1 <sup>a</sup>	0-4.02	0.0056	0.0082
f__Lachnospiraceae;__;s__	6 <sup>a</sup>	3.14-14.32	0.43 <sup>b</sup>	0-1.8	0.44 <sup>b</sup>	0-1.92	5.27 <sup>a</sup>	0.49-32.52	8.74 <sup>a</sup>	1.37-17.77	0.0001	0.000228
f__Lachnospiraceae;g__;s__	1.74 <sup>a</sup>	0.18-4.15	0 <sup>b</sup>	0-0.97	0 <sup>b</sup>	0-0.84	1.03 <sup>a</sup>	0.02-5.14	1.35 <sup>a</sup>	0-9.57	0.0001	0.000228
g__Blautia;s__	1.43 <sup>a,c</sup>	0-4.73	0 <sup>b</sup>	0-0.99	0 <sup>b,c</sup>	0-4.27	1.77 <sup>a</sup>	0-16.39	6.06 <sup>a</sup>	0-14.48	0.0001	0.000228
Blautia producta	4.45 <sup>a,c</sup>	1.83-7.63	0.48 <sup>b</sup>	0-3.97	0.43 <sup>b,c</sup>	0-13.1	5.79 <sup>a,c</sup>	1.75-43.29	7.4 <sup>a</sup>	1.67-19.32	0.0001	0.000228
g__Dorea;s__	0 <sup>a,b,c</sup>	0-1.01	0 <sup>a</sup>	0-0	0 <sup>a,c</sup>	0-0.13	0.77 <sup>b,c</sup>	0-7.66	0.64 <sup>b</sup>	0-8.35	0.0001	0.000228
g__[Ruminococcus];s__	0.33 <sup>a</sup>	0-1.07	0 <sup>b</sup>	0-0.15	0 <sup>b</sup>	0-0.29	0.17 <sup>a,b</sup>	0-14.85	0.71 <sup>a</sup>	0.1-35.78	0.0001	0.000228
[Ruminococcus] gnavus	2.84 <sup>a</sup>	1.32-9.71	0.47 <sup>b</sup>	0-6.87	0.46 <sup>a,b</sup>	0-25.2	3.83 <sup>a,b</sup>	1.25-9.17	2.67 <sup>a,b</sup>	1.5-14.79	0.0038	0.00615
f__Peptostreptococcaceae;g__;s__	0 <sup>a,b</sup>	0-11.15	0 <sup>a</sup>	0-0.1	0 <sup>a,b</sup>	0-14.85	0.19 <sup>a,b</sup>	0-2.22	0.37 <sup>b</sup>	0-2.2	0.0001	0.000228
f__Ruminococcaceae;g__;s__	0.43 <sup>a</sup>	0-1.28	0 <sup>b</sup>	0-0.23	0 <sup>b</sup>	0-0.3	0.01 <sup>a,b</sup>	0-0.49	0.36 <sup>a</sup>	0-4.34	0.0001	0.000228
Faecalibacterium prausnitzii	1.53 <sup>a</sup>	0-9.44	0.11 <sup>b</sup>	0-0.21	0.13 <sup>a,b</sup>	0-4.07	0.16 <sup>a,b</sup>	0-5.96	0.2 <sup>a,b</sup>	0.11-4.91	0.0039	0.00615
g__Oscillospira;s__	0 <sup>a</sup>	0-0.45	0 <sup>a</sup>	0-0	0 <sup>a</sup>	0-0.38	0 <sup>a</sup>	0-0.63	0.01 <sup>a</sup>	0-1.51	0.0023	0.003929
g__Ruminococcus;s__	0.04	0-0.1	0	0-0.32	0	0-0.86	0.01	0-0.29	0.06	0-0.2	0.3758	0.427994
g__Megamonas;s__	5.23 <sup>a</sup>	0.54-19.96	0.35 <sup>b</sup>	0.22-0.68	0.39 <sup>b</sup>	0.2-0.76	0.51 <sup>b,c</sup>	0.23-26.09	0.72 <sup>a,c</sup>	0.24-31.84	0.0001	0.000228
g__Phascolarctobacterium;s__	0.04	0-1.23	0	0-0.25	0	0-0.07	0	0-0.61	0	0-3.36	0.0654	0.083794
f__Erysipelotrichaceae;g__;s__	0.12 <sup>a,b,c</sup>	0-5.4	0 <sup>a</sup>	0-0.4	0.01 <sup>a,c</sup>	0-0.23	0.16 <sup>b,c</sup>	0-1.85	0.2 <sup>b</sup>	0-2.07	0.0002	0.00041
g__Allobaculum;s__	0.09	0-1.29	0	0-3.31	0	0-7.06	0	0-2.21	0	0-2.97	0.2596	0.313047
g__Catenibacterium;s__	0.16 <sup>a</sup>	0-2.39	0.07 <sup>a,b</sup>	0-0.77	0 <sup>b</sup>	0-0.32	0 <sup>b</sup>	0-0.23	0 <sup>a,b</sup>	0-1.14	0.0003	0.000586
[Eubacterium] bifforme	0.08	0-2.95	0.03	0-8.04	0.03	0-5.27	0.07	0-4.37	0.15	0-4.15	0.6562	0.672605
[Eubacterium] dolichum	0.05 <sup>a</sup>	0-0.42	0 <sup>a</sup>	0-0.44	0 <sup>a</sup>	0-1.06	0.08 <sup>a</sup>	0-2.32	0.08 <sup>a</sup>	0-2.59	0.027	0.0369
g__Fusobacterium;s__	14.46 <sup>a</sup>	3.24-29.49	0.6 <sup>b</sup>	0.17-0.92	0.69 <sup>b,c</sup>	0.14-1.2	1.02 <sup>a,c</sup>	0.38-29.66	1.2 <sup>b,c</sup>	0-21.56	0.0001	0.000228
g__Sutterella;s__	0.96	0.12-4.37	0.71	0.21-12.58	0.73	0.24-3.65	0.7	0-9.94	0.64	0.12-5.36	0.7541	0.7541

g__Helicobacter;s__	0.14	0-1.4	0.1	0-0.28	0.1	0-0.4	0.12	0-18.55	0.09	0-0.95	0.0573	0.075784
f__Succinivibrionaceae;g__;s__	0.02	0-0.79	0.06	0-2.31	0.06	0-1.46	0.07	0-2.19	0.07	0-0.92	0.5016	0.527323
f__Enterobacteriaceae;g__;s__	0.68 <sup>a</sup>	0-16	24.89 <sup>b</sup>	8.63-63.53	26.09 <sup>b</sup>	9.41-66.66	2.12 <sup>a</sup>	0-44.9	1.97 <sup>a</sup>	0.45-19.83	0.0001	0.000228
g__Proteus;s__	0 <sup>a</sup>	0-0.03	0.09 <sup>a</sup>	0-8.04	0 <sup>a</sup>	0-5.84	0 <sup>a</sup>	0-3.31	0 <sup>a</sup>	0-0	0.0001	0.000228