

Supplementary Table S1 List of *Passiflora* species, locality of collection, and methodological analyses in which they were included.

Subgenus	Species	Locality of collection	Mauve first alignment	Mauve second alignment	IR expansion analysis
<i>Astrophea</i>	<i>Passiflora cerradensis</i>	Juara (Mato Grosso)	X	X	X
	<i>Passiflora haematostigma</i>	São Bento (Rio Grande do Sul)	X	X	X
	<i>Passiflora rhamnifolia</i>	Palmeiras (Bahia)	X	X	X
<i>Decaloba</i>	<i>Passiflora candollei</i>	Alta Floresta (Mato Grosso)	X	X	X
	<i>Passiflora capsularis</i>	Ribeirão Grande (São Paulo)	X	X	X
	<i>Passiflora costaricensis</i>	Costa Rica, Central America **	X	X	X
	<i>Passiflora suberosa</i>	Piracicaba (São Paulo)	X	X	X
	<i>Passiflora vespertilio</i>	Alta Floresta (Mato Grosso)	X	X	X
<i>Deidamioides</i>	<i>Passiflora contracta</i>	Ituberá (Bahia)	X	X	X
	<i>Passiflora deidamioides</i>	Paranapiacaba (São Paulo)	X	X	X
<i>Passiflora</i>	<i>Passiflora alata</i>	Piracicaba (São Paulo)	X	X	X
	<i>Passiflora cristalina</i>	Alta Floresta (Mato Grosso)		X	
	<i>Passiflora edmundoi</i>	Palmeiras (Bahia)		X	
	<i>Passiflora loefgrenii</i>	Ribeirão Grande (São Paulo)		X	
	<i>Passiflora miniata</i>	Alta Floresta (Mato Grosso)		X	
	<i>Passiflora mucronata</i>	Itacaré (Bahia)		X	
	<i>Passiflora recurva</i>	Palmeiras (Bahia)		X	
	<i>Passiflora watsoniana</i>	Palmeiras (Bahia)		X	
<i>Dilkea</i>	<i>Dilkea retusa</i>	Santarém (Pará)	X	X	X
		Ribas do Rio Pardo (Mato Grosso do Sul)	X	X	X
<i>Mitostemma</i>	<i>Mitostemma brevifilis</i>		X	X	X

* The names of the Brazilian states are given within brackets

** Species obtained from the Italian National Collection of *Passiflora*

Supplementary Table S2 Assembly report of the *Passiflora* chloroplast genomes as well as of *Dilkea retusa* and *Mitostemma brevifilis*.

Species	Illumina Sequencing	Total reads	Seed sequence	K-mer size	NOVOPlasty			Geneious			
					No. of contigs	N50 (bp)	Largest contig (bp)	Final contig (bp)	Mapped reads	Coverage	Standard deviation
<i>Passiflora cerradensis</i>	2 × 150	22,754,226	<i>psba</i>	27	8	95,494	95,494	164,515	312,931	273,6	42,4
<i>Passiflora haematostigma</i>	2 × 150	17,430,270	<i>psba</i>	33	4	66,798	78,410	163,775	495,185	406,5	83,7
<i>Passiflora rhamnifolia</i>	2 × 76	41,545,758	<i>psba</i>	33	1	162,217	162,217	162,217	3,159,608	1459,1	416,1
<i>Passiflora candollei</i>	2 × 150	17,418,848	<i>psba</i>	25	3	78,011	78,011	138,081	610,704	596,8	99,3
<i>Passiflora capsularis</i>	2 × 150	20,764,460	<i>psba</i>	33	3	98,968	98,968	113,114	1,385,507	1678,6	265,7
<i>Passiflora suberosa</i>	2 × 76	39,288,936	<i>psba</i>	23	7	50,453	64,935	158,313	3,500,674	1668,4	354,6
<i>Passiflora vespertilio</i>	2 × 150	24,924,420	<i>psba</i>	33	4	83,679	83,679	138,456	1,469,520	1455,2	214,5
<i>Passiflora contracta</i>	2 × 76	40,087,112	<i>rpoB</i>	35	12	52,316	58,232	166,558	1,323,274	589,5	114,6
<i>Passiflora deidamioides</i>	2 × 76	39,856,504	<i>rbcL</i>	25	6	64,351	70,361	167,953	2,337,851	1034,3	244,6
<i>Passiflora alata</i>	2 × 76	34,408,974	<i>psba</i>	25	10	62,093	64,622	147,773	591,986	297,3	69,4
<i>Passiflora cristalina</i>	2 × 150	22,320,626	<i>rbcL</i>	33	3	112,944	112,944	145,054	203,402	190,5	30,7
<i>Passiflora edmundoi</i>	2 × 150	22,450,584	<i>psba</i>	25	4	63,137	66,405	142,737	846,246	801,3	134
<i>Passiflora loefgrenii</i>	2 × 76	38,113,682	<i>psba</i>	33	2	81,924	81,924	146,537	5,879,056	2977,3	586,3
<i>Passiflora miniata</i>	2 × 150	13,862,202	<i>psba</i>	39	5	46,879	67,475	151,920	197,290	174,7	37,4
<i>Passiflora mucronata</i>	2 × 150	20,276,596	<i>psba</i>	23	6	38,580	66,292	150,839	802,974	719,6	112,4
<i>Passiflora recurva</i>	2 × 150	17,888,470	<i>rbcL</i>	23	5	40,041	67,107	151,837	670,343	598,4	108
<i>Passiflora watsoniana</i>	2 × 150	16,526,196	<i>rbcL</i>	39	5	37,941	71,878	146,520	227,824	209,7	36,7
<i>Dilkea retusa</i>	2 × 150	21,899,744	<i>rbcL</i>	27	6	54,747	60,013	161,923	117,425	98,6	17,5
<i>Mitostemma brevifilis</i>	2 × 150	23,891,314	<i>psba</i>	39	6	135,027	135,027	163,032	1,652,427	1379,1	207,3

Species	PacBio Seq	Total reads	Mean read length	Canu			Geneious			
				No. of contigs	N50	Largest	No. of contigs	Final contig	Coverage	Standard deviation
<i>Passiflora costaricensis</i>	1,1 Gb	247,741	4,441 bp	4,322*	7,061	61,771	4	114,230 bp	538	115

*The high number of contigs and small N50 were a result of nuclear contamination in the chloroplast sample.

Supplementary Table S3 PCR primers used to confirm the chloroplast DNA sequence in five *Passiflora* species.

Species	Region within the chloroplast genome	Primer code	Primer sequence 5'-3'
<i>Passiflora capsularis</i>	<i>ndhB - psbA</i>	Pcap1_F	ACCCCTCACGTGCGAAATTA
	<i>ndhB - psbA</i>	Pcap1_R	ACCGTCCGAAAAGCTTCCTT
	<i>rps15 - rrna5</i>	Pcap21_F	AGATAGTAGTCGTCGGCGTT
	<i>rps15 - rrna5</i>	Pcap21_R	GGGAAGTCCTGCGGAAAAA
	<i>rps15 - rrna5</i>	Pcap22_F	TCCATTAAACCAAGGCCGGT
	<i>rps15 - rrna5</i>	Pcap22_R	TCCTAGGCGTAGAGGAACCA
	<i>rps15 - rrna5</i>	Pcap23_F	TCTGACTCCCGAATATCCAATTTAC
	<i>rps15 - rrna5</i>	Pcap23_R	GCTCAGGTTTATATTGGCAGCA
	<i>ndhF - rpl23</i>	Pcap31_F	GACACCAAAGAAGAGTTCGGC
	<i>ndhF - rpl23</i>	Pcap31_R	GAATTACCAATGGGGTTCGGC
	<i>ndhF - rpl23</i>	Pcap32_F	CGGCCCAATGCTTTATTTCTGT
	<i>ndhF - rpl23</i>	Pcap32_R	CCCCTTCGGTAACTCGTTCT
	<i>ndhF - rpl23</i>	Pcap33_F	GCACTAGCGTTGGTAATGTGG
	<i>ndhF - rpl23</i>	Pcap33_R	GCCTTTTCTTTCTATAAGCCGGT
	<i>rps11 - rpoA</i>	Pcap4_F	TGATTCCTTGCCCTGGCTTC
	<i>rps11 - rpoA</i>	Pcap4_R	GCCGATTTAAGGGACCACGA
<i>Passiflora costaricensis</i>	<i>rps11 - ndhF</i>	Pcost1_F	GTTTCGCAAGAAAGGCGGTT
	<i>rps11 - ndhF</i>	Pcost1_R	CGGCAGCCGTATCTCTTCTT
	<i>rpoA - rpl23</i>	Pcost2_F	CTTGCCCTGGCTTCAGGTTA
	<i>rpoA - rpl23</i>	Pcost2_R	ACCCGGTTGAAGCGTAATGA
	<i>rps15 - rrn5</i>	Pcost3_F	GGAACAAGCGCTCGTATCTTT
	<i>rps15 - rrn5</i>	Pcost3_R	ACTGTAGGGGAAGTCCTGCG
	<i>ndhB - psbA</i>	Pcost4_F	TAACCCCTCACGTGCGAAAT
	<i>ndhB - psbA</i>	Pcost4_R	ACCGTCCGAAAAGCTTCCTT
<i>Passiflora cerradensis</i>	<i>matK - rpl23</i>	Pcerra_F	CGGGAGTCGATGGCTATGAA
	<i>matK - rpl23</i>	Pcerra_R	ACTCCCGAAACATAAGTGGGT
<i>Passiflora deidamioides</i>	<i>psbK - rpl23</i>	Pdeid_F	ACCCGGTTGAAGCGTAATGA
	<i>psbK - rpl23</i>	Pdeid_R	ATGCCAGTAATCCCCCTGTTC
<i>Passiflora vespertilio</i>	<i>ndhF - rpl2</i>	Pvesp1_F	GCCAGATGAAGGAACGGGAA
	<i>ndhF - rpl2</i>	Pvesp1_R	GAATTACCAATGGGTTTCGGCA
	<i>rps15 - rpl2</i>	Pvesp2_F	TAGTAGTCGTCGGCGTTTTTCT
	<i>rps15 - rpl2</i>	Pvesp2_R	AACCCTGTAGACCATCCCCAT
	<i>rrn5 - rps19</i>	Pvesp3_F	TCCTAGGCGTAGAGGAACCA
	<i>rrn5 - rps19</i>	Pvesp3_R	TTCTCCCAATTTATGACCCACCA

Supplementary Table S4 List of chloroplast genomes of *Passiflora* species available in Genbank database as well as of *Adenia mannii* and *Populus trihocarpa*.

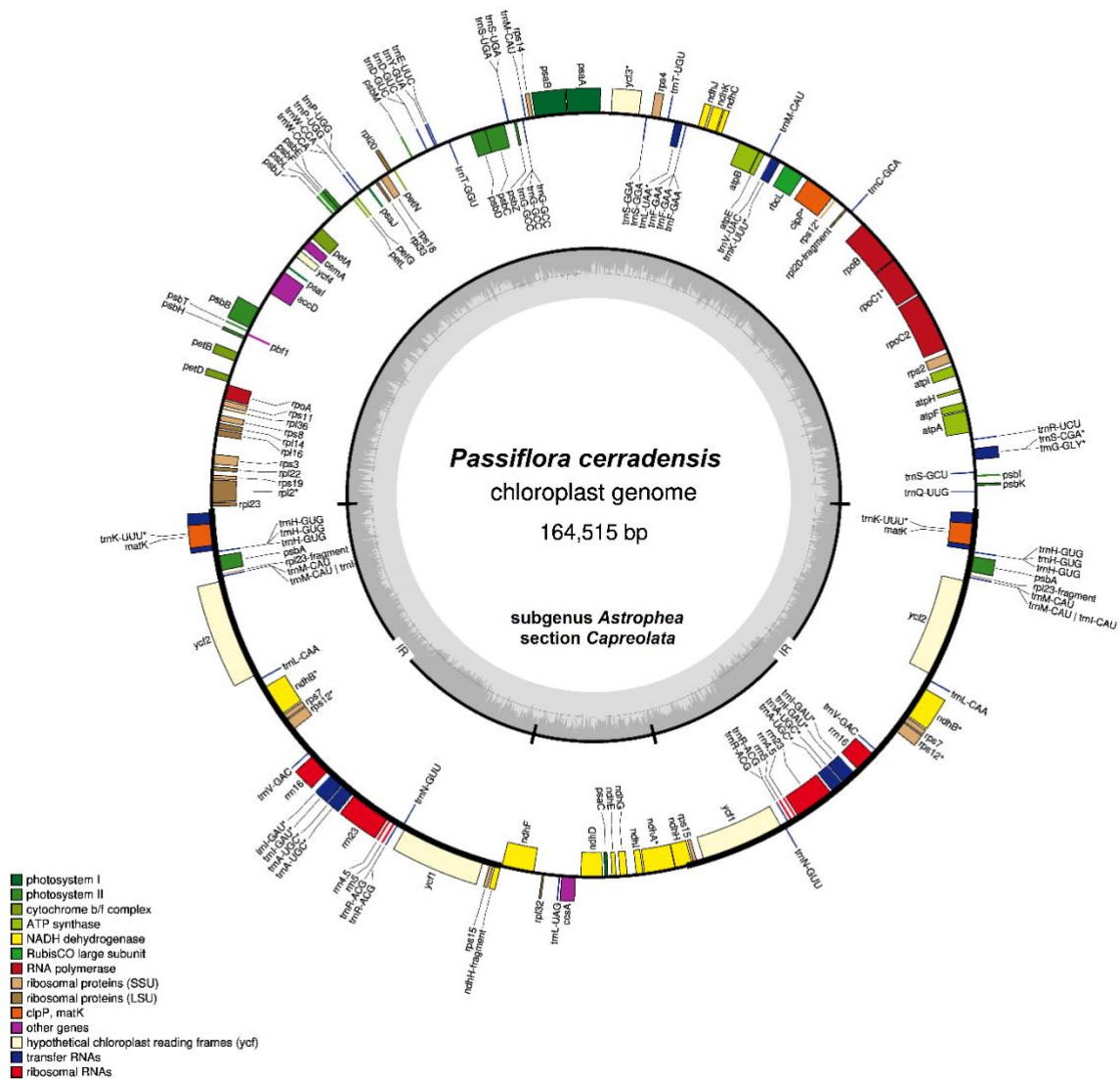
Subgenus	Species	Genbank accession number
<i>Astrophea</i>	<i>Passiflora pittieri</i>	NC_038125.1
<i>Decaloba</i>	<i>Passiflora microstipula</i>	NC_043827.1
	<i>Passiflora auriculata</i>	NC_038119.1
	<i>Passiflora jatunsachensis</i>	NC_043813.1
	<i>Passiflora rufa</i>	NC_043817.1
	<i>Passiflora tenuiloba</i>	NC_043816.1
	<i>Passiflora filipes</i>	NC_043822.1
	<i>Passiflora lutea</i>	NC_043815.1
	<i>Passiflora affinis</i>	NC_043823.1
	<i>Passiflora biflora</i>	NC_038120.1
	<i>Passiflora misera</i>	NC_043821.1
<i>Deidamioides</i>	<i>Passiflora arbelaezii</i>	NC_043819.1
	<i>Passiflora obovata</i>	NC_043824.1
<i>Tetraphatea</i>	<i>Passiflora tetrandra</i>	NC_043820.1
<i>Passiflora</i>	<i>Passiflora actinia</i>	NC_038118.1
	<i>Passiflora quadrangularis</i>	NC_038126.1
	<i>Passiflora laurifolia</i>	NC_038121.1
	<i>Passiflora nitida</i>	NC_038123.1
	<i>Passiflora cincinnata</i>	NC_037690.1
	<i>Passiflora edulis</i>	NC_034285.1
	<i>Passiflora vitifolia</i>	NC_038128.1
	<i>Passiflora ligularis</i>	NC_038122.1
	<i>Passiflora serratodigitata</i>	NC_038127.1
	<i>Passiflora serratifolia</i>	NC_038129.1
	<i>Passiflora menispermifolia</i>	NC_043826.1
	<i>Passiflora oerstedii</i>	NC_038124.1
	<i>Passiflora retipetala</i>	NC_038188.1
	<i>Passiflora foetida</i>	NC_043825.1
	<i>Adenia mannii</i>	NC_043791.1
	<i>Populus trihocarpa</i>	NC_009143.1

Supplementary Table S5 List of 68 chloroplast protein-coding genes used in the phylogenetic analysis

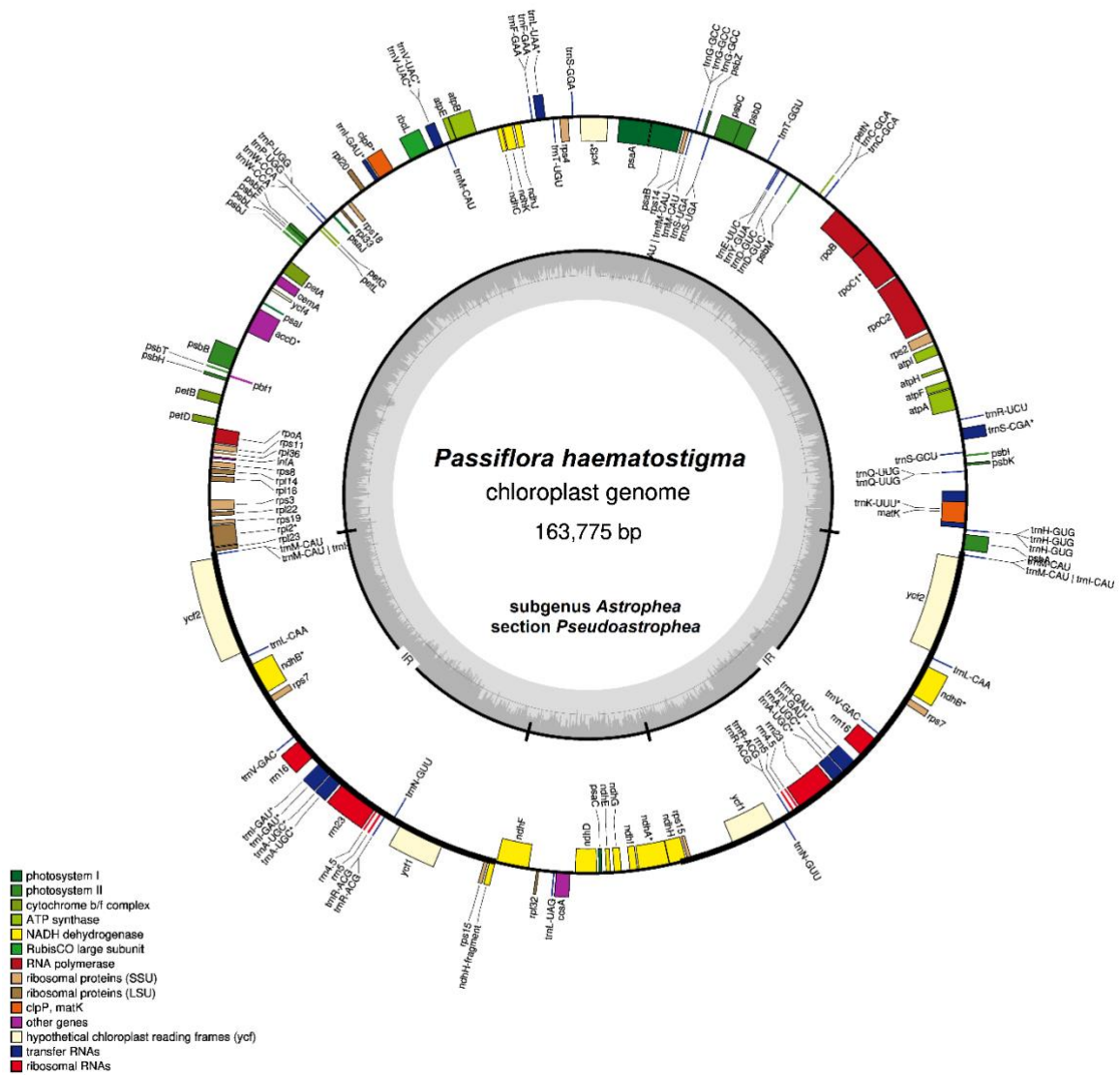
Chloroplast protein-coding genes

atpA, atpB, atpE, atpF, atpH, atpI, ccsA, cemA, clpP, matK, ndhA, ndhB, ndhC, ndhD, ndhE, ndhF, ndhG, ndhH, ndhI, ndhJ, ndhK, petA, petB, petD, petG, petL, petN, psaA, psaB, psaC, psaI, psaJ, psbA, psbB, psbC, psbD, psbE, psbF, psbH, psbI, psbJ, psbK, psbL, psbM, psbN, psbT, psbZ, rbcL, rpl2, rpl14, rpl16, rpl23, rpl33, rpl36, rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, rps3, rps4, rps8, rps11, rps12, rps14, rps15, rps19, ycf3, ycf4.

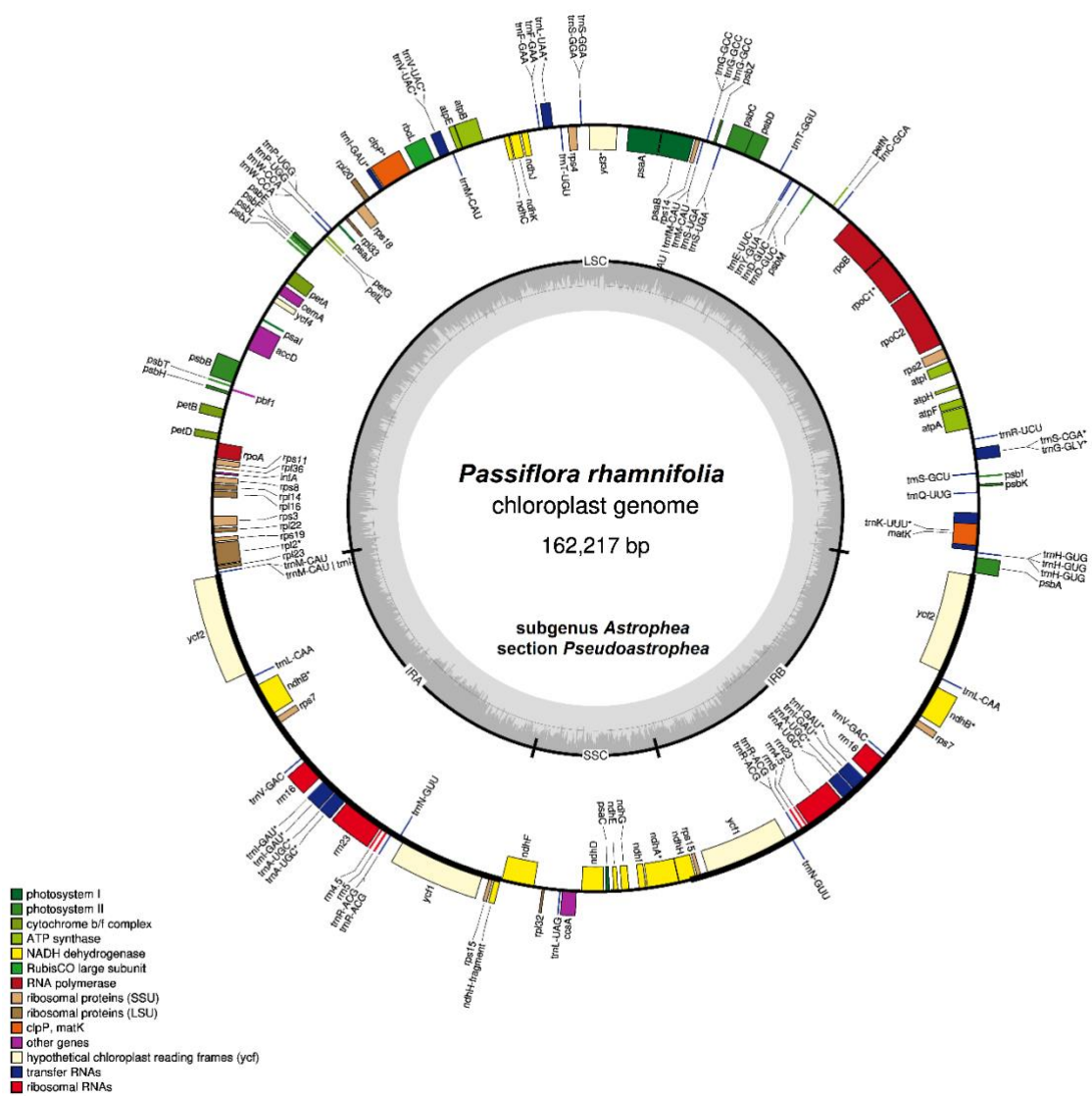
Supplementary Figure S1 Chloroplast genome maps of 18 *Passiflora* species in addition to the Passifloraceae, *Dilkea retusa* and *Mitostemma brevifilis*.



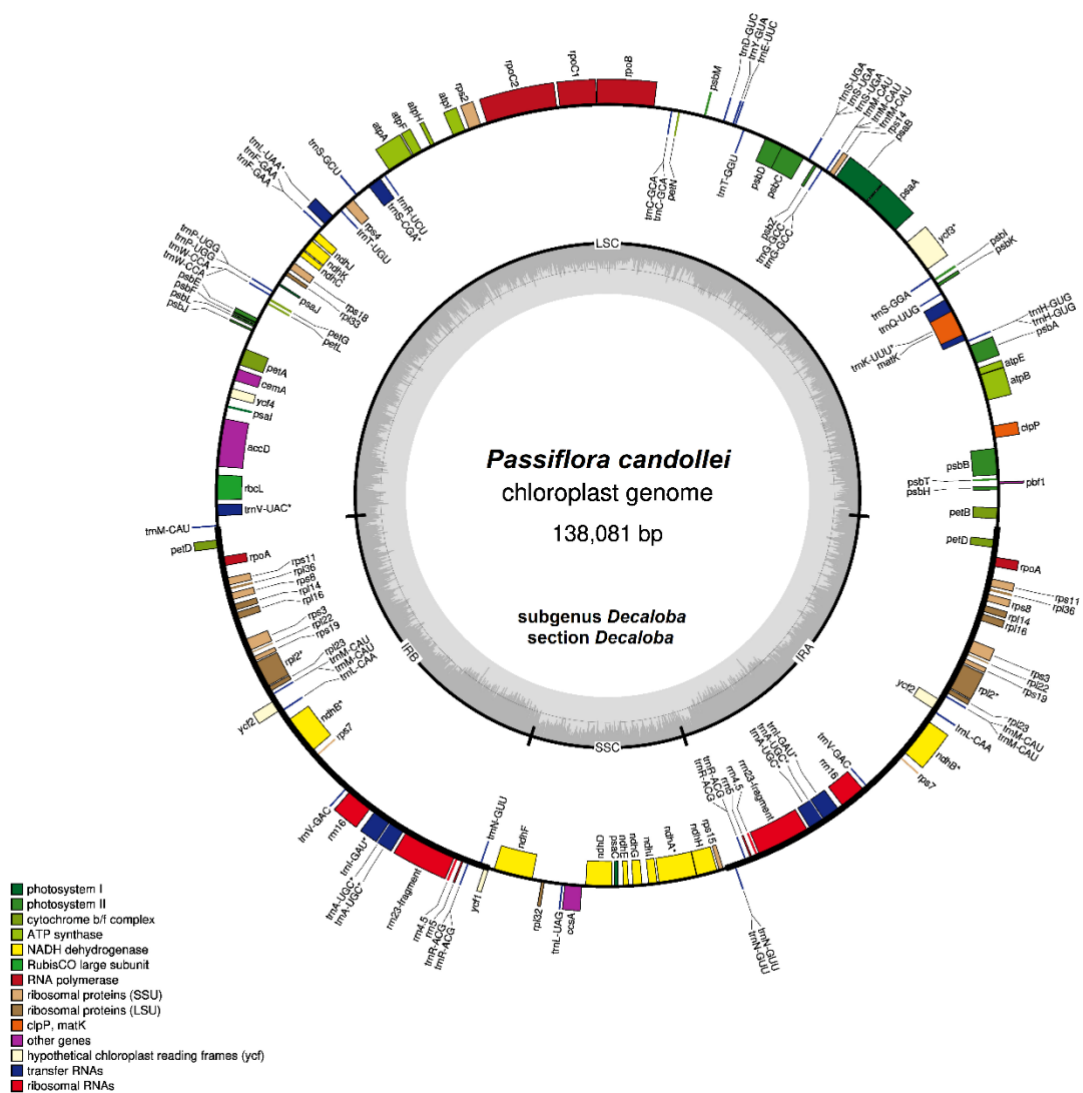
A. Chloroplast genome map of *Passiflora cerradensis*, subgenus *Astrophea*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



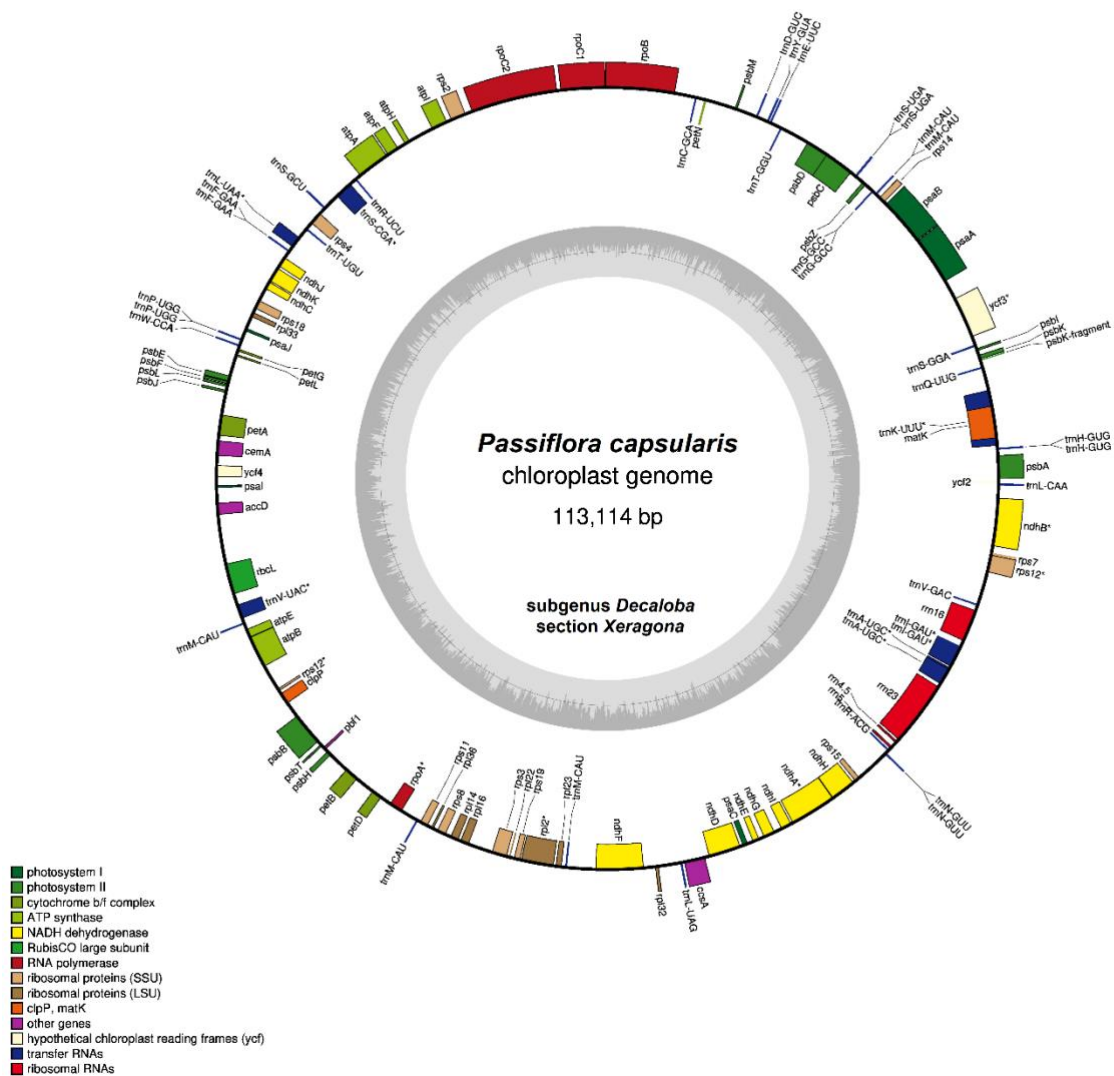
B. Chloroplast genome map of *Passiflora haematostigma*, subgenus *Astrophea*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region



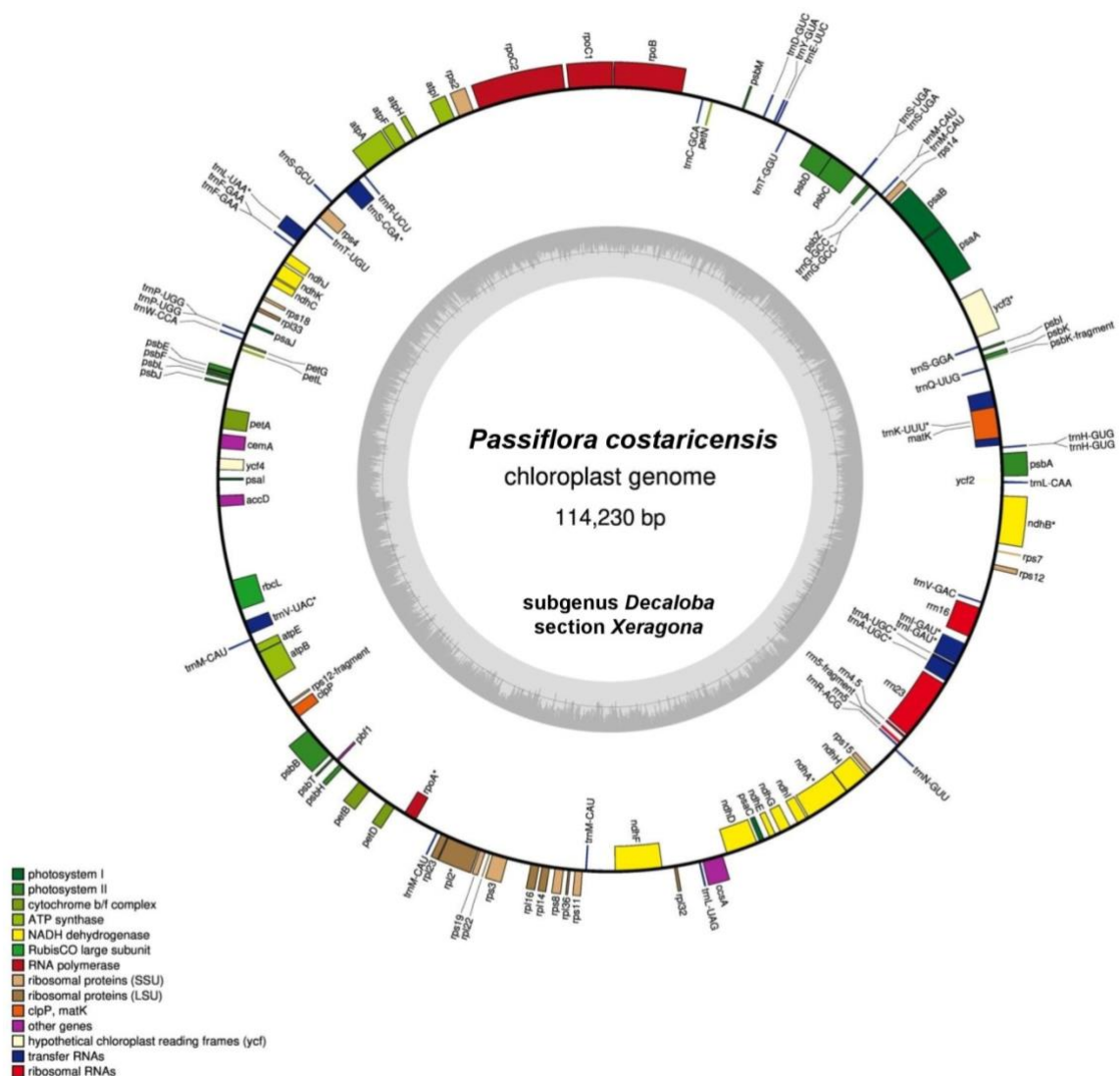
C. Chloroplast genome map of *Passiflora rhamnifolia*, subgenus *Astrophea*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



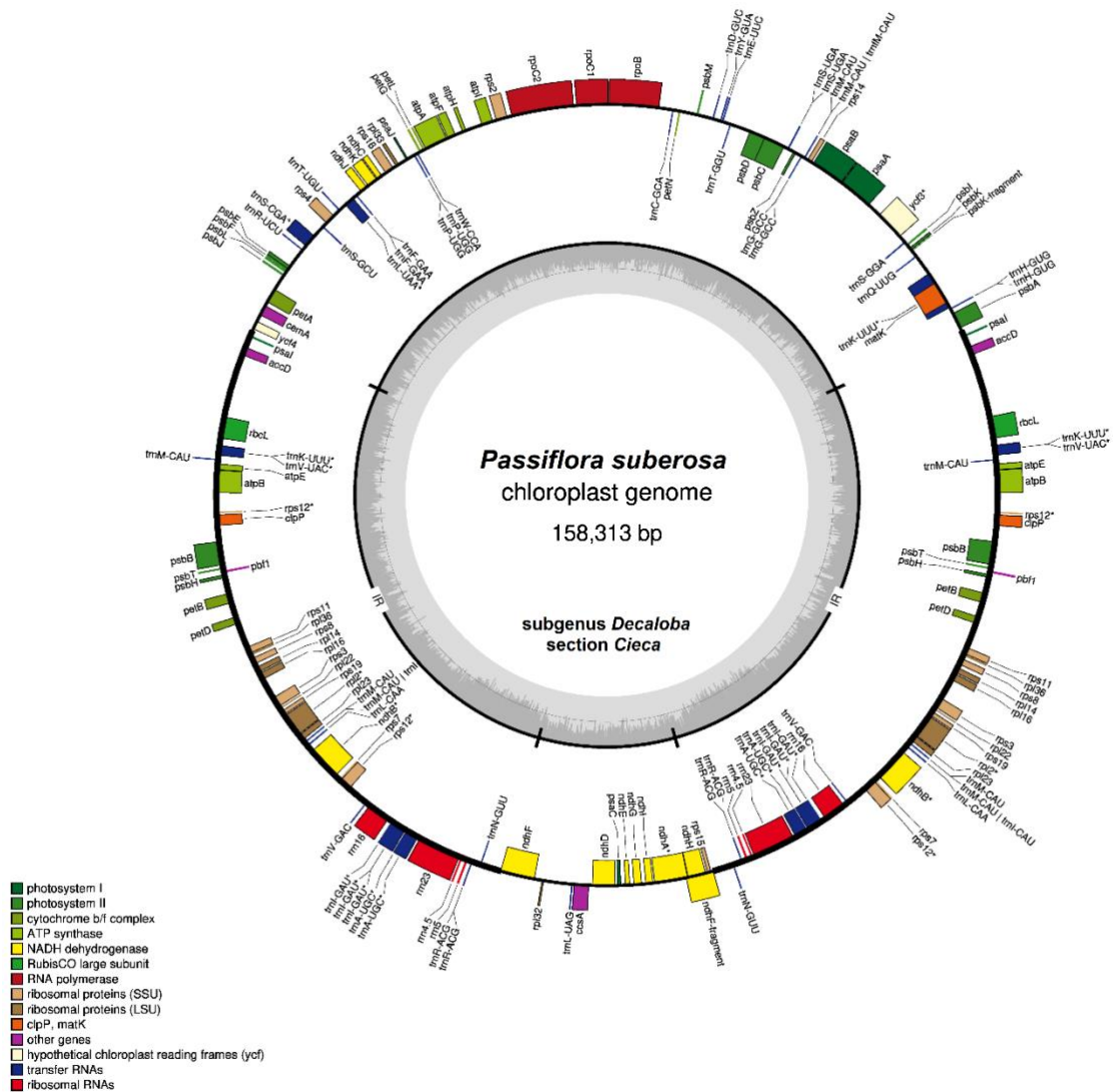
D. Chloroplast genome map of *Passiflora candollei*, subgenus *Decaloba*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



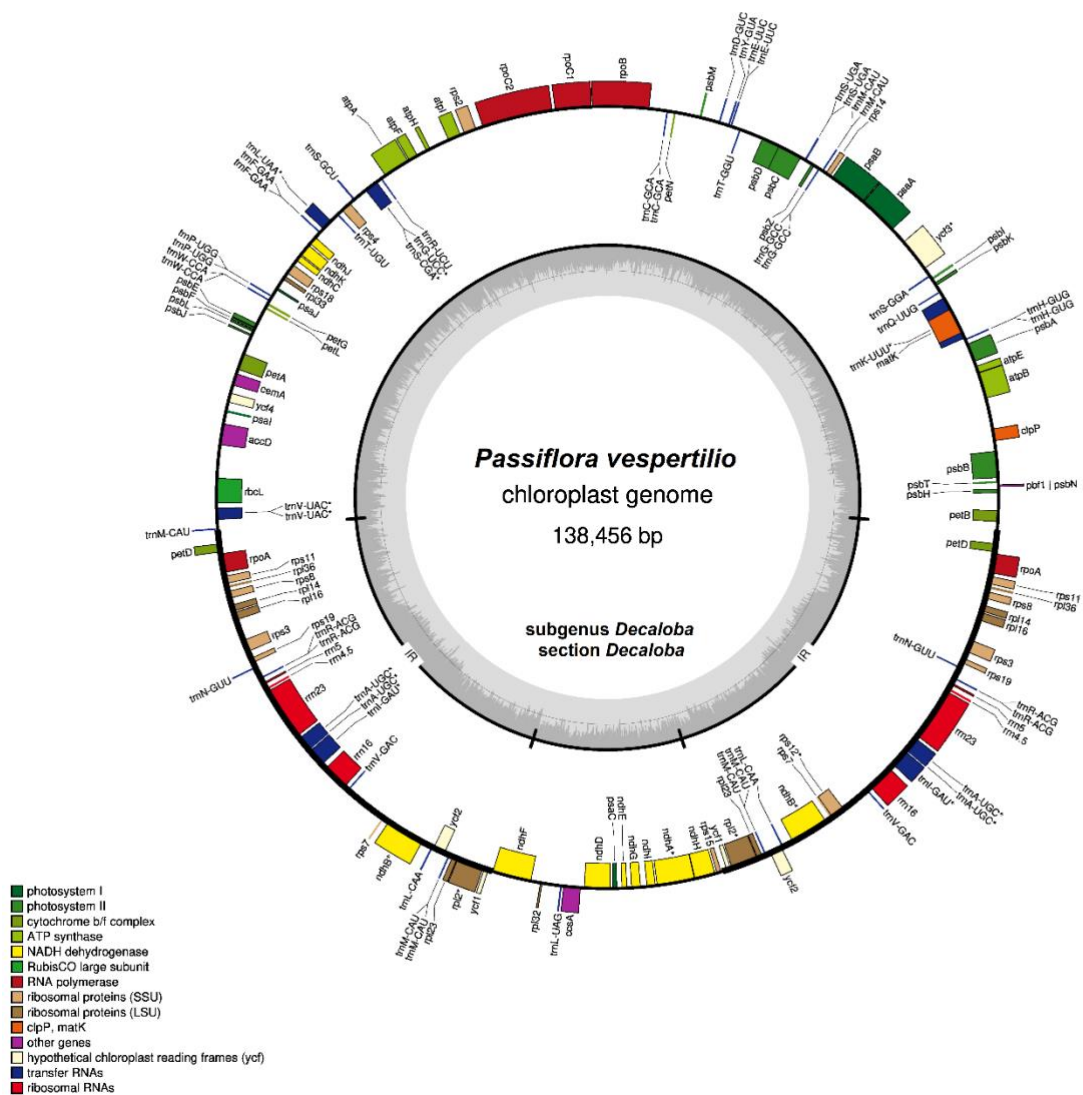
E. Chloroplast genome map of *Passiflora capsularis*, subgenus *Decaloba*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



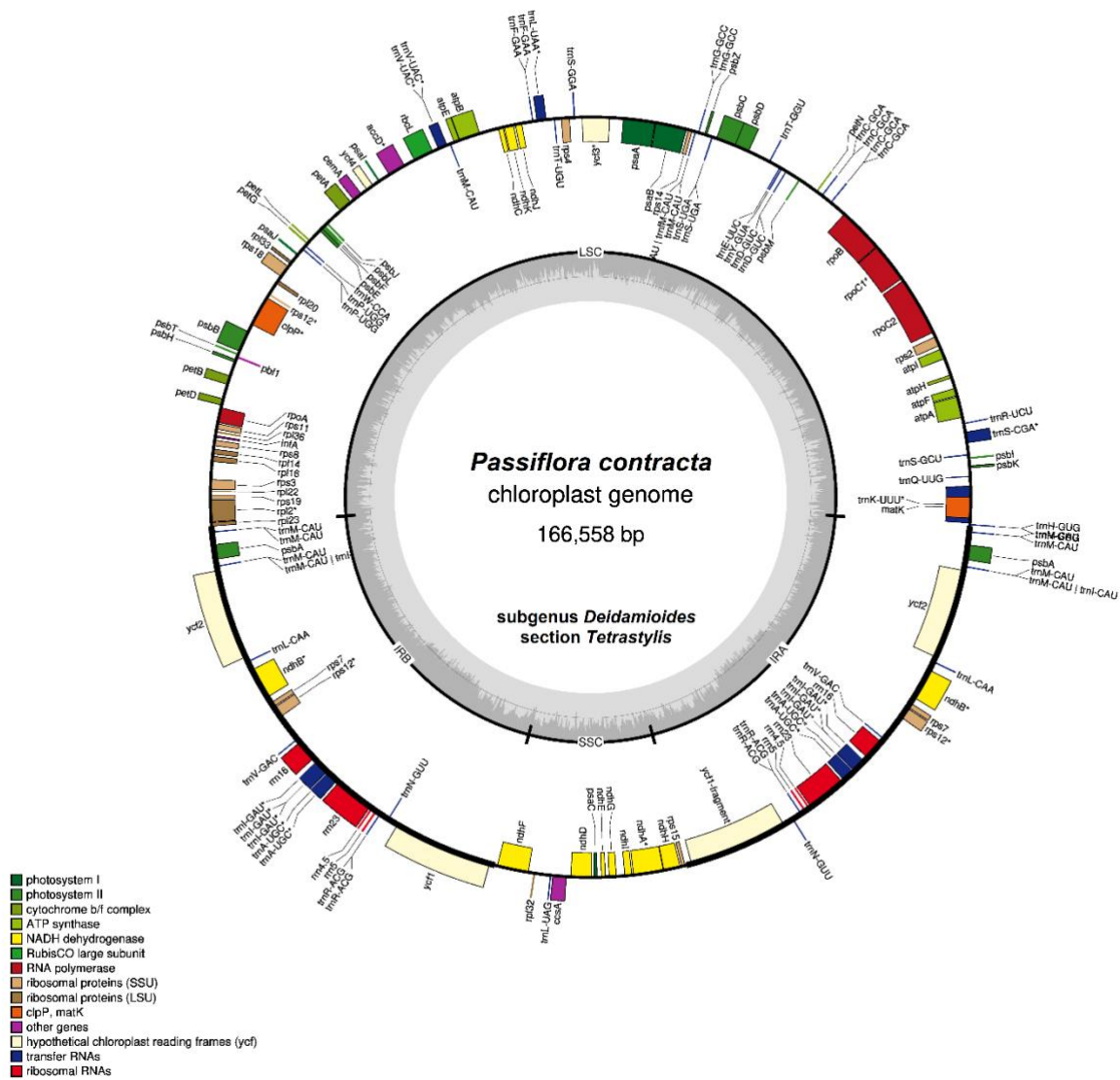
F. Chloroplast genome map of *Passiflora costaricensis*, subgenus *Decaloba*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



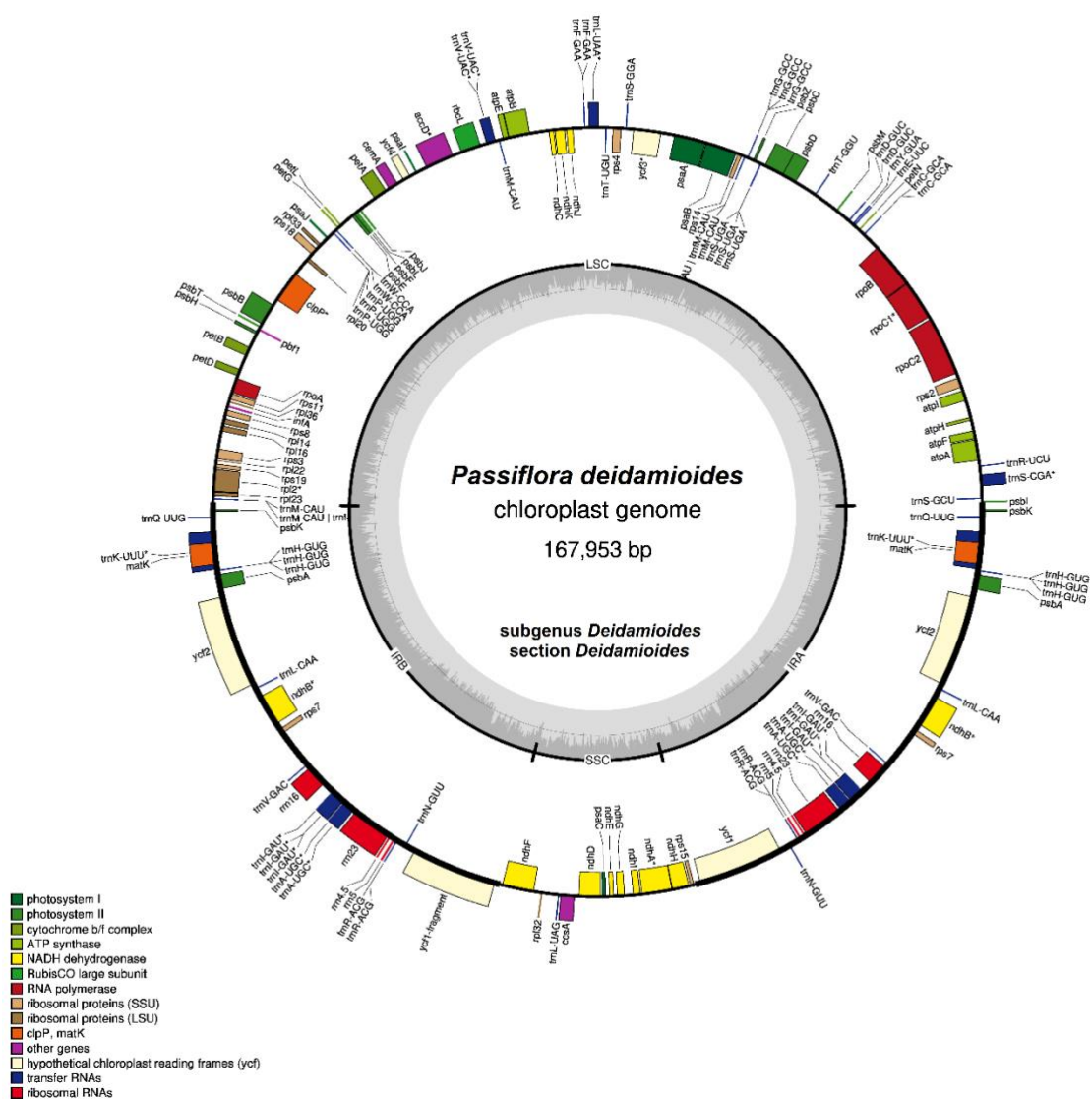
G. Chloroplast genome map of *Passiflora suberosa*, subgenus *Decaloba*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



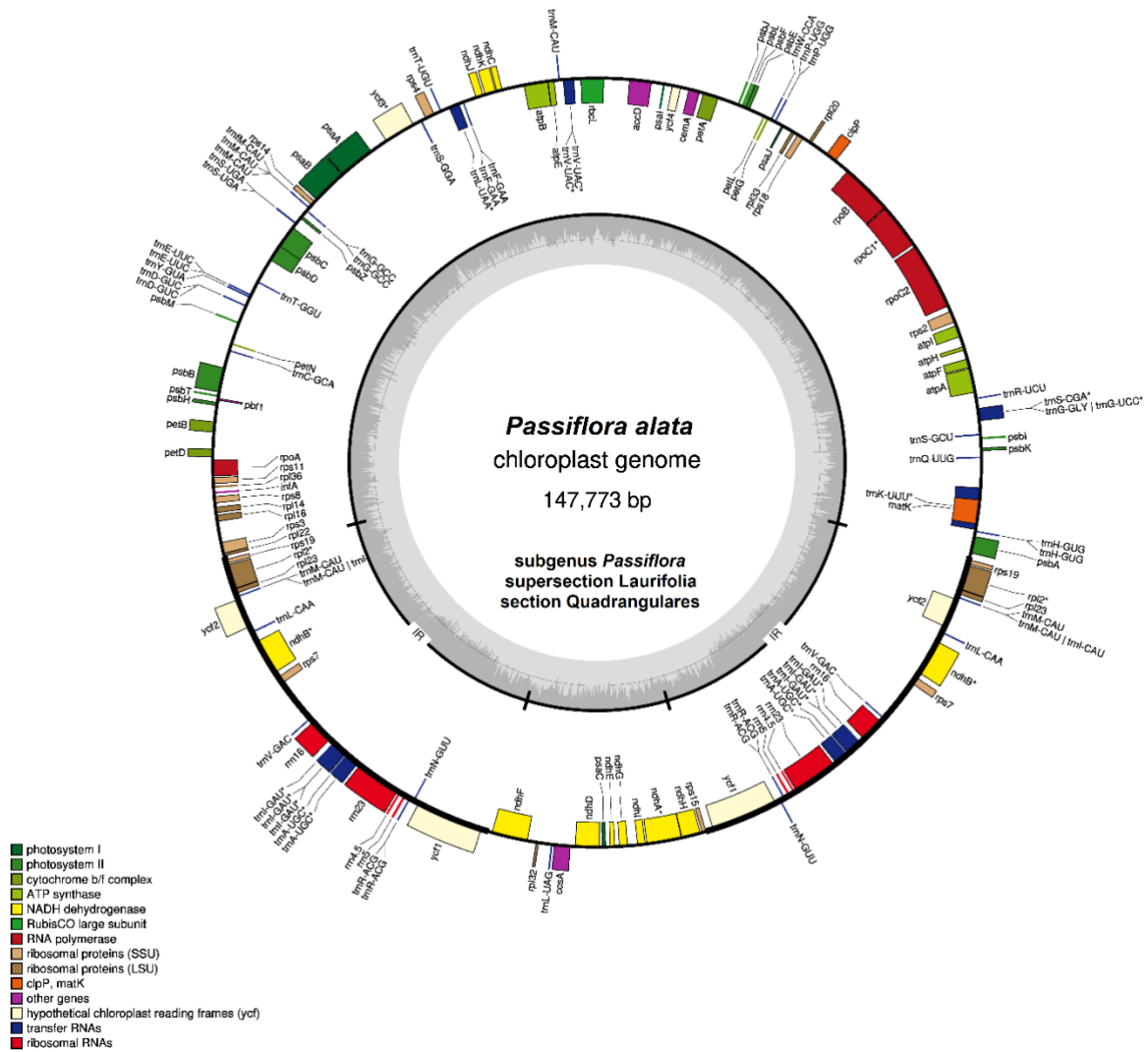
H. Chloroplast genome map of *Passiflora vespertilio*, subgenus *Decaloba*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



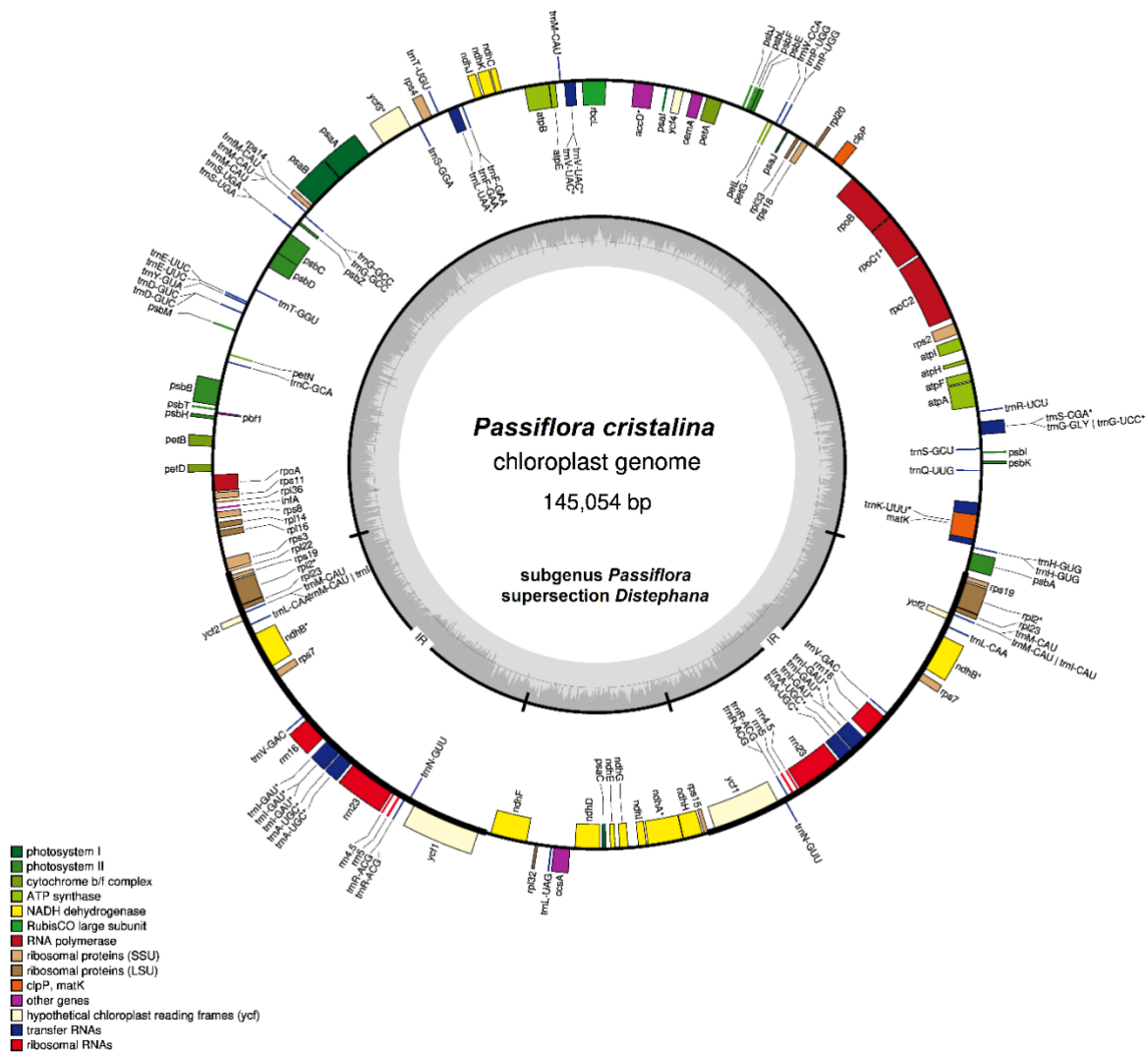
I. Chloroplast genome map of *Passiflora contracta*, subgenus *Deidamioides*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



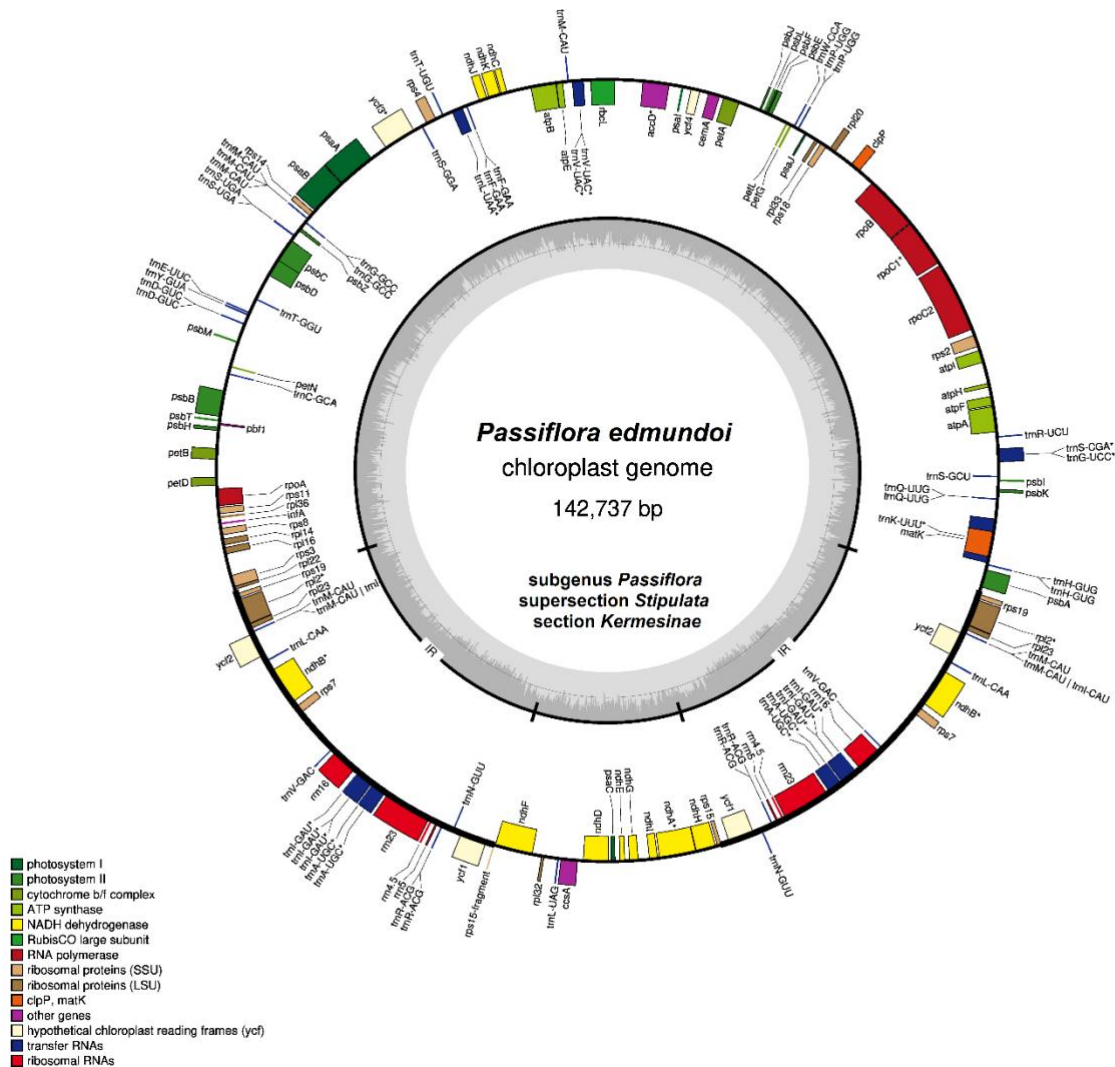
J. Chloroplast genome map of *Passiflora deidamioides*, subgenus *Deidamioides*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



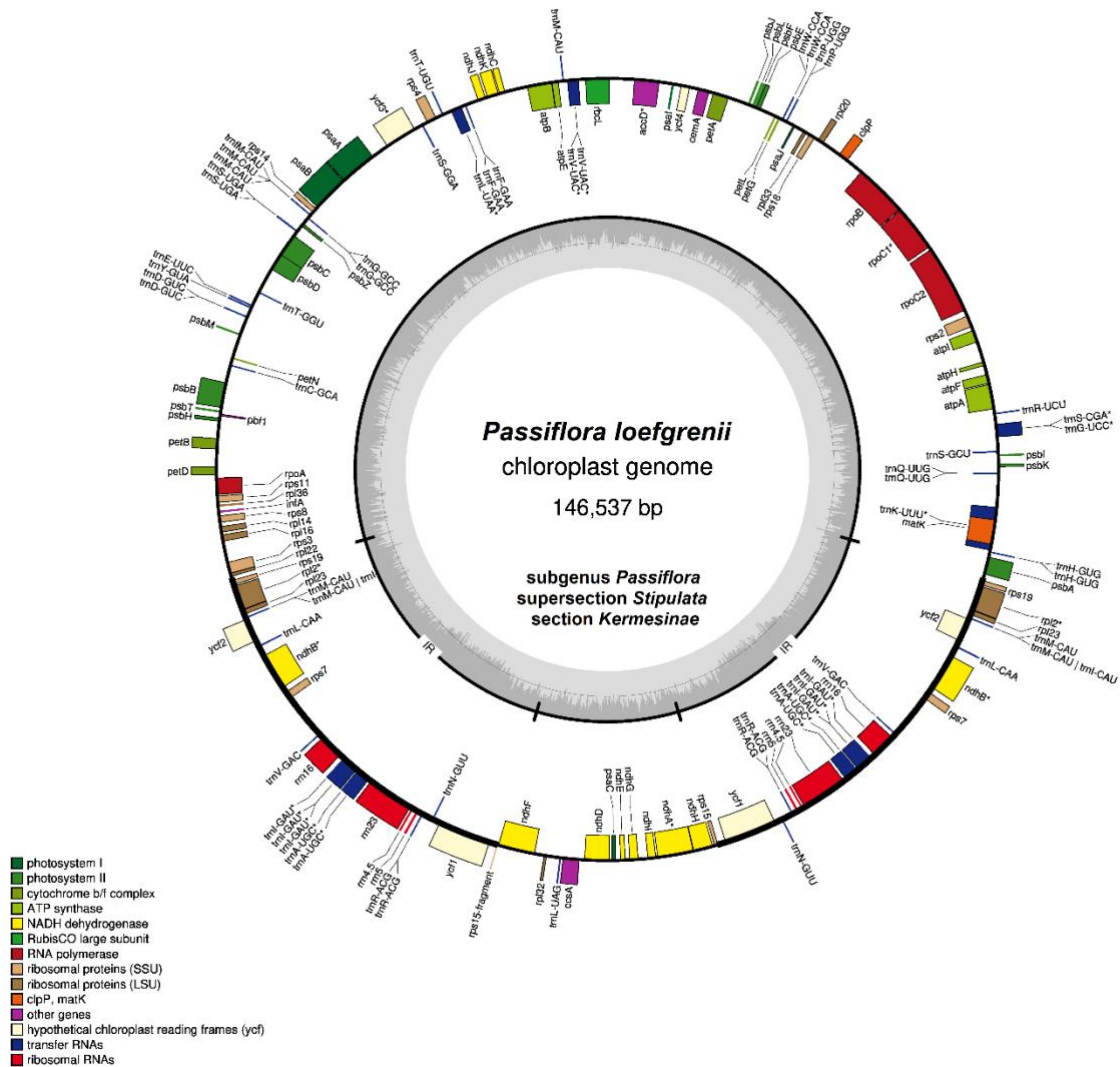
K. Chloroplast genome map of *Passiflora alata*, subgenus *Passiflora*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



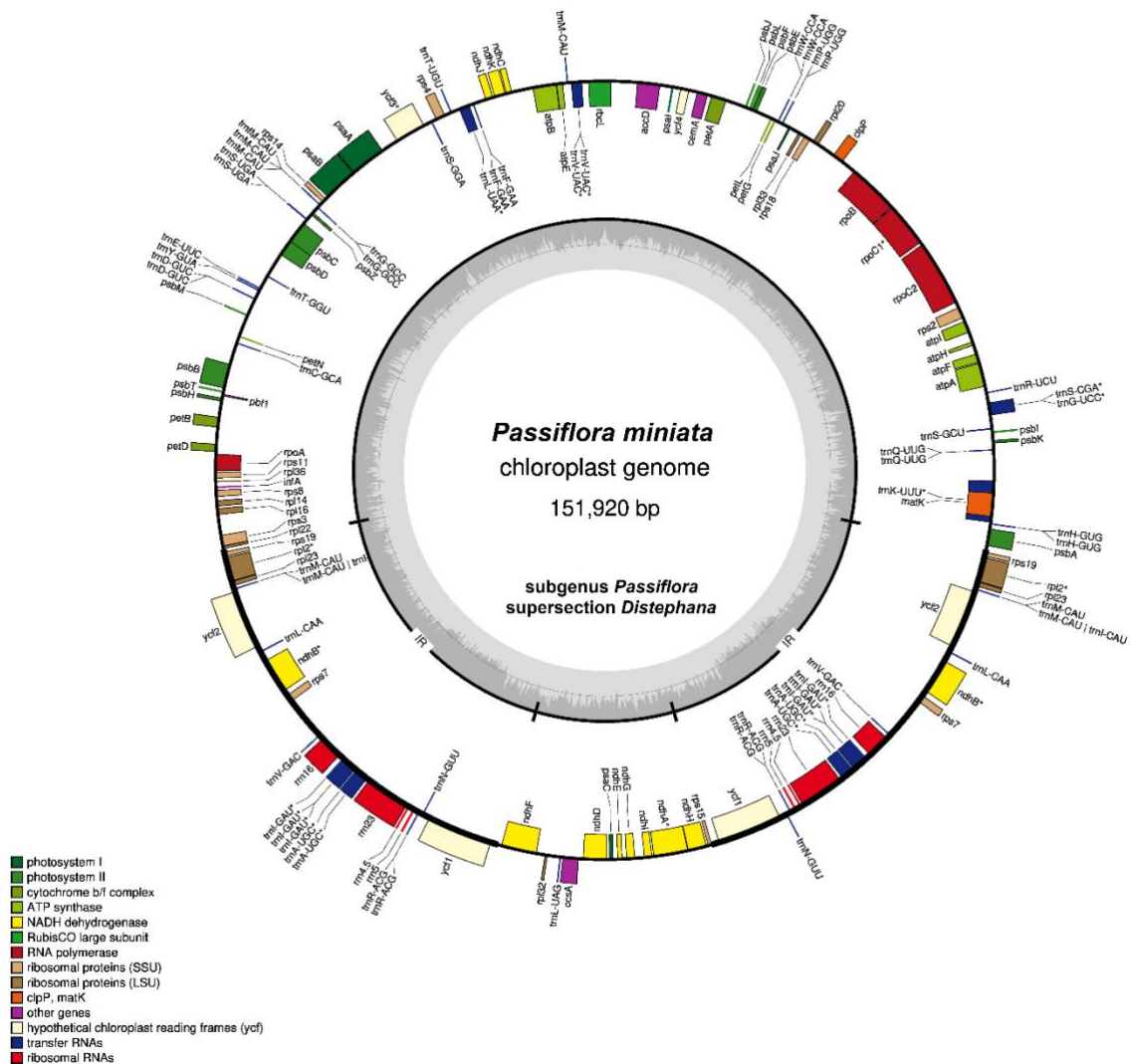
L. Chloroplast genome map of *Passiflora cristalina*, subgenus *Passiflora*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



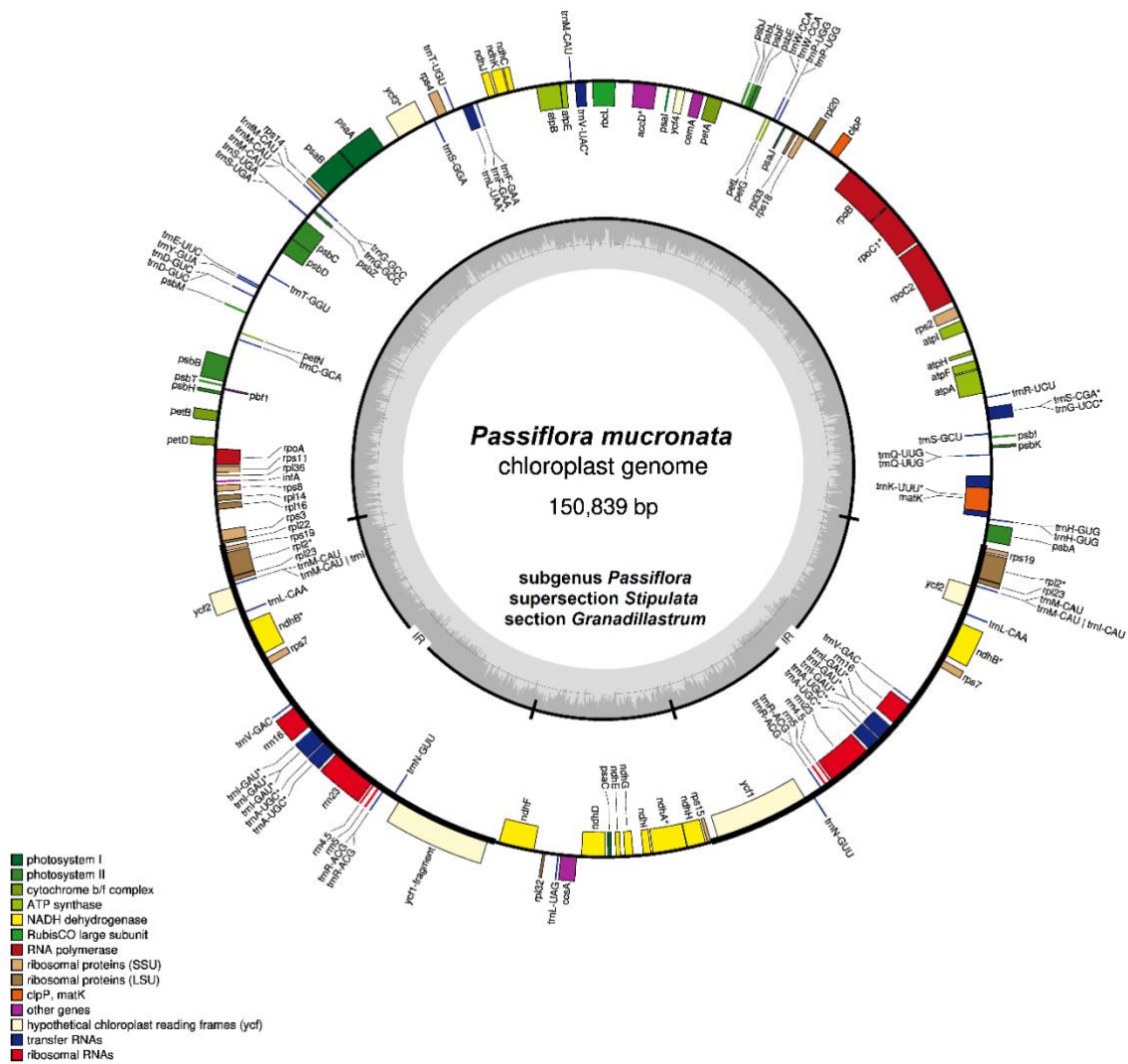
M. Chloroplast genome map of *Passiflora edmundoi*, subgenus *Passiflora*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



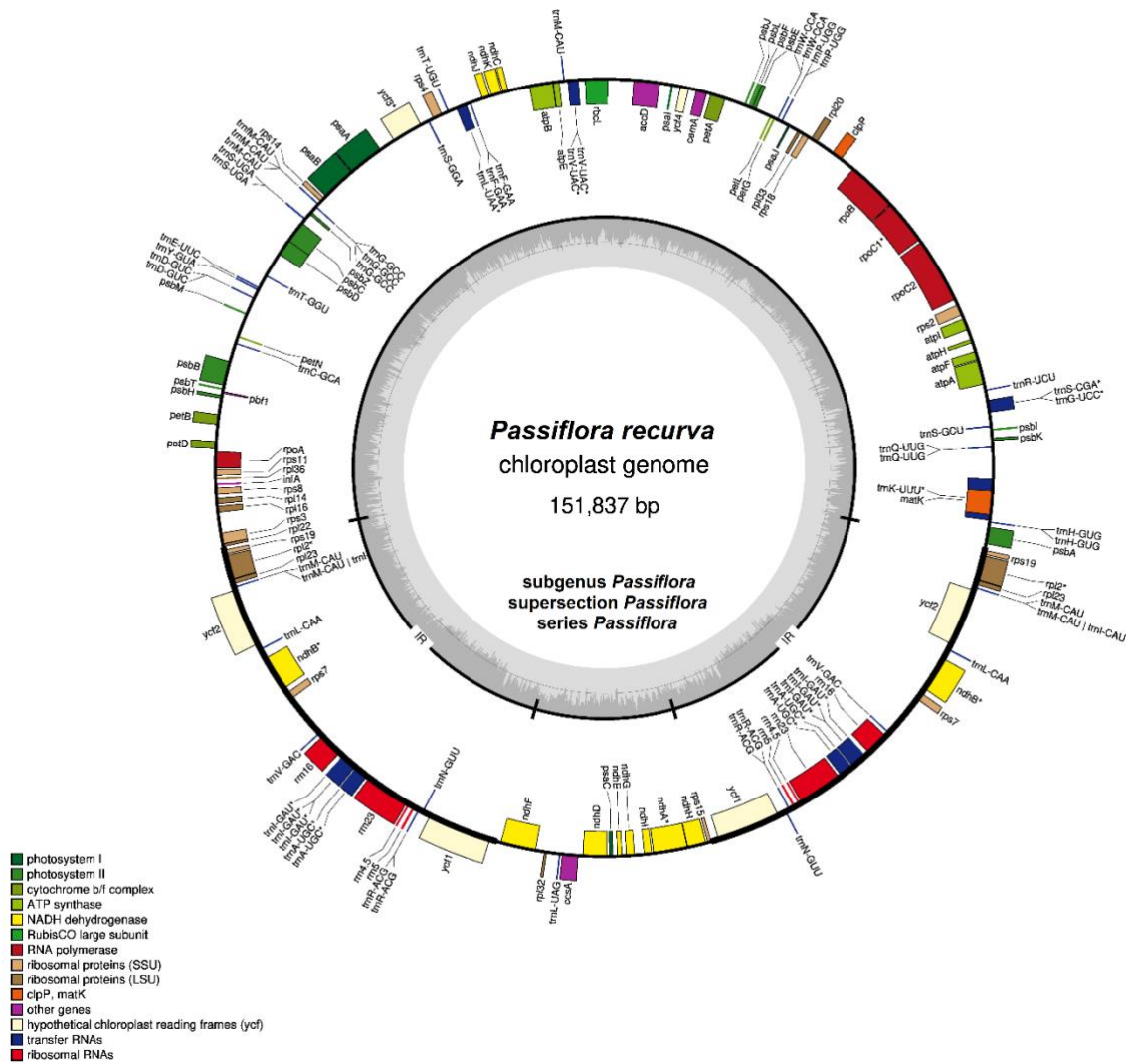
N. Chloroplast genome map of *Passiflora loefgrenii*, subgenus *Passiflora*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



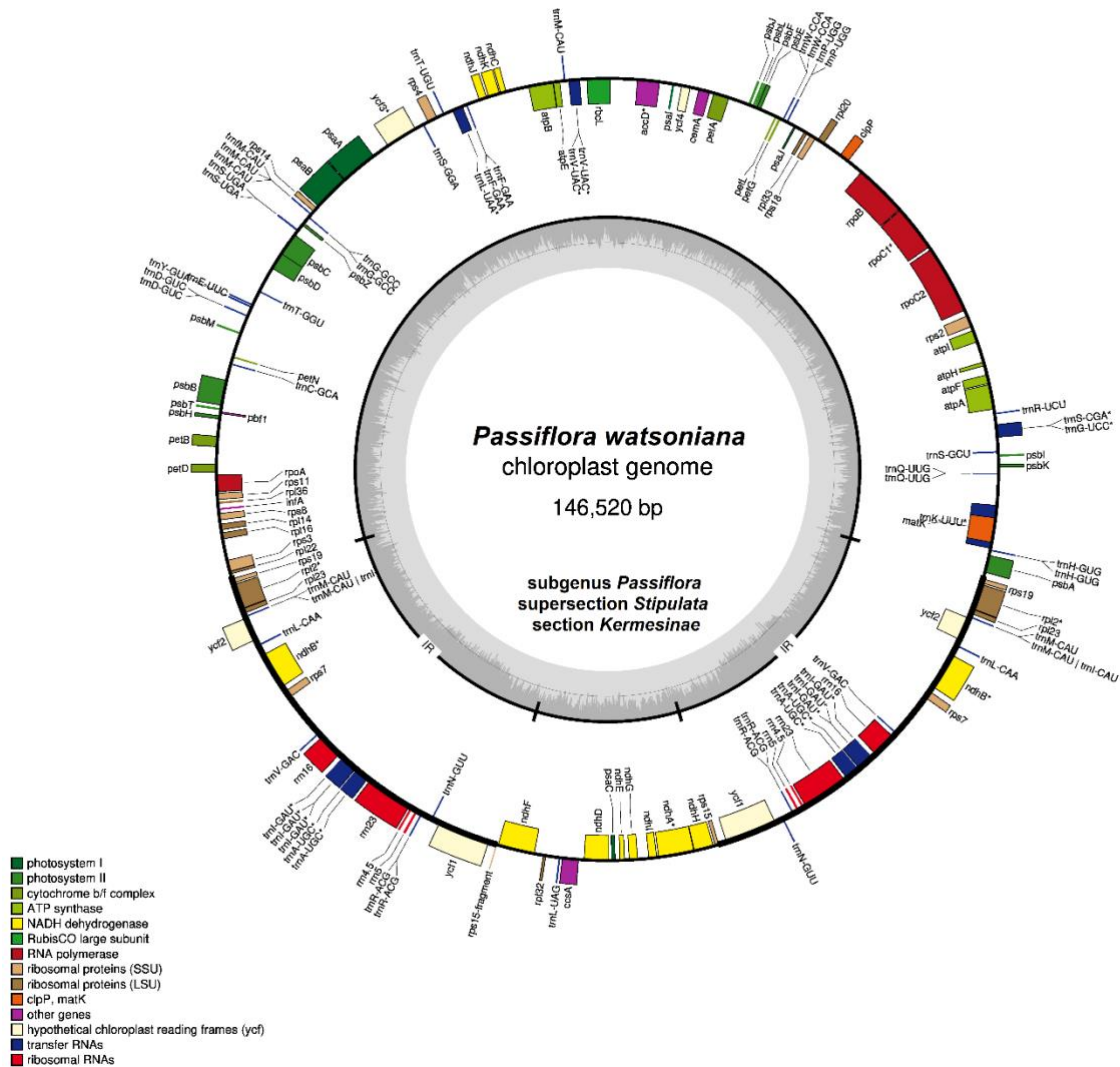
O. Chloroplast genome map of *Passiflora miniata*, subgenus *Passiflora*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



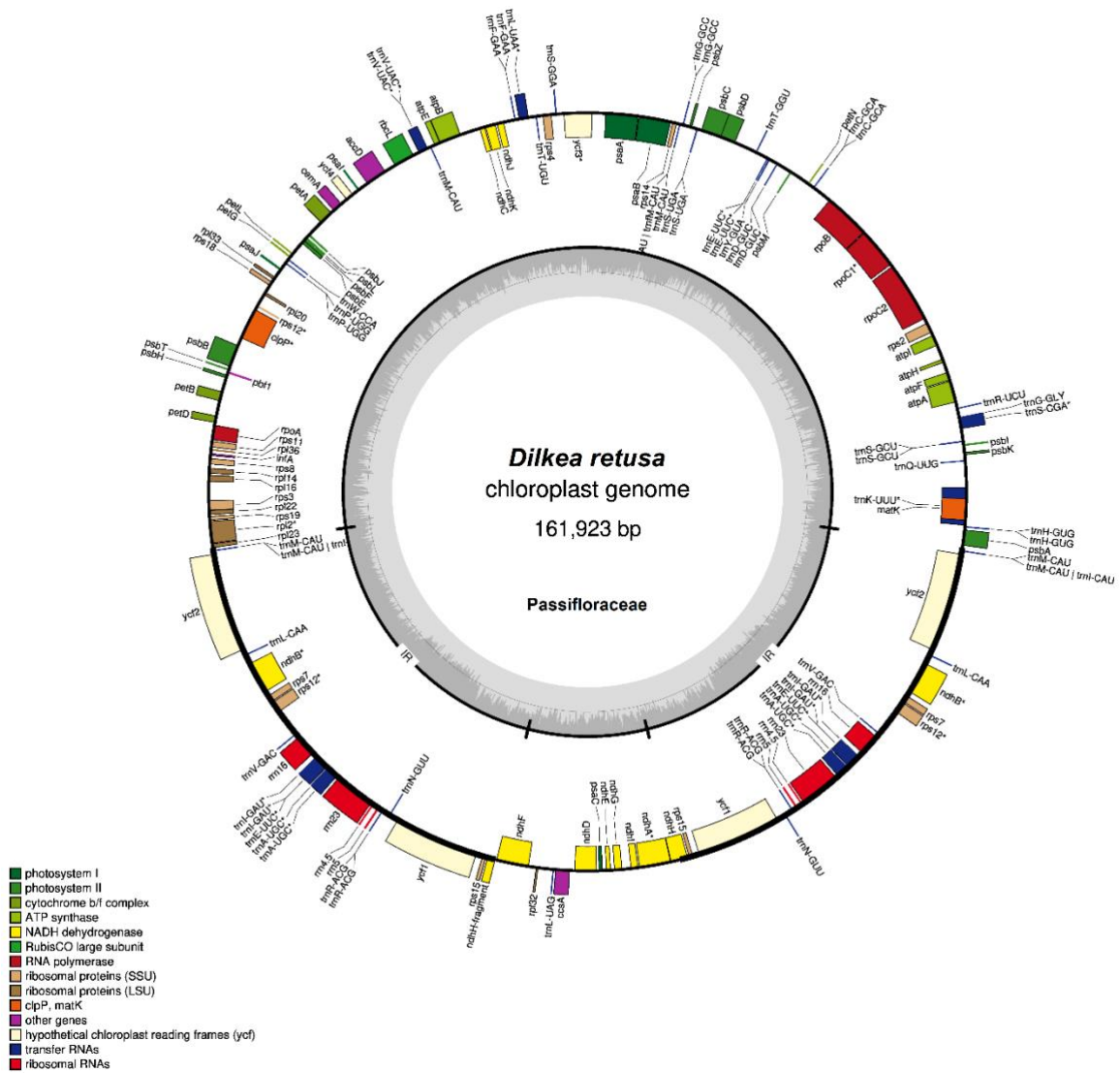
P. Chloroplast genome map of *Passiflora mucronata*, subgenus *Passiflora*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



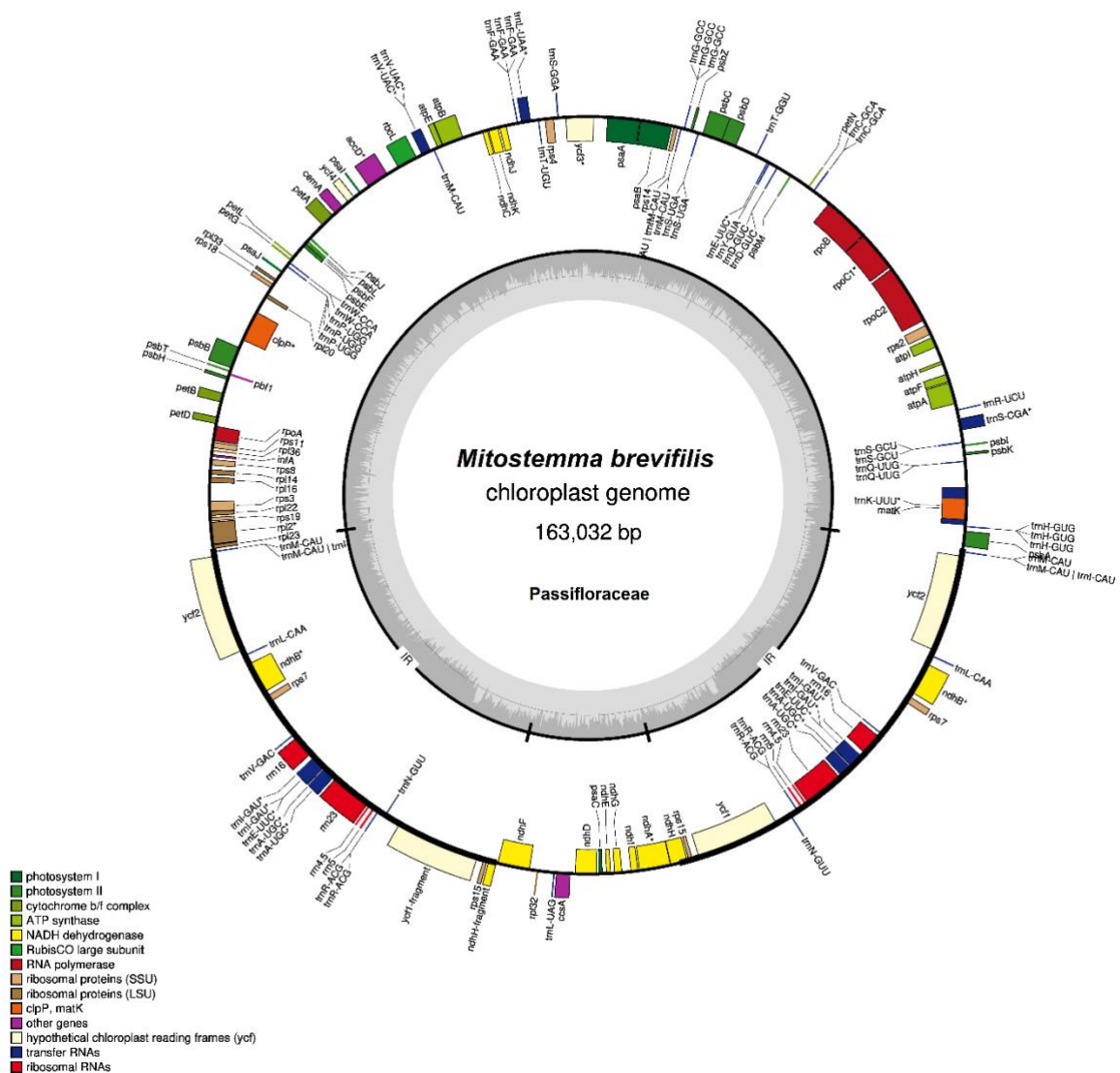
Q. Chloroplast genome map of *Passiflora recurva*, subgenus *Passiflora*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



R. Chloroplast genome map of *Passiflora watsoniana*, subgenus *Passiflora*. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.

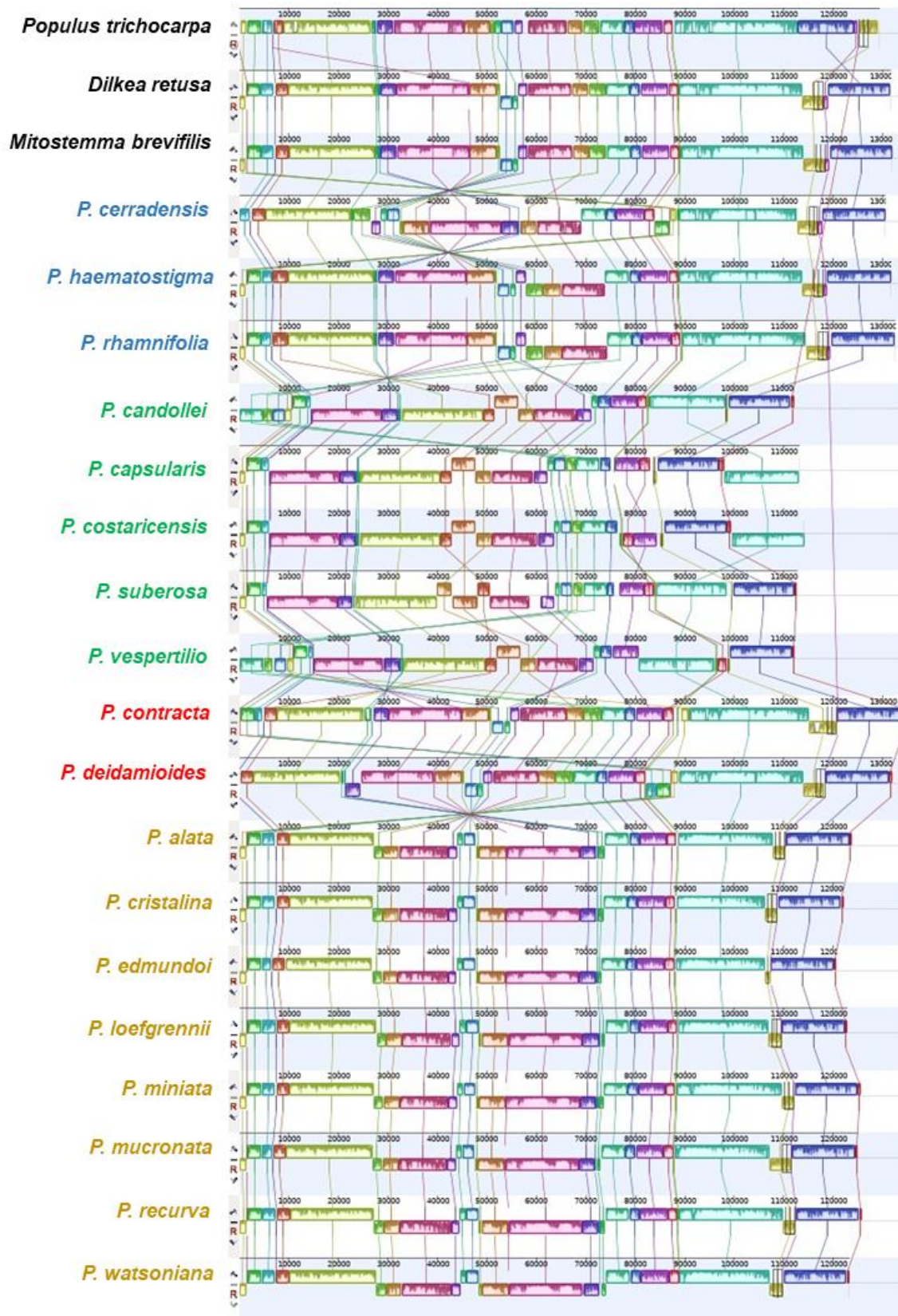


S. Chloroplast genome map of *Dilkea retusa*, Passifloraceae. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.



T. Chloroplast genome map of *Mitostemma brevifilis*, Passifloraceae. Genes are represented as boxes inside or outside the large circle to indicate clockwise (inside) or counter clockwise (outside) transcription. The color of the gene boxes indicates the functional group to which the gene belongs. The thickened lines of the large circle indicate IR regions. The inner most circle denotes the GC content across the genome. LSC, large single-copy region; SSC, small single-copy region.

Supplementary Figure S2 Comparative analysis of chloroplast genomes from 18 *Passiflora* species in addition to the Passifloraceae, *Dilkea retusa* and *Mitostemma brevifilis*. *Populus trichocarpa* (Salicaceae) was used as a reference.



Supplementary Table S6 Location of the repeats identified in the *Passiflora* chloroplast genomes as well as in *Dilkea retusa* and *Mitostemma brevifilis*. LSC:IG= Intergenic region in LSC; IR:IG= Intergenic region in IRs; SSC:IG= Intergenic region in SCC.

Passiflora cerradensis

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
30	1073	C	30	127074	LSC:IG
30	1087	C	30	127067	LSC:IG
30	1096	P	30	1096	LSC:IG
30	1263	P	30	1263	LSC:IG
30	2455	F	30	38397	LSC:IG
37	3017	P	37	3017	LSC:IG
31	4103	P	31	46935	<i>trnG</i> gene
30	4855	F	30	7481	LSC:IG
31	13760	R	31	13760	LSC:IG
31	22115	R	31	22115	LSC:IG
46	29842	P	46	29842	LSC:IG
30	35396	F	30	35421	LSC:IG
123	37215	F	123	37243	LSC:IG
95	37215	F	95	37271	LSC:IG
67	37215	F	67	37299	LSC:IG
39	37215	F	39	37327	LSC:IG
33	38665	P	33	38665	LSC:IG
42	39725	P	42	128392	<i>ycf3</i> gene
39	39725	P	39	100610	<i>ycf3</i> gene
39	39725	F	39	148010	<i>ycf3</i> gene
33	39741	P	33	128385	<i>ycf3</i> gene
81	42477	F	81	44701	<i>psaA</i> gene
67	42491	F	67	44715	<i>psaA</i> gene
39	42519	F	39	44743	<i>psaA</i> gene
77	57118	F	77	57136	<i>rps18</i> gene
59	57118	F	59	57154	<i>rps18</i> gene
41	57118	F	41	57172	<i>rps18</i> gene
66	57493	F	66	57511	<i>rps18</i> gene
48	57493	F	48	57529	<i>rps18</i> gene
30	57493	F	30	57547	<i>rps18</i> gene
31	64894	P	31	64894	LSC:IG
50	65616	F	50	65885	LSC:IG
193	65650	F	193	65931	LSC:IG
35	65693	F	35	65785	LSC:IG
35	65693	F	35	66066	LSC:IG

31	65712	F	31	66094	LSC:IG
30	65712	F	30	65813	LSC:IG
35	65785	F	35	65974	LSC:IG
30	65813	F	30	65993	LSC:IG
35	65974	F	35	66066	LSC:IG
31	65993	F	31	66094	LSC:IG
46	66115	F	46	82114	LSC:IG
35	66174	F	35	66213	LSC:IG
84	67846	F	84	67870	<i>accD</i> gene
60	67846	F	60	67894	<i>accD</i> gene
36	67846	F	36	67918	<i>accD</i> gene
117	68253	F	117	68289	<i>accD</i> gene
81	68253	F	81	68325	<i>accD</i> gene
45	68253	F	45	68361	<i>accD</i> gene
46	68822	F	46	68929	LCS:IG:ACCD
46	68822	F	46	69092	LCS:IG:ACCD
30	68853	F	30	68960	LCS:IG:ACCD
30	68853	F	30	69123	LCS:IG:ACCD
160	68858	F	160	69021	LCS:IG:ACCD
45	68858	F	45	69156	LCS:IG:ACCD
30	68873	F	30	69171	LCS:IG:ACCD
53	68965	F	53	68993	LCS:IG:ACCD
73	68993	F	73	69128	LCS:IG:ACCD
30	69036	F	30	69171	LCS:IG:ACCD
34	71706	P	34	71716	LSC:IG
38	83892	P	38	88598	<i>rpl23</i> gene
38	83892	F	38	160023	<i>rpl23</i> gene
45	83926	F	45	88676	<i>rpl23</i> gene
45	83926	P	45	159938	<i>rpl23</i> gene
60	84085	F	60	88720	LSC:IG
60	84085	P	60	159879	LSC:IG
33759	84144	P	33759	130756	IR
30	87031	R	30	87031	IR:IG
30	87031	C	30	161598	IR:IG
59	89027	F	59	89067	IR:IG
59	89027	P	59	159533	IR:IG
59	89067	P	59	159573	IR:IG
32	93761	F	32	93767	<i>ycf2</i> gene
32	93761	P	32	154860	<i>ycf2</i> gene
39	93765	F	39	93777	<i>ycf2</i> gene
39	93765	P	39	154843	<i>ycf2</i> gene
32	93767	P	32	154866	<i>ycf2</i> gene
39	93777	P	39	154855	<i>ycf2</i> gene
49	96891	P	49	96891	IR:IG

49	96891	F	49	151719	IR:IG
40	100610	F	40	128395	IR:IG
52	102589	F	52	102615	IR:IG
52	102589	P	52	145992	IR:IG
37	102604	F	37	102630	IR:IG
37	102604	P	37	145992	IR:IG
52	102615	P	52	146018	IR:IG
37	102630	P	37	146018	IR:IG
30	104562	P	30	104562	IR:IG
30	104562	F	30	144067	IR:IG
36	113646	F	36	113667	<i>ycf1</i> gene
36	113646	P	36	134956	<i>ycf1</i> gene
30	113658	F	30	113679	<i>ycf1</i> gene
30	113658	P	30	134950	<i>ycf1</i> gene
36	113667	P	36	134977	<i>ycf1</i> gene
30	113679	P	30	134971	<i>ycf1</i> gene
41	113751	F	41	113769	<i>ycf1</i> gene
41	113751	P	41	134849	<i>ycf1</i> gene
34	113751	R	34	113758	<i>ycf1</i> gene
34	113751	C	34	134867	<i>ycf1</i> gene
35	113758	R	35	113768	<i>ycf1</i> gene
35	113758	C	35	134856	<i>ycf1</i> gene
35	113768	C	35	134866	<i>ycf1</i> gene
41	113769	P	41	134867	<i>ycf1</i> gene
30	122724	R	30	123355	<i>ccsA</i> gene
30	124958	P	30	124989	SSC:IG
40	128395	P	40	148009	<i>ndhA</i> gene
31	128793	P	31	128793	<i>ndhA</i> gene
41	134849	F	41	134867	<i>ycf1</i> gene
35	134856	R	35	134866	<i>ycf1</i> gene
34	134867	R	34	134874	<i>ycf1</i> gene
36	134956	F	36	134977	<i>ycf1</i> gene
30	144067	P	30	144067	IR:IG
52	145992	F	52	146018	IR:IG
49	151719	P	49	151719	IR:IG
39	154843	F	39	154855	<i>ycf2</i> gene
32	154860	F	32	154866	<i>ycf2</i> gene
59	159533	F	59	159573	IR:IG
30	161598	R	30	161598	IR:IG

Passiflora haematostigma

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
53	9205	F	53	9319	LSC:IG

43	9205	F	43	9251	LSC:IG
41	9219	F	41	9265	LSC:IG
43	9219	F	43	9293	LSC:IG
43	9235	C	43	9704	LSC:IG
33	9239	R	33	9239	LSC:IG
39	9239	C	39	9706	LSC:IG
39	9239	P	39	9706	LSC:IG
39	9239	R	39	9707	LSC:IG
39	9239	F	39	9707	LSC:IG
39	9239	P	39	9708	LSC:IG
39	9239	R	39	9709	LSC:IG
39	9239	F	39	9709	LSC:IG
38	9239	R	38	9706	LSC:IG
38	9239	C	38	9710	LSC:IG
38	9240	F	38	9706	LSC:IG
38	9240	P	38	9710	LSC:IG
42	9242	F	42	63261	LSC:IG
33	9243	F	33	9313	LSC:IG
53	9251	F	53	9319	LSC:IG
47	9257	F	47	9285	LSC:IG
39	9265	F	39	9333	LSC:IG
39	9293	F	39	9333	LSC:IG
50	9367	F	50	9412	LSC:IG
39	9386	F	39	9400	LSC:IG
34	9701	F	34	129488	LSC:IG
44	9705	P	44	9705	LSC:IG
37	9705	P	37	63261	LSC:IG
41	9706	R	41	9706	LSC:IG
41	9706	C	41	9707	LSC:IG
40	9706	P	40	9706	LSC:IG
40	9706	F	40	9708	LSC:IG
39	9706	R	39	9706	LSC:IG
39	9706	C	39	9709	LSC:IG
38	9706	P	38	9706	LSC:IG
38	9706	F	38	9710	LSC:IG
37	9706	R	37	9706	LSC:IG
37	9706	C	37	9711	LSC:IG
36	9706	P	36	9706	LSC:IG
36	9706	F	36	9712	LSC:IG
36	9706	F	36	63261	LSC:IG
35	9706	R	35	9706	LSC:IG
35	9706	C	35	9713	LSC:IG
35	9706	R	35	63261	LSC:IG
35	9706	C	35	63262	LSC:IG

34	9706	P	34	9706	LSC:IG
34	9706	F	34	9714	LSC:IG
34	9706	P	34	63261	LSC:IG
34	9706	F	34	63263	LSC:IG
33	9706	R	33	9706	LSC:IG
33	9706	C	33	9715	LSC:IG
33	9706	R	33	63261	LSC:IG
33	9706	C	33	63264	LSC:IG
32	9706	P	32	9706	LSC:IG
32	9706	F	32	9716	LSC:IG
32	9706	P	32	63261	LSC:IG
32	9706	F	32	63265	LSC:IG
41	9707	R	41	9707	LSC:IG
36	9707	C	36	63261	LSC:IG
36	9707	R	36	63261	LSC:IG
40	9708	P	40	9708	LSC:IG
36	9708	P	36	63261	LSC:IG
36	9708	F	36	63261	LSC:IG
39	9709	R	39	9709	LSC:IG
36	9709	C	36	63261	LSC:IG
36	9709	R	36	63261	LSC:IG
38	9710	P	38	9710	LSC:IG
36	9710	P	36	63261	LSC:IG
36	9710	F	36	63261	LSC:IG
37	9711	R	37	9711	LSC:IG
36	9711	C	36	63261	LSC:IG
36	9711	R	36	63261	LSC:IG
37	9712	F	37	63261	LSC:IG
36	9712	P	36	9712	LSC:IG
36	9712	P	36	63261	LSC:IG
35	9713	R	35	9713	LSC:IG
35	9713	C	35	63261	LSC:IG
35	9713	R	35	63262	LSC:IG
34	9714	P	34	9714	LSC:IG
34	9714	F	34	63261	LSC:IG
34	9714	P	34	63263	LSC:IG
33	9715	R	33	9715	LSC:IG
33	9715	C	33	63261	LSC:IG
33	9715	R	33	63264	LSC:IG
32	9716	P	32	9716	LSC:IG
32	9716	F	32	63261	LSC:IG
32	9716	P	32	63265	LSC:IG
43	21457	F	43	21478	<i>rpoC1</i> gene
39	31442	F	39	31473	LSC:IG

81	39552	F	81	41776	<i>psaB</i> gene
42	44584	F	42	130827	<i>ycf3</i> gene
39	44587	F	39	101889	<i>ycf3</i> gene
39	44587	P	39	151565	<i>ycf3</i> gene
69	48771	F	69	48830	LSC:IG
46	54531	P	46	54531	LSC:IG
40	59185	F	40	59196	<i>clpP</i> gene
43	59185	R	43	59185	<i>clpP</i> gene
32	59185	R	32	59185	<i>clpP</i> gene
50	61785	F	50	61815	LSC:IG
49	61785	F	49	61905	LSC:IG
41	61785	F	41	61845	LSC:IG
43	61797	F	43	61842	LSC:IG
50	61800	F	50	61890	LSC:IG
44	61806	F	44	61836	LSC:IG
46	61809	F	46	61899	LSC:IG
43	61827	F	43	61842	LSC:IG
47	61839	F	47	61899	LSC:IG
41	61839	F	41	62349	LSC:IG
50	61890	F	50	62370	LSC:IG
49	61890	F	49	62205	LSC:IG
45	61895	F	45	62120	LSC:IG
45	61895	F	45	62180	LSC:IG
44	61895	F	44	62045	LSC:IG
44	61895	F	44	62150	LSC:IG
65	61904	F	65	61979	LSC:IG
49	61911	F	49	61941	LSC:IG
44	61914	F	44	62139	LSC:IG
53	61917	F	53	62367	LSC:IG
45	61925	F	45	61955	LSC:IG
44	61925	F	44	62150	LSC:IG
37	61932	F	37	62007	LSC:IG
43	61962	F	43	62007	LSC:IG
43	62007	F	43	62157	LSC:IG
76	62019	F	76	62064	LSC:IG
61	62019	F	61	62394	LSC:IG
46	62019	F	46	62334	LSC:IG
46	62019	F	46	62109	LSC:IG
46	62019	F	46	62169	LSC:IG
44	62024	F	44	62354	LSC:IG
41	62024	F	41	62039	LSC:IG
41	62024	F	41	62054	LSC:IG
44	62030	F	44	62420	LSC:IG
76	62034	F	76	62079	LSC:IG

55	62034	F	55	62364	LSC:IG
55	62034	F	55	62409	LSC:IG
58	62037	F	58	62202	LSC:IG
58	62037	F	58	62232	LSC:IG
58	62037	F	58	62142	LSC:IG
43	62037	F	43	62067	LSC:IG
71	62039	F	71	62309	LSC:IG
71	62039	F	71	62174	LSC:IG
56	62039	F	56	62114	LSC:IG
50	62039	F	50	62339	LSC:IG
41	62039	F	41	62264	LSC:IG
41	62039	F	41	62399	LSC:IG
68	62045	F	68	62375	LSC:IG
44	62045	F	44	62420	LSC:IG
43	62052	F	43	62067	LSC:IG
50	62054	F	50	62339	LSC:IG
41	62054	F	41	62294	LSC:IG
41	62054	F	41	62399	LSC:IG
65	62060	F	65	62390	LSC:IG
50	62060	F	50	62165	LSC:IG
50	62060	F	50	62225	LSC:IG
106	62067	F	106	62127	LSC:IG
76	62067	F	76	62217	LSC:IG
73	62067	F	73	62352	LSC:IG
58	62067	F	58	62247	LSC:IG
46	62067	F	46	62097	LSC:IG
46	62067	F	46	62187	LSC:IG
46	62067	F	46	62412	LSC:IG
43	62067	F	43	62082	LSC:IG
43	62067	F	43	62322	LSC:IG
74	62069	F	74	62264	LSC:IG
71	62069	F	71	62294	LSC:IG
56	62069	F	56	62399	LSC:IG
41	62069	F	41	62339	LSC:IG
41	62069	F	41	62114	LSC:IG
41	62069	F	41	62174	LSC:IG
41	62069	F	41	62309	LSC:IG
44	62075	F	44	62420	LSC:IG
142	62082	F	142	62142	LSC:IG
82	62082	F	82	62202	LSC:IG
73	62082	F	73	62232	LSC:IG
119	62084	F	119	62174	LSC:IG
110	62084	F	110	62309	LSC:IG
80	62084	F	80	62114	LSC:IG

56	62084	F	56	62264	LSC:IG
50	62090	F	50	62375	LSC:IG
44	62090	F	44	62420	LSC:IG
71	62099	F	71	62294	LSC:IG
128	62105	F	128	62165	LSC:IG
80	62105	F	80	62225	LSC:IG
50	62105	F	50	62390	LSC:IG
101	62114	F	101	62204	LSC:IG
71	62114	F	71	62234	LSC:IG
59	62114	F	59	62144	LSC:IG
56	62114	F	56	62369	LSC:IG
51	62114	F	51	62414	LSC:IG
71	62129	F	71	62294	LSC:IG
41	62129	F	41	62339	LSC:IG
80	62135	F	80	62225	LSC:IG
59	62135	F	59	62165	LSC:IG
35	62135	F	35	62390	LSC:IG
58	62142	F	58	62367	LSC:IG
43	62142	F	43	62412	LSC:IG
80	62144	F	80	62174	LSC:IG
65	62144	F	65	62309	LSC:IG
41	62144	F	41	62264	LSC:IG
41	62144	F	41	62399	LSC:IG
65	62150	F	65	62375	LSC:IG
71	62159	F	71	62294	LSC:IG
68	62165	F	68	62195	LSC:IG
68	62165	F	68	62330	LSC:IG
50	62165	F	50	62255	LSC:IG
101	62174	F	101	62204	LSC:IG
71	62174	F	71	62234	LSC:IG
56	62174	F	56	62369	LSC:IG
51	62174	F	51	62414	LSC:IG
71	62189	F	71	62294	LSC:IG
41	62189	F	41	62339	LSC:IG
80	62195	F	80	62225	LSC:IG
50	62195	F	50	62390	LSC:IG
58	62202	F	58	62367	LSC:IG
43	62202	F	43	62412	LSC:IG
43	62202	F	43	62352	LSC:IG
56	62204	F	56	62309	LSC:IG
41	62204	F	41	62264	LSC:IG
41	62204	F	41	62399	LSC:IG
50	62210	F	50	62375	LSC:IG
44	62210	F	44	62420	LSC:IG

71	62219	F	71	62294	LSC:IG
50	62225	F	50	62255	LSC:IG
35	62225	F	35	62330	LSC:IG
73	62232	F	73	62277	LSC:IG
58	62232	F	58	62367	LSC:IG
43	62232	F	43	62412	LSC:IG
56	62234	F	56	62309	LSC:IG
56	62234	F	56	62264	LSC:IG
50	62240	F	50	62375	LSC:IG
44	62240	F	44	62420	LSC:IG
80	62249	F	80	62294	LSC:IG
35	62255	F	35	62390	LSC:IG
50	62264	F	50	62414	LSC:IG
41	62264	F	41	62369	LSC:IG
41	62264	F	41	62279	LSC:IG
56	62279	F	56	62309	LSC:IG
41	62279	F	41	62294	LSC:IG
41	62294	F	41	62324	LSC:IG
41	62294	F	41	62384	LSC:IG
41	62309	F	41	62414	LSC:IG
65	62315	F	65	62375	LSC:IG
50	62330	F	50	62390	LSC:IG
41	62339	F	41	62354	LSC:IG
56	62354	F	56	62399	LSC:IG
44	62405	F	44	62420	LSC:IG
53	62766	F	53	62784	<i>rps18</i> gene
35	62766	F	35	62802	<i>rps18</i> gene
135	63016	F	135	63064	LSC:IG
87	63016	F	87	63112	LSC:IG
39	63016	F	39	63160	LSC:IG
39	63016	F	39	63200	LSC:IG
51	63052	F	51	63188	LSC:IG
37	63052	F	37	63228	LSC:IG
51	63100	F	51	63188	LSC:IG
37	63100	F	37	63228	LSC:IG
77	63148	F	77	63188	LSC:IG
37	63148	F	37	63228	LSC:IG
36	63254	R	36	129493	LSC:IG
35	63254	P	35	129493	LSC:IG
36	63261	P	36	63261	LSC:IG
35	63261	R	35	63261	LSC:IG
35	63261	C	35	63262	LSC:IG
34	63261	P	34	63261	LSC:IG
34	63261	F	34	63263	LSC:IG

33	63261	R	33	63261	LSC:IG
33	63261	C	33	63264	LSC:IG
32	63261	P	32	63261	LSC:IG
32	63261	F	32	63265	LSC:IG
35	63262	R	35	63262	LSC:IG
34	63263	P	34	63263	LSC:IG
33	63264	R	33	63264	LSC:IG
32	63265	P	32	63265	LSC:IG
55	71280	F	55	71454	LSC:IG
83	71296	F	83	71383	LSC:IG
66	71313	F	66	71400	LSC:IG
57	71313	F	57	71487	LSC:IG
67	71383	F	67	71470	LSC:IG
65	71392	F	65	71479	LSC:IG
120	72937	F	120	73861	<i>accD</i> gene
39	72979	F	39	72994	<i>accD</i> gene
39	72979	F	39	73918	<i>accD</i> gene
39	72994	F	39	73903	<i>accD</i> gene
47	73111	F	47	73666	<i>accD</i> gene
47	73111	F	47	73186	<i>accD</i> gene
47	73111	F	47	73246	<i>accD</i> gene
47	73111	F	47	73306	<i>accD</i> gene
47	73111	F	47	73366	<i>accD</i> gene
47	73111	F	47	73426	<i>accD</i> gene
47	73111	F	47	73486	<i>accD</i> gene
47	73111	F	47	73546	<i>accD</i> gene
47	73111	F	47	73606	<i>accD</i> gene
58	73123	F	58	73153	<i>accD</i> gene
43	73138	F	43	73228	<i>accD</i> gene
43	73138	F	43	73288	<i>accD</i> gene
43	73138	F	43	73348	<i>accD</i> gene
43	73138	F	43	73408	<i>accD</i> gene
43	73138	F	43	73468	<i>accD</i> gene
43	73138	F	43	73528	<i>accD</i> gene
43	73138	F	43	73588	<i>accD</i> gene
43	73138	F	43	73648	<i>accD</i> gene
44	73144	F	44	73669	<i>accD</i> gene
47	73149	F	47	73659	<i>accD</i> gene
32	73149	F	32	73239	<i>accD</i> gene
32	73149	F	32	73299	<i>accD</i> gene
32	73149	F	32	73359	<i>accD</i> gene
32	73149	F	32	73419	<i>accD</i> gene
32	73149	F	32	73479	<i>accD</i> gene
32	73149	F	32	73539	<i>accD</i> gene

32	73149	F	32	73599	<i>accD</i> gene
35	73153	F	35	73678	<i>accD</i> gene
474	73168	F	474	73228	<i>accD</i> gene
414	73168	F	414	73288	<i>accD</i> gene
354	73168	F	354	73348	<i>accD</i> gene
294	73168	F	294	73408	<i>accD</i> gene
234	73168	F	234	73468	<i>accD</i> gene
174	73168	F	174	73528	<i>accD</i> gene
114	73168	F	114	73588	<i>accD</i> gene
54	73168	F	54	73648	<i>accD</i> gene
476	73179	F	476	73239	<i>accD</i> gene
416	73179	F	416	73299	<i>accD</i> gene
356	73179	F	356	73359	<i>accD</i> gene
296	73179	F	296	73419	<i>accD</i> gene
236	73179	F	236	73479	<i>accD</i> gene
176	73179	F	176	73539	<i>accD</i> gene
116	73179	F	116	73599	<i>accD</i> gene
56	73179	F	56	73659	<i>accD</i> gene
73	73747	F	73	73810	<i>accD</i> gene
39	73903	F	39	73918	<i>accD</i> gene
30591	89718	P	30591	133184	IR
49	97835	P	49	97835	IR:IG
49	97835	F	49	155609	IR:IG
40	101889	F	40	130830	IR:IG
105	103828	F	105	103952	IR:IG
105	103828	P	105	149436	IR:IG
49	103881	F	49	103907	IR:IG
49	103881	P	49	149537	IR:IG
34	103896	F	34	103922	IR:IG
34	103896	P	34	149537	IR:IG
49	103907	F	49	104005	IR:IG
49	103907	P	49	149439	IR:IG
49	103907	P	49	149563	IR:IG
34	103922	F	34	104020	IR:IG
34	103922	P	34	149439	IR:IG
34	103922	P	34	149563	IR:IG
105	103952	P	105	149560	IR:IG
49	104005	P	49	149537	IR:IG
34	104020	P	34	149537	IR:IG
86	105891	F	86	106211	IR:IG
86	105891	P	86	147196	IR:IG
163	105906	F	163	106068	IR:IG
163	105906	P	163	147262	IR:IG
163	106068	P	163	147424	IR:IG

67	106068	F	67	106226	IR:IG
67	106068	P	67	147200	IR:IG
86	106211	P	86	147516	IR:IG
67	106226	P	67	147358	IR:IG
66	112716	F	66	112742	IR:IG
66	112716	P	66	140685	IR:IG
38	112718	F	38	112770	IR:IG
38	112718	P	38	140685	IR:IG
43	112739	F	43	112765	IR:IG
43	112739	P	43	140685	IR:IG
66	112742	P	66	140711	IR:IG
43	112765	P	43	140711	IR:IG
38	112770	P	38	140737	IR:IG
77	112959	F	77	113219	IR:IG
77	112959	P	77	140197	IR:IG
95	112994	F	95	113140	IR:IG
95	112994	P	95	140258	IR:IG
95	113140	P	95	140404	IR:IG
42	113140	F	42	113254	IR:IG
42	113140	P	42	140197	IR:IG
77	113219	P	77	140457	IR:IG
42	113254	P	42	140311	IR:IG
41	116021	F	41	116042	<i>ycf1</i> gene
41	116021	P	41	137410	<i>ycf1</i> gene
41	116042	P	41	137431	<i>ycf1</i> gene
41	116136	F	41	116154	<i>ycf1</i> gene
41	116136	P	41	137298	<i>ycf1</i> gene
41	116154	P	41	137316	<i>ycf1</i> gene
61	127376	P	61	127376	SSC:IG
39	129493	C	39	129494	SSC:IG
38	129493	F	38	129495	SSC:IG
40	130830	P	40	151564	<i>ndhA</i> gene
41	137298	F	41	137316	<i>ycf1</i> gene
41	137410	F	41	137431	<i>ycf1</i> gene
77	140197	F	77	140457	<i>ycf1</i> gene
42	140197	F	42	140311	<i>ycf1</i> gene
95	140258	F	95	140404	IR:IG
66	140685	F	66	140711	IR:IG
38	140685	F	38	140737	IR:IG
86	147196	F	86	147516	<i>trnI</i> gene
67	147200	F	67	147358	<i>trnI</i> gene
163	147262	F	163	147424	IR:IG
105	149436	F	105	149560	IR:IG
49	149439	F	49	149537	IR:IG

49	149537	F	49	149563	IR:IG
49	155609	P	49	155609	IR:IG

Passiflora rhamnifolia

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
32	6967	F	32	6993	LSC:IG
37	7405	P	37	7405	LSC:IG
61	9221	F	61	9235	LSC:IG
55	9221	R	55	9221	LSC:IG
57	9221	R	57	9235	LSC:IG
56	9221	P	56	9235	LSC:IG
56	9221	C	56	9236	LSC:IG
55	9221	R	55	9235	LSC:IG
55	9221	F	55	9237	LSC:IG
54	9221	P	54	9235	LSC:IG
54	9221	C	54	9238	LSC:IG
53	9221	R	53	9235	LSC:IG
53	9221	F	53	9239	LSC:IG
52	9221	P	52	9235	LSC:IG
52	9221	C	52	9240	LSC:IG
51	9221	R	51	9235	LSC:IG
51	9221	F	51	9241	LSC:IG
50	9221	P	50	9235	LSC:IG
50	9221	C	50	9242	LSC:IG
49	9221	R	49	9235	LSC:IG
49	9221	F	49	9243	LSC:IG
48	9221	P	48	9235	LSC:IG
48	9221	C	48	9244	LSC:IG
47	9221	R	47	9235	LSC:IG
47	9221	F	47	9249	LSC:IG
46	9221	P	46	9235	LSC:IG
46	9221	C	46	9250	LSC:IG
45	9221	R	45	9235	LSC:IG
45	9221	F	45	9251	LSC:IG
44	9221	P	44	9235	LSC:IG
44	9221	C	44	9252	LSC:IG
41	9221	R	41	9221	LSC:IG
43	9221	R	43	9235	LSC:IG
43	9221	F	43	9253	LSC:IG
42	9221	P	42	9235	LSC:IG
42	9221	C	42	9254	LSC:IG
41	9221	F	41	9255	LSC:IG
40	9221	P	40	9235	LSC:IG

40	9221	C	40	9256	LSC:IG
39	9221	R	39	9235	LSC:IG
39	9221	F	39	9257	LSC:IG
39	9221	F	39	9265	LSC:IG
39	9221	F	39	9399	LSC:IG
39	9221	F	39	9439	LSC:IG
33	9221	R	33	9433	LSC:IG
38	9221	P	38	9235	LSC:IG
38	9221	C	38	9258	LSC:IG
37	9221	R	37	9235	LSC:IG
37	9221	F	37	9259	LSC:IG
36	9221	P	36	9235	LSC:IG
36	9221	C	36	9260	LSC:IG
33	9221	R	33	9355	LSC:IG
35	9221	R	35	9235	LSC:IG
35	9221	F	35	9261	LSC:IG
57	9222	C	57	9235	LSC:IG
57	9222	P	57	9235	LSC:IG
47	9222	C	47	9249	LSC:IG
57	9223	R	57	9235	LSC:IG
57	9223	F	57	9235	LSC:IG
47	9223	F	47	9249	LSC:IG
57	9224	C	57	9235	LSC:IG
57	9224	P	57	9235	LSC:IG
47	9224	C	47	9249	LSC:IG
57	9225	R	57	9235	LSC:IG
57	9225	F	57	9235	LSC:IG
47	9225	F	47	9249	LSC:IG
57	9226	C	57	9235	LSC:IG
57	9226	P	57	9235	LSC:IG
57	9227	R	57	9235	LSC:IG
57	9227	F	57	9235	LSC:IG
57	9228	C	57	9235	LSC:IG
57	9229	F	57	9235	LSC:IG
55	9229	R	55	9249	LSC:IG
47	9229	F	47	9249	LSC:IG
33	9229	F	33	9433	LSC:IG
33	9229	F	33	9355	LSC:IG
57	9230	C	57	9235	LSC:IG
47	9230	C	47	9249	LSC:IG
47	9231	F	47	9249	LSC:IG
35	9233	F	35	9431	LSC:IG
56	9235	P	56	9235	LSC:IG
56	9235	C	56	9236	LSC:IG

55	9235	R	55	9235	LSC:IG
55	9235	F	55	9237	LSC:IG
57	9235	F	57	9239	LSC:IG
54	9235	P	54	9235	LSC:IG
54	9235	C	54	9238	LSC:IG
53	9235	F	53	9243	LSC:IG
52	9235	C	52	9244	LSC:IG
51	9235	F	51	9245	LSC:IG
47	9235	F	47	9249	LSC:IG
46	9235	C	46	9250	LSC:IG
45	9235	F	45	9251	LSC:IG
44	9235	C	44	9252	LSC:IG
39	9235	F	39	9257	LSC:IG
41	9235	F	41	9279	LSC:IG
38	9235	C	38	9258	LSC:IG
37	9235	F	37	9259	LSC:IG
36	9235	C	36	9260	LSC:IG
35	9235	F	35	9261	LSC:IG
34	9235	C	34	9262	LSC:IG
33	9235	F	33	9263	LSC:IG
33	9235	R	33	9433	LSC:IG
32	9235	C	32	9264	LSC:IG
56	9236	P	56	9236	LSC:IG
47	9236	C	47	9249	LSC:IG
55	9237	R	55	9237	LSC:IG
47	9237	F	47	9249	LSC:IG
54	9238	P	54	9238	LSC:IG
54	9238	P	54	9242	LSC:IG
47	9238	C	47	9249	LSC:IG
53	9239	R	53	9243	LSC:IG
47	9243	F	47	9249	LSC:IG
49	9243	R	49	9255	LSC:IG
33	9243	F	33	9433	LSC:IG
47	9244	C	47	9249	LSC:IG
51	9245	R	51	9245	LSC:IG
30	9247	C	30	9793	LSC:IG
34	9248	R	34	9433	LSC:IG
30	9248	R	30	9397	LSC:IG
42	9249	P	42	9249	LSC:IG
42	9249	C	42	9250	LSC:IG
41	9249	R	41	9249	LSC:IG
41	9249	F	41	9251	LSC:IG
40	9249	P	40	9249	LSC:IG
40	9249	C	40	9252	LSC:IG

39	9249	R	39	9249	LSC:IG
39	9249	F	39	9253	LSC:IG
35	9249	F	35	9257	LSC:IG
34	9249	C	34	9258	LSC:IG
43	9249	F	43	9261	LSC:IG
33	9249	F	33	9259	LSC:IG
42	9249	C	42	9262	LSC:IG
32	9249	C	32	9260	LSC:IG
41	9249	F	41	9263	LSC:IG
40	9249	C	40	9264	LSC:IG
39	9249	F	39	9265	LSC:IG
38	9249	C	38	9266	LSC:IG
37	9249	F	37	9267	LSC:IG
36	9249	C	36	9268	LSC:IG
33	9249	F	33	9433	LSC:IG
30	9249	C	30	9793	LSC:IG
30	9249	R	30	9793	LSC:IG
35	9249	F	35	9269	LSC:IG
32	9249	P	32	9433	LSC:IG
32	9249	C	32	9434	LSC:IG
42	9250	P	42	9250	LSC:IG
33	9250	C	33	9433	LSC:IG
33	9250	P	33	9433	LSC:IG
30	9250	P	30	9793	LSC:IG
30	9250	F	30	9793	LSC:IG
41	9251	R	41	9251	LSC:IG
33	9251	R	33	9433	LSC:IG
33	9251	F	33	9433	LSC:IG
30	9251	C	30	9793	LSC:IG
30	9251	R	30	9793	LSC:IG
40	9252	P	40	9252	LSC:IG
33	9252	C	33	9433	LSC:IG
33	9252	P	33	9433	LSC:IG
30	9252	P	30	9793	LSC:IG
30	9252	F	30	9793	LSC:IG
39	9253	R	39	9253	LSC:IG
33	9253	R	33	9433	LSC:IG
33	9253	F	33	9433	LSC:IG
30	9253	C	30	9793	LSC:IG
30	9253	R	30	9793	LSC:IG
38	9254	P	38	9254	LSC:IG
38	9254	P	38	9266	LSC:IG
33	9254	C	33	9433	LSC:IG
33	9254	P	33	9433	LSC:IG

30	9254	P	30	9793	LSC:IG
30	9254	F	30	9793	LSC:IG
33	9255	R	33	9433	LSC:IG
33	9255	F	33	9433	LSC:IG
30	9255	C	30	9793	LSC:IG
30	9255	R	30	9793	LSC:IG
36	9256	P	36	9256	LSC:IG
33	9256	C	33	9433	LSC:IG
33	9256	P	33	9433	LSC:IG
30	9256	P	30	9793	LSC:IG
30	9256	F	30	9793	LSC:IG
35	9257	R	35	9257	LSC:IG
33	9257	R	33	9433	LSC:IG
33	9257	F	33	9433	LSC:IG
30	9257	C	30	9793	LSC:IG
30	9257	R	30	9793	LSC:IG
34	9258	P	34	9258	LSC:IG
33	9258	C	33	9433	LSC:IG
33	9258	P	33	9433	LSC:IG
30	9258	P	30	9793	LSC:IG
30	9258	F	30	9793	LSC:IG
59	9259	F	59	9433	LSC:IG
33	9259	R	33	9259	LSC:IG
33	9259	R	33	9433	LSC:IG
30	9259	C	30	9793	LSC:IG
30	9259	R	30	9793	LSC:IG
32	9260	P	32	9260	LSC:IG
30	9260	P	30	9793	LSC:IG
30	9260	F	30	9793	LSC:IG
30	9261	C	30	9793	LSC:IG
30	9261	R	30	9793	LSC:IG
30	9262	P	30	9793	LSC:IG
30	9262	F	30	9793	LSC:IG
55	9263	F	55	9397	LSC:IG
35	9263	R	35	9391	LSC:IG
30	9264	P	30	9793	LSC:IG
35	9265	F	35	9361	LSC:IG
35	9265	R	35	9431	LSC:IG
30	9268	P	30	9793	LSC:IG
75	9271	F	75	9299	LSC:IG
47	9271	F	47	9327	LSC:IG
35	9271	R	35	9431	LSC:IG
39	9279	F	39	9413	LSC:IG
39	9279	F	39	9453	LSC:IG

52	9294	F	52	9322	LSC:IG
39	9307	F	39	9413	LSC:IG
39	9307	F	39	9453	LSC:IG
37	9311	F	37	9379	LSC:IG
77	9335	F	77	9413	LSC:IG
39	9335	F	39	9453	LSC:IG
37	9335	F	37	9375	LSC:IG
51	9361	F	51	9399	LSC:IG
33	9379	F	33	9417	LSC:IG
33	9379	F	33	9457	LSC:IG
53	9399	F	53	9439	LSC:IG
35	9399	R	35	9431	LSC:IG
30	9487	F	30	9501	LSC:IG
31	9489	F	31	9520	LSC:IG
33	9790	F	33	128844	LSC:IG
34	9791	P	34	9791	LSC:IG
35	9792	R	35	9792	LSC:IG
30	9794	P	30	9794	LSC:IG
43	21540	F	43	21561	<i>rpoC1</i> gene
31	26801	R	31	26801	LSC:IG
39	31525	F	39	31556	LSC:IG
81	39634	F	81	41858	<i>psaB</i> gene
42	44666	F	42	130223	<i>ycf3</i> gene
39	44669	F	39	101929	<i>ycf3</i> gene
39	44669	P	39	150314	<i>ycf3</i> gene
33	45736	P	33	45736	LSC:IG
40	47070	F	40	47091	LSC:IG
38	47081	R	38	47081	LSC:IG
39	47081	P	39	47081	LSC:IG
46	54584	P	46	54584	LSC:IG
32	59236	R	32	59236	<i>clpP</i> gene
37	59239	R	37	59239	<i>clpP</i> gene
33	61819	F	33	61894	LSC:IG
38	61853	F	38	61913	<i>rps18</i> gene
40	61866	F	40	62016	<i>rps18</i> gene
35	61871	F	35	61991	<i>rps18</i> gene
46	61877	F	46	62087	<i>rps18</i> gene
35	61877	F	35	61952	<i>rps18</i> gene
46	61926	F	46	62046	<i>rps18</i> gene
71	61931	F	71	61976	<i>rps18</i> gene
65	61931	F	65	62066	<i>rps18</i> gene
61	61941	F	61	61986	<i>rps18</i> gene
55	61941	F	55	62076	<i>rps18</i> gene
40	61941	F	40	62091	<i>rps18</i> gene

43	61944	F	43	61974	<i>rps18</i> gene
71	61946	F	71	62021	<i>rps18</i> gene
50	61952	F	50	61997	<i>rps18</i> gene
50	61952	F	50	62057	<i>rps18</i> gene
35	61952	F	35	61982	<i>rps18</i> gene
35	61952	F	35	62072	<i>rps18</i> gene
43	61959	F	43	61974	<i>rps18</i> gene
59	61961	F	59	62051	<i>rps18</i> gene
73	61974	F	73	62004	<i>rps18</i> gene
58	61974	F	58	62064	<i>rps18</i> gene
46	61974	F	46	62079	<i>rps18</i> gene
43	61974	F	43	61989	<i>rps18</i> gene
43	61974	F	43	62034	<i>rps18</i> gene
41	61976	F	41	62051	<i>rps18</i> gene
41	61976	F	41	62021	<i>rps18</i> gene
44	61982	F	44	62087	<i>rps18</i> gene
56	61991	F	56	62021	<i>rps18</i> gene
35	61991	F	35	62051	<i>rps18</i> gene
44	61997	F	44	62087	<i>rps18</i> gene
35	62006	F	35	62051	<i>rps18</i> gene
41	62021	F	41	62081	<i>rps18</i> gene
35	62021	F	35	62096	<i>rps18</i> gene
35	62036	F	35	62051	<i>rps18</i> gene
41	62051	F	41	62066	<i>rps18</i> gene
35	62057	F	35	62087	<i>rps18</i> gene
44	62072	F	44	62087	<i>rps18</i> gene
53	62430	F	53	62448	<i>rps18</i> gene
35	62430	F	35	62466	<i>rps18</i> gene
30	62669	F	30	62749	LSC:IG
30	62669	F	30	62798	LSC:IG
30	62669	F	30	62847	LSC:IG
30	62669	F	30	62896	LSC:IG
30	62669	F	30	62945	LSC:IG
30	62669	F	30	62994	LSC:IG
30	62669	F	30	63043	LSC:IG
30	62669	F	30	63120	LSC:IG
69	62670	F	69	62710	LSC:IG
59	62680	F	59	62769	LSC:IG
59	62680	F	59	62818	LSC:IG
59	62680	F	59	62867	LSC:IG
59	62680	F	59	62916	LSC:IG
59	62680	F	59	62965	LSC:IG
59	62680	F	59	63014	LSC:IG
58	62680	F	58	63063	LSC:IG

34	62680	F	34	63140	LSC:IG
34	62705	F	34	63116	LSC:IG
352	62720	F	352	62769	LSC:IG
303	62720	F	303	62818	LSC:IG
254	62720	F	254	62867	LSC:IG
205	62720	F	205	62916	LSC:IG
156	62720	F	156	62965	LSC:IG
107	62720	F	107	63014	LSC:IG
58	62720	F	58	63063	LSC:IG
34	62720	F	34	63140	LSC:IG
58	62745	F	58	63116	LSC:IG
58	62794	F	58	63116	LSC:IG
58	62843	F	58	63116	LSC:IG
58	62892	F	58	63116	LSC:IG
58	62941	F	58	63116	LSC:IG
58	62990	F	58	63116	LSC:IG
58	63039	F	58	63116	LSC:IG
33	63088	F	33	63116	LSC:IG
32	64745	F	32	64761	LSC:IG
30	69485	F	30	69500	LSC:IG
64	71130	F	64	71386	LSC:IG
64	71130	F	64	71722	LSC:IG
84	71198	F	84	71454	LSC:IG
84	71198	F	84	71790	LSC:IG
486	71201	F	486	71537	LSC:IG
150	71201	F	150	71873	LSC:IG
452	71235	F	452	71571	LSC:IG
116	71235	F	116	71907	LSC:IG
31	71362	F	31	72023	LSC:IG
81	71457	F	81	71537	LSC:IG
81	71457	F	81	71873	LSC:IG
47	71491	F	47	71571	LSC:IG
47	71491	F	47	71907	LSC:IG
81	71537	F	81	71793	LSC:IG
47	71571	F	47	71827	LSC:IG
31	71698	F	31	72023	LSC:IG
81	71793	F	81	71873	LSC:IG
47	71827	F	47	71907	LSC:IG
120	73341	F	120	73722	<i>accD</i> gene
39	73383	F	39	73398	<i>accD</i> gene
39	73383	F	39	73779	<i>accD</i> gene
39	73398	F	39	73764	<i>accD</i> gene
36	73515	F	36	73530	<i>accD</i> gene
67	73542	F	67	73572	<i>accD</i> gene

35	73542	F	35	73602	<i>accD</i> gene
31	73578	F	31	73608	<i>accD</i> gene
39	73764	F	39	73779	<i>accD</i> gene
61	74080	F	61	74110	<i>accD</i> gene
31	74080	F	31	74140	<i>accD</i> gene
47	74084	F	47	74216	<i>accD</i> gene
37	74094	F	37	74226	<i>accD</i> gene
47	74114	F	47	74216	<i>accD</i> gene
37	74124	F	37	74226	<i>accD</i> gene
63	74144	F	63	74180	<i>accD</i> gene
51	74144	F	51	74192	<i>accD</i> gene
41	74144	F	41	74156	<i>accD</i> gene
53	74154	F	53	74190	<i>accD</i> gene
47	74166	F	47	74178	<i>accD</i> gene
33	74174	F	33	74210	<i>accD</i> gene
34	74186	R	34	74186	<i>accD</i> gene
35	74190	F	35	74202	<i>accD</i> gene
35	74190	R	35	74205	<i>accD</i> gene
38	87771	F	38	87804	LSC:IG
29616	90065	P	29616	132601	IR
49	97875	P	49	97875	IR:IG
49	97875	F	49	154358	IR:IG
40	101929	F	40	130226	IR:IG
66	112346	F	66	112372	IR:IG
66	112346	P	66	139844	IR:IG
38	112348	F	38	112400	IR:IG
38	112348	P	38	139844	IR:IG
43	112369	F	43	112395	IR:IG
43	112369	P	43	139844	IR:IG
66	112372	P	66	139870	IR:IG
43	112395	P	43	139870	IR:IG
38	112400	P	38	139896	IR:IG
41	115391	F	41	115412	<i>ycfI</i> gene
41	115391	P	41	136829	<i>ycfI</i> gene
30	115402	F	30	115423	<i>ycfI</i> gene
30	115402	P	30	136829	<i>ycfI</i> gene
41	115412	P	41	136850	<i>ycfI</i> gene
30	115423	P	30	136850	<i>ycfI</i> gene
41	115506	F	41	115524	<i>ycfI</i> gene
41	115506	P	41	136717	<i>ycfI</i> gene
41	115524	P	41	136735	<i>ycfI</i> gene
61	126731	P	61	126731	SSC:IG
32	128651	F	32	128665	SSC:IG
55	128861	F	55	128880	SSC:IG

36	128861	F	36	128899	SSC:IG
40	130226	P	40	150313	<i>ndhA</i> gene
41	136717	F	41	136735	<i>ycf1</i> gene
38	136730	F	38	136748	<i>ycf1</i> gene
41	136829	F	41	136850	<i>ycf1</i> gene
66	139844	F	66	139870	IR:IG
38	139844	F	38	139896	IR:IG
49	154358	P	49	154358	IR:IG

Passiflora candollei

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
48	2540	P	48	2540	LSC:IG
31	5430	F	31	5442	LSC:IG
30	6699	F	30	89411	LSC:IG
30	6699	P	30	121206	LSC:IG
31	12355	F	31	56455	<i>trnK</i> gene
43	13635	F	43	13659	LSC:IG
43	14046	F	43	14121	LSC:IG
30	14730	P	30	51576	LSC:IG
33	14999	P	33	14999	LSC:IG
39	16046	P	39	87740	<i>ycf3</i> gene
39	16046	F	39	122868	<i>ycf3</i> gene
42	16046	P	42	108799	<i>ycf3</i> gene
81	18987	F	81	21211	<i>psaA</i> gene
67	19001	F	67	21225	<i>psaA</i> gene
49	19029	F	49	21253	<i>psaA</i> gene
35	19043	F	35	21267	<i>psaA</i> gene
30	23454	F	30	49947	<i>trnG</i> gene
31	29879	P	31	29879	LSC:IG
30	47021	P	30	47021	LSC:IG
30	49495	P	30	72765	LSC:IG
30	49495	F	30	137852	LSC:IG
47	51012	P	47	51012	LSC:IG
56	56581	F	56	56633	LSC:IG
36	56941	F	36	57154	<i>rps18</i> gene
32	56969	F	32	57014	<i>rps18</i> gene
74	56972	F	74	57032	<i>rps18</i> gene
30	56972	F	30	57077	<i>rps18</i> gene
34	56993	F	34	57140	<i>rps18</i> gene
41	57005	F	41	57020	<i>rps18</i> gene
44	57008	F	44	57053	<i>rps18</i> gene
42	57020	F	42	57065	<i>rps18</i> gene
34	57053	F	34	57140	<i>rps18</i> gene

34	57068	F	34	57140	<i>rps18</i> gene
43	57105	F	43	57120	<i>rps18</i> gene
35	57795	F	35	65938	LSC:IG
61	57815	F	61	65958	LSC:IG
45	57831	F	45	65974	LSC:IG
41	67468	P	41	67468	<i>accD</i> gene
41	68162	F	41	68195	<i>accD</i> gene
165	68686	F	165	68716	<i>accD</i> gene
135	68686	F	135	68746	<i>accD</i> gene
105	68686	F	105	68776	<i>accD</i> gene
75	68686	F	75	68806	<i>accD</i> gene
45	68686	F	45	68836	<i>accD</i> gene
52	68709	F	52	68829	<i>accD</i> gene
52	68739	F	52	68829	<i>accD</i> gene
52	68769	F	52	68829	<i>accD</i> gene
52	68799	F	52	68829	<i>accD</i> gene
30	71951	F	30	71997	<i>trnV</i> gene
64	72045	F	64	72097	LSC:IG
30	72045	F	30	72149	LSC:IG
68	72059	F	68	72111	LSC:IG
42	72076	F	42	72220	LSC:IG
42	72128	F	42	72220	LSC:IG
26005	72566	P	26005	112076	IR
201	75099	F	201	75254	IR:IG
201	75099	P	201	135192	IR:IG
46	75099	F	46	75409	IR:IG
46	75099	P	46	135192	IR:IG
39	75099	F	39	75173	IR:IG
39	75099	F	39	75328	IR:IG
39	75099	P	39	135280	IR:IG
39	75099	P	39	135435	IR:IG
94	75118	F	94	75199	IR:IG
94	75118	F	94	75354	IR:IG
94	75118	P	94	135199	IR:IG
94	75118	P	94	135354	IR:IG
83	75129	F	83	75210	IR:IG
83	75129	F	83	75365	IR:IG
83	75129	P	83	135199	IR:IG
83	75129	P	83	135354	IR:IG
39	75173	P	39	135509	IR:IG
94	75199	F	94	75273	IR:IG
94	75199	P	94	135280	IR:IG
94	75199	P	94	135435	IR:IG
83	75210	F	83	75284	IR:IG

83	75210	P	83	135280	IR:IG
83	75210	P	83	135435	IR:IG
201	75254	P	201	135347	IR:IG
94	75273	F	94	75354	IR:IG
94	75273	P	94	135199	IR:IG
94	75273	P	94	135354	IR:IG
83	75284	F	83	75365	IR:IG
83	75284	P	83	135199	IR:IG
83	75284	P	83	135354	IR:IG
39	75328	P	39	135509	IR:IG
94	75354	P	94	135280	IR:IG
94	75354	P	94	135435	IR:IG
83	75365	P	83	135280	IR:IG
83	75365	P	83	135435	IR:IG
46	75409	P	46	135502	IR:IG
38	79919	F	38	79982	IR:IG
38	79919	P	38	130627	IR:IG
38	79982	P	38	130690	IR:IG
37	80074	P	37	80074	<i>rps19</i> gene
37	80074	F	37	130536	<i>rps19</i> gene
51	84123	P	51	84123	IR:IG
51	84123	F	51	126473	IR:IG
40	87740	F	40	108802	IR:IG
30	87752	F	30	108814	IR:IG
55	88590	F	55	88615	IR:IG
55	88590	P	55	121977	IR:IG
30	88590	F	30	88640	IR:IG
30	88590	P	30	121977	IR:IG
55	88615	P	55	122002	IR:IG
30	88640	P	30	122027	IR:IG
45	95042	F	45	95070	<i>rrn23</i> gene
45	95042	P	45	115532	<i>rrn23</i> gene
44	95044	F	44	95184	<i>rrn23</i> gene
44	95044	P	44	115419	<i>rrn23</i> gene
32	95057	F	32	95229	<i>rrn23</i> gene
32	95057	P	32	115386	<i>rrn23</i> gene
45	95070	P	45	115560	<i>rrn23</i> gene
55	95072	F	55	95184	<i>rrn23</i> gene
55	95072	P	55	115408	<i>rrn23</i> gene
63	95090	F	63	95234	<i>rrn23</i> gene
63	95090	P	63	115350	<i>rrn23</i> gene
62	95094	F	62	95120	<i>rrn23</i> gene
62	95094	P	62	115465	<i>rrn23</i> gene
36	95094	F	36	95146	<i>rrn23</i> gene

36	95094	P	36	115465	<i>rrn23</i> gene
33	95094	F	33	95264	<i>rrn23</i> gene
33	95094	P	33	115350	<i>rrn23</i> gene
46	95107	F	46	95251	<i>rrn23</i> gene
46	95107	P	46	115350	<i>rrn23</i> gene
40	95116	F	40	95142	<i>rrn23</i> gene
40	95116	P	40	115465	<i>rrn23</i> gene
37	95116	F	37	95260	<i>rrn23</i> gene
37	95116	P	37	115350	<i>rrn23</i> gene
62	95120	P	62	115491	<i>rrn23</i> gene
59	95120	F	59	95238	<i>rrn23</i> gene
59	95120	P	59	115350	<i>rrn23</i> gene
33	95120	F	33	95206	<i>rrn23</i> gene
33	95120	P	33	115408	<i>rrn23</i> gene
46	95133	F	46	95251	<i>rrn23</i> gene
46	95133	P	46	115350	<i>rrn23</i> gene
40	95142	P	40	115491	<i>rrn23</i> gene
36	95146	F	36	95238	<i>rrn23</i> gene
36	95146	P	36	115373	<i>rrn23</i> gene
36	95146	P	36	115517	<i>rrn23</i> gene
33	95146	F	33	95206	<i>rrn23</i> gene
33	95146	P	33	115408	<i>rrn23</i> gene
55	95184	P	55	115520	<i>rrn23</i> gene
44	95184	P	44	115559	<i>rrn23</i> gene
42	95197	F	42	95229	<i>rrn23</i> gene
42	95197	P	42	115376	<i>rrn23</i> gene
33	95206	F	33	95264	<i>rrn23</i> gene
33	95206	P	33	115350	<i>rrn23</i> gene
33	95206	P	33	115468	<i>rrn23</i> gene
33	95206	P	33	115494	<i>rrn23</i> gene
42	95229	P	42	115408	<i>rrn23</i> gene
32	95229	P	32	115558	<i>rrn23</i> gene
63	95234	P	63	115494	<i>rrn23</i> gene
59	95238	P	59	115468	<i>rrn23</i> gene
36	95238	P	36	115465	<i>rrn23</i> gene
33	95238	F	33	95264	<i>rrn23</i> gene
33	95238	P	33	115350	<i>rrn23</i> gene
46	95251	P	46	115468	<i>rrn23</i> gene
46	95251	P	46	115494	<i>rrn23</i> gene
37	95260	P	37	115494	<i>rrn23</i> gene
33	95264	P	33	115408	<i>rrn23</i> gene
33	95264	P	33	115376	<i>rrn23</i> gene
33	95264	P	33	115520	<i>rrn23</i> gene
33	102609	P	33	102609	SSC:IG

40	108802	P	40	122867	<i>ndhA</i> gene
30	108814	P	30	122865	<i>ndhA</i> gene
63	115350	F	63	115494	<i>rrn23</i> gene
59	115350	F	59	115468	<i>rrn23</i> gene
33	115350	F	33	115408	<i>rrn23</i> gene
33	115350	F	33	115376	<i>rrn23</i> gene
33	115350	F	33	115520	<i>rrn23</i> gene
57	115361	F	57	115505	<i>rrn23</i> gene
48	115361	F	48	115479	<i>rrn23</i> gene
36	115373	F	36	115465	<i>rrn23</i> gene
42	115376	F	42	115408	<i>rrn23</i> gene
32	115386	F	32	115558	<i>rrn23</i> gene
31	115387	F	31	115419	<i>rrn23</i> gene
30	115388	F	30	115532	<i>rrn23</i> gene
55	115408	F	55	115520	<i>rrn23</i> gene
33	115408	F	33	115468	<i>rrn23</i> gene
33	115408	F	33	115494	<i>rrn23</i> gene
44	115419	F	44	115559	<i>rrn23</i> gene
43	115420	F	43	115532	<i>rrn23</i> gene
62	115465	F	62	115491	<i>rrn23</i> gene
36	115465	F	36	115517	<i>rrn23</i> gene
45	115532	F	45	115560	<i>rrn23</i> gene
55	121977	F	55	122002	IR:IG
30	121977	F	30	122027	IR:IG
51	126473	P	51	126473	IR:IG
37	130536	P	37	130536	IR:IG
38	130627	F	38	130690	IR:IG
201	135192	F	201	135347	IR:IG
46	135192	F	46	135502	IR:IG
94	135199	F	94	135280	IR:IG
94	135199	F	94	135435	IR:IG
94	135280	F	94	135354	IR:IG
39	135280	F	39	135509	IR:IG
94	135354	F	94	135435	IR:IG
39	135435	F	39	135509	IR:IG

Passiflora capsularis

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
37	1150	F	37	1167	LSC:IG
60	1449	F	60	1459	LSC:IG
50	1449	F	50	1469	LSC:IG
40	1449	F	40	1479	LSC:IG
30	1449	F	30	1489	LSC:IG

43	5500	F	43	5574	LSC:IG
30	6195	P	30	42834	LSC:IG
39	7449	F	39	108694	LSC:IG
42	7449	P	42	94299	LSC:IG
81	10382	F	81	12606	<i>psaA</i> gene
67	10396	F	67	12620	<i>psaA</i> gene
39	10424	F	39	12648	<i>psaA</i> gene
32	10438	F	32	12662	<i>psaA</i> gene
30	14826	F	30	41203	LSC:IG
30	21333	R	30	21341	LSC:IG
31	34922	P	31	34922	LSC:IG
38	41515	F	38	41534	<i>trnS</i> gene
41	42290	P	41	42290	LSC:IG
88	47551	P	88	59926	LSC:IG
53	47908	F	53	47935	LSC:IG
49	48227	F	49	48272	<i>rps18</i> gene
37	48236	F	37	48296	<i>rps18</i> gene
37	48236	F	37	48341	<i>rps18</i> gene
40	48236	F	40	48326	<i>rps18</i> gene
40	48236	F	40	48356	<i>rps18</i> gene
36	48236	F	36	48371	<i>rps18</i> gene
37	48236	F	37	48311	<i>rps18</i> gene
32	48244	F	32	48349	<i>rps18</i> gene
32	48244	F	32	48334	<i>rps18</i> gene
31	48244	F	31	48379	<i>rps18</i> gene
32	48247	F	32	48307	<i>rps18</i> gene
31	48247	F	31	48367	<i>rps18</i> gene
67	48281	F	67	48296	<i>rps18</i> gene
67	48281	F	67	48326	<i>rps18</i> gene
52	48281	F	52	48341	<i>rps18</i> gene
42	48281	F	42	48356	<i>rps18</i> gene
36	48281	F	36	48371	<i>rps18</i> gene
37	48281	F	37	48311	<i>rps18</i> gene
59	48289	F	59	48334	<i>rps18</i> gene
44	48289	F	44	48349	<i>rps18</i> gene
31	48289	F	31	48379	<i>rps18</i> gene
56	48292	F	56	48307	<i>rps18</i> gene
40	48292	F	40	48367	<i>rps18</i> gene
55	48307	F	55	48352	<i>rps18</i> gene
40	48307	F	40	48382	<i>rps18</i> gene
55	48322	F	55	48352	<i>rps18</i> gene
41	48322	F	41	48337	<i>rps18</i> gene
55	48337	F	55	48367	<i>rps18</i> gene
61	49078	F	61	57129	LSC:IG

51	49088	F	51	57139	LSC:IG
38	49101	F	38	57152	LSC:IG
31	56850	P	31	56850	LSC:IG
35	57492	P	35	57503	LSC:IG:ACCD
31	58290	F	31	58374	LSC:IG:ACCD
43	58296	F	43	58362	LSC:IG:ACCD
50	58296	F	50	58314	LSC:IG:ACCD
32	58296	F	32	58332	LSC:IG:ACCD
49	58299	F	49	58347	LSC:IG:ACCD
45	58307	F	45	58337	LSC:IG:ACCD
47	58317	F	47	58347	LSC:IG:ACCD
50	58337	F	50	58355	LSC:IG:ACCD
32	58337	F	32	58373	LSC:IG:ACCD
40	58347	F	40	58365	LSC:IG:ACCD
57	59409	F	57	59532	LSC:IG:ACCD
35	59413	F	35	59605	LSC:IG:ACCD
80	59422	F	80	59440	LSC:IG:ACCD
62	59422	F	62	59458	LSC:IG:ACCD
44	59422	F	44	59476	LSC:IG:ACCD
30	59422	F	30	59494	LSC:IG:ACCD
44	59440	F	44	59545	LSC:IG:ACCD
44	59458	F	44	59545	LSC:IG:ACCD
82	59476	F	82	59545	LSC:IG:ACCD
30	59494	F	30	59545	LSC:IG:ACCD
46	59512	F	46	59581	LSC:IG:ACCD
35	59536	F	35	59605	LSC:IG:ACCD
42	59834	F	42	59864	LSC:IG:ACCD
37	60354	P	37	60354	LSC:IG:ACCD
33	62198	F	33	62470	LSC:IG
186	62224	F	186	102997	LSC:IG
122	62288	F	122	103061	LSC:IG
51	73757	P	51	73757	LSC:IG
40	74943	F	40	98706	LSC:IG
265	74948	P	265	83070	LSC:IG
211	74948	F	211	98471	LSC:IG
40	74956	F	40	98719	LSC:IG
484	74999	F	484	75053	LSC:IG
430	74999	F	430	75107	LSC:IG
376	74999	F	376	75161	LSC:IG
322	74999	F	322	75215	LSC:IG
268	74999	F	268	75269	LSC:IG
214	74999	F	214	75323	LSC:IG
160	74999	F	160	75377	LSC:IG
160	74999	P	160	83070	LSC:IG

106	74999	F	106	98576	LSC:IG
106	74999	F	106	75431	LSC:IG
106	74999	P	106	83070	LSC:IG
52	74999	F	52	75485	LSC:IG
52	74999	P	52	83070	LSC:IG
52	74999	F	52	98630	LSC:IG
448	75035	F	448	75089	LSC:IG
394	75035	F	394	75143	LSC:IG
340	75035	F	340	75197	LSC:IG
286	75035	F	286	75251	LSC:IG
232	75035	F	232	75305	LSC:IG
178	75035	F	178	75359	LSC:IG
124	75035	F	124	75413	LSC:IG
124	75035	P	124	83070	LSC:IG
70	75035	F	70	98612	LSC:IG
70	75035	F	70	75467	LSC:IG
70	75035	P	70	83070	LSC:IG
214	75053	P	214	83070	LSC:IG
160	75053	F	160	98522	LSC:IG
178	75089	P	178	83070	LSC:IG
124	75089	F	124	98558	LSC:IG
214	75107	P	214	83070	LSC:IG
160	75107	F	160	98522	LSC:IG
178	75143	P	178	83070	LSC:IG
124	75143	F	124	98558	LSC:IG
214	75161	P	214	83070	LSC:IG
160	75161	F	160	98522	LSC:IG
178	75197	P	178	83070	LSC:IG
124	75197	F	124	98558	LSC:IG
214	75215	P	214	83070	LSC:IG
160	75215	F	160	98522	LSC:IG
178	75251	P	178	83070	LSC:IG
124	75251	F	124	98558	LSC:IG
214	75269	P	214	83070	LSC:IG
160	75269	F	160	98522	LSC:IG
178	75305	P	178	83070	LSC:IG
124	75305	F	124	98558	LSC:IG
497	75323	P	497	82787	LSC:IG
160	75323	F	160	98522	LSC:IG
461	75359	P	461	82787	LSC:IG
124	75359	F	124	98558	LSC:IG
185	75377	F	185	98522	LSC:IG
160	75377	P	160	83124	LSC:IG
149	75413	F	149	98558	LSC:IG

124	75413	P	124	83124	LSC:IG
106	75431	P	106	83178	LSC:IG
106	75431	F	106	98522	LSC:IG
70	75467	P	70	83178	LSC:IG
70	75467	F	70	98558	LSC:IG
52	75485	P	52	83232	LSC:IG
52	75485	F	52	98522	LSC:IG
41	75521	F	41	98666	LSC:IG
31	77218	F	31	77245	LSC:IG
44	80453	F	44	80475	LSC:IG
31	82394	F	31	82409	LSC:IG
185	83045	P	185	98522	LSC:IG
160	83070	F	160	83124	LSC:IG
106	83070	F	106	83178	LSC:IG
106	83070	P	106	98522	LSC:IG
52	83070	F	52	83232	LSC:IG
52	83070	P	52	98522	LSC:IG
143	83087	F	143	83141	LSC:IG
143	83087	P	143	98522	LSC:IG
89	83087	F	89	83195	LSC:IG
89	83087	P	89	98522	LSC:IG
791	83124	P	791	97891	LSC:IG
35	83141	F	35	83249	LSC:IG
35	83141	P	35	98522	LSC:IG
106	83178	P	106	98576	LSC:IG
35	83195	F	35	83249	LSC:IG
35	83195	P	35	98522	LSC:IG
52	83232	P	52	98630	LSC:IG
35	83249	P	35	98576	LSC:IG
35	83249	P	35	98630	LSC:IG
40	83287	P	40	98719	LSC:IG
35	83300	P	35	98711	LSC:IG
62	83919	P	62	97825	LSC:IG
50	83941	P	50	97815	LSC:IG
46	84113	P	46	97647	LSC:IG
30	84129	P	30	97647	LSC:IG
37	87405	P	37	87405	LSC:IG
40	94302	P	40	108693	<i>ndhA</i> gene
30	94314	P	30	108691	<i>ndhA</i> gene
52	94690	P	52	94690	<i>ndhA</i> gene
35	98471	F	35	98711	LSC:IG
40	98479	F	40	98719	LSC:IG
106	98522	F	106	98576	LSC:IG
52	98522	F	52	98630	LSC:IG

70	98558	F	70	98612	LSC:IG
55	101174	F	55	101263	<i>rrn23</i> gene
42	101174	F	42	101388	<i>rrn23</i> gene
33	101174	F	33	101310	<i>rrn23</i> gene
33	101174	F	33	101336	<i>rrn23</i> gene
33	101174	F	33	101362	<i>rrn23</i> gene
45	101184	F	45	101273	<i>rrn23</i> gene
32	101184	F	32	101398	<i>rrn23</i> gene
63	101186	F	63	101207	<i>rrn23</i> gene
42	101187	F	42	101229	<i>rrn23</i> gene
42	101207	F	42	101275	<i>rrn23</i> gene
30	101207	F	30	101400	<i>rrn23</i> gene
41	101208	F	41	101229	<i>rrn23</i> gene
30	101228	F	30	101400	<i>rrn23</i> gene
67	101229	F	67	101276	<i>rrn23</i> gene
52	101249	F	52	101374	<i>rrn23</i> gene
47	101249	F	47	101348	<i>rrn23</i> gene
47	101249	F	47	101322	<i>rrn23</i> gene
41	101255	F	41	101302	<i>rrn23</i> gene
99	101296	F	99	101322	<i>rrn23</i> gene
73	101296	F	73	101348	<i>rrn23</i> gene
47	101296	F	47	101374	<i>rrn23</i> gene
49	101320	F	49	101372	<i>rrn23</i> gene
49	101346	F	49	101372	<i>rrn23</i> gene
35	107838	F	35	107863	LSC:IG
51	112308	P	51	112308	LSC:IG

Passiflora costaricensis

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
43	5547	F	43	5621	LSC:IG
30	6242	P	30	42866	LSC:IG
39	7476	F	39	109940	<i>ycf3</i> gene
42	7476	P	42	95876	<i>ycf3</i> gene
47	8688	F	47	8711	LSC:IG
33	8688	F	33	8734	LSC:IG
81	10443	F	81	12667	<i>psaA</i> gene
67	10457	F	67	12681	<i>psaA</i> gene
39	10485	F	39	12709	<i>psaA</i> gene
32	10499	F	32	12723	<i>psaA</i> gene
30	14885	F	30	41237	LSC:IG
30	21373	R	30	21381	LSC:IG
38	41549	F	38	41568	<i>trnS</i> gene
41	42322	P	41	42322	LSC:IG

54	45674	F	54	45685	LSC:IG
43	45674	F	43	45696	LSC:IG
32	45674	F	32	45707	LSC:IG
88	47740	P	88	61220	LSC:IG
80	48097	F	80	48124	LSC:IG
53	48097	F	53	48151	LSC:IG
81	48452	F	81	48482	LSC:IG
78	48452	F	78	48467	LSC:IG
66	48452	F	66	48497	LSC:IG
51	48452	F	51	48512	LSC:IG
36	48452	F	36	48527	LSC:IG
74	48463	F	74	48478	LSC:IG
67	48478	F	67	48493	LSC:IG
55	48478	F	55	48508	LSC:IG
40	48478	F	40	48523	LSC:IG
32	48486	F	32	48546	LSC:IG
32	48501	F	32	48546	LSC:IG
61	49240	F	61	57290	LSC:IG
51	49250	F	51	57300	LSC:IG
38	49263	F	38	57313	LSC:IG
35	57653	P	35	57664	LSC:IG:ACCD
31	58450	F	31	58887	LSC:IG:ACCD
36	58456	F	36	58605	LSC:IG:ACCD
32	58456	F	32	58623	LSC:IG:ACCD
32	58456	F	32	58785	LSC:IG:ACCD
32	58456	F	32	58827	LSC:IG:ACCD
32	58456	F	32	58857	LSC:IG:ACCD
36	58456	F	36	58875	LSC:IG:ACCD
31	58461	F	31	58592	LSC:IG:ACCD
31	58461	F	31	58772	LSC:IG:ACCD
31	58461	F	31	58814	LSC:IG:ACCD
31	58461	F	31	58844	LSC:IG:ACCD
30	58468	F	30	58617	LSC:IG:ACCD
35	58518	F	35	58590	LSC:IG:ACCD
35	58518	F	35	58770	LSC:IG:ACCD
35	58518	F	35	58812	LSC:IG:ACCD
35	58518	F	35	58842	LSC:IG:ACCD
115	58522	F	115	58702	LSC:IG:ACCD
97	58522	F	97	58642	LSC:IG:ACCD
97	58522	F	97	58654	LSC:IG:ACCD
97	58522	F	97	58666	LSC:IG:ACCD
97	58522	F	97	58678	LSC:IG:ACCD
97	58522	F	97	58690	LSC:IG:ACCD
85	58522	F	85	58534	LSC:IG:ACCD

85	58522	F	85	58714	LSC:IG:ACCD
73	58522	F	73	58546	LSC:IG:ACCD
73	58522	F	73	58726	LSC:IG:ACCD
61	58522	F	61	58558	LSC:IG:ACCD
61	58522	F	61	58738	LSC:IG:ACCD
49	58522	F	49	58570	LSC:IG:ACCD
49	58522	F	49	58750	LSC:IG:ACCD
37	58522	F	37	58582	LSC:IG:ACCD
37	58522	F	37	58762	LSC:IG:ACCD
37	58522	F	37	58804	LSC:IG:ACCD
93	58526	F	93	58634	LSC:IG:ACCD
45	58526	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58526	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58526	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
81	58538	F	81	58634	LSC:IG:ACCD
45	58538	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58538	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58538	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
69	58550	F	69	58634	LSC:IG:ACCD
45	58550	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58550	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58550	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
57	58562	F	57	58634	LSC:IG:ACCD
45	58562	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58562	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58562	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
63	58574	F	63	58796	LSC:IG:ACCD
45	58574	F	45	58634	LSC:IG:ACCD
33	58574	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58574	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
69	58586	F	69	58838	LSC:IG:ACCD
33	58586	F	33	58634	LSC:IG:ACCD
33	58586	F	33	58796	LSC:IG:ACCD
39	58586	F	39	58868	LSC:IG:ACCD
50	58598	F	50	58868	LSC:IG:ACCD
39	58598	F	39	58616	LSC:IG:ACCD
32	58598	F	32	58886	LSC:IG:ACCD
63	58616	F	63	58778	LSC:IG:ACCD
51	58616	F	51	58820	LSC:IG:ACCD
45	58616	F	45	58850	LSC:IG:ACCD
30	58620	F	30	58890	LSC:IG:ACCD
153	58634	F	153	58646	LSC:IG:ACCD
141	58634	F	141	58658	LSC:IG:ACCD
129	58634	F	129	58670	LSC:IG:ACCD

117	58634	F	117	58682	LSC:IG:ACCD
105	58634	F	105	58694	LSC:IG:ACCD
93	58634	F	93	58706	LSC:IG:ACCD
81	58634	F	81	58718	LSC:IG:ACCD
69	58634	F	69	58730	LSC:IG:ACCD
57	58634	F	57	58742	LSC:IG:ACCD
45	58634	F	45	58754	LSC:IG:ACCD
33	58634	F	33	58766	LSC:IG:ACCD
33	58634	F	33	58808	LSC:IG:ACCD
45	58646	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58646	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58646	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
45	58658	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58658	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58658	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
45	58670	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58670	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58670	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
45	58682	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58682	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58682	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
45	58694	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58694	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58694	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
45	58706	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58706	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58706	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
45	58718	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58718	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58718	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
45	58730	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58730	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58730	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
45	58742	F	45	58796	LSC:IG:ACCD
33	58742	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58742	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
75	58754	F	75	58796	LSC:IG:ACCD
33	58754	F	33	58838	LSC:IG:ACCD
33	58754	F	33	58868	LSC:IG:ACCD
57	58766	F	57	58838	LSC:IG:ACCD
33	58766	F	33	58796	LSC:IG:ACCD
39	58766	F	39	58868	LSC:IG:ACCD
39	58778	F	39	58868	LSC:IG:ACCD
32	58778	F	32	58886	LSC:IG:ACCD

33	58796	F	33	58808	LSC:IG:ACCD
69	58808	F	69	58838	LSC:IG:ACCD
39	58808	F	39	58868	LSC:IG:ACCD
39	58820	F	39	58868	LSC:IG:ACCD
32	58820	F	32	58886	LSC:IG:ACCD
39	58850	F	39	58868	LSC:IG:ACCD
32	58850	F	32	58886	LSC:IG:ACCD
41	59440	F	41	59461	LSC:IG:ACCD
33	59588	F	33	59663	LSC:IG:ACCD
60	59590	F	60	59812	LSC:IG:ACCD
96	59600	F	96	59747	LSC:IG:ACCD
34	59640	F	34	59713	LSC:IG:ACCD
39	59657	F	39	59804	LSC:IG:ACCD
31	59665	F	31	59812	LSC:IG:ACCD
34	59713	F	34	59787	LSC:IG:ACCD
50	59747	F	50	59822	LSC:IG:ACCD
76	59922	F	76	60123	LSC:IG:ACCD
86	59930	F	86	60131	LSC:IG:ACCD
71	59949	F	71	60150	LSC:IG:ACCD
57	59975	F	57	60176	LSC:IG:ACCD
33	59999	F	33	60200	LSC:IG:ACCD
31	60048	F	31	60240	LSC:IG:ACCD
35	60328	F	35	60364	LSC:IG:ACCD
105	60601	F	105	60670	LSC:IG:ACCD
57	60601	F	57	60853	LSC:IG:ACCD
32	60601	F	32	60739	LSC:IG:ACCD
32	60601	F	32	60796	LSC:IG:ACCD
72	60634	F	72	60703	LSC:IG:ACCD
84	60643	F	84	60826	LSC:IG:ACCD
63	60643	F	63	60769	LSC:IG:ACCD
39	60667	F	39	60793	LSC:IG:ACCD
32	60667	F	32	60922	LSC:IG:ACCD
120	60712	F	120	60769	LSC:IG:ACCD
63	60712	F	63	60826	LSC:IG:ACCD
96	60736	F	96	60793	LSC:IG:ACCD
32	60736	F	32	60922	LSC:IG:ACCD
31	60791	F	31	60920	LSC:IG:ACCD
39	60793	F	39	60850	LSC:IG:ACCD
32	60850	F	32	60922	LSC:IG:ACCD
53	63416	F	53	63433	LSC:IG
36	63416	F	36	63450	LSC:IG
33	63542	F	33	63809	LSC:IG
181	63568	F	181	104220	LSC:IG
35	64826	R	35	68360	LSC:IG

31	68352	F	31	68376	LSC:IG
34	68594	F	34	68606	<i>clpP</i> gene
51	75130	P	51	75130	LSC:IG
81	76288	F	81	76358	LSC:IG
64	76451	P	64	84736	LSC:IG
64	76451	F	64	100206	LSC:IG
91	76461	P	91	84699	LSC:IG
91	76461	F	91	100216	LSC:IG
107	76475	P	107	84669	LSC:IG
83	76475	F	83	100230	LSC:IG
650	76499	F	650	76580	LSC:IG
569	76499	F	569	76661	LSC:IG
488	76499	F	488	76742	LSC:IG
407	76499	F	407	76823	LSC:IG
326	76499	F	326	76904	LSC:IG
245	76499	F	245	76985	LSC:IG
164	76499	F	164	77066	LSC:IG
83	76499	F	83	77147	LSC:IG
78	76504	P	78	84669	LSC:IG
54	76504	F	54	100259	LSC:IG
390	76516	F	390	76840	LSC:IG
228	76516	F	228	77002	LSC:IG
147	76516	F	147	77083	LSC:IG
66	76516	F	66	77164	LSC:IG
66	76516	P	66	84669	LSC:IG
42	76516	F	42	100271	LSC:IG
30	76553	P	30	84668	LSC:IG
83	76580	P	83	84669	LSC:IG
59	76580	F	59	100254	LSC:IG
390	76597	F	390	76840	LSC:IG
228	76597	F	228	77002	LSC:IG
147	76597	F	147	77083	LSC:IG
66	76597	F	66	77164	LSC:IG
66	76597	P	66	84669	LSC:IG
42	76597	F	42	100271	LSC:IG
30	76634	P	30	84668	LSC:IG
83	76661	P	83	84669	LSC:IG
59	76661	F	59	100254	LSC:IG
390	76678	F	390	76840	LSC:IG
228	76678	F	228	77002	LSC:IG
147	76678	F	147	77083	LSC:IG
66	76678	F	66	77164	LSC:IG
66	76678	P	66	84669	LSC:IG
42	76678	F	42	100271	LSC:IG

30	76715	P	30	84668	LSC:IG
83	76742	P	83	84669	LSC:IG
59	76742	F	59	100254	LSC:IG
390	76759	F	390	76840	LSC:IG
228	76759	F	228	77002	LSC:IG
147	76759	F	147	77083	LSC:IG
66	76759	F	66	77164	LSC:IG
66	76759	P	66	84669	LSC:IG
42	76759	F	42	100271	LSC:IG
30	76796	P	30	84668	LSC:IG
83	76823	P	83	84669	LSC:IG
59	76823	F	59	100254	LSC:IG
309	76840	F	309	76921	LSC:IG
30	76877	P	30	84668	LSC:IG
83	76904	P	83	84669	LSC:IG
59	76904	F	59	100254	LSC:IG
228	76921	F	228	77002	LSC:IG
147	76921	F	147	77083	LSC:IG
66	76921	F	66	77164	LSC:IG
66	76921	P	66	84669	LSC:IG
42	76921	F	42	100271	LSC:IG
30	76958	P	30	84668	LSC:IG
83	76985	P	83	84669	LSC:IG
59	76985	F	59	100254	LSC:IG
30	77039	P	30	84668	LSC:IG
83	77066	P	83	84669	LSC:IG
59	77066	F	59	100254	LSC:IG
30	77120	P	30	84668	LSC:IG
353	77147	P	353	84399	LSC:IG
59	77147	F	59	100254	LSC:IG
299	77201	P	299	84399	LSC:IG
31	77842	F	31	77857	LSC:IG
1070	84693	P	1070	99243	LSC:IG
31	84785	F	31	84834	LSC:IG
31	84785	P	31	100141	LSC:IG
31	84834	P	31	100190	LSC:IG
40	95879	P	40	109939	<i>ndhA</i> gene
30	95891	P	30	109937	<i>ndhA</i> gene
31	100141	F	31	100190	LSC:IG
93	102541	F	93	102562	<i>rrn23</i> gene
72	102541	F	72	102583	<i>rrn23</i> gene
51	102541	F	51	102604	<i>rrn23</i> gene
30	102541	F	30	102625	<i>rrn23</i> gene
50	109041	F	50	109066	LSC:IG

35	109041	F	35	109091	LSC:IG
51	113553	P	51	113553	LSC:IG

Passiflora suberosa

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
39	1423	F	39	1465	LSC:IG
33	5621	F	33	5731	<i>trnQ</i> gene
36	6031	F	36	6105	LSC:IG
30	6721	F	30	49079	LSC:IG
39	8044	P	39	89679	LSC:IG
39	8044	F	39	125840	LSC:IG
42	8044	P	42	111439	LSC:IG
79	10984	F	79	13208	<i>psaA</i> gene
65	10998	F	65	13222	<i>psaA</i> gene
37	11026	F	37	13250	<i>psaA</i> gene
30	15445	P	30	50756	LSC:IG
33	42026	F	33	42052	LSC:IG
38	42513	P	38	57878	LSC:IG
38	42513	F	38	157642	LSC:IG
38	42549	P	38	57833	LSC:IG
38	42549	F	38	157687	LSC:IG
32	43237	F	32	43318	<i>rps18</i> gene
73	43661	F	73	43685	<i>rps18</i> gene
44	43661	F	44	43709	<i>rps18</i> gene
31	43661	F	31	43733	<i>rps18</i> gene
67	43671	F	67	43695	<i>rps18</i> gene
39	43671	F	39	43719	<i>rps18</i> gene
32	43682	F	32	43730	<i>rps18</i> gene
32	43706	F	32	43730	<i>rps18</i> gene
33	45914	F	33	45960	LSC:IG
33	47855	R	33	47855	LSC:IG
33	47903	F	33	47925	LSC:IG
41	49616	P	41	49616	LSC:IG
48	50871	P	48	50871	LSC:IG
31	51289	P	31	51289	LSC:IG
43626	57245	P	43626	114687	IR
30	58659	C	30	156874	<i>accD</i> gene
63	58987	F	63	59104	IR:IG:ACCD
63	58987	P	63	156391	IR:IG:ACCD
37	58987	F	37	59038	IR:IG:ACCD
37	58987	P	37	156483	IR:IG:ACCD
67	59008	F	67	59074	IR:IG:ACCD
67	59008	P	67	156417	IR:IG:ACCD

31	59019	F	31	59136	IR:IG:ACCD
31	59019	P	31	156391	IR:IG:ACCD
37	59038	P	37	156534	IR:IG:ACCD
39	59059	F	39	59062	IR:IG:ACCD
39	59059	P	39	156457	IR:IG:ACCD
30	59059	R	30	59059	IR:IG:ACCD
30	59059	C	30	156469	IR:IG:ACCD
31	59059	R	31	59061	IR:IG:ACCD
31	59059	C	31	156466	IR:IG:ACCD
31	59059	F	31	59065	IR:IG:ACCD
31	59059	P	31	156462	IR:IG:ACCD
31	59059	F	31	59068	IR:IG:ACCD
31	59059	P	31	156459	IR:IG:ACCD
30	59059	C	30	156472	IR:IG:ACCD
34	59060	R	34	59060	IR:IG:ACCD
34	59060	C	34	156464	IR:IG:ACCD
39	59062	P	39	156460	IR:IG:ACCD
31	59063	R	31	59063	IR:IG:ACCD
31	59063	C	31	156464	IR:IG:ACCD
31	59065	P	31	156468	IR:IG:ACCD
31	59066	C	31	156464	IR:IG:ACCD
31	59068	P	31	156468	IR:IG:ACCD
67	59074	P	67	156483	IR:IG:ACCD
42	59074	F	42	59125	IR:IG:ACCD
42	59074	P	42	156391	IR:IG:ACCD
31	59085	F	31	59136	IR:IG:ACCD
31	59085	P	31	156391	IR:IG:ACCD
63	59104	P	63	156508	IR:IG:ACCD
42	59125	P	42	156442	IR:IG:ACCD
31	59136	P	31	156442	IR:IG:ACCD
31	59136	P	31	156508	IR:IG:ACCD
30	59656	F	30	59746	IR:IG:ACCD
30	59656	P	30	155782	IR:IG:ACCD
30	59746	P	30	155872	IR:IG:ACCD
30	61391	C	30	154140	IR:IG:ACCD
30	61617	F	30	61641	IR:IG:ACCD
30	61617	P	30	153887	IR:IG:ACCD
30	61641	P	30	153911	IR:IG:ACCD
78	62387	F	78	62423	IR:IG:ACCD
78	62387	P	78	153057	IR:IG:ACCD
42	62387	F	42	62459	IR:IG:ACCD
42	62387	P	42	153057	IR:IG:ACCD
57	62408	F	57	62444	IR:IG:ACCD
57	62408	P	57	153057	IR:IG:ACCD

78	62423	P	78	153093	IR:IG:ACCD
57	62444	P	57	153093	IR:IG:ACCD
42	62459	P	42	153129	IR:IG:ACCD
36	62858	F	36	63051	IR:IG:ACCD
36	62858	P	36	152471	IR:IG:ACCD
37	62918	F	37	63009	IR:IG:ACCD
37	62918	P	37	152512	IR:IG:ACCD
42	62943	F	42	62988	IR:IG:ACCD
42	62943	P	42	152528	IR:IG:ACCD
42	62988	P	42	152573	IR:IG:ACCD
37	63009	P	37	152603	IR:IG:ACCD
36	63051	P	36	152664	IR:IG:ACCD
48	64807	F	48	65747	IR:IG
48	64807	P	48	149763	IR:IG
31	64824	F	31	65764	IR:IG
31	64824	P	31	149763	IR:IG
31	64909	F	31	65812	IR:IG
31	64909	P	31	149715	IR:IG
31	65649	F	31	65701	IR:IG
31	65649	P	31	149826	IR:IG
31	65701	P	31	149878	IR:IG
48	65747	P	48	150703	IR:IG
31	65764	P	31	150703	IR:IG
31	65812	P	31	150618	IR:IG
43	65926	F	43	66030	<i>trnM</i> gene
43	65926	P	43	149485	<i>trnM</i> gene
35	65936	F	35	65988	<i>trnM</i> gene
35	65936	P	35	149535	<i>trnM</i> gene
33	65988	F	33	66040	IR:IG
33	65988	P	33	149485	IR:IG
35	65988	P	35	149587	IR:IG
43	66030	P	43	149589	IR:IG
33	66040	P	33	149537	IR:IG
30	69700	F	30	69712	<i>clpP</i> gene
30	69700	P	30	145816	<i>clpP</i> gene
30	69712	P	30	145828	<i>clpP</i> gene
376	70315	F	376	70390	IR:IG
376	70315	P	376	144792	IR:IG
301	70315	F	301	70465	IR:IG
301	70315	P	301	144792	IR:IG
226	70315	F	226	70540	IR:IG
226	70315	P	226	144792	IR:IG
151	70315	F	151	70615	IR:IG
151	70315	P	151	144792	IR:IG

76	70315	F	76	70690	IR:IG
76	70315	P	76	144792	IR:IG
343	70348	F	343	70423	IR:IG
343	70348	P	343	144792	IR:IG
268	70348	F	268	70498	IR:IG
268	70348	P	268	144792	IR:IG
193	70348	F	193	70573	IR:IG
193	70348	P	193	144792	IR:IG
118	70348	F	118	70648	IR:IG
118	70348	P	118	144792	IR:IG
43	70348	F	43	70723	IR:IG
43	70348	P	43	144792	IR:IG
376	70390	P	376	144867	IR:IG
343	70423	P	343	144867	IR:IG
301	70465	P	301	144942	IR:IG
268	70498	P	268	144942	IR:IG
226	70540	P	226	145017	IR:IG
193	70573	P	193	145017	IR:IG
151	70615	P	151	145092	IR:IG
118	70648	P	118	145092	IR:IG
76	70690	P	76	145167	IR:IG
43	70723	P	43	145167	IR:IG
50	73063	P	50	73063	IR:IG
50	73063	F	50	142445	IR:IG
30	73990	F	30	74019	IR:IG
30	73990	P	30	141509	IR:IG
30	74019	P	30	141538	IR:IG
34	77926	F	34	77955	IR:IG
34	77926	P	34	137569	IR:IG
30	77935	F	30	77964	IR:IG
30	77935	P	30	137564	IR:IG
31	77950	F	31	84907	IR:IG
31	77950	P	31	130620	IR:IG
30	77951	F	30	84953	IR:IG
30	77951	P	30	130575	IR:IG
34	77955	P	34	137598	IR:IG
30	77964	P	30	137593	IR:IG
31	77982	F	31	78127	IR:IG
31	77982	P	31	137400	IR:IG
56	78000	F	56	78157	IR:IG
56	78000	P	56	137345	IR:IG
31	78127	P	31	137545	IR:IG
56	78157	P	56	137502	IR:IG
31	84907	P	31	137577	<i>rpl23</i> gene

31	84910	F	31	85000	<i>rpl23</i> gene
31	84910	P	31	130527	<i>rpl23</i> gene
70	84916	F	70	84961	<i>rpl23</i> gene
70	84916	P	70	130527	<i>rpl23</i> gene
30	84953	P	30	137577	<i>rpl23</i> gene
70	84961	P	70	130572	<i>rpl23</i> gene
31	85000	P	31	130617	<i>rpl23</i> gene
37	86061	P	37	86061	IR:IG
37	86061	F	37	129460	IR:IG
40	89679	F	40	111442	IR:IG
30	89691	F	30	111454	IR:IG
50	90341	F	50	90366	IR:IG
50	90341	P	50	125142	IR:IG
41	90350	F	41	90375	IR:IG
41	90350	P	41	125142	IR:IG
50	90366	P	50	125167	IR:IG
41	90375	P	41	125167	IR:IG
760	104582	F	760	104601	SSC:IG
741	104582	F	741	104620	SSC:IG
722	104582	F	722	104639	SSC:IG
703	104582	F	703	104658	SSC:IG
684	104582	F	684	104677	SSC:IG
665	104582	F	665	104696	SSC:IG
646	104582	F	646	104715	SSC:IG
627	104582	F	627	104734	SSC:IG
608	104582	F	608	104753	SSC:IG
589	104582	F	589	104772	SSC:IG
570	104582	F	570	104791	SSC:IG
551	104582	F	551	104810	SSC:IG
532	104582	F	532	104829	SSC:IG
513	104582	F	513	104848	SSC:IG
494	104582	F	494	104867	SSC:IG
475	104582	F	475	104886	SSC:IG
456	104582	F	456	104905	SSC:IG
437	104582	F	437	104924	SSC:IG
418	104582	F	418	104943	SSC:IG
399	104582	F	399	104962	SSC:IG
380	104582	F	380	104981	SSC:IG
361	104582	F	361	105000	SSC:IG
342	104582	F	342	105019	SSC:IG
323	104582	F	323	105038	SSC:IG
304	104582	F	304	105057	SSC:IG
285	104582	F	285	105076	SSC:IG
266	104582	F	266	105095	SSC:IG

247	104582	F	247	105114	SSC:IG
228	104582	F	228	105133	SSC:IG
209	104582	F	209	105152	SSC:IG
190	104582	F	190	105171	SSC:IG
171	104582	F	171	105190	SSC:IG
152	104582	F	152	105209	SSC:IG
133	104582	F	133	105228	SSC:IG
114	104582	F	114	105247	SSC:IG
95	104582	F	95	105266	SSC:IG
76	104582	F	76	105285	SSC:IG
57	104582	F	57	105304	SSC:IG
38	104582	F	38	105323	SSC:IG
33	105356	P	33	105356	SSC:IG
40	111442	P	40	125839	<i>ndhA</i> gene
30	111454	P	30	125837	<i>ndhA</i> gene
50	125142	F	50	125167	IR:IG
37	129460	P	37	129460	IR:IG
70	130527	F	70	130572	<i>rpl23</i> gene
31	130527	F	31	130617	<i>rpl23</i> gene
54	130543	F	54	130588	<i>rpl23</i> gene
30	130575	F	30	137577	<i>rpl23</i> gene
31	130620	F	31	137577	<i>rpl23</i> gene
56	137345	F	56	137502	IR:IG
31	137400	F	31	137545	IR:IG
34	137569	F	34	137598	IR:IG
30	141509	F	30	141538	IR:IG
50	142445	P	50	142445	<i>psbN</i> gene
376	144792	F	376	144867	IR:IG
301	144792	F	301	144942	IR:IG
226	144792	F	226	145017	IR:IG
151	144792	F	151	145092	IR:IG
76	144792	F	76	145167	IR:IG
32	144836	F	32	145211	IR:IG
32	144911	F	32	145211	IR:IG
32	144986	F	32	145211	IR:IG
32	145061	F	32	145211	IR:IG
32	145136	F	32	145211	IR:IG
30	145820	F	30	145832	<i>clpP</i> gene
43	149485	F	43	149589	IR:IG
33	149485	F	33	149537	IR:IG
30	149502	F	30	149606	IR:IG
35	149535	F	35	149587	IR:IG
31	149715	F	31	150618	IR:IG
48	149763	F	48	150703	IR:IG

31	149826	F	31	149878	IR:IG
36	152471	F	36	152664	IR:IG:ACCD
37	152512	F	37	152603	IR:IG:ACCD
42	152528	F	42	152573	IR:IG:ACCD
78	153057	F	78	153093	IR:IG:ACCD
42	153057	F	42	153129	IR:IG:ACCD
61	153074	F	61	153110	IR:IG:ACCD
30	153887	F	30	153911	IR:IG:ACCD
30	155782	F	30	155872	IR:IG:ACCD
63	156391	F	63	156508	IR:IG:ACCD
42	156391	F	42	156442	IR:IG:ACCD
67	156417	F	67	156483	IR:IG:ACCD
31	156423	F	31	156540	IR:IG:ACCD
39	156457	F	39	156460	IR:IG:ACCD
31	156459	F	31	156468	IR:IG:ACCD
31	156462	F	31	156468	IR:IG:ACCD
34	156464	R	34	156464	IR:IG:ACCD
31	156464	R	31	156464	IR:IG:ACCD
31	156466	R	31	156468	IR:IG:ACCD
30	156469	R	30	156469	IR:IG:ACCD
37	156483	F	37	156534	IR:IG:ACCD

Passiflora vesperilio

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
48	2568	P	48	2568	LSC:IG
31	5464	F	31	5476	<i>clpP</i> gene
30	5693	R	30	5693	<i>clpP</i> gene
30	6732	P	30	89566	LSC:IG
30	6732	F	30	121767	LSC:IG
31	6788	F	31	7010	LSC:IG
31	6788	F	31	7167	LSC:IG
55	6789	F	55	6835	LSC:IG
30	6789	F	30	6891	LSC:IG
42	6802	F	42	6848	LSC:IG
42	6823	F	42	6879	LSC:IG
30	6835	F	30	7168	LSC:IG
40	6901	F	40	7178	LSC:IG
37	6904	F	37	7024	LSC:IG
34	6924	F	34	6941	LSC:IG
63	6958	F	63	7201	LSC:IG
67	6963	F	67	7049	LSC:IG
128	6965	F	128	7122	LSC:IG
127	6980	F	127	7137	LSC:IG

50	6980	F	50	7066	LSC:IG
41	6980	F	41	7223	LSC:IG
97	7010	F	97	7167	LSC:IG
83	7024	F	83	7181	LSC:IG
65	7051	F	65	7122	LSC:IG
56	7122	F	56	7208	LSC:IG
31	12695	F	31	56912	LSC:IG
43	14357	F	43	14432	LSC:IG
30	15070	P	30	51996	LSC:IG
33	15339	P	33	15339	LSC:IG
39	16386	F	39	91297	<i>ycf3</i> gene
39	16386	P	39	120027	<i>ycf3</i> gene
42	16386	P	42	109059	<i>ycf3</i> gene
55	19337	F	55	21561	<i>psaA</i> gene
50	19351	F	50	21575	<i>psaA</i> gene
39	19379	F	39	21603	<i>psaA</i> gene
35	19393	F	35	21617	<i>psaA</i> gene
30	23807	F	30	50361	LSC:IG
35	24403	P	35	24403	LSC:IG
30	27965	F	30	27991	LSC:IG
30	47513	P	30	47513	LSC:IG
37	51431	P	37	51431	LSC:IG
39	54831	F	39	54877	LSC:IG
37	57317	F	37	57557	<i>rps18</i> gene
32	57346	F	32	57406	<i>rps18</i> gene
32	57346	F	32	57361	<i>rps18</i> gene
32	57346	F	32	57451	<i>rps18</i> gene
84	57355	F	84	57400	<i>rps18</i> gene
39	57355	F	39	57445	<i>rps18</i> gene
69	57370	F	69	57415	<i>rps18</i> gene
38	57385	F	38	57487	<i>rps18</i> gene
34	57385	F	34	57544	<i>rps18</i> gene
30	57410	F	30	57497	<i>rps18</i> gene
38	57430	F	38	57487	<i>rps18</i> gene
34	57430	F	34	57544	<i>rps18</i> gene
34	57445	F	34	57544	<i>rps18</i> gene
68	57457	F	68	57499	<i>rps18</i> gene
39	57482	F	39	57539	<i>rps18</i> gene
30	57492	F	30	57549	<i>rps18</i> gene
31	57524	F	31	57539	<i>rps18</i> gene
35	58198	F	35	66351	LSC:IG
61	58218	F	61	66371	LSC:IG
45	58234	F	45	66387	LSC:IG
30	68802	F	30	68820	LSC:IG:ACCD

51	69142	F	51	69217	LSC:IG:ACCD
43	69142	F	43	69307	LSC:IG:ACCD
36	69142	F	36	69187	LSC:IG:ACCD
42	69143	F	42	69323	LSC:IG:ACCD
42	69143	F	42	69233	LSC:IG:ACCD
42	69143	F	42	69248	LSC:IG:ACCD
40	69145	F	40	69370	LSC:IG:ACCD
33	69149	F	33	69344	LSC:IG:ACCD
42	69155	F	42	69230	LSC:IG:ACCD
56	69156	F	56	69276	LSC:IG:ACCD
37	69160	F	37	69370	LSC:IG:ACCD
31	69168	F	31	69378	LSC:IG:ACCD
44	69171	F	44	69201	LSC:IG:ACCD
37	69190	F	37	69370	LSC:IG:ACCD
41	69201	F	41	69291	LSC:IG:ACCD
37	69224	F	37	69374	LSC:IG:ACCD
71	69231	F	71	69246	LSC:IG:ACCD
71	69231	F	71	69261	LSC:IG:ACCD
59	69231	F	59	69336	LSC:IG:ACCD
56	69231	F	56	69321	LSC:IG:ACCD
56	69231	F	56	69276	LSC:IG:ACCD
44	69231	F	44	69351	LSC:IG:ACCD
41	69231	F	41	69291	LSC:IG:ACCD
69	69233	F	69	69308	LSC:IG:ACCD
74	69243	F	74	69333	LSC:IG:ACCD
59	69243	F	59	69318	LSC:IG:ACCD
30	69246	F	30	69381	LSC:IG:ACCD
57	69248	F	57	69308	LSC:IG:ACCD
47	69258	F	47	69318	LSC:IG:ACCD
44	69258	F	44	69333	LSC:IG:ACCD
30	69261	F	30	69381	LSC:IG:ACCD
42	69263	F	42	69308	LSC:IG:ACCD
47	69273	F	47	69333	LSC:IG:ACCD
44	69273	F	44	69318	LSC:IG:ACCD
32	69273	F	32	69378	LSC:IG:ACCD
41	69280	F	41	69370	LSC:IG:ACCD
36	69288	F	36	69333	LSC:IG:ACCD
30	69291	F	30	69381	LSC:IG:ACCD
39	69293	F	39	69308	LSC:IG:ACCD
54	69308	F	54	69323	LSC:IG:ACCD
42	69308	F	42	69353	LSC:IG:ACCD
39	69308	F	39	69338	LSC:IG:ACCD
32	69318	F	32	69348	LSC:IG:ACCD
30	69321	F	30	69381	LSC:IG:ACCD

41	69325	F	41	69370	LSC:IG:ACCD
36	69333	F	36	69348	LSC:IG:ACCD
32	69333	F	32	69363	LSC:IG:ACCD
30	69336	F	30	69381	LSC:IG:ACCD
35	69833	P	35	69833	LSC:IG:ACCD
31	72367	F	31	72604	LSC:IG
53	72372	F	53	72538	LSC:IG
53	72372	F	53	72464	LSC:IG
38	72387	F	38	72553	LSC:IG
79	72443	F	79	72517	LSC:IG
54	72473	F	54	72547	LSC:IG
26196	72907	P	26196	112260	IR
30	72944	F	30	73142	IR:IG
30	72944	P	30	138191	IR:IG
39	73010	F	39	73079	IR:IG
39	73010	P	39	138245	IR:IG
30	73043	F	30	73063	IR:IG
30	73043	P	30	138270	IR:IG
30	73063	P	30	138290	IR:IG
39	73079	P	39	138314	IR:IG
30	73142	P	30	138389	IR:IG
37	75454	P	37	75454	IR:IG
37	75454	F	37	135872	IR:IG
151	76879	F	151	77032	IR:IG
151	76879	P	151	134180	IR:IG
43	76987	F	43	77140	IR:IG
43	76987	P	43	134180	IR:IG
151	77032	P	151	134333	IR:IG
43	77140	P	43	134333	IR:IG
47	79258	F	47	79281	IR:IG
47	79258	P	47	132035	IR:IG
47	79281	P	47	132058	IR:IG
37	80094	F	37	80167	IR:IG
37	80094	P	37	131159	IR:IG
32	80128	F	32	80210	IR:IG
32	80128	P	32	131121	IR:IG
37	80167	P	37	131232	IR:IG
32	80210	P	32	131203	IR:IG
33	83723	F	33	83749	<i>rrn23</i> gene
33	83723	F	33	83781	<i>rrn23</i> gene
33	83723	P	33	127549	<i>rrn23</i> gene
33	83723	P	33	127581	<i>rrn23</i> gene
42	83749	F	42	83781	<i>rrn23</i> gene
42	83749	P	42	127540	<i>rrn23</i> gene

33	83749	P	33	127607	<i>rrn23</i> gene
32	83759	F	32	83819	<i>rrn23</i> gene
32	83759	F	32	83847	<i>rrn23</i> gene
32	83759	F	32	83875	<i>rrn23</i> gene
32	83759	F	32	83903	<i>rrn23</i> gene
32	83759	P	32	127428	<i>rrn23</i> gene
32	83759	P	32	127456	<i>rrn23</i> gene
32	83759	P	32	127484	<i>rrn23</i> gene
32	83759	P	32	127512	<i>rrn23</i> gene
42	83781	P	42	127572	<i>rrn23</i> gene
33	83781	P	33	127607	<i>rrn23</i> gene
131	83791	F	131	83819	<i>rrn23</i> gene
131	83791	P	131	127413	<i>rrn23</i> gene
103	83791	F	103	83847	<i>rrn23</i> gene
103	83791	P	103	127413	<i>rrn23</i> gene
75	83791	F	75	83875	<i>rrn23</i> gene
75	83791	P	75	127413	<i>rrn23</i> gene
47	83791	F	47	83903	<i>rrn23</i> gene
47	83791	P	47	127413	<i>rrn23</i> gene
120	83802	F	120	83830	<i>rrn23</i> gene
120	83802	P	120	127413	<i>rrn23</i> gene
92	83802	F	92	83858	<i>rrn23</i> gene
92	83802	P	92	127413	<i>rrn23</i> gene
64	83802	F	64	83886	<i>rrn23</i> gene
64	83802	P	64	127413	<i>rrn23</i> gene
36	83802	F	36	83914	<i>rrn23</i> gene
36	83802	P	36	127413	<i>rrn23</i> gene
131	83819	P	131	127441	<i>rrn23</i> gene
32	83819	P	32	127572	<i>rrn23</i> gene
120	83830	P	120	127441	<i>rrn23</i> gene
103	83847	P	103	127469	<i>rrn23</i> gene
32	83847	P	32	127572	<i>rrn23</i> gene
92	83858	P	92	127469	<i>rrn23</i> gene
75	83875	P	75	127497	<i>rrn23</i> gene
32	83875	P	32	127572	<i>rrn23</i> gene
64	83886	P	64	127497	<i>rrn23</i> gene
47	83903	P	47	127525	<i>rrn23</i> gene
32	83903	P	32	127572	<i>rrn23</i> gene
36	83914	P	36	127525	<i>rrn23</i> gene
105	90337	F	105	90362	IR:IG
105	90337	P	105	120896	IR:IG
80	90337	F	80	90387	IR:IG
80	90337	P	80	120896	IR:IG
55	90337	F	55	90412	IR:IG

55	90337	P	55	120896	IR:IG
30	90337	F	30	90437	IR:IG
30	90337	P	30	120896	IR:IG
105	90362	P	105	120921	IR:IG
80	90387	P	80	120946	IR:IG
55	90412	P	55	120971	IR:IG
30	90437	P	30	120996	IR:IG
30	91018	F	30	91037	IR:IG
30	91018	P	30	120296	IR:IG
30	91037	P	30	120315	IR:IG
40	91296	P	40	109062	IR:IG
37	94909	P	37	94909	IR:IG
37	94909	F	37	116417	IR:IG
33	94920	F	33	116428	IR:IG
33	102887	P	33	102887	SSC:IG
40	109062	F	40	120027	<i>ndhA</i> gene
30	109074	F	30	120039	<i>ndhA</i> gene
37	116417	P	37	116417	IR:IG
30	120296	F	30	120315	IR:IG
105	120896	F	105	120921	IR:IG
80	120896	F	80	120946	IR:IG
55	120896	F	55	120971	IR:IG
30	120896	F	30	120996	IR:IG
131	127413	F	131	127441	<i>rrn23</i> gene
103	127413	F	103	127469	<i>rrn23</i> gene
75	127413	F	75	127497	<i>rrn23</i> gene
47	127413	F	47	127525	<i>rrn23</i> gene
32	127428	F	32	127572	<i>rrn23</i> gene
32	127456	F	32	127572	<i>rrn23</i> gene
32	127484	F	32	127572	<i>rrn23</i> gene
32	127512	F	32	127572	<i>rrn23</i> gene
42	127540	F	42	127572	<i>rrn23</i> gene
33	127549	F	33	127607	<i>rrn23</i> gene
33	127581	F	33	127607	<i>rrn23</i> gene
32	131121	F	32	131203	IR:IG
37	131159	F	37	131232	IR:IG
47	132035	F	47	132058	IR:IG
151	134180	F	151	134333	IR:IG
107	134224	F	107	134377	IR:IG
37	135872	P	37	135872	IR:IG
30	138192	F	30	138390	IR:IG
39	138245	F	39	138314	IR:IG
30	138273	F	30	138293	IR:IG

Passiflora contracta

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
30	3274	F	30	86787	LSC:IG
34	7506	P	34	7506	LSC:IG
76	25133	F	76	25206	LSC:IG
83	25486	F	83	26275	LSC:IG
42	25511	F	42	25967	<i>trnC</i> gene
57	25512	F	57	26301	<i>trnC</i> gene
56	25557	F	56	25701	<i>trnC</i> gene
47	25610	F	47	26074	LSC:IG
34	25629	F	34	25797	LSC:IG
41	25973	F	41	26306	LSC:IG
81	38213	F	81	40437	<i>psaB</i> gene
41	38253	F	41	40477	<i>psaB</i> gene
39	43422	F	39	101690	<i>ycf3</i> gene
39	43422	P	39	152143	<i>ycf3</i> gene
38	43422	F	38	130498	<i>ycf3</i> gene
49	44615	F	49	44660	LSC:IG
34	46681	F	34	46700	LSC:IG
76	57017	F	76	57035	LSC:IG:ACCD
58	57017	F	58	57053	LSC:IG:ACCD
40	57017	F	40	57071	LSC:IG:ACCD
62	57031	F	62	57049	LSC:IG:ACCD
44	57031	F	44	57067	LSC:IG:ACCD
49	57262	F	49	57568	<i>accD</i> gene
48	57262	F	48	57328	<i>accD</i> gene
48	57262	F	48	57376	<i>accD</i> gene
48	57262	F	48	57424	<i>accD</i> gene
48	57262	F	48	57472	<i>accD</i> gene
48	57262	F	48	57520	<i>accD</i> gene
38	57273	F	38	57579	<i>accD</i> gene
37	57273	F	37	57339	<i>accD</i> gene
37	57273	F	37	57387	<i>accD</i> gene
37	57273	F	37	57435	<i>accD</i> gene
37	57273	F	37	57483	<i>accD</i> gene
37	57273	F	37	57531	<i>accD</i> gene
259	57309	F	259	57357	<i>accD</i> gene
211	57309	F	211	57405	<i>accD</i> gene
163	57309	F	163	57453	<i>accD</i> gene
115	57309	F	115	57501	<i>accD</i> gene
67	57309	F	67	57549	<i>accD</i> gene
122	57616	F	122	57631	<i>accD</i> gene
113	57616	F	113	57646	<i>accD</i> gene

98	57616	F	98	57661	<i>accD</i> gene
83	57616	F	83	57676	<i>accD</i> gene
68	57616	F	68	57691	<i>accD</i> gene
53	57616	F	53	57706	<i>accD</i> gene
51	59018	F	51	67335	LSC:IG
42	59039	F	42	67356	LSC:IG
71	68352	F	71	68682	<i>rps18</i> gene
52	68352	F	52	68526	<i>rps18</i> gene
124	68365	F	124	68695	<i>rps18</i> gene
39	68365	F	39	68539	<i>rps18</i> gene
102	68387	F	102	68717	<i>rps18</i> gene
160	68418	F	160	68574	<i>rps18</i> gene
65	68424	F	65	68754	<i>rps18</i> gene
45	68429	F	45	68549	<i>rps18</i> gene
43	68431	F	43	68569	<i>rps18</i> gene
47	68470	F	47	68785	<i>rps18</i> gene
35	68482	F	35	68797	<i>rps18</i> gene
45	68549	F	45	68585	<i>rps18</i> gene
45	68549	F	45	68759	<i>rps18</i> gene
43	68569	F	43	68587	<i>rps18</i> gene
43	68569	F	43	68761	<i>rps18</i> gene
71	68574	F	71	68748	<i>rps18</i> gene
47	68626	F	47	68785	<i>rps18</i> gene
35	68638	F	35	68797	<i>rps18</i> gene
41	70819	F	41	70915	<i>clpP</i> gene
41	70819	F	41	70906	<i>clpP</i> gene
33	70819	F	33	70924	<i>clpP</i> gene
37	70820	F	37	70823	<i>clpP</i> gene
38	70820	F	38	70919	<i>clpP</i> gene
34	70820	F	34	70826	<i>clpP</i> gene
40	70820	F	40	70910	<i>clpP</i> gene
31	70820	F	31	70829	<i>clpP</i> gene
37	70823	F	37	70916	<i>clpP</i> gene
32	70823	F	32	70925	<i>clpP</i> gene
37	70823	F	37	70907	<i>clpP</i> gene
31	70829	F	31	70925	<i>clpP</i> gene
50	70898	F	50	70907	<i>clpP</i> gene
41	70898	F	41	70916	<i>clpP</i> gene
42	70906	F	42	70915	<i>clpP</i> gene
41	70910	F	41	70916	<i>clpP</i> gene
38	70916	F	38	70919	<i>clpP</i> gene
36	86193	F	36	86211	LSC:IG
32866	87314	P	32866	133692	IR
51	87436	F	51	89824	IR:IG

51	87436	P	51	163997	IR:IG
38	87449	F	38	89837	IR:IG
38	87449	P	38	163997	IR:IG
53	87462	F	53	89717	IR:IG
53	87462	P	53	164102	IR:IG
49	87472	F	49	89727	IR:IG
49	87472	P	49	164096	IR:IG
384	87480	F	384	89899	IR:IG
384	87480	P	384	163589	IR:IG
348	87522	F	348	89941	IR:IG
348	87522	P	348	163583	IR:IG
228	87716	F	228	90135	<i>trnM</i> gene
228	87716	P	228	163509	<i>trnM</i> gene
163	87794	F	163	90213	IR:IG
163	87794	P	163	163496	IR:IG
52	87825	F	52	90284	IR:IG
52	87825	P	52	163536	IR:IG
52	87825	F	52	87865	IR:IG
52	87825	P	52	165955	IR:IG
92	87865	F	92	90284	IR:IG
92	87865	P	92	163496	IR:IG
52	87865	P	52	165995	IR:IG
52	87865	F	52	90244	IR:IG
52	87865	P	52	163576	IR:IG
40	87886	F	40	90345	IR:IG
40	87886	P	40	163487	IR:IG
38	87929	F	38	90392	IR:IG
38	87929	P	38	163442	IR:IG
53	89717	P	53	166357	IR:IG
49	89727	P	49	166351	IR:IG
41	89735	F	41	89899	IR:IG
41	89735	P	41	163932	IR:IG
51	89824	P	51	166385	IR:IG
38	89837	P	38	166385	IR:IG
384	89899	P	384	166008	IR:IG
41	89899	P	41	164096	IR:IG
348	89941	P	348	166002	IR:IG
228	90135	P	228	165928	<i>trnM</i> gene
163	90213	P	163	165915	IR:IG
52	90244	F	52	90284	IR:IG
52	90244	P	52	163536	IR:IG
52	90244	P	52	165955	IR:IG
92	90284	P	92	165915	IR:IG
52	90284	P	52	165995	IR:IG

52	90284	P	52	163576	IR:IG
40	90305	F	40	90345	IR:IG
40	90305	P	40	163487	IR:IG
40	90345	P	40	163527	IR:IG
40	90345	P	40	165946	IR:IG
38	90392	P	38	165905	IR:IG
36	92132	F	36	92159	<i>ycf2</i> gene
36	92132	P	36	161677	<i>ycf2</i> gene
36	92159	P	36	161704	<i>ycf2</i> gene
48	92206	F	48	92251	<i>ycf2</i> gene
48	92206	P	48	161573	<i>ycf2</i> gene
42	92218	F	42	92263	<i>ycf2</i> gene
42	92218	P	42	161567	<i>ycf2</i> gene
48	92251	P	48	161618	<i>ycf2</i> gene
42	92263	P	42	161612	<i>ycf2</i> gene
41	96015	F	41	96081	<i>ycf2</i> gene
41	96015	P	41	157750	<i>ycf2</i> gene
41	96081	P	41	157816	<i>ycf2</i> gene
49	97642	P	49	97642	IR:IG
49	97642	F	49	156181	IR:IG
38	101690	F	38	130498	IR:IG
42	102126	F	42	102161	IR:IG
42	102126	P	42	151669	IR:IG
42	102161	P	42	151704	IR:IG
427	112118	F	427	112236	IR:IG
427	112118	P	427	141209	IR:IG
309	112118	F	309	112354	IR:IG
309	112118	P	309	141209	IR:IG
191	112118	F	191	112472	IR:IG
191	112118	P	191	141209	IR:IG
73	112118	F	73	112590	IR:IG
73	112118	P	73	141209	IR:IG
427	112236	P	427	141327	IR:IG
309	112354	P	309	141445	IR:IG
191	112472	P	191	141563	IR:IG
73	112590	P	73	141681	IR:IG
57	115644	F	57	115914	<i>ycf1</i> gene
57	115644	P	57	137901	<i>ycf1</i> gene
68	115657	F	68	115855	<i>ycf1</i> gene
68	115657	P	68	137949	<i>ycf1</i> gene
48	115657	F	48	116140	<i>ycf1</i> gene
48	115657	F	48	116248	<i>ycf1</i> gene
48	115657	P	48	137576	<i>ycf1</i> gene
48	115657	P	48	137684	<i>ycf1</i> gene

50	115663	F	50	115933	<i>ycfI</i> gene
50	115663	P	50	137889	<i>ycfI</i> gene
40	115673	F	40	115943	<i>ycfI</i> gene
40	115673	P	40	137889	<i>ycfI</i> gene
40	115673	F	40	116264	<i>ycfI</i> gene
40	115673	P	40	137568	<i>ycfI</i> gene
39	115677	F	39	116214	<i>ycfI</i> gene
39	115677	P	39	137619	<i>ycfI</i> gene
43	115679	F	43	115706	<i>ycfI</i> gene
43	115679	P	43	138123	<i>ycfI</i> gene
42	115680	F	42	115992	<i>ycfI</i> gene
42	115680	P	42	137838	<i>ycfI</i> gene
44	115681	F	44	115825	<i>ycfI</i> gene
44	115681	F	44	116110	<i>ycfI</i> gene
44	115681	P	44	137718	<i>ycfI</i> gene
44	115681	P	44	138003	<i>ycfI</i> gene
42	115685	F	42	115757	<i>ycfI</i> gene
42	115685	F	42	116042	<i>ycfI</i> gene
42	115685	P	42	137788	<i>ycfI</i> gene
42	115685	P	42	138073	<i>ycfI</i> gene
37	115688	F	37	116225	<i>ycfI</i> gene
37	115688	P	37	137610	<i>ycfI</i> gene
188	115696	F	188	115981	<i>ycfI</i> gene
188	115696	P	188	137703	<i>ycfI</i> gene
47	115702	F	47	115819	<i>ycfI</i> gene
47	115702	F	47	116104	<i>ycfI</i> gene
47	115702	P	47	137721	<i>ycfI</i> gene
47	115702	P	47	138006	<i>ycfI</i> gene
61	115706	F	61	115877	<i>ycfI</i> gene
61	115706	P	61	137934	<i>ycfI</i> gene
43	115706	P	43	138150	<i>ycfI</i> gene
42	115712	F	42	115928	<i>ycfI</i> gene
42	115712	P	42	137902	<i>ycfI</i> gene
63	115729	F	63	115900	<i>ycfI</i> gene
63	115729	P	63	137909	<i>ycfI</i> gene
42	115750	F	42	115921	<i>ycfI</i> gene
42	115750	P	42	137909	<i>ycfI</i> gene
42	115757	P	42	138145	<i>ycfI</i> gene
40	115757	F	40	115829	<i>ycfI</i> gene
40	115757	F	40	116114	<i>ycfI</i> gene
40	115757	P	40	137718	<i>ycfI</i> gene
40	115757	P	40	138003	<i>ycfI</i> gene
40	115757	F	40	115883	<i>ycfI</i> gene
40	115757	P	40	137949	<i>ycfI</i> gene

98	115805	F	98	116090	<i>ycfI</i> gene
98	115805	P	98	137684	<i>ycfI</i> gene
56	115814	F	56	115841	<i>ycfI</i> gene
56	115814	P	56	137975	<i>ycfI</i> gene
43	115814	F	43	116126	<i>ycfI</i> gene
43	115814	P	43	137703	<i>ycfI</i> gene
53	115817	F	53	115871	<i>ycfI</i> gene
53	115817	P	53	137948	<i>ycfI</i> gene
47	115819	P	47	138123	<i>ycfI</i> gene
45	115825	F	45	115852	<i>ycfI</i> gene
45	115825	P	45	137975	<i>ycfI</i> gene
44	115825	P	44	138147	<i>ycfI</i> gene
45	115825	F	45	115993	<i>ycfI</i> gene
45	115825	P	45	137834	<i>ycfI</i> gene
55	115829	F	55	115928	<i>ycfI</i> gene
55	115829	P	55	137889	<i>ycfI</i> gene
40	115829	F	40	116042	<i>ycfI</i> gene
40	115829	P	40	137790	<i>ycfI</i> gene
40	115829	P	40	138075	<i>ycfI</i> gene
56	115841	F	56	116099	<i>ycfI</i> gene
56	115841	P	56	137717	<i>ycfI</i> gene
56	115841	P	56	138002	<i>ycfI</i> gene
48	115850	F	48	115877	<i>ycfI</i> gene
48	115850	P	48	137947	<i>ycfI</i> gene
45	115852	F	45	116110	<i>ycfI</i> gene
45	115852	P	45	137717	<i>ycfI</i> gene
45	115852	P	45	138002	<i>ycfI</i> gene
68	115855	P	68	138147	<i>ycfI</i> gene
47	115856	F	47	115928	<i>ycfI</i> gene
47	115856	P	47	137897	<i>ycfI</i> gene
53	115871	F	53	116102	<i>ycfI</i> gene
53	115871	P	53	137717	<i>ycfI</i> gene
53	115871	P	53	138002	<i>ycfI</i> gene
40	115871	F	40	115943	<i>ycfI</i> gene
40	115871	P	40	137889	<i>ycfI</i> gene
61	115877	P	61	138105	<i>ycfI</i> gene
48	115877	P	48	137974	<i>ycfI</i> gene
60	115878	F	60	115992	<i>ycfI</i> gene
60	115878	P	60	137820	<i>ycfI</i> gene
42	115883	F	42	115928	<i>ycfI</i> gene
42	115883	P	42	137902	<i>ycfI</i> gene
40	115883	F	40	116042	<i>ycfI</i> gene
40	115883	P	40	137790	<i>ycfI</i> gene
40	115883	P	40	138075	<i>ycfI</i> gene

39	115886	F	39	116225	<i>ycfI</i> gene
39	115886	P	39	137608	<i>ycfI</i> gene
63	115900	F	63	116014	<i>ycfI</i> gene
63	115900	P	63	137795	<i>ycfI</i> gene
63	115900	P	63	138080	<i>ycfI</i> gene
57	115914	P	57	138171	<i>ycfI</i> gene
42	115921	F	42	116035	<i>ycfI</i> gene
42	115921	P	42	137795	<i>ycfI</i> gene
42	115921	P	42	138080	<i>ycfI</i> gene
57	115928	F	57	116114	<i>ycfI</i> gene
57	115928	P	57	137701	<i>ycfI</i> gene
55	115928	P	55	137988	<i>ycfI</i> gene
47	115928	P	47	137969	<i>ycfI</i> gene
43	115928	F	43	116141	<i>ycfI</i> gene
43	115928	P	43	137688	<i>ycfI</i> gene
42	115928	F	42	115997	<i>ycfI</i> gene
42	115928	P	42	137833	<i>ycfI</i> gene
42	115928	P	42	137947	<i>ycfI</i> gene
42	115928	P	42	138118	<i>ycfI</i> gene
73	115933	F	73	116254	<i>ycfI</i> gene
73	115933	P	73	137545	<i>ycfI</i> gene
50	115933	P	50	138159	<i>ycfI</i> gene
40	115943	P	40	138159	<i>ycfI</i> gene
40	115943	P	40	137961	<i>ycfI</i> gene
59	115947	F	59	116268	<i>ycfI</i> gene
59	115947	P	59	137545	<i>ycfI</i> gene
50	115956	F	50	116277	<i>ycfI</i> gene
50	115956	P	50	137545	<i>ycfI</i> gene
34	115972	F	34	116293	<i>ycfI</i> gene
34	115972	P	34	137545	<i>ycfI</i> gene
188	115981	P	188	137988	<i>ycfI</i> gene
60	115992	P	60	137934	<i>ycfI</i> gene
42	115992	P	42	138150	<i>ycfI</i> gene
45	115993	F	45	116110	<i>ycfI</i> gene
45	115993	P	45	137717	<i>ycfI</i> gene
45	115993	P	45	138002	<i>ycfI</i> gene
42	115997	P	42	137902	<i>ycfI</i> gene
63	116014	P	63	137909	<i>ycfI</i> gene
42	116035	P	42	137909	<i>ycfI</i> gene
42	116042	P	42	138145	<i>ycfI</i> gene
40	116042	F	40	116114	<i>ycfI</i> gene
40	116042	P	40	137718	<i>ycfI</i> gene
40	116042	P	40	138003	<i>ycfI</i> gene
40	116042	P	40	137949	<i>ycfI</i> gene

98	116090	P	98	137969	<i>ycfI</i> gene
56	116099	P	56	137975	<i>ycfI</i> gene
43	116099	F	43	116126	<i>ycfI</i> gene
43	116099	P	43	137703	<i>ycfI</i> gene
53	116102	P	53	137948	<i>ycfI</i> gene
47	116104	P	47	138123	<i>ycfI</i> gene
45	116110	P	45	137975	<i>ycfI</i> gene
44	116110	P	44	138147	<i>ycfI</i> gene
45	116110	P	45	137834	<i>ycfI</i> gene
57	116114	P	57	137887	<i>ycfI</i> gene
40	116114	P	40	137790	<i>ycfI</i> gene
40	116114	P	40	138075	<i>ycfI</i> gene
43	116126	P	43	137730	<i>ycfI</i> gene
43	116126	P	43	138015	<i>ycfI</i> gene
48	116140	P	48	138167	<i>ycfI</i> gene
43	116141	P	43	137901	<i>ycfI</i> gene
76	116146	F	76	116200	<i>ycfI</i> gene
76	116146	P	76	137596	<i>ycfI</i> gene
62	116160	F	62	116214	<i>ycfI</i> gene
62	116160	P	62	137596	<i>ycfI</i> gene
53	116189	F	53	116243	<i>ycfI</i> gene
53	116189	P	53	137576	<i>ycfI</i> gene
76	116200	P	76	137650	<i>ycfI</i> gene
62	116214	P	62	137650	<i>ycfI</i> gene
39	116214	P	39	138156	<i>ycfI</i> gene
37	116225	P	37	138147	<i>ycfI</i> gene
39	116225	P	39	137947	<i>ycfI</i> gene
53	116243	P	53	137630	<i>ycfI</i> gene
48	116248	P	48	138167	<i>ycfI</i> gene
73	116254	P	73	137866	<i>ycfI</i> gene
40	116264	P	40	138159	<i>ycfI</i> gene
59	116268	P	59	137866	<i>ycfI</i> gene
50	116277	P	50	137866	<i>ycfI</i> gene
34	116293	P	34	137866	<i>ycfI</i> gene
51	117542	F	51	117563	<i>ycfI</i> gene
51	117542	P	51	136258	<i>ycfI</i> gene
30	117542	F	30	117584	<i>ycfI</i> gene
51	117563	P	51	136279	<i>ycfI</i> gene
78	119406	F	78	119487	<i>ycfI</i> gene
78	119406	P	78	134307	<i>ycfI</i> gene
64	119420	F	64	119501	<i>ycfI</i> gene
64	119420	P	64	134307	<i>ycfI</i> gene
41	119443	F	41	119524	<i>ycfI</i> gene
41	119443	P	41	134307	<i>ycfI</i> gene

78	119487	P	78	134388	<i>ycfI</i> gene
64	119501	P	64	134388	<i>ycfI</i> gene
41	119524	P	41	134388	<i>ycfI</i> gene
54	127061	P	54	127061	SSC:IG
38	130498	P	38	152144	<i>ndhA</i> gene
78	134307	F	78	134388	<i>ycfI</i> gene
51	136258	F	51	136279	<i>ycfI</i> gene
73	137545	F	73	137866	<i>ycfI</i> gene
40	137568	F	40	138159	<i>ycfI</i> gene
53	137576	F	53	137630	<i>ycfI</i> gene
48	137576	F	48	138167	<i>ycfI</i> gene
43	137580	F	43	137901	<i>ycfI</i> gene
76	137596	F	76	137650	<i>ycfI</i> gene
39	137608	F	39	137947	<i>ycfI</i> gene
37	137610	F	37	138147	<i>ycfI</i> gene
39	137619	F	39	138156	<i>ycfI</i> gene
49	137630	F	49	137684	<i>ycfI</i> gene
98	137684	F	98	137969	<i>ycfI</i> gene
48	137684	F	48	138167	<i>ycfI</i> gene
43	137688	F	43	137901	<i>ycfI</i> gene
186	137694	F	186	137979	<i>ycfI</i> gene
57	137701	F	57	137887	<i>ycfI</i> gene
188	137703	F	188	137988	<i>ycfI</i> gene
43	137703	F	43	137730	<i>ycfI</i> gene
43	137703	F	43	138015	<i>ycfI</i> gene
41	137711	F	41	138023	<i>ycfI</i> gene
56	137717	F	56	137975	<i>ycfI</i> gene
53	137717	F	53	137948	<i>ycfI</i> gene
45	137717	F	45	137834	<i>ycfI</i> gene
41	137717	F	41	137903	<i>ycfI</i> gene
41	137717	F	41	137744	<i>ycfI</i> gene
44	137718	F	44	138147	<i>ycfI</i> gene
40	137718	F	40	137790	<i>ycfI</i> gene
40	137718	F	40	138075	<i>ycfI</i> gene
47	137721	F	47	138123	<i>ycfI</i> gene
41	137744	F	41	138002	<i>ycfI</i> gene
108	137783	F	108	138068	<i>ycfI</i> gene
42	137788	F	42	138145	<i>ycfI</i> gene
40	137790	F	40	138003	<i>ycfI</i> gene
40	137790	F	40	137949	<i>ycfI</i> gene
63	137795	F	63	137909	<i>ycfI</i> gene
48	137810	F	48	137924	<i>ycfI</i> gene
60	137820	F	60	137934	<i>ycfI</i> gene
42	137833	F	42	137902	<i>ycfI</i> gene

45	137834	F	45	138002	<i>ycf1</i> gene
42	137838	F	42	137952	<i>ycf1</i> gene
42	137838	F	42	138150	<i>ycf1</i> gene
55	137889	F	55	137988	<i>ycf1</i> gene
50	137889	F	50	138159	<i>ycf1</i> gene
40	137889	F	40	137961	<i>ycf1</i> gene
47	137897	F	47	137969	<i>ycf1</i> gene
57	137901	F	57	138171	<i>ycf1</i> gene
42	137902	F	42	137947	<i>ycf1</i> gene
42	137902	F	42	138118	<i>ycf1</i> gene
41	137903	F	41	138002	<i>ycf1</i> gene
63	137909	F	63	138080	<i>ycf1</i> gene
48	137924	F	48	138095	<i>ycf1</i> gene
61	137934	F	61	138105	<i>ycf1</i> gene
48	137947	F	48	137974	<i>ycf1</i> gene
53	137948	F	53	138002	<i>ycf1</i> gene
68	137949	F	68	138147	<i>ycf1</i> gene
40	137949	F	40	138075	<i>ycf1</i> gene
47	137952	F	47	138123	<i>ycf1</i> gene
56	137975	F	56	138002	<i>ycf1</i> gene
38	137979	F	38	138177	<i>ycf1</i> gene
41	137996	F	41	138023	<i>ycf1</i> gene
44	138003	F	44	138147	<i>ycf1</i> gene
40	138003	F	40	138075	<i>ycf1</i> gene
47	138006	F	47	138123	<i>ycf1</i> gene
42	138073	F	42	138145	<i>ycf1</i> gene
43	138123	F	43	138150	<i>ycf1</i> gene
427	141209	F	427	141327	IR:IG
309	141209	F	309	141445	IR:IG
191	141209	F	191	141563	IR:IG
73	141209	F	73	141681	IR:IG
42	151669	F	42	151704	IR:IG
49	156181	P	49	156181	IR:IG
41	157750	F	41	157816	<i>ycf2</i> gene
48	161573	F	48	161618	<i>ycf2</i> gene
36	161677	F	36	161704	<i>ycf2</i> gene
38	163442	F	38	165905	IR:IG
40	163487	F	40	163527	IR:IG
40	163487	F	40	165946	IR:IG
163	163496	F	163	165915	IR:IG
228	163509	F	228	165928	IR:IG
52	163536	F	52	165995	IR:IG
52	163536	F	52	163576	IR:IG
52	163576	F	52	165955	IR:IG

384	163589	F	384	166008	IR:IG
313	163660	F	313	166079	IR:IG
235	163738	F	235	166157	<i>trnM</i> gene
41	163932	F	41	166351	IR:IG
41	163932	F	41	164096	IR:IG
51	163997	F	51	166385	IR:IG
53	164102	F	53	166357	IR:IG
52	165955	F	52	165995	IR:IG

Passiflora deidamioides

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
30	226	P	30	39335	LSC:IG
41	780	P	41	780	LSC:IG
125	20352	F	125	20420	LSC:IG
65	20352	F	65	20488	LSC:IG
89	20388	F	89	20456	LSC:IG
48	20658	F	48	20712	LSC:IG
49	20658	F	49	20685	LSC:IG
61	20669	F	61	20696	LSC:IG
37	20669	F	37	20723	LSC:IG
34	20677	F	34	20731	LSC:IG
49	20681	F	49	20708	LSC:IG
81	32755	F	81	34979	<i>psaB</i> gene
41	32795	F	41	35019	<i>psaB</i> gene
40	36704	F	40	36744	LSC:IG
39	37967	F	39	100551	<i>ycf3</i> gene
39	37967	P	39	149935	<i>ycf3</i> gene
37	37967	F	37	128913	<i>ycf3</i> gene
33	39051	P	33	39051	LSC:IG
36	40420	R	36	40431	LSC:IG
37	40420	P	37	40431	LSC:IG
34	42295	F	34	42306	LSC:IG
43	42395	F	43	42420	LSC:IG
36	47929	P	36	47929	LSC:IG
84	51666	F	84	51756	<i>accD</i> gene
40	51666	F	40	51720	<i>accD</i> gene
79	51671	F	79	51743	<i>accD</i> gene
75	51671	F	75	51797	<i>accD</i> gene
53	51671	F	53	51779	<i>accD</i> gene
53	51671	F	53	51815	<i>accD</i> gene
44	51671	F	44	51689	<i>accD</i> gene
49	51679	F	49	51823	<i>accD</i> gene
45	51679	F	45	51733	<i>accD</i> gene

89	51680	F	89	51770	<i>accD</i> gene
66	51680	F	66	51806	<i>accD</i> gene
62	51680	F	62	51788	<i>accD</i> gene
52	51680	F	52	51698	<i>accD</i> gene
34	51680	F	34	51716	<i>accD</i> gene
71	51689	F	71	51761	<i>accD</i> gene
44	51689	F	44	51725	<i>accD</i> gene
48	51698	F	48	51824	<i>accD</i> gene
52	51698	F	52	51734	<i>accD</i> gene
52	51698	F	52	51752	<i>accD</i> gene
43	51707	F	43	51761	<i>accD</i> gene
44	51716	F	44	51752	<i>accD</i> gene
57	51725	F	57	51815	<i>accD</i> gene
53	51725	F	53	51797	<i>accD</i> gene
53	51734	F	53	51770	<i>accD</i> gene
53	51734	F	53	51806	<i>accD</i> gene
62	51743	F	62	51761	<i>accD</i> gene
49	51751	F	49	51823	<i>accD</i> gene
84	51752	F	84	51788	<i>accD</i> gene
80	51752	F	80	51770	<i>accD</i> gene
53	51752	F	53	51806	<i>accD</i> gene
30	51752	F	30	51842	<i>accD</i> gene
80	51761	F	80	51779	<i>accD</i> gene
75	51761	F	75	51797	<i>accD</i> gene
57	51761	F	57	51815	<i>accD</i> gene
39	51761	F	39	51833	<i>accD</i> gene
48	51770	F	48	51824	<i>accD</i> gene
48	51788	F	48	51824	<i>accD</i> gene
44	51806	F	44	51824	<i>accD</i> gene
49	52034	F	49	52100	<i>accD</i> gene
38	52045	F	38	52111	<i>accD</i> gene
46	52054	F	46	52120	<i>accD</i> gene
32	52068	F	32	52224	<i>accD</i> gene
32	52068	F	32	52251	<i>accD</i> gene
50	52129	F	50	52237	<i>accD</i> gene
96	52134	F	96	52143	<i>accD</i> gene
87	52134	F	87	52152	<i>accD</i> gene
87	52134	F	87	52179	<i>accD</i> gene
78	52134	F	78	52161	<i>accD</i> gene
78	52134	F	78	52188	<i>accD</i> gene
69	52134	F	69	52197	<i>accD</i> gene
60	52134	F	60	52206	<i>accD</i> gene
51	52134	F	51	52215	<i>accD</i> gene
41	52134	F	41	52224	<i>accD</i> gene

36	52134	F	36	52251	<i>accD</i> gene
90	52140	F	90	52176	<i>accD</i> gene
45	52143	F	45	52242	<i>accD</i> gene
111	52149	F	111	52176	<i>accD</i> gene
45	52152	F	45	52242	<i>accD</i> gene
81	52158	F	81	52176	<i>accD</i> gene
45	52161	F	45	52242	<i>accD</i> gene
72	52167	F	72	52176	<i>accD</i> gene
45	52170	F	45	52242	<i>accD</i> gene
84	52176	F	84	52203	<i>accD</i> gene
63	52176	F	63	52185	<i>accD</i> gene
63	52176	F	63	52194	<i>accD</i> gene
54	52176	F	54	52212	<i>accD</i> gene
45	52176	F	45	52221	<i>accD</i> gene
36	52176	F	36	52230	<i>accD</i> gene
45	52179	F	45	52242	<i>accD</i> gene
45	52188	F	45	52242	<i>accD</i> gene
42	52197	F	42	52242	<i>accD</i> gene
33	52206	F	33	52242	<i>accD</i> gene
55	52215	F	55	52242	<i>accD</i> gene
61	52486	F	61	52762	<i>accD</i> gene
49	52486	F	49	52738	<i>accD</i> gene
43	52486	F	43	52786	<i>accD</i> gene
37	52486	F	37	52510	<i>accD</i> gene
45	52490	F	45	52559	<i>accD</i> gene
33	52490	F	33	52544	<i>accD</i> gene
53	52491	F	53	52719	<i>accD</i> gene
50	52497	F	50	52749	<i>accD</i> gene
32	52497	F	32	52797	<i>accD</i> gene
44	52506	F	44	52560	<i>accD</i> gene
32	52506	F	32	52575	<i>accD</i> gene
39	52508	R	39	52790	<i>accD</i> gene
68	52512	R	68	52526	<i>accD</i> gene
63	52514	F	63	52529	<i>accD</i> gene
48	52514	F	48	52544	<i>accD</i> gene
33	52514	R	33	52514	<i>accD</i> gene
33	52514	F	33	52559	<i>accD</i> gene
36	52526	R	36	52568	<i>accD</i> gene
51	52529	R	51	52541	<i>accD</i> gene
38	52529	R	38	52785	<i>accD</i> gene
39	52529	F	39	52568	<i>accD</i> gene
33	52529	F	33	52790	<i>accD</i> gene
41	52536	F	41	52710	<i>accD</i> gene
38	52536	F	38	52665	<i>accD</i> gene

38	52536	F	38	52680	<i>accD</i> gene
38	52536	F	38	52695	<i>accD</i> gene
41	52541	R	41	52563	<i>accD</i> gene
38	52544	R	38	52785	<i>accD</i> gene
36	52544	R	36	52556	<i>accD</i> gene
33	52544	F	33	52766	<i>accD</i> gene
33	52544	F	33	52790	<i>accD</i> gene
44	52545	F	44	52659	<i>accD</i> gene
44	52545	F	44	52674	<i>accD</i> gene
44	52545	F	44	52689	<i>accD</i> gene
56	52551	F	56	52710	<i>accD</i> gene
38	52551	F	38	52566	<i>accD</i> gene
38	52556	R	38	52566	<i>accD</i> gene
33	52556	F	33	52655	<i>accD</i> gene
45	52559	F	45	52766	<i>accD</i> gene
39	52559	F	39	52790	<i>accD</i> gene
47	52560	F	47	52719	<i>accD</i> gene
41	52566	F	41	52749	<i>accD</i> gene
33	52571	R	33	52571	<i>accD</i> gene
32	52575	F	32	52734	<i>accD</i> gene
35	52598	F	35	52823	<i>accD</i> gene
134	52599	F	134	52614	<i>accD</i> gene
53	52599	F	53	52629	<i>accD</i> gene
38	52599	F	38	52644	<i>accD</i> gene
34	52614	F	34	52824	<i>accD</i> gene
34	52629	F	34	52824	<i>accD</i> gene
78	52640	F	78	52670	<i>accD</i> gene
63	52640	F	63	52685	<i>accD</i> gene
48	52640	F	48	52700	<i>accD</i> gene
78	52655	F	78	52670	<i>accD</i> gene
63	52655	F	63	52685	<i>accD</i> gene
48	52655	F	48	52700	<i>accD</i> gene
33	52655	F	33	52715	<i>accD</i> gene
65	52719	F	65	52767	<i>accD</i> gene
41	52719	F	41	52791	<i>accD</i> gene
83	52725	F	83	52749	<i>accD</i> gene
59	52749	F	59	52773	<i>accD</i> gene
35	52773	F	35	52797	<i>accD</i> gene
41	52903	R	41	52903	<i>accD</i> gene
32	52903	R	32	52903	<i>accD</i> gene
40	52903	R	40	52913	<i>accD</i> gene
42	52904	F	42	52913	<i>accD</i> gene
33	52904	F	33	52922	<i>accD</i> gene
63	54123	F	63	62454	LSC:IG:ACCD

53	54133	F	53	62464	LSC:IG:ACCD
42	54144	F	42	62475	LSC:IG:ACCD
53	54153	F	53	62484	LSC:IG:ACCD
31	63522	F	31	63588	LSC:IG
46	65584	F	46	65617	<i>clpP</i> gene
36	65648	F	36	65657	<i>clpP</i> gene
37	74071	F	37	74107	<i>rpoA</i> gene
33	82411	F	33	89061	LSC:IG
33	82411	P	33	161431	LSC:IG
62	82486	F	62	88973	LSC:IG
62	82486	P	62	161490	LSC:IG
43	82493	F	43	89247	LSC:IG
43	82493	P	43	161235	LSC:IG
35819	82572	P	35819	132134	IR
46	88980	F	46	89247	<i>ycf2</i> gene
46	88980	P	46	161232	<i>ycf2</i> gene
46	89247	P	46	161499	<i>ycf2</i> gene
36	89452	F	36	89470	<i>ycf2</i> gene
36	89452	P	36	161019	<i>ycf2</i> gene
36	89470	P	36	161037	<i>ycf2</i> gene
33	90967	F	33	90994	<i>ycf2</i> gene
33	90967	P	33	159498	<i>ycf2</i> gene
33	90994	P	33	159525	<i>ycf2</i> gene
48	91041	F	48	91086	<i>ycf2</i> gene
48	91041	P	48	159391	<i>ycf2</i> gene
42	91053	F	42	91098	<i>ycf2</i> gene
42	91053	P	42	159385	<i>ycf2</i> gene
33	91062	F	33	91107	<i>ycf2</i> gene
33	91062	P	33	159385	<i>ycf2</i> gene
48	91086	P	48	159436	<i>ycf2</i> gene
42	91098	P	42	159430	<i>ycf2</i> gene
33	91107	P	33	159430	<i>ycf2</i> gene
34	94875	F	34	94938	<i>ycf2</i> gene
34	94875	P	34	155553	<i>ycf2</i> gene
34	94938	P	34	155616	<i>ycf2</i> gene
49	96503	P	49	96503	IR:IG
49	96503	F	49	153973	IR:IG
39	100549	F	39	128911	IR:IG
156	104218	F	156	104333	IR:IG
156	104218	P	156	146036	IR:IG
141	104218	F	141	104563	IR:IG
141	104218	P	141	145821	IR:IG
41	104218	F	41	104448	IR:IG
41	104218	P	41	146036	IR:IG

352	104237	F	352	104352	IR:IG
352	104237	P	352	145821	IR:IG
237	104237	F	237	104467	IR:IG
237	104237	P	237	145821	IR:IG
122	104237	F	122	104582	IR:IG
122	104237	P	122	145821	IR:IG
120	104239	F	120	104644	IR:IG
120	104239	P	120	145761	IR:IG
91	104239	F	91	104704	IR:IG
91	104239	P	91	145730	IR:IG
60	104239	F	60	104299	IR:IG
60	104239	F	60	104414	IR:IG
60	104239	F	60	104529	IR:IG
60	104239	P	60	145936	IR:IG
60	104239	P	60	146051	IR:IG
60	104239	P	60	146166	IR:IG
31	104239	F	31	104764	IR:IG
31	104239	P	31	145730	IR:IG
344	104245	F	344	104360	IR:IG
344	104245	P	344	145821	IR:IG
229	104245	F	229	104475	IR:IG
229	104245	P	229	145821	IR:IG
114	104245	F	114	104590	IR:IG
114	104245	P	114	145821	IR:IG
214	104260	F	214	104490	IR:IG
214	104260	P	214	145821	IR:IG
60	104299	F	60	104354	IR:IG
60	104299	F	60	104584	IR:IG
60	104299	P	60	145881	IR:IG
60	104299	P	60	146111	IR:IG
60	104299	F	60	104469	IR:IG
60	104299	P	60	145996	IR:IG
60	104299	P	60	146226	IR:IG
39	104320	F	39	104490	IR:IG
39	104320	P	39	145996	IR:IG
156	104333	P	156	146151	IR:IG
352	104352	P	352	145936	IR:IG
120	104354	F	120	104644	IR:IG
120	104354	P	120	145761	IR:IG
91	104354	F	91	104704	IR:IG
91	104354	P	91	145730	IR:IG
60	104354	F	60	104414	IR:IG
60	104354	F	60	104529	IR:IG
60	104354	P	60	145936	IR:IG

60	104354	P	60	146051	IR:IG
60	104354	P	60	146166	IR:IG
344	104360	P	344	145936	IR:IG
214	104375	F	214	104490	IR:IG
214	104375	P	214	145821	IR:IG
60	104414	F	60	104584	IR:IG
60	104414	P	60	145881	IR:IG
60	104414	P	60	146111	IR:IG
60	104414	F	60	104469	IR:IG
60	104414	P	60	145996	IR:IG
60	104414	P	60	146226	IR:IG
39	104435	F	39	104490	IR:IG
39	104435	P	39	145996	IR:IG
41	104448	P	41	146266	IR:IG
237	104467	P	237	146051	IR:IG
120	104469	F	120	104644	IR:IG
120	104469	P	120	145761	IR:IG
91	104469	F	91	104704	IR:IG
91	104469	P	91	145730	IR:IG
60	104469	F	60	104529	IR:IG
60	104469	P	60	145936	IR:IG
60	104469	P	60	146051	IR:IG
60	104469	P	60	146166	IR:IG
229	104475	P	229	146051	IR:IG
214	104490	P	214	146051	IR:IG
214	104490	P	214	145936	IR:IG
99	104490	F	99	104605	IR:IG
99	104490	F	99	104665	IR:IG
99	104490	P	99	145761	IR:IG
99	104490	P	99	145821	IR:IG
70	104490	F	70	104725	IR:IG
70	104490	P	70	145730	IR:IG
39	104490	F	39	104550	IR:IG
39	104490	P	39	145936	IR:IG
39	104490	P	39	146051	IR:IG
39	104490	P	39	146166	IR:IG
60	104529	F	60	104584	IR:IG
60	104529	P	60	145881	IR:IG
60	104529	P	60	146111	IR:IG
60	104529	P	60	145996	IR:IG
60	104529	P	60	146226	IR:IG
39	104550	P	39	145996	IR:IG
141	104563	P	141	146166	IR:IG
122	104582	P	122	146166	IR:IG

151	104584	F	151	104644	IR:IG
151	104584	P	151	145730	IR:IG
91	104584	F	91	104704	IR:IG
91	104584	P	91	145730	IR:IG
60	104584	P	60	145936	IR:IG
60	104584	P	60	146051	IR:IG
60	104584	P	60	146166	IR:IG
114	104590	P	114	146166	IR:IG
99	104605	P	99	145936	IR:IG
151	104644	P	151	145790	IR:IG
120	104644	P	120	146051	IR:IG
120	104644	P	120	145936	IR:IG
120	104644	P	120	146166	IR:IG
99	104665	P	99	145936	IR:IG
91	104704	P	91	145850	IR:IG
91	104704	P	91	146080	IR:IG
91	104704	P	91	145965	IR:IG
91	104704	P	91	146195	IR:IG
70	104725	P	70	145965	IR:IG
31	104764	P	31	146255	IR:IG
56	111467	F	56	111489	IR:IG
56	111467	P	56	138980	IR:IG
34	111467	F	34	111511	IR:IG
34	111467	P	34	138980	IR:IG
56	111489	P	56	139002	IR:IG
34	111511	P	34	139024	IR:IG
72	111658	F	72	111736	IR:IG
72	111658	P	72	138717	IR:IG
72	111658	F	72	111697	IR:IG
72	111658	P	72	138756	IR:IG
42	111658	F	42	111775	IR:IG
42	111658	P	42	138708	IR:IG
33	111667	F	33	111835	IR:IG
33	111667	P	33	138657	IR:IG
83	111695	F	83	111734	IR:IG
83	111695	P	83	138708	IR:IG
72	111697	P	72	138795	IR:IG
33	111706	F	33	111835	IR:IG
33	111706	P	33	138657	IR:IG
83	111734	P	83	138747	IR:IG
44	111734	F	44	111773	IR:IG
44	111734	P	44	138708	IR:IG
72	111736	P	72	138795	IR:IG
33	111745	F	33	111835	IR:IG

33	111745	P	33	138657	IR:IG
44	111773	P	44	138747	IR:IG
42	111775	P	42	138825	IR:IG
62	111784	F	62	111835	IR:IG
62	111784	P	62	138628	IR:IG
62	111835	P	62	138679	IR:IG
33	111835	P	33	138747	IR:IG
33	111835	P	33	138825	IR:IG
33	111835	P	33	138786	IR:IG
47	115835	F	47	115874	<i>ycfI</i> gene
47	115835	P	47	134604	<i>ycfI</i> gene
47	115874	P	47	134643	<i>ycfI</i> gene
54	125473	P	54	125473	SSC:IG
34	127583	P	34	127583	SSC:IG
39	128911	P	39	149937	<i>ndhA</i> gene
47	134604	F	47	134643	<i>ycfI</i> gene
62	138628	F	62	138679	IR:IG
33	138657	F	33	138747	IR:IG
33	138657	F	33	138825	IR:IG
33	138657	F	33	138786	IR:IG
83	138708	F	83	138747	IR:IG
42	138708	F	42	138825	IR:IG
72	138717	F	72	138795	IR:IG
72	138756	F	72	138795	IR:IG
33	138795	F	33	138834	IR:IG
56	138980	F	56	139002	IR:IG
34	138980	F	34	139024	IR:IG
151	145730	F	151	145790	IR:IG
91	145730	F	91	145850	IR:IG
91	145730	F	91	146080	IR:IG
91	145730	F	91	145965	IR:IG
91	145730	F	91	146195	IR:IG
31	145730	F	31	146255	IR:IG
70	145751	F	70	145871	IR:IG
70	145751	F	70	146101	IR:IG
70	145751	F	70	145986	IR:IG
70	145751	F	70	146216	IR:IG
125	145756	F	125	145816	IR:IG
120	145761	F	120	146051	IR:IG
120	145761	F	120	145936	IR:IG
120	145761	F	120	146166	IR:IG
352	145821	F	352	145936	IR:IG
237	145821	F	237	146051	IR:IG
141	145821	F	141	146166	IR:IG

60	145881	F	60	145936	IR:IG
60	145881	F	60	146051	IR:IG
60	145881	F	60	146166	IR:IG
252	145921	F	252	146036	IR:IG
60	145936	F	60	146111	IR:IG
60	145936	F	60	145996	IR:IG
60	145936	F	60	146226	IR:IG
60	145996	F	60	146051	IR:IG
60	145996	F	60	146166	IR:IG
156	146036	F	156	146151	IR:IG
41	146036	F	41	146266	IR:IG
60	146051	F	60	146111	IR:IG
60	146051	F	60	146226	IR:IG
60	146111	F	60	146166	IR:IG
60	146166	F	60	146226	IR:IG
49	153973	P	49	153973	IR:IG
34	155553	F	34	155616	<i>ycf2</i> gene
48	159391	F	48	159436	<i>ycf2</i> gene
33	159498	F	33	159525	<i>ycf2</i> gene
36	161019	F	36	161037	<i>ycf2</i> gene
46	161232	F	46	161499	<i>ycf2</i> gene

Passiflora alata

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
56	7158	F	56	7236	LSC:IG
30	7493	F	30	53912	LSC:IG
47	8038	P	47	8038	LSC:IG
31	9123	P	31	62870	LSC:IG
31	9844	F	31	9864	LSC:IG
38	9905	P	38	9905	LSC:IG
35	9918	F	35	9950	LSC:IG
32	26844	P	32	73318	LSC:IG
30	26846	P	30	73257	LSC:IG
30	26946	P	30	73374	LSC:IG
33	27472	F	33	27481	<i>clpP</i> gene
33	27480	F	33	27489	<i>clpP</i> gene
30	27489	F	30	27498	<i>clpP</i> gene
44	30443	F	44	38815	LSC:IG
47	30486	F	47	38859	LSC:IG
31	30502	F	31	38875	LSC:IG
31	37246	R	31	37246	LSC:IG
30	40139	F	30	40349	<i>accD</i> gene
30	40158	F	30	40353	<i>accD</i> gene

33	40179	F	33	40194	<i>accD</i> gene
33	40179	F	33	40254	<i>accD</i> gene
66	40184	F	66	40244	<i>accD</i> gene
32	40188	F	32	40203	<i>accD</i> gene
32	40188	F	32	40263	<i>accD</i> gene
33	40199	F	33	40244	<i>accD</i> gene
33	40218	F	33	40347	<i>accD</i> gene
33	40244	F	33	40259	<i>accD</i> gene
32	40278	F	32	40347	<i>accD</i> gene
33	40284	F	33	40314	<i>accD</i> gene
47	40285	F	47	40300	<i>accD</i> gene
32	40300	F	32	40315	<i>accD</i> gene
30	40314	F	30	40353	<i>accD</i> gene
52	40526	F	52	40658	<i>accD</i> gene
82	40559	F	82	40586	<i>accD</i> gene
55	40559	F	55	40613	<i>accD</i> gene
30	40559	F	30	40640	<i>accD</i> gene
74	40567	F	74	40594	<i>accD</i> gene
47	40567	F	47	40621	<i>accD</i> gene
61	40860	F	61	41004	LSC:IG:ACCD
31	40864	F	31	41338	LSC:IG:ACCD
46	40875	F	46	41019	LSC:IG:ACCD
96	40895	F	96	41321	LSC:IG:ACCD
36	40898	F	36	40994	LSC:IG:ACCD
75	40902	F	75	40950	LSC:IG:ACCD
41	40902	F	41	41376	LSC:IG:ACCD
79	40912	F	79	41338	LSC:IG:ACCD
65	40926	F	65	41352	LSC:IG:ACCD
61	40930	F	61	40978	LSC:IG:ACCD
70	40960	F	70	41338	LSC:IG:ACCD
63	40978	F	63	41356	LSC:IG:ACCD
32	40998	F	32	41328	LSC:IG:ACCD
30	41063	F	30	41111	LSC:IG:ACCD
49	41065	F	49	41089	LSC:IG:ACCD
33	41124	F	33	41301	LSC:IG:ACCD
31	41338	F	31	41386	LSC:IG:ACCD
50	41715	F	50	41754	LSC:IG:ACCD
62	45323	P	62	45323	LSC:IG
31	47260	F	31	47305	<i>atpB</i> gene
35	47337	R	35	47337	LSC:IG
31	50642	F	31	50672	LSC:IG
30	50880	F	30	50909	LSC:IG
30	50999	P	30	50999	LSC:IG
33	54181	P	33	54181	LSC:IG

39	55257	P	39	94992	<i>ycf3</i> gene
39	55257	P	39	120283	<i>ycf3</i> gene
39	55257	F	39	138278	<i>ycf3</i> gene
32	56471	R	32	56471	LSC:IG
31	56497	R	31	73815	LSC:IG
34	56516	F	34	56537	LSC:IG
32	56561	P	32	56561	LSC:IG
32	56575	P	32	56575	LSC:IG
57	56677	F	57	56697	LSC:IG
41	56677	F	41	56717	LSC:IG
43	56695	F	43	56715	LSC:IG
79	58391	F	79	60615	<i>psaA</i> gene
67	58403	F	67	60627	<i>psaA</i> gene
39	58431	F	39	60655	<i>psaA</i> gene
30	62034	F	30	62056	LSC:IG
30	68409	F	30	68428	LSC:IG
48	68883	P	48	68883	LSC:IG
33	72922	F	33	73047	LSC:IG
56	73231	F	56	73292	LSC:IG
44	75711	P	44	75711	LSC:IG
24372	85536	P	24372	123401	IR
35	86767	F	35	86785	<i>rpl2</i> gene
35	86767	P	35	146489	<i>rpl2</i> gene
35	86785	P	35	146507	<i>rpl2</i> gene
49	90950	P	49	90950	IR:IG
49	90950	F	49	142310	IR:IG
42	94990	F	42	120281	IR:IG
123	106909	F	123	106972	<i>ycf1</i> gene
123	106909	P	123	126214	<i>ycf1</i> gene
60	106909	F	60	107035	<i>ycf1</i> gene
60	106909	P	60	126214	<i>ycf1</i> gene
123	106972	P	123	126277	<i>ycf1</i> gene
60	107035	P	60	126340	<i>ycf1</i> gene
32	108388	F	32	108559	<i>ycf1</i> gene
32	108388	P	32	124718	<i>ycf1</i> gene
31	108406	F	31	108424	<i>ycf1</i> gene
31	108406	P	31	124854	<i>ycf1</i> gene
31	108424	P	31	124872	<i>ycf1</i> gene
33	108551	F	33	108569	<i>ycf1</i> gene
33	108551	P	33	124707	<i>ycf1</i> gene
32	108559	P	32	124889	<i>ycf1</i> gene
33	108569	P	33	124725	<i>ycf1</i> gene
30	114640	P	30	114648	SSC:IG
54	116832	P	54	116832	SSC:IG

42	120281	P	42	138277	<i>ndhA</i> gene
33	124707	F	33	124725	<i>ycfI</i> gene
32	124718	F	32	124889	<i>ycfI</i> gene
31	124854	F	31	124872	<i>ycfI</i> gene
123	126214	F	123	126277	<i>ycfI</i> gene
60	126214	F	60	126340	<i>ycfI</i> gene
49	142310	P	49	142310	IR:IG
35	146489	F	35	146507	<i>rpl2</i> gene

Passiflora cristalina

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
30	1627	F	30	1654	LSC:IG
32	4948	F	32	4991	LSC:IG
30	7467	F	30	53927	LSC:IG
47	8022	P	47	8022	LSC:IG
31	9105	P	31	62794	<i>trnG</i> gene
32	9894	P	32	9894	LSC:IG
30	26773	P	30	73478	LSC:IG
31	27413	F	31	27440	<i>clpP</i> gene
34	30366	F	34	38782	LSC:IG
47	30409	F	47	38827	LSC:IG
31	30425	F	31	38843	LSC:IG
32	31471	F	32	31499	LSC:IG
30	34111	F	30	103031	LSC:IG
30	34111	P	30	127656	LSC:IG
33	37196	F	33	37210	LSC:IG
31	37197	R	31	37197	LSC:IG
31	37197	R	31	37211	LSC:IG
33	40100	F	33	40115	<i>accD</i> gene
30	40115	F	30	40244	<i>accD</i> gene
32	40136	F	32	40151	<i>accD</i> gene
42	40196	F	42	40220	<i>accD</i> gene
37	40417	F	37	40495	<i>accD</i> gene
50	40446	F	50	40515	<i>accD</i> gene
34	40462	F	34	40531	<i>accD</i> gene
102	40715	F	102	40763	LSC:IG:ACCD
54	40715	F	54	40811	LSC:IG:ACCD
31	40846	F	31	40918	LSC:IG:ACCD
30	40861	F	30	40885	LSC:IG:ACCD
33	40898	F	33	41153	LSC:IG:ACCD
34	41265	F	34	41280	LSC:IG:ACCD
50	41612	F	50	41651	LSC:IG:ACCD
66	41726	F	66	41770	LSC:IG:ACCD

57	41735	F	57	41779	LSC:IG:ACCD
62	45273	P	62	45273	LSC:IG
31	47210	F	31	47255	<i>atpB</i> gene
30	47739	F	30	47740	LSC:IG
31	48193	F	31	48212	LSC:IG
35	50872	F	35	50901	LSC:IG
33	54196	P	33	54196	LSC:IG
39	55271	P	39	93613	<i>ycf3</i> gene
39	55271	P	39	119007	<i>ycf3</i> gene
39	55271	F	39	137065	<i>ycf3</i> gene
30	56475	R	30	56475	LSC:IG
32	56507	R	32	117668	LSC:IG
30	56516	P	30	56516	LSC:IG
79	58316	F	79	60540	<i>psaA</i> gene
67	58328	F	67	60552	<i>psaA</i> gene
39	58356	F	39	60580	<i>psaA</i> gene
30	61959	F	30	61981	LSC:IG
30	62939	F	30	62964	LSC:IG
36	72909	F	36	73039	LSC:IG
36	72909	F	36	73133	LSC:IG
32	72913	F	32	72990	LSC:IG
32	72913	F	32	73207	LSC:IG
50	72965	F	50	73182	LSC:IG
59	72980	F	59	73197	LSC:IG
70	72990	F	70	73137	LSC:IG
49	72990	F	49	73043	LSC:IG
57	73003	F	57	73150	LSC:IG
36	73003	F	36	73056	LSC:IG
36	73003	F	36	73220	LSC:IG
83	73009	F	83	73103	LSC:IG
30	73030	F	30	73177	LSC:IG
49	73043	F	49	73207	LSC:IG
32	73050	F	32	73091	LSC:IG
30	73062	F	30	73103	LSC:IG
30	73062	F	30	73226	LSC:IG
42	73091	F	42	73214	LSC:IG
32	73091	F	32	73144	LSC:IG
32	73101	F	32	73224	LSC:IG
51	73103	F	51	73156	LSC:IG
30	73124	F	30	73177	LSC:IG
49	73137	F	49	73207	LSC:IG
30	73156	F	30	73226	LSC:IG
119	73314	F	119	73387	LSC:IG
46	73314	F	46	73460	LSC:IG

22931	85663	P	22931	122123	IR
38	86926	F	38	86962	<i>rpl2</i> gene
38	86926	P	38	143717	<i>rpl2</i> gene
53	86929	F	53	86947	<i>rpl2</i> gene
53	86929	P	53	143717	<i>rpl2</i> gene
53	86947	P	53	143735	<i>rpl2</i> gene
35	86947	F	35	86965	<i>rpl2</i> gene
35	86947	P	35	143717	<i>rpl2</i> gene
38	86962	P	38	143753	<i>rpl2</i> gene
35	86965	P	35	143735	<i>rpl2</i> gene
49	89565	P	49	89565	IR:IG
49	89565	F	49	141103	IR:IG
42	93611	F	42	119005	<i>rps7</i> gene
35	103803	F	35	103843	IR:IG
35	103803	P	35	126839	IR:IG
32	103811	F	32	103880	IR:IG
32	103811	P	32	126805	IR:IG
35	103843	P	35	126879	IR:IG
37	103851	F	37	103880	IR:IG
37	103851	P	37	126800	IR:IG
37	103880	P	37	126829	IR:IG
32	103880	P	32	126874	IR:IG
123	105585	F	123	105648	<i>ycf1</i> gene
123	105585	P	123	124946	<i>ycf1</i> gene
60	105585	F	60	105711	<i>ycf1</i> gene
60	105585	P	60	124946	<i>ycf1</i> gene
123	105648	P	123	125009	<i>ycf1</i> gene
60	105711	P	60	125072	<i>ycf1</i> gene
32	107064	F	32	107235	<i>ycf1</i> gene
32	107064	P	32	123450	<i>ycf1</i> gene
31	107082	F	31	107100	<i>ycf1</i> gene
31	107082	P	31	123586	<i>ycf1</i> gene
31	107100	P	31	123604	<i>ycf1</i> gene
33	107227	F	33	107245	<i>ycf1</i> gene
33	107227	P	33	123439	<i>ycf1</i> gene
32	107235	P	32	123621	<i>ycf1</i> gene
33	107245	P	33	123457	<i>ycf1</i> gene
30	108742	F	30	108763	IR:IG
30	108837	F	30	108853	IR:IG
54	115542	P	54	115542	IR:IG
42	119005	P	42	137064	<i>ndhA</i> gene
33	123439	F	33	123457	<i>ycf1</i> gene
32	123450	F	32	123621	<i>ycf1</i> gene
31	123586	F	31	123604	<i>ycf1</i> gene

123	124946	F	123	125009	<i>ycf1</i> gene
60	124946	F	60	125072	<i>ycf1</i> gene
37	126800	F	37	126829	IR:IG
32	126805	F	32	126874	IR:IG
35	126839	F	35	126879	IR:IG
49	141103	P	49	141103	IR:IG
53	143717	F	53	143735	<i>rpl2</i> gene
38	143717	F	38	143753	<i>rpl2</i> gene

Passiflora edmundoi

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
32	4950	F	32	5000	LSC:IG
31	5343	P	31	5343	LSC:IG
30	6705	F	30	53967	LSC:IG
47	7255	P	47	7255	LSC:IG
31	8342	P	31	62800	<i>trnG</i> gene
42	8557	F	42	8578	LSC:IG
34	8565	F	34	8586	LSC:IG
30	12903	F	30	12918	LSC:IG
32	26621	F	32	26696	LSC:IG
39	26631	P	39	73254	LSC:IG
44	26640	P	44	73240	LSC:IG
32	26655	P	32	73237	LSC:IG
44	30226	F	44	38567	LSC:IG
33	37000	F	33	37014	LSC:IG
31	37001	R	31	37001	LSC:IG
31	37001	R	31	37015	LSC:IG
31	39902	F	31	40310	<i>accD</i> gene
31	39943	F	31	40018	<i>accD</i> gene
55	39946	R	55	39963	<i>accD</i> gene
54	39946	F	54	39988	<i>accD</i> gene
39	39946	R	39	39946	<i>accD</i> gene
30	39946	R	30	39946	<i>accD</i> gene
35	39947	F	35	40169	<i>accD</i> gene
45	39948	R	45	40004	<i>accD</i> gene
33	39949	F	33	40213	<i>accD</i> gene
44	39957	R	44	40005	<i>accD</i> gene
35	39961	F	35	40003	<i>accD</i> gene
31	39962	R	31	39962	<i>accD</i> gene
31	39962	R	31	40004	<i>accD</i> gene
30	39962	F	30	39971	<i>accD</i> gene
31	39962	F	31	40013	<i>accD</i> gene
30	39962	F	30	40430	<i>accD</i> gene

31	39968	R	31	40424	<i>accD</i> gene
33	39970	F	33	40429	<i>accD</i> gene
45	39971	F	45	40004	<i>accD</i> gene
30	39971	R	30	39972	<i>accD</i> gene
30	39971	R	30	40014	<i>accD</i> gene
31	39980	F	31	40268	<i>accD</i> gene
31	39980	F	31	40292	<i>accD</i> gene
31	39989	F	31	40169	<i>accD</i> gene
45	39990	R	45	40004	<i>accD</i> gene
33	39991	F	33	40213	<i>accD</i> gene
34	39991	F	34	40255	<i>accD</i> gene
31	39994	F	31	40282	<i>accD</i> gene
31	40004	F	31	40013	<i>accD</i> gene
30	40004	F	30	40430	<i>accD</i> gene
31	40005	R	31	40429	<i>accD</i> gene
36	40006	R	36	40006	<i>accD</i> gene
35	40007	F	35	40424	<i>accD</i> gene
30	40012	F	30	40420	<i>accD</i> gene
30	40019	R	30	40170	<i>accD</i> gene
33	40025	F	33	40157	<i>accD</i> gene
30	40028	F	30	40202	<i>accD</i> gene
30	40028	F	30	40244	<i>accD</i> gene
39	40030	F	39	40099	<i>accD</i> gene
51	40036	F	51	40051	<i>accD</i> gene
36	40036	F	36	40066	<i>accD</i> gene
41	40046	F	41	40061	<i>accD</i> gene
33	40051	F	33	40105	<i>accD</i> gene
33	40066	F	33	40105	<i>accD</i> gene
32	40076	F	32	40115	<i>accD</i> gene
75	40163	F	75	40205	<i>accD</i> gene
33	40163	F	33	40247	<i>accD</i> gene
67	40171	F	67	40213	<i>accD</i> gene
50	40258	F	50	40282	<i>accD</i> gene
30	40258	F	30	40306	<i>accD</i> gene
49	40402	F	49	40411	<i>accD</i> gene
32	40410	F	32	40428	<i>accD</i> gene
32	40419	F	32	40428	<i>accD</i> gene
103	40498	F	103	40549	<i>accD</i> gene
52	40498	F	52	40600	<i>accD</i> gene
41	40509	F	41	40611	<i>accD</i> gene
41	40560	F	41	40611	<i>accD</i> gene
30	40808	F	30	41519	LSC:IG:ACCD
30	40808	F	30	41567	LSC:IG:ACCD
40	40831	F	40	40900	LSC:IG:ACCD

31	40840	F	31	40909	LSC:IG:ACCD
32	40875	F	32	41469	LSC:IG:ACCD
37	40927	F	37	40996	LSC:IG:ACCD
37	40927	F	37	41404	LSC:IG:ACCD
30	40927	F	30	41350	LSC:IG:ACCD
33	40931	F	33	41054	LSC:IG:ACCD
33	40931	F	33	41456	LSC:IG:ACCD
31	40931	F	31	41204	LSC:IG:ACCD
30	40935	F	30	41106	LSC:IG:ACCD
30	40935	F	30	41412	LSC:IG:ACCD
63	40983	F	63	41391	LSC:IG:ACCD
42	40983	F	42	41337	LSC:IG:ACCD
49	41002	F	49	41206	LSC:IG:ACCD
49	41002	F	49	41410	LSC:IG:ACCD
38	41002	F	38	41056	LSC:IG:ACCD
37	41002	F	37	41458	LSC:IG:ACCD
38	41002	F	38	41254	LSC:IG:ACCD
33	41002	F	33	41356	LSC:IG:ACCD
39	41003	F	39	41105	LSC:IG:ACCD
43	41003	F	43	41153	LSC:IG:ACCD
34	41012	F	34	41264	LSC:IG:ACCD
53	41027	F	53	41177	LSC:IG:ACCD
46	41048	F	46	41198	LSC:IG:ACCD
51	41051	F	51	41249	LSC:IG:ACCD
42	41051	F	42	41453	LSC:IG:ACCD
43	41051	F	43	41147	LSC:IG:ACCD
63	41054	F	63	41408	LSC:IG:ACCD
35	41054	F	35	41354	LSC:IG:ACCD
87	41057	F	87	41105	LSC:IG:ACCD
45	41066	F	45	41264	LSC:IG:ACCD
60	41081	F	60	41435	LSC:IG:ACCD
36	41091	F	36	41343	LSC:IG:ACCD
54	41095	F	54	41143	LSC:IG:ACCD
46	41095	F	46	41449	LSC:IG:ACCD
36	41097	F	36	41247	LSC:IG:ACCD
71	41105	F	71	41411	LSC:IG:ACCD
47	41105	F	47	41207	LSC:IG:ACCD
36	41105	F	36	41459	LSC:IG:ACCD
36	41114	F	36	41264	LSC:IG:ACCD
52	41129	F	52	41435	LSC:IG:ACCD
30	41129	F	30	41231	LSC:IG:ACCD
31	41145	F	31	41247	LSC:IG:ACCD
50	41147	F	50	41201	LSC:IG:ACCD
48	41153	F	48	41411	LSC:IG:ACCD

37	41153	F	37	41255	LSC:IG:ACCD
36	41153	F	36	41459	LSC:IG:ACCD
32	41153	F	32	41357	LSC:IG:ACCD
43	41201	F	43	41249	LSC:IG:ACCD
42	41201	F	42	41453	LSC:IG:ACCD
57	41204	F	57	41408	LSC:IG:ACCD
35	41204	F	35	41354	LSC:IG:ACCD
36	41216	F	36	41264	LSC:IG:ACCD
46	41231	F	46	41279	LSC:IG:ACCD
31	41236	F	31	41440	LSC:IG:ACCD
36	41247	F	36	41451	LSC:IG:ACCD
30	41247	F	30	41295	LSC:IG:ACCD
31	41252	F	31	41408	LSC:IG:ACCD
36	41264	F	36	41420	LSC:IG:ACCD
30	41264	F	30	41468	LSC:IG:ACCD
30	41279	F	30	41435	LSC:IG:ACCD
78	41301	F	78	41355	LSC:IG:ACCD
84	41312	F	84	41366	LSC:IG:ACCD
30	41312	F	30	41420	LSC:IG:ACCD
32	41347	F	32	41449	LSC:IG:ACCD
43	41404	F	43	41452	LSC:IG:ACCD
89	41476	F	89	41524	LSC:IG:ACCD
41	41476	F	41	41572	LSC:IG:ACCD
62	45319	P	62	45319	LSC:IG
42	47245	F	42	47290	<i>atpB</i> gene
31	47256	F	31	47301	<i>atpB</i> gene
30	47662	F	30	47687	LSC:IG
44	47728	F	44	47750	LSC:IG
33	54240	P	33	54240	LSC:IG
39	55311	P	39	94573	<i>ycf3</i> gene
39	55311	P	39	117752	<i>ycf3</i> gene
39	55311	F	39	133693	<i>ycf3</i> gene
37	56655	F	37	56675	LSC:IG
79	58343	F	79	60567	<i>psaA</i> gene
67	58355	F	67	60579	<i>psaA</i> gene
39	58383	F	39	60607	<i>psaA</i> gene
62	73104	F	62	73224	LSC:IG
118	73108	F	118	73168	LSC:IG
44	75652	P	44	75652	LSC:IG
30	78316	F	30	112676	LSC:IG
32	85533	F	32	85572	LSC:IG
32	85533	P	32	142701	LSC:IG
30	85542	F	30	85552	LSC:IG
33	85544	R	33	85544	LSC:IG

33	85559	F	33	85581	LSC:IG
33	85559	P	33	142691	LSC:IG
21928	85568	P	21928	120809	IR
35	86827	F	35	86845	<i>rpl2</i> gene
35	86827	P	35	141425	<i>rpl2</i> gene
35	86845	P	35	141443	<i>rpl2</i> gene
49	90524	P	49	90524	IR:IG
49	90524	F	49	137732	IR:IG
42	94571	F	42	117750	IR:IG
30	95396	F	30	95406	IR:IG
30	95396	P	30	132869	IR:IG
30	95406	P	30	132879	IR:IG
54	114253	P	54	114253	SSC:IG
32	116200	F	32	116225	SSC:IG
32	116409	F	32	116413	SSC:IG
31	116412	R	31	116412	SSC:IG
30	116441	F	30	116456	SSC:IG
42	117750	P	42	133692	<i>ndhA</i> gene
30	132869	F	30	132879	IR:IG
49	137732	P	49	137732	IR:IG
35	141425	F	35	141443	<i>rpl2</i> gene

Passiflora loefgrenii

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
63	4962	F	63	4993	LSC:IG
32	4962	F	32	5024	LSC:IG
30	7578	F	30	54643	LSC:IG
47	8141	P	47	8141	LSC:IG
31	9223	P	31	63492	<i>trnG</i> gene
30	13736	F	30	13751	LSC:IG
41	27228	F	41	27272	LSC:IG
38	27501	F	38	27575	LSC:IG
46	31157	F	46	39488	LSC:IG
31	31172	F	31	39503	LSC:IG
35	31820	P	35	31820	LSC:IG
31	37873	R	31	37873	LSC:IG
36	40752	F	36	40773	<i>accD</i> gene
31	40806	F	31	40911	<i>accD</i> gene
30	40806	F	30	40839	<i>accD</i> gene
36	40807	F	36	41170	<i>accD</i> gene
44	40825	F	44	40897	<i>accD</i> gene
31	40831	F	31	41083	<i>accD</i> gene
30	40839	F	30	40848	<i>accD</i> gene

30	40849	F	30	40984	<i>accD</i> gene
63	40852	F	63	41119	<i>accD</i> gene
30	40854	F	30	40917	<i>accD</i> gene
30	40863	F	30	41097	<i>accD</i> gene
30	40863	F	30	40965	<i>accD</i> gene
30	40885	F	30	41152	<i>accD</i> gene
32	40888	F	32	40945	<i>accD</i> gene
32	40888	F	32	41194	<i>accD</i> gene
31	40903	F	31	41083	<i>accD</i> gene
31	40917	F	31	41121	<i>accD</i> gene
51	40930	F	51	41179	<i>accD</i> gene
38	40948	F	38	41158	<i>accD</i> gene
54	40960	F	54	41092	<i>accD</i> gene
30	40965	F	30	41130	<i>accD</i> gene
46	40968	F	46	41100	<i>accD</i> gene
31	40989	F	31	41052	<i>accD</i> gene
35	40993	F	35	41017	<i>accD</i> gene
44	40998	F	44	41037	<i>accD</i> gene
30	41022	F	30	41037	<i>accD</i> gene
32	41074	F	32	41314	<i>accD</i> gene
30	41097	F	30	41130	<i>accD</i> gene
33	41158	F	33	41197	<i>accD</i> gene
40	41295	F	40	41304	<i>accD</i> gene
31	41295	F	31	41313	<i>accD</i> gene
32	41303	F	32	41312	<i>accD</i> gene
103	41382	F	103	41433	<i>accD</i> gene
52	41382	F	52	41484	<i>accD</i> gene
31	41781	F	31	41850	LSC:IG:ACCD
40	41802	F	40	41871	LSC:IG:ACCD
39	41878	F	39	41932	LSC:IG:ACCD
39	41878	F	39	41986	LSC:IG:ACCD
39	41878	F	39	42250	LSC:IG:ACCD
39	41878	F	39	42304	LSC:IG:ACCD
31	41878	F	31	42142	LSC:IG:ACCD
36	41888	F	36	42152	LSC:IG:ACCD
34	41890	F	34	42208	LSC:IG:ACCD
33	41891	F	33	42101	LSC:IG:ACCD
137	41910	F	137	42228	LSC:IG:ACCD
37	41910	F	37	42120	LSC:IG:ACCD
31	41910	F	31	42066	LSC:IG:ACCD
31	41910	F	31	42174	LSC:IG:ACCD
50	41926	F	50	41980	LSC:IG:ACCD
50	41926	F	50	42298	LSC:IG:ACCD
45	41926	F	45	42136	LSC:IG:ACCD

117	41930	F	117	42248	LSC:IG:ACCD
30	41942	F	30	42152	LSC:IG:ACCD
54	41976	F	54	42240	LSC:IG:ACCD
49	41976	F	49	42132	LSC:IG:ACCD
46	41984	F	46	42248	LSC:IG:ACCD
30	41996	F	30	42152	LSC:IG:ACCD
97	42054	F	97	42162	LSC:IG:ACCD
43	42054	F	43	42108	LSC:IG:ACCD
41	42056	F	41	42218	LSC:IG:ACCD
56	42101	F	56	42209	LSC:IG:ACCD
47	42104	F	47	42158	LSC:IG:ACCD
71	42110	F	71	42218	LSC:IG:ACCD
49	42132	F	49	42294	LSC:IG:ACCD
41	42140	F	41	42248	LSC:IG:ACCD
30	42152	F	30	42260	LSC:IG:ACCD
30	42152	F	30	42314	LSC:IG:ACCD
47	42158	F	47	42212	LSC:IG:ACCD
54	42240	F	54	42294	LSC:IG:ACCD
46	42248	F	46	42302	LSC:IG:ACCD
30	42641	F	30	42671	LSC:IG:ACCD
62	46054	P	62	46054	LSC:IG
31	47991	F	31	48036	<i>atpB</i> gene
31	51367	P	31	57152	LSC:IG
32	53511	P	32	53511	LSC:IG
33	54922	P	33	54922	LSC:IG
39	55985	P	39	95305	<i>ycf3</i> gene
39	55985	P	39	120026	<i>ycf3</i> gene
39	55985	F	39	137564	<i>ycf3</i> gene
57	57322	F	57	57342	LSC:IG
37	57322	F	37	57362	LSC:IG
79	59040	F	79	61264	<i>psaA</i> gene
67	59052	F	67	61276	<i>psaA</i> gene
39	59080	F	39	61304	<i>psaA</i> gene
41	73646	F	41	73706	LSC:IG
30	73659	F	30	73719	LSC:IG
58	73896	F	58	74028	LSC:IG
64	73897	F	64	73963	LSC:IG
80	73940	F	80	74006	LSC:IG
57	73963	F	57	74029	LSC:IG
44	76447	P	44	76447	LSC:IG
34	86166	F	34	86190	LSC:IG
30	86315	F	30	86328	LSC:IG
32	86317	R	32	86333	LSC:IG
31	86317	R	31	86350	LSC:IG

23450	86371	P	23450	123087	IR
32	86811	C	32	146072	<i>rpl2</i> gene
30	86814	R	30	86814	<i>rpl2</i> gene
30	86814	C	30	146064	<i>rpl2</i> gene
49	91256	P	49	91256	IR:IG
49	91256	F	49	141603	IR:IG
42	95303	F	42	120024	IR:IG
33	108314	F	33	108347	<i>ycf1</i> gene
33	108314	P	33	124528	<i>ycf1</i> gene
33	108347	P	33	124561	<i>ycf1</i> gene
32	108392	F	32	108410	<i>ycf1</i> gene
32	108392	P	32	124466	<i>ycf1</i> gene
32	108410	P	32	124484	<i>ycf1</i> gene
30	109086	F	30	109110	<i>ycf1</i> gene
30	109086	P	30	123768	<i>ycf1</i> gene
30	109110	P	30	123792	<i>ycf1</i> gene
42	112280	F	42	112294	SSC:IG
30	112280	F	30	112308	SSC:IG
54	116604	P	54	116604	SSC:IG
48	118708	P	48	118708	SSC:IG
42	120024	P	42	137563	<i>ndhA</i> gene
30	123768	F	30	123792	<i>ycf1</i> gene
32	124466	F	32	124484	<i>ycf1</i> gene
33	124528	F	33	124561	<i>ycf1</i> gene
49	141603	P	49	141603	IR:IG
30	146064	R	30	146064	IR:IG

Passiflora miniata

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
32	4975	F	32	5018	LSC:IG
30	7500	F	30	54041	LSC:IG
47	8044	P	47	8044	LSC:IG
31	9125	P	31	62950	LSC:IG
41	9831	F	41	9855	LSC:IG
69	9874	F	69	9899	LSC:IG
44	9874	F	44	9924	LSC:IG
31	9891	F	31	9961	LSC:IG
31	9916	F	31	9961	LSC:IG
31	9943	F	31	9963	LSC:IG
36	10006	P	36	10006	LSC:IG
34	12792	P	34	12792	LSC:IG
30	26893	P	30	73510	LSC:IG
31	26925	P	31	73476	LSC:IG

30	26993	P	30	73758	LSC:IG
33	27513	F	33	27522	<i>clpP</i> gene
33	27521	F	33	27530	<i>clpP</i> gene
30	27530	F	30	27539	<i>clpP</i> gene
35	30501	F	35	38873	LSC:IG
47	30544	F	47	38918	LSC:IG
31	30560	F	31	38934	LSC:IG
33	37290	F	33	37304	LSC:IG
31	37291	R	31	37291	LSC:IG
31	37291	R	31	37305	LSC:IG
30	40197	F	30	40446	<i>accD</i> gene
30	40197	F	30	40263	<i>accD</i> gene
33	40201	F	33	40216	<i>accD</i> gene
31	40201	F	31	40231	<i>accD</i> gene
30	40216	F	30	40450	<i>accD</i> gene
41	40237	F	41	40342	<i>accD</i> gene
41	40237	F	41	40387	<i>accD</i> gene
33	40237	F	33	40327	<i>accD</i> gene
33	40237	F	33	40312	<i>accD</i> gene
33	40237	F	33	40372	<i>accD</i> gene
36	40242	F	36	40287	<i>accD</i> gene
32	40246	F	32	40351	<i>accD</i> gene
32	40246	F	32	40396	<i>accD</i> gene
31	40263	F	31	40446	<i>accD</i> gene
63	40282	F	63	40312	<i>accD</i> gene
48	40282	F	48	40372	<i>accD</i> gene
84	40291	F	84	40351	<i>accD</i> gene
43	40291	F	43	40396	<i>accD</i> gene
39	40291	F	39	40336	<i>accD</i> gene
54	40306	F	54	40321	<i>accD</i> gene
39	40306	F	39	40381	<i>accD</i> gene
73	40321	F	73	40366	<i>accD</i> gene
54	40321	F	54	40336	<i>accD</i> gene
54	40321	F	54	40351	<i>accD</i> gene
43	40321	F	43	40396	<i>accD</i> gene
58	40336	F	58	40381	<i>accD</i> gene
39	40351	F	39	40381	<i>accD</i> gene
39	40366	F	39	40381	<i>accD</i> gene
39	40381	F	39	40396	<i>accD</i> gene
44	40619	F	44	40637	<i>accD</i> gene
40	40623	F	40	40761	<i>accD</i> gene
70	40641	F	70	40761	<i>accD</i> gene
73	40659	F	73	40710	<i>accD</i> gene
52	40710	F	52	40779	<i>accD</i> gene

109	40981	F	109	41029	LSC:IG:ACCD
61	40981	F	61	41077	LSC:IG:ACCD
30	40987	F	30	41455	LSC:IG:ACCD
38	41017	F	38	41437	LSC:IG:ACCD
32	41033	F	32	41453	LSC:IG:ACCD
38	41065	F	38	41437	LSC:IG:ACCD
32	41081	F	32	41453	LSC:IG:ACCD
33	41173	F	33	41416	LSC:IG:ACCD
30	41464	F	30	41512	LSC:IG:ACCD
99	41927	F	99	41952	LSC:IG:ACCD
74	41927	F	74	41977	LSC:IG:ACCD
49	41927	F	49	42002	LSC:IG:ACCD
62	45481	P	62	45481	LSC:IG
31	47418	F	31	47463	<i>atpB</i> gene
30	51011	F	30	51040	LSC:IG
33	54310	P	33	54310	LSC:IG
39	55393	P	39	97173	<i>ycf3</i> gene
39	55393	P	39	122510	<i>ycf3</i> gene
39	55393	F	39	140572	<i>ycf3</i> gene
30	56605	F	30	56622	LSC:IG
32	56631	R	32	56631	LSC:IG
30	56703	P	30	56703	LSC:IG
79	58472	F	79	60696	<i>psaA</i> gene
67	58484	F	67	60708	<i>psaA</i> gene
39	58512	F	39	60736	<i>psaA</i> gene
30	62115	F	30	62137	LSC:IG
30	68487	F	30	68506	LSC:IG
69	72940	F	69	72986	LSC:IG
36	72940	F	36	73086	LSC:IG
36	72940	F	36	73143	LSC:IG
58	72951	F	58	72997	LSC:IG
40	72982	F	40	73082	LSC:IG
33	72982	F	33	73139	LSC:IG
30	73028	F	30	73082	LSC:IG
30	73028	F	30	73139	LSC:IG
30	73049	F	30	73244	LSC:IG
33	73053	F	33	73300	LSC:IG
62	73077	F	62	73134	LSC:IG
42	73097	F	42	73195	LSC:IG
35	73104	F	35	73254	LSC:IG
30	73109	F	30	73207	LSC:IG
42	73154	F	42	73195	LSC:IG
35	73161	F	35	73254	LSC:IG
30	73166	F	30	73207	LSC:IG

72	73202	F	72	73254	LSC:IG
101	73500	F	101	73561	LSC:IG
40	73500	F	40	73622	LSC:IG
30	73508	F	30	73700	LSC:IG
116	73512	F	116	73573	LSC:IG
55	73512	F	55	73634	LSC:IG
26290	85864	P	26290	125630	IR
35	87083	F	35	87101	<i>rpl2</i> gene
35	87083	P	35	150648	<i>rpl2</i> gene
35	87101	P	35	150666	<i>rpl2</i> gene
49	93131	P	49	93131	IR:IG
49	93131	F	49	144604	IR:IG
42	97171	F	42	122508	IR:IG
57	107330	F	57	107416	IR:IG
57	107330	P	57	130311	IR:IG
30	107357	F	30	107483	IR:IG
30	107357	P	30	130271	IR:IG
57	107416	P	57	130397	IR:IG
35	107443	F	35	107483	IR:IG
35	107443	P	35	130266	IR:IG
35	107483	P	35	130306	IR:IG
30	107483	P	30	130397	IR:IG
60	109202	F	60	109265	<i>ycf1</i> gene
60	109202	P	60	128459	<i>ycf1</i> gene
60	109265	P	60	128522	<i>ycf1</i> gene
32	110618	F	32	110789	<i>ycf1</i> gene
32	110618	P	32	126963	<i>ycf1</i> gene
31	110636	F	31	110654	<i>ycf1</i> gene
31	110636	P	31	127099	<i>ycf1</i> gene
31	110654	P	31	127117	<i>ycf1</i> gene
33	110781	F	33	110799	<i>ycf1</i> gene
33	110781	P	33	126952	<i>ycf1</i> gene
32	110789	P	32	127134	<i>ycf1</i> gene
33	110799	P	33	126970	<i>ycf1</i> gene
30	111487	F	30	111511	<i>ycf1</i> gene
30	111487	P	30	126243	<i>ycf1</i> gene
30	111511	P	30	126267	<i>ycf1</i> gene
54	119064	P	54	119064	SSC:IG
42	122508	P	42	140571	<i>ndhA</i> gene
30	126243	F	30	126267	<i>ycf1</i> gene
33	126952	F	33	126970	<i>ycf1</i> gene
32	126963	F	32	127134	<i>ycf1</i> gene
31	127099	F	31	127117	<i>ycf1</i> gene
60	128459	F	60	128522	<i>ycf1</i> gene

35	130266	F	35	130306	IR:IG
30	130271	F	30	130397	IR:IG
57	130311	F	57	130397	IR:IG
45	130323	F	45	130409	IR:IG
49	144604	P	49	144604	IR:IG
35	150648	F	35	150666	<i>rpl2 gene</i>

Passiflora mucronata

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
30	6853	F	30	53207	LSC:IG
31	8489	P	31	62087	LSC:IG
55	8593	P	55	8593	LSC:IG
37	9235	P	37	120126	LSC:IG
31	9235	F	31	9241	LSC:IG
34	9238	P	34	120132	LSC:IG
30	9238	F	30	120124	LSC:IG
30	9238	P	30	120126	LSC:IG
32	9240	F	32	120122	LSC:IG
30	9240	F	30	9242	LSC:IG
31	9241	F	31	120121	LSC:IG
30	9242	P	30	120128	LSC:IG
30	9242	C	30	120117	LSC:IG
30	9242	C	30	120119	LSC:IG
30	9243	P	30	9243	LSC:IG
30	9246	C	30	9247	LSC:IG
30	9246	R	30	120117	LSC:IG
107	26596	F	107	26671	LSC:IG
32	26596	F	32	26746	LSC:IG
31	26604	F	31	26754	LSC:IG
32	26606	P	32	72639	LSC:IG
30	26615	P	30	72248	LSC:IG
30	26615	P	30	72312	LSC:IG
30	26615	P	30	72376	LSC:IG
30	26615	P	30	72440	LSC:IG
30	26615	P	30	72504	LSC:IG
30	26615	P	30	72568	LSC:IG
30	26615	P	30	72632	LSC:IG
31	26679	F	31	26754	LSC:IG
32	26681	P	32	72639	LSC:IG
30	26690	P	30	72248	LSC:IG
30	26690	P	30	72312	LSC:IG
30	26690	P	30	72376	LSC:IG
30	26690	P	30	72440	LSC:IG

30	26690	P	30	72504	LSC:IG
30	26690	P	30	72568	LSC:IG
30	26690	P	30	72632	LSC:IG
44	30231	F	44	38497	LSC:IG
47	30274	F	47	38541	LSC:IG
31	30290	F	31	38557	LSC:IG
32	30958	R	32	30958	LSC:IG
31	36941	R	31	36941	LSC:IG
56	39873	F	56	39948	<i>accD</i> gene
46	39873	F	46	40062	<i>accD</i> gene
41	39873	F	41	39906	<i>accD</i> gene
37	39877	F	37	40015	<i>accD</i> gene
44	39885	F	44	39960	<i>accD</i> gene
30	39885	F	30	39918	<i>accD</i> gene
58	39889	F	58	39931	<i>accD</i> gene
58	39889	F	58	40045	<i>accD</i> gene
30	39889	R	30	40028	<i>accD</i> gene
30	39889	F	30	40036	<i>accD</i> gene
30	39889	R	30	40037	<i>accD</i> gene
54	39900	F	54	40056	<i>accD</i> gene
30	39900	F	30	39975	<i>accD</i> gene
46	39910	F	46	40015	<i>accD</i> gene
38	39918	F	38	40023	<i>accD</i> gene
36	39918	F	36	40074	<i>accD</i> gene
72	39922	F	72	40036	<i>accD</i> gene
34	39922	R	34	40033	<i>accD</i> gene
31	39922	R	31	40027	<i>accD</i> gene
31	39922	R	31	39922	<i>accD</i> gene
31	39922	R	31	40078	<i>accD</i> gene
30	39923	R	30	39964	<i>accD</i> gene
33	39928	R	33	40037	<i>accD</i> gene
40	39931	F	40	39964	<i>accD</i> gene
30	39931	F	30	40078	<i>accD</i> gene
30	39931	F	30	40027	<i>accD</i> gene
48	39942	F	48	40056	<i>accD</i> gene
30	39942	F	30	39975	<i>accD</i> gene
37	39952	F	37	40015	<i>accD</i> gene
30	39960	F	30	40074	<i>accD</i> gene
34	39960	F	34	40023	<i>accD</i> gene
40	39964	F	40	40045	<i>accD</i> gene
30	39964	R	30	40028	<i>accD</i> gene
30	39964	F	30	40036	<i>accD</i> gene
30	39964	R	30	40037	<i>accD</i> gene
30	39964	R	30	40079	<i>accD</i> gene

44	40015	F	44	40066	<i>accD</i> gene
40	40027	R	40	40027	<i>accD</i> gene
34	40027	F	34	40036	<i>accD</i> gene
31	40027	R	31	40027	<i>accD</i> gene
31	40027	R	31	40078	<i>accD</i> gene
30	40027	F	30	40045	<i>accD</i> gene
37	40033	R	37	40033	<i>accD</i> gene
32	40035	R	32	40078	<i>accD</i> gene
32	40036	F	32	40078	<i>accD</i> gene
30	40045	F	30	40078	<i>accD</i> gene
31	40078	R	31	40078	<i>accD</i> gene
30	40081	F	30	40180	<i>accD</i> gene
30	40167	F	30	40176	<i>accD</i> gene
52	40260	F	52	40398	<i>accD</i> gene
53	40260	F	53	40347	<i>accD</i> gene
40	40272	F	40	40410	<i>accD</i> gene
41	40272	F	41	40359	<i>accD</i> gene
35	40278	F	35	40314	<i>accD</i> gene
85	40314	F	85	40365	<i>accD</i> gene
34	40314	F	34	40416	<i>accD</i> gene
30	40598	F	30	40817	LSC:IG:ACCD
30	40598	F	30	40871	LSC:IG:ACCD
31	40689	F	31	40758	LSC:IG:ACCD
73	40806	F	73	40860	LSC:IG:ACCD
97	40931	F	97	40970	LSC:IG:ACCD
58	40931	F	58	41009	LSC:IG:ACCD
30	41094	F	30	41118	LSC:IG:ACCD
35	41101	F	35	41113	LSC:IG:ACCD
66	41188	F	66	41254	LSC:IG:ACCD
62	44630	P	62	44630	LSC:IG
42	46556	F	42	46601	<i>atpB</i> gene
31	46567	F	31	46612	<i>atpB</i> gene
30	50158	F	30	50187	LSC:IG
33	53486	P	33	53486	<i>ycf3</i> gene
39	54556	P	39	93785	<i>ycf3</i> gene
39	54556	P	39	121492	<i>ycf3</i> gene
39	54556	F	39	141855	<i>ycf3</i> gene
36	55837	P	36	55837	LSC:IG
35	55839	C	35	55840	LSC:IG
31	55839	R	31	55839	LSC:IG
31	55840	R	31	55840	LSC:IG
30	56028	F	30	56052	LSC:IG
34	56507	F	34	56548	LSC:IG
79	57635	F	79	59859	<i>psaA</i> gene

67	57647	F	67	59871	<i>psaA</i> gene
39	57675	F	39	59899	<i>psaA</i> gene
30	66465	F	30	66493	LSC:IG
57	72223	F	57	72607	LSC:IG
372	72228	F	372	72292	LSC:IG
308	72228	F	308	72356	LSC:IG
244	72228	F	244	72420	LSC:IG
180	72228	F	180	72484	LSC:IG
116	72228	F	116	72548	LSC:IG
44	75026	P	44	75026	LSC:IG
26224	84840	P	26224	124615	IR
35	86083	F	35	86101	<i>rpl2</i> gene
35	86083	P	35	149543	<i>rpl2</i> gene
35	86101	P	35	149561	<i>rpl2</i> gene
49	89736	P	49	89736	IR:IG
49	89736	F	49	145894	IR:IG
42	93783	F	42	121490	IR:IG
34	104323	F	34	104345	IR:IG
34	104323	P	34	131300	IR:IG
34	104345	P	34	131322	IR:IG
34	108911	F	34	108965	<i>ycf1</i> gene
34	108911	P	34	126680	<i>ycf1</i> gene
34	108965	P	34	126734	<i>ycf1</i> gene
31	109551	F	31	109739	<i>ycf1</i> gene
31	109551	P	31	125909	<i>ycf1</i> gene
40	109552	F	40	109722	<i>ycf1</i> gene
40	109552	P	40	125917	<i>ycf1</i> gene
33	109648	F	33	109681	<i>ycf1</i> gene
33	109648	P	33	125965	<i>ycf1</i> gene
33	109681	P	33	125998	<i>ycf1</i> gene
40	109722	P	40	126087	<i>ycf1</i> gene
32	109726	F	32	109744	<i>ycf1</i> gene
32	109726	P	32	125903	<i>ycf1</i> gene
31	109739	P	31	126097	<i>ycf1</i> gene
32	109744	P	32	125921	<i>ycf1</i> gene
54	118004	P	54	118004	IR:IG
36	120122	P	36	120122	IR:IG
30	120126	F	30	120130	IR:IG
47	120131	F	47	120161	IR:IG
31	120147	F	31	120177	IR:IG
42	121490	P	42	141854	<i>ndhA</i> gene
32	125903	F	32	125921	<i>ycf1</i> gene
31	125909	F	31	126097	<i>ycf1</i> gene
40	125917	F	40	126087	<i>ycf1</i> gene

30	125927	F	30	126097	<i>ycf1</i> gene
33	125965	F	33	125998	<i>ycf1</i> gene
34	126680	F	34	126734	<i>ycf1</i> gene
34	131300	F	34	131322	IR:IG
49	145894	P	49	145894	IR:IG
35	149543	F	35	149561	<i>rpl2</i> gene

Passiflora recurva

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
32	4969	F	32	5000	LSC:IG
31	6160	P	31	6160	LSC:IG
30	7536	F	30	54219	LSC:IG
47	8092	P	47	8092	LSC:IG
31	9169	P	31	63068	<i>trnG</i> gene
40	9273	P	40	9273	LSC:IG
54	9905	F	54	9937	LSC:IG
43	9916	F	43	9948	LSC:IG
38	10012	P	38	10012	LSC:IG
30	12814	P	30	12814	LSC:IG
30	27030	P	30	73714	LSC:IG
31	27038	P	31	73705	LSC:IG
30	27550	F	30	27559	<i>clpP</i> gene
31	27552	F	31	27567	<i>clpP</i> gene
43	30514	F	43	38858	LSC:IG
47	30548	F	47	38902	LSC:IG
31	30564	F	31	38918	LSC:IG
31	37298	R	31	37298	LSC:IG
45	40182	F	45	40212	<i>accD</i> gene
38	40182	F	38	40395	<i>accD</i> gene
59	40183	F	59	40198	<i>accD</i> gene
44	40183	F	44	40228	<i>accD</i> gene
30	40194	F	30	40407	<i>accD</i> gene
44	40198	F	44	40213	<i>accD</i> gene
37	40198	F	37	40396	<i>accD</i> gene
33	40209	F	33	40392	<i>accD</i> gene
30	40209	F	30	40407	<i>accD</i> gene
30	40213	F	30	40228	<i>accD</i> gene
63	40245	F	63	40260	<i>accD</i> gene
48	40245	F	48	40275	<i>accD</i> gene
41	40245	F	41	40290	<i>accD</i> gene
54	40254	F	54	40269	<i>accD</i> gene
39	40254	F	39	40284	<i>accD</i> gene
32	40254	F	32	40299	<i>accD</i> gene

39	40269	F	39	40284	<i>accD</i> gene
32	40284	F	32	40299	<i>accD</i> gene
33	40331	F	33	40340	<i>accD</i> gene
30	40358	F	30	40403	<i>accD</i> gene
57	40361	F	57	40376	<i>accD</i> gene
42	40361	F	42	40391	<i>accD</i> gene
53	40580	F	53	40937	<i>accD</i> gene
37	40580	F	37	40988	<i>accD</i> gene
194	40583	F	194	40634	<i>accD</i> gene
194	40583	F	194	40787	<i>accD</i> gene
143	40583	F	143	40736	<i>accD</i> gene
107	40583	F	107	40838	<i>accD</i> gene
92	40583	F	92	40685	<i>accD</i> gene
56	40583	F	56	40889	<i>accD</i> gene
39	40589	F	39	40997	<i>accD</i> gene
50	40596	F	50	40953	<i>accD</i> gene
163	40629	F	163	40782	<i>accD</i> gene
97	40629	F	97	40731	<i>accD</i> gene
39	40640	F	39	40997	<i>accD</i> gene
50	40647	F	50	40953	<i>accD</i> gene
199	40680	F	199	40731	<i>accD</i> gene
97	40680	F	97	40782	<i>accD</i> gene
50	40698	F	50	40953	<i>accD</i> gene
36	40698	F	36	41004	<i>accD</i> gene
38	40727	F	38	40982	<i>accD</i> gene
101	40731	F	101	40884	<i>accD</i> gene
97	40731	F	97	40833	<i>accD</i> gene
50	40749	F	50	40953	<i>accD</i> gene
36	40749	F	36	41004	<i>accD</i> gene
38	40778	F	38	40982	<i>accD</i> gene
112	40782	F	112	40833	<i>accD</i> gene
61	40782	F	61	40884	<i>accD</i> gene
39	40793	F	39	40997	<i>accD</i> gene
50	40800	F	50	40953	<i>accD</i> gene
39	40844	F	39	40997	<i>accD</i> gene
50	40851	F	50	40953	<i>accD</i> gene
87	40902	F	87	40953	<i>accD</i> gene
36	40902	F	36	41004	<i>accD</i> gene
58	40931	F	58	40982	<i>accD</i> gene
61	41190	F	61	41238	LSC:IG:ACCD
35	41332	F	35	41488	LSC:IG:ACCD
30	41538	F	30	41586	LSC:IG:ACCD
60	41852	F	60	41882	LSC:IG:ACCD
30	41852	F	30	41912	LSC:IG:ACCD

30	42049	F	30	42185	LSC:IG:ACCD
33	42055	F	33	42080	LSC:IG:ACCD
33	42055	F	33	42117	LSC:IG:ACCD
33	42055	F	33	42154	LSC:IG:ACCD
112	42066	F	112	42103	LSC:IG:ACCD
75	42066	F	75	42140	LSC:IG:ACCD
38	42066	F	38	42177	LSC:IG:ACCD
31	42322	F	31	42347	LSC:IG:ACCD
62	45665	P	62	45665	LSC:IG
31	47602	F	31	47647	<i>atpB</i> gene
30	51182	F	30	51211	LSC:IG
33	54488	P	33	54488	LSC:IG
39	55564	P	39	97169	<i>ycf3</i> gene
39	55564	P	39	122491	<i>ycf3</i> gene
39	55564	F	39	140493	<i>ycf3</i> gene
37	56925	F	37	56945	LSC:IG
79	58590	F	79	60814	<i>psaA</i> gene
67	58602	F	67	60826	<i>psaA</i> gene
39	58630	F	39	60854	<i>psaA</i> gene
30	62233	F	30	62255	LSC:IG
34	73093	F	34	73234	LSC:IG
45	73189	F	45	73251	LSC:IG
33	73201	F	33	73263	LSC:IG
42	73216	F	42	73322	LSC:IG
95	73520	F	95	73592	LSC:IG
26235	85864	P	26235	125602	IR
35	87082	F	35	87100	<i>rpl2</i> gene
35	87082	P	35	150566	<i>rpl2</i> gene
35	87100	P	35	150584	<i>rpl2</i> gene
49	93121	P	49	93121	IR:IG
49	93121	F	49	144531	IR:IG
42	97167	F	42	122489	IR:IG
57	107321	F	57	107407	IR:IG
57	107321	P	57	130237	IR:IG
30	107348	F	30	107474	IR:IG
30	107348	F	30	107514	IR:IG
30	107348	P	30	130157	IR:IG
30	107348	P	30	130197	IR:IG
36	107365	F	36	107579	IR:IG
36	107365	P	36	130086	IR:IG
57	107407	P	57	130323	IR:IG
75	107434	F	75	107474	IR:IG
75	107434	P	75	130152	IR:IG
35	107434	F	35	107514	IR:IG

35	107434	P	35	130152	IR:IG
56	107453	F	56	107493	IR:IG
56	107453	P	56	130152	IR:IG
75	107474	P	75	130192	IR:IG
30	107474	P	30	130323	IR:IG
56	107493	P	56	130192	IR:IG
35	107514	P	35	130232	IR:IG
30	107514	P	30	130323	IR:IG
36	107579	P	36	130300	IR:IG
32	110586	F	32	110757	<i>ycf1</i> gene
32	110586	P	32	126912	<i>ycf1</i> gene
31	110604	F	31	110622	<i>ycf1</i> gene
31	110604	P	31	127048	<i>ycf1</i> gene
31	110622	P	31	127066	<i>ycf1</i> gene
33	110749	F	33	110767	<i>ycf1</i> gene
33	110749	P	33	126901	<i>ycf1</i> gene
32	110757	P	32	127083	<i>ycf1</i> gene
33	110767	P	33	126919	<i>ycf1</i> gene
54	119035	P	54	119035	SSC:IG
31	121153	P	31	121176	SSC:IG
30	121154	F	30	121158	SSC:IG
30	121154	P	30	121172	SSC:IG
42	122489	P	42	140492	<i>ndhA</i> gene
33	126901	F	33	126919	<i>ycf1</i> gene
32	126912	F	32	127083	<i>ycf1</i> gene
31	127048	F	31	127066	<i>ycf1</i> gene
36	130086	F	36	130300	IR:IG
30	130096	F	30	130310	IR:IG
75	130152	F	75	130192	IR:IG
35	130152	F	35	130232	IR:IG
30	130157	F	30	130323	IR:IG
30	130197	F	30	130323	IR:IG
57	130237	F	57	130323	IR:IG
45	130249	F	45	130335	IR:IG
49	144531	P	49	144531	IR:IG
35	150566	F	35	150584	<i>rpl2</i> gene

Passiflora watsoniana

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
32	5335	R	32	5341	LSC:IG
30	7448	F	30	54463	LSC:IG
47	8011	P	47	8011	<i>trnG</i> gene
31	9097	P	31	63314	LSC:IG

34	9863	F	34	118593	LSC:IG
33	9863	P	33	118602	LSC:IG
30	13620	F	30	13635	LSC:IG
32	27337	F	32	27412	<i>clpP</i> gene
32	27347	P	32	73800	<i>clpP</i> gene
59	30933	F	59	39300	LSC:IG
64	30960	F	64	39327	LSC:IG
46	30978	F	46	39345	LSC:IG
31	30993	F	31	39360	LSC:IG
33	37728	F	33	37742	LSC:IG
31	37729	R	31	37729	LSC:IG
31	37729	R	31	37743	LSC:IG
35	40612	F	35	40663	<i>accD</i> gene
30	40632	F	30	40647	<i>accD</i> gene
32	40658	F	32	40679	<i>accD</i> gene
32	40697	F	32	40784	<i>accD</i> gene
51	40702	F	51	40828	<i>accD</i> gene
30	40705	F	30	41026	<i>accD</i> gene
30	40705	F	30	41017	<i>accD</i> gene
36	40717	F	36	40843	<i>accD</i> gene
32	40721	F	32	40766	<i>accD</i> gene
56	40727	F	56	40742	<i>accD</i> gene
41	40727	F	41	40757	<i>accD</i> gene
41	40727	F	41	40877	<i>accD</i> gene
33	40727	F	33	40892	<i>accD</i> gene
41	40742	F	41	40877	<i>accD</i> gene
51	40757	F	51	40877	<i>accD</i> gene
30	40768	F	30	40873	<i>accD</i> gene
32	40772	F	32	40853	<i>accD</i> gene
30	40787	F	30	40826	<i>accD</i> gene
33	40792	F	33	41017	<i>accD</i> gene
33	40796	F	33	40811	<i>accD</i> gene
30	40799	F	30	41018	<i>accD</i> gene
30	40831	F	30	41026	<i>accD</i> gene
30	40831	F	30	41017	<i>accD</i> gene
30	40849	F	30	40873	<i>accD</i> gene
32	40853	F	32	40892	<i>accD</i> gene
33	40877	F	33	40892	<i>accD</i> gene
40	41002	F	40	41011	<i>accD</i> gene
31	41002	F	31	41020	<i>accD</i> gene
32	41010	F	32	41019	<i>accD</i> gene
103	41089	F	103	41140	<i>accD</i> gene
52	41089	F	52	41191	<i>accD</i> gene
88	41104	F	88	41155	<i>accD</i> gene

37	41104	F	37	41206	<i>accD</i> gene
30	41391	F	30	42054	LSC:IG:ACCD
60	41393	F	60	42008	LSC:IG:ACCD
59	41393	F	59	41906	LSC:IG:ACCD
30	41423	F	30	42038	LSC:IG:ACCD
31	41426	F	31	41939	LSC:IG:ACCD
64	41428	F	64	41497	LSC:IG:ACCD
44	41455	F	44	41524	LSC:IG:ACCD
31	41455	F	31	41593	LSC:IG:ACCD
44	41470	F	44	41608	LSC:IG:ACCD
34	41476	F	34	41545	LSC:IG:ACCD
37	41477	F	37	41669	LSC:IG:ACCD
41	41481	F	41	41979	LSC:IG:ACCD
33	41481	F	33	41619	LSC:IG:ACCD
33	41481	F	33	41721	LSC:IG:ACCD
33	41481	F	33	41775	LSC:IG:ACCD
31	41481	F	31	41823	LSC:IG:ACCD
35	41487	F	35	41883	LSC:IG:ACCD
31	41518	F	31	41587	LSC:IG:ACCD
40	41539	F	40	41608	LSC:IG:ACCD
33	41546	F	33	41669	LSC:IG:ACCD
33	41546	F	33	41771	LSC:IG:ACCD
33	41546	F	33	41975	LSC:IG:ACCD
51	41615	F	51	41669	LSC:IG:ACCD
51	41615	F	51	41771	LSC:IG:ACCD
46	41615	F	46	41717	LSC:IG:ACCD
39	41615	F	39	41975	LSC:IG:ACCD
39	41615	F	39	41873	LSC:IG:ACCD
35	41615	F	35	41819	LSC:IG:ACCD
68	41627	F	68	41729	LSC:IG:ACCD
34	41627	F	34	41831	LSC:IG:ACCD
110	41642	F	110	41744	LSC:IG:ACCD
42	41642	F	42	41846	LSC:IG:ACCD
44	41651	F	44	41855	LSC:IG:ACCD
147	41663	F	147	41765	LSC:IG:ACCD
45	41663	F	45	41969	LSC:IG:ACCD
45	41663	F	45	41867	LSC:IG:ACCD
45	41666	F	45	41714	LSC:IG:ACCD
38	41666	F	38	41816	LSC:IG:ACCD
39	41681	F	39	41729	LSC:IG:ACCD
35	41681	F	35	41831	LSC:IG:ACCD
114	41696	F	114	41798	LSC:IG:ACCD
50	41714	F	50	41768	LSC:IG:ACCD
42	41714	F	42	41870	LSC:IG:ACCD

39	41729	F	39	41783	LSC:IG:ACCD
30	41729	F	30	41885	LSC:IG:ACCD
57	41753	F	57	41855	LSC:IG:ACCD
49	41761	F	49	41965	LSC:IG:ACCD
45	41768	F	45	41816	LSC:IG:ACCD
39	41783	F	39	41831	LSC:IG:ACCD
38	41816	F	38	41870	LSC:IG:ACCD
102	41863	F	102	41965	LSC:IG:ACCD
41	41893	F	41	42043	LSC:IG:ACCD
65	41900	F	65	42002	LSC:IG:ACCD
41	41995	F	41	42043	LSC:IG:ACCD
54	42424	F	54	42500	LSC:IG:ACCD
62	45852	P	62	45852	LSC:IG
42	47778	F	42	47823	<i>atpB</i> gene
31	47789	F	31	47834	<i>atpB</i> gene
30	48195	F	30	48220	LSC:IG
30	48696	F	30	48711	LSC:IG
30	51405	F	30	51434	LSC:IG
32	53330	P	32	53330	LSC:IG
33	54749	P	33	54749	LSC:IG
39	55820	P	39	95118	<i>ycf3</i> gene
39	55820	P	39	119961	<i>ycf3</i> gene
39	55820	F	39	137503	<i>ycf3</i> gene
37	57167	F	37	57187	LSC:IG
79	58862	F	79	61086	<i>psaA</i> gene
67	58874	F	67	61098	<i>psaA</i> gene
39	58902	F	39	61126	<i>psaA</i> gene
122	73643	F	122	73703	LSC:IG
62	73643	F	62	73763	LSC:IG
113	73652	F	113	73712	LSC:IG
53	73652	F	53	73772	LSC:IG
44	76187	P	44	76187	LSC:IG
31	83444	F	31	83470	LSC:IG
53	86060	F	53	86073	LSC:IG
35	86060	F	35	86086	LSC:IG
23513	86140	P	23513	123007	IR
35	87368	F	35	87386	<i>rpl2</i> gene
35	87368	P	35	145239	<i>rpl2</i> gene
35	87386	P	35	145257	<i>rpl2</i> gene
49	91069	P	49	91069	IR:IG
49	91069	F	49	141542	IR:IG
42	95116	F	42	119959	IR:IG
43	108051	F	43	108216	<i>ycf1</i> gene
43	108051	P	43	124401	<i>ycf1</i> gene

33	108142	F	33	108175	<i>ycf1</i> gene
33	108142	P	33	124452	<i>ycf1</i> gene
33	108175	P	33	124485	<i>ycf1</i> gene
43	108216	P	43	124566	<i>ycf1</i> gene
30	108914	F	30	108938	<i>ycf1</i> gene
30	108914	P	30	123692	<i>ycf1</i> gene
30	108938	P	30	123716	<i>ycf1</i> gene
54	116445	P	54	116445	SSC:IG
32	118392	F	32	118417	SSC:IG
32	118593	P	32	118633	SSC:IG
30	118596	P	30	118622	SSC:IG
34	118598	F	34	118608	SSC:IG
33	118613	R	33	118613	SSC:IG
33	118613	R	33	118617	SSC:IG
30	118658	F	30	118673	SSC:IG
42	119959	P	42	137502	<i>ndhA</i> gene
30	123692	F	30	123716	<i>ycf1</i> gene
43	124401	F	43	124566	<i>ycf1</i> gene
30	124414	F	30	124579	<i>ycf1</i> gene
33	124452	F	33	124485	<i>ycf1</i> gene
49	141542	P	49	141542	IR:IG
35	145239	F	35	145257	<i>rpl2</i> gene

Dilkea retusa

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
32	4397	R	32	4397	LSC:IG
35	7212	P	35	46444	LSC:IG
31	7628	R	31	7628	LSC:IG
37	7793	P	37	7793	LSC:IG
31	8890	F	31	37730	<i>trnG</i> gene
32	9616	P	32	128058	LSC:IG
31	9617	F	31	12163	LSC:IG
34	12160	R	34	12167	LSC:IG
33	12163	P	33	128056	LSC:IG
30	12164	C	30	128055	LSC:IG
35	12167	F	35	12179	LSC:IG
31	12167	P	31	12182	LSC:IG
37	12168	R	37	12168	LSC:IG
30	12168	C	30	12187	LSC:IG
30	12175	C	30	12182	LSC:IG
36	12178	P	36	12178	LSC:IG
30	12187	P	30	12187	LSC:IG
30	12260	R	30	12260	LSC:IG

39	27064	F	39	27082	LSC:IG
36	31838	P	36	31870	LSC:IG
34	31848	P	34	31862	LSC:IG
44	33110	F	44	33132	LSC:IG
30	36675	P	30	46451	LSC:IG
81	39907	F	81	42131	<i>psaB</i> gene
41	39947	F	41	42171	<i>psaB</i> gene
39	45097	F	39	100771	<i>ycf3</i> gene
39	45097	F	39	129364	<i>ycf3</i> gene
39	45097	P	39	149689	<i>ycf3</i> gene
30	45098	P	30	77815	<i>ycf3</i> gene
33	46168	P	33	46168	LSC:IG
30	49459	F	30	49484	LSC:IG
42	53058	F	42	53103	LSC:IG
46	55023	P	46	55023	LSC:IG
61	58547	F	61	58574	LSC:IG:ACCD
34	58547	F	34	58601	LSC:IG:ACCD
88	58894	F	88	58948	<i>accD</i> gene
34	58894	F	34	59002	<i>accD</i> gene
41	59261	F	41	59558	<i>accD</i> gene
30	59285	F	30	59432	<i>accD</i> gene
82	59329	F	82	59341	<i>accD</i> gene
58	59329	F	58	59365	<i>accD</i> gene
67	59332	F	67	59356	<i>accD</i> gene
43	59332	F	43	59380	<i>accD</i> gene
31	59332	F	31	59392	<i>accD</i> gene
67	59344	F	67	59356	<i>accD</i> gene
43	59344	F	43	59380	<i>accD</i> gene
31	59344	F	31	59392	<i>accD</i> gene
55	59356	F	55	59368	<i>accD</i> gene
43	59368	F	43	59380	<i>accD</i> gene
31	59368	F	31	59392	<i>accD</i> gene
64	59449	F	64	59464	<i>accD</i> gene
49	59449	F	49	59479	<i>accD</i> gene
34	59449	F	34	59494	<i>accD</i> gene
31	59491	F	31	59506	<i>accD</i> gene
53	60741	F	53	68984	LSC:IG:ACCD
44	60794	F	44	69038	LSC:IG:ACCD
93	69940	F	93	69982	<i>rps18</i> gene
51	69940	F	51	70024	<i>rps18</i> gene
34	72104	F	34	115407	<i>clpP</i> gene
34	72104	P	34	135058	<i>clpP</i> gene
32	72383	F	32	72401	<i>clpP</i> gene
31	76392	P	31	76407	LSC:IG

49	85683	F	49	85707	LSC:IG
30331	88576	P	30331	131592	IR
48	88852	F	48	88882	IR:IG
48	88852	P	48	161569	IR:IG
48	88882	P	48	161599	IR:IG
44	95112	F	44	95133	<i>ycf2</i> gene
44	95112	P	44	155322	<i>ycf2</i> gene
44	95133	P	44	155343	<i>ycf2</i> gene
30	95159	F	30	95243	<i>ycf2</i> gene
30	95159	P	30	155226	<i>ycf2</i> gene
50	95163	F	50	95205	<i>ycf2</i> gene
50	95163	P	50	155244	<i>ycf2</i> gene
30	95163	F	30	95226	<i>ycf2</i> gene
30	95163	P	30	155243	<i>ycf2</i> gene
55	95173	F	55	95215	<i>ycf2</i> gene
55	95173	P	55	155229	<i>ycf2</i> gene
38	95175	F	38	95196	<i>ycf2</i> gene
38	95175	P	38	155265	<i>ycf2</i> gene
32	95175	F	32	95238	<i>ycf2</i> gene
32	95175	P	32	155229	<i>ycf2</i> gene
42	95190	F	42	95232	<i>ycf2</i> gene
42	95190	P	42	155225	<i>ycf2</i> gene
39	95196	F	39	95217	<i>ycf2</i> gene
39	95196	P	39	155243	<i>ycf2</i> gene
38	95196	P	38	155286	<i>ycf2</i> gene
50	95205	P	50	155286	<i>ycf2</i> gene
55	95215	P	55	155271	<i>ycf2</i> gene
39	95217	P	39	155264	<i>ycf2</i> gene
36	95217	F	36	95238	<i>ycf2</i> gene
36	95217	P	36	155225	<i>ycf2</i> gene
30	95226	P	30	155306	<i>ycf2</i> gene
42	95232	P	42	155267	<i>ycf2</i> gene
36	95238	P	36	155246	<i>ycf2</i> gene
32	95238	P	32	155292	<i>ycf2</i> gene
30	95243	P	30	155310	<i>ycf2</i> gene
57	95277	F	57	112489	<i>ycf2</i> gene
57	95277	P	57	137953	<i>ycf2</i> gene
31	95311	R	31	112516	<i>ycf2</i> gene
31	95311	C	31	137952	<i>ycf2</i> gene
30	95312	C	30	155165	<i>ycf2</i> gene
42	100769	F	42	129362	IR:IG
96	109852	F	96	109884	IR:IG
96	109852	P	96	140519	IR:IG
64	109852	F	64	109916	IR:IG

64	109852	P	64	140519	IR:IG
32	109852	F	32	109948	IR:IG
32	109852	P	32	140519	IR:IG
77	109871	F	77	109903	IR:IG
77	109871	P	77	140519	IR:IG
45	109871	F	45	109935	IR:IG
45	109871	P	45	140519	IR:IG
96	109884	P	96	140551	IR:IG
77	109903	P	77	140551	IR:IG
64	109916	P	64	140583	IR:IG
45	109935	P	45	140583	IR:IG
32	109948	P	32	140615	IR:IG
56	111266	F	56	111288	IR:IG
56	111266	P	56	139155	IR:IG
34	111266	F	34	111310	IR:IG
34	111266	P	34	139155	IR:IG
40	111274	F	40	111296	IR:IG
40	111274	P	40	139163	IR:IG
56	111288	P	56	139177	IR:IG
40	111296	P	40	139185	IR:IG
34	111310	P	34	139199	IR:IG
67	111449	F	67	111579	IR:IG
67	111449	P	67	138853	IR:IG
106	111474	F	106	111494	IR:IG
106	111474	P	106	138899	IR:IG
86	111474	F	86	111514	IR:IG
86	111474	P	86	138899	IR:IG
66	111474	F	66	111534	IR:IG
66	111474	P	66	138899	IR:IG
46	111474	F	46	111554	IR:IG
46	111474	P	46	138899	IR:IG
106	111494	P	106	138919	IR:IG
42	111494	F	42	111604	IR:IG
42	111494	P	42	138853	IR:IG
86	111514	P	86	138939	IR:IG
42	111514	F	42	111604	IR:IG
42	111514	P	42	138853	IR:IG
66	111534	P	66	138959	IR:IG
42	111534	F	42	111604	IR:IG
42	111534	P	42	138853	IR:IG
51	111554	F	51	111604	IR:IG
51	111554	P	51	138844	IR:IG
46	111554	P	46	138979	IR:IG
67	111579	P	67	138983	IR:IG

51	111604	P	51	138894	IR:IG
42	111604	P	42	138923	IR:IG
42	111604	P	42	138943	IR:IG
42	111604	P	42	138963	IR:IG
57	112489	P	57	155165	<i>ycfI</i> gene
31	112516	C	31	155157	<i>ycfI</i> gene
38	116062	F	38	116197	<i>ycfI</i> gene
38	116062	P	38	134264	<i>ycfI</i> gene
33	116080	F	33	116215	<i>ycfI</i> gene
33	116080	P	33	134251	<i>ycfI</i> gene
67	116092	F	67	116119	<i>ycfI</i> gene
67	116092	P	67	134313	<i>ycfI</i> gene
40	116092	F	40	116146	<i>ycfI</i> gene
40	116092	P	40	134313	<i>ycfI</i> gene
63	116101	F	63	116128	<i>ycfI</i> gene
63	116101	P	63	134308	<i>ycfI</i> gene
36	116101	F	36	116155	<i>ycfI</i> gene
36	116101	P	36	134308	<i>ycfI</i> gene
67	116119	P	67	134340	<i>ycfI</i> gene
63	116128	P	63	134335	<i>ycfI</i> gene
40	116146	P	40	134367	<i>ycfI</i> gene
36	116155	P	36	134362	<i>ycfI</i> gene
38	116197	P	38	134399	<i>ycfI</i> gene
33	116215	P	33	134386	<i>ycfI</i> gene
36	116679	F	36	116697	<i>ycfI</i> gene
36	116679	P	36	133766	<i>ycfI</i> gene
36	116697	P	36	133784	<i>ycfI</i> gene
34	125893	P	34	125935	SSC:IG
31	128056	F	31	128064	SSC:IG
42	129362	P	42	149688	<i>ndhA</i> gene
36	133766	F	36	133784	<i>ycfI</i> gene
33	134251	F	33	134386	<i>ycfI</i> gene
38	134264	F	38	134399	<i>ycfI</i> gene
67	134313	F	67	134340	<i>ycfI</i> gene
40	134313	F	40	134367	<i>ycfI</i> gene
50	134330	F	50	134357	<i>ycfI</i> gene
31	137952	R	31	155157	<i>ycfI</i> gene
57	137953	F	57	155165	<i>ycfI</i> gene
34	137976	F	34	155188	<i>ycfI</i> gene
51	138844	F	51	138894	IR:IG
67	138853	F	67	138983	IR:IG
42	138853	F	42	138903	IR:IG
42	138853	F	42	138923	IR:IG
42	138853	F	42	138943	IR:IG

42	138853	F	42	138963	IR:IG
106	138899	F	106	138919	IR:IG
86	138899	F	86	138939	IR:IG
66	138899	F	66	138959	IR:IG
46	138899	F	46	138979	IR:IG
56	139155	F	56	139177	IR:IG
34	139155	F	34	139199	IR:IG
96	140519	F	96	140551	IR:IG
64	140519	F	64	140583	IR:IG
32	140519	F	32	140615	IR:IG
36	155225	F	36	155246	<i>ycf2</i> gene
30	155226	F	30	155310	<i>ycf2</i> gene
55	155229	F	55	155271	<i>ycf2</i> gene
32	155229	F	32	155292	<i>ycf2</i> gene
39	155243	F	39	155264	<i>ycf2</i> gene
30	155243	F	30	155306	<i>ycf2</i> gene
50	155244	F	50	155286	<i>ycf2</i> gene
38	155265	F	38	155286	<i>ycf2</i> gene
44	155322	F	44	155343	<i>ycf2</i> gene
48	161569	F	48	161599	IR:IG

Mitostemma brevifilis

Repeat Length 1	Start Repeat 1	Orientation	Repeat Length 2	Start Repeat 2	Location in cp genome
33	9738	F	33	9753	LSC:IG
81	39935	F	81	42159	<i>psaB</i> gene
41	39975	F	41	42199	<i>psaB</i> gene
39	45130	F	39	101042	<i>ycf3</i> gene
39	45130	F	39	130042	<i>ycf3</i> gene
39	45130	P	39	150789	<i>ycf3</i> gene
42	53090	F	42	53135	LSC:IG
46	55055	P	46	55055	LSC:IG
109	58329	F	109	58447	LSC:IG:ACCD
96	58342	F	96	58460	LSC:IG:ACCD
78	58360	F	78	58478	LSC:IG:ACCD
142	58988	F	142	59042	<i>accD</i> gene
88	58988	F	88	59096	<i>accD</i> gene
71	59005	F	71	59113	<i>accD</i> gene
71	59059	F	71	59113	<i>accD</i> gene
49	59409	F	49	59727	<i>accD</i> gene
115	59480	F	115	59492	<i>accD</i> gene
103	59480	F	103	59504	<i>accD</i> gene
91	59480	F	91	59516	<i>accD</i> gene
79	59480	F	79	59528	<i>accD</i> gene

67	59480	F	67	59540	<i>accD</i> gene
55	59480	F	55	59552	<i>accD</i> gene
43	59480	F	43	59564	<i>accD</i> gene
49	59633	F	49	59648	<i>accD</i> gene
53	60906	F	53	69195	LSC:IG:ACCD
44	60959	F	44	69249	LSC:IG:ACCD
78	70149	F	78	70191	<i>rps18</i> gene
51	70149	F	51	70257	<i>rps18</i> gene
69	70173	F	69	70215	LSC:IG
51	70191	F	51	70257	LSC:IG
49	85925	F	49	85949	LSC:IG
30750	88838	P	30750	132282	IR
133	89124	F	133	89146	IR:IG
133	89124	P	133	162591	IR:IG
111	89124	F	111	89168	IR:IG
111	89124	P	111	162591	IR:IG
89	89124	F	89	89190	IR:IG
89	89124	P	89	162591	IR:IG
67	89124	F	67	89212	IR:IG
67	89124	P	67	162591	IR:IG
45	89124	F	45	89234	IR:IG
45	89124	P	45	162591	IR:IG
133	89146	P	133	162613	IR:IG
111	89168	P	111	162635	IR:IG
89	89190	P	89	162657	IR:IG
67	89212	P	67	162679	IR:IG
45	89234	P	45	162701	IR:IG
44	95383	F	44	95404	<i>ycf2</i> gene
44	95383	P	44	156422	<i>ycf2</i> gene
44	95404	P	44	156443	<i>ycf2</i> gene
48	95445	F	48	95493	<i>ycf2</i> gene
48	95445	P	48	156329	<i>ycf2</i> gene
32	95461	F	32	95509	<i>ycf2</i> gene
32	95461	P	32	156329	<i>ycf2</i> gene
48	95493	P	48	156377	<i>ycf2</i> gene
32	95509	P	32	156377	<i>ycf2</i> gene
56	95555	F	56	113181	<i>ycf2</i> gene
56	95555	P	56	138633	<i>ycf2</i> gene
42	101040	F	42	130040	IR:IG
56	111466	F	56	111488	IR:IG
56	111466	P	56	140326	IR:IG
34	111466	F	34	111510	IR:IG
34	111466	P	34	140326	IR:IG
56	111488	P	56	140348	IR:IG

34	111510	P	34	140370	IR:IG
139	111649	F	139	111925	IR:IG
139	111649	P	139	139806	IR:IG
79	111649	F	79	112181	IR:IG
79	111649	P	79	139610	IR:IG
51	111649	F	51	111812	IR:IG
51	111649	F	51	112068	IR:IG
51	111649	F	51	112264	IR:IG
51	111649	P	51	139555	IR:IG
51	111649	P	51	139751	IR:IG
51	111649	P	51	140007	IR:IG
78	111650	F	78	111843	IR:IG
78	111650	F	78	112099	IR:IG
78	111650	P	78	139693	IR:IG
78	111650	P	78	139949	IR:IG
114	111674	F	114	111694	IR:IG
114	111674	P	114	140062	IR:IG
94	111674	F	94	111714	IR:IG
94	111674	F	94	111970	IR:IG
94	111674	P	94	139806	IR:IG
94	111674	P	94	140062	IR:IG
74	111674	F	74	111734	IR:IG
74	111674	F	74	111990	IR:IG
74	111674	P	74	139806	IR:IG
74	111674	P	74	140062	IR:IG
54	111674	F	54	111754	IR:IG
54	111674	F	54	112010	IR:IG
54	111674	P	54	139806	IR:IG
54	111674	P	54	140062	IR:IG
34	111674	F	34	111774	IR:IG
34	111674	F	34	111887	IR:IG
34	111674	F	34	112030	IR:IG
34	111674	F	34	112143	IR:IG
34	111674	F	34	112226	IR:IG
34	111674	P	34	139610	IR:IG
34	111674	P	34	139693	IR:IG
34	111674	P	34	139806	IR:IG
34	111674	P	34	139949	IR:IG
34	111674	P	34	140062	IR:IG
48	111680	F	48	111873	IR:IG
48	111680	F	48	112129	IR:IG
48	111680	F	48	112212	IR:IG
48	111680	P	48	139610	IR:IG
48	111680	P	48	139693	IR:IG

48	111680	P	48	139949	IR:IG
103	111685	F	103	111961	IR:IG
103	111685	P	103	139806	IR:IG
32	111688	F	32	111801	IR:IG
32	111688	F	32	111914	IR:IG
32	111688	F	32	112057	IR:IG
32	111688	F	32	112170	IR:IG
32	111688	F	32	112253	IR:IG
32	111688	P	32	139585	IR:IG
32	111688	P	32	139668	IR:IG
32	111688	P	32	139781	IR:IG
32	111688	P	32	139924	IR:IG
32	111688	P	32	140037	IR:IG
114	111694	P	114	140082	IR:IG
54	111694	F	54	111867	IR:IG
54	111694	F	54	112123	IR:IG
54	111694	F	54	112206	IR:IG
54	111694	P	54	139610	IR:IG
54	111694	P	54	139693	IR:IG
54	111694	P	54	139949	IR:IG
299	111705	F	299	111961	IR:IG
299	111705	P	299	139610	IR:IG
32	111708	F	32	111801	IR:IG
32	111708	F	32	111914	IR:IG
32	111708	F	32	112057	IR:IG
32	111708	F	32	112170	IR:IG
32	111708	F	32	112253	IR:IG
32	111708	P	32	139585	IR:IG
32	111708	P	32	139668	IR:IG
32	111708	P	32	139781	IR:IG
32	111708	P	32	139924	IR:IG
32	111708	P	32	140037	IR:IG
94	111714	P	94	140102	IR:IG
94	111714	F	94	111950	IR:IG
94	111714	P	94	139826	IR:IG
54	111714	F	54	111867	IR:IG
54	111714	F	54	112123	IR:IG
54	111714	F	54	112206	IR:IG
54	111714	P	54	139610	IR:IG
54	111714	P	54	139693	IR:IG
54	111714	P	54	139949	IR:IG
32	111728	F	32	111801	IR:IG
32	111728	F	32	111914	IR:IG
32	111728	F	32	112057	IR:IG

32	111728	F	32	112170	IR:IG
32	111728	F	32	112253	IR:IG
32	111728	P	32	139585	IR:IG
32	111728	P	32	139668	IR:IG
32	111728	P	32	139781	IR:IG
32	111728	P	32	139924	IR:IG
32	111728	P	32	140037	IR:IG
74	111734	P	74	140122	IR:IG
74	111734	F	74	111950	IR:IG
74	111734	P	74	139846	IR:IG
54	111734	F	54	111867	IR:IG
54	111734	F	54	112123	IR:IG
54	111734	F	54	112206	IR:IG
54	111734	P	54	139610	IR:IG
54	111734	P	54	139693	IR:IG
54	111734	P	54	139949	IR:IG
32	111748	F	32	111801	IR:IG
32	111748	F	32	111914	IR:IG
32	111748	F	32	112057	IR:IG
32	111748	F	32	112170	IR:IG
32	111748	F	32	112253	IR:IG
32	111748	P	32	139585	IR:IG
32	111748	P	32	139668	IR:IG
32	111748	P	32	139781	IR:IG
32	111748	P	32	139924	IR:IG
32	111748	P	32	140037	IR:IG
111	111754	F	111	112206	IR:IG
111	111754	P	111	139553	IR:IG
109	111754	F	109	111867	IR:IG
109	111754	F	109	112123	IR:IG
109	111754	P	109	139638	IR:IG
109	111754	P	109	139894	IR:IG
54	111754	P	54	140142	IR:IG
54	111754	F	54	111950	IR:IG
54	111754	P	54	139866	IR:IG
32	111768	F	32	111801	IR:IG
32	111768	F	32	111914	IR:IG
32	111768	F	32	112057	IR:IG
32	111768	F	32	112170	IR:IG
32	111768	F	32	112253	IR:IG
32	111768	P	32	139585	IR:IG
32	111768	P	32	139668	IR:IG
32	111768	P	32	139781	IR:IG
32	111768	P	32	139924	IR:IG

32	111768	P	32	140037	IR:IG
34	111774	P	34	140162	IR:IG
32	111801	F	32	111881	IR:IG
32	111801	F	32	111964	IR:IG
32	111801	F	32	111984	IR:IG
32	111801	F	32	112004	IR:IG
32	111801	F	32	112024	IR:IG
32	111801	F	32	112137	IR:IG
32	111801	F	32	112220	IR:IG
32	111801	P	32	139618	IR:IG
32	111801	P	32	139701	IR:IG
32	111801	P	32	139814	IR:IG
32	111801	P	32	139834	IR:IG
32	111801	P	32	139854	IR:IG
32	111801	P	32	139874	IR:IG
32	111801	P	32	139957	IR:IG
56	111807	F	56	111837	IR:IG
56	111807	F	56	112093	IR:IG
56	111807	P	56	139721	IR:IG
56	111807	P	56	139977	IR:IG
51	111812	P	51	140170	IR:IG
139	111837	F	139	112176	IR:IG
139	111837	P	139	139555	IR:IG
84	111837	F	84	111920	IR:IG
84	111837	P	84	139866	IR:IG
56	111837	F	56	112063	IR:IG
56	111837	F	56	112259	IR:IG
56	111837	P	56	139555	IR:IG
56	111837	P	56	139751	IR:IG
56	111837	P	56	140007	IR:IG
78	111843	P	78	140142	IR:IG
109	111867	F	109	112010	IR:IG
109	111867	P	109	139751	IR:IG
109	111867	P	109	140007	IR:IG
54	111867	F	54	111970	IR:IG
54	111867	F	54	111990	IR:IG
54	111867	P	54	139826	IR:IG
54	111867	P	54	139846	IR:IG
54	111867	P	54	140082	IR:IG
54	111867	P	54	140102	IR:IG
54	111867	P	54	140122	IR:IG
48	111873	P	48	140142	IR:IG
34	111887	P	34	140162	IR:IG
84	111920	F	84	112093	IR:IG

84	111920	P	84	139693	IR:IG
84	111920	P	84	139949	IR:IG
139	111925	P	139	140082	IR:IG
94	111950	F	94	111970	IR:IG
94	111950	P	94	139806	IR:IG
94	111950	P	94	140062	IR:IG
74	111950	F	74	111990	IR:IG
74	111950	P	74	139806	IR:IG
74	111950	P	74	140062	IR:IG
54	111950	F	54	112010	IR:IG
54	111950	P	54	139806	IR:IG
54	111950	P	54	140062	IR:IG
299	111961	P	299	139866	IR:IG
103	111961	P	103	140082	IR:IG
94	111970	P	94	140102	IR:IG
94	111970	P	94	139826	IR:IG
54	111970	F	54	112123	IR:IG
54	111970	F	54	112206	IR:IG
54	111970	P	54	139610	IR:IG
54	111970	P	54	139693	IR:IG
54	111970	P	54	139949	IR:IG
74	111990	P	74	140122	IR:IG
74	111990	P	74	139846	IR:IG
54	111990	F	54	112123	IR:IG
54	111990	F	54	112206	IR:IG
54	111990	P	54	139610	IR:IG
54	111990	P	54	139693	IR:IG
54	111990	P	54	139949	IR:IG
111	112010	F	111	112206	IR:IG
111	112010	P	111	139553	IR:IG
109	112010	F	109	112123	IR:IG
109	112010	P	109	139638	IR:IG
109	112010	P	109	139894	IR:IG
54	112010	P	54	140142	IR:IG
54	112010	P	54	139866	IR:IG
34	112030	P	34	140162	IR:IG
56	112063	F	56	112093	IR:IG
56	112063	P	56	139721	IR:IG
56	112063	P	56	139977	IR:IG
51	112068	P	51	140170	IR:IG
139	112093	F	139	112176	IR:IG
139	112093	P	139	139555	IR:IG
84	112093	P	84	139866	IR:IG
56	112093	F	56	112259	IR:IG

56	112093	P	56	139555	IR:IG
56	112093	P	56	139751	IR:IG
56	112093	P	56	140007	IR:IG
78	112099	P	78	140142	IR:IG
109	112123	P	109	139751	IR:IG
109	112123	P	109	140007	IR:IG
54	112123	P	54	139826	IR:IG
54	112123	P	54	139846	IR:IG
54	112123	P	54	140082	IR:IG
54	112123	P	54	140102	IR:IG
54	112123	P	54	140122	IR:IG
48	112129	P	48	140142	IR:IG
34	112143	P	34	140162	IR:IG
139	112176	P	139	139638	IR:IG
139	112176	P	139	139894	IR:IG
79	112181	P	79	140142	IR:IG
111	112206	P	111	139749	IR:IG
111	112206	P	111	140005	IR:IG
54	112206	P	54	139826	IR:IG
54	112206	P	54	139846	IR:IG
54	112206	P	54	140082	IR:IG
54	112206	P	54	140102	IR:IG
54	112206	P	54	140122	IR:IG
48	112212	P	48	140142	IR:IG
34	112226	P	34	140162	IR:IG
56	112259	P	56	139721	IR:IG
56	112259	P	56	139977	IR:IG
51	112264	P	51	140170	IR:IG
56	113181	P	56	156259	<i>ycfI</i> gene
48	116756	F	48	116891	<i>ycfI</i> gene
48	116756	P	48	134931	<i>ycfI</i> gene
33	116771	F	33	116906	<i>ycfI</i> gene
33	116771	P	33	134931	<i>ycfI</i> gene
72	116783	F	72	116810	<i>ycfI</i> gene
72	116783	P	72	134988	<i>ycfI</i> gene
45	116783	F	45	116837	<i>ycfI</i> gene
45	116783	P	45	134988	<i>ycfI</i> gene
72	116810	P	72	135015	<i>ycfI</i> gene
45	116837	P	45	135042	<i>ycfI</i> gene
48	116891	P	48	135066	<i>ycfI</i> gene
33	116906	P	33	135066	<i>ycfI</i> gene
61	126576	P	61	126576	SSC:IG
42	130040	P	42	150788	<i>ndhA</i> gene
48	134931	F	48	135066	<i>ycfI</i> gene

72	134988	F	72	135015	<i>ycfI</i> gene
45	134988	F	45	135042	<i>ycfI</i> gene
50	135010	F	50	135037	<i>ycfI</i> gene
56	138633	F	56	156259	<i>ycfI</i> gene
111	139553	F	111	139749	IR:IG
111	139553	F	111	140005	IR:IG
139	139555	F	139	139638	IR:IG
139	139555	F	139	139894	IR:IG
56	139555	F	56	139721	IR:IG
56	139555	F	56	139977	IR:IG
51	139555	F	51	140170	IR:IG
299	139610	F	299	139866	IR:IG
79	139610	F	79	140142	IR:IG
54	139610	F	54	139826	IR:IG
54	139610	F	54	139846	IR:IG
54	139610	F	54	140082	IR:IG
54	139610	F	54	140102	IR:IG
54	139610	F	54	140122	IR:IG
34	139610	F	34	140162	IR:IG
109	139638	F	109	139751	IR:IG
109	139638	F	109	140007	IR:IG
84	139693	F	84	139866	IR:IG
78	139693	F	78	140142	IR:IG
54	139693	F	54	139826	IR:IG
54	139693	F	54	139846	IR:IG
54	139693	F	54	140082	IR:IG
54	139693	F	54	140102	IR:IG
54	139693	F	54	140122	IR:IG
34	139693	F	34	140162	IR:IG
56	139721	F	56	139751	IR:IG
56	139721	F	56	140007	IR:IG
109	139751	F	109	139894	IR:IG
56	139751	F	56	139977	IR:IG
51	139751	F	51	140170	IR:IG
139	139806	F	139	140082	IR:IG
94	139806	F	94	140102	IR:IG
94	139806	F	94	139826	IR:IG
74	139806	F	74	140122	IR:IG
74	139806	F	74	139846	IR:IG
54	139806	F	54	140142	IR:IG
54	139806	F	54	139866	IR:IG
34	139806	F	34	140162	IR:IG
94	139826	F	94	140062	IR:IG
54	139826	F	54	139949	IR:IG

74	139846	F	74	140062	IR:IG
54	139846	F	54	139949	IR:IG
84	139866	F	84	139949	IR:IG
54	139866	F	54	140062	IR:IG
109	139894	F	109	140007	IR:IG
78	139949	F	78	140142	IR:IG
54	139949	F	54	140082	IR:IG
54	139949	F	54	140102	IR:IG
54	139949	F	54	140122	IR:IG
34	139949	F	34	140162	IR:IG
56	139977	F	56	140007	IR:IG
51	140007	F	51	140170	IR:IG
114	140062	F	114	140082	IR:IG
94	140062	F	94	140102	IR:IG
74	140062	F	74	140122	IR:IG
54	140062	F	54	140142	IR:IG
34	140062	F	34	140162	IR:IG
56	140326	F	56	140348	IR:IG
34	140326	F	34	140370	IR:IG
48	156329	F	48	156377	<i>ycf2</i> gene
44	156422	F	44	156443	<i>ycf2</i> gene
133	162591	F	133	162613	IR:IG
111	162591	F	111	162635	IR:IG
89	162591	F	89	162657	IR:IG
67	162591	F	67	162679	IR:IG
45	162591	F	45	162701	IR:IG
